Full wwPDB NMR Structure Validation Report

Mar 26, 2026 – 03:38 AM UTC

PDB ID	:	2MBG / pdb_00002mbg
BMRB ID	:	17608
Title	:	Rlip76 (gap-gbd)
Authors	:	Rajasekar, K.V.; Campbell, L.J.; Nietlispach, D.; Owen, D.; Mott, H.R.
Deposited on	:	2013-07-30

This is a Full wwPDB NMR Structure Validation Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at *validation@mail.wwpdb.org*
A user guide is available at
https://www.wwpdb.org/validation/2017/NMRValidationReportHelp
with specific help available everywhere you see the (i) symbol.

The types of validation reports are described at
http://www.wwpdb.org/validation/2017/FAQs#types.

The following versions of software and data (see references (i)) were used in the production of this report:

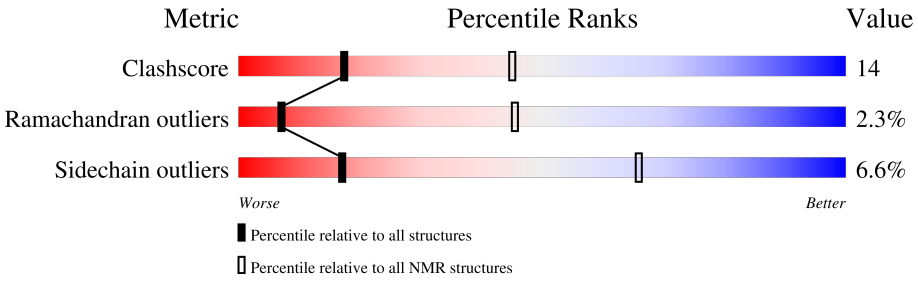
MolProbity	:	4-5-2 with Phenix2.0
Percentile statistics	:	20250101.v01 (using entries in the PDB archive January 1st 2025)
wwPDB-RCI	:	v_1n_11_5_13_A (Berjanski et al., 2005)
PANAV	:	Wang et al. (2010)
wwPDB-ShiftChecker	:	v1.2
BMRB Restraints Analysis	:	v1.2
Ideal geometry (proteins)	:	Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA)	:	Parkinson et al. (1996)
Validation Pipeline (wwPDB-VP)	:	2.49

1 Overall quality at a glance

The following experimental techniques were used to determine the structure:
SOLUTION NMR

The overall completeness of chemical shifts assignment is 86%.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	NMR archive (#Entries)
Clashscore	229148	14424
Ramachandran outliers	224038	12848
Sidechain outliers	223484	12823

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the experimental data. The red, orange, yellow and green segments indicate the fraction of residues that contain outliers for >=3, 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria. A cyan segment indicates the fraction of residues that are not part of the well-defined cores, and a grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions <=5%

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A	265	64% 28% • 6%

2 Ensemble composition and analysis (i)

This entry contains 35 models. Model 1 is the overall representative, medoid model (most similar to other models).

The following residues are included in the computation of the global validation metrics.

Well-defined (core) protein residues			
Well-defined core	**Residue range (total)**	**Backbone RMSD (Å)**	**Medoid model**
1	A:189-A:380, A:390-A:446 (249)	0.89	1

Ill-defined regions of proteins are excluded from the global statistics.

Ligands and non-protein polymers are included in the analysis.

The models can be grouped into 4 clusters and 1 single-model cluster was found.

Cluster number	Models
1	1, 2, 3, 4, 5, 6, 9, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17, 18, 19, 20, 24, 25, 27, 28, 29, 30, 31, 32, 34
2	7, 23, 26, 35
3	8, 21
4	22, 33
Single-model clusters	10

3 Entry composition

There is only 1 type of molecule in this entry. The entry contains 4406 atoms, of which 2234 are hydrogens and 0 are deuteriums.

- Molecule 1 is a protein called RalA-binding protein 1.

Mol	Chain	Residues	Atoms						Trace
			Total	C	H	N	O	S	
1	A	265	4406	1385	2234	373	399	15	0

There are 2 discrepancies between the modelled and reference sequences:

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
A	182	HIS	-	expression tag	UNP Q15311
A	183	MET	-	expression tag	UNP Q15311

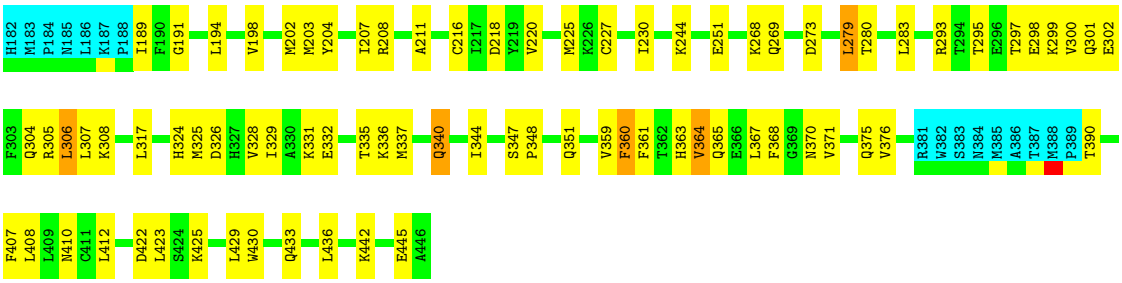
4 Residue-property plots (i)

4.1 Average score per residue in the NMR ensemble

These plots are provided for all protein, RNA, DNA and oligosaccharide chains in the entry. The first graphic is the same as shown in the summary in section 1 of this report. The second graphic shows the sequence where residues are colour-coded according to the number of geometric quality criteria for which they contain at least one outlier: green = 0, yellow = 1, orange = 2 and red = 3 or more. Stretches of 2 or more consecutive residues without any outliers are shown as green connectors. Residues which are classified as ill-defined in the NMR ensemble, are shown in cyan with an underline colour-coded according to the previous scheme. Residues which were present in the experimental sample, but not modelled in the final structure are shown in grey.

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

Chain A:



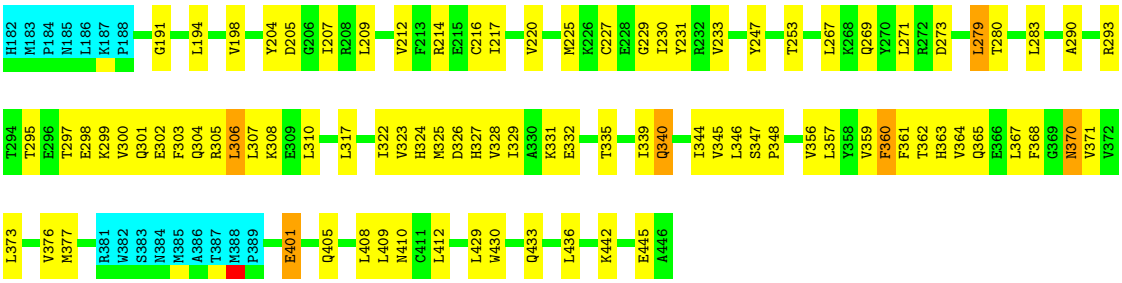
4.2 Scores per residue for each member of the ensemble

Colouring as in section 4.1 above.

4.2.1 Score per residue for model 1 (medoid)

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

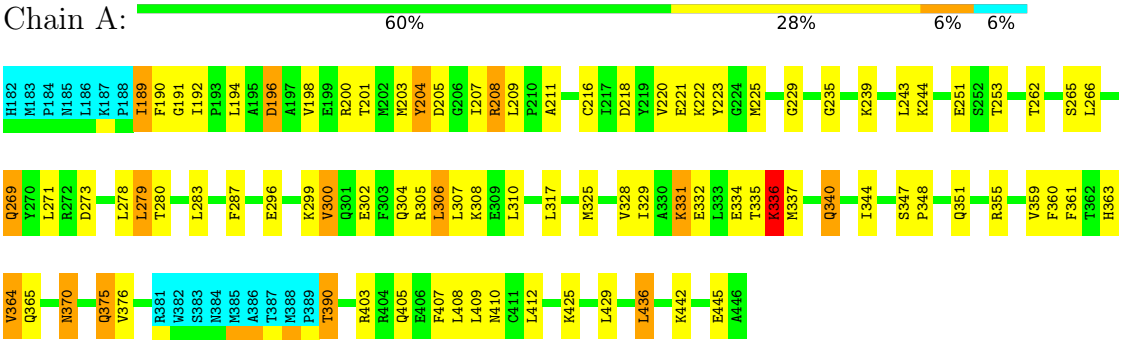
Chain A:



4.2.2 Score per residue for model 2

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

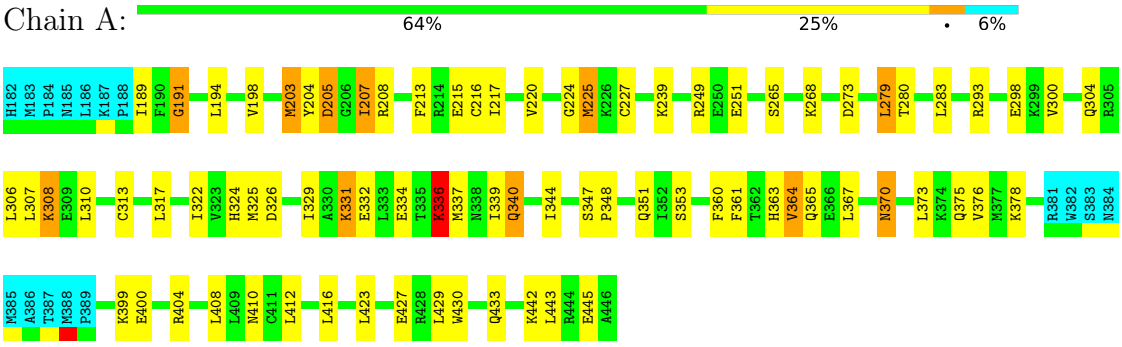
Chain A:



4.2.3 Score per residue for model 3

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

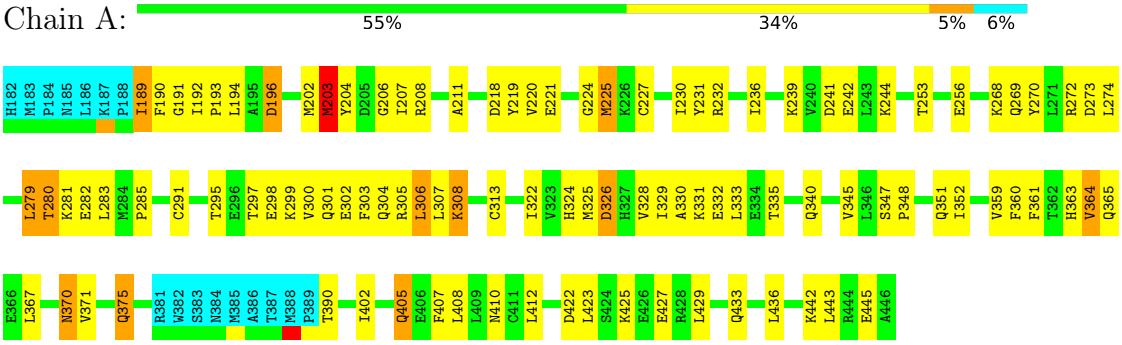
Chain A:



4.2.4 Score per residue for model 4

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

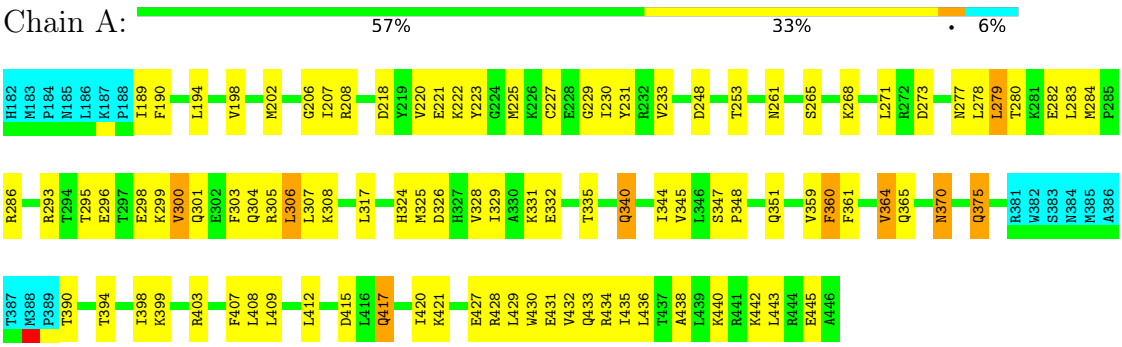
Chain A:



4.2.5 Score per residue for model 5

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

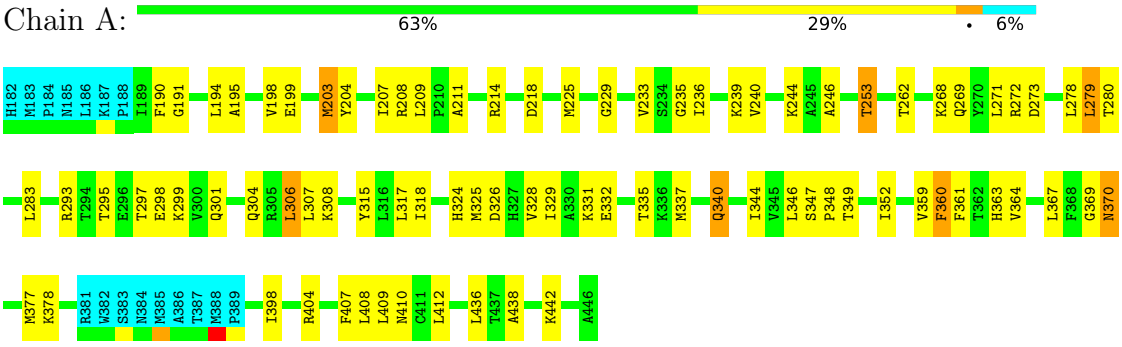
Chain A:



4.2.6 Score per residue for model 6

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

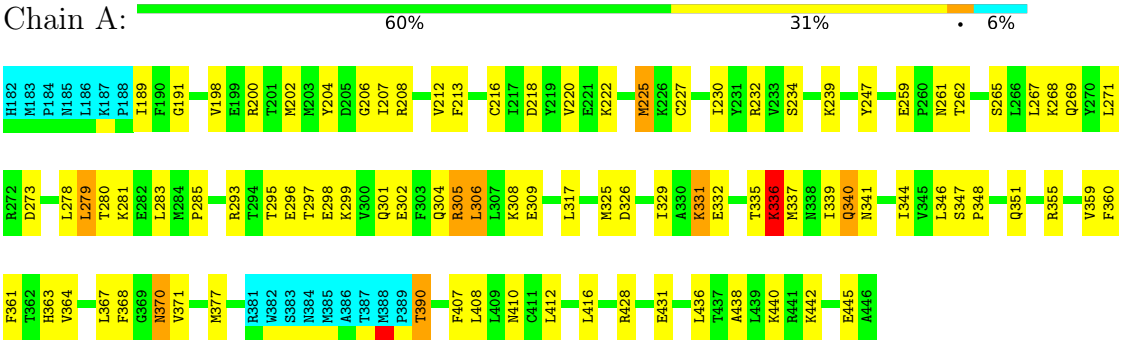
Chain A:



4.2.7 Score per residue for model 7

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

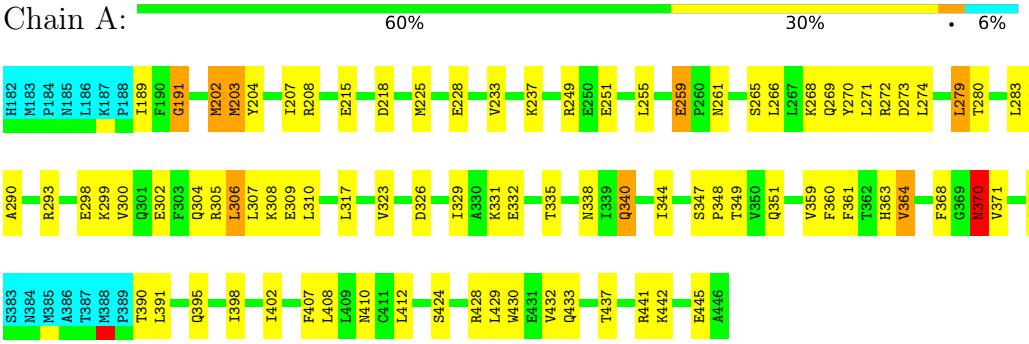
Chain A:



4.2.8 Score per residue for model 8

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

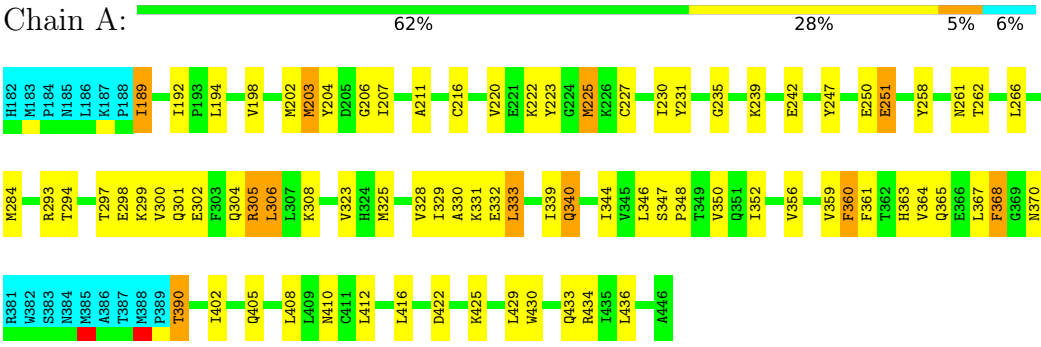
Chain A:



4.2.9 Score per residue for model 9

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

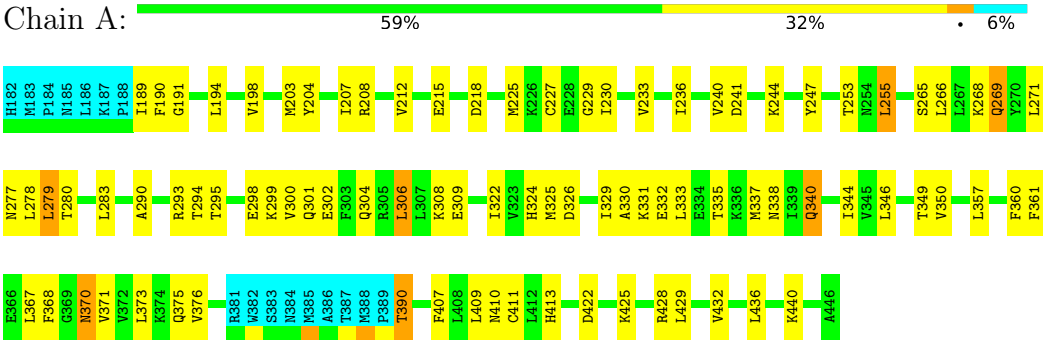
Chain A:



4.2.10 Score per residue for model 10

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

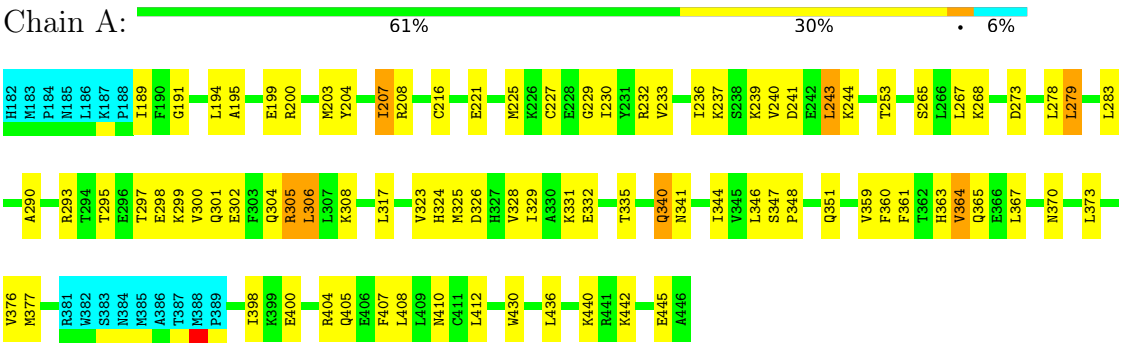
Chain A:



4.2.11 Score per residue for model 11

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

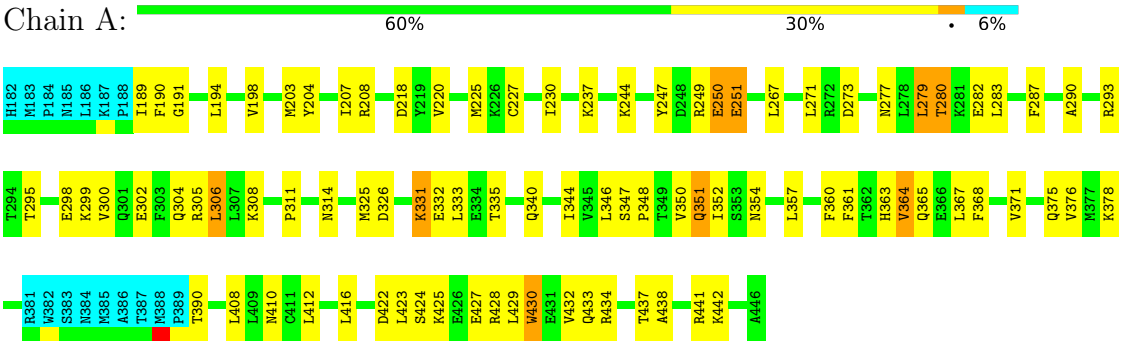
Chain A:



4.2.12 Score per residue for model 12

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

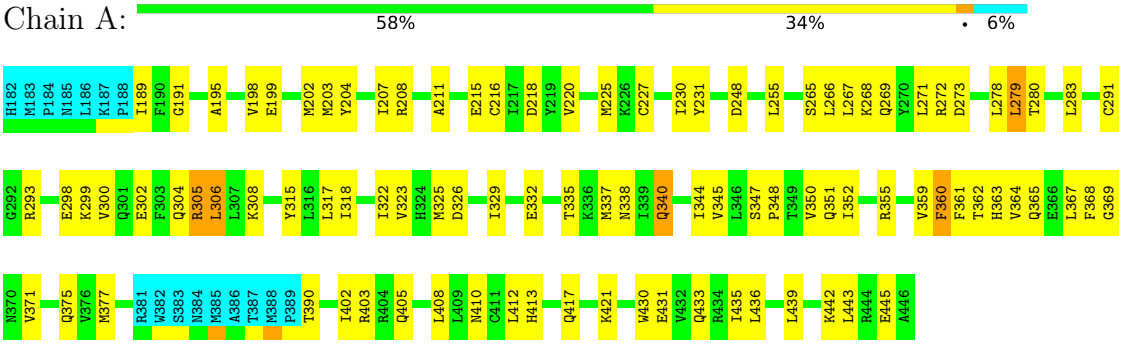
Chain A:



4.2.13 Score per residue for model 13

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

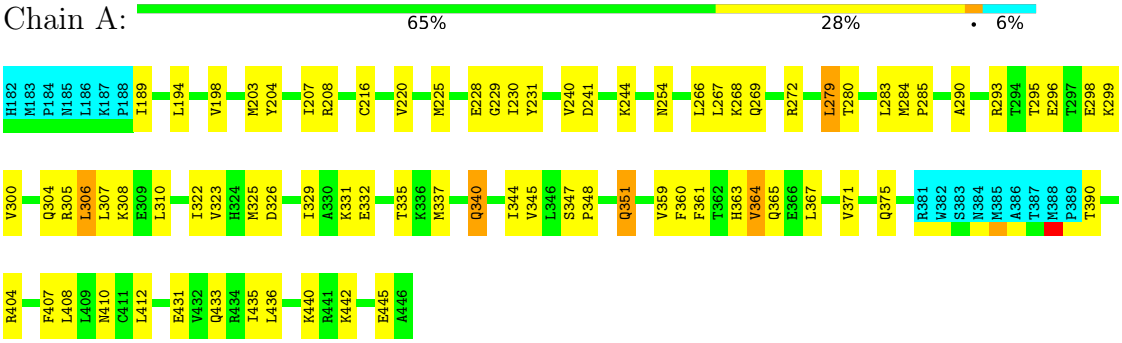
Chain A:



4.2.14 Score per residue for model 14

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

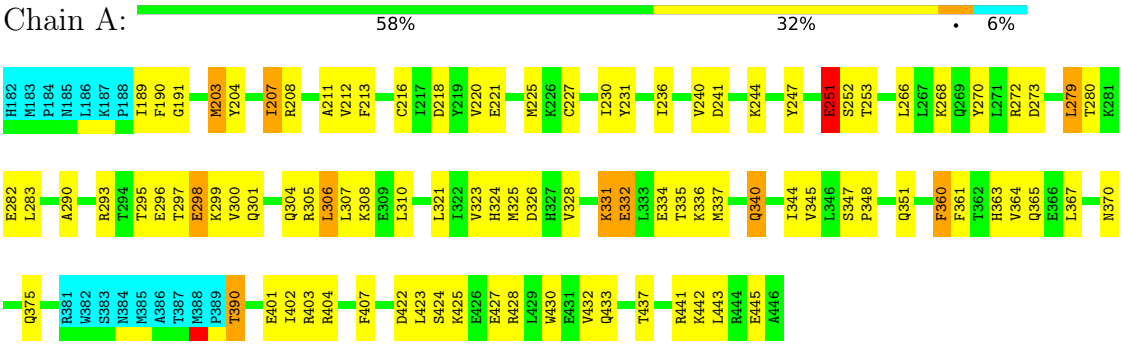
Chain A:



4.2.15 Score per residue for model 15

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

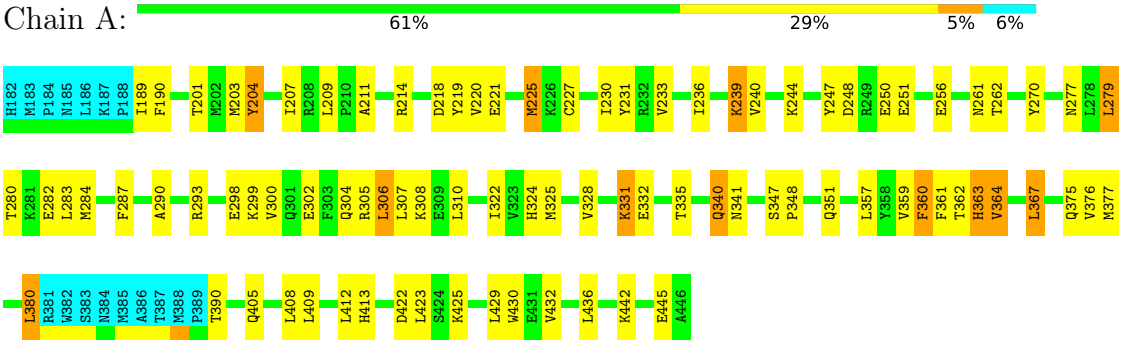
Chain A:



4.2.16 Score per residue for model 16

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

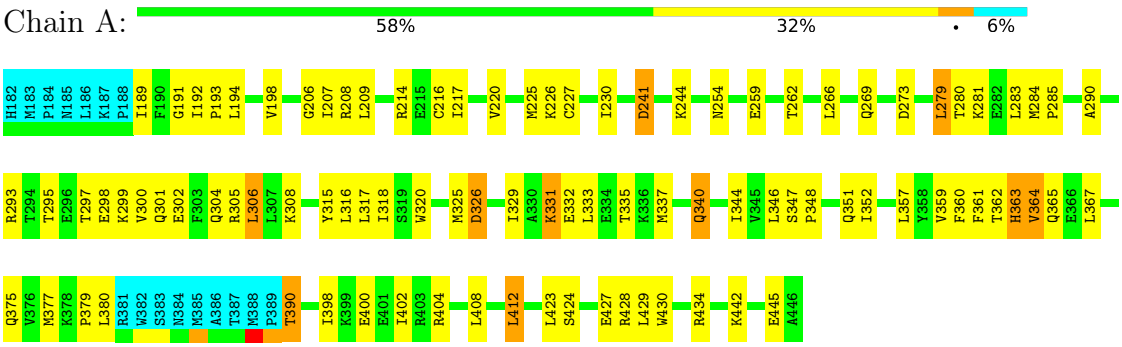
Chain A:



4.2.17 Score per residue for model 17

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

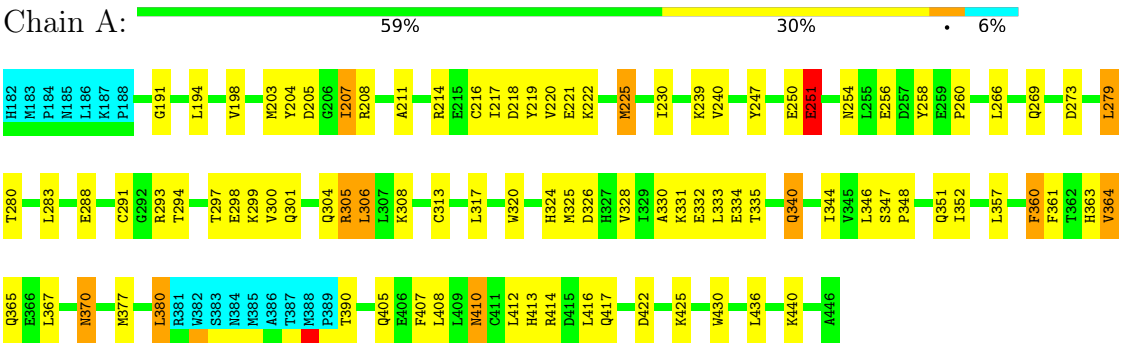
Chain A:



4.2.18 Score per residue for model 18

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

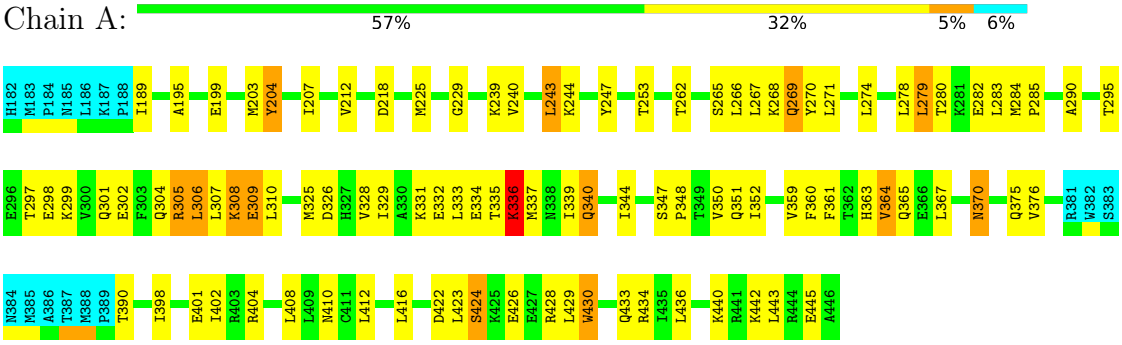
Chain A:



4.2.19 Score per residue for model 19

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

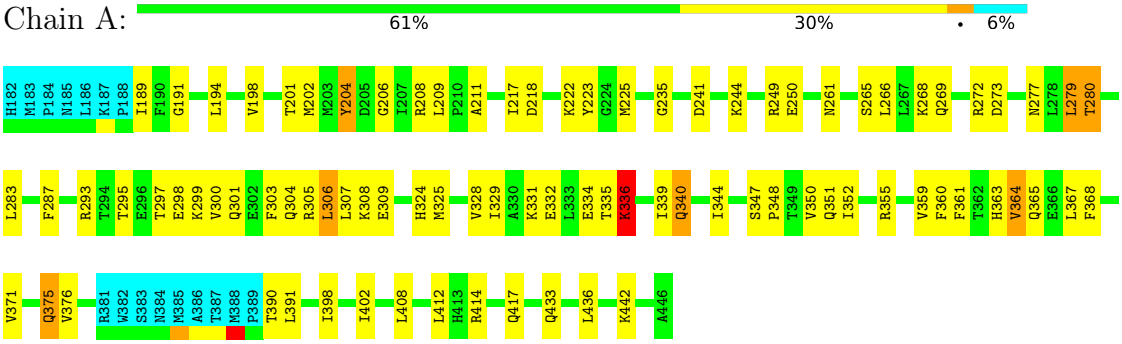
Chain A:



4.2.20 Score per residue for model 20

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

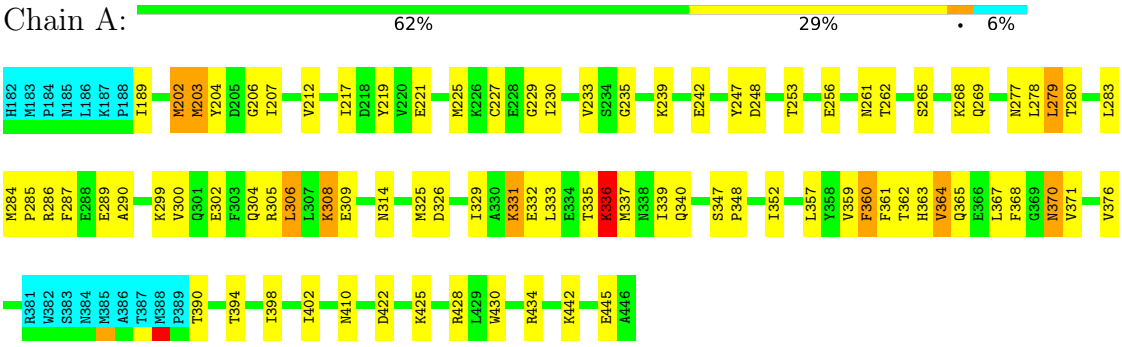
Chain A:



4.2.21 Score per residue for model 21

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

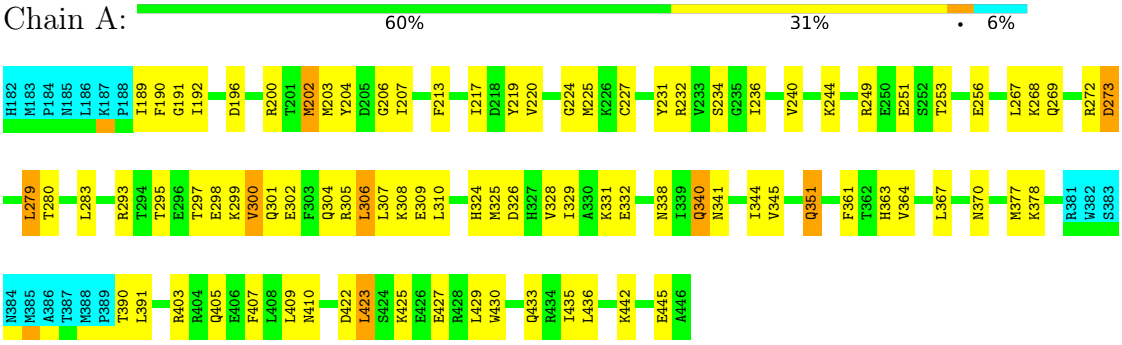
Chain A:



4.2.22 Score per residue for model 22

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

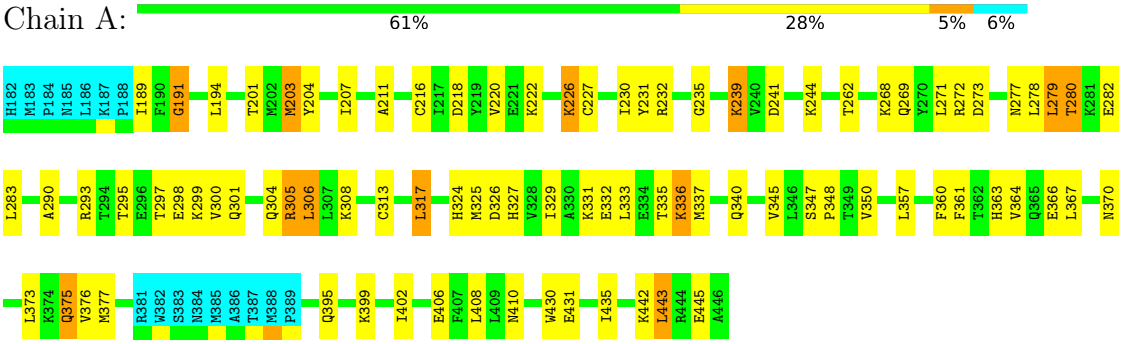
Chain A:



4.2.23 Score per residue for model 23

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

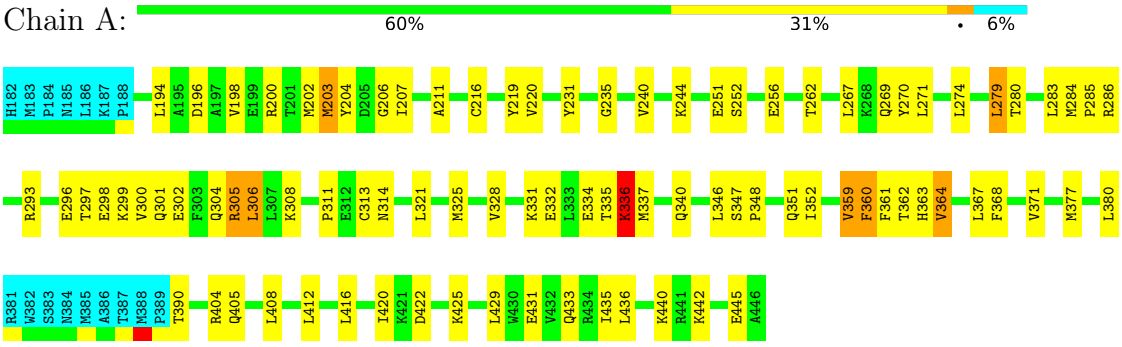
Chain A:



4.2.24 Score per residue for model 24

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

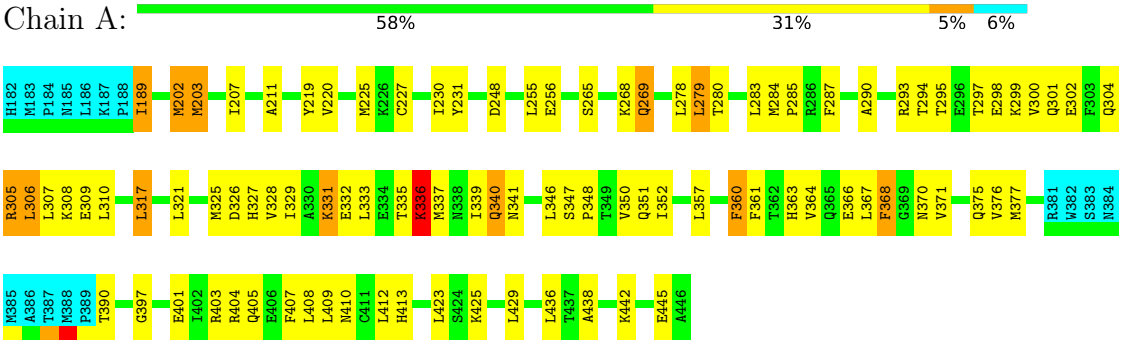
Chain A:



4.2.25 Score per residue for model 25

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

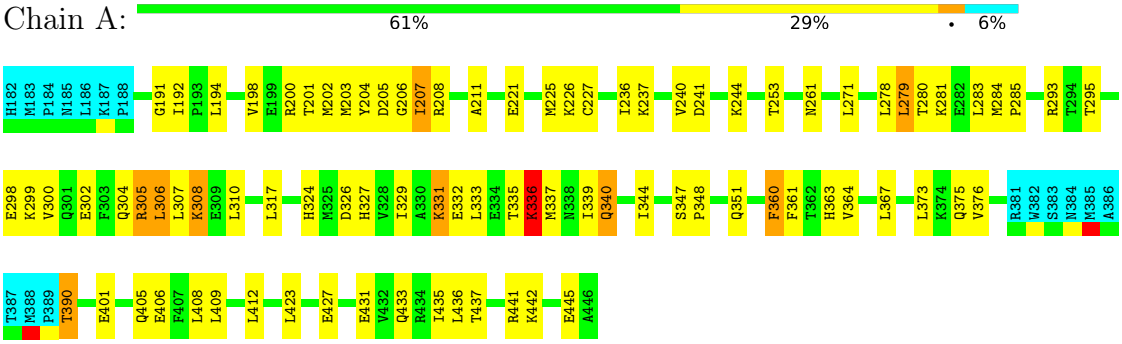
Chain A:



4.2.26 Score per residue for model 26

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

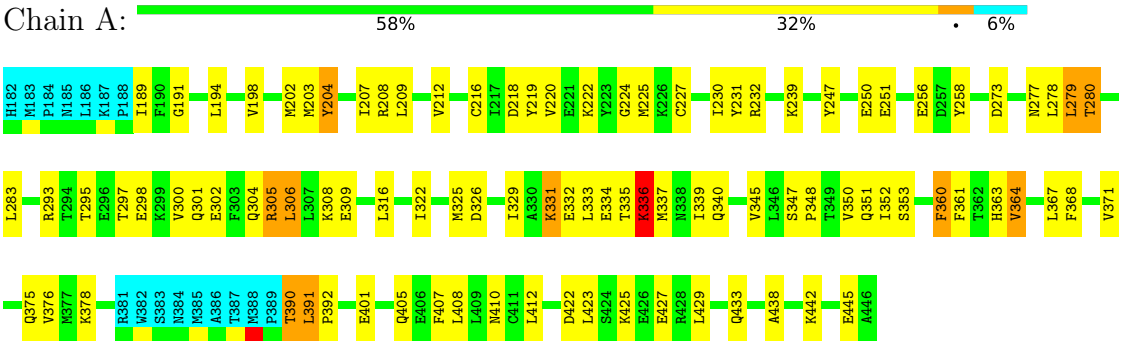
Chain A:



4.2.27 Score per residue for model 27

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

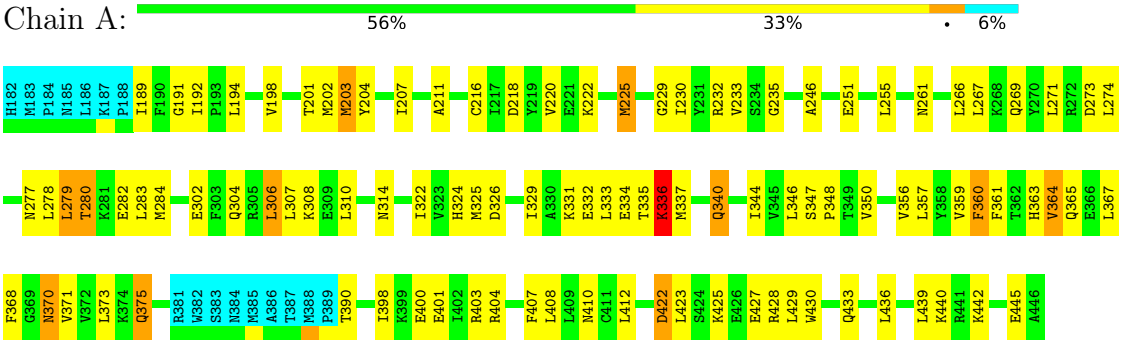
Chain A:



4.2.28 Score per residue for model 28

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

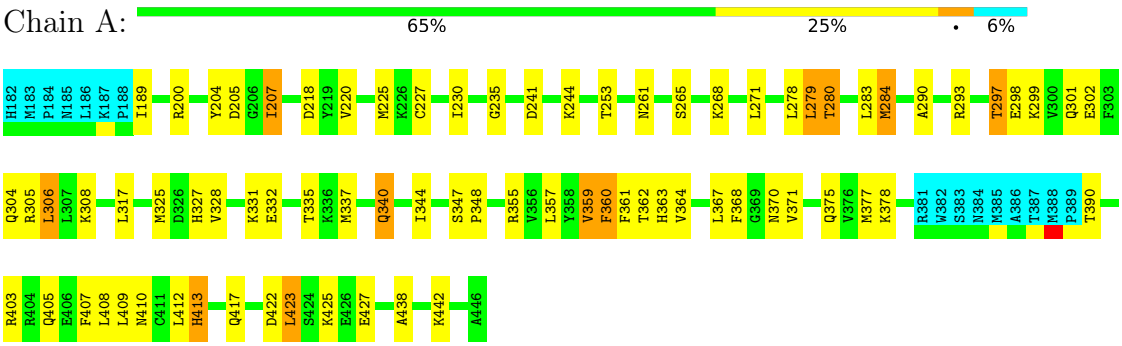
Chain A:



4.2.29 Score per residue for model 29

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

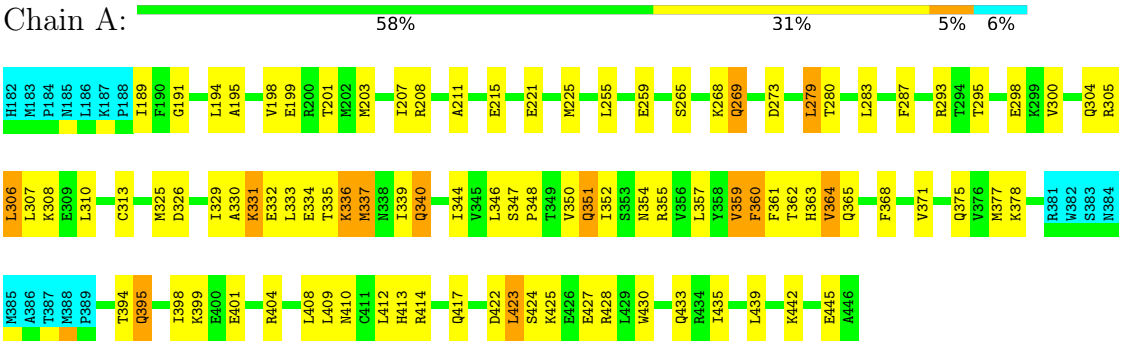
Chain A:



4.2.30 Score per residue for model 30

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

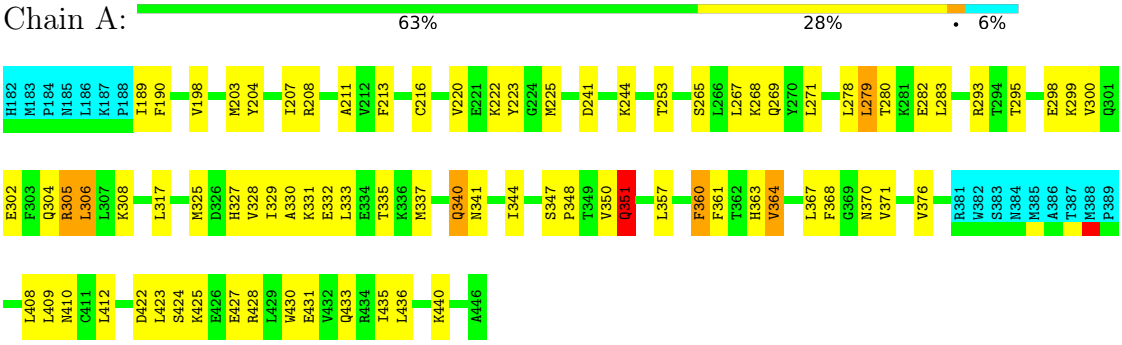
Chain A:



4.2.31 Score per residue for model 31

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

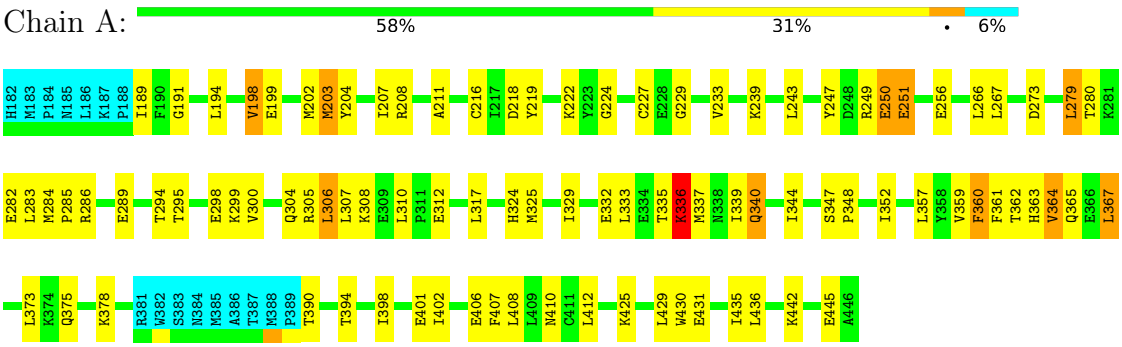
Chain A:



4.2.32 Score per residue for model 32

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

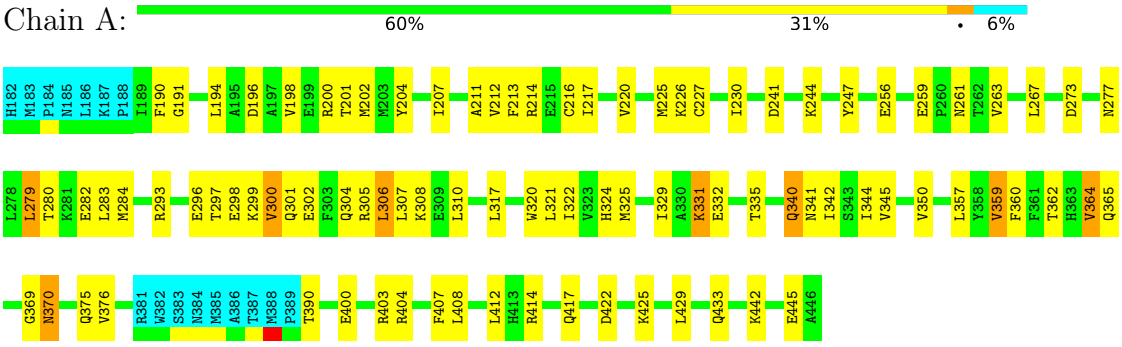
Chain A:



4.2.33 Score per residue for model 33

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

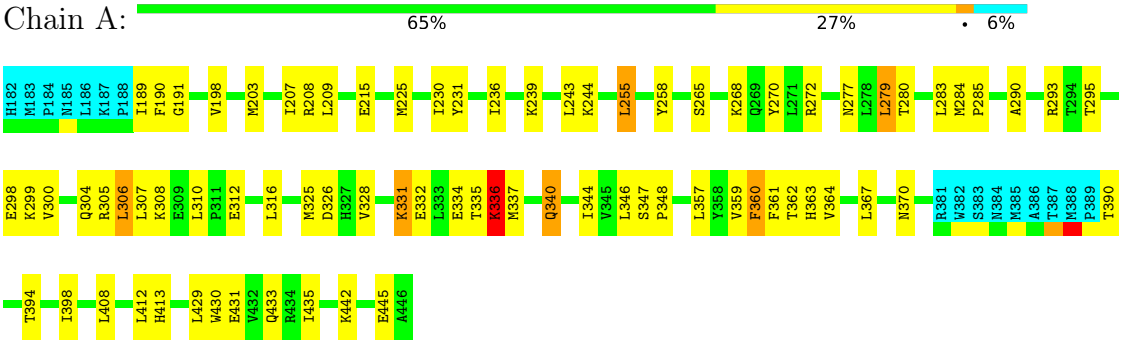
Chain A:



4.2.34 Score per residue for model 34

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

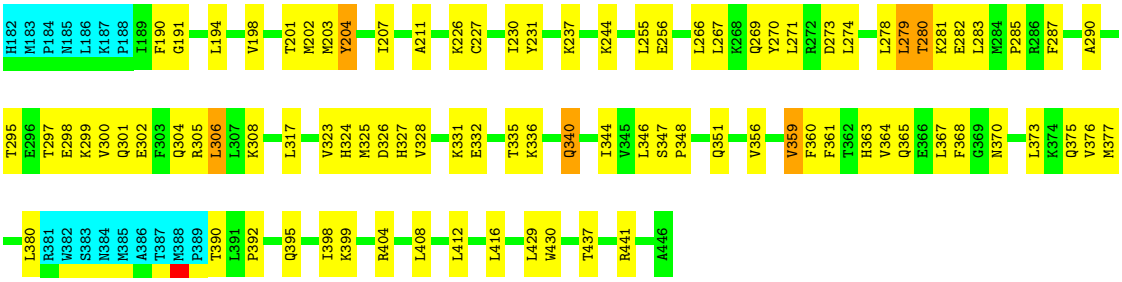
Chain A:



4.2.35 Score per residue for model 35

• Molecule 1: RalA-binding protein 1

Chain A:



5 Refinement protocol and experimental data overview

The models were refined using the following method: *simulated annealing.*

Of the 100 calculated structures, 35 were deposited, based on the following criterion: *structures with the lowest energy.*

The following table shows the software used for structure solution, optimisation and refinement.

Software name	Classification	Version
CNS	refinement	

The following table shows chemical shift validation statistics as aggregates over all chemical shift files. Detailed validation can be found in section 7 of this report.

Chemical shift file(s)	working_cs.cif
Number of chemical shift lists	1
Total number of shifts	3268
Number of shifts mapped to atoms	3268
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	0
Assignment completeness (well-defined parts)	86%

6 Model quality

6.1 Standard geometry

The Z score for a bond length (or angle) is the number of standard deviations the observed value is removed from the expected value. A bond length (or angle) with $|Z| > 5$ is considered an outlier worth inspection. RMSZ is the (average) root-mean-square of all Z scores of the bond lengths (or angles).

Mol	Chain	Bond lengths		Bond angles	
		RMSZ	#Z>5	RMSZ	#Z>5
1	A	0.43±0.01	0±0/2074 (0.0± 0.0%)	0.75±0.01	0±0/2795 (0.0± 0.0%)
All	All	0.43	0/72590 (0.0%)	0.75	3/97825 (0.0%)

There are no bond-length outliers.

All unique angle outliers are listed below.

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(^{o})	Ideal(^{o})	Models	
								Worst	Total
1	A	368	PHE	CB-CA-C	-5.52	107.50	114.40	9	3

There are no chirality outliers.

There are no planarity outliers.

6.2 Too-close contacts

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in each chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes averaged over the ensemble.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes
1	A	2041	2100	2096	56±5
All	All	71435	73500	73360	1976

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 14.

All unique clashes are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:247:TYR:HA	1:A:251:GLU:HB3	0.90	1.44	32	6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:241:ASP:HA	1:A:244:LYS:HE2	0.89	1.43	14	5
1:A:295:THR:HB	1:A:298:GLU:HG2	0.88	1.46	12	22
1:A:225:MET:HG3	1:A:331:LYS:HG3	0.86	1.45	14	11
1:A:300:VAL:HG12	1:A:363:HIS:HB2	0.86	1.48	17	13
1:A:332:GLU:HB2	1:A:337:MET:HB2	0.83	1.48	10	6
1:A:225:MET:SD	1:A:331:LYS:HG2	0.81	2.15	2	1
1:A:324:HIS:HD2	1:A:373:LEU:HG	0.78	1.39	23	7
1:A:225:MET:SD	1:A:331:LYS:HG3	0.77	2.19	31	10
1:A:293:ARG:HB2	1:A:299:LYS:HG2	0.77	1.57	33	19
1:A:377:MET:SD	1:A:405:GLN:HA	0.76	2.21	16	1
1:A:331:LYS:HA	1:A:331:LYS:HE3	0.76	1.58	25	9
1:A:332:GLU:HA	1:A:335:THR:OG1	0.75	1.81	35	26
1:A:408:LEU:O	1:A:412:LEU:HG	0.75	1.80	29	16
1:A:422:ASP:HB2	1:A:425:LYS:HG2	0.75	1.57	22	12
1:A:347:SER:HB3	1:A:348:PRO:HD3	0.73	1.60	6	32
1:A:239:LYS:HA	1:A:239:LYS:HE2	0.72	1.59	3	5
1:A:219:TYR:CE1	1:A:256:GLU:HA	0.71	2.20	18	9
1:A:360:PHE:HA	1:A:363:HIS:CE1	0.71	2.21	21	6
1:A:331:LYS:HA	1:A:334:GLU:HG2	0.71	1.62	24	7
1:A:329:ILE:O	1:A:332:GLU:HG2	0.70	1.86	13	6
1:A:360:PHE:O	1:A:364:VAL:HB	0.70	1.86	29	33
1:A:325:MET:HB3	1:A:361:PHE:HE1	0.70	1.47	24	21
1:A:442:LYS:HA	1:A:445:GLU:HB3	0.70	1.64	26	11
1:A:377:MET:HE3	1:A:405:GLN:HB2	0.70	1.62	1	3
1:A:363:HIS:O	1:A:367:LEU:HG	0.70	1.86	11	17
1:A:329:ILE:HG21	1:A:339:ILE:HG12	0.69	1.63	1	6
1:A:377:MET:HE3	1:A:404:ARG:HB3	0.69	1.65	30	3
1:A:189:ILE:HD11	1:A:200:ARG:HG2	0.68	1.63	7	2
1:A:265:SER:HA	1:A:268:LYS:HE3	0.68	1.66	8	3
1:A:290:ALA:HA	1:A:293:ARG:HG2	0.68	1.66	14	7
1:A:203:MET:HE3	1:A:211:ALA:HA	0.68	1.64	32	6
1:A:283:LEU:HD12	1:A:306:LEU:HD12	0.67	1.67	28	34
1:A:293:ARG:HB3	1:A:298:GLU:HB2	0.67	1.64	3	20
1:A:220:VAL:HG12	1:A:225:MET:SD	0.67	2.29	9	2
1:A:329:ILE:HA	1:A:332:GLU:HG2	0.67	1.66	10	3
1:A:331:LYS:HE3	1:A:331:LYS:C	0.67	2.15	2	1
1:A:237:LYS:HD3	1:A:237:LYS:H	0.67	1.49	35	1
1:A:225:MET:HB3	1:A:331:LYS:HE2	0.67	1.64	1	1
1:A:241:ASP:HA	1:A:244:LYS:HD2	0.66	1.66	15	1
1:A:204:TYR:HE2	1:A:376:VAL:HA	0.65	1.51	2	1
1:A:202:MET:SD	1:A:206:GLY:HA2	0.65	2.32	4	4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:190:PHE:HE1	1:A:270:TYR:HA	0.65	1.51	16	1
1:A:221:GLU:HA	1:A:225:MET:SD	0.65	2.30	15	3
1:A:363:HIS:CD2	1:A:367:LEU:HD22	0.65	2.26	12	2
1:A:239:LYS:HE3	1:A:239:LYS:HA	0.65	1.67	23	1
1:A:213:PHE:O	1:A:217:ILE:HG12	0.65	1.91	3	1
1:A:279:LEU:HD23	1:A:352:ILE:HD11	0.65	1.67	12	12
1:A:204:TYR:HE1	1:A:376:VAL:HG13	0.65	1.49	33	2
1:A:241:ASP:HA	1:A:244:LYS:HD3	0.65	1.68	20	5
1:A:279:LEU:HG	1:A:287:PHE:CE1	0.65	2.27	25	4
1:A:218:ASP:O	1:A:222:LYS:HG2	0.64	1.92	27	1
1:A:304:GLN:O	1:A:308:LYS:HG2	0.64	1.93	34	35
1:A:324:HIS:CD2	1:A:373:LEU:HG	0.64	2.26	23	5
1:A:196:ASP:O	1:A:200:ARG:HG2	0.64	1.92	33	3
1:A:297:THR:O	1:A:301:GLN:HG2	0.64	1.93	11	18
1:A:326:ASP:HA	1:A:329:ILE:HG12	0.64	1.69	25	9
1:A:307:LEU:HA	1:A:310:LEU:HG	0.63	1.69	33	13
1:A:271:LEU:HD11	1:A:278:LEU:HD21	0.63	1.70	26	9
1:A:402:ILE:HD12	1:A:443:LEU:HD12	0.63	1.68	13	2
1:A:271:LEU:HD21	1:A:278:LEU:HD11	0.63	1.69	10	3
1:A:233:VAL:HG23	1:A:261:ASN:HB3	0.63	1.71	5	4
1:A:335:THR:O	1:A:336:LYS:HB3	0.62	1.94	2	2
1:A:240:VAL:HG22	1:A:262:THR:HG23	0.62	1.72	16	1
1:A:377:MET:HE2	1:A:404:ARG:HB2	0.62	1.72	24	1
1:A:344:ILE:HA	1:A:354:ASN:OD1	0.61	1.95	12	1
1:A:325:MET:HB3	1:A:361:PHE:CE1	0.61	2.29	21	30
1:A:300:VAL:HB	1:A:367:LEU:HD11	0.61	1.71	4	3
1:A:322:ILE:HB	1:A:364:VAL:HG21	0.61	1.70	28	8
1:A:203:MET:HE2	1:A:211:ALA:HA	0.61	1.72	2	7
1:A:190:PHE:O	1:A:273:ASP:HB2	0.61	1.96	6	1
1:A:413:HIS:CD2	1:A:429:LEU:HD21	0.61	2.31	34	1
1:A:302:GLU:O	1:A:305:ARG:HG3	0.61	1.96	31	7
1:A:336:LYS:HD3	1:A:337:MET:HG3	0.61	1.71	28	5
1:A:442:LYS:HA	1:A:445:GLU:CB	0.60	2.25	26	19
1:A:230:ILE:HD11	1:A:260:PRO:HB2	0.60	1.70	18	1
1:A:203:MET:SD	1:A:376:VAL:HB	0.60	2.36	21	2
1:A:336:LYS:HD3	1:A:337:MET:N	0.60	2.10	25	5
1:A:191:GLY:HA2	1:A:273:ASP:O	0.60	1.96	7	23
1:A:360:PHE:HA	1:A:363:HIS:CD2	0.60	2.32	31	5
1:A:205:ASP:HB2	1:A:207:ILE:HG23	0.59	1.72	3	1
1:A:193:PRO:HG2	1:A:196:ASP:HB2	0.59	1.73	4	1
1:A:286:ARG:HA	1:A:286:ARG:HE	0.59	1.55	5	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:225:MET:HE2	1:A:328:VAL:HG22	0.59	1.74	16	1
1:A:208:ARG:HB2	1:A:316:LEU:HD12	0.59	1.74	27	1
1:A:268:LYS:O	1:A:272:ARG:HG3	0.59	1.98	13	10
1:A:228:GLU:HA	1:A:335:THR:HB	0.59	1.74	14	2
1:A:398:ILE:HG23	1:A:439:LEU:HD12	0.59	1.74	28	1
1:A:361:PHE:O	1:A:364:VAL:HG12	0.59	1.97	25	31
1:A:442:LYS:HA	1:A:445:GLU:HB2	0.59	1.75	7	14
1:A:225:MET:HE3	1:A:225:MET:HA	0.59	1.73	30	2
1:A:198:VAL:O	1:A:202:MET:HG3	0.59	1.98	13	6
1:A:203:MET:HG3	1:A:204:TYR:H	0.59	1.58	16	2
1:A:198:VAL:HG21	1:A:208:ARG:O	0.59	1.98	20	1
1:A:328:VAL:HG13	1:A:331:LYS:HE2	0.59	1.74	31	1
1:A:203:MET:SD	1:A:376:VAL:HG21	0.59	2.38	26	4
1:A:232:ARG:HD3	1:A:337:MET:SD	0.58	2.38	27	1
1:A:300:VAL:HB	1:A:367:LEU:HD21	0.58	1.74	27	5
1:A:340:GLN:O	1:A:344:ILE:HG13	0.58	1.98	2	27
1:A:190:PHE:CZ	1:A:244:LYS:HG2	0.58	2.34	10	3
1:A:227:CYS:O	1:A:230:ILE:HB	0.58	1.98	4	18
1:A:204:TYR:HB2	1:A:376:VAL:HG13	0.58	1.74	27	1
1:A:254:ASN:HB2	1:A:380:LEU:HG	0.58	1.75	17	1
1:A:235:GLY:HA3	1:A:262:THR:HA	0.58	1.76	6	5
1:A:377:MET:HE1	1:A:405:GLN:HB2	0.58	1.75	18	2
1:A:332:GLU:OE2	1:A:337:MET:HE2	0.57	1.99	34	5
1:A:340:GLN:HE21	1:A:341:ASN:N	0.57	1.96	31	5
1:A:405:GLN:HE22	1:A:439:LEU:HD12	0.57	1.60	13	1
1:A:400:GLU:O	1:A:404:ARG:HG2	0.57	1.98	17	3
1:A:423:LEU:O	1:A:427:GLU:HG3	0.57	1.99	31	12
1:A:300:VAL:HG12	1:A:363:HIS:HB3	0.57	1.77	25	5
1:A:224:GLY:HA2	1:A:227:CYS:SG	0.57	2.40	32	5
1:A:359:VAL:HA	1:A:362:THR:OG1	0.57	2.00	32	11
1:A:422:ASP:HB2	1:A:425:LYS:CG	0.56	2.31	21	7
1:A:363:HIS:O	1:A:367:LEU:HD13	0.56	2.01	7	3
1:A:331:LYS:O	1:A:334:GLU:HG2	0.56	2.00	18	1
1:A:363:HIS:HD2	1:A:367:LEU:HD22	0.56	1.60	12	1
1:A:429:LEU:HG	1:A:433:GLN:NE2	0.56	2.16	28	10
1:A:331:LYS:HE3	1:A:332:GLU:N	0.56	2.16	2	1
1:A:290:ALA:O	1:A:299:LYS:HG2	0.56	2.01	10	12
1:A:194:LEU:HD23	1:A:274:LEU:HD22	0.55	1.78	28	1
1:A:241:ASP:HA	1:A:244:LYS:CE	0.55	2.31	10	2
1:A:405:GLN:HB2	1:A:436:LEU:HD21	0.55	1.78	4	1
1:A:239:LYS:HD2	1:A:258:TYR:CE2	0.55	2.37	34	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:325:MET:HG2	1:A:346:LEU:HD11	0.55	1.79	7	13
1:A:296:GLU:O	1:A:300:VAL:HG13	0.55	2.02	5	2
1:A:216:CYS:SG	1:A:267:LEU:HD13	0.55	2.42	14	4
1:A:203:MET:HE3	1:A:376:VAL:HG11	0.55	1.76	25	5
1:A:229:GLY:HA2	1:A:337:MET:SD	0.55	2.42	14	4
1:A:272:ARG:HG2	1:A:351:GLN:HE22	0.55	1.62	8	1
1:A:247:TYR:HA	1:A:251:GLU:CB	0.55	2.29	15	3
1:A:209:LEU:HB3	1:A:214:ARG:NH2	0.55	2.17	16	1
1:A:214:ARG:HG2	1:A:320:TRP:HZ3	0.55	1.60	33	2
1:A:218:ASP:OD1	1:A:375:GLN:HB2	0.55	2.02	29	12
1:A:293:ARG:HB2	1:A:299:LYS:CG	0.55	2.32	15	4
1:A:229:GLY:HA3	1:A:233:VAL:HG23	0.55	1.78	10	2
1:A:300:VAL:HG22	1:A:363:HIS:HB2	0.55	1.79	10	1
1:A:189:ILE:CG1	1:A:248:ASP:HA	0.55	2.32	21	2
1:A:377:MET:HE2	1:A:408:LEU:HB2	0.55	1.77	23	1
1:A:220:VAL:O	1:A:225:MET:HG2	0.54	2.02	13	6
1:A:281:LYS:O	1:A:285:PRO:HD3	0.54	2.02	7	5
1:A:277:ASN:HB2	1:A:280:THR:HA	0.54	1.77	20	3
1:A:401:GLU:HA	1:A:401:GLU:OE1	0.54	2.03	32	1
1:A:280:THR:HB	1:A:282:GLU:OE1	0.54	2.02	12	2
1:A:270:TYR:O	1:A:274:LEU:HG	0.54	2.01	35	5
1:A:332:GLU:OE2	1:A:338:ASN:HA	0.54	2.02	13	3
1:A:241:ASP:HA	1:A:244:LYS:HE3	0.54	1.79	29	1
1:A:329:ILE:CG2	1:A:339:ILE:HG12	0.54	2.32	1	8
1:A:305:ARG:HD3	1:A:305:ARG:C	0.54	2.28	12	17
1:A:212:VAL:HG22	1:A:247:TYR:CD1	0.54	2.38	15	3
1:A:328:VAL:O	1:A:331:LYS:HE3	0.54	2.02	31	1
1:A:251:GLU:OE2	1:A:253:THR:HG22	0.54	2.03	2	1
1:A:335:THR:C	1:A:336:LYS:HG3	0.54	2.27	19	7
1:A:254:ASN:HB2	1:A:380:LEU:HB2	0.54	1.79	18	1
1:A:278:LEU:HD11	1:A:317:LEU:HD12	0.54	1.78	25	1
1:A:208:ARG:N	1:A:208:ARG:HD2	0.54	2.18	8	1
1:A:235:GLY:HA2	1:A:261:ASN:HD22	0.54	1.63	29	3
1:A:425:LYS:O	1:A:429:LEU:HG	0.54	2.02	16	5
1:A:265:SER:HA	1:A:268:LYS:HG2	0.54	1.79	13	9
1:A:282:GLU:HB2	1:A:283:LEU:HD22	0.53	1.79	5	7
1:A:398:ILE:HD13	1:A:442:LYS:HB3	0.53	1.80	20	3
1:A:437:THR:O	1:A:441:ARG:HG2	0.53	2.03	12	3
1:A:424:SER:O	1:A:428:ARG:HD3	0.53	2.03	12	1
1:A:324:HIS:O	1:A:328:VAL:HG23	0.53	2.03	5	8
1:A:225:MET:O	1:A:331:LYS:HG2	0.53	2.03	31	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:279:LEU:H	1:A:279:LEU:HD22	0.53	1.63	35	18
1:A:290:ALA:HB2	1:A:302:GLU:HG2	0.53	1.80	25	1
1:A:296:GLU:HA	1:A:299:LYS:HD2	0.53	1.81	7	3
1:A:215:GLU:HB3	1:A:255:LEU:HD11	0.53	1.80	30	1
1:A:225:MET:HE1	1:A:328:VAL:HG22	0.53	1.80	25	3
1:A:239:LYS:HB2	1:A:262:THR:HG21	0.53	1.80	7	2
1:A:391:LEU:HD13	1:A:442:LYS:HD2	0.53	1.80	27	1
1:A:194:LEU:O	1:A:198:VAL:HG23	0.53	2.03	3	18
1:A:231:TYR:O	1:A:345:VAL:HG21	0.53	2.04	13	6
1:A:239:LYS:HE3	1:A:262:THR:OG1	0.53	2.03	16	1
1:A:300:VAL:O	1:A:304:GLN:HG3	0.53	2.04	26	12
1:A:302:GLU:O	1:A:306:LEU:HD22	0.53	2.04	11	17
1:A:232:ARG:HA	1:A:345:VAL:HG11	0.53	1.81	4	2
1:A:405:GLN:HE22	1:A:435:ILE:HB	0.53	1.62	22	1
1:A:201:THR:O	1:A:211:ALA:HB2	0.52	2.03	20	9
1:A:430:TRP:O	1:A:434:ARG:HG3	0.52	2.04	12	4
1:A:350:VAL:O	1:A:351:GLN:HG2	0.52	2.04	12	1
1:A:249:ARG:O	1:A:250:GLU:HB2	0.52	2.04	32	2
1:A:300:VAL:HG12	1:A:363:HIS:CG	0.52	2.39	2	7
1:A:226:LYS:HB3	1:A:331:LYS:HD3	0.52	1.79	33	2
1:A:435:ILE:O	1:A:439:LEU:HG	0.52	2.04	30	1
1:A:198:VAL:HG11	1:A:208:ARG:HA	0.52	1.81	13	11
1:A:226:LYS:HB2	1:A:335:THR:CG2	0.52	2.35	23	1
1:A:424:SER:HA	1:A:427:GLU:OE2	0.52	2.05	31	1
1:A:403:ARG:HG2	1:A:407:PHE:CE2	0.52	2.39	15	7
1:A:414:ARG:HA	1:A:417:GLN:OE1	0.52	2.04	30	4
1:A:230:ILE:HG13	1:A:231:TYR:HD1	0.52	1.63	9	1
1:A:225:MET:CG	1:A:331:LYS:HG3	0.52	2.34	15	4
1:A:239:LYS:HD2	1:A:258:TYR:CD2	0.52	2.40	27	2
1:A:401:GLU:CD	1:A:439:LEU:HD22	0.52	2.29	30	1
1:A:400:GLU:HB3	1:A:404:ARG:NH1	0.52	2.20	11	2
1:A:325:MET:O	1:A:328:VAL:HB	0.52	2.05	31	2
1:A:209:LEU:HD23	1:A:214:ARG:HD3	0.52	1.82	6	1
1:A:232:ARG:HG3	1:A:337:MET:SD	0.52	2.45	7	2
1:A:239:LYS:HD3	1:A:258:TYR:CE2	0.51	2.40	9	2
1:A:363:HIS:CD2	1:A:367:LEU:HD11	0.51	2.40	10	2
1:A:299:LYS:HB3	1:A:363:HIS:HE1	0.51	1.66	7	1
1:A:422:ASP:HB3	1:A:425:LYS:HG2	0.51	1.80	28	1
1:A:368:PHE:HB3	1:A:371:VAL:HG23	0.51	1.81	13	15
1:A:408:LEU:O	1:A:412:LEU:HD13	0.51	2.05	4	14
1:A:198:VAL:HG21	1:A:313:CYS:SG	0.51	2.45	24	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:267:LEU:O	1:A:271:LEU:HG	0.51	2.05	19	5
1:A:279:LEU:HD22	1:A:279:LEU:N	0.51	2.21	21	31
1:A:208:ARG:HD2	1:A:313:CYS:SG	0.51	2.45	4	1
1:A:279:LEU:O	1:A:283:LEU:HB2	0.51	2.05	17	12
1:A:217:ILE:HG13	1:A:324:HIS:CG	0.51	2.41	33	3
1:A:356:VAL:HA	1:A:359:VAL:HG12	0.51	1.82	9	3
1:A:335:THR:C	1:A:336:LYS:HD2	0.51	2.31	26	2
1:A:401:GLU:O	1:A:405:GLN:HG2	0.51	2.05	27	2
1:A:305:ARG:CD	1:A:306:LEU:HD13	0.51	2.36	2	2
1:A:363:HIS:NE2	1:A:367:LEU:HD22	0.51	2.21	16	2
1:A:190:PHE:CZ	1:A:244:LYS:HA	0.51	2.40	6	3
1:A:429:LEU:O	1:A:433:GLN:HG2	0.51	2.06	8	2
1:A:225:MET:HA	1:A:230:ILE:HG12	0.51	1.83	15	1
1:A:191:GLY:O	1:A:192:ILE:HG23	0.51	2.06	26	1
1:A:290:ALA:HB2	1:A:302:GLU:CG	0.51	2.36	1	1
1:A:190:PHE:CD2	1:A:244:LYS:HE3	0.51	2.40	12	2
1:A:370:ASN:N	1:A:370:ASN:HD22	0.51	2.03	33	2
1:A:284:MET:HB3	1:A:285:PRO:HD3	0.51	1.81	25	7
1:A:220:VAL:HG12	1:A:225:MET:HB3	0.51	1.82	15	4
1:A:218:ASP:O	1:A:222:LYS:HD3	0.50	2.06	7	1
1:A:235:GLY:HA3	1:A:262:THR:OG1	0.50	2.07	24	1
1:A:431:GLU:O	1:A:435:ILE:HG12	0.50	2.07	31	9
1:A:330:ALA:O	1:A:333:LEU:HB3	0.50	2.06	10	4
1:A:332:GLU:HB3	1:A:337:MET:HB2	0.50	1.82	26	1
1:A:222:LYS:HE2	1:A:223:TYR:CE2	0.50	2.40	31	4
1:A:300:VAL:HG13	1:A:367:LEU:CD2	0.50	2.37	21	1
1:A:190:PHE:CE1	1:A:244:LYS:HA	0.50	2.41	35	1
1:A:295:THR:O	1:A:299:LYS:HG3	0.50	2.06	6	7
1:A:216:CYS:O	1:A:220:VAL:HG22	0.50	2.07	2	8
1:A:225:MET:HE2	1:A:225:MET:HA	0.50	1.84	28	2
1:A:398:ILE:O	1:A:402:ILE:HG12	0.50	2.07	32	4
1:A:202:MET:HA	1:A:202:MET:HE2	0.50	1.84	8	1
1:A:425:LYS:O	1:A:428:ARG:HB3	0.50	2.06	21	1
1:A:305:ARG:HD3	1:A:306:LEU:HD13	0.50	1.83	27	2
1:A:402:ILE:HG23	1:A:436:LEU:HD11	0.50	1.81	9	3
1:A:336:LYS:CD	1:A:337:MET:HG3	0.50	2.37	24	2
1:A:321:LEU:HD21	1:A:346:LEU:HD11	0.50	1.84	25	1
1:A:296:GLU:OE2	1:A:299:LYS:HD2	0.49	2.07	2	2
1:A:189:ILE:HG13	1:A:248:ASP:HA	0.49	1.82	16	1
1:A:239:LYS:HA	1:A:239:LYS:CE	0.49	2.37	18	1
1:A:190:PHE:HB3	1:A:273:ASP:HB3	0.49	1.84	5	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:254:ASN:OD1	1:A:256:GLU:HG2	0.49	2.06	18	1
1:A:436:LEU:HD11	1:A:440:LYS:HE3	0.49	1.84	19	3
1:A:405:GLN:HE21	1:A:405:GLN:HA	0.49	1.65	4	1
1:A:232:ARG:HB2	1:A:337:MET:HE1	0.49	1.83	7	1
1:A:202:MET:HG2	1:A:206:GLY:HA3	0.49	1.84	9	1
1:A:412:LEU:HB2	1:A:429:LEU:HD21	0.49	1.84	17	1
1:A:225:MET:HB3	1:A:331:LYS:HD3	0.49	1.85	12	1
1:A:332:GLU:HB3	1:A:337:MET:C	0.49	2.32	28	2
1:A:409:LEU:HD22	1:A:436:LEU:HD23	0.49	1.83	25	1
1:A:204:TYR:CE2	1:A:376:VAL:HA	0.49	2.36	2	1
1:A:304:GLN:HG2	1:A:367:LEU:HG	0.49	1.85	7	6
1:A:278:LEU:HA	1:A:314:ASN:OD1	0.49	2.07	28	2
1:A:327:HIS:O	1:A:331:LYS:HG2	0.49	2.07	23	5
1:A:428:ARG:O	1:A:432:VAL:HG23	0.49	2.08	15	4
1:A:236:ILE:HB	1:A:239:LYS:HG2	0.49	1.85	11	2
1:A:218:ASP:OD2	1:A:222:LYS:HD2	0.49	2.08	23	2
1:A:329:ILE:O	1:A:333:LEU:HG	0.49	2.07	23	4
1:A:220:VAL:HG11	1:A:231:TYR:HE2	0.49	1.68	22	3
1:A:325:MET:O	1:A:329:ILE:HG12	0.48	2.08	33	2
1:A:407:PHE:HA	1:A:410:ASN:ND2	0.48	2.23	10	10
1:A:280:THR:HB	1:A:282:GLU:OE2	0.48	2.07	23	3
1:A:283:LEU:HD22	1:A:306:LEU:HD12	0.48	1.84	11	1
1:A:249:ARG:O	1:A:250:GLU:HB3	0.48	2.09	12	1
1:A:278:LEU:HD12	1:A:350:VAL:HG12	0.48	1.84	28	3
1:A:300:VAL:HB	1:A:367:LEU:CD1	0.48	2.39	3	2
1:A:278:LEU:HD12	1:A:350:VAL:HG23	0.48	1.85	19	1
1:A:220:VAL:HG11	1:A:231:TYR:CE2	0.48	2.43	25	1
1:A:332:GLU:OE1	1:A:337:MET:HB2	0.48	2.09	21	2
1:A:328:VAL:O	1:A:332:GLU:HG2	0.48	2.09	6	5
1:A:195:ALA:O	1:A:199:GLU:HG2	0.48	2.08	6	5
1:A:332:GLU:CD	1:A:338:ASN:HA	0.48	2.33	8	2
1:A:332:GLU:CB	1:A:337:MET:HB2	0.48	2.36	31	1
1:A:438:ALA:O	1:A:442:LYS:HG3	0.48	2.09	7	4
1:A:225:MET:HG3	1:A:331:LYS:CG	0.48	2.38	15	1
1:A:363:HIS:HA	1:A:366:GLU:HB2	0.48	1.86	25	2
1:A:199:GLU:HA	1:A:202:MET:HE3	0.48	1.85	32	1
1:A:265:SER:HA	1:A:268:LYS:HE2	0.47	1.86	7	3
1:A:204:TYR:CE1	1:A:408:LEU:HD12	0.47	2.44	13	1
1:A:208:ARG:HB3	1:A:313:CYS:SG	0.47	2.49	18	2
1:A:401:GLU:HG2	1:A:439:LEU:HD13	0.47	1.85	30	1
1:A:249:ARG:HD2	1:A:251:GLU:OE2	0.47	2.09	22	3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:271:LEU:HD23	1:A:349:THR:O	0.47	2.09	6	2
1:A:259:GLU:HB3	1:A:261:ASN:OD1	0.47	2.09	7	2
1:A:277:ASN:ND2	1:A:284:MET:HE1	0.47	2.24	33	5
1:A:422:ASP:CG	1:A:425:LYS:HG2	0.47	2.34	15	1
1:A:190:PHE:HE2	1:A:269:GLN:HG3	0.47	1.70	22	1
1:A:331:LYS:HD2	1:A:335:THR:OG1	0.47	2.09	31	1
1:A:278:LEU:HD11	1:A:317:LEU:HD22	0.47	1.86	11	1
1:A:298:GLU:HA	1:A:301:GLN:NE2	0.47	2.24	10	2
1:A:259:GLU:HB2	1:A:262:THR:OG1	0.47	2.10	17	1
1:A:346:LEU:HB2	1:A:357:LEU:HG	0.47	1.86	17	1
1:A:370:ASN:HD22	1:A:370:ASN:C	0.47	2.17	5	11
1:A:412:LEU:O	1:A:416:LEU:HG	0.47	2.09	9	3
1:A:291:CYS:SG	1:A:355:ARG:HG3	0.47	2.49	13	1
1:A:230:ILE:HG13	1:A:231:TYR:CD2	0.47	2.45	35	3
1:A:259:GLU:CD	1:A:259:GLU:H	0.47	2.18	8	1
1:A:323:VAL:HG22	1:A:365:GLN:NE2	0.47	2.25	13	6
1:A:436:LEU:O	1:A:440:LYS:HG2	0.47	2.09	5	7
1:A:350:VAL:C	1:A:351:GLN:HE21	0.47	2.17	12	1
1:A:442:LYS:HE3	1:A:445:GLU:OE2	0.47	2.10	28	1
1:A:329:ILE:O	1:A:332:GLU:HB2	0.47	2.09	5	4
1:A:190:PHE:CZ	1:A:244:LYS:HB2	0.47	2.44	16	1
1:A:363:HIS:HA	1:A:366:GLU:CG	0.47	2.40	25	1
1:A:364:VAL:HG13	1:A:365:GLN:HE21	0.46	1.70	4	16
1:A:329:ILE:HD12	1:A:339:ILE:HA	0.46	1.87	20	1
1:A:213:PHE:O	1:A:217:ILE:HD13	0.46	2.10	33	2
1:A:332:GLU:OE2	1:A:337:MET:HB2	0.46	2.10	30	1
1:A:208:ARG:HG3	1:A:312:GLU:CD	0.46	2.34	32	1
1:A:328:VAL:O	1:A:331:LYS:HG3	0.46	2.10	2	1
1:A:236:ILE:O	1:A:240:VAL:HG23	0.46	2.10	15	5
1:A:307:LEU:HA	1:A:310:LEU:CD1	0.46	2.40	25	5
1:A:300:VAL:HG13	1:A:367:LEU:HD21	0.46	1.86	21	1
1:A:357:LEU:HA	1:A:360:PHE:HB2	0.46	1.87	30	11
1:A:226:LYS:HB3	1:A:331:LYS:HB3	0.46	1.86	23	1
1:A:192:ILE:O	1:A:274:LEU:HD23	0.46	2.10	28	1
1:A:370:ASN:HD22	1:A:371:VAL:N	0.46	2.08	8	2
1:A:221:GLU:HA	1:A:225:MET:CG	0.46	2.41	26	2
1:A:409:LEU:HD11	1:A:433:GLN:HG3	0.46	1.86	26	2
1:A:230:ILE:HG13	1:A:231:TYR:CD1	0.46	2.46	9	1
1:A:280:THR:O	1:A:284:MET:HB2	0.46	2.10	26	4
1:A:361:PHE:HA	1:A:364:VAL:HG22	0.46	1.86	22	1
1:A:230:ILE:CD1	1:A:260:PRO:HB2	0.46	2.40	18	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:279:LEU:HD12	1:A:352:ILE:HD11	0.46	1.88	20	1
1:A:212:VAL:HG22	1:A:247:TYR:CD2	0.46	2.45	7	2
1:A:346:LEU:HD23	1:A:357:LEU:HD12	0.46	1.88	1	1
1:A:427:GLU:O	1:A:431:GLU:HG3	0.46	2.11	5	1
1:A:279:LEU:HD22	1:A:279:LEU:H	0.46	1.70	21	10
1:A:222:LYS:HE3	1:A:223:TYR:CE2	0.46	2.46	5	1
1:A:424:SER:O	1:A:428:ARG:HG2	0.46	2.11	19	2
1:A:363:HIS:ND1	1:A:367:LEU:HD22	0.46	2.25	31	2
1:A:191:GLY:HA2	1:A:273:ASP:C	0.45	2.36	6	1
1:A:307:LEU:HD22	1:A:367:LEU:HD23	0.45	1.86	14	1
1:A:203:MET:CE	1:A:376:VAL:HG21	0.45	2.41	16	1
1:A:203:MET:HE1	1:A:376:VAL:HG21	0.45	1.88	21	1
1:A:331:LYS:HE3	1:A:331:LYS:CA	0.45	2.38	30	1
1:A:265:SER:O	1:A:269:GLN:HB2	0.45	2.11	10	5
1:A:240:VAL:O	1:A:244:LYS:HB3	0.45	2.10	6	1
1:A:215:GLU:HB3	1:A:255:LEU:HD21	0.45	1.88	34	2
1:A:377:MET:HE1	1:A:405:GLN:HG2	0.45	1.89	29	1
1:A:232:ARG:HD2	1:A:341:ASN:HB3	0.45	1.87	11	1
1:A:190:PHE:CE1	1:A:270:TYR:HA	0.45	2.46	15	1
1:A:424:SER:HA	1:A:427:GLU:OE1	0.45	2.11	15	1
1:A:409:LEU:HD12	1:A:436:LEU:HD12	0.45	1.89	31	1
1:A:208:ARG:HG3	1:A:313:CYS:SG	0.45	2.52	3	1
1:A:229:GLY:O	1:A:233:VAL:HG22	0.45	2.12	5	4
1:A:428:ARG:NH2	1:A:431:GLU:HG3	0.45	2.26	7	1
1:A:340:GLN:HE21	1:A:340:GLN:C	0.45	2.20	22	2
1:A:203:MET:HE3	1:A:211:ALA:CA	0.45	2.41	15	1
1:A:213:PHE:HE1	1:A:321:LEU:HD23	0.45	1.71	15	1
1:A:295:THR:O	1:A:298:GLU:HG2	0.45	2.12	15	1
1:A:329:ILE:HA	1:A:332:GLU:CG	0.45	2.40	6	2
1:A:229:GLY:O	1:A:233:VAL:HG23	0.45	2.11	6	1
1:A:321:LEU:O	1:A:325:MET:HB2	0.45	2.10	24	1
1:A:415:ASP:OD2	1:A:420:ILE:HD11	0.45	2.11	5	1
1:A:315:TYR:O	1:A:318:ILE:HG22	0.45	2.12	6	3
1:A:406:GLU:HG2	1:A:436:LEU:HD21	0.45	1.88	26	2
1:A:377:MET:HE1	1:A:405:GLN:CG	0.45	2.40	29	1
1:A:422:ASP:CB	1:A:425:LYS:HG2	0.45	2.41	4	4
1:A:288:GLU:HA	1:A:291:CYS:SG	0.45	2.52	18	1
1:A:416:LEU:HA	1:A:420:ILE:HB	0.45	1.88	24	1
1:A:409:LEU:HD11	1:A:433:GLN:CG	0.45	2.41	26	1
1:A:208:ARG:HE	1:A:312:GLU:CD	0.45	2.20	34	1
1:A:202:MET:HE2	1:A:206:GLY:HA3	0.45	1.88	26	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:329:ILE:CA	1:A:332:GLU:HG2	0.45	2.40	10	1
1:A:239:LYS:O	1:A:243:LEU:HD22	0.45	2.12	11	2
1:A:290:ALA:HA	1:A:293:ARG:CG	0.45	2.40	14	3
1:A:209:LEU:HB2	1:A:316:LEU:HD23	0.45	1.87	17	2
1:A:422:ASP:OD1	1:A:425:LYS:HG2	0.44	2.11	9	1
1:A:311:PRO:HG2	1:A:314:ASN:OD1	0.44	2.11	12	1
1:A:229:GLY:HA2	1:A:233:VAL:HG23	0.44	1.89	28	1
1:A:239:LYS:O	1:A:243:LEU:HG	0.44	2.12	32	2
1:A:297:THR:HG22	1:A:301:GLN:CD	0.44	2.37	33	1
1:A:240:VAL:O	1:A:244:LYS:HG3	0.44	2.12	19	5
1:A:218:ASP:OD2	1:A:378:LYS:HE3	0.44	2.12	12	1
1:A:299:LYS:HB3	1:A:363:HIS:CE1	0.44	2.47	7	1
1:A:220:VAL:HG11	1:A:231:TYR:HE1	0.44	1.73	9	1
1:A:277:ASN:HB2	1:A:280:THR:CA	0.44	2.42	12	3
1:A:279:LEU:HB3	1:A:287:PHE:CE1	0.44	2.48	35	3
1:A:331:LYS:HE2	1:A:334:GLU:OE1	0.44	2.13	15	2
1:A:192:ILE:HB	1:A:193:PRO:HD2	0.44	1.89	17	1
1:A:266:LEU:C	1:A:266:LEU:HD23	0.44	2.37	17	1
1:A:395:GLN:O	1:A:399:LYS:HG2	0.44	2.11	35	2
1:A:412:LEU:HD21	1:A:428:ARG:HE	0.44	1.72	31	1
1:A:189:ILE:HA	1:A:192:ILE:HD11	0.44	1.89	9	2
1:A:355:ARG:O	1:A:359:VAL:HG23	0.44	2.13	2	3
1:A:203:MET:HE3	1:A:376:VAL:HG21	0.44	1.89	19	3
1:A:360:PHE:CD1	1:A:363:HIS:HE1	0.44	2.30	18	2
1:A:215:GLU:HB3	1:A:255:LEU:CD1	0.44	2.43	13	1
1:A:213:PHE:HA	1:A:267:LEU:CD2	0.44	2.42	7	1
1:A:216:CYS:SG	1:A:267:LEU:HD22	0.44	2.53	33	3
1:A:213:PHE:HA	1:A:267:LEU:HD21	0.44	1.89	22	1
1:A:359:VAL:HB	1:A:363:HIS:CD2	0.44	2.47	30	1
1:A:218:ASP:O	1:A:222:LYS:HG3	0.44	2.13	18	4
1:A:218:ASP:OD2	1:A:375:GLN:HB2	0.44	2.12	8	2
1:A:350:VAL:HG13	1:A:352:ILE:HG13	0.44	1.89	13	1
1:A:304:GLN:CG	1:A:367:LEU:HG	0.44	2.43	14	1
1:A:200:ARG:CZ	1:A:200:ARG:HA	0.44	2.43	26	1
1:A:300:VAL:HG12	1:A:363:HIS:CB	0.44	2.40	31	2
1:A:331:LYS:HE2	1:A:334:GLU:OE2	0.44	2.11	27	1
1:A:204:TYR:CE2	1:A:408:LEU:HB2	0.44	2.48	29	1
1:A:329:ILE:HG23	1:A:339:ILE:HG12	0.44	1.89	9	2
1:A:331:LYS:HA	1:A:331:LYS:HE2	0.44	1.88	5	2
1:A:409:LEU:HD22	1:A:436:LEU:CD1	0.44	2.43	6	2
1:A:207:ILE:O	1:A:208:ARG:HD2	0.44	2.13	11	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:429:LEU:O	1:A:432:VAL:HG22	0.44	2.13	12	1
1:A:225:MET:HE3	1:A:328:VAL:HG22	0.44	1.88	20	1
1:A:363:HIS:O	1:A:366:GLU:HB2	0.44	2.12	25	1
1:A:236:ILE:HD12	1:A:239:LYS:NZ	0.44	2.28	34	1
1:A:221:GLU:HB2	1:A:324:HIS:NE2	0.44	2.27	16	1
1:A:255:LEU:HD12	1:A:378:LYS:HE3	0.44	1.89	30	1
1:A:207:ILE:HG13	1:A:207:ILE:O	0.43	2.12	2	1
1:A:394:THR:O	1:A:398:ILE:HG13	0.43	2.13	30	3
1:A:369:GLY:O	1:A:370:ASN:HB2	0.43	2.12	6	2
1:A:225:MET:CB	1:A:331:LYS:HG3	0.43	2.43	11	1
1:A:404:ARG:HA	1:A:407:PHE:CD2	0.43	2.48	14	1
1:A:307:LEU:HA	1:A:310:LEU:CG	0.43	2.43	33	1
1:A:341:ASN:O	1:A:345:VAL:HG13	0.43	2.14	33	1
1:A:399:LYS:HE3	1:A:443:LEU:HD21	0.43	1.89	3	2
1:A:409:LEU:O	1:A:413:HIS:HB2	0.43	2.14	29	4
1:A:323:VAL:HG21	1:A:371:VAL:HG21	0.43	1.89	14	1
1:A:279:LEU:CD1	1:A:352:ILE:HD11	0.43	2.43	19	2
1:A:305:ARG:O	1:A:309:GLU:HG2	0.43	2.13	27	2
1:A:301:GLN:O	1:A:304:GLN:HB2	0.43	2.12	27	1
1:A:328:VAL:HG13	1:A:331:LYS:CE	0.43	2.43	31	1
1:A:216:CYS:SG	1:A:267:LEU:HB2	0.43	2.54	32	1
1:A:405:GLN:HB3	1:A:436:LEU:HG	0.43	1.89	2	1
1:A:229:GLY:CA	1:A:337:MET:SD	0.43	3.07	6	1
1:A:405:GLN:CB	1:A:436:LEU:HD13	0.43	2.43	25	1
1:A:350:VAL:O	1:A:351:GLN:HB2	0.43	2.14	20	4
1:A:205:ASP:CG	1:A:207:ILE:HG23	0.43	2.39	29	2
1:A:205:ASP:OD1	1:A:207:ILE:HG12	0.43	2.13	2	2
1:A:401:GLU:OE1	1:A:404:ARG:HD2	0.43	2.14	28	2
1:A:325:MET:HA	1:A:328:VAL:HG23	0.43	1.90	35	1
1:A:216:CYS:O	1:A:220:VAL:HG23	0.43	2.13	18	4
1:A:266:LEU:C	1:A:266:LEU:HD13	0.43	2.38	10	9
1:A:350:VAL:HG23	1:A:352:ILE:HG13	0.43	1.90	9	1
1:A:204:TYR:HE1	1:A:376:VAL:HG23	0.43	1.74	20	1
1:A:190:PHE:CE1	1:A:244:LYS:HB2	0.43	2.49	34	2
1:A:399:LYS:HE2	1:A:443:LEU:HD21	0.43	1.89	23	1
1:A:202:MET:O	1:A:211:ALA:HB2	0.43	2.14	25	1
1:A:268:LYS:HB2	1:A:349:THR:OG1	0.43	2.13	10	1
1:A:407:PHE:O	1:A:410:ASN:ND2	0.43	2.52	18	1
1:A:303:PHE:O	1:A:307:LEU:HG	0.43	2.12	5	4
1:A:438:ALA:O	1:A:442:LYS:HG2	0.43	2.14	12	3
1:A:442:LYS:HE3	1:A:445:GLU:CD	0.43	2.39	11	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:203:MET:O	1:A:412:LEU:HD21	0.43	2.14	16	1
1:A:429:LEU:HB3	1:A:433:GLN:NE2	0.42	2.29	4	1
1:A:203:MET:HA	1:A:428:ARG:HH22	0.42	1.74	28	2
1:A:335:THR:C	1:A:336:LYS:HG2	0.42	2.38	35	1
1:A:208:ARG:O	1:A:209:LEU:HG	0.42	2.13	27	2
1:A:415:ASP:HA	1:A:417:GLN:NE2	0.42	2.29	5	1
1:A:402:ILE:HG13	1:A:443:LEU:HD12	0.42	1.91	19	1
1:A:209:LEU:HD12	1:A:209:LEU:N	0.42	2.29	20	1
1:A:313:CYS:O	1:A:317:LEU:HB2	0.42	2.14	23	1
1:A:203:MET:HE1	1:A:376:VAL:HG11	0.42	1.90	23	1
1:A:300:VAL:HB	1:A:367:LEU:CD2	0.42	2.44	26	1
1:A:277:ASN:HD22	1:A:284:MET:HE1	0.42	1.74	28	1
1:A:213:PHE:HA	1:A:267:LEU:CD1	0.42	2.44	31	1
1:A:350:VAL:HG11	1:A:357:LEU:HD11	0.42	1.90	33	2
1:A:357:LEU:O	1:A:360:PHE:HB2	0.42	2.14	28	4
1:A:437:THR:O	1:A:441:ARG:HG3	0.42	2.13	15	2
1:A:363:HIS:HA	1:A:366:GLU:HG3	0.42	1.92	25	1
1:A:328:VAL:O	1:A:332:GLU:N	0.42	2.51	24	4
1:A:369:GLY:C	1:A:371:VAL:H	0.42	2.22	13	1
1:A:364:VAL:HG22	1:A:368:PHE:CD2	0.42	2.49	8	1
1:A:405:GLN:HG2	1:A:436:LEU:HD13	0.42	1.91	16	1
1:A:230:ILE:O	1:A:337:MET:HE1	0.42	2.15	15	1
1:A:235:GLY:HA2	1:A:261:ASN:ND2	0.42	2.30	28	2
1:A:430:TRP:CD1	1:A:430:TRP:N	0.42	2.84	23	2
1:A:218:ASP:OD2	1:A:378:LYS:HE2	0.42	2.15	32	1
1:A:324:HIS:HD1	1:A:373:LEU:HG	0.42	1.75	35	1
1:A:330:ALA:O	1:A:333:LEU:HB2	0.42	2.15	9	2
1:A:345:VAL:O	1:A:348:PRO:HD2	0.42	2.15	14	1
1:A:201:THR:HB	1:A:211:ALA:HB3	0.42	1.90	16	1
1:A:214:ARG:HG2	1:A:320:TRP:CZ3	0.42	2.49	17	1
1:A:221:GLU:OE2	1:A:225:MET:HE2	0.42	2.15	18	1
1:A:328:VAL:O	1:A:332:GLU:HG3	0.42	2.14	18	1
1:A:295:THR:HB	1:A:298:GLU:CG	0.42	2.33	20	1
1:A:331:LYS:HE3	1:A:331:LYS:HB3	0.42	1.66	31	1
1:A:409:LEU:CD1	1:A:436:LEU:HD12	0.42	2.45	1	1
1:A:208:ARG:N	1:A:208:ARG:HD3	0.42	2.29	17	1
1:A:360:PHE:HA	1:A:363:HIS:ND1	0.42	2.29	18	2
1:A:225:MET:C	1:A:227:CYS:H	0.42	2.23	26	1
1:A:321:LEU:O	1:A:325:MET:HG2	0.42	2.15	33	1
1:A:192:ILE:HD12	1:A:196:ASP:HB3	0.42	1.92	2	1
1:A:293:ARG:HA	1:A:293:ARG:NE	0.42	2.30	3	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:298:GLU:HA	1:A:301:GLN:HE21	0.42	1.74	5	1
1:A:206:GLY:C	1:A:208:ARG:H	0.42	2.23	7	2
1:A:225:MET:O	1:A:331:LYS:HB3	0.42	2.15	10	1
1:A:286:ARG:HA	1:A:286:ARG:NE	0.42	2.30	24	1
1:A:204:TYR:CE1	1:A:376:VAL:HG13	0.41	2.50	1	1
1:A:215:GLU:OE2	1:A:378:LYS:HE3	0.41	2.14	3	1
1:A:271:LEU:HD12	1:A:274:LEU:HD12	0.41	1.92	10	1
1:A:225:MET:HB2	1:A:331:LYS:HG3	0.41	1.91	11	1
1:A:305:ARG:HD2	1:A:306:LEU:HD13	0.41	1.90	2	1
1:A:346:LEU:CB	1:A:357:LEU:HG	0.41	2.45	34	1
1:A:239:LYS:O	1:A:242:GLU:HB2	0.41	2.15	4	1
1:A:405:GLN:CB	1:A:436:LEU:HD21	0.41	2.45	4	1
1:A:218:ASP:OD2	1:A:378:LYS:HG3	0.41	2.15	6	1
1:A:246:ALA:HB3	1:A:253:THR:HG23	0.41	1.91	6	1
1:A:335:THR:O	1:A:336:LYS:CB	0.41	2.66	2	1
1:A:204:TYR:OH	1:A:377:MET:HE3	0.41	2.16	7	1
1:A:405:GLN:NE2	1:A:432:VAL:HB	0.41	2.29	16	1
1:A:359:VAL:HG23	1:A:363:HIS:CE1	0.41	2.51	19	1
1:A:322:ILE:HG22	1:A:364:VAL:HG11	0.41	1.92	33	1
1:A:377:MET:SD	1:A:404:ARG:HB3	0.41	2.55	6	1
1:A:293:ARG:HD2	1:A:298:GLU:HB3	0.41	1.92	10	1
1:A:379:PRO:O	1:A:380:LEU:HB2	0.41	2.16	17	1
1:A:279:LEU:HD22	1:A:287:PHE:CZ	0.41	2.51	20	1
1:A:293:ARG:CD	1:A:298:GLU:HB3	0.41	2.45	29	1
1:A:355:ARG:O	1:A:359:VAL:HG13	0.41	2.16	29	2
1:A:279:LEU:HD12	1:A:287:PHE:CZ	0.41	2.51	21	2
1:A:212:VAL:HG12	1:A:247:TYR:CD1	0.41	2.50	19	1
1:A:299:LYS:CB	1:A:363:HIS:HE1	0.41	2.29	20	1
1:A:356:VAL:O	1:A:359:VAL:HG22	0.41	2.15	35	1
1:A:392:PRO:HB2	1:A:398:ILE:CG1	0.41	2.46	35	1
1:A:209:LEU:HB3	1:A:214:ARG:NH1	0.41	2.30	1	1
1:A:212:VAL:HB	1:A:247:TYR:CE1	0.41	2.51	10	1
1:A:201:THR:HB	1:A:211:ALA:CB	0.41	2.45	16	1
1:A:278:LEU:HD21	1:A:317:LEU:HD22	0.41	1.91	35	1
1:A:331:LYS:HE2	1:A:331:LYS:CA	0.41	2.46	5	1
1:A:208:ARG:HD3	1:A:208:ARG:N	0.41	2.31	12	1
1:A:402:ILE:O	1:A:406:GLU:HG3	0.41	2.16	23	1
1:A:189:ILE:HG12	1:A:248:ASP:HA	0.41	1.93	5	2
1:A:347:SER:CB	1:A:348:PRO:HD3	0.41	2.41	6	2
1:A:202:MET:O	1:A:203:MET:HB2	0.41	2.15	21	2
1:A:356:VAL:HA	1:A:359:VAL:CG1	0.41	2.46	9	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:290:ALA:HB2	1:A:302:GLU:HB3	0.41	1.92	11	1
1:A:322:ILE:HG23	1:A:361:PHE:CD1	0.41	2.50	14	1
1:A:203:MET:HG3	1:A:204:TYR:N	0.41	2.31	18	1
1:A:398:ILE:O	1:A:402:ILE:HG13	0.41	2.15	21	1
1:A:377:MET:C	1:A:378:LYS:HD2	0.41	2.40	22	1
1:A:305:ARG:C	1:A:305:ARG:HD3	0.41	2.41	29	1
1:A:342:ILE:HA	1:A:345:VAL:HG22	0.41	1.92	33	1
1:A:293:ARG:HB3	1:A:298:GLU:CB	0.41	2.43	3	1
1:A:412:LEU:O	1:A:416:LEU:HD23	0.41	2.15	7	1
1:A:215:GLU:OE1	1:A:255:LEU:HD21	0.41	2.16	8	1
1:A:212:VAL:HB	1:A:247:TYR:CE2	0.41	2.51	27	1
1:A:377:MET:HE1	1:A:401:GLU:HG3	0.40	1.92	1	1
1:A:326:ASP:HB2	1:A:361:PHE:HB3	0.40	1.92	4	1
1:A:323:VAL:HG21	1:A:371:VAL:HB	0.40	1.92	8	1
1:A:404:ARG:HA	1:A:407:PHE:HD2	0.40	1.74	14	1
1:A:230:ILE:O	1:A:231:TYR:HB2	0.40	2.16	34	2
1:A:416:LEU:HB2	1:A:417:GLN:NE2	0.40	2.31	18	1
1:A:227:CYS:HB2	1:A:230:ILE:HB	0.40	1.93	25	1
1:A:331:LYS:CA	1:A:334:GLU:HG2	0.40	2.42	2	1
1:A:291:CYS:O	1:A:299:LYS:HE3	0.40	2.16	4	1
1:A:401:GLU:CD	1:A:404:ARG:HH21	0.40	2.23	15	1
1:A:331:LYS:HB3	1:A:331:LYS:HE2	0.40	1.62	18	1
1:A:311:PRO:HG2	1:A:314:ASN:CG	0.40	2.41	24	1
1:A:347:SER:HA	1:A:357:LEU:HD21	0.40	1.93	25	1
1:A:204:TYR:HA	1:A:408:LEU:HD12	0.40	1.93	31	1
1:A:286:ARG:O	1:A:289:GLU:HB2	0.40	2.16	32	1
1:A:255:LEU:H	1:A:255:LEU:HD22	0.40	1.76	34	1
1:A:189:ILE:O	1:A:192:ILE:HG12	0.40	2.15	4	1
1:A:402:ILE:HD12	1:A:443:LEU:CD1	0.40	2.46	15	1
1:A:422:ASP:O	1:A:426:GLU:HG3	0.40	2.17	19	1
1:A:324:HIS:HB2	1:A:373:LEU:CD1	0.40	2.46	32	1
1:A:259:GLU:O	1:A:263:VAL:HG23	0.40	2.16	33	1
1:A:196:ASP:O	1:A:200:ARG:HG3	0.40	2.17	2	1
1:A:409:LEU:HD13	1:A:436:LEU:HD12	0.40	1.91	2	1
1:A:217:ILE:HG23	1:A:324:HIS:CD2	0.40	2.52	3	1
1:A:277:ASN:CG	1:A:278:LEU:H	0.40	2.24	10	1
1:A:293:ARG:HH21	1:A:302:GLU:CD	0.40	2.25	10	1
1:A:405:GLN:HB3	1:A:436:LEU:HD21	0.40	1.93	11	1
1:A:266:LEU:HD13	1:A:266:LEU:C	0.40	2.41	13	1
1:A:284:MET:N	1:A:285:PRO:HD2	0.40	2.32	19	1
1:A:286:ARG:HD3	1:A:289:GLU:HG3	0.40	1.93	21	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:295:THR:CB	1:A:298:GLU:HG2	0.40	2.36	26	1
1:A:194:LEU:O	1:A:198:VAL:HG12	0.40	2.16	32	1
1:A:307:LEU:CA	1:A:310:LEU:HG	0.40	2.45	33	1
1:A:377:MET:HE1	1:A:404:ARG:O	0.40	2.16	35	1
1:A:331:LYS:NZ	1:A:332:GLU:OE1	0.40	2.53	2	1
1:A:405:GLN:OE1	1:A:405:GLN:HA	0.40	2.16	9	1
1:A:215:GLU:HB3	1:A:255:LEU:CD2	0.40	2.46	10	1
1:A:207:ILE:O	1:A:208:ARG:HB2	0.40	2.16	15	1
1:A:430:TRP:O	1:A:434:ARG:HG2	0.40	2.16	17	1
1:A:240:VAL:HG13	1:A:266:LEU:HD23	0.40	1.92	18	1
1:A:397:GLY:O	1:A:401:GLU:HB2	0.40	2.17	25	1
1:A:305:ARG:HD3	1:A:306:LEU:N	0.40	2.32	27	1
1:A:246:ALA:HA	1:A:251:GLU:OE2	0.40	2.17	28	1
1:A:213:PHE:CE2	1:A:320:TRP:HB3	0.40	2.51	33	1

6.3 Torsion angles (i)

6.3.1 Protein backbone (i)

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles	
1	A	248/265 (94%)	226±3 (91±1%)	16±3 (7±1%)	6±2 (2±1%)	7	45
All	All	8680/9275 (94%)	7914 (91%)	566 (7%)	200 (2%)	7	45

All 24 unique Ramachandran outliers are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	207	ILE	33
1	A	280	THR	31
1	A	390	THR	25
1	A	204	TYR	22
1	A	189	ILE	21
1	A	336	LYS	15
1	A	203	MET	7
1	A	251	GLU	7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	309	GLU	6
1	A	250	GLU	6
1	A	191	GLY	4
1	A	202	MET	4
1	A	351	GLN	4
1	A	226	LYS	3
1	A	370	ASN	2
1	A	380	LEU	2
1	A	208	ARG	1
1	A	236	ILE	1
1	A	252	SER	1
1	A	225	MET	1
1	A	206	GLY	1
1	A	392	PRO	1
1	A	230	ILE	1
1	A	354	ASN	1

6.3.2 Protein sidechains (i)

In the following table, the Percentiles column shows the percent sidechain outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the sidechain conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles	
1	A	228/243 (94%)	213±2 (93±1%)	15±2 (7±1%)	17	66
All	All	7980/8505 (94%)	7455 (93%)	525 (7%)	17	66

All 85 unique residues with a non-rotameric sidechain are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	279	LEU	35
1	A	340	GLN	35
1	A	306	LEU	34
1	A	370	ASN	24
1	A	364	VAL	22
1	A	269	GLN	21
1	A	360	PHE	20
1	A	351	GLN	20
1	A	326	ASP	19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	317	LEU	17
1	A	430	TRP	17
1	A	375	GLN	17
1	A	305	ARG	17
1	A	336	LYS	16
1	A	410	ASN	15
1	A	331	LYS	14
1	A	253	THR	13
1	A	359	VAL	11
1	A	203	MET	9
1	A	225	MET	8
1	A	333	LEU	7
1	A	433	GLN	6
1	A	423	LEU	6
1	A	308	LYS	5
1	A	294	THR	5
1	A	255	LEU	5
1	A	217	ILE	4
1	A	300	VAL	4
1	A	194	LEU	4
1	A	237	LYS	4
1	A	413	HIS	4
1	A	221	GLU	3
1	A	243	LEU	3
1	A	417	GLN	3
1	A	395	GLN	3
1	A	424	SER	3
1	A	205	ASP	2
1	A	196	ASP	2
1	A	353	SER	2
1	A	416	LEU	2
1	A	405	GLN	2
1	A	421	LYS	2
1	A	234	SER	2
1	A	259	GLU	2
1	A	309	GLU	2
1	A	242	GLU	2
1	A	261	ASN	2
1	A	266	LEU	2
1	A	403	ARG	2
1	A	189	ILE	2
1	A	251	GLU	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	239	LYS	2
1	A	363	HIS	2
1	A	367	LEU	2
1	A	394	THR	2
1	A	204	TYR	2
1	A	327	HIS	2
1	A	378	LYS	2
1	A	256	GLU	2
1	A	401	GLU	1
1	A	436	LEU	1
1	A	409	LEU	1
1	A	307	LEU	1
1	A	338	ASN	1
1	A	411	CYS	1
1	A	298	GLU	1
1	A	332	GLU	1
1	A	380	LEU	1
1	A	241	ASP	1
1	A	412	LEU	1
1	A	262	THR	1
1	A	202	MET	1
1	A	273	ASP	1
1	A	443	LEU	1
1	A	252	SER	1
1	A	391	LEU	1
1	A	232	ARG	1
1	A	422	ASP	1
1	A	200	ARG	1
1	A	284	MET	1
1	A	297	THR	1
1	A	337	MET	1
1	A	198	VAL	1
1	A	270	TYR	1
1	A	429	LEU	1

6.3.3 RNA (i)

There are no RNA molecules in this entry.

6.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains (i)

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

6.5 Carbohydrates

There are no oligosaccharides in this entry.

6.6 Ligand geometry

There are no ligands in this entry.

6.7 Other polymers

There are no such molecules in this entry.

6.8 Polymer linkage issues

There are no chain breaks in this entry.

7 Chemical shift validation

The completeness of assignment taking into account all chemical shift lists is 86% for the well-defined parts and 85% for the entire structure.

7.1 Chemical shift list 1

File name: working_cs.cif

Chemical shift list name: *assigned_chem_shift_list_1*

7.1.1 Bookkeeping

The following table shows the results of parsing the chemical shift list and reports the number of nuclei with statistically unusual chemical shifts.

Total number of shifts	3268
Number of shifts mapped to atoms	3268
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	0
Number of shift outliers (ShiftChecker)	8

7.1.2 Chemical shift referencing

The following table shows the suggested chemical shift referencing corrections.

Nucleus	# values	Correction ± precision, *ppm*	Suggested action
$^{13}C_{\alpha}$	254	-0.50 ± 0.09	Should be checked
$^{13}C_{\beta}$	242	0.23 ± 0.06	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}C'$	232	-0.36 ± 0.09	None needed (< 0.5 ppm)
^{15}N	246	0.96 ± 0.20	Should be applied

7.1.3 Completeness of resonance assignments

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the well-defined regions of the structure. The overall completeness is 86%, i.e. 3106 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 3624. 0 out of 51 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	^{1}H	^{13}C	^{15}N
Backbone	1195/1237 (97%)	490/499 (98%)	467/498 (94%)	238/240 (99%)
Sidechain	1748/2170 (81%)	1199/1407 (85%)	531/674 (79%)	18/89 (20%)

Continued on next page...

Continued from previous page...

	Total	^{1}H	^{13}C	^{15}N
Aromatic	163/217 (75%)	88/104 (85%)	73/103 (71%)	2/10 (20%)
Overall	3106/3624 (86%)	1777/2010 (88%)	1071/1275 (84%)	258/339 (76%)

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the full structure. The overall completeness is 85%, i.e. 3263 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 3852. 0 out of 52 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	^{1}H	^{13}C	^{15}N
Backbone	1242/1311 (95%)	510/528 (97%)	486/530 (92%)	246/253 (97%)
Sidechain	1845/2304 (80%)	1267/1495 (85%)	558/714 (78%)	20/95 (21%)
Aromatic	176/237 (74%)	95/114 (83%)	78/110 (71%)	3/13 (23%)
Overall	3263/3852 (85%)	1872/2137 (88%)	1122/1354 (83%)	269/361 (75%)

7.1.4 Statistically unusual chemical shifts (i)

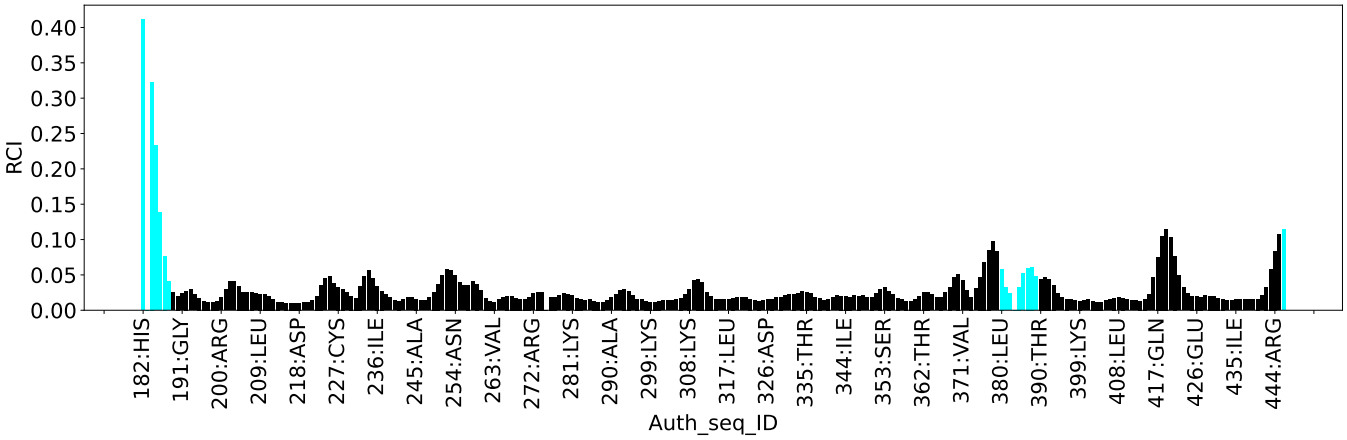
The following table lists the statistically unusual chemical shifts. These are statistical measures, and large deviations from the mean do not necessarily imply incorrect assignments. Molecules containing paramagnetic centres or hemes are expected to give rise to anomalous chemical shifts.

List Id	Chain	Res	Type	Atom	Shift, *ppm*	Expected range, *ppm*	Z-score
1	A	271	LEU	CG	66.14	21.37 – 32.19	36.4
1	A	280	THR	HG1	6.12	0.08 – 2.19	23.6
1	A	201	THR	HG1	4.45	0.08 – 2.19	15.7
1	A	335	THR	HG1	3.57	0.08 – 2.19	11.5
1	A	244	LYS	HG2	-0.54	0.13 – 2.61	-7.7
1	A	209	LEU	HD11	-0.90	-0.61 – 2.12	-6.1
1	A	209	LEU	HD12	-0.90	-0.61 – 2.12	-6.1
1	A	209	LEU	HD13	-0.90	-0.61 – 2.12	-6.1

7.1.5 Random Coil Index (RCI) plots (i)

The image below reports *random coil index* values for the protein chains in the structure. The height of each bar gives a probability of a given residue to be disordered, as predicted from the available chemical shifts and the amino acid sequence. A value above 0.2 is an indication of significant predicted disorder. The colour of the bar shows whether the residue is in the well-defined core (black) or in the ill-defined residue ranges (cyan), as described in section 2 on ensemble composition.If well-defined core and ill-defined regions are not identified then it is shown as gray bars.

Random coil index (RCI) for chain A:


RCI
0.40
0.35
0.30
0.25
0.20
0.15
0.10
0.05
0.00
182:HIS
191:GLY
200:ARG
209:LEU
218:ASP
227:CYS
236:ILE
245:ALA
254:ASN
263:VAL
272:ARG
281:LYS
290:ALA
299:LYS
308:LYS
317:LEU
326:ASP
335:THR
344:ILE
353:SER
362:THR
371:VAL
380:LEU
390:THR
399:LYS
408:LEU
417:GLN
426:GLU
435:ILE
444:ARG
Auth_seq_ID

8 NMR restraints analysis

8.1 Conformationally restricting restraints

The following table provides the summary of experimentally observed NMR restraints in different categories. Restraints are classified into different categories based on the sequence separation of the atoms involved.

Description	Value
Total distance restraints	7318
Intra-residue (|i-j|=0)	2430
Sequential (|i-j|=1)	1662
Medium range (|i-j|>1 and |i-j|<5)	1458
Long range (|i-j|≥5)	1548
Inter-chain	0
Hydrogen bond restraints	220
Disulfide bond restraints	0
Total dihedral-angle restraints	434
Number of unmapped restraints	0
Number of restraints per residue	29.3
Number of long range restraints per residue[1]	5.8

[1]Long range hydrogen bonds and disulfide bonds are counted as long range restraints while calculating the number of long range restraints per residue

8.2 Residual restraint violations

This section provides the overview of the restraint violations analysis. The violations are binned as small, medium and large violations based on its absolute value. Average number of violations per model is calculated by dividing the total number of violations in each bin by the size of the ensemble.

8.2.1 Average number of distance violations per model

Distance violations less than 0.1 Å
are not included in the calculation.

Bins (Å)	Average number of violations per model	Max (Å)
0.1-0.2 (Small)	94.4	0.2
0.2-0.5 (Medium)	135.3	0.5
>0.5 (Large)	210.9	5.14

8.2.2 Average number of dihedral-angle violations per model (i)

Dihedral-angle violations less than 1° are not included in the calculation.

Bins (°)	Average number of violations per model	Max (°)
1.0-10.0 (Small)	41.7	9.88
10.0-20.0 (Medium)	0.7	17.97
>20.0 (Large)	None	None

9 Distance violation analysis (i)

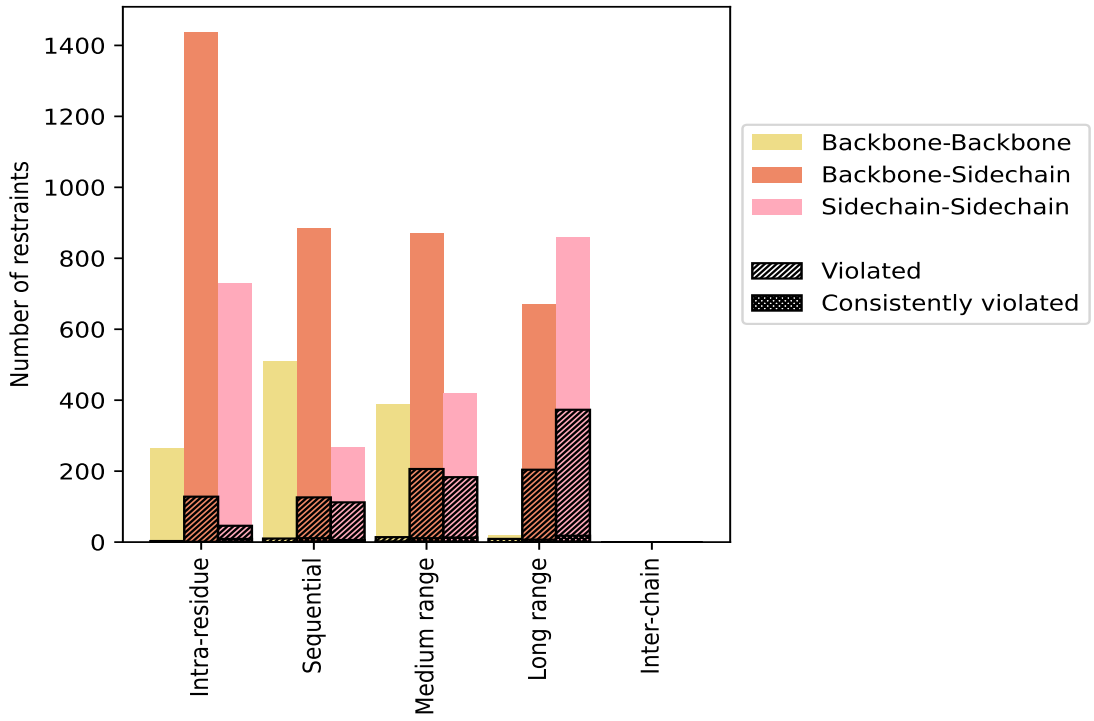
9.1 Summary of distance violations (i)

The following table shows the summary of distance violations in different restraint categories based on the sequence separation of the atoms involved. Each category is further sub-divided into three sub-categories based on the atoms involved. Violations less than 0.1 Å are not included in the statistics.

Restraints type	Count	%[1]	Violated[3]			Consistently Violated[4]		
			Count	%[2]	%[1]	Count	%[2]	%[1]
Intra-residue (|i-j|=0)	2430	33.2	177	7.3	2.4	10	0.4	0.1
Backbone-Backbone	265	3.6	3	1.1	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	1437	19.6	128	8.9	1.7	1	0.1	0.0
Sidechain-Sidechain	728	9.9	46	6.3	0.6	9	1.2	0.1
Sequential (|i-j|=1)	1662	22.7	248	14.9	3.4	17	1.0	0.2
Backbone-Backbone	510	7.0	10	2.0	0.1	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	885	12.1	126	14.2	1.7	11	1.2	0.2
Sidechain-Sidechain	267	3.6	112	41.9	1.5	6	2.2	0.1
Medium range (|i-j|>1 & |i-j|<5)	1458	19.9	379	26.0	5.2	23	1.6	0.3
Backbone-Backbone	389	5.3	14	3.6	0.2	2	0.5	0.0
Backbone-Sidechain	651	8.9	182	28.0	2.5	8	1.2	0.1
Sidechain-Sidechain	418	5.7	183	43.8	2.5	13	3.1	0.2
Long range (|i-j|≥5)	1548	21.2	586	37.9	8.0	25	1.6	0.3
Backbone-Backbone	20	0.3	9	45.0	0.1	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	669	9.1	204	30.5	2.8	7	1.0	0.1
Sidechain-Sidechain	859	11.7	373	43.4	5.1	18	2.1	0.2
Inter-chain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Hydrogen bond	220	3.0	24	10.9	0.3	3	1.4	0.0
Disulfide bond	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Total	7318	100.0	1414	19.3	19.3	78	1.1	1.1
Backbone-Backbone	1184	16.2	36	3.0	0.5	2	0.2	0.0
Backbone-Sidechain	3862	52.8	664	17.2	9.1	30	0.8	0.4
Sidechain-Sidechain	2272	31.0	714	31.4	9.8	46	2.0	0.6

[1] percentage calculated with respect to the total number of distance restraints, [2] percentage calculated with respect to the number of restraints in a particular restraint category, [3] violated in at least one model, [4] violated in all the models

9.1.1 Bar chart : Distribution of distance restraints and violations



Violated and consistently violated restraints are shown using different hatch patterns in their respective categories. The hydrogen bonds and disulfied bonds are counted in their appropriate category on the x-axis

9.2 Distance violation statistics for each model

The following table provides the distance violation statistics for each model in the ensemble. Violations less than 0.1 Å
are not included in the statistics.

Model ID	Number of violations						Mean (Å)	Max (Å)	SD[6] (Å)	Median (Å)
	IR[1]	SQ[2]	MR[3]	LR[4]	IC[5]	Total				
1	53	79	129	197	0	458	0.64	4.52	0.58	0.47
2	44	71	128	198	0	441	0.68	4.68	0.62	0.5
3	44	88	136	186	0	454	0.63	4.38	0.54	0.46
4	48	73	125	192	0	438	0.64	3.38	0.53	0.47
5	37	66	133	181	0	417	0.61	3.62	0.5	0.49
6	44	71	134	204	0	453	0.62	4.02	0.51	0.48
7	45	77	132	219	0	473	0.67	4.41	0.57	0.49
8	38	80	133	177	0	428	0.61	2.83	0.5	0.46
9	45	75	132	183	0	435	0.59	4.3	0.54	0.41
10	49	73	149	198	0	469	0.67	4.09	0.57	0.51

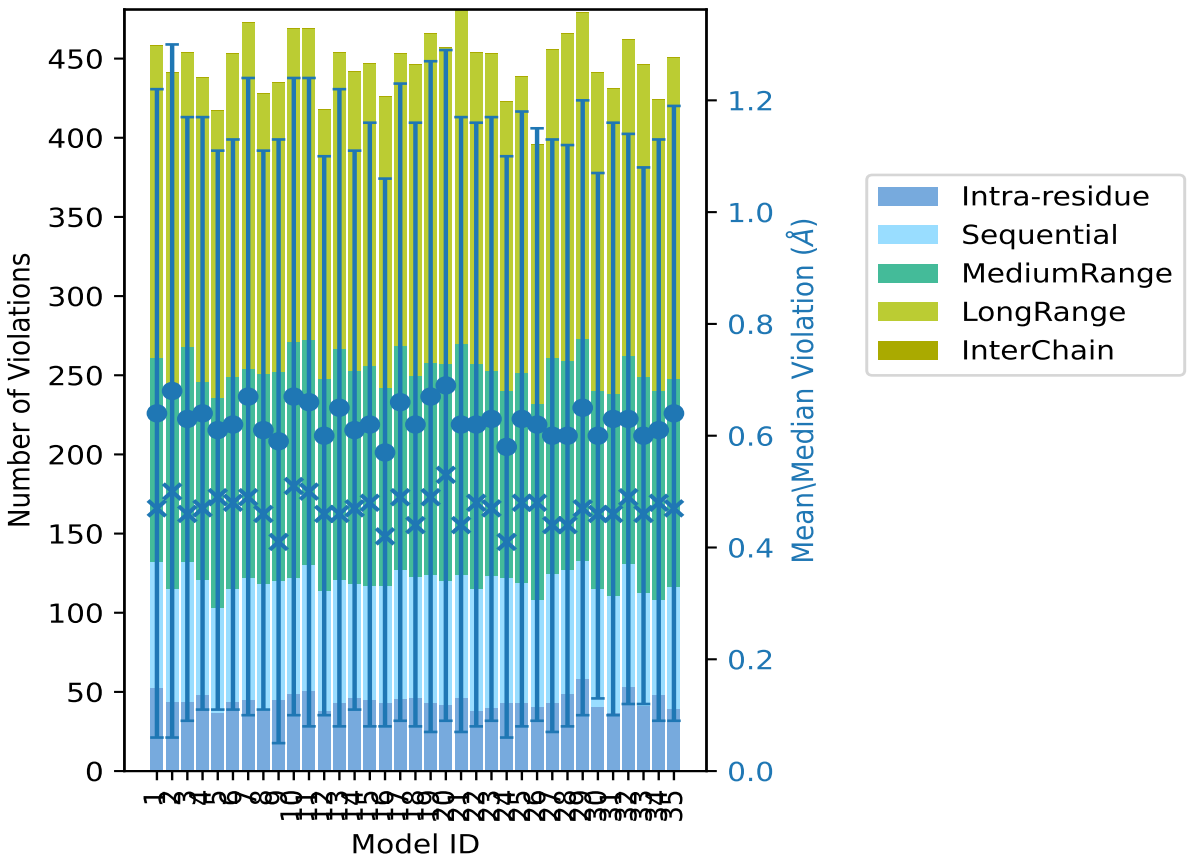
Continued on next page...

Continued from previous page...

Model ID	Number of violations						Mean (Å)	Max (Å)	SD[6] (Å)	Median (Å)
	IR[1]	SQ[2]	MR[3]	LR[4]	IC[5]	Total				
11	51	79	142	197	0	469	0.66	5.14	0.58	0.5
12	38	76	134	170	0	418	0.6	3.33	0.5	0.46
13	43	78	146	187	0	454	0.65	4.69	0.57	0.46
14	46	72	135	189	0	442	0.61	3.0	0.5	0.47
15	45	72	139	191	0	447	0.62	5.14	0.54	0.48
16	43	74	125	184	0	426	0.57	4.78	0.49	0.42
17	46	81	142	184	0	453	0.66	4.83	0.57	0.49
18	46	77	127	196	0	446	0.62	4.95	0.54	0.44
19	43	81	134	208	0	466	0.67	3.79	0.6	0.49
20	42	78	137	200	0	457	0.69	4.65	0.6	0.53
21	46	78	146	211	0	481	0.62	4.77	0.55	0.44
22	38	77	142	197	0	454	0.62	4.75	0.54	0.48
23	40	83	130	200	0	453	0.63	4.25	0.54	0.47
24	43	79	118	183	0	423	0.58	4.17	0.52	0.41
25	43	76	133	187	0	439	0.63	4.18	0.55	0.48
26	41	67	124	164	0	396	0.62	4.63	0.53	0.48
27	43	82	136	195	0	456	0.6	4.89	0.53	0.44
28	49	78	132	207	0	466	0.6	3.51	0.52	0.44
29	58	75	140	206	0	479	0.65	4.19	0.55	0.47
30	41	74	125	201	0	441	0.6	3.12	0.47	0.46
31	37	74	127	193	0	431	0.63	3.57	0.53	0.46
32	53	78	131	200	0	462	0.63	2.92	0.51	0.49
33	41	72	136	197	0	446	0.6	2.69	0.48	0.46
34	48	60	132	184	0	424	0.61	4.32	0.52	0.48
35	39	77	132	203	0	451	0.64	4.42	0.55	0.47

[1]Intra-residue restraints, [2]Sequential restraints, [3]Medium range restraints, [4]Long range restraints, [5]Inter-chain restraints, [6]Standard deviation

9.2.1 Bar graph : Distance Violation statistics for each model



The mean(dot),median(x) and the standard deviation are shown in blue with respect to the y axis on the right

9.3 Distance violation statistics for the ensemble

Violation analysis may find that some restraints are violated in few models and some are violated in most of models. The following table provides this information as number of violated restraints for a given fraction of the ensemble. In total, 5708(IR:2253, SQ:1414, MR:1079, LR:962, IC:0) restraints are not violated in the ensemble.

Number of violated restraints						Fraction of the ensemble	
IR[1]	SQ[2]	MR[3]	LR[4]	IC[5]	Total	Count[6]	%
41	61	62	108	0	272	1	2.9
18	19	43	56	0	136	2	5.7
16	18	25	40	0	99	3	8.6
13	14	17	40	0	84	4	11.4
8	9	15	23	0	55	5	14.3
6	8	16	24	0	54	6	17.1

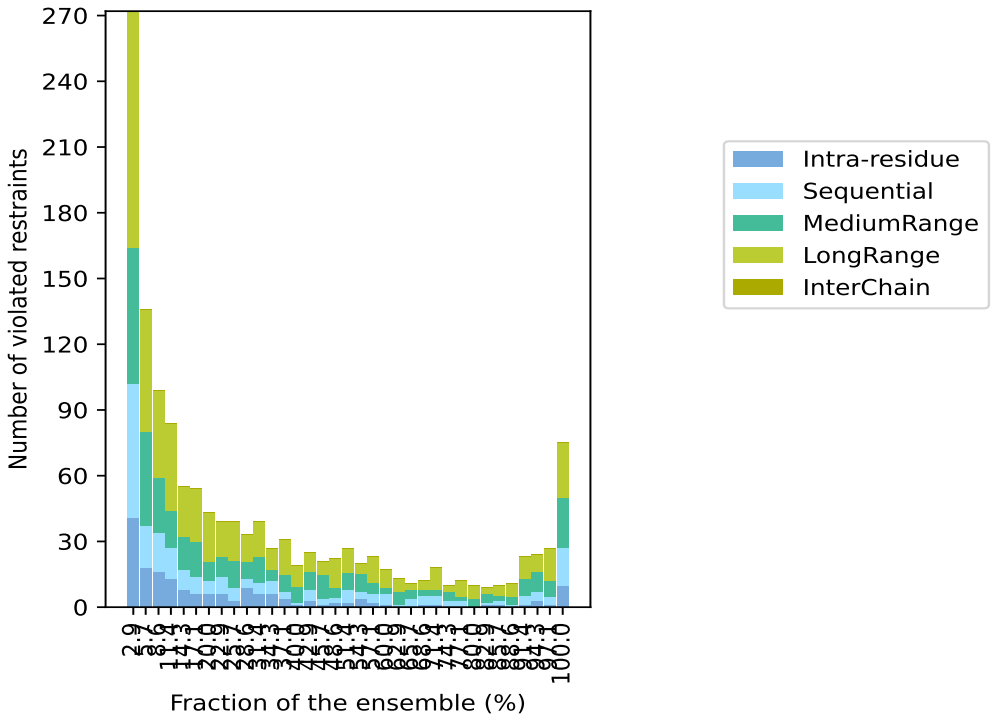
Continued on next page...

Continued from previous page...

Number of violated restraints						Fraction of the ensemble	
IR[1]	SQ[2]	MR[3]	LR[4]	IC[5]	Total	Count[6]	%
6	6	9	22	0	43	7	20.0
6	8	9	16	0	39	8	22.9
3	6	12	18	0	39	9	25.7
9	4	8	12	0	33	10	28.6
6	5	12	16	0	39	11	31.4
6	6	5	10	0	27	12	34.3
4	3	8	16	0	31	13	37.1
1	1	7	10	0	19	14	40.0
3	5	8	9	0	25	15	42.9
1	3	11	6	0	21	16	45.7
2	2	5	13	0	22	17	48.6
2	6	8	11	0	27	18	51.4
4	3	8	5	0	20	19	54.3
2	4	5	12	0	23	20	57.1
1	5	3	8	0	17	21	60.0
0	1	6	6	0	13	22	62.9
0	4	4	3	0	11	23	65.7
1	4	3	4	0	12	24	68.6
1	4	3	10	0	18	25	71.4
0	3	4	3	0	10	26	74.3
0	3	2	7	0	12	27	77.1
0	0	4	6	0	10	28	80.0
1	1	4	3	0	9	29	82.9
1	2	2	5	0	10	30	85.7
0	1	4	6	0	11	31	88.6
1	4	8	10	0	23	32	91.4
3	4	9	8	0	24	33	94.3
1	4	7	15	0	27	34	97.1
10	17	23	25	0	75	35	100.0

[1]Intra-residue restraints, [2]Sequential restraints, [3]Medium range restraints, [4]Long range restraints, [5]Inter-chain restraints, [6] Number of models with violations

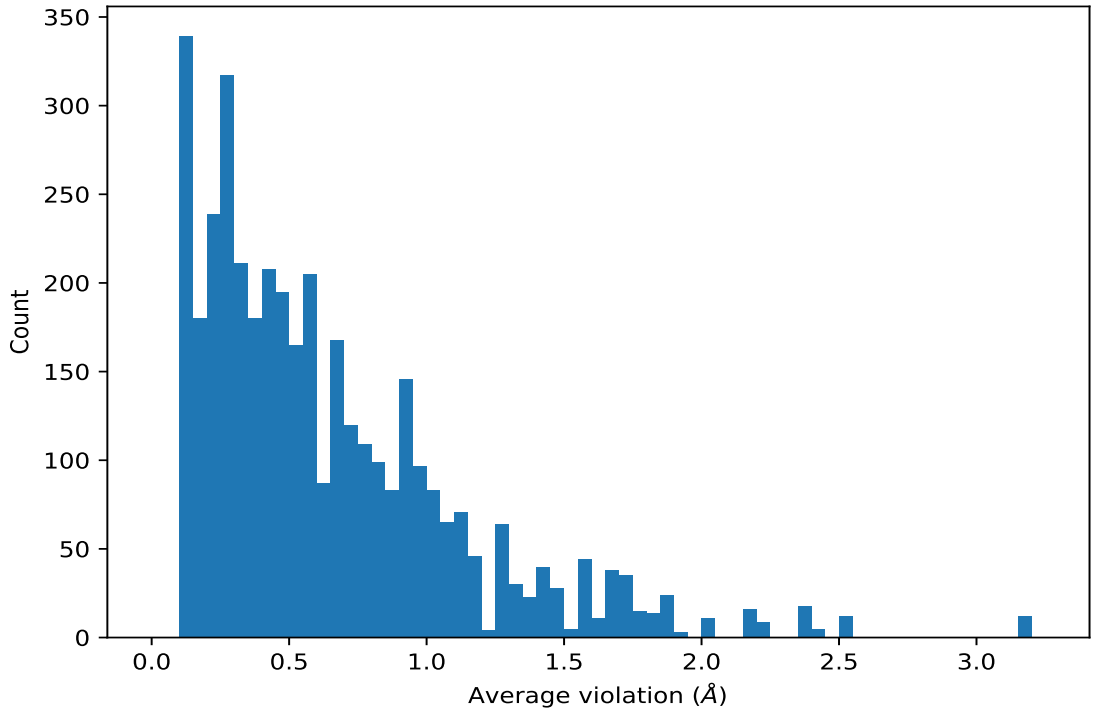
9.3.1 Bar graph : Distance violation statistics for the ensemble



9.4 Most violated distance restraints in the ensemble

9.4.1 Histogram : Distribution of mean distance violations

The following histogram shows the distribution of the average value of the violation. The average is calculated for each restraint that is violated in more than one model over all the violated models in the ensemble



9.4.2 Table: Most violated distance restraints

The following table provides the mean and the standard deviation of theviolation for each restraint sorted by number of violated models and the mean value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:HG21	35	3.16	1.45	4.09
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:HG22	35	3.16	1.45	4.09
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:HG22	35	3.16	1.45	4.09
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:HG23	35	3.16	1.45	4.09
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:HG21	35	3.16	1.45	4.09
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD21	1:318:A:ILE:HG21	35	3.16	1.45	4.09
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD21	1:318:A:ILE:HG22	35	3.16	1.45	4.09
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD21	1:323:A:VAL:HG22	35	3.16	1.45	4.09
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD22	1:323:A:VAL:HG21	35	3.16	1.45	4.09
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD23	1:323:A:VAL:HG21	35	3.16	1.45	4.09
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD21	1:318:A:ILE:HG23	35	3.16	1.45	4.09
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:HG23	35	3.16	1.45	4.09
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:436:A:LEU:HD21	35	2.54	0.43	2.55
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:408:A:LEU:HD21	35	2.54	0.43	2.55
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:436:A:LEU:HD23	35	2.54	0.43	2.55
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD1	1:436:A:LEU:HD23	35	2.54	0.43	2.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:408:A:LEU:HD22	35	2.54	0.43	2.55
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:436:A:LEU:HD22	35	2.54	0.43	2.55
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD1	1:412:A:LEU:HD13	35	2.54	0.43	2.55
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:408:A:LEU:HD23	35	2.54	0.43	2.55
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD1	1:408:A:LEU:HD23	35	2.54	0.43	2.55
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD1	1:436:A:LEU:HD21	35	2.54	0.43	2.55
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD1	1:412:A:LEU:HD12	35	2.54	0.43	2.55
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD1	1:436:A:LEU:HD22	35	2.54	0.43	2.55
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HB2	35	2.39	1.01	2.07
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD11	1:210:A:PRO:HD3	35	2.39	1.01	2.07
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD13	1:210:A:PRO:HD3	35	2.39	1.01	2.07
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD12	1:210:A:PRO:HD3	35	2.39	1.01	2.07
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HB2	35	2.39	1.01	2.07
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HB2	35	2.39	1.01	2.07
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG12	35	2.38	0.82	2.13
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HG13	35	2.38	0.82	2.13
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HG12	35	2.38	0.82	2.13
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG13	35	2.38	0.82	2.13
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG11	35	2.38	0.82	2.13
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG21	1:367:A:LEU:HB2	35	2.38	0.82	2.13
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HG13	35	2.38	0.82	2.13
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HG11	35	2.38	0.82	2.13
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG22	1:367:A:LEU:HB2	35	2.38	0.82	2.13
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HG12	35	2.38	0.82	2.13
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HG11	35	2.38	0.82	2.13
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG23	1:367:A:LEU:HB2	35	2.38	0.82	2.13
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG21	1:279:A:LEU:HD11	35	2.19	0.32	2.1
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG23	1:279:A:LEU:HD11	35	2.19	0.32	2.1
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG22	1:279:A:LEU:HD11	35	2.19	0.32	2.1
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG23	1:279:A:LEU:HD13	35	2.19	0.32	2.1
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG22	1:279:A:LEU:HD13	35	2.19	0.32	2.1
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG23	1:279:A:LEU:HD12	35	2.19	0.32	2.1
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG21	1:300:A:VAL:HG13	35	2.19	0.32	2.1
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG21	1:279:A:LEU:HD13	35	2.19	0.32	2.1
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG21	1:279:A:LEU:HD12	35	2.19	0.32	2.1
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG21	1:300:A:VAL:HG12	35	2.19	0.32	2.1
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG22	1:300:A:VAL:HG11	35	2.19	0.32	2.1
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG22	1:300:A:VAL:HG12	35	2.19	0.32	2.1
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG22	1:300:A:VAL:HG13	35	2.19	0.32	2.1
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG23	1:300:A:VAL:HG11	35	2.19	0.32	2.1
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG23	1:300:A:VAL:HG12	35	2.19	0.32	2.1
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG22	1:279:A:LEU:HD12	35	2.19	0.32	2.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HG22	35	2.0	0.65	1.84
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HG21	35	2.0	0.65	1.84
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HG21	35	2.0	0.65	1.84
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HG22	35	2.0	0.65	1.84
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HG23	35	2.0	0.65	1.84
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG22	1:322:A:ILE:HG21	35	2.0	0.65	1.84
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HG23	35	2.0	0.65	1.84
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG22	1:322:A:ILE:HG22	35	2.0	0.65	1.84
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD21	1:325:A:MET:HE1	35	1.87	0.42	1.9
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD22	1:325:A:MET:HE1	35	1.87	0.42	1.9
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD22	1:321:A:LEU:HD11	35	1.87	0.42	1.9
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD22	1:325:A:MET:HE3	35	1.87	0.42	1.9
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD23	1:325:A:MET:HE1	35	1.87	0.42	1.9
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD22	1:321:A:LEU:HD12	35	1.87	0.42	1.9
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD23	1:325:A:MET:HE2	35	1.87	0.42	1.9
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD23	1:325:A:MET:HE3	35	1.87	0.42	1.9
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD22	1:325:A:MET:HE2	35	1.87	0.42	1.9
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD21	1:364:A:VAL:HG23	35	1.87	0.42	1.9
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD23	1:364:A:VAL:HG23	35	1.87	0.42	1.9
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD21	1:325:A:MET:HE2	35	1.87	0.42	1.9
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD22	1:207:A:ILE:HD13	35	1.87	0.42	1.9
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD23	1:364:A:VAL:HG22	35	1.87	0.42	1.9
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD23	1:364:A:VAL:HG21	35	1.87	0.42	1.9
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD22	1:364:A:VAL:HG22	35	1.87	0.42	1.9
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD22	1:364:A:VAL:HG23	35	1.87	0.42	1.9
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD21	1:325:A:MET:HE3	35	1.87	0.42	1.9
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD11	35	1.83	0.89	1.49
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD12	35	1.83	0.89	1.49
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HD12	35	1.83	0.89	1.49
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HD11	35	1.83	0.89	1.49
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HD13	35	1.83	0.89	1.49
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD13	35	1.83	0.89	1.49
(1,5723)	1:203:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG21	35	1.72	0.23	1.72
(1,5723)	1:203:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG21	35	1.72	0.23	1.72
(1,5723)	1:203:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG12	35	1.72	0.23	1.72
(1,5723)	1:203:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG22	35	1.72	0.23	1.72
(1,5723)	1:203:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG23	35	1.72	0.23	1.72
(1,5723)	1:203:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG23	35	1.72	0.23	1.72
(1,5723)	1:203:A:MET:HE2	1:207:A:ILE:HG23	35	1.72	0.23	1.72
(1,5723)	1:203:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG23	35	1.72	0.23	1.72
(1,5723)	1:203:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG22	35	1.72	0.23	1.72
(1,5723)	1:203:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG21	35	1.72	0.23	1.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5723)	1:203:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG22	35	1.72	0.23	1.72
(1,5723)	1:203:A:MET:HE2	1:207:A:ILE:HG22	35	1.72	0.23	1.72
(1,5756)	1:203:A:MET:HE2	1:255:A:LEU:HD13	35	1.66	0.63	1.74
(1,5756)	1:203:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:HG12	35	1.66	0.63	1.74
(1,5756)	1:203:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:HG11	35	1.66	0.63	1.74
(1,5756)	1:203:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:HG13	35	1.66	0.63	1.74
(1,5756)	1:203:A:MET:HE1	1:198:A:VAL:HG13	35	1.66	0.63	1.74
(1,5756)	1:203:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:HG23	35	1.66	0.63	1.74
(1,5756)	1:203:A:MET:HE1	1:198:A:VAL:HG12	35	1.66	0.63	1.74
(1,5756)	1:203:A:MET:HE1	1:198:A:VAL:HG23	35	1.66	0.63	1.74
(1,5756)	1:203:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:HG22	35	1.66	0.63	1.74
(1,5756)	1:203:A:MET:HE1	1:198:A:VAL:HG11	35	1.66	0.63	1.74
(1,5756)	1:203:A:MET:HE2	1:255:A:LEU:HD12	35	1.66	0.63	1.74
(1,5756)	1:203:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:HG12	35	1.66	0.63	1.74
(1,5756)	1:203:A:MET:HE3	1:255:A:LEU:HD12	35	1.66	0.63	1.74
(1,5756)	1:203:A:MET:HE3	1:255:A:LEU:HD11	35	1.66	0.63	1.74
(1,5756)	1:203:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:HG11	35	1.66	0.63	1.74
(1,5756)	1:203:A:MET:HE2	1:255:A:LEU:HD11	35	1.66	0.63	1.74
(1,5756)	1:203:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:HG21	35	1.66	0.63	1.74
(1,5756)	1:203:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:HG13	35	1.66	0.63	1.74
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD21	1:373:A:LEU:HD11	35	1.58	0.77	1.69
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD23	1:373:A:LEU:HD11	35	1.58	0.77	1.69
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	35	1.58	0.77	1.69
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD23	1:373:A:LEU:HD12	35	1.58	0.77	1.69
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	35	1.58	0.77	1.69
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD21	1:373:A:LEU:HD13	35	1.58	0.77	1.69
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD21	1:373:A:LEU:HD12	35	1.58	0.77	1.69
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	35	1.58	0.77	1.69
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	35	1.58	0.77	1.69
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	35	1.58	0.77	1.69
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD22	1:373:A:LEU:HD12	35	1.58	0.77	1.69
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	35	1.58	0.77	1.69
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD23	1:373:A:LEU:HD13	35	1.58	0.77	1.69
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	35	1.58	0.77	1.69
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	35	1.58	0.77	1.69
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD22	1:373:A:LEU:HD11	35	1.58	0.77	1.69
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD23	35	1.46	0.38	1.41
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD21	35	1.46	0.38	1.41
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD22	35	1.46	0.38	1.41
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD11	35	1.46	0.38	1.41
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD12	35	1.46	0.38	1.41
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD13	35	1.46	0.38	1.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD23	35	1.46	0.38	1.41
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD21	35	1.46	0.38	1.41
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD22	35	1.46	0.38	1.41
(1,5837)	1:225:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG23	35	1.42	0.37	1.44
(1,5837)	1:225:A:MET:HE3	1:373:A:LEU:HD22	35	1.42	0.37	1.44
(1,5837)	1:225:A:MET:HE1	1:373:A:LEU:HD23	35	1.42	0.37	1.44
(1,5837)	1:225:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG21	35	1.42	0.37	1.44
(1,5837)	1:225:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG23	35	1.42	0.37	1.44
(1,5837)	1:225:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG22	35	1.42	0.37	1.44
(1,5837)	1:225:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG13	35	1.42	0.37	1.44
(1,5837)	1:225:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG21	35	1.42	0.37	1.44
(1,5837)	1:225:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG13	35	1.42	0.37	1.44
(1,5837)	1:225:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG23	35	1.42	0.37	1.44
(1,5837)	1:225:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG22	35	1.42	0.37	1.44
(1,5837)	1:225:A:MET:HE2	1:373:A:LEU:HD23	35	1.42	0.37	1.44
(1,5837)	1:225:A:MET:HE3	1:373:A:LEU:HD21	35	1.42	0.37	1.44
(1,5837)	1:225:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG21	35	1.42	0.37	1.44
(1,5837)	1:225:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG13	35	1.42	0.37	1.44
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD12	1:346:A:LEU:H	35	1.36	0.15	1.4
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD11	1:346:A:LEU:H	35	1.36	0.15	1.4
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD13	1:346:A:LEU:H	35	1.36	0.15	1.4
(1,6041)	1:284:A:MET:HE3	1:286:A:ARG:H	35	1.35	0.13	1.34
(1,6041)	1:284:A:MET:HE1	1:286:A:ARG:H	35	1.35	0.13	1.34
(1,6041)	1:284:A:MET:HE2	1:286:A:ARG:H	35	1.35	0.13	1.34
(1,6041)	1:284:A:MET:HE1	1:288:A:GLU:H	35	1.35	0.13	1.34
(1,6535)	1:203:A:MET:HE1	1:210:A:PRO:HB3	35	1.34	0.25	1.4
(1,6535)	1:203:A:MET:HE3	1:210:A:PRO:HB3	35	1.34	0.25	1.4
(1,6535)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB3	35	1.34	0.25	1.4
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD13	35	1.28	0.49	1.07
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD12	35	1.28	0.49	1.07
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD11	35	1.28	0.49	1.07
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:253:A:THR:HG21	35	1.28	0.49	1.07
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:345:A:VAL:HG23	35	1.26	0.51	1.34
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HG22	35	1.26	0.51	1.34
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:230:A:ILE:HG23	35	1.26	0.51	1.34
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:345:A:VAL:HG22	35	1.26	0.51	1.34
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:230:A:ILE:HG22	35	1.26	0.51	1.34
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:345:A:VAL:HG21	35	1.26	0.51	1.34
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:230:A:ILE:HG21	35	1.26	0.51	1.34
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HG21	35	1.26	0.51	1.34
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:233:A:VAL:HG22	35	1.26	0.51	1.34
(1,5775)	1:201:A:THR:HG22	1:202:A:MET:HG3	35	1.26	0.47	1.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5775)	1:201:A:THR:HG23	1:202:A:MET:HG3	35	1.26	0.47	1.09
(1,5775)	1:201:A:THR:HG23	1:213:A:PHE:HB3	35	1.26	0.47	1.09
(1,5775)	1:201:A:THR:HG21	1:202:A:MET:HG3	35	1.26	0.47	1.09
(1,5775)	1:201:A:THR:HG21	1:213:A:PHE:HB3	35	1.26	0.47	1.09
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG21	1:371:A:VAL:H	35	1.25	0.14	1.28
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG22	1:371:A:VAL:H	35	1.25	0.14	1.28
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG23	1:371:A:VAL:H	35	1.25	0.14	1.28
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD11	1:265:A:SER:H	35	1.18	0.14	1.18
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD13	1:265:A:SER:H	35	1.18	0.14	1.18
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD12	1:265:A:SER:H	35	1.18	0.14	1.18
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG12	35	1.17	0.28	1.18
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG13	35	1.17	0.28	1.18
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG11	35	1.17	0.28	1.18
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:234:A:SER:HB3	35	1.16	0.51	1.29
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	35	1.16	0.51	1.29
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:234:A:SER:HB2	35	1.16	0.51	1.29
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB3	1:308:A:LYS:HE2	35	1.13	0.22	1.11
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE3	35	1.13	0.22	1.11
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	35	1.13	0.22	1.11
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD13	1:317:A:LEU:H	35	1.13	0.08	1.1
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD12	1:317:A:LEU:H	35	1.13	0.08	1.1
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD11	1:317:A:LEU:H	35	1.13	0.08	1.1
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG23	35	1.11	0.12	1.13
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG22	35	1.11	0.12	1.13
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG21	35	1.11	0.12	1.13
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	35	1.1	0.1	1.12
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	35	1.1	0.1	1.12
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD12	1:307:A:LEU:HA	35	1.1	0.1	1.12
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB2	1:189:A:ILE:HD11	35	1.09	0.32	1.09
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB3	1:189:A:ILE:HD12	35	1.09	0.32	1.09
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB1	1:189:A:ILE:HD13	35	1.09	0.32	1.09
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB3	1:255:A:LEU:HD23	35	1.09	0.32	1.09
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB2	1:189:A:ILE:HD13	35	1.09	0.32	1.09
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB3	1:189:A:ILE:HD11	35	1.09	0.32	1.09
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB2	1:255:A:LEU:HD22	35	1.09	0.32	1.09
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB2	1:189:A:ILE:HD12	35	1.09	0.32	1.09
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB3	1:189:A:ILE:HD13	35	1.09	0.32	1.09
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB1	1:189:A:ILE:HD12	35	1.09	0.32	1.09
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB1	1:255:A:LEU:HD22	35	1.09	0.32	1.09
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB1	1:255:A:LEU:HD21	35	1.09	0.32	1.09
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG21	35	1.05	0.13	1.08
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG22	35	1.05	0.13	1.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG23	35	1.05	0.13	1.08
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:443:A:LEU:HD12	35	1.05	0.13	1.08
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:443:A:LEU:HD13	35	1.05	0.13	1.08
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	35	1.04	0.56	1.26
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD12	35	1.03	0.29	1.09
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD13	35	1.03	0.29	1.09
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD11	35	1.03	0.29	1.09
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG12	35	1.02	0.35	1.06
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG13	35	1.02	0.35	1.06
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG11	35	1.02	0.35	1.06
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:372:A:VAL:HG22	35	1.02	0.35	1.06
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	35	1.01	0.46	1.17
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD12	1:325:A:MET:HE1	35	1.0	0.46	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD13	1:371:A:VAL:HG23	35	1.0	0.46	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD11	1:371:A:VAL:HG22	35	1.0	0.46	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD11	1:325:A:MET:HE2	35	1.0	0.46	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD11	1:321:A:LEU:HD12	35	1.0	0.46	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD11	1:325:A:MET:HE3	35	1.0	0.46	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD13	1:325:A:MET:HE2	35	1.0	0.46	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD11	1:371:A:VAL:HG23	35	1.0	0.46	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD12	1:325:A:MET:HE3	35	1.0	0.46	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD12	1:371:A:VAL:HG21	35	1.0	0.46	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD13	1:321:A:LEU:HD11	35	1.0	0.46	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD12	1:321:A:LEU:HD11	35	1.0	0.46	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD12	1:325:A:MET:HE2	35	1.0	0.46	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD11	1:207:A:ILE:HD12	35	1.0	0.46	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD12	1:321:A:LEU:HD12	35	1.0	0.46	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD13	1:321:A:LEU:HD12	35	1.0	0.46	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD12	1:371:A:VAL:HG23	35	1.0	0.46	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD11	1:325:A:MET:HE1	35	1.0	0.46	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD11	1:371:A:VAL:HG21	35	1.0	0.46	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD13	1:371:A:VAL:HG21	35	1.0	0.46	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD13	1:325:A:MET:HE3	35	1.0	0.46	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD13	1:371:A:VAL:HG22	35	1.0	0.46	0.91
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	35	1.0	0.09	1.01
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	35	1.0	0.09	1.01
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	35	1.0	0.09	1.01
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG22	1:240:A:VAL:HB	35	0.99	0.23	1.06
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG23	1:240:A:VAL:HB	35	0.99	0.23	1.06
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG21	1:240:A:VAL:HB	35	0.99	0.23	1.06
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG22	1:242:A:GLU:HG2	35	0.99	0.23	1.06
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG21	35	0.98	0.13	1.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG22	35	0.98	0.13	1.01
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG23	35	0.98	0.13	1.01
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	35	0.98	0.13	1.01
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD12	1:315:A:TYR:HA	35	0.97	0.2	0.94
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD11	1:315:A:TYR:HA	35	0.97	0.2	0.94
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD13	1:315:A:TYR:HA	35	0.97	0.2	0.94
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD13	1:357:A:LEU:HA	35	0.97	0.2	0.94
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD11	1:374:A:LYS:HA	35	0.96	0.4	1.09
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD12	1:374:A:LYS:HA	35	0.96	0.4	1.09
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD13	1:374:A:LYS:HA	35	0.96	0.4	1.09
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD11	1:210:A:PRO:HA	35	0.96	0.4	1.09
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	35	0.92	0.17	0.9
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	35	0.91	0.1	0.9
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:HB2	35	0.91	0.24	0.91
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG23	1:357:A:LEU:HB3	35	0.91	0.24	0.91
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG21	1:357:A:LEU:HB3	35	0.91	0.24	0.91
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG22	1:357:A:LEU:HB3	35	0.91	0.24	0.91
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG21	1:366:A:GLU:HB2	35	0.91	0.24	0.91
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG22	1:366:A:GLU:HB2	35	0.91	0.24	0.91
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG22	35	0.9	0.25	0.89
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG23	35	0.9	0.25	0.89
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG21	35	0.9	0.25	0.89
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:439:A:LEU:HD13	35	0.9	0.25	0.89
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:439:A:LEU:HD12	35	0.9	0.25	0.89
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG21	35	0.9	0.05	0.91
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG23	35	0.9	0.05	0.91
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG22	35	0.9	0.05	0.91
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HD13	35	0.9	0.05	0.91
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HD12	35	0.9	0.05	0.91
(1,6257)	1:337:A:MET:HE2	1:328:A:VAL:HB	35	0.88	0.32	0.9
(1,6257)	1:337:A:MET:HE1	1:328:A:VAL:HB	35	0.88	0.32	0.9
(1,6257)	1:337:A:MET:HE3	1:328:A:VAL:HB	35	0.88	0.32	0.9
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	35	0.87	0.12	0.87
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD2	35	0.87	0.12	0.87
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	35	0.84	0.14	0.87
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:344:A:ILE:HA	35	0.84	0.14	0.87
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG23	1:314:A:ASN:HB3	35	0.82	0.1	0.82
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG21	1:314:A:ASN:HB3	35	0.82	0.1	0.82
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG22	1:314:A:ASN:HB3	35	0.82	0.1	0.82
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD11	1:364:A:VAL:HB	35	0.79	0.23	0.84
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD11	1:284:A:MET:HE2	35	0.79	0.23	0.84
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD11	1:284:A:MET:HE3	35	0.79	0.23	0.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD13	1:364:A:VAL:HB	35	0.79	0.23	0.84
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD13	1:284:A:MET:HE3	35	0.79	0.23	0.84
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD12	1:284:A:MET:HE3	35	0.79	0.23	0.84
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD12	1:364:A:VAL:HB	35	0.79	0.23	0.84
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD11	1:284:A:MET:HE1	35	0.79	0.23	0.84
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD13	1:284:A:MET:HE1	35	0.79	0.23	0.84
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD13	1:284:A:MET:HE2	35	0.79	0.23	0.84
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD12	1:284:A:MET:HE2	35	0.79	0.23	0.84
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD12	1:284:A:MET:HE1	35	0.79	0.23	0.84
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD12	1:408:A:LEU:H	35	0.74	0.19	0.8
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD13	1:408:A:LEU:H	35	0.74	0.19	0.8
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD11	1:408:A:LEU:H	35	0.74	0.19	0.8
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD13	1:403:A:ARG:HA	35	0.73	0.1	0.73
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD12	1:403:A:ARG:HA	35	0.73	0.1	0.73
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD11	1:403:A:ARG:HA	35	0.73	0.1	0.73
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	35	0.72	0.07	0.73
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:302:A:GLU:HA	35	0.71	0.09	0.74
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	35	0.71	0.09	0.74
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD13	1:227:A:CYS:HA	35	0.71	0.2	0.61
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HA	35	0.71	0.2	0.61
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD12	1:227:A:CYS:HA	35	0.71	0.2	0.61
(1,6674)	1:339:A:ILE:HD11	1:361:A:PHE:HA	35	0.71	0.2	0.61
(1,6674)	1:339:A:ILE:HD13	1:361:A:PHE:HA	35	0.71	0.2	0.61
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG12	1:374:A:LYS:HG3	35	0.67	0.13	0.67
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HB3	35	0.67	0.13	0.67
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HB3	35	0.67	0.13	0.67
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HB3	35	0.67	0.13	0.67
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG13	1:374:A:LYS:HG3	35	0.67	0.13	0.67
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD11	1:192:A:ILE:HG13	35	0.6	0.44	0.47
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD12	1:192:A:ILE:HG13	35	0.6	0.44	0.47
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD13	1:192:A:ILE:HG13	35	0.6	0.44	0.47
(1,6040)	1:367:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HB3	35	0.6	0.44	0.47
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	35	0.53	0.16	0.5
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	35	0.49	0.16	0.48
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	35	0.43	0.15	0.39
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:374:A:LYS:HB3	35	0.43	0.15	0.39
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	35	0.4	0.08	0.41
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	35	0.4	0.08	0.41
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	35	0.4	0.08	0.41
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG3	35	0.4	0.08	0.41
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG3	35	0.4	0.08	0.41
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG3	35	0.4	0.08	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	35	0.39	0.19	0.34
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	35	0.35	0.29	0.19
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	35	0.32	0.05	0.31
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	35	0.28	0.05	0.28
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	35	0.23	0.06	0.25
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	35	0.23	0.03	0.23
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD22	1:283:A:LEU:HG	35	0.23	0.01	0.23
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD21	1:283:A:LEU:HG	35	0.23	0.01	0.23
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD23	1:283:A:LEU:HG	35	0.23	0.01	0.23
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD12	35	0.22	0.01	0.22
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD13	35	0.22	0.01	0.22
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD11	35	0.22	0.01	0.22
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD11	1:186:A:LEU:HG	35	0.22	0.01	0.22
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD12	1:186:A:LEU:HG	35	0.22	0.01	0.22
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD13	1:186:A:LEU:HG	35	0.22	0.01	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD13	1:318:A:ILE:HG13	35	0.22	0.01	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD12	1:318:A:ILE:HG13	35	0.22	0.01	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD11	1:318:A:ILE:HG13	35	0.22	0.01	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD13	1:278:A:LEU:HD13	35	0.22	0.01	0.22
(1,6828)	1:345:A:VAL:HG21	1:345:A:VAL:HB	35	0.21	0.01	0.22
(1,6828)	1:345:A:VAL:HG22	1:345:A:VAL:HB	35	0.21	0.01	0.22
(1,6828)	1:345:A:VAL:HG23	1:345:A:VAL:HB	35	0.21	0.01	0.22
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HB	35	0.21	0.01	0.22
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HB	35	0.21	0.01	0.22
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HB	35	0.21	0.01	0.22
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	35	0.21	0.03	0.21
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD2	1:444:A:ARG:HG3	35	0.21	0.03	0.21
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HD3	35	0.21	0.03	0.2
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HD2	35	0.21	0.03	0.2
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD3	1:308:A:LYS:HE2	35	0.21	0.03	0.2
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD2	1:308:A:LYS:HE3	35	0.21	0.03	0.2
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	35	0.2	0.04	0.21
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG3	1:281:A:LYS:HD2	35	0.2	0.04	0.21
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	35	0.18	0.04	0.18
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	35	0.18	0.03	0.18
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	35	0.16	0.03	0.16
(1,6740)	1:377:A:MET:HE2	1:402:A:ILE:HD12	34	1.68	0.68	1.6
(1,6740)	1:377:A:MET:HE2	1:412:A:LEU:HD21	34	1.68	0.68	1.6
(1,6740)	1:377:A:MET:HE1	1:412:A:LEU:HD22	34	1.68	0.68	1.6
(1,6740)	1:377:A:MET:HE3	1:412:A:LEU:HD21	34	1.68	0.68	1.6
(1,6740)	1:377:A:MET:HE2	1:412:A:LEU:HD23	34	1.68	0.68	1.6
(1,6740)	1:377:A:MET:HE2	1:412:A:LEU:HD22	34	1.68	0.68	1.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6740)	1:377:A:MET:HE3	1:402:A:ILE:HD11	34	1.68	0.68	1.6
(1,6740)	1:377:A:MET:HE1	1:412:A:LEU:HD23	34	1.68	0.68	1.6
(1,6740)	1:377:A:MET:HE3	1:402:A:ILE:HD13	34	1.68	0.68	1.6
(1,6740)	1:377:A:MET:HE2	1:402:A:ILE:HD13	34	1.68	0.68	1.6
(1,6740)	1:377:A:MET:HE1	1:402:A:ILE:HD11	34	1.68	0.68	1.6
(1,6740)	1:377:A:MET:HE1	1:402:A:ILE:HD13	34	1.68	0.68	1.6
(1,6740)	1:377:A:MET:HE3	1:402:A:ILE:HD12	34	1.68	0.68	1.6
(1,6740)	1:377:A:MET:HE2	1:402:A:ILE:HD11	34	1.68	0.68	1.6
(1,6740)	1:377:A:MET:HE3	1:412:A:LEU:HD22	34	1.68	0.68	1.6
(1,6740)	1:377:A:MET:HE3	1:412:A:LEU:HD23	34	1.68	0.68	1.6
(1,6740)	1:377:A:MET:HE1	1:402:A:ILE:HD12	34	1.68	0.68	1.6
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG12	34	1.48	1.27	0.77
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG11	34	1.48	1.27	0.77
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD21	1:432:A:VAL:HG23	34	1.48	1.27	0.77
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD21	1:432:A:VAL:HG11	34	1.48	1.27	0.77
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD23	1:432:A:VAL:HG11	34	1.48	1.27	0.77
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG13	34	1.48	1.27	0.77
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG12	34	1.48	1.27	0.77
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD21	1:432:A:VAL:HG13	34	1.48	1.27	0.77
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD23	1:432:A:VAL:HG21	34	1.48	1.27	0.77
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD21	1:432:A:VAL:HG12	34	1.48	1.27	0.77
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD23	1:432:A:VAL:HG23	34	1.48	1.27	0.77
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD23	1:432:A:VAL:HG12	34	1.48	1.27	0.77
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG23	34	1.48	1.27	0.77
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG21	34	1.48	1.27	0.77
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG11	34	1.48	1.27	0.77
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD21	1:432:A:VAL:HG22	34	1.48	1.27	0.77
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD23	1:432:A:VAL:HG12	34	1.48	1.27	0.77
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD21	1:432:A:VAL:HG21	34	1.48	1.27	0.77
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG13	34	1.48	1.27	0.77
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:283:A:LEU:HB3	34	1.27	0.53	1.46
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	34	1.27	0.53	1.46
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HB3	34	1.14	0.4	1.14
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HB3	34	1.14	0.4	1.14
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD13	1:373:A:LEU:HB3	34	1.14	0.4	1.14
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD13	1:325:A:MET:HB3	34	1.14	0.4	1.14
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	34	1.07	0.62	1.3
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD11	1:341:A:ASN:HD22	34	1.07	0.4	1.12
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD11	1:337:A:MET:H	34	1.07	0.4	1.12
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD12	1:341:A:ASN:HD22	34	1.07	0.4	1.12
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD13	1:337:A:MET:H	34	1.07	0.4	1.12
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD13	1:341:A:ASN:HD22	34	1.07	0.4	1.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD12	1:337:A:MET:H	34	1.07	0.4	1.12
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD13	1:277:A:ASN:HD21	34	1.01	0.23	0.97
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD13	1:350:A:VAL:H	34	1.01	0.23	0.97
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD13	1:280:A:THR:H	34	1.01	0.23	0.97
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD11	1:277:A:ASN:HD21	34	1.01	0.23	0.97
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD12	1:280:A:THR:H	34	1.01	0.23	0.97
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD11	1:350:A:VAL:H	34	1.01	0.23	0.97
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD12	1:277:A:ASN:HD21	34	1.01	0.23	0.97
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD12	1:350:A:VAL:H	34	1.01	0.23	0.97
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD11	1:280:A:THR:H	34	1.01	0.23	0.97
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD21	1:351:A:GLN:HE21	34	1.0	0.4	0.95
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HE2	34	1.0	0.4	0.95
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HE1	34	1.0	0.4	0.95
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HE2	34	1.0	0.4	0.95
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HE2	34	1.0	0.4	0.95
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD23	1:351:A:GLN:HE21	34	1.0	0.4	0.95
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HE1	34	1.0	0.4	0.95
(1,5903)	1:337:A:MET:HE2	1:343:A:SER:H	34	0.99	0.25	1.02
(1,5903)	1:337:A:MET:HE1	1:343:A:SER:H	34	0.99	0.25	1.02
(1,5903)	1:337:A:MET:HE3	1:343:A:SER:H	34	0.99	0.25	1.02
(1,6634)	1:253:A:THR:HG23	1:244:A:LYS:HA	34	0.99	0.47	1.02
(1,6634)	1:253:A:THR:HG21	1:240:A:VAL:HA	34	0.99	0.47	1.02
(1,6634)	1:253:A:THR:HG22	1:244:A:LYS:HA	34	0.99	0.47	1.02
(1,6634)	1:253:A:THR:HG21	1:244:A:LYS:HA	34	0.99	0.47	1.02
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	34	0.91	0.7	1.44
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD11	1:410:A:ASN:HA	34	0.91	0.36	0.84
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD12	1:410:A:ASN:HA	34	0.91	0.36	0.84
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD13	1:410:A:ASN:HA	34	0.91	0.36	0.84
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HA	34	0.91	0.36	0.84
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD13	1:430:A:TRP:HA	34	0.91	0.36	0.84
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG22	34	0.85	0.16	0.86
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG23	34	0.85	0.16	0.86
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:210:A:PRO:HB3	34	0.85	0.16	0.86
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG21	34	0.85	0.16	0.86
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD11	1:438:A:ALA:H	34	0.8	0.75	0.39
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	34	0.8	0.75	0.39
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD13	1:438:A:ALA:H	34	0.8	0.75	0.39
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG13	1:341:A:ASN:H	34	0.76	0.4	0.71
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG12	1:341:A:ASN:H	34	0.76	0.4	0.71
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG11	1:341:A:ASN:H	34	0.76	0.4	0.71
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD12	1:325:A:MET:H	34	0.72	0.26	0.74
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD12	1:324:A:HIS:H	34	0.72	0.26	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD11	1:325:A:MET:H	34	0.72	0.26	0.74
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD13	1:324:A:HIS:H	34	0.72	0.26	0.74
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD11	1:324:A:HIS:H	34	0.72	0.26	0.74
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD13	1:325:A:MET:H	34	0.72	0.26	0.74
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD12	1:314:A:ASN:HD21	34	0.67	0.11	0.69
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD11	1:314:A:ASN:HD21	34	0.67	0.11	0.69
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD13	1:314:A:ASN:HD21	34	0.67	0.11	0.69
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG2	34	0.66	0.11	0.68
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	34	0.66	0.11	0.68
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD13	1:230:A:ILE:H	34	0.63	0.25	0.68
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:H	34	0.63	0.25	0.68
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD12	1:230:A:ILE:H	34	0.63	0.25	0.68
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	34	0.58	0.19	0.54
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:325:A:MET:HG2	34	0.58	0.19	0.54
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD11	34	0.52	0.19	0.47
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD12	34	0.52	0.19	0.47
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HG22	34	0.52	0.19	0.47
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD13	34	0.52	0.19	0.47
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HG21	34	0.52	0.19	0.47
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HG23	34	0.52	0.19	0.47
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	34	0.52	0.12	0.52
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD11	1:322:A:ILE:HG23	34	0.43	0.16	0.46
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD11	1:322:A:ILE:HG21	34	0.43	0.16	0.46
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD13	1:322:A:ILE:HG22	34	0.43	0.16	0.46
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD12	1:322:A:ILE:HG22	34	0.43	0.16	0.46
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD12	1:322:A:ILE:HG21	34	0.43	0.16	0.46
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD11	1:322:A:ILE:HG22	34	0.43	0.16	0.46
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD13	1:322:A:ILE:HG21	34	0.43	0.16	0.46
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD13	1:322:A:ILE:HG23	34	0.43	0.16	0.46
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD12	1:322:A:ILE:HG23	34	0.43	0.16	0.46
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD21	34	0.43	0.19	0.42
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD23	34	0.43	0.19	0.42
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD22	34	0.43	0.19	0.42
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:356:A:VAL:HG22	34	0.43	0.19	0.42
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:356:A:VAL:HG23	34	0.43	0.19	0.42
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:356:A:VAL:HG21	34	0.43	0.19	0.42
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	34	0.37	0.12	0.36
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG23	1:407:A:PHE:H	34	0.36	0.14	0.36
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG22	1:407:A:PHE:H	34	0.36	0.14	0.36
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG21	1:407:A:PHE:H	34	0.36	0.14	0.36
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD12	1:217:A:ILE:HG13	34	0.21	0.01	0.21
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD12	1:217:A:ILE:HG12	34	0.21	0.01	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD11	1:217:A:ILE:HG13	34	0.21	0.01	0.21
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD13	1:217:A:ILE:HG13	34	0.21	0.01	0.21
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD13	1:217:A:ILE:HG12	34	0.21	0.01	0.21
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD11	1:217:A:ILE:HG12	34	0.21	0.01	0.21
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	34	0.17	0.03	0.18
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD13	1:414:A:ARG:H	33	1.72	1.1	1.2
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD11	1:413:A:HIS:HE1	33	1.72	1.1	1.2
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD12	1:413:A:HIS:HE1	33	1.72	1.1	1.2
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD12	1:414:A:ARG:H	33	1.72	1.1	1.2
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD13	1:413:A:HIS:HE1	33	1.72	1.1	1.2
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD11	1:414:A:ARG:H	33	1.72	1.1	1.2
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	33	1.38	0.32	1.46
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:310:A:LEU:HD11	33	1.38	0.32	1.46
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	33	1.27	0.29	1.31
(1,3921)	1:385:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HH2	33	1.11	0.38	1.23
(1,3921)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HH2	33	1.11	0.38	1.23
(1,3921)	1:385:A:MET:HE2	1:382:A:TRP:HH2	33	1.11	0.38	1.23
(1,6402)	1:377:A:MET:HE1	1:378:A:LYS:HA	33	1.03	0.33	1.1
(1,6402)	1:377:A:MET:HE3	1:378:A:LYS:HA	33	1.03	0.33	1.1
(1,6402)	1:377:A:MET:HE2	1:378:A:LYS:HA	33	1.03	0.33	1.1
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:193:A:PRO:HD2	33	1.02	0.33	1.02
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:194:A:LEU:HA	33	1.02	0.33	1.02
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:278:A:LEU:HA	33	1.02	0.33	1.02
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG21	1:366:A:GLU:H	33	0.97	0.09	0.98
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:H	33	0.97	0.09	0.98
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG22	1:366:A:GLU:H	33	0.97	0.09	0.98
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:350:A:VAL:HG22	33	0.96	0.61	0.7
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD21	33	0.96	0.61	0.7
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD22	33	0.96	0.61	0.7
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD23	33	0.96	0.61	0.7
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:350:A:VAL:HG12	33	0.96	0.61	0.7
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:350:A:VAL:HG11	33	0.96	0.61	0.7
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:350:A:VAL:HG13	33	0.96	0.61	0.7
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:350:A:VAL:HG21	33	0.96	0.61	0.7
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:350:A:VAL:HG23	33	0.96	0.61	0.7
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:337:A:MET:HB3	33	0.9	0.21	0.95
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HG3	33	0.9	0.21	0.95
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HG2	33	0.9	0.21	0.95
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD13	1:373:A:LEU:HA	33	0.86	0.3	0.8
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HA	33	0.86	0.3	0.8
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HA	33	0.86	0.3	0.8
(1,6000)	1:225:A:MET:HE3	1:326:A:ASP:H	33	0.76	0.29	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6000)	1:225:A:MET:HE2	1:326:A:ASP:H	33	0.76	0.29	0.73
(1,6000)	1:225:A:MET:HE1	1:326:A:ASP:H	33	0.76	0.29	0.73
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HA	33	0.58	0.34	0.61
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HA	33	0.58	0.34	0.61
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HA	33	0.58	0.34	0.61
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD12	1:316:A:LEU:HA	33	0.58	0.34	0.61
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	33	0.58	0.19	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	33	0.58	0.19	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	33	0.58	0.19	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	33	0.58	0.19	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	33	0.58	0.19	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	33	0.58	0.19	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	33	0.58	0.19	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	33	0.58	0.19	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	33	0.58	0.19	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD21	33	0.58	0.19	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD22	33	0.58	0.19	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD23	33	0.58	0.19	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD21	33	0.58	0.19	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD22	33	0.58	0.19	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD23	33	0.58	0.19	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD21	33	0.58	0.19	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD22	33	0.58	0.19	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD23	33	0.58	0.19	0.62
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	33	0.57	0.16	0.63
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:426:A:GLU:HG2	33	0.57	0.16	0.63
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG22	33	0.57	0.31	0.47
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG21	33	0.57	0.31	0.47
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG23	33	0.57	0.31	0.47
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG23	33	0.51	0.13	0.54
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG22	33	0.51	0.13	0.54
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG21	33	0.51	0.13	0.54
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	33	0.5	0.17	0.47
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	33	0.42	0.2	0.38
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	33	0.41	0.15	0.38
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD2	1:306:A:LEU:H	33	0.41	0.15	0.38
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	33	0.3	0.09	0.32
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	33	0.3	0.09	0.32
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	33	0.3	0.09	0.32
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	33	0.15	0.02	0.15
(1,6377)	1:297:A:THR:HG21	1:297:A:THR:HB	33	0.13	0.01	0.14
(1,6377)	1:297:A:THR:HG23	1:297:A:THR:HB	33	0.13	0.01	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6377)	1:387:A:THR:HG23	1:387:A:THR:HB	33	0.13	0.01	0.14
(1,6377)	1:387:A:THR:HG22	1:387:A:THR:HB	33	0.13	0.01	0.14
(1,6377)	1:297:A:THR:HG22	1:297:A:THR:HB	33	0.13	0.01	0.14
(1,6377)	1:387:A:THR:HG21	1:387:A:THR:HB	33	0.13	0.01	0.14
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	33	0.12	0.01	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD13	33	0.12	0.01	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD12	33	0.12	0.01	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD11	33	0.12	0.01	0.12
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HE2	32	1.29	0.75	1.57
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE2	32	1.29	0.75	1.57
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HE2	32	1.29	0.75	1.57
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HE3	32	1.29	0.75	1.57
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE1	32	1.29	0.75	1.57
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HE3	32	1.29	0.75	1.57
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	32	1.01	0.27	1.0
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:196:A:ASP:HB3	32	1.01	0.27	1.0
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:209:A:LEU:HD11	32	0.89	0.62	0.6
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD12	32	0.89	0.62	0.6
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD11	32	0.89	0.62	0.6
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:209:A:LEU:HD12	32	0.89	0.62	0.6
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD13	32	0.89	0.62	0.6
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:209:A:LEU:HD13	32	0.89	0.62	0.6
(1,6525)	1:203:A:MET:HE1	1:201:A:THR:HG21	32	0.84	0.33	0.78
(1,6525)	1:203:A:MET:HE2	1:207:A:ILE:HG12	32	0.84	0.33	0.78
(1,6525)	1:203:A:MET:HE3	1:207:A:ILE:HG12	32	0.84	0.33	0.78
(1,6525)	1:203:A:MET:HE1	1:201:A:THR:HG23	32	0.84	0.33	0.78
(1,6525)	1:203:A:MET:HE3	1:201:A:THR:HG23	32	0.84	0.33	0.78
(1,6525)	1:203:A:MET:HE1	1:207:A:ILE:HG12	32	0.84	0.33	0.78
(1,6525)	1:203:A:MET:HE2	1:201:A:THR:HG21	32	0.84	0.33	0.78
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD22	1:253:A:THR:H	32	0.74	0.24	0.8
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD23	1:253:A:THR:H	32	0.74	0.24	0.8
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD21	1:253:A:THR:H	32	0.74	0.24	0.8
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD21	1:256:A:GLU:H	32	0.74	0.24	0.8
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD23	1:256:A:GLU:H	32	0.74	0.24	0.8
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD22	1:266:A:LEU:H	32	0.74	0.24	0.8
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	32	0.71	0.39	0.69
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:268:A:LYS:HE2	32	0.71	0.39	0.69
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG23	32	0.71	0.29	0.62
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG22	32	0.71	0.29	0.62
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG21	32	0.71	0.29	0.62
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HB2	32	0.71	0.29	0.62
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB2	1:255:A:LEU:HD23	32	0.69	0.47	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB1	1:266:A:LEU:HD23	32	0.69	0.47	0.62
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB1	1:266:A:LEU:HD21	32	0.69	0.47	0.62
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB2	1:266:A:LEU:HD21	32	0.69	0.47	0.62
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB3	1:255:A:LEU:HD23	32	0.69	0.47	0.62
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB1	1:255:A:LEU:HD23	32	0.69	0.47	0.62
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB2	1:266:A:LEU:HD23	32	0.69	0.47	0.62
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB1	1:255:A:LEU:HD22	32	0.69	0.47	0.62
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB2	1:255:A:LEU:HD21	32	0.69	0.47	0.62
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB3	1:266:A:LEU:HD21	32	0.69	0.47	0.62
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB1	1:255:A:LEU:HD21	32	0.69	0.47	0.62
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB2	1:255:A:LEU:HD22	32	0.69	0.47	0.62
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB1	1:266:A:LEU:HD22	32	0.69	0.47	0.62
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	32	0.68	0.43	0.6
(1,6564)	1:203:A:MET:HE1	1:210:A:PRO:HB2	32	0.63	0.3	0.54
(1,6564)	1:203:A:MET:HE3	1:210:A:PRO:HB2	32	0.63	0.3	0.54
(1,6564)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB2	32	0.63	0.3	0.54
(1,6564)	1:203:A:MET:HE3	1:378:A:LYS:HG2	32	0.63	0.3	0.54
(1,6564)	1:203:A:MET:HE1	1:378:A:LYS:HG2	32	0.63	0.3	0.54
(1,5605)	1:337:A:MET:HE2	1:342:A:ILE:HA	32	0.59	0.24	0.6
(1,5605)	1:337:A:MET:HE1	1:342:A:ILE:HA	32	0.59	0.24	0.6
(1,5605)	1:337:A:MET:HE3	1:342:A:ILE:HA	32	0.59	0.24	0.6
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	32	0.52	0.17	0.54
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:396:A:ALA:H	32	0.52	0.17	0.54
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD2	32	0.46	0.18	0.39
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD2	32	0.46	0.18	0.39
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD3	32	0.46	0.18	0.39
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD3	32	0.46	0.18	0.39
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD13	1:267:A:LEU:HD23	32	0.45	0.22	0.42
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HD11	32	0.45	0.22	0.42
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD12	1:267:A:LEU:HD22	32	0.45	0.22	0.42
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD11	1:267:A:LEU:HD12	32	0.45	0.22	0.42
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD13	1:267:A:LEU:HD22	32	0.45	0.22	0.42
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD12	1:267:A:LEU:HD23	32	0.45	0.22	0.42
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD12	1:267:A:LEU:HD21	32	0.45	0.22	0.42
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD11	1:267:A:LEU:HD23	32	0.45	0.22	0.42
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD11	1:267:A:LEU:HD21	32	0.45	0.22	0.42
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD13	1:267:A:LEU:HD21	32	0.45	0.22	0.42
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HD12	32	0.45	0.22	0.42
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD11	1:267:A:LEU:HD22	32	0.45	0.22	0.42
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD13	1:267:A:LEU:HD11	32	0.45	0.22	0.42
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	32	0.45	0.23	0.4
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG3	32	0.43	0.16	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG2	32	0.43	0.16	0.44
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG22	1:264:A:ALA:H	32	0.41	0.23	0.34
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG23	1:244:A:LYS:H	32	0.41	0.23	0.34
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG22	1:244:A:LYS:H	32	0.41	0.23	0.34
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG21	1:244:A:LYS:H	32	0.41	0.23	0.34
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG23	1:264:A:ALA:H	32	0.41	0.23	0.34
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG21	1:264:A:ALA:H	32	0.41	0.23	0.34
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	32	0.4	0.05	0.38
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD12	1:193:A:PRO:HA	32	0.36	0.14	0.34
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD13	1:193:A:PRO:HA	32	0.36	0.14	0.34
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD11	1:193:A:PRO:HA	32	0.36	0.14	0.34
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD11	1:191:A:GLY:HA2	32	0.36	0.14	0.34
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD13	1:191:A:GLY:HA2	32	0.36	0.14	0.34
(1,2729)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HG	32	0.35	0.12	0.36
(1,2729)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HB3	32	0.35	0.12	0.36
(1,2729)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HB3	32	0.35	0.12	0.36
(1,2729)	1:284:A:MET:HE3	1:279:A:LEU:HG	32	0.35	0.12	0.36
(1,2729)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HG	32	0.35	0.12	0.36
(1,2729)	1:284:A:MET:HE3	1:279:A:LEU:HB3	32	0.35	0.12	0.36
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG11	32	0.28	0.11	0.24
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG12	32	0.28	0.11	0.24
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG13	32	0.28	0.11	0.24
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG21	32	0.28	0.11	0.24
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG22	32	0.28	0.11	0.24
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG23	32	0.28	0.11	0.24
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	32	0.19	0.03	0.19
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	32	0.19	0.03	0.19
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	32	0.19	0.03	0.19
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	32	0.12	0.01	0.12
(1,6002)	1:444:A:ARG:HG2	1:444:A:ARG:HD3	32	0.12	0.01	0.12
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG11	1:300:A:VAL:HG13	31	1.59	0.73	1.46
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG12	1:300:A:VAL:HG12	31	1.59	0.73	1.46
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG11	1:300:A:VAL:HG11	31	1.59	0.73	1.46
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG13	1:300:A:VAL:HG12	31	1.59	0.73	1.46
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG12	1:300:A:VAL:HG13	31	1.59	0.73	1.46
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG13	1:300:A:VAL:HG11	31	1.59	0.73	1.46
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG13	1:300:A:VAL:HG13	31	1.59	0.73	1.46
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG12	1:300:A:VAL:HG11	31	1.59	0.73	1.46
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG11	1:300:A:VAL:HG12	31	1.59	0.73	1.46
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	31	0.88	0.4	0.96
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	31	0.74	0.21	0.77
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:263:A:VAL:HG23	31	0.69	0.34	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:328:A:VAL:HG22	31	0.69	0.34	0.77
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:263:A:VAL:HG21	31	0.69	0.34	0.77
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:328:A:VAL:HG21	31	0.69	0.34	0.77
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:263:A:VAL:HG22	31	0.69	0.34	0.77
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:328:A:VAL:HG23	31	0.69	0.34	0.77
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD23	31	0.66	0.08	0.67
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:280:A:THR:HG21	31	0.66	0.08	0.67
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD22	31	0.66	0.08	0.67
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD21	31	0.66	0.08	0.67
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:280:A:THR:HG23	31	0.66	0.08	0.67
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD13	31	0.61	0.11	0.64
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD11	31	0.61	0.11	0.64
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD12	31	0.61	0.11	0.64
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:278:A:LEU:HD11	31	0.61	0.11	0.64
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	31	0.54	0.15	0.6
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG23	1:416:A:LEU:H	31	0.47	0.16	0.45
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG23	1:426:A:GLU:H	31	0.47	0.16	0.45
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG22	1:416:A:LEU:H	31	0.47	0.16	0.45
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG21	1:416:A:LEU:H	31	0.47	0.16	0.45
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG21	1:426:A:GLU:H	31	0.47	0.16	0.45
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG22	1:426:A:GLU:H	31	0.47	0.16	0.45
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	31	0.45	0.07	0.45
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG23	31	0.36	0.08	0.35
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG21	31	0.36	0.08	0.35
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG22	31	0.36	0.08	0.35
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HG	31	0.36	0.08	0.35
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB3	31	0.31	0.14	0.3
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB2	31	0.31	0.14	0.3
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB1	31	0.31	0.14	0.3
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:243:A:LEU:HD13	30	1.44	0.69	1.64
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:263:A:VAL:HG12	30	1.44	0.69	1.64
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:263:A:VAL:HG11	30	1.44	0.69	1.64
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:243:A:LEU:HD11	30	1.44	0.69	1.64
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:263:A:VAL:HG13	30	1.44	0.69	1.64
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:243:A:LEU:HD12	30	1.44	0.69	1.64
(1,5642)	1:225:A:MET:HE2	1:230:A:ILE:HG22	30	0.74	0.35	0.74
(1,5642)	1:225:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG23	30	0.74	0.35	0.74
(1,5642)	1:225:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG21	30	0.74	0.35	0.74
(1,5642)	1:225:A:MET:HE2	1:230:A:ILE:HG21	30	0.74	0.35	0.74
(1,5642)	1:225:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG22	30	0.74	0.35	0.74
(1,5642)	1:225:A:MET:HE2	1:230:A:ILE:HG13	30	0.74	0.35	0.74
(1,5642)	1:225:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG21	30	0.74	0.35	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5642)	1:225:A:MET:HE2	1:230:A:ILE:HG23	30	0.74	0.35	0.74
(1,5642)	1:225:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG13	30	0.74	0.35	0.74
(1,5642)	1:225:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG22	30	0.74	0.35	0.74
(1,6317)	1:225:A:MET:HE3	1:325:A:MET:H	30	0.71	0.24	0.7
(1,6317)	1:225:A:MET:HE2	1:325:A:MET:H	30	0.71	0.24	0.7
(1,6317)	1:225:A:MET:HE1	1:325:A:MET:H	30	0.71	0.24	0.7
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	30	0.63	0.22	0.68
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	30	0.63	0.22	0.68
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	30	0.63	0.22	0.68
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE3	30	0.63	0.22	0.68
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE3	30	0.63	0.22	0.68
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE3	30	0.63	0.22	0.68
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	30	0.48	0.2	0.5
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG23	1:341:A:ASN:HB3	30	0.4	0.26	0.32
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG22	1:341:A:ASN:HB3	30	0.4	0.26	0.32
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG21	1:341:A:ASN:HB3	30	0.4	0.26	0.32
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG22	1:284:A:MET:HG3	30	0.37	0.15	0.36
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG23	1:284:A:MET:HG3	30	0.37	0.15	0.36
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG21	1:284:A:MET:HG3	30	0.37	0.15	0.36
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD22	1:439:A:LEU:HB2	30	0.3	0.01	0.31
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD23	1:439:A:LEU:HB2	30	0.3	0.01	0.31
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD21	1:439:A:LEU:HB2	30	0.3	0.01	0.31
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	30	0.24	0.07	0.24
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	30	0.24	0.07	0.24
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	30	0.24	0.07	0.24
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	30	0.16	0.04	0.16
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	29	1.08	0.83	1.59
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	29	1.08	0.83	1.59
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	29	1.08	0.83	1.59
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG2	1:207:A:ILE:HG21	29	0.99	0.33	1.08
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG23	29	0.99	0.33	1.08
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG21	29	0.99	0.33	1.08
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG22	29	0.99	0.33	1.08
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD21	1:257:A:ASP:HB3	29	0.67	0.37	0.64
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD21	1:256:A:GLU:HG3	29	0.67	0.37	0.64
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD22	1:256:A:GLU:HG3	29	0.67	0.37	0.64
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD23	1:256:A:GLU:HG3	29	0.67	0.37	0.64
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD22	1:257:A:ASP:HB3	29	0.67	0.37	0.64
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD23	1:257:A:ASP:HB3	29	0.67	0.37	0.64
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	29	0.53	0.21	0.52
(1,6766)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HA	29	0.52	0.31	0.44
(1,6766)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HA	29	0.52	0.31	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6766)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HA	29	0.52	0.31	0.44
(1,6766)	1:225:A:MET:HE1	1:324:A:HIS:HB3	29	0.52	0.31	0.44
(1,6766)	1:225:A:MET:HE2	1:324:A:HIS:HB3	29	0.52	0.31	0.44
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	29	0.49	0.1	0.52
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG3	1:270:A:TYR:H	29	0.36	0.12	0.35
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG2	1:270:A:TYR:H	29	0.36	0.12	0.35
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG3	1:272:A:ARG:H	29	0.36	0.12	0.35
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:322:A:ILE:HD12	29	0.26	0.1	0.24
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:322:A:ILE:HD13	29	0.26	0.1	0.24
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:322:A:ILE:HD11	29	0.26	0.1	0.24
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:373:A:LEU:HD11	29	0.26	0.1	0.24
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:373:A:LEU:HD13	29	0.26	0.1	0.24
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:373:A:LEU:HD12	29	0.26	0.1	0.24
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	29	0.16	0.02	0.16
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	29	0.16	0.02	0.16
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD12	1:274:A:LEU:HB3	28	1.16	0.81	0.78
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HB3	28	1.16	0.81	0.78
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HB3	28	1.16	0.81	0.78
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD13	1:274:A:LEU:HB3	28	1.16	0.81	0.78
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HB3	28	1.16	0.81	0.78
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG22	28	0.82	0.3	0.88
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG21	28	0.82	0.3	0.88
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG23	28	0.82	0.3	0.88
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD23	28	0.76	0.33	0.78
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD21	28	0.76	0.33	0.78
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD22	28	0.76	0.33	0.78
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD23	1:363:A:HIS:H	28	0.76	0.33	0.78
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD21	1:363:A:HIS:H	28	0.76	0.33	0.78
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD22	1:363:A:HIS:H	28	0.76	0.33	0.78
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD11	1:198:A:VAL:HA	28	0.75	0.31	0.74
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD13	1:198:A:VAL:HA	28	0.75	0.31	0.74
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD12	1:198:A:VAL:HA	28	0.75	0.31	0.74
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	28	0.48	0.29	0.47
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:220:A:VAL:HB	28	0.48	0.29	0.47
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG21	1:325:A:MET:H	28	0.44	0.17	0.44
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG23	1:325:A:MET:H	28	0.44	0.17	0.44
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG22	1:325:A:MET:H	28	0.44	0.17	0.44
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	28	0.43	0.15	0.46
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	28	0.4	0.25	0.27
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:239:A:LYS:HD2	28	0.4	0.25	0.27
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:236:A:ILE:HB	28	0.4	0.25	0.27
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	28	0.39	0.16	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD2	28	0.39	0.16	0.38
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:350:A:VAL:HG21	27	0.99	0.39	1.12
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:271:A:LEU:HD21	27	0.99	0.39	1.12
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:271:A:LEU:HD22	27	0.99	0.39	1.12
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:271:A:LEU:HD23	27	0.99	0.39	1.12
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:350:A:VAL:HG12	27	0.99	0.39	1.12
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:350:A:VAL:HG22	27	0.99	0.39	1.12
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:350:A:VAL:HG23	27	0.99	0.39	1.12
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:350:A:VAL:HG13	27	0.99	0.39	1.12
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	27	0.73	0.3	0.74
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:263:A:VAL:HG22	27	0.73	0.3	0.74
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD11	1:407:A:PHE:H	27	0.7	0.28	0.71
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD12	1:407:A:PHE:H	27	0.7	0.28	0.71
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD13	1:407:A:PHE:H	27	0.7	0.28	0.71
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HG	27	0.63	0.22	0.54
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HB2	27	0.63	0.22	0.54
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HG	27	0.63	0.22	0.54
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HD22	27	0.54	0.3	0.53
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:189:A:ILE:HD12	27	0.54	0.3	0.53
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HD23	27	0.54	0.3	0.53
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HD21	27	0.54	0.3	0.53
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:189:A:ILE:HD11	27	0.54	0.3	0.53
(1,5647)	1:202:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:H	27	0.52	0.21	0.56
(1,5647)	1:202:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:H	27	0.52	0.21	0.56
(1,5647)	1:202:A:MET:HE1	1:198:A:VAL:H	27	0.52	0.21	0.56
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG2	27	0.51	0.19	0.58
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG3	27	0.51	0.19	0.58
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG21	1:307:A:LEU:HD12	27	0.51	0.19	0.52
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG21	1:307:A:LEU:HD13	27	0.51	0.19	0.52
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG22	1:307:A:LEU:HD13	27	0.51	0.19	0.52
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG23	1:307:A:LEU:HD13	27	0.51	0.19	0.52
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG21	1:307:A:LEU:HD11	27	0.51	0.19	0.52
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG23	1:307:A:LEU:HD12	27	0.51	0.19	0.52
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG23	1:307:A:LEU:HD11	27	0.51	0.19	0.52
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG22	1:307:A:LEU:HD11	27	0.51	0.19	0.52
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:285:A:PRO:HB3	27	0.31	0.15	0.26
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:352:A:ILE:HG12	27	0.31	0.15	0.26
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	27	0.29	0.08	0.28
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	27	0.21	0.12	0.16
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	27	0.15	0.03	0.15
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD21	1:305:A:ARG:HG2	26	1.1	0.53	1.15
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD22	1:305:A:ARG:HG2	26	1.1	0.53	1.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD23	1:305:A:ARG:HG2	26	1.1	0.53	1.15
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	26	0.92	0.48	0.98
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HE3	26	0.92	0.48	0.98
(1,5885)	1:263:A:VAL:HG11	1:259:A:GLU:HB2	26	0.65	0.49	0.56
(1,5885)	1:300:A:VAL:HG12	1:296:A:GLU:HB2	26	0.65	0.49	0.56
(1,5885)	1:300:A:VAL:HG13	1:296:A:GLU:HB2	26	0.65	0.49	0.56
(1,5885)	1:300:A:VAL:HG11	1:296:A:GLU:HB2	26	0.65	0.49	0.56
(1,5885)	1:263:A:VAL:HG12	1:259:A:GLU:HB2	26	0.65	0.49	0.56
(1,5885)	1:300:A:VAL:HG11	1:302:A:GLU:HB3	26	0.65	0.49	0.56
(1,5885)	1:263:A:VAL:HG13	1:259:A:GLU:HB2	26	0.65	0.49	0.56
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:244:A:LYS:HD2	26	0.64	0.24	0.62
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:266:A:LEU:HD12	26	0.64	0.24	0.62
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:266:A:LEU:HD13	26	0.64	0.24	0.62
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:266:A:LEU:HD11	26	0.64	0.24	0.62
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD12	1:395:A:GLN:HG2	26	0.6	0.32	0.58
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD13	1:395:A:GLN:HG2	26	0.6	0.32	0.58
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD11	1:395:A:GLN:HG2	26	0.6	0.32	0.58
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD12	1:401:A:GLU:HG2	26	0.6	0.32	0.58
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD11	1:401:A:GLU:HG3	26	0.6	0.32	0.58
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG23	1:358:A:TYR:HE2	26	0.52	0.23	0.54
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HD21	26	0.52	0.23	0.54
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG22	1:358:A:TYR:HE2	26	0.52	0.23	0.54
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG21	1:358:A:TYR:HE2	26	0.52	0.23	0.54
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG22	1:358:A:TYR:HE1	26	0.52	0.23	0.54
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HD21	26	0.52	0.23	0.54
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG21	1:361:A:PHE:HZ	26	0.52	0.23	0.54
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG23	1:358:A:TYR:HE1	26	0.52	0.23	0.54
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG23	1:361:A:PHE:HZ	26	0.52	0.23	0.54
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG12	1:342:A:ILE:HD11	26	0.49	0.2	0.52
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG12	1:342:A:ILE:HD12	26	0.49	0.2	0.52
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG11	1:342:A:ILE:HD13	26	0.49	0.2	0.52
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG13	1:342:A:ILE:HD12	26	0.49	0.2	0.52
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG11	1:342:A:ILE:HD11	26	0.49	0.2	0.52
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG12	1:342:A:ILE:HD13	26	0.49	0.2	0.52
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG11	1:342:A:ILE:HD12	26	0.49	0.2	0.52
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG13	1:342:A:ILE:HD13	26	0.49	0.2	0.52
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG13	1:342:A:ILE:HD11	26	0.49	0.2	0.52
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:337:A:MET:HB3	26	0.42	0.2	0.38
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HB	26	0.42	0.2	0.38
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HD13	26	0.24	0.11	0.24
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG22	1:322:A:ILE:HD11	26	0.24	0.11	0.24
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HD11	26	0.24	0.11	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG22	1:322:A:ILE:HD13	26	0.24	0.11	0.24
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HD12	26	0.24	0.11	0.24
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HD11	26	0.24	0.11	0.24
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HD13	26	0.24	0.11	0.24
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HD12	26	0.24	0.11	0.24
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	26	0.24	0.09	0.22
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	26	0.14	0.03	0.13
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	25	1.02	0.85	0.35
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	25	1.02	0.85	0.35
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	25	1.02	0.85	0.35
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:H	25	0.98	0.87	0.39
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:H	25	0.98	0.87	0.39
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:H	25	0.98	0.87	0.39
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD23	1:402:A:ILE:H	25	0.96	0.6	0.82
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD23	1:398:A:ILE:H	25	0.96	0.6	0.82
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD22	1:398:A:ILE:H	25	0.96	0.6	0.82
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD22	1:402:A:ILE:H	25	0.96	0.6	0.82
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD21	1:402:A:ILE:H	25	0.96	0.6	0.82
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD21	1:398:A:ILE:H	25	0.96	0.6	0.82
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG21	1:269:A:GLN:HB2	25	0.92	0.42	0.95
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG23	1:189:A:ILE:HB	25	0.92	0.42	0.95
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG21	1:189:A:ILE:HB	25	0.92	0.42	0.95
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG22	1:189:A:ILE:HB	25	0.92	0.42	0.95
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG22	1:271:A:LEU:HG	25	0.92	0.42	0.95
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG23	1:269:A:GLN:HB2	25	0.92	0.42	0.95
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG23	1:271:A:LEU:HG	25	0.92	0.42	0.95
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG22	1:269:A:GLN:HB2	25	0.92	0.42	0.95
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG23	1:203:A:MET:HE3	25	0.92	0.42	0.95
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD13	25	0.9	0.22	0.98
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD11	25	0.9	0.22	0.98
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD12	25	0.9	0.22	0.98
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HD12	25	0.9	0.22	0.98
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG22	1:393:A:GLU:HA	25	0.72	0.22	0.72
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG23	1:393:A:GLU:HA	25	0.72	0.22	0.72
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG21	1:393:A:GLU:HA	25	0.72	0.22	0.72
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG22	1:444:A:ARG:HA	25	0.72	0.22	0.72
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG21	1:444:A:ARG:HA	25	0.72	0.22	0.72
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	25	0.7	0.39	0.61
(1,6515)	1:325:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HA	25	0.68	0.27	0.71
(1,6515)	1:325:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HA	25	0.68	0.27	0.71
(1,6515)	1:325:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HA	25	0.68	0.27	0.71
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	25	0.63	0.38	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	25	0.61	0.54	0.32
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG22	25	0.56	0.06	0.57
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG23	25	0.56	0.06	0.57
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG21	25	0.56	0.06	0.57
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:294:A:THR:HG22	25	0.56	0.06	0.57
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:294:A:THR:HG23	25	0.56	0.06	0.57
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG2	25	0.42	0.17	0.45
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG3	25	0.42	0.17	0.45
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HD22	25	0.4	0.19	0.39
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HD22	25	0.4	0.19	0.39
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HD22	25	0.4	0.19	0.39
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	25	0.29	0.11	0.3
(1,5569)	1:284:A:MET:HE1	1:352:A:ILE:HG21	25	0.28	0.12	0.25
(1,5569)	1:284:A:MET:HE2	1:352:A:ILE:HG23	25	0.28	0.12	0.25
(1,5569)	1:284:A:MET:HE3	1:352:A:ILE:HG21	25	0.28	0.12	0.25
(1,5569)	1:284:A:MET:HE3	1:352:A:ILE:HG22	25	0.28	0.12	0.25
(1,5569)	1:284:A:MET:HE3	1:352:A:ILE:HG23	25	0.28	0.12	0.25
(1,5569)	1:284:A:MET:HE2	1:352:A:ILE:HG21	25	0.28	0.12	0.25
(1,5569)	1:284:A:MET:HE1	1:352:A:ILE:HG23	25	0.28	0.12	0.25
(1,5569)	1:284:A:MET:HE2	1:352:A:ILE:HG22	25	0.28	0.12	0.25
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG23	1:344:A:ILE:H	25	0.27	0.16	0.24
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG22	1:344:A:ILE:H	25	0.27	0.16	0.24
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG21	1:344:A:ILE:H	25	0.27	0.16	0.24
(1,6664)	1:398:A:ILE:HB	1:398:A:ILE:HG21	25	0.21	0.03	0.23
(1,6664)	1:420:A:ILE:HB	1:420:A:ILE:HG22	25	0.21	0.03	0.23
(1,6664)	1:398:A:ILE:HB	1:398:A:ILE:HG22	25	0.21	0.03	0.23
(1,6664)	1:420:A:ILE:HB	1:416:A:LEU:HD13	25	0.21	0.03	0.23
(1,6664)	1:420:A:ILE:HB	1:420:A:ILE:HG23	25	0.21	0.03	0.23
(1,6664)	1:420:A:ILE:HB	1:416:A:LEU:HD12	25	0.21	0.03	0.23
(1,6664)	1:420:A:ILE:HB	1:416:A:LEU:HD11	25	0.21	0.03	0.23
(1,6664)	1:398:A:ILE:HB	1:398:A:ILE:HG23	25	0.21	0.03	0.23
(1,6664)	1:420:A:ILE:HB	1:420:A:ILE:HG21	25	0.21	0.03	0.23
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	25	0.14	0.03	0.13
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	25	0.14	0.03	0.13
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	25	0.14	0.03	0.13
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE1	24	1.15	0.42	1.18
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE2	24	1.15	0.42	1.18
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE3	24	1.15	0.42	1.18
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD23	24	0.93	0.4	0.9
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD21	24	0.93	0.4	0.9
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD11	24	0.93	0.4	0.9
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:416:A:LEU:HD21	24	0.93	0.4	0.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD22	24	0.93	0.4	0.9
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:416:A:LEU:HD22	24	0.93	0.4	0.9
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:416:A:LEU:HD23	24	0.93	0.4	0.9
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD13	24	0.93	0.4	0.9
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD12	24	0.93	0.4	0.9
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	24	0.92	0.55	0.94
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	24	0.92	0.55	0.94
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	24	0.92	0.55	0.94
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	24	0.92	0.55	0.94
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	24	0.92	0.55	0.94
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	24	0.92	0.55	0.94
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:416:A:LEU:HD22	24	0.8	0.28	0.9
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:416:A:LEU:HD23	24	0.8	0.28	0.9
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:429:A:LEU:HD22	24	0.8	0.28	0.9
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:416:A:LEU:HD21	24	0.8	0.28	0.9
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:429:A:LEU:HD21	24	0.8	0.28	0.9
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:429:A:LEU:HD23	24	0.8	0.28	0.9
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HB3	24	0.71	0.36	0.57
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG21	1:360:A:PHE:HB3	24	0.71	0.36	0.57
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HB3	24	0.71	0.36	0.57
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:247:A:TYR:HE1	24	0.59	0.22	0.5
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:219:A:TYR:HE1	24	0.59	0.22	0.5
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:247:A:TYR:HE2	24	0.59	0.22	0.5
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG21	1:316:A:LEU:HD12	24	0.59	0.35	0.45
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG23	1:316:A:LEU:HD11	24	0.59	0.35	0.45
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG23	1:316:A:LEU:HD21	24	0.59	0.35	0.45
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG22	1:316:A:LEU:HD22	24	0.59	0.35	0.45
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG22	1:316:A:LEU:HD23	24	0.59	0.35	0.45
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG21	1:316:A:LEU:HD21	24	0.59	0.35	0.45
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG21	1:316:A:LEU:HD22	24	0.59	0.35	0.45
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG22	1:316:A:LEU:HD12	24	0.59	0.35	0.45
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG21	1:316:A:LEU:HD23	24	0.59	0.35	0.45
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG23	1:316:A:LEU:HD23	24	0.59	0.35	0.45
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG22	1:316:A:LEU:HD13	24	0.59	0.35	0.45
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG23	1:316:A:LEU:HD12	24	0.59	0.35	0.45
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:376:A:VAL:HG21	24	0.59	0.37	0.52
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:HD12	24	0.59	0.37	0.52
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:HD13	24	0.59	0.37	0.52
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:HD11	24	0.59	0.37	0.52
(1,6085)	1:374:A:LYS:HE3	1:207:A:ILE:HD11	24	0.59	0.37	0.52
(1,6085)	1:374:A:LYS:HE3	1:207:A:ILE:HD13	24	0.59	0.37	0.52
(1,6085)	1:374:A:LYS:HE3	1:207:A:ILE:HD12	24	0.59	0.37	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:376:A:VAL:HG22	24	0.59	0.37	0.52
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:400:A:GLU:HG2	24	0.58	0.21	0.62
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:401:A:GLU:HG2	24	0.58	0.21	0.62
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:395:A:GLN:HG2	24	0.58	0.21	0.62
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:401:A:GLU:HG3	24	0.58	0.21	0.62
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE3	24	0.54	0.11	0.55
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE2	24	0.54	0.11	0.55
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	24	0.53	0.17	0.57
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	24	0.16	0.04	0.15
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HD11	23	0.94	0.41	0.82
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HD12	23	0.94	0.41	0.82
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HD11	23	0.94	0.41	0.82
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HD12	23	0.94	0.41	0.82
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HD13	23	0.94	0.41	0.82
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HD13	23	0.94	0.41	0.82
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HD13	23	0.94	0.41	0.82
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HD12	23	0.94	0.41	0.82
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HD12	23	0.94	0.41	0.82
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HD13	23	0.94	0.41	0.82
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HD11	23	0.94	0.41	0.82
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HD11	23	0.94	0.41	0.82
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HD11	23	0.94	0.41	0.82
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD21	1:413:A:HIS:H	23	0.79	0.19	0.81
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD22	1:413:A:HIS:H	23	0.79	0.19	0.81
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD23	1:413:A:HIS:H	23	0.79	0.19	0.81
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:H	23	0.79	0.19	0.81
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:420:A:ILE:HG23	23	0.7	0.38	0.56
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:420:A:ILE:HG21	23	0.7	0.38	0.56
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:420:A:ILE:HG22	23	0.7	0.38	0.56
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:416:A:LEU:HD13	23	0.7	0.38	0.56
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:416:A:LEU:HD11	23	0.7	0.38	0.56
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:416:A:LEU:HD12	23	0.7	0.38	0.56
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	23	0.53	0.2	0.55
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG2	23	0.43	0.2	0.36
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG3	23	0.43	0.2	0.36
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE2	23	0.39	0.18	0.37
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE1	23	0.39	0.18	0.37
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG2	1:282:A:GLU:HG2	23	0.36	0.18	0.41
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG3	1:282:A:GLU:HG2	23	0.36	0.18	0.41
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	23	0.35	0.17	0.34
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	23	0.35	0.17	0.34
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	23	0.35	0.17	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HD22	23	0.27	0.11	0.27
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HD21	23	0.27	0.11	0.27
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD11	1:357:A:LEU:HD12	23	0.27	0.11	0.27
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD13	1:357:A:LEU:HD13	23	0.27	0.11	0.27
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HD23	23	0.27	0.11	0.27
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HD21	23	0.27	0.11	0.27
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD12	1:357:A:LEU:HD13	23	0.27	0.11	0.27
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HD22	23	0.27	0.11	0.27
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HD22	23	0.27	0.11	0.27
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HD21	23	0.27	0.11	0.27
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD11	1:350:A:VAL:HG13	23	0.27	0.11	0.27
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD11	1:357:A:LEU:HD11	23	0.27	0.11	0.27
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD11	1:357:A:LEU:HD13	23	0.27	0.11	0.27
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HD23	23	0.27	0.11	0.27
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD13	1:357:A:LEU:HD11	23	0.27	0.11	0.27
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD12	1:350:A:VAL:HG12	23	0.27	0.11	0.27
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	23	0.23	0.11	0.23
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	23	0.17	0.05	0.16
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD23	22	1.59	0.85	1.94
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD22	22	1.59	0.85	1.94
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG23	1:209:A:LEU:HD23	22	1.59	0.85	1.94
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG23	1:209:A:LEU:HD22	22	1.59	0.85	1.94
(1,5790)	1:207:A:ILE:HG23	1:209:A:LEU:HD23	22	1.59	0.85	1.94
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG21	1:209:A:LEU:HD23	22	1.59	0.85	1.94
(1,5790)	1:207:A:ILE:HG21	1:209:A:LEU:HD23	22	1.59	0.85	1.94
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG21	1:209:A:LEU:HD22	22	1.59	0.85	1.94
(1,5790)	1:207:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD21	22	1.59	0.85	1.94
(1,5790)	1:207:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD22	22	1.59	0.85	1.94
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD21	22	1.59	0.85	1.94
(1,5790)	1:207:A:ILE:HG23	1:209:A:LEU:HD21	22	1.59	0.85	1.94
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD11	1:335:A:THR:HG21	22	0.77	0.34	0.84
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD13	1:335:A:THR:HG23	22	0.77	0.34	0.84
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD11	1:335:A:THR:HG22	22	0.77	0.34	0.84
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD12	1:335:A:THR:HG22	22	0.77	0.34	0.84
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD11	1:335:A:THR:HG23	22	0.77	0.34	0.84
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD12	1:335:A:THR:HG23	22	0.77	0.34	0.84
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD12	1:335:A:THR:HG21	22	0.77	0.34	0.84
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD13	1:335:A:THR:HG22	22	0.77	0.34	0.84
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD13	1:335:A:THR:HG21	22	0.77	0.34	0.84
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	22	0.71	0.13	0.74
(1,5881)	1:202:A:MET:HE1	1:208:A:ARG:HD3	22	0.69	0.28	0.76
(1,5881)	1:202:A:MET:HE3	1:208:A:ARG:HD3	22	0.69	0.28	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5881)	1:202:A:MET:HE2	1:208:A:ARG:HD3	22	0.69	0.28	0.76
(1,5881)	1:202:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:HA	22	0.69	0.28	0.76
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:278:A:LEU:HD12	22	0.66	0.41	0.56
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:278:A:LEU:HD11	22	0.66	0.41	0.56
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:278:A:LEU:HD13	22	0.66	0.41	0.56
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:321:A:LEU:HD22	22	0.66	0.41	0.56
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:321:A:LEU:HD21	22	0.66	0.41	0.56
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG21	1:210:A:PRO:HB3	22	0.41	0.27	0.3
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG23	1:210:A:PRO:HB3	22	0.41	0.27	0.3
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG21	1:208:A:ARG:HB2	22	0.41	0.27	0.3
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG22	1:210:A:PRO:HB3	22	0.41	0.27	0.3
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG22	1:208:A:ARG:HB2	22	0.41	0.27	0.3
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG22	1:194:A:LEU:HG	22	0.41	0.27	0.3
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG23	1:208:A:ARG:HB2	22	0.41	0.27	0.3
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG22	22	0.36	0.19	0.32
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG21	22	0.36	0.19	0.32
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG11	22	0.36	0.19	0.32
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG13	22	0.36	0.19	0.32
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG23	22	0.36	0.19	0.32
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG12	22	0.36	0.19	0.32
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD21	1:407:A:PHE:H	22	0.36	0.15	0.36
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD23	1:407:A:PHE:H	22	0.36	0.15	0.36
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD22	1:407:A:PHE:H	22	0.36	0.15	0.36
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE3	22	0.33	0.13	0.34
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE3	22	0.33	0.13	0.34
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE3	22	0.33	0.13	0.34
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE2	22	0.33	0.13	0.34
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE2	22	0.33	0.13	0.34
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE2	22	0.33	0.13	0.34
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	22	0.31	0.15	0.3
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG21	22	0.24	0.09	0.24
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG12	22	0.24	0.09	0.24
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	22	0.17	0.06	0.15
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	22	0.14	0.03	0.12
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	22	0.14	0.03	0.12
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	22	0.14	0.03	0.12
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD12	1:366:A:GLU:H	21	1.53	0.37	1.62
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD11	1:366:A:GLU:H	21	1.53	0.37	1.62
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD13	1:366:A:GLU:H	21	1.53	0.37	1.62
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD21	1:315:A:TYR:H	21	1.15	0.33	1.23
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD22	1:315:A:TYR:H	21	1.15	0.33	1.23
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD23	1:315:A:TYR:H	21	1.15	0.33	1.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(2,82)	1:391:A:LEU:HD21	1:388:A:MET:HG3	21	1.11	0.21	1.19
(2,82)	1:391:A:LEU:HD22	1:388:A:MET:HG3	21	1.11	0.21	1.19
(2,82)	1:391:A:LEU:HD23	1:388:A:MET:HG3	21	1.11	0.21	1.19
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG21	1:274:A:LEU:HD22	21	0.77	0.47	0.83
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG23	1:266:A:LEU:HD21	21	0.77	0.47	0.83
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG21	1:266:A:LEU:HD21	21	0.77	0.47	0.83
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG22	1:274:A:LEU:HD23	21	0.77	0.47	0.83
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG22	1:266:A:LEU:HD21	21	0.77	0.47	0.83
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG21	1:266:A:LEU:HD23	21	0.77	0.47	0.83
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG23	1:266:A:LEU:HD22	21	0.77	0.47	0.83
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG21	1:274:A:LEU:HD21	21	0.77	0.47	0.83
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG22	1:266:A:LEU:HD23	21	0.77	0.47	0.83
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG22	1:274:A:LEU:HD21	21	0.77	0.47	0.83
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG22	1:266:A:LEU:HD22	21	0.77	0.47	0.83
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG21	1:274:A:LEU:HD23	21	0.77	0.47	0.83
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:255:A:LEU:HD13	21	0.68	0.35	0.62
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:255:A:LEU:HD12	21	0.68	0.35	0.62
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:255:A:LEU:HD11	21	0.68	0.35	0.62
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:253:A:THR:HG22	21	0.68	0.35	0.62
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:253:A:THR:HG21	21	0.68	0.35	0.62
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG22	21	0.66	0.26	0.68
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG23	21	0.66	0.26	0.68
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG21	21	0.66	0.26	0.68
(1,1386)	1:312:A:GLU:H	1:313:A:CYS:HB3	21	0.49	0.09	0.5
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD21	1:443:A:LEU:HA	21	0.48	0.02	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD22	1:443:A:LEU:HA	21	0.48	0.02	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD23	1:443:A:LEU:HA	21	0.48	0.02	0.47
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:253:A:THR:HG22	21	0.46	0.35	0.32
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:255:A:LEU:HD11	21	0.46	0.35	0.32
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:255:A:LEU:HD12	21	0.46	0.35	0.32
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:253:A:THR:HG21	21	0.46	0.35	0.32
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:253:A:THR:HG23	21	0.46	0.35	0.32
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:255:A:LEU:HD13	21	0.46	0.35	0.32
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HG21	21	0.38	0.13	0.36
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:HG21	21	0.38	0.13	0.36
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:HG21	21	0.38	0.13	0.36
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HG23	21	0.38	0.13	0.36
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:HG23	21	0.38	0.13	0.36
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:HG23	21	0.38	0.13	0.36
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:HG22	21	0.38	0.13	0.36
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD23	1:409:A:LEU:H	21	0.35	0.18	0.34
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD21	1:439:A:LEU:H	21	0.35	0.18	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD21	1:409:A:LEU:H	21	0.35	0.18	0.34
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD22	1:409:A:LEU:H	21	0.35	0.18	0.34
(1,3860)	1:308:A:LYS:HD3	1:304:A:GLN:HB2	21	0.35	0.21	0.28
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG2	21	0.34	0.16	0.31
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	21	0.34	0.16	0.31
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	21	0.32	0.13	0.31
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:310:A:LEU:HB2	21	0.32	0.13	0.31
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:278:A:LEU:HG	21	0.28	0.13	0.23
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HG12	21	0.28	0.13	0.23
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:272:A:ARG:HG2	21	0.28	0.13	0.23
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:281:A:LYS:HB2	21	0.28	0.13	0.23
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	21	0.18	0.04	0.19
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	21	0.18	0.04	0.19
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	21	0.18	0.04	0.19
(3,176)	1:407:A:PHE:O	1:411:A:CYS:H	21	0.14	0.02	0.14
(1,1619)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HG	21	0.13	0.02	0.13
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HB3	20	1.2	0.32	1.23
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HB3	20	1.2	0.32	1.23
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HB3	20	1.2	0.32	1.23
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD11	1:210:A:PRO:HD2	20	1.2	0.32	1.23
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD23	20	1.19	0.65	1.28
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD21	20	1.19	0.65	1.28
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD22	20	1.19	0.65	1.28
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD11	20	1.12	0.26	1.1
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD12	20	1.12	0.26	1.1
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD13	20	1.12	0.26	1.1
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD11	20	1.12	0.26	1.1
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD12	20	1.12	0.26	1.1
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD13	20	1.12	0.26	1.1
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD11	20	1.12	0.26	1.1
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD12	20	1.12	0.26	1.1
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD13	20	1.12	0.26	1.1
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD23	1:433:A:GLN:HG2	20	1.12	0.82	1.17
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD21	1:426:A:GLU:HG2	20	1.12	0.82	1.17
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:HG2	20	1.12	0.82	1.17
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD22	1:426:A:GLU:HG2	20	1.12	0.82	1.17
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD21	1:433:A:GLN:HG2	20	1.12	0.82	1.17
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD23	1:426:A:GLU:HG2	20	1.12	0.82	1.17
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:HB3	20	1.12	0.82	1.17
(1,6804)	1:267:A:LEU:HD21	1:212:A:VAL:HG11	20	1.08	0.49	1.12
(1,6804)	1:267:A:LEU:HD22	1:212:A:VAL:HG11	20	1.08	0.49	1.12
(1,6804)	1:283:A:LEU:HD22	1:306:A:LEU:HD23	20	1.08	0.49	1.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6804)	1:283:A:LEU:HD21	1:306:A:LEU:HD21	20	1.08	0.49	1.12
(1,6804)	1:267:A:LEU:HD22	1:212:A:VAL:HG13	20	1.08	0.49	1.12
(1,6804)	1:267:A:LEU:HD23	1:212:A:VAL:HG11	20	1.08	0.49	1.12
(1,6804)	1:267:A:LEU:HD21	1:212:A:VAL:HG13	20	1.08	0.49	1.12
(1,6804)	1:267:A:LEU:HD21	1:212:A:VAL:HG12	20	1.08	0.49	1.12
(1,6804)	1:267:A:LEU:HD23	1:212:A:VAL:HG12	20	1.08	0.49	1.12
(1,6804)	1:283:A:LEU:HD22	1:306:A:LEU:HD22	20	1.08	0.49	1.12
(1,6804)	1:283:A:LEU:HD23	1:306:A:LEU:HD22	20	1.08	0.49	1.12
(1,6655)	1:244:A:LYS:HD2	1:240:A:VAL:HB	20	0.83	0.6	0.78
(1,6655)	1:244:A:LYS:HD2	1:269:A:GLN:HB2	20	0.83	0.6	0.78
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:H	20	0.66	0.27	0.64
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:H	20	0.66	0.27	0.64
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:H	20	0.66	0.27	0.64
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD13	1:351:A:GLN:HE22	20	0.66	0.27	0.64
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD11	1:351:A:GLN:HE22	20	0.66	0.27	0.64
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD12	1:351:A:GLN:HE22	20	0.66	0.27	0.64
(1,5701)	1:302:A:GLU:HG2	1:305:A:ARG:HD3	20	0.63	0.34	0.58
(1,5701)	1:302:A:GLU:HG2	1:286:A:ARG:HD3	20	0.63	0.34	0.58
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD22	20	0.62	0.17	0.61
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD21	20	0.62	0.17	0.61
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD23	20	0.62	0.17	0.61
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG12	1:231:A:TYR:HD2	20	0.59	0.3	0.58
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG12	1:231:A:TYR:HD1	20	0.59	0.3	0.58
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG11	1:231:A:TYR:HD1	20	0.59	0.3	0.58
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG11	1:340:A:GLN:HE21	20	0.59	0.3	0.58
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG13	1:231:A:TYR:HD1	20	0.59	0.3	0.58
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG12	1:340:A:GLN:HE21	20	0.59	0.3	0.58
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG11	1:231:A:TYR:HD2	20	0.59	0.3	0.58
(1,6549)	1:337:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG22	20	0.56	0.27	0.54
(1,6549)	1:337:A:MET:HE2	1:230:A:ILE:HG22	20	0.56	0.27	0.54
(1,6549)	1:337:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG21	20	0.56	0.27	0.54
(1,6549)	1:337:A:MET:HE2	1:230:A:ILE:HG21	20	0.56	0.27	0.54
(1,6549)	1:337:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG21	20	0.56	0.27	0.54
(1,6549)	1:337:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG23	20	0.56	0.27	0.54
(1,6549)	1:337:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG22	20	0.56	0.27	0.54
(1,6549)	1:337:A:MET:HE2	1:230:A:ILE:HG23	20	0.56	0.27	0.54
(1,6549)	1:337:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG23	20	0.56	0.27	0.54
(1,6316)	1:425:A:LYS:HE2	1:426:A:GLU:H	20	0.52	0.31	0.52
(1,6316)	1:425:A:LYS:HE3	1:426:A:GLU:H	20	0.52	0.31	0.52
(1,6316)	1:421:A:LYS:HE3	1:419:A:GLY:H	20	0.52	0.31	0.52
(1,6316)	1:421:A:LYS:HE2	1:426:A:GLU:H	20	0.52	0.31	0.52
(1,6316)	1:425:A:LYS:HE2	1:416:A:LEU:H	20	0.52	0.31	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6316)	1:425:A:LYS:HE3	1:416:A:LEU:H	20	0.52	0.31	0.52
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE2	20	0.51	0.35	0.37
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE3	20	0.51	0.35	0.37
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE1	20	0.51	0.35	0.37
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD13	1:271:A:LEU:HB3	20	0.43	0.28	0.33
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD12	1:271:A:LEU:HB3	20	0.43	0.28	0.33
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD11	1:271:A:LEU:HB3	20	0.43	0.28	0.33
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD12	1:405:A:GLN:HA	20	0.42	0.16	0.38
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD11	1:405:A:GLN:HA	20	0.42	0.16	0.38
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD13	1:405:A:GLN:HA	20	0.42	0.16	0.38
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD13	1:371:A:VAL:HB	20	0.39	0.17	0.34
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD11	1:371:A:VAL:HB	20	0.39	0.17	0.34
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD12	1:371:A:VAL:HB	20	0.39	0.17	0.34
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD23	1:282:A:GLU:HG3	20	0.33	0.15	0.3
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD22	1:282:A:GLU:HG3	20	0.33	0.15	0.3
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD22	1:309:A:GLU:HG3	20	0.33	0.15	0.3
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD21	1:309:A:GLU:HG3	20	0.33	0.15	0.3
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD23	1:309:A:GLU:HG3	20	0.33	0.15	0.3
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD21	1:282:A:GLU:HG3	20	0.33	0.15	0.3
(1,4544)	1:253:A:THR:HG21	1:254:A:ASN:HB2	20	0.22	0.13	0.18
(1,4544)	1:253:A:THR:HG22	1:254:A:ASN:HB2	20	0.22	0.13	0.18
(1,4544)	1:253:A:THR:HG23	1:254:A:ASN:HB2	20	0.22	0.13	0.18
(1,2716)	1:222:A:LYS:HD2	1:223:A:TYR:H	20	0.15	0.02	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD11	20	0.14	0.03	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD12	20	0.14	0.03	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD13	20	0.14	0.03	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD11	20	0.14	0.03	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD12	20	0.14	0.03	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD13	20	0.14	0.03	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD11	20	0.14	0.03	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD12	20	0.14	0.03	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD13	20	0.14	0.03	0.14
(1,4095)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HD2	20	0.12	0.01	0.12
(1,4095)	1:222:A:LYS:HE2	1:222:A:LYS:HD3	20	0.12	0.01	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HB2	20	0.12	0.01	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HB2	20	0.12	0.01	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HB2	20	0.12	0.01	0.12
(1,3756)	1:345:A:VAL:HB	1:344:A:ILE:H	20	0.11	0.01	0.11
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD11	1:427:A:GLU:HG3	19	1.76	0.2	1.73
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD12	1:427:A:GLU:HG3	19	1.76	0.2	1.73
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD13	1:427:A:GLU:HG3	19	1.76	0.2	1.73
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD11	1:333:A:LEU:HA	19	1.14	0.02	1.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD12	1:333:A:LEU:HA	19	1.14	0.02	1.15
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD13	1:333:A:LEU:HA	19	1.14	0.02	1.15
(1,5707)	1:274:A:LEU:HD11	1:274:A:LEU:HA	19	1.06	0.08	1.08
(1,5707)	1:274:A:LEU:HD12	1:274:A:LEU:HA	19	1.06	0.08	1.08
(1,5707)	1:274:A:LEU:HD13	1:274:A:LEU:HA	19	1.06	0.08	1.08
(1,5707)	1:367:A:LEU:HD13	1:367:A:LEU:HA	19	1.06	0.08	1.08
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD22	1:271:A:LEU:HD21	19	0.97	0.46	0.88
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD22	1:194:A:LEU:HD13	19	0.97	0.46	0.88
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD23	1:194:A:LEU:HD11	19	0.97	0.46	0.88
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD22	1:278:A:LEU:HD12	19	0.97	0.46	0.88
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD22	1:194:A:LEU:HD12	19	0.97	0.46	0.88
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD21	1:194:A:LEU:HD13	19	0.97	0.46	0.88
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD22	1:194:A:LEU:HD11	19	0.97	0.46	0.88
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD21	1:278:A:LEU:HD22	19	0.97	0.46	0.88
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD23	1:194:A:LEU:HD12	19	0.97	0.46	0.88
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD21	1:194:A:LEU:HD11	19	0.97	0.46	0.88
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD21	19	0.91	0.14	0.91
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD22	19	0.91	0.14	0.91
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD23	19	0.91	0.14	0.91
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	19	0.9	0.17	0.84
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	19	0.9	0.17	0.84
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	19	0.9	0.17	0.84
(1,6342)	1:388:A:MET:HE2	1:387:A:THR:H	19	0.86	0.43	0.97
(1,6342)	1:388:A:MET:HE1	1:386:A:ALA:H	19	0.86	0.43	0.97
(1,6342)	1:388:A:MET:HE1	1:387:A:THR:H	19	0.86	0.43	0.97
(1,6342)	1:388:A:MET:HE3	1:387:A:THR:H	19	0.86	0.43	0.97
(1,6342)	1:388:A:MET:HE3	1:386:A:ALA:H	19	0.86	0.43	0.97
(1,6342)	1:388:A:MET:HE2	1:386:A:ALA:H	19	0.86	0.43	0.97
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD11	1:430:A:TRP:HZ2	19	0.85	0.43	0.87
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HZ2	19	0.85	0.43	0.87
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD13	1:430:A:TRP:HZ2	19	0.85	0.43	0.87
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD11	19	0.63	0.34	0.57
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD12	19	0.63	0.34	0.57
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD13	19	0.63	0.34	0.57
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD21	19	0.63	0.34	0.57
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD22	19	0.63	0.34	0.57
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD23	19	0.63	0.34	0.57
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD11	19	0.63	0.34	0.57
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD12	19	0.63	0.34	0.57
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD13	19	0.63	0.34	0.57
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD21	19	0.63	0.34	0.57
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD22	19	0.63	0.34	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD23	19	0.63	0.34	0.57
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG23	1:401:A:GLU:HG2	19	0.58	0.33	0.52
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG21	1:401:A:GLU:HG2	19	0.58	0.33	0.52
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG22	1:401:A:GLU:HG2	19	0.58	0.33	0.52
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG23	1:401:A:GLU:HG3	19	0.58	0.33	0.52
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG21	1:401:A:GLU:HG3	19	0.58	0.33	0.52
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG23	1:395:A:GLN:HG2	19	0.58	0.33	0.52
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG22	1:401:A:GLU:HG3	19	0.58	0.33	0.52
(1,1635)	1:246:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	19	0.52	0.28	0.52
(1,6731)	1:239:A:LYS:HD3	1:243:A:LEU:HD12	19	0.51	0.24	0.46
(1,6731)	1:239:A:LYS:HD3	1:243:A:LEU:HD11	19	0.51	0.24	0.46
(1,6731)	1:239:A:LYS:HD3	1:243:A:LEU:HD13	19	0.51	0.24	0.46
(1,3836)	1:187:A:LYS:HD2	1:188:A:PRO:HD3	19	0.49	0.14	0.52
(1,3836)	1:187:A:LYS:HD2	1:188:A:PRO:HD2	19	0.49	0.14	0.52
(1,5215)	1:364:A:VAL:H	1:367:A:LEU:HD23	19	0.46	0.26	0.42
(1,5215)	1:364:A:VAL:H	1:367:A:LEU:HD22	19	0.46	0.26	0.42
(1,5215)	1:364:A:VAL:H	1:367:A:LEU:HD21	19	0.46	0.26	0.42
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD21	1:334:A:GLU:HG2	19	0.37	0.22	0.28
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD22	1:334:A:GLU:HG2	19	0.37	0.22	0.28
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD23	1:334:A:GLU:HG2	19	0.37	0.22	0.28
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:265:A:SER:HB2	19	0.36	0.18	0.32
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:265:A:SER:HB3	19	0.36	0.18	0.32
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:242:A:GLU:HA	19	0.36	0.18	0.32
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:266:A:LEU:HA	19	0.36	0.18	0.32
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD11	19	0.33	0.05	0.34
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD12	19	0.33	0.05	0.34
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD13	19	0.33	0.05	0.34
(1,4697)	1:440:A:LYS:H	1:443:A:LEU:HD13	19	0.3	0.17	0.21
(1,4697)	1:440:A:LYS:H	1:443:A:LEU:HD11	19	0.3	0.17	0.21
(1,4697)	1:440:A:LYS:H	1:436:A:LEU:HD22	19	0.3	0.17	0.21
(1,4697)	1:247:A:TYR:H	1:266:A:LEU:HD21	19	0.3	0.17	0.21
(1,4697)	1:440:A:LYS:H	1:398:A:ILE:HG22	19	0.3	0.17	0.21
(1,4697)	1:247:A:TYR:H	1:266:A:LEU:HD12	19	0.3	0.17	0.21
(1,4697)	1:440:A:LYS:H	1:436:A:LEU:HD23	19	0.3	0.17	0.21
(1,4697)	1:247:A:TYR:H	1:266:A:LEU:HD23	19	0.3	0.17	0.21
(1,4697)	1:440:A:LYS:H	1:443:A:LEU:HD12	19	0.3	0.17	0.21
(1,4697)	1:440:A:LYS:H	1:398:A:ILE:HG21	19	0.3	0.17	0.21
(1,4697)	1:440:A:LYS:H	1:398:A:ILE:HG23	19	0.3	0.17	0.21
(1,4697)	1:247:A:TYR:H	1:266:A:LEU:HD22	19	0.3	0.17	0.21
(1,4993)	1:265:A:SER:H	1:268:A:LYS:HB3	19	0.24	0.1	0.2
(1,4993)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB3	19	0.24	0.1	0.2
(3,114)	1:326:A:ASP:O	1:330:A:ALA:H	19	0.14	0.03	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2105)	1:272:A:ARG:HG3	1:272:A:ARG:HD2	19	0.12	0.01	0.12
(1,2105)	1:272:A:ARG:HG2	1:272:A:ARG:HD2	19	0.12	0.01	0.12
(1,2105)	1:272:A:ARG:HG3	1:272:A:ARG:HD3	19	0.12	0.01	0.12
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:209:A:LEU:HG	18	1.6	0.76	1.88
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:255:A:LEU:HD23	18	1.6	0.76	1.88
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:274:A:LEU:HD22	18	1.6	0.76	1.88
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:271:A:LEU:HD23	18	1.6	0.76	1.88
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:194:A:LEU:HD11	18	1.6	0.76	1.88
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:194:A:LEU:HD13	18	1.6	0.76	1.88
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:271:A:LEU:HD22	18	1.6	0.76	1.88
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:255:A:LEU:HD22	18	1.6	0.76	1.88
(1,5407)	1:214:A:ARG:H	1:209:A:LEU:HG	18	1.59	0.4	1.62
(1,5407)	1:214:A:ARG:H	1:255:A:LEU:HD23	18	1.59	0.4	1.62
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG22	1:367:A:LEU:HD23	18	1.26	0.6	1.46
(1,6057)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HD22	18	1.26	0.6	1.46
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG22	1:367:A:LEU:HD21	18	1.26	0.6	1.46
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG23	1:367:A:LEU:HD23	18	1.26	0.6	1.46
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG23	1:367:A:LEU:HD21	18	1.26	0.6	1.46
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG22	1:367:A:LEU:HD22	18	1.26	0.6	1.46
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG21	1:367:A:LEU:HD23	18	1.26	0.6	1.46
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG22	1:323:A:VAL:HG11	18	1.26	0.6	1.46
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG21	1:323:A:VAL:HG11	18	1.26	0.6	1.46
(1,6057)	1:345:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HD22	18	1.26	0.6	1.46
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG21	1:323:A:VAL:HG12	18	1.26	0.6	1.46
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG21	1:216:A:CYS:HG	18	1.02	0.27	1.08
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG23	1:216:A:CYS:HG	18	1.02	0.27	1.08
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG22	1:216:A:CYS:HG	18	1.02	0.27	1.08
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG22	1:216:A:CYS:HB3	18	1.02	0.27	1.08
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG23	1:216:A:CYS:HB3	18	1.02	0.27	1.08
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG21	1:216:A:CYS:HB3	18	1.02	0.27	1.08
(1,2216)	1:203:A:MET:HE1	1:204:A:TYR:HD1	18	0.82	0.36	0.86
(1,2216)	1:203:A:MET:HE3	1:204:A:TYR:HD1	18	0.82	0.36	0.86
(1,2216)	1:203:A:MET:HE2	1:204:A:TYR:HD1	18	0.82	0.36	0.86
(1,2216)	1:203:A:MET:HE2	1:204:A:TYR:HD2	18	0.82	0.36	0.86
(1,2216)	1:203:A:MET:HE1	1:204:A:TYR:HD2	18	0.82	0.36	0.86
(1,2216)	1:203:A:MET:HE3	1:204:A:TYR:HD2	18	0.82	0.36	0.86
(1,6248)	1:317:A:LEU:HD21	1:320:A:TRP:HB3	18	0.81	0.2	0.82
(1,6248)	1:317:A:LEU:HD23	1:320:A:TRP:HB3	18	0.81	0.2	0.82
(1,6248)	1:317:A:LEU:HD22	1:320:A:TRP:HB3	18	0.81	0.2	0.82
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG12	1:274:A:LEU:HD21	18	0.77	0.17	0.8
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG11	1:274:A:LEU:HD23	18	0.77	0.17	0.8
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG13	1:274:A:LEU:HD22	18	0.77	0.17	0.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG13	1:266:A:LEU:HD21	18	0.77	0.17	0.8
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG13	1:274:A:LEU:HD21	18	0.77	0.17	0.8
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG11	1:274:A:LEU:HD22	18	0.77	0.17	0.8
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG12	1:274:A:LEU:HD22	18	0.77	0.17	0.8
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG11	1:274:A:LEU:HD21	18	0.77	0.17	0.8
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG12	1:271:A:LEU:HD23	18	0.77	0.17	0.8
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG13	1:271:A:LEU:HD23	18	0.77	0.17	0.8
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG12	1:274:A:LEU:HD23	18	0.77	0.17	0.8
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:279:A:LEU:HD21	18	0.72	1.0	0.42
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:279:A:LEU:HD22	18	0.72	1.0	0.42
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:279:A:LEU:HD23	18	0.72	1.0	0.42
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:318:A:ILE:HD11	18	0.72	1.0	0.42
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:318:A:ILE:HD13	18	0.72	1.0	0.42
(1,4977)	1:253:A:THR:H	1:251:A:GLU:HB2	18	0.66	0.46	0.44
(1,4977)	1:253:A:THR:H	1:255:A:LEU:HB2	18	0.66	0.46	0.44
(1,60)	1:375:A:GLN:HE22	1:378:A:LYS:HD2	18	0.63	0.35	0.57
(1,60)	1:375:A:GLN:HE22	1:378:A:LYS:HD3	18	0.63	0.35	0.57
(1,60)	1:375:A:GLN:HE22	1:378:A:LYS:HB2	18	0.63	0.35	0.57
(1,6296)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HE2	18	0.63	0.28	0.59
(1,6296)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HE3	18	0.63	0.28	0.59
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG11	18	0.59	0.11	0.57
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG12	18	0.59	0.11	0.57
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG13	18	0.59	0.11	0.57
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG11	18	0.56	0.19	0.56
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG12	18	0.56	0.19	0.56
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG13	18	0.56	0.19	0.56
(1,5951)	1:274:A:LEU:HD11	1:192:A:ILE:H	18	0.53	0.22	0.48
(1,5951)	1:274:A:LEU:HD13	1:192:A:ILE:H	18	0.53	0.22	0.48
(1,5951)	1:274:A:LEU:HD12	1:192:A:ILE:H	18	0.53	0.22	0.48
(1,5951)	1:367:A:LEU:HD11	1:304:A:GLN:HE21	18	0.53	0.22	0.48
(1,5951)	1:367:A:LEU:HD13	1:304:A:GLN:HE21	18	0.53	0.22	0.48
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD11	1:444:A:ARG:H	18	0.52	0.33	0.5
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD12	1:444:A:ARG:H	18	0.52	0.33	0.5
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD13	1:444:A:ARG:H	18	0.52	0.33	0.5
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD12	1:395:A:GLN:HE21	18	0.52	0.33	0.5
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD11	1:395:A:GLN:HE21	18	0.52	0.33	0.5
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HB3	18	0.52	0.34	0.44
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HB3	18	0.52	0.34	0.44
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HB3	18	0.52	0.34	0.44
(1,5948)	1:189:A:ILE:HD13	1:196:A:ASP:HB3	18	0.51	0.31	0.46
(1,5948)	1:189:A:ILE:HD12	1:196:A:ASP:HB3	18	0.51	0.31	0.46
(1,5948)	1:189:A:ILE:HD11	1:196:A:ASP:HB3	18	0.51	0.31	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG11	18	0.49	0.24	0.45
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG12	18	0.49	0.24	0.45
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG13	18	0.49	0.24	0.45
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:446:A:ALA:HB3	18	0.45	0.21	0.46
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:446:A:ALA:HB1	18	0.45	0.21	0.46
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:394:A:THR:HG21	18	0.45	0.21	0.46
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:394:A:THR:HG22	18	0.45	0.21	0.46
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:394:A:THR:HG23	18	0.45	0.21	0.46
(1,6853)	1:239:A:LYS:HD3	1:262:A:THR:HG22	18	0.45	0.24	0.43
(1,6853)	1:239:A:LYS:HD3	1:262:A:THR:HG21	18	0.45	0.24	0.43
(1,6853)	1:239:A:LYS:HD3	1:262:A:THR:HG23	18	0.45	0.24	0.43
(1,6221)	1:225:A:MET:HE2	1:331:A:LYS:HG2	18	0.45	0.22	0.43
(1,6221)	1:225:A:MET:HE1	1:331:A:LYS:HG2	18	0.45	0.22	0.43
(1,6221)	1:225:A:MET:HE3	1:331:A:LYS:HG2	18	0.45	0.22	0.43
(1,4035)	1:348:A:PRO:HD3	1:346:A:LEU:HB3	18	0.35	0.12	0.37
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB3	1:329:A:ILE:HG22	18	0.27	0.08	0.25
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB2	1:329:A:ILE:HG23	18	0.27	0.08	0.25
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB2	1:329:A:ILE:HG21	18	0.27	0.08	0.25
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB3	1:329:A:ILE:HG23	18	0.27	0.08	0.25
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB1	1:329:A:ILE:HG21	18	0.27	0.08	0.25
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB2	1:329:A:ILE:HG22	18	0.27	0.08	0.25
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB1	1:329:A:ILE:HG23	18	0.27	0.08	0.25
(1,5915)	1:352:A:ILE:HD13	1:357:A:LEU:HA	18	0.23	0.1	0.24
(1,5915)	1:352:A:ILE:HD12	1:357:A:LEU:HA	18	0.23	0.1	0.24
(1,5915)	1:352:A:ILE:HD11	1:357:A:LEU:HA	18	0.23	0.1	0.24
(1,2226)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HB2	18	0.21	0.0	0.21
(3,6)	1:196:A:ASP:O	1:200:A:ARG:H	18	0.14	0.04	0.13
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG11	18	0.14	0.01	0.14
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG12	18	0.14	0.01	0.14
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG13	18	0.14	0.01	0.14
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE1	18	0.12	0.01	0.12
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE2	18	0.12	0.01	0.12
(1,5835)	1:217:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD12	17	1.73	0.21	1.76
(1,5835)	1:217:A:ILE:HG21	1:209:A:LEU:HD12	17	1.73	0.21	1.76
(1,5835)	1:217:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD13	17	1.73	0.21	1.76
(1,5835)	1:207:A:ILE:HG23	1:209:A:LEU:HD11	17	1.73	0.21	1.76
(1,5835)	1:217:A:ILE:HG21	1:209:A:LEU:HD11	17	1.73	0.21	1.76
(1,5835)	1:217:A:ILE:HG23	1:209:A:LEU:HD12	17	1.73	0.21	1.76
(1,5835)	1:217:A:ILE:HG23	1:209:A:LEU:HD11	17	1.73	0.21	1.76
(1,5835)	1:207:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD12	17	1.73	0.21	1.76
(1,5835)	1:217:A:ILE:HG21	1:209:A:LEU:HD13	17	1.73	0.21	1.76
(1,5835)	1:217:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD11	17	1.73	0.21	1.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5835)	1:207:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD11	17	1.73	0.21	1.76
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:274:A:LEU:HD21	17	1.4	0.65	1.69
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:274:A:LEU:HD23	17	1.4	0.65	1.69
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:274:A:LEU:HD22	17	1.4	0.65	1.69
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:194:A:LEU:HD13	17	1.4	0.65	1.69
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:209:A:LEU:HG	17	1.4	0.65	1.69
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:194:A:LEU:HD11	17	1.4	0.65	1.69
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:271:A:LEU:HD22	17	1.4	0.65	1.69
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:194:A:LEU:HD12	17	1.4	0.65	1.69
(1,6263)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:H	17	1.25	0.24	1.35
(1,6263)	1:346:A:LEU:HD22	1:343:A:SER:H	17	1.25	0.24	1.35
(1,6263)	1:346:A:LEU:HD21	1:343:A:SER:H	17	1.25	0.24	1.35
(1,6263)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:H	17	1.25	0.24	1.35
(1,6263)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:H	17	1.25	0.24	1.35
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG21	17	0.95	0.06	0.94
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG22	17	0.95	0.06	0.94
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG23	17	0.95	0.06	0.94
(1,6368)	1:334:A:GLU:HG3	1:331:A:LYS:HD3	17	0.86	0.64	1.07
(1,6368)	1:334:A:GLU:HG3	1:333:A:LEU:HB2	17	0.86	0.64	1.07
(1,5200)	1:269:A:GLN:HE22	1:240:A:VAL:HG13	17	0.79	0.4	0.75
(1,5200)	1:269:A:GLN:HE22	1:244:A:LYS:HD2	17	0.79	0.4	0.75
(1,5200)	1:269:A:GLN:HE22	1:240:A:VAL:HG12	17	0.79	0.4	0.75
(1,5200)	1:269:A:GLN:HE22	1:240:A:VAL:HG11	17	0.79	0.4	0.75
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB1	1:263:A:VAL:HG11	17	0.71	0.06	0.72
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB1	1:263:A:VAL:HG13	17	0.71	0.06	0.72
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB3	1:263:A:VAL:HG13	17	0.71	0.06	0.72
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB2	1:263:A:VAL:HG12	17	0.71	0.06	0.72
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB3	1:263:A:VAL:HG12	17	0.71	0.06	0.72
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB2	1:263:A:VAL:HG13	17	0.71	0.06	0.72
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB3	1:263:A:VAL:HG11	17	0.71	0.06	0.72
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB1	1:263:A:VAL:HG12	17	0.71	0.06	0.72
(1,4867)	1:235:A:GLY:H	1:262:A:THR:HG23	17	0.67	0.27	0.73
(1,4867)	1:235:A:GLY:H	1:262:A:THR:HG22	17	0.67	0.27	0.73
(1,4867)	1:235:A:GLY:H	1:262:A:THR:HG21	17	0.67	0.27	0.73
(1,4867)	1:235:A:GLY:H	1:240:A:VAL:HG13	17	0.67	0.27	0.73
(1,2106)	1:377:A:MET:HB2	1:204:A:TYR:HE1	17	0.6	0.29	0.62
(1,2106)	1:377:A:MET:HB2	1:204:A:TYR:HE2	17	0.6	0.29	0.62
(1,2106)	1:377:A:MET:HB2	1:204:A:TYR:HD1	17	0.6	0.29	0.62
(1,6537)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HA	17	0.59	0.32	0.52
(1,6537)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HA	17	0.59	0.32	0.52
(1,6537)	1:194:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HA	17	0.59	0.32	0.52
(1,6537)	1:194:A:LEU:HD23	1:311:A:PRO:HD3	17	0.59	0.32	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6537)	1:194:A:LEU:HD23	1:275:A:PRO:HD3	17	0.59	0.32	0.52
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD11	1:304:A:GLN:HG3	17	0.57	0.27	0.47
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD12	1:304:A:GLN:HG3	17	0.57	0.27	0.47
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD13	1:304:A:GLN:HG3	17	0.57	0.27	0.47
(1,5844)	1:346:A:LEU:HD23	1:361:A:PHE:HE1	17	0.5	0.18	0.47
(1,5844)	1:346:A:LEU:HD21	1:349:A:THR:H	17	0.5	0.18	0.47
(1,5844)	1:346:A:LEU:HD22	1:349:A:THR:H	17	0.5	0.18	0.47
(1,5844)	1:346:A:LEU:HD23	1:349:A:THR:H	17	0.5	0.18	0.47
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE1	1:340:A:GLN:HG3	17	0.47	0.17	0.53
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE2	1:340:A:GLN:HG3	17	0.47	0.17	0.53
(1,6456)	1:197:A:ALA:HB2	1:274:A:LEU:HB3	17	0.45	0.24	0.39
(1,6456)	1:197:A:ALA:HB1	1:274:A:LEU:HB3	17	0.45	0.24	0.39
(1,6456)	1:197:A:ALA:HB3	1:274:A:LEU:HB3	17	0.45	0.24	0.39
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD11	17	0.45	0.11	0.49
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	17	0.45	0.11	0.49
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	17	0.45	0.11	0.49
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	17	0.45	0.11	0.49
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	17	0.45	0.11	0.49
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	17	0.45	0.11	0.49
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	17	0.45	0.11	0.49
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	17	0.45	0.11	0.49
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	17	0.45	0.11	0.49
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD22	1:305:A:ARG:H	17	0.43	0.24	0.45
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD21	1:364:A:VAL:H	17	0.43	0.24	0.45
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD23	1:364:A:VAL:H	17	0.43	0.24	0.45
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD22	1:364:A:VAL:H	17	0.43	0.24	0.45
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD23	1:305:A:ARG:H	17	0.43	0.24	0.45
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD21	1:305:A:ARG:H	17	0.43	0.24	0.45
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG21	1:342:A:ILE:HG13	17	0.42	0.15	0.42
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HG21	17	0.42	0.15	0.42
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HG21	17	0.42	0.15	0.42
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HG22	17	0.42	0.15	0.42
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HG23	17	0.42	0.15	0.42
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HG23	17	0.42	0.15	0.42
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG23	1:335:A:THR:HG22	17	0.42	0.15	0.42
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HG22	17	0.42	0.15	0.42
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD21	1:361:A:PHE:HZ	17	0.42	0.13	0.4
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD22	1:361:A:PHE:HZ	17	0.42	0.13	0.4
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD23	1:361:A:PHE:HZ	17	0.42	0.13	0.4
(1,3311)	1:346:A:LEU:HG	1:346:A:LEU:HB3	17	0.42	0.0	0.42
(1,6703)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:H	17	0.36	0.15	0.41
(1,6703)	1:329:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:H	17	0.36	0.15	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6703)	1:329:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:H	17	0.36	0.15	0.41
(1,5660)	1:284:A:MET:HE3	1:280:A:THR:HA	17	0.27	0.09	0.25
(1,5660)	1:284:A:MET:HE1	1:280:A:THR:HA	17	0.27	0.09	0.25
(1,5660)	1:284:A:MET:HE2	1:281:A:LYS:HA	17	0.27	0.09	0.25
(1,5660)	1:284:A:MET:HE3	1:281:A:LYS:HA	17	0.27	0.09	0.25
(1,5660)	1:284:A:MET:HE2	1:280:A:THR:HA	17	0.27	0.09	0.25
(1,5660)	1:284:A:MET:HE1	1:281:A:LYS:HA	17	0.27	0.09	0.25
(1,5648)	1:281:A:LYS:HE3	1:281:A:LYS:HG2	17	0.16	0.04	0.15
(1,5648)	1:374:A:LYS:HE2	1:374:A:LYS:HG2	17	0.16	0.04	0.15
(1,5648)	1:281:A:LYS:HE2	1:281:A:LYS:HG3	17	0.16	0.04	0.15
(1,5648)	1:281:A:LYS:HE3	1:281:A:LYS:HG3	17	0.16	0.04	0.15
(1,5648)	1:374:A:LYS:HE2	1:374:A:LYS:HG3	17	0.16	0.04	0.15
(1,5648)	1:374:A:LYS:HE3	1:374:A:LYS:HG2	17	0.16	0.04	0.15
(1,6329)	1:398:A:ILE:HG22	1:440:A:LYS:HG2	16	1.24	0.18	1.16
(1,6329)	1:398:A:ILE:HG21	1:440:A:LYS:HG2	16	1.24	0.18	1.16
(1,6329)	1:398:A:ILE:HG23	1:440:A:LYS:HG2	16	1.24	0.18	1.16
(1,6329)	1:398:A:ILE:HG23	1:399:A:LYS:HG2	16	1.24	0.18	1.16
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE1	1:307:A:LEU:HD21	16	0.87	0.43	0.96
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE1	1:307:A:LEU:HD23	16	0.87	0.43	0.96
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE1	1:310:A:LEU:HD13	16	0.87	0.43	0.96
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE1	1:310:A:LEU:HD11	16	0.87	0.43	0.96
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE2	1:310:A:LEU:HD12	16	0.87	0.43	0.96
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE1	1:310:A:LEU:HD12	16	0.87	0.43	0.96
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE1	1:307:A:LEU:HD22	16	0.87	0.43	0.96
(1,6639)	1:194:A:LEU:HD22	1:198:A:VAL:HB	16	0.8	0.37	0.72
(1,6639)	1:194:A:LEU:HD21	1:198:A:VAL:HB	16	0.8	0.37	0.72
(1,6639)	1:194:A:LEU:HD23	1:198:A:VAL:HB	16	0.8	0.37	0.72
(1,6639)	1:194:A:LEU:HD21	1:311:A:PRO:HB2	16	0.8	0.37	0.72
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HD12	16	0.74	0.41	0.71
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD22	1:209:A:LEU:HD11	16	0.74	0.41	0.71
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HD13	16	0.74	0.41	0.71
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HD12	16	0.74	0.41	0.71
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD23	1:209:A:LEU:HD12	16	0.74	0.41	0.71
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD22	1:209:A:LEU:HD12	16	0.74	0.41	0.71
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HD13	16	0.74	0.41	0.71
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HD12	16	0.74	0.41	0.71
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HD11	16	0.74	0.41	0.71
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HD11	16	0.74	0.41	0.71
(1,6222)	1:409:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HD22	16	0.69	0.31	0.82
(1,6222)	1:409:A:LEU:HD23	1:408:A:LEU:H	16	0.69	0.31	0.82
(1,6222)	1:409:A:LEU:HD22	1:408:A:LEU:H	16	0.69	0.31	0.82
(1,6222)	1:409:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HD22	16	0.69	0.31	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6222)	1:278:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:H	16	0.69	0.31	0.82
(1,6222)	1:409:A:LEU:HD21	1:408:A:LEU:H	16	0.69	0.31	0.82
(1,6222)	1:278:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:H	16	0.69	0.31	0.82
(1,6222)	1:278:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:H	16	0.69	0.31	0.82
(1,6677)	1:412:A:LEU:HD13	1:415:A:ASP:HB2	16	0.65	0.19	0.64
(1,6677)	1:412:A:LEU:HD11	1:415:A:ASP:HB2	16	0.65	0.19	0.64
(1,6677)	1:412:A:LEU:HD13	1:411:A:CYS:HB2	16	0.65	0.19	0.64
(1,6677)	1:412:A:LEU:HD12	1:415:A:ASP:HB2	16	0.65	0.19	0.64
(1,4152)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:HG2	16	0.62	0.07	0.6
(1,4152)	1:336:A:LYS:HE3	1:336:A:LYS:HG2	16	0.62	0.07	0.6
(1,5068)	1:205:A:ASP:H	1:202:A:MET:HE3	16	0.62	0.07	0.6
(1,5068)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HB3	16	0.62	0.07	0.6
(1,5068)	1:205:A:ASP:H	1:202:A:MET:HE1	16	0.62	0.07	0.6
(1,5068)	1:205:A:ASP:H	1:202:A:MET:HE2	16	0.62	0.07	0.6
(1,1658)	1:375:A:GLN:HE21	1:378:A:LYS:HD2	16	0.6	0.31	0.66
(1,1658)	1:375:A:GLN:HE21	1:378:A:LYS:HB3	16	0.6	0.31	0.66
(1,1658)	1:375:A:GLN:HE21	1:378:A:LYS:HB2	16	0.6	0.31	0.66
(1,1658)	1:375:A:GLN:HE21	1:378:A:LYS:HD3	16	0.6	0.31	0.66
(1,5847)	1:320:A:TRP:HE3	1:209:A:LEU:HG	16	0.57	0.22	0.63
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG21	1:358:A:TYR:HD1	16	0.46	0.21	0.48
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG23	1:303:A:PHE:HD2	16	0.46	0.21	0.48
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG22	1:358:A:TYR:HD1	16	0.46	0.21	0.48
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HD2	16	0.46	0.21	0.48
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG23	1:358:A:TYR:HD1	16	0.46	0.21	0.48
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HD2	16	0.46	0.21	0.48
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG21	1:358:A:TYR:HD2	16	0.46	0.21	0.48
(1,2110)	1:226:A:LYS:HG3	1:334:A:GLU:HG3	16	0.41	0.29	0.29
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG23	1:323:A:VAL:HG13	16	0.36	0.14	0.36
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG22	1:323:A:VAL:HG11	16	0.36	0.14	0.36
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG23	1:323:A:VAL:HG11	16	0.36	0.14	0.36
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG21	1:323:A:VAL:HG11	16	0.36	0.14	0.36
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG22	1:323:A:VAL:HG12	16	0.36	0.14	0.36
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG23	1:323:A:VAL:HG12	16	0.36	0.14	0.36
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG21	1:350:A:VAL:HG12	16	0.36	0.14	0.36
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG21	1:323:A:VAL:HG12	16	0.36	0.14	0.36
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG21	1:323:A:VAL:HG13	16	0.36	0.14	0.36
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG22	1:323:A:VAL:HG13	16	0.36	0.14	0.36
(1,5211)	1:428:A:ARG:H	1:425:A:LYS:HD3	16	0.34	0.22	0.28
(1,5211)	1:428:A:ARG:H	1:425:A:LYS:HD2	16	0.34	0.22	0.28
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG11	16	0.34	0.18	0.3
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG12	16	0.34	0.18	0.3
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG13	16	0.34	0.18	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG11	16	0.34	0.18	0.3
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG12	16	0.34	0.18	0.3
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG13	16	0.34	0.18	0.3
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD21	16	0.33	0.13	0.32
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD22	16	0.33	0.13	0.32
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD23	16	0.33	0.13	0.32
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD11	16	0.33	0.13	0.32
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD12	16	0.33	0.13	0.32
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD13	16	0.33	0.13	0.32
(1,4911)	1:269:A:GLN:HE21	1:268:A:LYS:HG3	16	0.31	0.13	0.3
(1,4849)	1:359:A:VAL:H	1:356:A:VAL:HG22	16	0.18	0.06	0.17
(1,4849)	1:359:A:VAL:H	1:356:A:VAL:HG21	16	0.18	0.06	0.17
(1,4849)	1:359:A:VAL:H	1:356:A:VAL:HG23	16	0.18	0.06	0.17
(1,4508)	1:336:A:LYS:HD2	1:335:A:THR:H	16	0.17	0.04	0.16
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG21	16	0.16	0.03	0.17
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG22	16	0.16	0.03	0.17
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG23	16	0.16	0.03	0.17
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG11	16	0.15	0.04	0.14
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG12	16	0.15	0.04	0.14
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG13	16	0.15	0.04	0.14
(1,5908)	1:380:A:LEU:HD13	1:382:A:TRP:HB2	15	1.05	0.74	1.1
(1,5908)	1:380:A:LEU:HD13	1:381:A:ARG:HD2	15	1.05	0.74	1.1
(1,5908)	1:380:A:LEU:HD12	1:382:A:TRP:HB2	15	1.05	0.74	1.1
(1,5908)	1:380:A:LEU:HD11	1:382:A:TRP:HB2	15	1.05	0.74	1.1
(1,5908)	1:380:A:LEU:HD11	1:381:A:ARG:HD2	15	1.05	0.74	1.1
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD12	1:255:A:LEU:HD11	15	0.86	0.52	0.77
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD13	1:255:A:LEU:HD12	15	0.86	0.52	0.77
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD13	1:255:A:LEU:HD13	15	0.86	0.52	0.77
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD11	1:255:A:LEU:HD12	15	0.86	0.52	0.77
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD12	1:255:A:LEU:HD13	15	0.86	0.52	0.77
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD13	1:253:A:THR:HG22	15	0.86	0.52	0.77
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD11	1:253:A:THR:HG22	15	0.86	0.52	0.77
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD11	1:253:A:THR:HG23	15	0.86	0.52	0.77
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD11	1:255:A:LEU:HD13	15	0.86	0.52	0.77
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD13	1:255:A:LEU:HD11	15	0.86	0.52	0.77
(1,6365)	1:359:A:VAL:HG13	1:360:A:PHE:HB3	15	0.85	0.33	0.95
(1,6365)	1:359:A:VAL:HG11	1:360:A:PHE:HB3	15	0.85	0.33	0.95
(1,6365)	1:359:A:VAL:HG12	1:360:A:PHE:HB3	15	0.85	0.33	0.95
(1,4042)	1:239:A:LYS:HD3	1:242:A:GLU:HB3	15	0.76	0.37	0.73
(1,4042)	1:239:A:LYS:HD3	1:242:A:GLU:HB2	15	0.76	0.37	0.73
(1,4042)	1:239:A:LYS:HD3	1:242:A:GLU:HG2	15	0.76	0.37	0.73
(1,5930)	1:363:A:HIS:HD2	1:300:A:VAL:HG21	15	0.72	0.38	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5930)	1:363:A:HIS:HD2	1:300:A:VAL:HG22	15	0.72	0.38	0.64
(1,5930)	1:320:A:TRP:HZ3	1:373:A:LEU:HD21	15	0.72	0.38	0.64
(1,5930)	1:363:A:HIS:HD2	1:300:A:VAL:HG23	15	0.72	0.38	0.64
(1,5930)	1:320:A:TRP:HZ3	1:373:A:LEU:HD23	15	0.72	0.38	0.64
(1,5930)	1:320:A:TRP:HZ3	1:373:A:LEU:HD22	15	0.72	0.38	0.64
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD22	1:266:A:LEU:HD21	15	0.66	0.41	0.6
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD22	1:255:A:LEU:HD23	15	0.66	0.41	0.6
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD23	1:255:A:LEU:HD23	15	0.66	0.41	0.6
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD23	1:266:A:LEU:HD22	15	0.66	0.41	0.6
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD21	1:266:A:LEU:HD22	15	0.66	0.41	0.6
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD22	1:255:A:LEU:HD22	15	0.66	0.41	0.6
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD23	1:255:A:LEU:HD21	15	0.66	0.41	0.6
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD21	1:255:A:LEU:HD23	15	0.66	0.41	0.6
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD21	1:255:A:LEU:HD21	15	0.66	0.41	0.6
(1,5482)	1:398:A:ILE:H	1:400:A:GLU:HG2	15	0.6	0.28	0.48
(1,5482)	1:398:A:ILE:H	1:395:A:GLN:HG2	15	0.6	0.28	0.48
(1,5482)	1:398:A:ILE:H	1:401:A:GLU:HG2	15	0.6	0.28	0.48
(1,5328)	1:185:A:ASN:HD21	1:187:A:LYS:HB2	15	0.58	0.19	0.55
(1,5328)	1:185:A:ASN:HD21	1:189:A:ILE:HG12	15	0.58	0.19	0.55
(1,5328)	1:185:A:ASN:HD21	1:200:A:ARG:HG2	15	0.58	0.19	0.55
(1,6875)	1:423:A:LEU:HD21	1:430:A:TRP:HH2	15	0.55	0.24	0.46
(1,6875)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HD2	15	0.55	0.24	0.46
(1,6875)	1:423:A:LEU:HD22	1:430:A:TRP:HH2	15	0.55	0.24	0.46
(1,6875)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HD2	15	0.55	0.24	0.46
(1,6875)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HD1	15	0.55	0.24	0.46
(1,6875)	1:423:A:LEU:HD23	1:430:A:TRP:HH2	15	0.55	0.24	0.46
(1,6875)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HD2	15	0.55	0.24	0.46
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD11	15	0.55	0.27	0.46
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD12	15	0.55	0.27	0.46
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD13	15	0.55	0.27	0.46
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD21	1:440:A:LYS:HA	15	0.53	0.29	0.47
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:HA	15	0.53	0.29	0.47
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:HA	15	0.53	0.29	0.47
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD23	1:395:A:GLN:HA	15	0.53	0.29	0.47
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD23	1:399:A:LYS:HA	15	0.53	0.29	0.47
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD22	1:440:A:LYS:HA	15	0.53	0.29	0.47
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD22	1:395:A:GLN:HA	15	0.53	0.29	0.47
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD23	1:440:A:LYS:HA	15	0.53	0.29	0.47
(1,4860)	1:261:A:ASN:HD21	1:233:A:VAL:HA	15	0.48	0.21	0.47
(1,4860)	1:261:A:ASN:HD21	1:230:A:ILE:HA	15	0.48	0.21	0.47
(1,5591)	1:272:A:ARG:HD2	1:349:A:THR:HB	15	0.45	0.23	0.4
(1,5591)	1:268:A:LYS:HE2	1:349:A:THR:HB	15	0.45	0.23	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6363)	1:266:A:LEU:HD11	1:244:A:LYS:HA	15	0.36	0.15	0.35
(1,6363)	1:266:A:LEU:HD13	1:244:A:LYS:HA	15	0.36	0.15	0.35
(1,6363)	1:266:A:LEU:HD12	1:240:A:VAL:HA	15	0.36	0.15	0.35
(1,6363)	1:266:A:LEU:HD12	1:244:A:LYS:HA	15	0.36	0.15	0.35
(1,5263)	1:419:A:GLY:H	1:416:A:LEU:HB3	15	0.3	0.12	0.3
(1,5263)	1:419:A:GLY:H	1:421:A:LYS:HD3	15	0.3	0.12	0.3
(1,5263)	1:419:A:GLY:H	1:416:A:LEU:HG	15	0.3	0.12	0.3
(1,6297)	1:297:A:THR:HG23	1:298:A:GLU:HG2	15	0.26	0.1	0.26
(1,6297)	1:297:A:THR:HG21	1:298:A:GLU:HG2	15	0.26	0.1	0.26
(1,6297)	1:297:A:THR:HG22	1:298:A:GLU:HG2	15	0.26	0.1	0.26
(1,5341)	1:302:A:GLU:H	1:303:A:PHE:HE1	15	0.26	0.16	0.19
(1,5341)	1:289:A:GLU:H	1:303:A:PHE:HE1	15	0.26	0.16	0.19
(1,5341)	1:302:A:GLU:H	1:303:A:PHE:HE2	15	0.26	0.16	0.19
(1,2124)	1:187:A:LYS:HD2	1:187:A:LYS:H	15	0.24	0.06	0.25
(1,2124)	1:187:A:LYS:HD3	1:187:A:LYS:H	15	0.24	0.06	0.25
(1,5978)	1:272:A:ARG:HG2	1:349:A:THR:HB	15	0.21	0.06	0.2
(1,5978)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HB	15	0.21	0.06	0.2
(1,5978)	1:272:A:ARG:HG2	1:273:A:ASP:HA	15	0.21	0.06	0.2
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD11	1:412:A:LEU:HA	15	0.2	0.09	0.18
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD12	1:412:A:LEU:HA	15	0.2	0.09	0.18
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD13	1:412:A:LEU:HA	15	0.2	0.09	0.18
(1,1720)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HA	15	0.18	0.05	0.17
(1,404)	1:370:A:ASN:HD21	1:369:A:GLY:HA3	15	0.18	0.03	0.17
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG21	15	0.16	0.13	0.12
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG22	15	0.16	0.13	0.12
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG23	15	0.16	0.13	0.12
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD11	1:340:A:GLN:HG2	15	0.13	0.03	0.12
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD12	1:340:A:GLN:HG2	15	0.13	0.03	0.12
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD13	1:340:A:GLN:HG2	15	0.13	0.03	0.12
(1,2521)	1:365:A:GLN:HG2	1:365:A:GLN:H	15	0.13	0.01	0.13
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD22	14	0.97	0.26	1.04
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD22	14	0.97	0.26	1.04
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD22	14	0.97	0.26	1.04
(1,6376)	1:377:A:MET:HE2	1:408:A:LEU:HD21	14	0.87	0.55	0.7
(1,6376)	1:377:A:MET:HE3	1:436:A:LEU:HD21	14	0.87	0.55	0.7
(1,6376)	1:377:A:MET:HE3	1:408:A:LEU:HD21	14	0.87	0.55	0.7
(1,6376)	1:377:A:MET:HE1	1:436:A:LEU:HD23	14	0.87	0.55	0.7
(1,6376)	1:377:A:MET:HE3	1:408:A:LEU:HD23	14	0.87	0.55	0.7
(1,6376)	1:377:A:MET:HE1	1:439:A:LEU:HD23	14	0.87	0.55	0.7
(1,6376)	1:377:A:MET:HE1	1:435:A:ILE:HG21	14	0.87	0.55	0.7
(1,6376)	1:377:A:MET:HE1	1:435:A:ILE:HG22	14	0.87	0.55	0.7
(1,6376)	1:377:A:MET:HE1	1:408:A:LEU:HD22	14	0.87	0.55	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6376)	1:377:A:MET:HE2	1:408:A:LEU:HD22	14	0.87	0.55	0.7
(1,6376)	1:377:A:MET:HE2	1:436:A:LEU:HD22	14	0.87	0.55	0.7
(1,6376)	1:377:A:MET:HE2	1:439:A:LEU:HD22	14	0.87	0.55	0.7
(1,6376)	1:377:A:MET:HE2	1:408:A:LEU:HD23	14	0.87	0.55	0.7
(1,6376)	1:377:A:MET:HE1	1:408:A:LEU:HD23	14	0.87	0.55	0.7
(1,6546)	1:367:A:LEU:HD21	1:363:A:HIS:HB3	14	0.74	0.29	0.7
(1,6546)	1:367:A:LEU:HD23	1:363:A:HIS:HB3	14	0.74	0.29	0.7
(1,6546)	1:367:A:LEU:HD22	1:363:A:HIS:HB3	14	0.74	0.29	0.7
(1,6532)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HE2	14	0.58	0.23	0.68
(1,6532)	1:228:A:GLU:HG3	1:227:A:CYS:HB3	14	0.58	0.23	0.68
(1,6532)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HE3	14	0.58	0.23	0.68
(1,5964)	1:289:A:GLU:HB3	1:306:A:LEU:HD22	14	0.55	0.19	0.53
(1,5964)	1:289:A:GLU:HB3	1:306:A:LEU:HD21	14	0.55	0.19	0.53
(1,5964)	1:289:A:GLU:HB3	1:306:A:LEU:HD23	14	0.55	0.19	0.53
(1,5121)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HD12	14	0.55	0.32	0.54
(1,5121)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HD13	14	0.55	0.32	0.54
(1,5121)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HD11	14	0.55	0.32	0.54
(1,5729)	1:300:A:VAL:HG12	1:296:A:GLU:HG2	14	0.49	0.09	0.5
(1,5729)	1:300:A:VAL:HG13	1:296:A:GLU:HG2	14	0.49	0.09	0.5
(1,5729)	1:300:A:VAL:HG11	1:296:A:GLU:HG2	14	0.49	0.09	0.5
(1,5729)	1:300:A:VAL:HG11	1:296:A:GLU:HG3	14	0.49	0.09	0.5
(1,5729)	1:300:A:VAL:HG13	1:301:A:GLN:HG2	14	0.49	0.09	0.5
(1,5729)	1:300:A:VAL:HG12	1:296:A:GLU:HG3	14	0.49	0.09	0.5
(1,6161)	1:255:A:LEU:HD21	1:212:A:VAL:HG23	14	0.44	0.27	0.33
(1,6161)	1:274:A:LEU:HD22	1:212:A:VAL:HG21	14	0.44	0.27	0.33
(1,6161)	1:255:A:LEU:HD23	1:212:A:VAL:HG22	14	0.44	0.27	0.33
(1,6161)	1:274:A:LEU:HD21	1:212:A:VAL:HG22	14	0.44	0.27	0.33
(1,6161)	1:255:A:LEU:HD23	1:212:A:VAL:HG23	14	0.44	0.27	0.33
(1,6161)	1:255:A:LEU:HD22	1:212:A:VAL:HG22	14	0.44	0.27	0.33
(1,6161)	1:274:A:LEU:HD23	1:212:A:VAL:HG21	14	0.44	0.27	0.33
(1,6161)	1:274:A:LEU:HD23	1:212:A:VAL:HG22	14	0.44	0.27	0.33
(1,6161)	1:274:A:LEU:HD22	1:212:A:VAL:HG23	14	0.44	0.27	0.33
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD21	14	0.43	0.23	0.38
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD22	14	0.43	0.23	0.38
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD23	14	0.43	0.23	0.38
(1,4871)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HD11	14	0.41	0.18	0.4
(1,4871)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HD12	14	0.41	0.18	0.4
(1,4871)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HD13	14	0.41	0.18	0.4
(1,1618)	1:357:A:LEU:H	1:346:A:LEU:HB3	14	0.36	0.19	0.32
(1,6238)	1:364:A:VAL:HG22	1:324:A:HIS:H	14	0.35	0.17	0.31
(1,6238)	1:364:A:VAL:HG23	1:324:A:HIS:H	14	0.35	0.17	0.31
(1,6238)	1:364:A:VAL:HG21	1:324:A:HIS:H	14	0.35	0.17	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:HE2	14	0.29	0.09	0.29
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:HE2	14	0.29	0.09	0.29
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD23	1:399:A:LYS:HE2	14	0.29	0.09	0.29
(1,5311)	1:331:A:LYS:H	1:335:A:THR:HG21	14	0.26	0.12	0.22
(1,5311)	1:331:A:LYS:H	1:335:A:THR:HG22	14	0.26	0.12	0.22
(1,5311)	1:331:A:LYS:H	1:335:A:THR:HG23	14	0.26	0.12	0.22
(1,5346)	1:370:A:ASN:H	1:323:A:VAL:HG23	14	0.24	0.08	0.24
(1,5346)	1:370:A:ASN:H	1:323:A:VAL:HG21	14	0.24	0.08	0.24
(1,5346)	1:370:A:ASN:H	1:371:A:VAL:HG11	14	0.24	0.08	0.24
(1,5346)	1:370:A:ASN:H	1:323:A:VAL:HG22	14	0.24	0.08	0.24
(1,6224)	1:439:A:LEU:HD13	1:403:A:ARG:H	14	0.23	0.06	0.22
(1,6224)	1:439:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	14	0.23	0.06	0.22
(1,6224)	1:439:A:LEU:HD13	1:438:A:ALA:H	14	0.23	0.06	0.22
(1,6224)	1:439:A:LEU:HD12	1:403:A:ARG:H	14	0.23	0.06	0.22
(1,6224)	1:439:A:LEU:HD11	1:438:A:ALA:H	14	0.23	0.06	0.22
(1,973)	1:395:A:GLN:HE21	1:395:A:GLN:HG2	14	0.19	0.01	0.19
(3,121)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:N	14	0.14	0.02	0.14
(1,2436)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HE22	14	0.14	0.04	0.14
(1,2436)	1:272:A:ARG:HD2	1:269:A:GLN:HE22	14	0.14	0.04	0.14
(1,1919)	1:282:A:GLU:H	1:280:A:THR:HG1	14	0.13	0.04	0.12
(1,5862)	1:307:A:LEU:HD23	1:304:A:GLN:HA	13	1.87	0.53	1.99
(1,5862)	1:307:A:LEU:HD22	1:304:A:GLN:HA	13	1.87	0.53	1.99
(1,5862)	1:307:A:LEU:HD21	1:304:A:GLN:HA	13	1.87	0.53	1.99
(1,5789)	1:429:A:LEU:HD21	1:433:A:GLN:HG3	13	1.28	0.45	1.32
(1,5789)	1:429:A:LEU:HD23	1:433:A:GLN:HG3	13	1.28	0.45	1.32
(1,5789)	1:429:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:HG3	13	1.28	0.45	1.32
(1,5789)	1:278:A:LEU:HD12	1:350:A:VAL:HB	13	1.28	0.45	1.32
(1,5789)	1:278:A:LEU:HD11	1:350:A:VAL:HB	13	1.28	0.45	1.32
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD21	13	1.17	0.44	1.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD22	13	1.17	0.44	1.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD23	13	1.17	0.44	1.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD21	13	1.17	0.44	1.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD22	13	1.17	0.44	1.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD23	13	1.17	0.44	1.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD21	13	1.17	0.44	1.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD22	13	1.17	0.44	1.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD23	13	1.17	0.44	1.23
(1,6877)	1:212:A:VAL:HG21	1:270:A:TYR:H	13	1.16	0.33	1.13
(1,6877)	1:212:A:VAL:HG22	1:270:A:TYR:H	13	1.16	0.33	1.13
(1,6877)	1:212:A:VAL:HG23	1:270:A:TYR:H	13	1.16	0.33	1.13
(1,6878)	1:307:A:LEU:HD12	1:360:A:PHE:HZ	13	0.95	0.52	0.76
(1,6878)	1:307:A:LEU:HD13	1:360:A:PHE:HZ	13	0.95	0.52	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6878)	1:307:A:LEU:HD11	1:360:A:PHE:HZ	13	0.95	0.52	0.76
(1,5871)	1:305:A:ARG:HD2	1:305:A:ARG:HB2	13	0.88	0.22	0.93
(1,5871)	1:305:A:ARG:HD2	1:305:A:ARG:HB3	13	0.88	0.22	0.93
(1,6141)	1:409:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG22	13	0.77	0.37	0.79
(1,6141)	1:409:A:LEU:HD23	1:432:A:VAL:HG23	13	0.77	0.37	0.79
(1,6141)	1:278:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HB3	13	0.77	0.37	0.79
(1,6141)	1:409:A:LEU:HD23	1:432:A:VAL:HG12	13	0.77	0.37	0.79
(1,6141)	1:409:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG11	13	0.77	0.37	0.79
(1,6141)	1:278:A:LEU:HD23	1:271:A:LEU:HB3	13	0.77	0.37	0.79
(1,6141)	1:409:A:LEU:HD23	1:432:A:VAL:HG13	13	0.77	0.37	0.79
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:H	13	0.71	0.43	0.69
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:H	13	0.71	0.43	0.69
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:H	13	0.71	0.43	0.69
(1,6008)	1:316:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HD13	13	0.67	0.35	0.69
(1,6008)	1:316:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HD13	13	0.67	0.35	0.69
(1,6008)	1:316:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HD11	13	0.67	0.35	0.69
(1,6008)	1:316:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HD11	13	0.67	0.35	0.69
(1,6008)	1:316:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HD12	13	0.67	0.35	0.69
(1,6008)	1:316:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HD13	13	0.67	0.35	0.69
(1,6008)	1:316:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HD12	13	0.67	0.35	0.69
(1,260)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HG2	13	0.58	0.05	0.59
(1,6792)	1:258:A:TYR:HD2	1:240:A:VAL:HG21	13	0.57	0.32	0.6
(1,6792)	1:258:A:TYR:HD1	1:240:A:VAL:HG23	13	0.57	0.32	0.6
(1,6792)	1:258:A:TYR:HD2	1:240:A:VAL:HG22	13	0.57	0.32	0.6
(1,6792)	1:258:A:TYR:HD2	1:240:A:VAL:HG23	13	0.57	0.32	0.6
(1,6792)	1:258:A:TYR:HD1	1:240:A:VAL:HG22	13	0.57	0.32	0.6
(1,3656)	1:226:A:LYS:HB2	1:334:A:GLU:HG3	13	0.54	0.27	0.6
(1,6556)	1:263:A:VAL:HG13	1:255:A:LEU:HB3	13	0.54	0.33	0.52
(1,6556)	1:263:A:VAL:HG11	1:255:A:LEU:HB3	13	0.54	0.33	0.52
(1,6556)	1:263:A:VAL:HG12	1:255:A:LEU:HB3	13	0.54	0.33	0.52
(1,5848)	1:377:A:MET:HG3	1:376:A:VAL:HA	13	0.53	0.2	0.52
(1,5848)	1:183:A:MET:HG3	1:182:A:HIS:HA	13	0.53	0.2	0.52
(1,5848)	1:377:A:MET:HG3	1:405:A:GLN:HA	13	0.53	0.2	0.52
(1,2415)	1:336:A:LYS:HE2	1:337:A:MET:H	13	0.46	0.18	0.46
(1,2415)	1:336:A:LYS:HE3	1:337:A:MET:H	13	0.46	0.18	0.46
(1,5604)	1:412:A:LEU:HD23	1:409:A:LEU:H	13	0.43	0.15	0.44
(1,5604)	1:412:A:LEU:HD22	1:409:A:LEU:H	13	0.43	0.15	0.44
(1,5604)	1:412:A:LEU:HD21	1:409:A:LEU:H	13	0.43	0.15	0.44
(1,2245)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:HE3	13	0.43	0.28	0.32
(1,2245)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:HE2	13	0.43	0.28	0.32
(1,2554)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG2	13	0.4	0.23	0.28
(1,5163)	1:327:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HG	13	0.4	0.27	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5163)	1:327:A:HIS:H	1:364:A:VAL:HG13	13	0.4	0.27	0.34
(1,5163)	1:327:A:HIS:H	1:364:A:VAL:HG11	13	0.4	0.27	0.34
(1,5163)	1:327:A:HIS:H	1:364:A:VAL:HG12	13	0.4	0.27	0.34
(1,5074)	1:202:A:MET:H	1:200:A:ARG:HG3	13	0.39	0.3	0.26
(1,1348)	1:249:A:ARG:H	1:251:A:GLU:HG2	13	0.38	0.17	0.33
(1,1348)	1:249:A:ARG:H	1:251:A:GLU:HG3	13	0.38	0.17	0.33
(1,4735)	1:219:A:TYR:H	1:223:A:TYR:HD2	13	0.37	0.2	0.29
(1,4735)	1:219:A:TYR:H	1:219:A:TYR:HE2	13	0.37	0.2	0.29
(1,340)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HB3	13	0.36	0.03	0.36
(1,70)	1:297:A:THR:H	1:296:A:GLU:HB3	13	0.3	0.14	0.28
(1,5819)	1:284:A:MET:HE1	1:351:A:GLN:HA	13	0.29	0.14	0.31
(1,5819)	1:284:A:MET:HE2	1:351:A:GLN:HA	13	0.29	0.14	0.31
(1,5819)	1:284:A:MET:HE3	1:351:A:GLN:HA	13	0.29	0.14	0.31
(1,6241)	1:217:A:ILE:HG22	1:375:A:GLN:H	13	0.29	0.12	0.27
(1,6241)	1:217:A:ILE:HG22	1:324:A:HIS:H	13	0.29	0.12	0.27
(1,6241)	1:217:A:ILE:HG23	1:375:A:GLN:H	13	0.29	0.12	0.27
(1,6241)	1:217:A:ILE:HG21	1:375:A:GLN:H	13	0.29	0.12	0.27
(1,6241)	1:217:A:ILE:HG23	1:324:A:HIS:H	13	0.29	0.12	0.27
(1,6669)	1:279:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:H	13	0.29	0.22	0.18
(1,6669)	1:279:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:H	13	0.29	0.22	0.18
(1,6669)	1:279:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:H	13	0.29	0.22	0.18
(1,6669)	1:279:A:LEU:HD12	1:287:A:PHE:H	13	0.29	0.22	0.18
(1,2714)	1:348:A:PRO:HD2	1:346:A:LEU:HB3	13	0.28	0.05	0.28
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD12	1:345:A:VAL:HG21	13	0.26	0.11	0.26
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD12	1:230:A:ILE:HG21	13	0.26	0.11	0.26
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD13	1:230:A:ILE:HG23	13	0.26	0.11	0.26
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:HG21	13	0.26	0.11	0.26
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD12	1:230:A:ILE:HG22	13	0.26	0.11	0.26
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD13	1:230:A:ILE:HG21	13	0.26	0.11	0.26
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD11	1:345:A:VAL:HG23	13	0.26	0.11	0.26
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:HG23	13	0.26	0.11	0.26
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD13	1:345:A:VAL:HG22	13	0.26	0.11	0.26
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD11	1:345:A:VAL:HG21	13	0.26	0.11	0.26
(1,853)	1:369:A:GLY:H	1:369:A:GLY:HA2	13	0.14	0.02	0.15
(2,17)	1:325:A:MET:H	1:213:A:PHE:HZ	13	0.13	0.01	0.12
(1,6486)	1:272:A:ARG:HG2	1:273:A:ASP:HB3	12	1.12	0.24	1.13
(1,6486)	1:272:A:ARG:HG3	1:269:A:GLN:HG2	12	1.12	0.24	1.13
(1,6486)	1:272:A:ARG:HG2	1:350:A:VAL:HB	12	1.12	0.24	1.13
(1,6486)	1:272:A:ARG:HG3	1:273:A:ASP:HB3	12	1.12	0.24	1.13
(1,5709)	1:212:A:VAL:HG23	1:216:A:CYS:HG	12	1.0	0.51	1.25
(1,5709)	1:212:A:VAL:HG23	1:213:A:PHE:HB3	12	1.0	0.51	1.25
(1,5709)	1:212:A:VAL:HG22	1:213:A:PHE:HB3	12	1.0	0.51	1.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5709)	1:212:A:VAL:HG21	1:213:A:PHE:HB3	12	1.0	0.51	1.25
(1,5709)	1:212:A:VAL:HG21	1:216:A:CYS:HG	12	1.0	0.51	1.25
(1,3131)	1:203:A:MET:HE1	1:215:A:GLU:HG3	12	0.99	0.17	0.9
(1,3131)	1:203:A:MET:HE2	1:215:A:GLU:HG3	12	0.99	0.17	0.9
(1,3131)	1:203:A:MET:HE3	1:215:A:GLU:HG3	12	0.99	0.17	0.9
(1,6702)	1:342:A:ILE:HG22	1:344:A:ILE:HB	12	0.92	0.39	1.1
(1,6702)	1:342:A:ILE:HG21	1:332:A:GLU:HG3	12	0.92	0.39	1.1
(1,6702)	1:342:A:ILE:HG23	1:344:A:ILE:HB	12	0.92	0.39	1.1
(1,6702)	1:342:A:ILE:HG21	1:344:A:ILE:HB	12	0.92	0.39	1.1
(1,6702)	1:342:A:ILE:HG23	1:332:A:GLU:HG3	12	0.92	0.39	1.1
(1,4688)	1:318:A:ILE:H	1:278:A:LEU:HD22	12	0.89	0.33	0.82
(1,4688)	1:318:A:ILE:H	1:278:A:LEU:HD21	12	0.89	0.33	0.82
(1,4688)	1:318:A:ILE:H	1:278:A:LEU:HD23	12	0.89	0.33	0.82
(1,4688)	1:318:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD21	12	0.89	0.33	0.82
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD21	1:304:A:GLN:HG2	12	0.8	0.17	0.83
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD22	1:304:A:GLN:HG2	12	0.8	0.17	0.83
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD23	1:304:A:GLN:HG2	12	0.8	0.17	0.83
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	12	0.77	0.04	0.78
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD12	1:307:A:LEU:HA	12	0.77	0.04	0.78
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	12	0.77	0.04	0.78
(1,5677)	1:212:A:VAL:HG13	1:210:A:PRO:HB3	12	0.73	0.3	0.62
(1,5677)	1:212:A:VAL:HG12	1:210:A:PRO:HB3	12	0.73	0.3	0.62
(1,5677)	1:212:A:VAL:HG11	1:210:A:PRO:HB3	12	0.73	0.3	0.62
(1,6660)	1:210:A:PRO:HB3	1:274:A:LEU:HD21	12	0.66	0.29	0.66
(1,6660)	1:210:A:PRO:HB3	1:274:A:LEU:HD23	12	0.66	0.29	0.66
(1,6660)	1:210:A:PRO:HB3	1:274:A:LEU:HD22	12	0.66	0.29	0.66
(1,5661)	1:415:A:ASP:HB2	1:416:A:LEU:HB3	12	0.65	0.34	0.64
(1,6205)	1:329:A:ILE:HD13	1:345:A:VAL:HG21	12	0.63	0.37	0.64
(1,6205)	1:329:A:ILE:HD12	1:230:A:ILE:HG23	12	0.63	0.37	0.64
(1,6205)	1:329:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:HG22	12	0.63	0.37	0.64
(1,6205)	1:329:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:HG21	12	0.63	0.37	0.64
(1,6205)	1:329:A:ILE:HD13	1:230:A:ILE:HG22	12	0.63	0.37	0.64
(1,6205)	1:329:A:ILE:HD11	1:333:A:LEU:HD21	12	0.63	0.37	0.64
(1,6205)	1:329:A:ILE:HD13	1:230:A:ILE:HG21	12	0.63	0.37	0.64
(1,6205)	1:329:A:ILE:HD12	1:325:A:MET:HE1	12	0.63	0.37	0.64
(1,2499)	1:183:A:MET:HG3	1:183:A:MET:HB2	12	0.51	0.0	0.51
(1,2926)	1:305:A:ARG:HB2	1:306:A:LEU:H	12	0.45	0.05	0.44
(1,2926)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:H	12	0.45	0.05	0.44
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD11	12	0.35	0.24	0.3
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD12	12	0.35	0.24	0.3
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD13	12	0.35	0.24	0.3
(1,804)	1:224:A:GLY:H	1:225:A:MET:HG3	12	0.34	0.11	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5146)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HG21	12	0.33	0.16	0.24
(1,5146)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HG22	12	0.33	0.16	0.24
(1,5146)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HG23	12	0.33	0.16	0.24
(1,5146)	1:212:A:VAL:H	1:266:A:LEU:HD13	12	0.33	0.16	0.24
(1,5146)	1:212:A:VAL:H	1:267:A:LEU:HD21	12	0.33	0.16	0.24
(1,5146)	1:212:A:VAL:H	1:267:A:LEU:HD11	12	0.33	0.16	0.24
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE1	12	0.26	0.15	0.26
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE2	12	0.26	0.15	0.26
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE1	12	0.26	0.15	0.26
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE2	12	0.26	0.15	0.26
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE1	12	0.26	0.15	0.26
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE2	12	0.26	0.15	0.26
(1,6142)	1:367:A:LEU:HD21	1:366:A:GLU:H	12	0.26	0.14	0.22
(1,6142)	1:367:A:LEU:HD23	1:366:A:GLU:H	12	0.26	0.14	0.22
(1,6223)	1:305:A:ARG:HB2	1:305:A:ARG:HD2	12	0.24	0.02	0.23
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HB2	12	0.21	0.13	0.14
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HB2	12	0.21	0.13	0.14
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HB2	12	0.21	0.13	0.14
(2,69)	1:342:A:ILE:HD11	1:329:A:ILE:HG13	12	0.21	0.09	0.22
(2,69)	1:342:A:ILE:HD12	1:329:A:ILE:HG13	12	0.21	0.09	0.22
(2,69)	1:342:A:ILE:HD13	1:329:A:ILE:HG13	12	0.21	0.09	0.22
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD1	12	0.16	0.03	0.17
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD2	12	0.16	0.03	0.17
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG21	12	0.15	0.02	0.16
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG22	12	0.15	0.02	0.16
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG23	12	0.15	0.02	0.16
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG21	12	0.15	0.03	0.14
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG22	12	0.15	0.03	0.14
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG23	12	0.15	0.03	0.14
(1,2004)	1:283:A:LEU:H	1:280:A:THR:HG1	12	0.14	0.02	0.14
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HB	12	0.13	0.02	0.13
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HB	12	0.13	0.02	0.13
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG23	1:335:A:THR:HB	12	0.13	0.02	0.13
(1,563)	1:446:A:ALA:H	1:446:A:ALA:HA	12	0.11	0.0	0.11
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD21	11	1.89	0.08	1.91
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD22	11	1.89	0.08	1.91
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD23	11	1.89	0.08	1.91
(1,5708)	1:436:A:LEU:HD12	1:402:A:ILE:H	11	1.32	0.25	1.45
(1,5708)	1:436:A:LEU:HD11	1:402:A:ILE:H	11	1.32	0.25	1.45
(1,5708)	1:436:A:LEU:HD13	1:402:A:ILE:H	11	1.32	0.25	1.45
(1,5708)	1:436:A:LEU:HD13	1:439:A:LEU:H	11	1.32	0.25	1.45
(1,5708)	1:436:A:LEU:HD11	1:439:A:LEU:H	11	1.32	0.25	1.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5708)	1:436:A:LEU:HD12	1:439:A:LEU:H	11	1.32	0.25	1.45
(1,5697)	1:362:A:THR:HG21	1:359:A:VAL:HG21	11	1.15	0.33	1.26
(1,5697)	1:362:A:THR:HG23	1:359:A:VAL:HG22	11	1.15	0.33	1.26
(1,5697)	1:362:A:THR:HG23	1:359:A:VAL:HG21	11	1.15	0.33	1.26
(1,5697)	1:362:A:THR:HG21	1:359:A:VAL:HG23	11	1.15	0.33	1.26
(1,5697)	1:362:A:THR:HG22	1:359:A:VAL:HG22	11	1.15	0.33	1.26
(1,5697)	1:362:A:THR:HG22	1:359:A:VAL:HG23	11	1.15	0.33	1.26
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD21	11	1.11	0.04	1.1
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD22	11	1.11	0.04	1.1
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD23	11	1.11	0.04	1.1
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD11	1:402:A:ILE:HA	11	1.04	0.38	1.01
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD12	1:402:A:ILE:HA	11	1.04	0.38	1.01
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD13	1:402:A:ILE:HA	11	1.04	0.38	1.01
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD11	1:436:A:LEU:HA	11	0.99	0.03	1.01
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD12	1:436:A:LEU:HA	11	0.99	0.03	1.01
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD13	1:436:A:LEU:HA	11	0.99	0.03	1.01
(1,4270)	1:336:A:LYS:HD2	1:336:A:LYS:HA	11	0.99	0.33	1.13
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG21	11	0.87	0.67	1.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG22	11	0.87	0.67	1.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG23	11	0.87	0.67	1.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG21	11	0.87	0.67	1.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG22	11	0.87	0.67	1.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG23	11	0.87	0.67	1.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG21	11	0.87	0.67	1.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG22	11	0.87	0.67	1.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG23	11	0.87	0.67	1.14
(2,63)	1:255:A:LEU:HD21	1:215:A:GLU:H	11	0.87	0.23	0.82
(2,63)	1:255:A:LEU:HD22	1:215:A:GLU:H	11	0.87	0.23	0.82
(2,63)	1:255:A:LEU:HD23	1:215:A:GLU:H	11	0.87	0.23	0.82
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD11	1:255:A:LEU:HA	11	0.83	0.03	0.84
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD12	1:255:A:LEU:HA	11	0.83	0.03	0.84
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD13	1:255:A:LEU:HA	11	0.83	0.03	0.84
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD11	11	0.83	0.35	0.7
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD12	11	0.83	0.35	0.7
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD13	11	0.83	0.35	0.7
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD11	11	0.83	0.35	0.7
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD12	11	0.83	0.35	0.7
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD13	11	0.83	0.35	0.7
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD11	11	0.83	0.35	0.7
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD12	11	0.83	0.35	0.7
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD13	11	0.83	0.35	0.7
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD1	11	0.74	0.2	0.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD2	11	0.74	0.2	0.83
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD1	11	0.74	0.2	0.83
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD2	11	0.74	0.2	0.83
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD1	11	0.74	0.2	0.83
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD2	11	0.74	0.2	0.83
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD11	11	0.57	0.25	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD12	11	0.57	0.25	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD13	11	0.57	0.25	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD11	11	0.57	0.25	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD12	11	0.57	0.25	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD13	11	0.57	0.25	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD11	11	0.57	0.25	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD12	11	0.57	0.25	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD13	11	0.57	0.25	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD21	11	0.57	0.25	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD22	11	0.57	0.25	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD23	11	0.57	0.25	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD21	11	0.57	0.25	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD22	11	0.57	0.25	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD23	11	0.57	0.25	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD21	11	0.57	0.25	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD22	11	0.57	0.25	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD23	11	0.57	0.25	0.53
(1,4999)	1:304:A:GLN:H	1:307:A:LEU:HD22	11	0.54	0.26	0.7
(1,4999)	1:304:A:GLN:H	1:367:A:LEU:HB2	11	0.54	0.26	0.7
(1,4999)	1:304:A:GLN:H	1:307:A:LEU:HD21	11	0.54	0.26	0.7
(1,4329)	1:377:A:MET:HG3	1:204:A:TYR:HE2	11	0.48	0.2	0.5
(1,4329)	1:377:A:MET:HG3	1:204:A:TYR:HD1	11	0.48	0.2	0.5
(1,4329)	1:377:A:MET:HG3	1:204:A:TYR:HE1	11	0.48	0.2	0.5
(1,5165)	1:280:A:THR:H	1:276:A:GLU:HB3	11	0.47	0.09	0.49
(1,5165)	1:280:A:THR:H	1:278:A:LEU:HG	11	0.47	0.09	0.49
(1,6332)	1:267:A:LEU:HD22	1:213:A:PHE:HZ	11	0.47	0.35	0.32
(1,6332)	1:267:A:LEU:HD21	1:213:A:PHE:HZ	11	0.47	0.35	0.32
(1,6332)	1:267:A:LEU:HD23	1:213:A:PHE:HZ	11	0.47	0.35	0.32
(1,6194)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:H	11	0.43	0.08	0.44
(1,6194)	1:374:A:LYS:HG2	1:375:A:GLN:H	11	0.43	0.08	0.44
(1,6283)	1:323:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HG21	11	0.42	0.52	0.21
(1,6283)	1:323:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG21	11	0.42	0.52	0.21
(1,6283)	1:323:A:VAL:HG23	1:371:A:VAL:HG22	11	0.42	0.52	0.21
(1,6283)	1:323:A:VAL:HG21	1:371:A:VAL:HG22	11	0.42	0.52	0.21
(1,6283)	1:323:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HG22	11	0.42	0.52	0.21
(1,6283)	1:323:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HG21	11	0.42	0.52	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6283)	1:323:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HG22	11	0.42	0.52	0.21
(1,6283)	1:323:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HG23	11	0.42	0.52	0.21
(1,5580)	1:207:A:ILE:HD12	1:214:A:ARG:HB3	11	0.4	0.23	0.29
(1,5580)	1:207:A:ILE:HD11	1:214:A:ARG:HB3	11	0.4	0.23	0.29
(1,5580)	1:207:A:ILE:HD13	1:214:A:ARG:HB3	11	0.4	0.23	0.29
(1,6160)	1:303:A:PHE:HE1	1:359:A:VAL:HG12	11	0.36	0.2	0.34
(1,6160)	1:303:A:PHE:HE1	1:359:A:VAL:HG11	11	0.36	0.2	0.34
(1,6160)	1:303:A:PHE:HE2	1:352:A:ILE:HG23	11	0.36	0.2	0.34
(1,6160)	1:303:A:PHE:HE1	1:359:A:VAL:HG13	11	0.36	0.2	0.34
(1,6467)	1:318:A:ILE:HG23	1:315:A:TYR:HD1	11	0.36	0.17	0.3
(1,6467)	1:318:A:ILE:HG21	1:315:A:TYR:HD1	11	0.36	0.17	0.3
(1,6467)	1:318:A:ILE:HG23	1:315:A:TYR:HD2	11	0.36	0.17	0.3
(1,6467)	1:318:A:ILE:HG22	1:315:A:TYR:HD1	11	0.36	0.17	0.3
(1,5655)	1:346:A:LEU:HD22	1:343:A:SER:HA	11	0.35	0.1	0.36
(1,5655)	1:346:A:LEU:HD21	1:343:A:SER:HA	11	0.35	0.1	0.36
(1,5655)	1:346:A:LEU:HD23	1:343:A:SER:HA	11	0.35	0.1	0.36
(1,1478)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HB2	11	0.35	0.17	0.33
(1,4476)	1:442:A:LYS:HE3	1:398:A:ILE:HD11	11	0.33	0.1	0.36
(1,4476)	1:442:A:LYS:HE3	1:398:A:ILE:HD13	11	0.33	0.1	0.36
(1,4476)	1:442:A:LYS:HE3	1:398:A:ILE:HD12	11	0.33	0.1	0.36
(1,6155)	1:300:A:VAL:HG22	1:363:A:HIS:HB3	11	0.3	0.14	0.26
(1,6155)	1:300:A:VAL:HG23	1:363:A:HIS:HB3	11	0.3	0.14	0.26
(1,6155)	1:300:A:VAL:HG21	1:363:A:HIS:HB3	11	0.3	0.14	0.26
(1,4394)	1:393:A:GLU:HB2	1:442:A:LYS:HE3	11	0.3	0.17	0.28
(1,4394)	1:393:A:GLU:HB2	1:442:A:LYS:HE2	11	0.3	0.17	0.28
(1,5673)	1:319:A:SER:HA	1:323:A:VAL:HG12	11	0.3	0.14	0.24
(1,5673)	1:319:A:SER:HA	1:323:A:VAL:HG13	11	0.3	0.14	0.24
(1,5673)	1:319:A:SER:HA	1:316:A:LEU:HD12	11	0.3	0.14	0.24
(1,5673)	1:319:A:SER:HA	1:316:A:LEU:HD11	11	0.3	0.14	0.24
(1,5673)	1:319:A:SER:HA	1:316:A:LEU:HD21	11	0.3	0.14	0.24
(1,5673)	1:319:A:SER:HA	1:323:A:VAL:HG11	11	0.3	0.14	0.24
(1,5268)	1:339:A:ILE:H	1:333:A:LEU:HD13	11	0.3	0.11	0.33
(1,5268)	1:241:A:ASP:H	1:236:A:ILE:HG21	11	0.3	0.11	0.33
(1,5268)	1:241:A:ASP:H	1:236:A:ILE:HG23	11	0.3	0.11	0.33
(1,5268)	1:241:A:ASP:H	1:236:A:ILE:HG22	11	0.3	0.11	0.33
(1,6330)	1:228:A:GLU:HB2	1:227:A:CYS:HB3	11	0.29	0.11	0.26
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD11	11	0.28	0.08	0.31
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD12	11	0.28	0.08	0.31
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD13	11	0.28	0.08	0.31
(1,6443)	1:315:A:TYR:HD1	1:307:A:LEU:HG	11	0.28	0.13	0.28
(1,6443)	1:315:A:TYR:HD2	1:307:A:LEU:HG	11	0.28	0.13	0.28
(1,357)	1:396:A:ALA:H	1:398:A:ILE:HD13	11	0.28	0.11	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,357)	1:396:A:ALA:H	1:398:A:ILE:HD11	11	0.28	0.11	0.29
(1,357)	1:396:A:ALA:H	1:398:A:ILE:HD12	11	0.28	0.11	0.29
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HG	11	0.24	0.08	0.23
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HG	11	0.24	0.08	0.23
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HG	11	0.24	0.08	0.23
(1,5119)	1:442:A:LYS:H	1:441:A:ARG:HD3	11	0.22	0.09	0.2
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD21	11	0.22	0.09	0.2
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD22	11	0.22	0.09	0.2
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD23	11	0.22	0.09	0.2
(1,1207)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HB	11	0.16	0.02	0.17
(1,5351)	1:307:A:LEU:H	1:308:A:LYS:HG3	11	0.14	0.04	0.13
(1,5351)	1:307:A:LEU:H	1:310:A:LEU:HB2	11	0.14	0.04	0.13
(1,258)	1:361:A:PHE:H	1:359:A:VAL:HB	11	0.13	0.03	0.12
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HE1	10	1.32	0.63	1.52
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HE2	10	1.32	0.63	1.52
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HE1	10	1.32	0.63	1.52
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HE2	10	1.32	0.63	1.52
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HE1	10	1.32	0.63	1.52
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HE2	10	1.32	0.63	1.52
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD11	1:416:A:LEU:HA	10	1.04	0.02	1.04
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD12	1:416:A:LEU:HA	10	1.04	0.02	1.04
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD13	1:416:A:LEU:HA	10	1.04	0.02	1.04
(1,2833)	1:400:A:GLU:HG3	1:400:A:GLU:H	10	0.76	0.05	0.76
(1,6716)	1:239:A:LYS:HD2	1:242:A:GLU:HB3	10	0.75	0.23	0.77
(1,6716)	1:239:A:LYS:HD2	1:242:A:GLU:HB2	10	0.75	0.23	0.77
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG21	1:360:A:PHE:HZ	10	0.73	0.77	0.11
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HZ	10	0.73	0.77	0.11
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HZ	10	0.73	0.77	0.11
(1,5873)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HG3	10	0.7	0.18	0.76
(1,5873)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HG2	10	0.7	0.18	0.76
(1,6360)	1:278:A:LEU:HD23	1:279:A:LEU:HD22	10	0.61	0.22	0.58
(1,6360)	1:278:A:LEU:HD21	1:279:A:LEU:HD21	10	0.61	0.22	0.58
(1,6360)	1:278:A:LEU:HD23	1:279:A:LEU:HD21	10	0.61	0.22	0.58
(1,6360)	1:278:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HD22	10	0.61	0.22	0.58
(1,6360)	1:278:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:HD13	10	0.61	0.22	0.58
(1,6360)	1:278:A:LEU:HD21	1:279:A:LEU:HD22	10	0.61	0.22	0.58
(1,6360)	1:278:A:LEU:HD21	1:318:A:ILE:HD12	10	0.61	0.22	0.58
(1,6054)	1:283:A:LEU:HD21	1:310:A:LEU:HD23	10	0.59	0.77	0.31
(1,6054)	1:283:A:LEU:HD21	1:280:A:THR:HG21	10	0.59	0.77	0.31
(1,6054)	1:267:A:LEU:HD21	1:220:A:VAL:HG22	10	0.59	0.77	0.31
(1,6054)	1:283:A:LEU:HD21	1:280:A:THR:HG23	10	0.59	0.77	0.31
(1,6054)	1:283:A:LEU:HD23	1:280:A:THR:HG22	10	0.59	0.77	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6054)	1:283:A:LEU:HD22	1:310:A:LEU:HD23	10	0.59	0.77	0.31
(1,6054)	1:283:A:LEU:HD23	1:310:A:LEU:HD23	10	0.59	0.77	0.31
(1,6054)	1:283:A:LEU:HD22	1:310:A:LEU:HD22	10	0.59	0.77	0.31
(1,3882)	1:409:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:HG2	10	0.56	0.29	0.47
(1,3882)	1:409:A:LEU:HD21	1:433:A:GLN:HB3	10	0.56	0.29	0.47
(1,3882)	1:409:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:HB3	10	0.56	0.29	0.47
(1,3882)	1:409:A:LEU:HD23	1:433:A:GLN:HB3	10	0.56	0.29	0.47
(1,3882)	1:409:A:LEU:HD23	1:433:A:GLN:HG2	10	0.56	0.29	0.47
(1,3882)	1:409:A:LEU:HD21	1:433:A:GLN:HG2	10	0.56	0.29	0.47
(1,6199)	1:416:A:LEU:HD13	1:415:A:ASP:HB3	10	0.52	0.44	0.29
(1,6199)	1:416:A:LEU:HD11	1:422:A:ASP:HB3	10	0.52	0.44	0.29
(1,6199)	1:416:A:LEU:HD11	1:415:A:ASP:HB3	10	0.52	0.44	0.29
(1,6199)	1:416:A:LEU:HD12	1:415:A:ASP:HB3	10	0.52	0.44	0.29
(1,6199)	1:416:A:LEU:HD13	1:422:A:ASP:HB3	10	0.52	0.44	0.29
(1,5686)	1:345:A:VAL:HG12	1:232:A:ARG:HB2	10	0.52	0.24	0.52
(1,5686)	1:345:A:VAL:HG11	1:232:A:ARG:HB2	10	0.52	0.24	0.52
(1,5686)	1:345:A:VAL:HG13	1:232:A:ARG:HB2	10	0.52	0.24	0.52
(1,5686)	1:345:A:VAL:HG11	1:346:A:LEU:HB3	10	0.52	0.24	0.52
(1,5686)	1:345:A:VAL:HG12	1:232:A:ARG:HG2	10	0.52	0.24	0.52
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HE1	10	0.52	0.17	0.5
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HE2	10	0.52	0.17	0.5
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HE1	10	0.52	0.17	0.5
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HE2	10	0.52	0.17	0.5
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HE1	10	0.52	0.17	0.5
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HE2	10	0.52	0.17	0.5
(1,6374)	1:243:A:LEU:HD23	1:253:A:THR:HG23	10	0.5	0.38	0.36
(1,6374)	1:243:A:LEU:HD22	1:253:A:THR:HG23	10	0.5	0.38	0.36
(1,6374)	1:243:A:LEU:HD22	1:255:A:LEU:HD13	10	0.5	0.38	0.36
(1,6374)	1:243:A:LEU:HD21	1:255:A:LEU:HD13	10	0.5	0.38	0.36
(1,6374)	1:243:A:LEU:HD22	1:253:A:THR:HG22	10	0.5	0.38	0.36
(1,6374)	1:243:A:LEU:HD21	1:253:A:THR:HG23	10	0.5	0.38	0.36
(1,6374)	1:243:A:LEU:HD23	1:253:A:THR:HG21	10	0.5	0.38	0.36
(1,6374)	1:243:A:LEU:HD22	1:255:A:LEU:HD12	10	0.5	0.38	0.36
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG21	10	0.37	0.23	0.28
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG22	10	0.37	0.23	0.28
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG23	10	0.37	0.23	0.28
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG11	10	0.37	0.23	0.28
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG12	10	0.37	0.23	0.28
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG13	10	0.37	0.23	0.28
(1,4682)	1:359:A:VAL:H	1:303:A:PHE:HE2	10	0.35	0.19	0.33
(1,4682)	1:328:A:VAL:H	1:231:A:TYR:HE2	10	0.35	0.19	0.33
(1,6842)	1:212:A:VAL:HA	1:255:A:LEU:HD21	10	0.35	0.21	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6842)	1:212:A:VAL:HA	1:255:A:LEU:HD23	10	0.35	0.21	0.26
(1,6842)	1:212:A:VAL:HA	1:255:A:LEU:HD22	10	0.35	0.21	0.26
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HB3	10	0.34	0.18	0.28
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HB3	10	0.34	0.18	0.28
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HB3	10	0.34	0.18	0.28
(1,5590)	1:436:A:LEU:HD21	1:433:A:GLN:H	10	0.32	0.12	0.32
(1,5590)	1:436:A:LEU:HD21	1:405:A:GLN:H	10	0.32	0.12	0.32
(1,5590)	1:436:A:LEU:HD22	1:405:A:GLN:H	10	0.32	0.12	0.32
(1,5590)	1:436:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:H	10	0.32	0.12	0.32
(1,5590)	1:436:A:LEU:HD23	1:405:A:GLN:H	10	0.32	0.12	0.32
(1,5945)	1:203:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	10	0.28	0.19	0.19
(1,5945)	1:203:A:MET:HE1	1:247:A:TYR:HE2	10	0.28	0.19	0.19
(1,5945)	1:203:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	10	0.28	0.19	0.19
(1,5945)	1:203:A:MET:HE2	1:247:A:TYR:HE1	10	0.28	0.19	0.19
(1,5945)	1:203:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	10	0.28	0.19	0.19
(1,5370)	1:224:A:GLY:H	1:221:A:GLU:HB3	10	0.27	0.1	0.26
(1,5370)	1:224:A:GLY:H	1:225:A:MET:HE3	10	0.27	0.1	0.26
(1,5370)	1:224:A:GLY:H	1:225:A:MET:HE2	10	0.27	0.1	0.26
(1,2450)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:H	10	0.27	0.08	0.25
(1,6591)	1:438:A:ALA:HB2	1:435:A:ILE:HG21	10	0.24	0.09	0.2
(1,6591)	1:438:A:ALA:HB1	1:435:A:ILE:HG23	10	0.24	0.09	0.2
(1,6591)	1:438:A:ALA:HB1	1:439:A:LEU:HD22	10	0.24	0.09	0.2
(1,6591)	1:438:A:ALA:HB1	1:435:A:ILE:HG21	10	0.24	0.09	0.2
(1,6591)	1:438:A:ALA:HB2	1:439:A:LEU:HD22	10	0.24	0.09	0.2
(1,6591)	1:438:A:ALA:HB3	1:435:A:ILE:HG21	10	0.24	0.09	0.2
(1,6591)	1:438:A:ALA:HB2	1:435:A:ILE:HG22	10	0.24	0.09	0.2
(1,6591)	1:438:A:ALA:HB1	1:435:A:ILE:HG22	10	0.24	0.09	0.2
(1,6541)	1:352:A:ILE:HD13	1:350:A:VAL:HA	10	0.22	0.06	0.24
(1,6541)	1:352:A:ILE:HD11	1:350:A:VAL:HA	10	0.22	0.06	0.24
(1,6541)	1:352:A:ILE:HD12	1:350:A:VAL:HA	10	0.22	0.06	0.24
(1,5620)	1:300:A:VAL:HG11	1:303:A:PHE:H	10	0.21	0.06	0.2
(1,5620)	1:300:A:VAL:HG13	1:303:A:PHE:H	10	0.21	0.06	0.2
(1,5620)	1:300:A:VAL:HG13	1:304:A:GLN:H	10	0.21	0.06	0.2
(1,5620)	1:300:A:VAL:HG12	1:303:A:PHE:H	10	0.21	0.06	0.2
(1,6805)	1:201:A:THR:HG21	1:189:A:ILE:HB	10	0.2	0.13	0.15
(1,6805)	1:201:A:THR:HG22	1:189:A:ILE:HB	10	0.2	0.13	0.15
(1,6805)	1:201:A:THR:HG23	1:189:A:ILE:HB	10	0.2	0.13	0.15
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD11	1:409:A:LEU:HA	10	0.17	0.05	0.16
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD12	1:409:A:LEU:HA	10	0.17	0.05	0.16
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD13	1:409:A:LEU:HA	10	0.17	0.05	0.16
(1,1631)	1:273:A:ASP:H	1:191:A:GLY:H	10	0.16	0.02	0.16
(1,586)	1:227:A:CYS:H	1:227:A:CYS:HB3	10	0.15	0.03	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2381)	1:184:A:PRO:HB2	1:184:A:PRO:HA	10	0.15	0.01	0.15
(1,3648)	1:184:A:PRO:HB3	1:184:A:PRO:HD2	10	0.15	0.02	0.15
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD21	1:278:A:LEU:H	10	0.14	0.02	0.14
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD22	1:278:A:LEU:H	10	0.14	0.02	0.14
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD23	1:278:A:LEU:H	10	0.14	0.02	0.14
(1,388)	1:226:A:LYS:H	1:226:A:LYS:HB2	10	0.14	0.02	0.14
(1,819)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HG	10	0.14	0.02	0.13
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG21	9	0.95	0.84	0.48
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG22	9	0.95	0.84	0.48
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG23	9	0.95	0.84	0.48
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG21	9	0.95	0.84	0.48
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG22	9	0.95	0.84	0.48
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG23	9	0.95	0.84	0.48
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG21	9	0.95	0.84	0.48
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG22	9	0.95	0.84	0.48
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG23	9	0.95	0.84	0.48
(1,2907)	1:331:A:LYS:HE3	1:334:A:GLU:H	9	0.94	0.39	1.2
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG21	9	0.91	0.87	0.15
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG22	9	0.91	0.87	0.15
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG23	9	0.91	0.87	0.15
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG21	9	0.91	0.87	0.15
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG22	9	0.91	0.87	0.15
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG23	9	0.91	0.87	0.15
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG21	9	0.91	0.87	0.15
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG22	9	0.91	0.87	0.15
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG23	9	0.91	0.87	0.15
(1,6406)	1:243:A:LEU:HD11	1:240:A:VAL:HG22	9	0.91	0.75	0.63
(1,6406)	1:243:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG21	9	0.91	0.75	0.63
(1,6406)	1:243:A:LEU:HD11	1:240:A:VAL:HG21	9	0.91	0.75	0.63
(1,6406)	1:243:A:LEU:HD11	1:266:A:LEU:HD21	9	0.91	0.75	0.63
(1,6406)	1:243:A:LEU:HD13	1:266:A:LEU:HD21	9	0.91	0.75	0.63
(1,6406)	1:243:A:LEU:HD11	1:240:A:VAL:HG23	9	0.91	0.75	0.63
(1,6406)	1:243:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG23	9	0.91	0.75	0.63
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD21	9	0.89	0.56	1.05
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD22	9	0.89	0.56	1.05
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD23	9	0.89	0.56	1.05
(1,6348)	1:409:A:LEU:HD13	1:413:A:HIS:HD2	9	0.81	0.36	0.79
(1,6348)	1:409:A:LEU:HD11	1:413:A:HIS:HD2	9	0.81	0.36	0.79
(1,6348)	1:409:A:LEU:HD12	1:413:A:HIS:HD2	9	0.81	0.36	0.79
(1,6348)	1:380:A:LEU:HD12	1:384:A:ASN:HD21	9	0.81	0.36	0.79
(1,1216)	1:236:A:ILE:H	1:239:A:LYS:HG2	9	0.7	0.46	0.56
(1,4188)	1:225:A:MET:HE1	1:225:A:MET:HG2	9	0.69	0.02	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,4188)	1:225:A:MET:HE2	1:225:A:MET:HG2	9	0.69	0.02	0.69
(1,4188)	1:225:A:MET:HE3	1:225:A:MET:HG2	9	0.69	0.02	0.69
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HB3	9	0.66	0.46	0.5
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD12	1:227:A:CYS:HB3	9	0.66	0.46	0.5
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD13	1:227:A:CYS:HB3	9	0.66	0.46	0.5
(1,6490)	1:246:A:ALA:HB2	1:251:A:GLU:HB2	9	0.64	0.06	0.61
(1,6490)	1:246:A:ALA:HB1	1:251:A:GLU:HB2	9	0.64	0.06	0.61
(1,6490)	1:246:A:ALA:HB3	1:251:A:GLU:HB2	9	0.64	0.06	0.61
(1,6104)	1:220:A:VAL:HB	1:217:A:ILE:HG13	9	0.5	0.21	0.46
(1,6104)	1:220:A:VAL:HB	1:217:A:ILE:HG21	9	0.5	0.21	0.46
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD21	9	0.46	0.24	0.47
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD22	9	0.46	0.24	0.47
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD23	9	0.46	0.24	0.47
(1,2889)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HG2	9	0.46	0.44	0.15
(1,2889)	1:222:A:LYS:HE2	1:222:A:LYS:HG2	9	0.46	0.44	0.15
(1,5909)	1:443:A:LEU:HD12	1:444:A:ARG:H	9	0.43	0.12	0.38
(1,5909)	1:443:A:LEU:HD11	1:444:A:ARG:H	9	0.43	0.12	0.38
(1,4056)	1:227:A:CYS:HB3	1:230:A:ILE:HB	9	0.43	0.26	0.42
(1,4990)	1:245:A:ALA:H	1:241:A:ASP:HB3	9	0.42	0.18	0.36
(1,4990)	1:245:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	9	0.42	0.18	0.36
(1,5880)	1:254:A:ASN:HB3	1:253:A:THR:HG21	9	0.42	0.21	0.38
(1,5880)	1:254:A:ASN:HB3	1:253:A:THR:HG22	9	0.42	0.21	0.38
(1,5880)	1:254:A:ASN:HB3	1:255:A:LEU:HD13	9	0.42	0.21	0.38
(1,5148)	1:219:A:TYR:H	1:220:A:VAL:HB	9	0.41	0.11	0.44
(1,5148)	1:219:A:TYR:H	1:256:A:GLU:HG2	9	0.41	0.11	0.44
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB1	1:331:A:LYS:HE3	9	0.4	0.18	0.38
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB2	1:331:A:LYS:HE3	9	0.4	0.18	0.38
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB3	1:331:A:LYS:HE3	9	0.4	0.18	0.38
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB1	1:331:A:LYS:HE2	9	0.4	0.18	0.38
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB2	1:331:A:LYS:HE2	9	0.4	0.18	0.38
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB3	1:331:A:LYS:HE2	9	0.4	0.18	0.38
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:H	9	0.39	0.13	0.43
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:H	9	0.39	0.13	0.43
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:H	9	0.39	0.13	0.43
(1,6027)	1:416:A:LEU:HD11	1:422:A:ASP:H	9	0.39	0.16	0.42
(1,6027)	1:416:A:LEU:HD13	1:422:A:ASP:H	9	0.39	0.16	0.42
(1,6027)	1:416:A:LEU:HD12	1:422:A:ASP:H	9	0.39	0.16	0.42
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HA	9	0.34	0.16	0.35
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HA	9	0.34	0.16	0.35
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HA	9	0.34	0.16	0.35
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG11	1:231:A:TYR:HB3	9	0.34	0.06	0.32
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG12	1:231:A:TYR:HB3	9	0.34	0.06	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG13	1:231:A:TYR:HB3	9	0.34	0.06	0.32
(1,4992)	1:283:A:LEU:H	1:286:A:ARG:HG2	9	0.33	0.2	0.28
(1,4992)	1:283:A:LEU:H	1:286:A:ARG:HG3	9	0.33	0.2	0.28
(1,4987)	1:341:A:ASN:HD22	1:344:A:ILE:HD11	9	0.31	0.17	0.22
(1,4987)	1:341:A:ASN:HD22	1:344:A:ILE:HD13	9	0.31	0.17	0.22
(1,4987)	1:341:A:ASN:HD22	1:344:A:ILE:HD12	9	0.31	0.17	0.22
(1,6851)	1:371:A:VAL:HG13	1:323:A:VAL:HG12	9	0.3	0.13	0.25
(1,6851)	1:371:A:VAL:HG12	1:323:A:VAL:HG12	9	0.3	0.13	0.25
(1,6851)	1:371:A:VAL:HG13	1:323:A:VAL:HG11	9	0.3	0.13	0.25
(1,6851)	1:371:A:VAL:HG11	1:323:A:VAL:HG11	9	0.3	0.13	0.25
(1,6851)	1:371:A:VAL:HG13	1:323:A:VAL:HG13	9	0.3	0.13	0.25
(1,6851)	1:371:A:VAL:HG11	1:323:A:VAL:HG13	9	0.3	0.13	0.25
(1,1280)	1:395:A:GLN:HE21	1:444:A:ARG:HD3	9	0.26	0.06	0.25
(1,6859)	1:409:A:LEU:HD23	1:433:A:GLN:H	9	0.23	0.09	0.21
(1,6859)	1:409:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:H	9	0.23	0.09	0.21
(1,6859)	1:409:A:LEU:HD21	1:433:A:GLN:H	9	0.23	0.09	0.21
(1,6859)	1:278:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HD22	9	0.23	0.09	0.21
(1,6859)	1:278:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HD22	9	0.23	0.09	0.21
(1,1427)	1:333:A:LEU:H	1:332:A:GLU:HB2	9	0.17	0.03	0.17
(1,2662)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG3	9	0.17	0.04	0.16
(1,2813)	1:385:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HD1	9	0.14	0.02	0.13
(1,2813)	1:385:A:MET:HE2	1:382:A:TRP:HD1	9	0.14	0.02	0.13
(1,2813)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HD1	9	0.14	0.02	0.13
(1,1977)	1:380:A:LEU:H	1:384:A:ASN:HD21	9	0.13	0.02	0.14
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG21	9	0.13	0.02	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG22	9	0.13	0.02	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG23	9	0.13	0.02	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG21	9	0.13	0.02	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG22	9	0.13	0.02	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG23	9	0.13	0.02	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG21	9	0.13	0.02	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG22	9	0.13	0.02	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG23	9	0.13	0.02	0.12
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG21	1:320:A:TRP:HE1	9	0.13	0.03	0.12
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG22	1:320:A:TRP:HE1	9	0.13	0.03	0.12
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG23	1:320:A:TRP:HE1	9	0.13	0.03	0.12
(1,444)	1:294:A:THR:H	1:293:A:ARG:HB3	9	0.13	0.02	0.12
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE1	9	0.13	0.02	0.12
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE2	9	0.13	0.02	0.12
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE3	9	0.13	0.02	0.12
(1,4318)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HB	9	0.13	0.02	0.13
(1,4318)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HB	9	0.13	0.02	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,4318)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HB	9	0.13	0.02	0.13
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD11	1:319:A:SER:HG	9	0.12	0.01	0.12
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD12	1:319:A:SER:HG	9	0.12	0.01	0.12
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD13	1:319:A:SER:HG	9	0.12	0.01	0.12
(1,5960)	1:184:A:PRO:HD2	1:184:A:PRO:HG2	9	0.1	0.01	0.1
(1,5960)	1:285:A:PRO:HD3	1:285:A:PRO:HG3	9	0.1	0.01	0.1
(1,3929)	1:267:A:LEU:HD23	1:231:A:TYR:HE1	8	2.41	1.27	2.97
(1,3929)	1:267:A:LEU:HD22	1:231:A:TYR:HE1	8	2.41	1.27	2.97
(1,3929)	1:267:A:LEU:HD21	1:231:A:TYR:HE1	8	2.41	1.27	2.97
(1,5398)	1:319:A:SER:H	1:316:A:LEU:HD12	8	1.71	0.11	1.67
(1,5398)	1:319:A:SER:H	1:316:A:LEU:HD11	8	1.71	0.11	1.67
(1,5398)	1:319:A:SER:H	1:316:A:LEU:HD13	8	1.71	0.11	1.67
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HE1	8	1.43	0.19	1.44
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HE1	8	1.43	0.19	1.44
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HE1	8	1.43	0.19	1.44
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD21	8	1.38	0.2	1.44
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD22	8	1.38	0.2	1.44
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD23	8	1.38	0.2	1.44
(1,5626)	1:316:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HA	8	1.29	0.03	1.3
(1,5626)	1:316:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HA	8	1.29	0.03	1.3
(1,5626)	1:316:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HA	8	1.29	0.03	1.3
(1,5989)	1:212:A:VAL:HG21	1:255:A:LEU:HD11	8	1.08	1.07	0.59
(1,5989)	1:212:A:VAL:HG22	1:253:A:THR:HG23	8	1.08	1.07	0.59
(1,5989)	1:212:A:VAL:HG23	1:255:A:LEU:HD12	8	1.08	1.07	0.59
(1,5989)	1:212:A:VAL:HG21	1:253:A:THR:HG22	8	1.08	1.07	0.59
(1,5989)	1:212:A:VAL:HG21	1:255:A:LEU:HD13	8	1.08	1.07	0.59
(1,5989)	1:212:A:VAL:HG22	1:255:A:LEU:HD12	8	1.08	1.07	0.59
(1,6174)	1:253:A:THR:HB	1:255:A:LEU:HG	8	0.91	0.33	0.96
(1,6174)	1:253:A:THR:HB	1:239:A:LYS:HD3	8	0.91	0.33	0.96
(1,6009)	1:246:A:ALA:HA	1:251:A:GLU:HG2	8	0.89	0.22	0.94
(1,6009)	1:246:A:ALA:HA	1:242:A:GLU:HG2	8	0.89	0.22	0.94
(1,6009)	1:246:A:ALA:HA	1:251:A:GLU:HG3	8	0.89	0.22	0.94
(1,4160)	1:351:A:GLN:HG3	1:351:A:GLN:H	8	0.73	0.07	0.72
(1,6306)	1:253:A:THR:HG21	1:251:A:GLU:HB2	8	0.72	0.46	0.52
(1,6306)	1:253:A:THR:HG23	1:251:A:GLU:HB2	8	0.72	0.46	0.52
(1,6020)	1:317:A:LEU:HD11	1:278:A:LEU:HD22	8	0.66	0.33	0.62
(1,6020)	1:317:A:LEU:HD12	1:278:A:LEU:HD23	8	0.66	0.33	0.62
(1,6020)	1:317:A:LEU:HD13	1:278:A:LEU:HD22	8	0.66	0.33	0.62
(1,6020)	1:317:A:LEU:HD13	1:194:A:LEU:HD12	8	0.66	0.33	0.62
(1,6020)	1:317:A:LEU:HD13	1:278:A:LEU:HD23	8	0.66	0.33	0.62
(1,5053)	1:209:A:LEU:H	1:213:A:PHE:HB3	8	0.6	0.25	0.64
(1,5053)	1:209:A:LEU:H	1:202:A:MET:HG3	8	0.6	0.25	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5053)	1:209:A:LEU:H	1:205:A:ASP:HB2	8	0.6	0.25	0.64
(1,1680)	1:332:A:GLU:H	1:332:A:GLU:HB2	8	0.58	0.04	0.59
(1,6790)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HD21	8	0.55	0.34	0.44
(1,6790)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HD23	8	0.55	0.34	0.44
(1,6790)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HD22	8	0.55	0.34	0.44
(1,6790)	1:413:A:HIS:HE1	1:416:A:LEU:HD21	8	0.55	0.34	0.44
(1,6790)	1:413:A:HIS:HE1	1:416:A:LEU:HD22	8	0.55	0.34	0.44
(1,6751)	1:209:A:LEU:HD23	1:217:A:ILE:HG22	8	0.54	0.24	0.59
(1,6751)	1:209:A:LEU:HD23	1:217:A:ILE:HG12	8	0.54	0.24	0.59
(1,6751)	1:209:A:LEU:HD21	1:217:A:ILE:HG12	8	0.54	0.24	0.59
(1,6751)	1:209:A:LEU:HD23	1:217:A:ILE:HG21	8	0.54	0.24	0.59
(1,6751)	1:209:A:LEU:HD22	1:217:A:ILE:HG12	8	0.54	0.24	0.59
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD11	1:316:A:LEU:HA	8	0.52	0.01	0.52
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD12	1:316:A:LEU:HA	8	0.52	0.01	0.52
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD13	1:316:A:LEU:HA	8	0.52	0.01	0.52
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG11	8	0.51	0.52	0.34
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG12	8	0.51	0.52	0.34
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG13	8	0.51	0.52	0.34
(1,5466)	1:340:A:GLN:HE21	1:344:A:ILE:HA	8	0.5	0.08	0.48
(1,5466)	1:340:A:GLN:HE21	1:342:A:ILE:HA	8	0.5	0.08	0.48
(1,6354)	1:225:A:MET:HE3	1:221:A:GLU:HA	8	0.49	0.23	0.49
(1,6354)	1:225:A:MET:HE1	1:221:A:GLU:HA	8	0.49	0.23	0.49
(1,6354)	1:225:A:MET:HE1	1:324:A:HIS:HA	8	0.49	0.23	0.49
(1,6354)	1:225:A:MET:HE2	1:324:A:HIS:HA	8	0.49	0.23	0.49
(1,6354)	1:225:A:MET:HE2	1:221:A:GLU:HA	8	0.49	0.23	0.49
(1,3198)	1:351:A:GLN:HG3	1:351:A:GLN:HA	8	0.46	0.15	0.44
(1,6603)	1:430:A:TRP:HZ2	1:423:A:LEU:HB3	8	0.44	0.16	0.41
(1,6603)	1:430:A:TRP:HZ2	1:423:A:LEU:HG	8	0.44	0.16	0.41
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD11	1:361:A:PHE:HB3	8	0.43	0.21	0.43
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD12	1:361:A:PHE:HB3	8	0.43	0.21	0.43
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD13	1:361:A:PHE:HB3	8	0.43	0.21	0.43
(1,5290)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HB2	8	0.42	0.4	0.22
(1,2527)	1:377:A:MET:HG2	1:377:A:MET:H	8	0.39	0.11	0.42
(1,2693)	1:281:A:LYS:HE3	1:277:A:ASN:H	8	0.35	0.12	0.32
(1,2693)	1:281:A:LYS:HE2	1:277:A:ASN:H	8	0.35	0.12	0.32
(1,6850)	1:323:A:VAL:HG12	1:324:A:HIS:HD2	8	0.34	0.23	0.31
(1,6850)	1:323:A:VAL:HG12	1:368:A:PHE:HD2	8	0.34	0.23	0.31
(1,6850)	1:323:A:VAL:HG13	1:361:A:PHE:HD1	8	0.34	0.23	0.31
(1,6850)	1:323:A:VAL:HG11	1:324:A:HIS:HD2	8	0.34	0.23	0.31
(1,6850)	1:323:A:VAL:HG13	1:368:A:PHE:HD2	8	0.34	0.23	0.31
(1,2789)	1:187:A:LYS:HD3	1:188:A:PRO:HD2	8	0.34	0.14	0.32
(1,2789)	1:187:A:LYS:HD3	1:188:A:PRO:HD3	8	0.34	0.14	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2982)	1:225:A:MET:HE1	1:327:A:HIS:HB2	8	0.33	0.08	0.32
(1,2982)	1:225:A:MET:HE2	1:327:A:HIS:HB2	8	0.33	0.08	0.32
(1,2982)	1:225:A:MET:HE3	1:327:A:HIS:HB2	8	0.33	0.08	0.32
(1,2982)	1:225:A:MET:HE1	1:327:A:HIS:HB3	8	0.33	0.08	0.32
(1,2982)	1:225:A:MET:HE2	1:327:A:HIS:HB3	8	0.33	0.08	0.32
(1,2982)	1:225:A:MET:HE3	1:327:A:HIS:HB3	8	0.33	0.08	0.32
(2,43)	1:355:A:ARG:HD2	1:356:A:VAL:H	8	0.33	0.15	0.33
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB1	1:251:A:GLU:HG2	8	0.33	0.09	0.31
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB2	1:251:A:GLU:HG2	8	0.33	0.09	0.31
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB3	1:251:A:GLU:HG2	8	0.33	0.09	0.31
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB1	1:251:A:GLU:HG3	8	0.33	0.09	0.31
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB2	1:251:A:GLU:HG3	8	0.33	0.09	0.31
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB3	1:251:A:GLU:HG3	8	0.33	0.09	0.31
(1,5408)	1:265:A:SER:H	1:261:A:ASN:HB3	8	0.32	0.1	0.33
(1,6414)	1:279:A:LEU:HD12	1:278:A:LEU:HD21	8	0.31	0.21	0.23
(1,6414)	1:279:A:LEU:HD13	1:350:A:VAL:HG22	8	0.31	0.21	0.23
(1,6414)	1:279:A:LEU:HD12	1:278:A:LEU:HD23	8	0.31	0.21	0.23
(1,6414)	1:279:A:LEU:HD11	1:350:A:VAL:HG22	8	0.31	0.21	0.23
(1,6414)	1:279:A:LEU:HD13	1:278:A:LEU:HD21	8	0.31	0.21	0.23
(1,6414)	1:279:A:LEU:HD12	1:350:A:VAL:HG21	8	0.31	0.21	0.23
(1,6414)	1:279:A:LEU:HD13	1:278:A:LEU:HD22	8	0.31	0.21	0.23
(1,5968)	1:315:A:TYR:HE2	1:316:A:LEU:H	8	0.28	0.13	0.24
(1,5026)	1:395:A:GLN:HE21	1:396:A:ALA:H	8	0.24	0.05	0.24
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD21	1:325:A:MET:HG2	8	0.19	0.04	0.19
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD22	1:325:A:MET:HG2	8	0.19	0.04	0.19
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD23	1:325:A:MET:HG2	8	0.19	0.04	0.19
(1,2213)	1:199:A:GLU:HG2	1:199:A:GLU:HA	8	0.19	0.06	0.18
(1,4857)	1:297:A:THR:H	1:293:A:ARG:HB3	8	0.19	0.09	0.15
(1,4857)	1:297:A:THR:H	1:293:A:ARG:HB2	8	0.19	0.09	0.15
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD2	1:189:A:ILE:HD11	8	0.16	0.05	0.14
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD2	1:189:A:ILE:HD12	8	0.16	0.05	0.14
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD2	1:189:A:ILE:HD13	8	0.16	0.05	0.14
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD3	1:189:A:ILE:HD11	8	0.16	0.05	0.14
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD3	1:189:A:ILE:HD12	8	0.16	0.05	0.14
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD3	1:189:A:ILE:HD13	8	0.16	0.05	0.14
(1,36)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HG	8	0.16	0.03	0.16
(3,168)	1:403:A:ARG:O	1:407:A:PHE:H	8	0.13	0.02	0.12
(1,6113)	1:350:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HE2	7	1.56	0.9	1.95
(1,6113)	1:350:A:VAL:HG22	1:352:A:ILE:H	7	1.56	0.9	1.95
(1,6113)	1:350:A:VAL:HG21	1:352:A:ILE:H	7	1.56	0.9	1.95
(1,6113)	1:350:A:VAL:HG23	1:352:A:ILE:H	7	1.56	0.9	1.95
(1,6113)	1:350:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HE2	7	1.56	0.9	1.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6253)	1:423:A:LEU:HD21	1:430:A:TRP:HZ2	7	1.42	0.4	1.57
(1,6253)	1:423:A:LEU:HD23	1:430:A:TRP:HZ2	7	1.42	0.4	1.57
(1,6253)	1:316:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HD1	7	1.42	0.4	1.57
(1,6253)	1:316:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HD1	7	1.42	0.4	1.57
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HB2	7	1.39	0.63	1.59
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HB2	7	1.39	0.63	1.59
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HB2	7	1.39	0.63	1.59
(1,6514)	1:315:A:TYR:HE1	1:367:A:LEU:HD22	7	1.29	0.48	1.46
(1,6514)	1:315:A:TYR:HE1	1:367:A:LEU:HD23	7	1.29	0.48	1.46
(1,6514)	1:315:A:TYR:HE2	1:316:A:LEU:HD11	7	1.29	0.48	1.46
(1,6514)	1:315:A:TYR:HE2	1:316:A:LEU:HD12	7	1.29	0.48	1.46
(1,5813)	1:420:A:ILE:HG21	1:425:A:LYS:HE3	7	0.78	0.46	0.71
(1,5813)	1:420:A:ILE:HG22	1:425:A:LYS:HE2	7	0.78	0.46	0.71
(1,5813)	1:420:A:ILE:HG23	1:425:A:LYS:HE2	7	0.78	0.46	0.71
(1,5813)	1:420:A:ILE:HG21	1:425:A:LYS:HE2	7	0.78	0.46	0.71
(1,5813)	1:420:A:ILE:HG23	1:425:A:LYS:HE3	7	0.78	0.46	0.71
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD21	7	0.7	0.22	0.74
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD21	7	0.7	0.22	0.74
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD21	7	0.7	0.22	0.74
(1,6372)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:H	7	0.48	0.44	0.31
(1,6386)	1:398:A:ILE:HD11	1:392:A:PRO:HD2	7	0.47	0.32	0.4
(1,6386)	1:398:A:ILE:HD13	1:392:A:PRO:HD2	7	0.47	0.32	0.4
(1,6560)	1:278:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HE1	7	0.46	0.22	0.54
(1,6560)	1:278:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HE1	7	0.46	0.22	0.54
(1,6560)	1:429:A:LEU:HD21	1:430:A:TRP:HD1	7	0.46	0.22	0.54
(1,6560)	1:429:A:LEU:HD22	1:430:A:TRP:HD1	7	0.46	0.22	0.54
(1,6560)	1:278:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HE2	7	0.46	0.22	0.54
(1,5060)	1:225:A:MET:H	1:225:A:MET:HG2	7	0.46	0.14	0.49
(1,6393)	1:278:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HD13	7	0.46	0.11	0.45
(1,6393)	1:278:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD11	7	0.46	0.11	0.45
(1,6393)	1:278:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HD11	7	0.46	0.11	0.45
(1,6393)	1:278:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HD12	7	0.46	0.11	0.45
(1,6393)	1:278:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HD11	7	0.46	0.11	0.45
(1,6393)	1:278:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD11	7	0.46	0.11	0.45
(1,6393)	1:278:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HD13	7	0.46	0.11	0.45
(1,3089)	1:333:A:LEU:HG	1:333:A:LEU:HA	7	0.41	0.01	0.41
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD21	1:318:A:ILE:H	7	0.4	0.2	0.33
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:H	7	0.4	0.2	0.33
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:H	7	0.4	0.2	0.33
(1,6540)	1:337:A:MET:HE2	1:232:A:ARG:HD3	7	0.4	0.1	0.42
(1,6540)	1:337:A:MET:HE1	1:232:A:ARG:HD3	7	0.4	0.1	0.42
(1,6540)	1:337:A:MET:HE3	1:232:A:ARG:HD3	7	0.4	0.1	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5186)	1:431:A:GLU:H	1:432:A:VAL:HB	7	0.37	0.22	0.31
(1,5186)	1:329:A:ILE:H	1:332:A:GLU:HG2	7	0.37	0.22	0.31
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD11	7	0.37	0.41	0.16
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD12	7	0.37	0.41	0.16
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD13	7	0.37	0.41	0.16
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD11	7	0.37	0.41	0.16
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD12	7	0.37	0.41	0.16
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD13	7	0.37	0.41	0.16
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD11	7	0.37	0.41	0.16
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD12	7	0.37	0.41	0.16
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD13	7	0.37	0.41	0.16
(1,5741)	1:351:A:GLN:HG3	1:272:A:ARG:HG2	7	0.36	0.15	0.3
(1,5443)	1:225:A:MET:H	1:227:A:CYS:HB2	7	0.36	0.12	0.35
(1,6157)	1:323:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:H	7	0.35	0.27	0.21
(1,6157)	1:380:A:LEU:HD21	1:381:A:ARG:H	7	0.35	0.27	0.21
(1,6157)	1:380:A:LEU:HD22	1:381:A:ARG:H	7	0.35	0.27	0.21
(1,6157)	1:323:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:H	7	0.35	0.27	0.21
(1,6157)	1:323:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:H	7	0.35	0.27	0.21
(1,6157)	1:380:A:LEU:HD23	1:381:A:ARG:H	7	0.35	0.27	0.21
(1,282)	1:313:A:CYS:H	1:312:A:GLU:HB3	7	0.33	0.07	0.31
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD21	7	0.33	0.13	0.36
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD22	7	0.33	0.13	0.36
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD23	7	0.33	0.13	0.36
(1,4463)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:H	7	0.33	0.1	0.37
(1,4929)	1:317:A:LEU:H	1:315:A:TYR:HD2	7	0.31	0.18	0.32
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG11	7	0.3	0.17	0.22
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG12	7	0.3	0.17	0.22
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG13	7	0.3	0.17	0.22
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG11	7	0.3	0.17	0.22
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG12	7	0.3	0.17	0.22
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG13	7	0.3	0.17	0.22
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG11	7	0.3	0.17	0.22
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG12	7	0.3	0.17	0.22
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG13	7	0.3	0.17	0.22
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG11	1:232:A:ARG:HD3	7	0.3	0.2	0.27
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG12	1:232:A:ARG:HD3	7	0.3	0.2	0.27
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG13	1:232:A:ARG:HD3	7	0.3	0.2	0.27
(1,6816)	1:219:A:TYR:HE2	1:255:A:LEU:HD11	7	0.29	0.17	0.19
(1,6816)	1:219:A:TYR:HE2	1:230:A:ILE:HD11	7	0.29	0.17	0.19
(1,6816)	1:219:A:TYR:HE2	1:230:A:ILE:HD13	7	0.29	0.17	0.19
(1,6816)	1:219:A:TYR:HE1	1:255:A:LEU:HD13	7	0.29	0.17	0.19
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD11	7	0.28	0.1	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD12	7	0.28	0.1	0.31
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD13	7	0.28	0.1	0.31
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD21	7	0.28	0.1	0.31
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD22	7	0.28	0.1	0.31
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD23	7	0.28	0.1	0.31
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG21	7	0.28	0.17	0.18
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG22	7	0.28	0.17	0.18
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG23	7	0.28	0.17	0.18
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG21	7	0.28	0.17	0.18
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG22	7	0.28	0.17	0.18
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG23	7	0.28	0.17	0.18
(1,4217)	1:226:A:LYS:HG2	1:334:A:GLU:HG3	7	0.24	0.08	0.26
(1,5692)	1:429:A:LEU:HD21	1:426:A:GLU:HA	7	0.22	0.09	0.18
(1,5692)	1:429:A:LEU:HD22	1:426:A:GLU:HA	7	0.22	0.09	0.18
(1,5692)	1:429:A:LEU:HD23	1:426:A:GLU:HA	7	0.22	0.09	0.18
(1,2498)	1:293:A:ARG:HD3	1:293:A:ARG:HG2	7	0.19	0.02	0.19
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB1	7	0.18	0.05	0.17
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB2	7	0.18	0.05	0.17
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB3	7	0.18	0.05	0.17
(2,19)	1:245:A:ALA:H	1:244:A:LYS:HD2	7	0.16	0.05	0.16
(1,6866)	1:217:A:ILE:HG12	1:213:A:PHE:HB3	7	0.16	0.03	0.16
(1,4515)	1:203:A:MET:HE1	1:375:A:GLN:HA	7	0.15	0.02	0.16
(1,4515)	1:203:A:MET:HE2	1:375:A:GLN:HA	7	0.15	0.02	0.16
(1,4515)	1:203:A:MET:HE3	1:375:A:GLN:HA	7	0.15	0.02	0.16
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG11	7	0.14	0.02	0.14
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG12	7	0.14	0.02	0.14
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG13	7	0.14	0.02	0.14
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG11	7	0.14	0.02	0.14
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG12	7	0.14	0.02	0.14
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG13	7	0.14	0.02	0.14
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG11	7	0.14	0.02	0.14
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG12	7	0.14	0.02	0.14
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG13	7	0.14	0.02	0.14
(2,68)	1:352:A:ILE:HD11	1:277:A:ASN:HD22	7	0.13	0.03	0.12
(2,68)	1:352:A:ILE:HD12	1:277:A:ASN:HD22	7	0.13	0.03	0.12
(2,68)	1:352:A:ILE:HD13	1:277:A:ASN:HD22	7	0.13	0.03	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE1	1:213:A:PHE:HD1	7	0.13	0.02	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE1	1:213:A:PHE:HD2	7	0.13	0.02	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE2	1:213:A:PHE:HD1	7	0.13	0.02	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE2	1:213:A:PHE:HD2	7	0.13	0.02	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE3	1:213:A:PHE:HD1	7	0.13	0.02	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE3	1:213:A:PHE:HD2	7	0.13	0.02	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,3623)	1:305:A:ARG:HD3	1:283:A:LEU:HA	7	0.12	0.03	0.11
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD11	1:368:A:PHE:HZ	7	0.12	0.01	0.12
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD12	1:368:A:PHE:HZ	7	0.12	0.01	0.12
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD13	1:368:A:PHE:HZ	7	0.12	0.01	0.12
(1,1110)	1:332:A:GLU:H	1:336:A:LYS:H	7	0.12	0.02	0.12
(1,4884)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HB3	7	0.12	0.02	0.11
(1,3386)	1:253:A:THR:HG21	1:253:A:THR:HA	7	0.12	0.0	0.12
(1,3386)	1:253:A:THR:HG22	1:253:A:THR:HA	7	0.12	0.0	0.12
(1,3386)	1:253:A:THR:HG23	1:253:A:THR:HA	7	0.12	0.0	0.12
(1,6442)	1:350:A:VAL:HG21	1:353:A:SER:H	6	2.03	0.52	2.22
(1,6442)	1:350:A:VAL:HG22	1:353:A:SER:H	6	2.03	0.52	2.22
(1,6442)	1:350:A:VAL:HG23	1:353:A:SER:H	6	2.03	0.52	2.22
(1,6492)	1:350:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HA	6	1.84	0.42	1.99
(1,6492)	1:350:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HA	6	1.84	0.42	1.99
(1,6492)	1:350:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HA	6	1.84	0.42	1.99
(1,4663)	1:373:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HA	6	1.73	0.19	1.72
(1,4663)	1:373:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HA	6	1.73	0.19	1.72
(1,4663)	1:373:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HA	6	1.73	0.19	1.72
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HD11	6	1.33	0.15	1.34
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HD12	6	1.33	0.15	1.34
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HD13	6	1.33	0.15	1.34
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HD11	6	1.33	0.15	1.34
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HD12	6	1.33	0.15	1.34
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HD13	6	1.33	0.15	1.34
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HD11	6	1.33	0.15	1.34
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HD12	6	1.33	0.15	1.34
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HD13	6	1.33	0.15	1.34
(1,932)	1:320:A:TRP:H	1:373:A:LEU:HD11	6	1.19	0.18	1.18
(1,932)	1:320:A:TRP:H	1:373:A:LEU:HD12	6	1.19	0.18	1.18
(1,932)	1:320:A:TRP:H	1:373:A:LEU:HD13	6	1.19	0.18	1.18
(1,2874)	1:267:A:LEU:HD11	1:216:A:CYS:H	6	1.19	0.5	1.32
(1,2874)	1:267:A:LEU:HD12	1:216:A:CYS:H	6	1.19	0.5	1.32
(1,2874)	1:267:A:LEU:HD13	1:216:A:CYS:H	6	1.19	0.5	1.32
(1,1061)	1:320:A:TRP:HE1	1:373:A:LEU:HD11	6	1.12	0.11	1.08
(1,1061)	1:320:A:TRP:HE1	1:373:A:LEU:HD12	6	1.12	0.11	1.08
(1,1061)	1:320:A:TRP:HE1	1:373:A:LEU:HD13	6	1.12	0.11	1.08
(1,2642)	1:373:A:LEU:HD21	1:327:A:HIS:HE1	6	1.08	0.69	0.93
(1,2642)	1:373:A:LEU:HD22	1:327:A:HIS:HE1	6	1.08	0.69	0.93
(1,2642)	1:373:A:LEU:HD23	1:327:A:HIS:HE1	6	1.08	0.69	0.93
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD11	6	1.06	0.15	1.07
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD12	6	1.06	0.15	1.07
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD13	6	1.06	0.15	1.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD11	6	1.06	0.15	1.07
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD12	6	1.06	0.15	1.07
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD13	6	1.06	0.15	1.07
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD11	6	1.06	0.15	1.07
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD12	6	1.06	0.15	1.07
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD13	6	1.06	0.15	1.07
(1,2209)	1:267:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HA	6	1.04	0.19	1.03
(1,2209)	1:267:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HA	6	1.04	0.19	1.03
(1,2209)	1:267:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HA	6	1.04	0.19	1.03
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD11	6	0.98	0.16	1.02
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD12	6	0.98	0.16	1.02
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD13	6	0.98	0.16	1.02
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD11	6	0.98	0.16	1.02
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD12	6	0.98	0.16	1.02
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD13	6	0.98	0.16	1.02
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD11	6	0.98	0.16	1.02
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD12	6	0.98	0.16	1.02
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD13	6	0.98	0.16	1.02
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD11	6	0.85	0.27	0.94
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD12	6	0.85	0.27	0.94
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD13	6	0.85	0.27	0.94
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD11	6	0.85	0.27	0.94
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD12	6	0.85	0.27	0.94
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD13	6	0.85	0.27	0.94
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD11	6	0.85	0.27	0.94
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD12	6	0.85	0.27	0.94
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD13	6	0.85	0.27	0.94
(1,3459)	1:373:A:LEU:HD11	1:373:A:LEU:HA	6	0.8	0.02	0.8
(1,3459)	1:373:A:LEU:HD12	1:373:A:LEU:HA	6	0.8	0.02	0.8
(1,3459)	1:373:A:LEU:HD13	1:373:A:LEU:HA	6	0.8	0.02	0.8
(1,2934)	1:383:A:SER:HB2	1:386:A:ALA:HB1	6	0.78	0.47	0.99
(1,2934)	1:383:A:SER:HB2	1:386:A:ALA:HB2	6	0.78	0.47	0.99
(1,2934)	1:383:A:SER:HB2	1:386:A:ALA:HB3	6	0.78	0.47	0.99
(1,3225)	1:350:A:VAL:HG21	1:350:A:VAL:H	6	0.69	0.03	0.7
(1,3225)	1:350:A:VAL:HG22	1:350:A:VAL:H	6	0.69	0.03	0.7
(1,3225)	1:350:A:VAL:HG23	1:350:A:VAL:H	6	0.69	0.03	0.7
(1,4801)	1:209:A:LEU:H	1:202:A:MET:HG2	6	0.67	0.4	0.6
(1,4801)	1:209:A:LEU:H	1:213:A:PHE:HB2	6	0.67	0.4	0.6
(1,6239)	1:355:A:ARG:HG2	1:291:A:CYS:HB2	6	0.56	0.33	0.52
(1,6239)	1:355:A:ARG:HG3	1:291:A:CYS:HB2	6	0.56	0.33	0.52
(1,6079)	1:208:A:ARG:HG2	1:312:A:GLU:HA	6	0.52	0.23	0.53
(1,6079)	1:208:A:ARG:HG3	1:312:A:GLU:HA	6	0.52	0.23	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5853)	1:393:A:GLU:HG3	1:394:A:THR:HG21	6	0.49	0.43	0.26
(1,5853)	1:393:A:GLU:HG3	1:446:A:ALA:HB1	6	0.49	0.43	0.26
(1,5853)	1:393:A:GLU:HG3	1:394:A:THR:HG22	6	0.49	0.43	0.26
(1,5853)	1:393:A:GLU:HG3	1:394:A:THR:HG23	6	0.49	0.43	0.26
(1,1661)	1:372:A:VAL:H	1:373:A:LEU:HD11	6	0.44	0.1	0.44
(1,1661)	1:372:A:VAL:H	1:373:A:LEU:HD12	6	0.44	0.1	0.44
(1,1661)	1:372:A:VAL:H	1:373:A:LEU:HD13	6	0.44	0.1	0.44
(1,5832)	1:283:A:LEU:HD23	1:279:A:LEU:HD12	6	0.44	0.29	0.36
(1,5832)	1:283:A:LEU:HD21	1:279:A:LEU:HD12	6	0.44	0.29	0.36
(1,5832)	1:283:A:LEU:HD22	1:279:A:LEU:HD11	6	0.44	0.29	0.36
(1,5832)	1:283:A:LEU:HD22	1:279:A:LEU:HD13	6	0.44	0.29	0.36
(1,5832)	1:283:A:LEU:HD22	1:279:A:LEU:HD12	6	0.44	0.29	0.36
(1,5943)	1:278:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HD13	6	0.42	0.23	0.39
(1,5943)	1:278:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HD22	6	0.42	0.23	0.39
(1,5943)	1:321:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:HD11	6	0.42	0.23	0.39
(1,5943)	1:278:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HD23	6	0.42	0.23	0.39
(1,5943)	1:278:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HD12	6	0.42	0.23	0.39
(1,5943)	1:278:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:HD13	6	0.42	0.23	0.39
(1,6610)	1:200:A:ARG:HD3	1:197:A:ALA:HA	6	0.41	0.08	0.42
(1,6610)	1:403:A:ARG:HD2	1:400:A:GLU:HA	6	0.41	0.08	0.42
(1,6610)	1:272:A:ARG:HD2	1:349:A:THR:HA	6	0.41	0.08	0.42
(1,1397)	1:375:A:GLN:HE22	1:222:A:LYS:HD2	6	0.41	0.07	0.42
(1,6284)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HB3	6	0.4	0.08	0.41
(1,6284)	1:399:A:LYS:HE3	1:399:A:LYS:HB3	6	0.4	0.08	0.41
(1,4167)	1:239:A:LYS:HD3	1:239:A:LYS:HA	6	0.39	0.2	0.44
(1,6314)	1:334:A:GLU:HG2	1:331:A:LYS:HD3	6	0.38	0.23	0.28
(1,6314)	1:334:A:GLU:HG2	1:331:A:LYS:HD2	6	0.38	0.23	0.28
(1,6314)	1:334:A:GLU:HG2	1:333:A:LEU:HB2	6	0.38	0.23	0.28
(1,3529)	1:393:A:GLU:HG3	1:442:A:LYS:HE2	6	0.37	0.14	0.39
(1,2284)	1:223:A:TYR:HE1	1:256:A:GLU:HG3	6	0.37	0.17	0.4
(1,2284)	1:223:A:TYR:HE2	1:256:A:GLU:HG3	6	0.37	0.17	0.4
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD11	1:200:A:ARG:HD3	6	0.36	0.16	0.33
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD12	1:200:A:ARG:HD3	6	0.36	0.16	0.33
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD13	1:200:A:ARG:HD3	6	0.36	0.16	0.33
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD11	1:200:A:ARG:HD2	6	0.36	0.16	0.33
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD12	1:200:A:ARG:HD2	6	0.36	0.16	0.33
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD13	1:200:A:ARG:HD2	6	0.36	0.16	0.33
(1,6105)	1:337:A:MET:HE1	1:341:A:ASN:HB2	6	0.35	0.2	0.3
(1,6105)	1:337:A:MET:HE2	1:341:A:ASN:HB2	6	0.35	0.2	0.3
(1,6105)	1:337:A:MET:HE2	1:231:A:TYR:HB2	6	0.35	0.2	0.3
(1,6105)	1:337:A:MET:HE3	1:341:A:ASN:HB3	6	0.35	0.2	0.3
(1,6172)	1:409:A:LEU:HD23	1:433:A:GLN:HA	6	0.35	0.22	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6172)	1:409:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:HA	6	0.35	0.22	0.24
(1,6172)	1:409:A:LEU:HD21	1:433:A:GLN:HA	6	0.35	0.22	0.24
(1,4934)	1:316:A:LEU:H	1:209:A:LEU:HD13	6	0.34	0.13	0.35
(1,4934)	1:316:A:LEU:H	1:209:A:LEU:HD11	6	0.34	0.13	0.35
(1,5360)	1:431:A:GLU:H	1:433:A:GLN:HE21	6	0.33	0.21	0.28
(1,5360)	1:386:A:ALA:H	1:382:A:TRP:HD1	6	0.33	0.21	0.28
(1,3823)	1:377:A:MET:HG2	1:204:A:TYR:HD1	6	0.31	0.13	0.3
(1,3823)	1:377:A:MET:HG2	1:204:A:TYR:HD2	6	0.31	0.13	0.3
(1,3823)	1:377:A:MET:HG2	1:204:A:TYR:HE1	6	0.31	0.13	0.3
(1,5352)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:HA	6	0.3	0.15	0.22
(1,4944)	1:395:A:GLN:HE21	1:398:A:ILE:HB	6	0.29	0.07	0.3
(1,6536)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HB3	6	0.27	0.11	0.21
(1,6214)	1:281:A:LYS:HG2	1:276:A:GLU:HG3	6	0.26	0.07	0.26
(1,6147)	1:225:A:MET:HE2	1:328:A:VAL:H	6	0.25	0.11	0.25
(1,6147)	1:225:A:MET:HE1	1:324:A:HIS:HE1	6	0.25	0.11	0.25
(1,6147)	1:225:A:MET:HE2	1:324:A:HIS:HE1	6	0.25	0.11	0.25
(1,6147)	1:225:A:MET:HE1	1:328:A:VAL:H	6	0.25	0.11	0.25
(1,2149)	1:222:A:LYS:HE2	1:223:A:TYR:HE1	6	0.23	0.07	0.22
(1,2149)	1:222:A:LYS:HE2	1:223:A:TYR:HE2	6	0.23	0.07	0.22
(1,2149)	1:222:A:LYS:HE3	1:223:A:TYR:HE1	6	0.23	0.07	0.22
(1,2149)	1:222:A:LYS:HE3	1:223:A:TYR:HE2	6	0.23	0.07	0.22
(1,1355)	1:251:A:GLU:H	1:252:A:SER:HA	6	0.21	0.04	0.22
(1,3002)	1:409:A:LEU:HD11	1:406:A:GLU:H	6	0.2	0.21	0.11
(1,3002)	1:409:A:LEU:HD12	1:406:A:GLU:H	6	0.2	0.21	0.11
(1,3002)	1:409:A:LEU:HD13	1:406:A:GLU:H	6	0.2	0.21	0.11
(1,5622)	1:318:A:ILE:HG21	1:279:A:LEU:HA	6	0.18	0.05	0.16
(1,5622)	1:318:A:ILE:HG23	1:279:A:LEU:HA	6	0.18	0.05	0.16
(1,5923)	1:274:A:LEU:HD22	1:197:A:ALA:H	6	0.18	0.05	0.2
(1,5923)	1:274:A:LEU:HD21	1:197:A:ALA:H	6	0.18	0.05	0.2
(1,5923)	1:274:A:LEU:HD23	1:197:A:ALA:H	6	0.18	0.05	0.2
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD2	1:437:A:THR:HG21	6	0.18	0.04	0.17
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD2	1:437:A:THR:HG22	6	0.18	0.04	0.17
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD2	1:437:A:THR:HG23	6	0.18	0.04	0.17
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD3	1:437:A:THR:HG21	6	0.18	0.04	0.17
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD3	1:437:A:THR:HG22	6	0.18	0.04	0.17
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD3	1:437:A:THR:HG23	6	0.18	0.04	0.17
(1,4752)	1:274:A:LEU:H	1:271:A:LEU:HG	6	0.18	0.03	0.18
(1,2423)	1:203:A:MET:HE1	1:218:A:ASP:H	6	0.17	0.04	0.18
(1,2423)	1:203:A:MET:HE2	1:218:A:ASP:H	6	0.17	0.04	0.18
(1,2423)	1:203:A:MET:HE3	1:218:A:ASP:H	6	0.17	0.04	0.18
(1,5083)	1:367:A:LEU:H	1:363:A:HIS:HB3	6	0.16	0.03	0.15
(1,5083)	1:367:A:LEU:H	1:368:A:PHE:HB3	6	0.16	0.03	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5762)	1:324:A:HIS:HD2	1:217:A:ILE:HB	6	0.16	0.08	0.12
(1,3354)	1:285:A:PRO:HG2	1:286:A:ARG:H	6	0.14	0.04	0.12
(1,772)	1:370:A:ASN:HD21	1:370:A:ASN:HA	6	0.13	0.02	0.13
(1,1473)	1:232:A:ARG:H	1:232:A:ARG:HD2	6	0.13	0.02	0.12
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB1	1:383:A:SER:HB2	6	0.13	0.02	0.12
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB2	1:383:A:SER:HB2	6	0.13	0.02	0.12
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB3	1:383:A:SER:HB2	6	0.13	0.02	0.12
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB1	1:383:A:SER:HB3	6	0.13	0.02	0.12
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB2	1:383:A:SER:HB3	6	0.13	0.02	0.12
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB3	1:383:A:SER:HB3	6	0.13	0.02	0.12
(1,6496)	1:262:A:THR:HG21	1:243:A:LEU:HD13	5	1.5	0.95	1.85
(1,6496)	1:262:A:THR:HG23	1:243:A:LEU:HD12	5	1.5	0.95	1.85
(1,2166)	1:350:A:VAL:HG21	1:352:A:ILE:HB	5	1.33	0.08	1.39
(1,2166)	1:350:A:VAL:HG22	1:352:A:ILE:HB	5	1.33	0.08	1.39
(1,2166)	1:350:A:VAL:HG23	1:352:A:ILE:HB	5	1.33	0.08	1.39
(1,6691)	1:266:A:LEU:HD11	1:268:A:LYS:H	5	1.16	0.56	1.47
(1,6691)	1:266:A:LEU:HD12	1:190:A:PHE:HD2	5	1.16	0.56	1.47
(1,6691)	1:266:A:LEU:HD13	1:268:A:LYS:H	5	1.16	0.56	1.47
(1,6691)	1:266:A:LEU:HD11	1:190:A:PHE:HD2	5	1.16	0.56	1.47
(1,6315)	1:283:A:LEU:HD12	1:280:A:THR:HG21	5	0.9	0.54	0.82
(1,6315)	1:283:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HD22	5	0.9	0.54	0.82
(1,6315)	1:283:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HD23	5	0.9	0.54	0.82
(1,6315)	1:283:A:LEU:HD11	1:280:A:THR:HG22	5	0.9	0.54	0.82
(1,6315)	1:283:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HD22	5	0.9	0.54	0.82
(1,3684)	1:267:A:LEU:HD11	1:216:A:CYS:HG	5	0.89	0.24	0.82
(1,3684)	1:267:A:LEU:HD13	1:216:A:CYS:HB3	5	0.89	0.24	0.82
(1,3684)	1:267:A:LEU:HD11	1:216:A:CYS:HB3	5	0.89	0.24	0.82
(2,4)	1:378:A:LYS:H	1:376:A:VAL:HG21	5	0.83	0.15	0.88
(2,4)	1:378:A:LYS:H	1:376:A:VAL:HG22	5	0.83	0.15	0.88
(2,4)	1:378:A:LYS:H	1:376:A:VAL:HG23	5	0.83	0.15	0.88
(1,3881)	1:377:A:MET:HG2	1:408:A:LEU:HD21	5	0.73	0.27	0.56
(1,3881)	1:377:A:MET:HG2	1:408:A:LEU:HD22	5	0.73	0.27	0.56
(1,3881)	1:377:A:MET:HG2	1:408:A:LEU:HD23	5	0.73	0.27	0.56
(1,6633)	1:432:A:VAL:HG23	1:408:A:LEU:HD23	5	0.7	0.31	0.83
(1,6633)	1:432:A:VAL:HG12	1:408:A:LEU:HD23	5	0.7	0.31	0.83
(1,6633)	1:432:A:VAL:HG12	1:408:A:LEU:HD21	5	0.7	0.31	0.83
(1,6633)	1:432:A:VAL:HG21	1:408:A:LEU:HD21	5	0.7	0.31	0.83
(1,6633)	1:432:A:VAL:HG12	1:435:A:ILE:HG23	5	0.7	0.31	0.83
(1,2229)	1:377:A:MET:HE1	1:204:A:TYR:HE1	5	0.66	0.31	0.76
(1,2229)	1:377:A:MET:HE2	1:204:A:TYR:HE1	5	0.66	0.31	0.76
(1,2229)	1:377:A:MET:HE2	1:204:A:TYR:HE2	5	0.66	0.31	0.76
(1,2229)	1:377:A:MET:HE3	1:204:A:TYR:HE1	5	0.66	0.31	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,3785)	1:371:A:VAL:HB	1:373:A:LEU:HD11	5	0.65	0.26	0.81
(1,3785)	1:371:A:VAL:HB	1:373:A:LEU:HD12	5	0.65	0.26	0.81
(1,3785)	1:371:A:VAL:HB	1:373:A:LEU:HD13	5	0.65	0.26	0.81
(1,2385)	1:222:A:LYS:HE3	1:223:A:TYR:H	5	0.6	0.22	0.58
(1,2785)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HG2	5	0.57	0.21	0.7
(1,6268)	1:283:A:LEU:HD11	1:309:A:GLU:HG3	5	0.53	0.67	0.18
(1,4055)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HD11	5	0.52	0.24	0.61
(1,4055)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HD12	5	0.52	0.24	0.61
(1,4055)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HD13	5	0.52	0.24	0.61
(1,6242)	1:243:A:LEU:HD11	1:242:A:GLU:HB3	5	0.51	0.13	0.55
(1,6242)	1:243:A:LEU:HD12	1:242:A:GLU:HB3	5	0.51	0.13	0.55
(1,6242)	1:243:A:LEU:HD12	1:242:A:GLU:HG2	5	0.51	0.13	0.55
(1,6468)	1:283:A:LEU:HD21	1:305:A:ARG:HD3	5	0.48	0.26	0.48
(1,6468)	1:283:A:LEU:HD22	1:305:A:ARG:HD3	5	0.48	0.26	0.48
(1,6468)	1:267:A:LEU:HD23	1:217:A:ILE:HA	5	0.48	0.26	0.48
(1,4322)	1:183:A:MET:HB3	1:184:A:PRO:HD2	5	0.47	0.1	0.45
(1,5231)	1:255:A:LEU:H	1:255:A:LEU:HD22	5	0.45	0.07	0.43
(1,5231)	1:330:A:ALA:H	1:329:A:ILE:HG21	5	0.45	0.07	0.43
(1,5231)	1:255:A:LEU:H	1:255:A:LEU:HD21	5	0.45	0.07	0.43
(1,5914)	1:197:A:ALA:HB3	1:189:A:ILE:HD11	5	0.43	0.16	0.46
(1,5914)	1:197:A:ALA:HB3	1:189:A:ILE:HD12	5	0.43	0.16	0.46
(1,5914)	1:197:A:ALA:HB1	1:189:A:ILE:HD11	5	0.43	0.16	0.46
(1,5914)	1:197:A:ALA:HB2	1:189:A:ILE:HD11	5	0.43	0.16	0.46
(1,5914)	1:197:A:ALA:HB3	1:189:A:ILE:HD13	5	0.43	0.16	0.46
(1,2788)	1:256:A:GLU:HG2	1:254:A:ASN:HB3	5	0.42	0.11	0.42
(1,6139)	1:317:A:LEU:HD11	1:210:A:PRO:HG3	5	0.42	0.24	0.29
(1,6139)	1:317:A:LEU:HD13	1:210:A:PRO:HG3	5	0.42	0.24	0.29
(1,6334)	1:194:A:LEU:HD22	1:198:A:VAL:H	5	0.39	0.16	0.34
(1,6334)	1:194:A:LEU:HD21	1:198:A:VAL:H	5	0.39	0.16	0.34
(1,6334)	1:194:A:LEU:HD22	1:313:A:CYS:H	5	0.39	0.16	0.34
(1,924)	1:351:A:GLN:HE22	1:272:A:ARG:HD2	5	0.37	0.17	0.34
(1,924)	1:351:A:GLN:HE22	1:272:A:ARG:HD3	5	0.37	0.17	0.34
(1,5615)	1:422:A:ASP:HB3	1:420:A:ILE:HG22	5	0.35	0.15	0.37
(1,5615)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HB3	5	0.35	0.15	0.37
(1,5615)	1:222:A:LYS:HE2	1:222:A:LYS:HB3	5	0.35	0.15	0.37
(1,3962)	1:244:A:LYS:HE2	1:244:A:LYS:HA	5	0.35	0.27	0.17
(1,2708)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HA	5	0.33	0.06	0.31
(1,5969)	1:258:A:TYR:HD1	1:253:A:THR:HG22	5	0.31	0.09	0.37
(1,5969)	1:258:A:TYR:HD1	1:255:A:LEU:HD13	5	0.31	0.09	0.37
(1,5969)	1:258:A:TYR:HD1	1:253:A:THR:HG21	5	0.31	0.09	0.37
(1,3650)	1:409:A:LEU:HD11	1:433:A:GLN:HE21	5	0.3	0.11	0.26
(1,3650)	1:409:A:LEU:HD12	1:433:A:GLN:HE21	5	0.3	0.11	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,3650)	1:409:A:LEU:HD13	1:433:A:GLN:HE21	5	0.3	0.11	0.26
(1,4958)	1:230:A:ILE:H	1:231:A:TYR:HA	5	0.3	0.09	0.32
(1,4958)	1:230:A:ILE:H	1:335:A:THR:HG1	5	0.3	0.09	0.32
(1,6006)	1:307:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HD1	5	0.29	0.14	0.25
(1,6006)	1:307:A:LEU:HD12	1:360:A:PHE:HE1	5	0.29	0.14	0.25
(1,6006)	1:307:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HD1	5	0.29	0.14	0.25
(1,5343)	1:332:A:GLU:H	1:331:A:LYS:HE2	5	0.29	0.13	0.24
(1,5343)	1:332:A:GLU:H	1:331:A:LYS:HE3	5	0.29	0.13	0.24
(1,5056)	1:372:A:VAL:H	1:370:A:ASN:HB3	5	0.26	0.07	0.27
(1,5056)	1:372:A:VAL:H	1:370:A:ASN:HB2	5	0.26	0.07	0.27
(1,1019)	1:428:A:ARG:H	1:423:A:LEU:HD21	5	0.24	0.03	0.23
(1,1019)	1:428:A:ARG:H	1:423:A:LEU:HD22	5	0.24	0.03	0.23
(1,1019)	1:428:A:ARG:H	1:423:A:LEU:HD23	5	0.24	0.03	0.23
(1,6074)	1:306:A:LEU:HD13	1:309:A:GLU:H	5	0.23	0.06	0.23
(1,6074)	1:306:A:LEU:HD11	1:309:A:GLU:H	5	0.23	0.06	0.23
(1,6074)	1:306:A:LEU:HD13	1:305:A:ARG:H	5	0.23	0.06	0.23
(1,387)	1:336:A:LYS:H	1:332:A:GLU:HB3	5	0.21	0.07	0.2
(1,917)	1:357:A:LEU:H	1:360:A:PHE:HB3	5	0.2	0.08	0.16
(1,5796)	1:210:A:PRO:HD2	1:194:A:LEU:HD11	5	0.2	0.07	0.23
(1,5796)	1:210:A:PRO:HD2	1:209:A:LEU:HG	5	0.2	0.07	0.23
(1,4496)	1:400:A:GLU:HG3	1:401:A:GLU:H	5	0.19	0.06	0.18
(1,6259)	1:443:A:LEU:HD11	1:399:A:LYS:HA	5	0.17	0.05	0.17
(1,6259)	1:443:A:LEU:HD12	1:399:A:LYS:HA	5	0.17	0.05	0.17
(1,6259)	1:443:A:LEU:HD12	1:440:A:LYS:HA	5	0.17	0.05	0.17
(1,6255)	1:284:A:MET:HE1	1:283:A:LEU:H	5	0.17	0.04	0.17
(1,6255)	1:284:A:MET:HE3	1:283:A:LEU:H	5	0.17	0.04	0.17
(1,6255)	1:284:A:MET:HE2	1:283:A:LEU:H	5	0.17	0.04	0.17
(1,3094)	1:199:A:GLU:HG3	1:196:A:ASP:HA	5	0.17	0.06	0.15
(1,3094)	1:199:A:GLU:HG2	1:196:A:ASP:HA	5	0.17	0.06	0.15
(1,6593)	1:323:A:VAL:HG11	1:371:A:VAL:HB	5	0.17	0.05	0.15
(1,6593)	1:323:A:VAL:HG12	1:371:A:VAL:HB	5	0.17	0.05	0.15
(1,6593)	1:323:A:VAL:HG13	1:371:A:VAL:HB	5	0.17	0.05	0.15
(1,3422)	1:299:A:LYS:HE2	1:299:A:LYS:H	5	0.17	0.03	0.16
(1,5157)	1:352:A:ILE:H	1:350:A:VAL:HG21	5	0.16	0.02	0.15
(1,5157)	1:352:A:ILE:H	1:350:A:VAL:HG13	5	0.16	0.02	0.15
(1,5157)	1:352:A:ILE:H	1:350:A:VAL:HG11	5	0.16	0.02	0.15
(1,5157)	1:352:A:ILE:H	1:350:A:VAL:HG22	5	0.16	0.02	0.15
(1,5157)	1:352:A:ILE:H	1:350:A:VAL:HG12	5	0.16	0.02	0.15
(1,3923)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HG21	5	0.16	0.04	0.14
(1,3923)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HG22	5	0.16	0.04	0.14
(1,3923)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HG23	5	0.16	0.04	0.14
(1,3923)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HG21	5	0.16	0.04	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,3923)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HG22	5	0.16	0.04	0.14
(1,3923)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HG23	5	0.16	0.04	0.14
(1,3923)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HG21	5	0.16	0.04	0.14
(1,3923)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HG22	5	0.16	0.04	0.14
(1,3923)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HG23	5	0.16	0.04	0.14
(1,6352)	1:209:A:LEU:HD22	1:211:A:ALA:HA	5	0.15	0.03	0.16
(1,6352)	1:209:A:LEU:HD21	1:320:A:TRP:HA	5	0.15	0.03	0.16
(1,2425)	1:225:A:MET:HE1	1:373:A:LEU:HD11	5	0.14	0.01	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE1	1:373:A:LEU:HD12	5	0.14	0.01	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE1	1:373:A:LEU:HD13	5	0.14	0.01	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE2	1:373:A:LEU:HD11	5	0.14	0.01	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE2	1:373:A:LEU:HD12	5	0.14	0.01	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE2	1:373:A:LEU:HD13	5	0.14	0.01	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE3	1:373:A:LEU:HD11	5	0.14	0.01	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE3	1:373:A:LEU:HD12	5	0.14	0.01	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE3	1:373:A:LEU:HD13	5	0.14	0.01	0.14
(1,193)	1:375:A:GLN:HE22	1:375:A:GLN:H	5	0.13	0.02	0.13
(1,1189)	1:216:A:CYS:H	1:247:A:TYR:HE1	5	0.13	0.01	0.13
(1,1189)	1:216:A:CYS:H	1:247:A:TYR:HE2	5	0.13	0.01	0.13
(2,54)	1:435:A:ILE:HD11	1:382:A:TRP:H	5	0.13	0.03	0.13
(2,54)	1:435:A:ILE:HD12	1:382:A:TRP:H	5	0.13	0.03	0.13
(2,54)	1:435:A:ILE:HD13	1:382:A:TRP:H	5	0.13	0.03	0.13
(1,2737)	1:385:A:MET:HE1	1:383:A:SER:HB3	5	0.13	0.01	0.14
(1,2737)	1:385:A:MET:HE2	1:383:A:SER:HB3	5	0.13	0.01	0.14
(1,2737)	1:385:A:MET:HE3	1:383:A:SER:HB3	5	0.13	0.01	0.14
(1,3660)	1:336:A:LYS:HD2	1:336:A:LYS:HB2	5	0.13	0.01	0.13
(1,605)	1:388:A:MET:H	1:388:A:MET:HB3	5	0.12	0.0	0.12
(2,197)	1:380:A:LEU:H	1:411:A:CYS:HG	5	0.11	0.01	0.11
(1,5005)	1:199:A:GLU:H	1:199:A:GLU:HB3	5	0.11	0.01	0.11
(1,5833)	1:300:A:VAL:HG21	1:301:A:GLN:HG2	4	1.92	1.24	1.72
(1,5833)	1:300:A:VAL:HG23	1:301:A:GLN:HG2	4	1.92	1.24	1.72
(1,5833)	1:300:A:VAL:HG22	1:301:A:GLN:HG2	4	1.92	1.24	1.72
(1,6585)	1:359:A:VAL:HG21	1:363:A:HIS:HB3	4	1.8	0.78	2.2
(1,6585)	1:359:A:VAL:HG22	1:363:A:HIS:HB3	4	1.8	0.78	2.2
(1,6585)	1:359:A:VAL:HG23	1:363:A:HIS:HB3	4	1.8	0.78	2.2
(2,40)	1:367:A:LEU:HD11	1:359:A:VAL:HG21	4	1.78	0.13	1.72
(2,40)	1:367:A:LEU:HD11	1:359:A:VAL:HG22	4	1.78	0.13	1.72
(2,40)	1:367:A:LEU:HD11	1:359:A:VAL:HG23	4	1.78	0.13	1.72
(2,40)	1:367:A:LEU:HD12	1:359:A:VAL:HG21	4	1.78	0.13	1.72
(2,40)	1:367:A:LEU:HD12	1:359:A:VAL:HG22	4	1.78	0.13	1.72
(2,40)	1:367:A:LEU:HD12	1:359:A:VAL:HG23	4	1.78	0.13	1.72
(2,40)	1:367:A:LEU:HD13	1:359:A:VAL:HG21	4	1.78	0.13	1.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(2,40)	1:367:A:LEU:HD13	1:359:A:VAL:HG22	4	1.78	0.13	1.72
(2,40)	1:367:A:LEU:HD13	1:359:A:VAL:HG23	4	1.78	0.13	1.72
(1,1366)	1:253:A:THR:H	1:243:A:LEU:HD21	4	1.7	1.0	2.0
(1,1366)	1:253:A:THR:H	1:243:A:LEU:HD22	4	1.7	1.0	2.0
(1,1366)	1:253:A:THR:H	1:243:A:LEU:HD23	4	1.7	1.0	2.0
(1,4395)	1:310:A:LEU:HD21	1:310:A:LEU:HA	4	1.27	0.01	1.27
(1,4395)	1:310:A:LEU:HD22	1:310:A:LEU:HA	4	1.27	0.01	1.27
(1,4395)	1:310:A:LEU:HD23	1:310:A:LEU:HA	4	1.27	0.01	1.27
(1,487)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG11	4	1.25	0.01	1.25
(1,487)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG12	4	1.25	0.01	1.25
(1,487)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG13	4	1.25	0.01	1.25
(1,43)	1:300:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG21	4	1.11	0.14	1.14
(1,43)	1:300:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG22	4	1.11	0.14	1.14
(1,43)	1:300:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG23	4	1.11	0.14	1.14
(1,5761)	1:315:A:TYR:HE1	1:318:A:ILE:HB	4	1.1	0.11	1.09
(1,3224)	1:327:A:HIS:HD2	1:373:A:LEU:HB2	4	0.91	0.33	0.9
(1,3224)	1:327:A:HIS:HD2	1:373:A:LEU:HD21	4	0.91	0.33	0.9
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HD11	4	0.9	0.7	0.88
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HD12	4	0.9	0.7	0.88
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HD13	4	0.9	0.7	0.88
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HD11	4	0.9	0.7	0.88
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HD12	4	0.9	0.7	0.88
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HD13	4	0.9	0.7	0.88
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HD11	4	0.9	0.7	0.88
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HD12	4	0.9	0.7	0.88
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HD13	4	0.9	0.7	0.88
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HD21	4	0.9	0.7	0.88
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HD22	4	0.9	0.7	0.88
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HD23	4	0.9	0.7	0.88
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HD21	4	0.9	0.7	0.88
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HD22	4	0.9	0.7	0.88
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HD23	4	0.9	0.7	0.88
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HD21	4	0.9	0.7	0.88
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HD22	4	0.9	0.7	0.88
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HD23	4	0.9	0.7	0.88
(1,4703)	1:185:A:ASN:HD22	1:187:A:LYS:HD3	4	0.84	0.29	0.98
(1,4703)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HB2	4	0.84	0.29	0.98
(1,5779)	1:438:A:ALA:HB3	1:392:A:PRO:HD2	4	0.83	0.4	0.82
(1,5779)	1:438:A:ALA:HB2	1:392:A:PRO:HD2	4	0.83	0.4	0.82
(1,5779)	1:438:A:ALA:HB3	1:441:A:ARG:HD3	4	0.83	0.4	0.82
(1,5779)	1:438:A:ALA:HB1	1:392:A:PRO:HD2	4	0.83	0.4	0.82
(1,5803)	1:189:A:ILE:HG23	1:197:A:ALA:HB1	4	0.82	0.57	0.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5803)	1:189:A:ILE:HG21	1:197:A:ALA:HB1	4	0.82	0.57	0.87
(1,5803)	1:189:A:ILE:HG21	1:197:A:ALA:HB3	4	0.82	0.57	0.87
(1,5803)	1:189:A:ILE:HG21	1:197:A:ALA:HB2	4	0.82	0.57	0.87
(1,6506)	1:312:A:GLU:HG2	1:208:A:ARG:HG3	4	0.8	0.26	0.88
(1,6506)	1:312:A:GLU:HG2	1:208:A:ARG:HG2	4	0.8	0.26	0.88
(2,7)	1:429:A:LEU:H	1:416:A:LEU:HD11	4	0.73	0.18	0.64
(2,7)	1:429:A:LEU:H	1:416:A:LEU:HD12	4	0.73	0.18	0.64
(2,7)	1:429:A:LEU:H	1:416:A:LEU:HD13	4	0.73	0.18	0.64
(1,2152)	1:208:A:ARG:HG3	1:312:A:GLU:HG2	4	0.7	0.26	0.78
(1,2152)	1:208:A:ARG:HG2	1:312:A:GLU:HG2	4	0.7	0.26	0.78
(1,5965)	1:279:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:HG12	4	0.68	0.36	0.76
(1,5965)	1:279:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HG12	4	0.68	0.36	0.76
(1,6825)	1:267:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HD12	4	0.68	0.53	0.53
(1,6825)	1:267:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HD11	4	0.68	0.53	0.53
(1,6825)	1:267:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HD13	4	0.68	0.53	0.53
(1,5815)	1:207:A:ILE:HD11	1:214:A:ARG:HD2	4	0.66	0.65	0.38
(1,5815)	1:207:A:ILE:HD13	1:374:A:LYS:HE3	4	0.66	0.65	0.38
(1,5815)	1:207:A:ILE:HD12	1:374:A:LYS:HE3	4	0.66	0.65	0.38
(1,5386)	1:269:A:GLN:HE21	1:244:A:LYS:HD2	4	0.65	0.26	0.63
(1,805)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HB3	4	0.64	0.18	0.67
(1,5645)	1:373:A:LEU:HD21	1:371:A:VAL:HB	4	0.61	0.14	0.58
(1,5645)	1:373:A:LEU:HD23	1:221:A:GLU:HB3	4	0.61	0.14	0.58
(1,5645)	1:373:A:LEU:HD22	1:371:A:VAL:HB	4	0.61	0.14	0.58
(1,5893)	1:310:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HG21	4	0.6	0.05	0.62
(1,5893)	1:310:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:HG23	4	0.6	0.05	0.62
(1,5893)	1:310:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HG23	4	0.6	0.05	0.62
(1,1052)	1:371:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB3	4	0.58	0.02	0.57
(1,6867)	1:312:A:GLU:HG3	1:208:A:ARG:HG2	4	0.5	0.24	0.47
(1,6867)	1:312:A:GLU:HG3	1:208:A:ARG:HG3	4	0.5	0.24	0.47
(1,6298)	1:208:A:ARG:HG2	1:312:A:GLU:HB2	4	0.48	0.36	0.36
(1,6298)	1:208:A:ARG:HG3	1:198:A:VAL:HB	4	0.48	0.36	0.36
(1,6298)	1:208:A:ARG:HG3	1:312:A:GLU:HB2	4	0.48	0.36	0.36
(1,6650)	1:240:A:VAL:HG22	1:237:A:LYS:HG3	4	0.46	0.14	0.42
(1,6650)	1:240:A:VAL:HG21	1:237:A:LYS:HG3	4	0.46	0.14	0.42
(1,2841)	1:356:A:VAL:HA	1:359:A:VAL:HG11	4	0.46	0.16	0.44
(1,2841)	1:356:A:VAL:HA	1:359:A:VAL:HG12	4	0.46	0.16	0.44
(1,2841)	1:356:A:VAL:HA	1:359:A:VAL:HG13	4	0.46	0.16	0.44
(1,6487)	1:225:A:MET:HE3	1:225:A:MET:H	4	0.46	0.19	0.5
(1,6487)	1:225:A:MET:HE1	1:225:A:MET:H	4	0.46	0.19	0.5
(1,6487)	1:225:A:MET:HE2	1:225:A:MET:H	4	0.46	0.19	0.5
(1,2927)	1:391:A:LEU:HD21	1:442:A:LYS:HE2	4	0.45	0.19	0.42
(1,2927)	1:391:A:LEU:HD22	1:442:A:LYS:HE2	4	0.45	0.19	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2927)	1:391:A:LEU:HD23	1:442:A:LYS:HE2	4	0.45	0.19	0.42
(1,2927)	1:391:A:LEU:HD21	1:442:A:LYS:HE3	4	0.45	0.19	0.42
(1,2927)	1:391:A:LEU:HD22	1:442:A:LYS:HE3	4	0.45	0.19	0.42
(1,2927)	1:391:A:LEU:HD23	1:442:A:LYS:HE3	4	0.45	0.19	0.42
(1,1298)	1:200:A:ARG:H	1:202:A:MET:HG3	4	0.44	0.12	0.4
(1,5877)	1:318:A:ILE:HD13	1:322:A:ILE:HG13	4	0.42	0.17	0.44
(1,5877)	1:318:A:ILE:HD12	1:279:A:LEU:HD12	4	0.42	0.17	0.44
(1,5877)	1:318:A:ILE:HD13	1:279:A:LEU:HD12	4	0.42	0.17	0.44
(1,1469)	1:375:A:GLN:HE22	1:222:A:LYS:HG2	4	0.42	0.52	0.12
(1,5942)	1:358:A:TYR:HB2	1:357:A:LEU:HD21	4	0.4	0.12	0.38
(1,5942)	1:358:A:TYR:HB2	1:357:A:LEU:HD23	4	0.4	0.12	0.38
(1,5942)	1:358:A:TYR:HB2	1:357:A:LEU:HD22	4	0.4	0.12	0.38
(1,3979)	1:236:A:ILE:HD11	1:239:A:LYS:HE3	4	0.4	0.1	0.43
(1,3979)	1:236:A:ILE:HD12	1:239:A:LYS:HE3	4	0.4	0.1	0.43
(1,3979)	1:236:A:ILE:HD13	1:239:A:LYS:HE3	4	0.4	0.1	0.43
(1,6502)	1:440:A:LYS:HB3	1:443:A:LEU:HD12	4	0.38	0.13	0.41
(1,6502)	1:440:A:LYS:HB3	1:443:A:LEU:HD23	4	0.38	0.13	0.41
(1,6502)	1:399:A:LYS:HB3	1:443:A:LEU:HD13	4	0.38	0.13	0.41
(1,6502)	1:440:A:LYS:HB3	1:443:A:LEU:HD13	4	0.38	0.13	0.41
(1,6661)	1:362:A:THR:HG21	1:358:A:TYR:HD2	4	0.38	0.19	0.37
(1,6661)	1:362:A:THR:HG23	1:358:A:TYR:HD1	4	0.38	0.19	0.37
(1,6661)	1:362:A:THR:HG23	1:358:A:TYR:HD2	4	0.38	0.19	0.37
(1,6661)	1:362:A:THR:HG21	1:358:A:TYR:HD1	4	0.38	0.19	0.37
(1,6714)	1:391:A:LEU:HD21	1:439:A:LEU:HD23	4	0.37	0.19	0.36
(1,6714)	1:391:A:LEU:HD23	1:435:A:ILE:HG21	4	0.37	0.19	0.36
(1,6714)	1:391:A:LEU:HD22	1:439:A:LEU:HD21	4	0.37	0.19	0.36
(1,6714)	1:391:A:LEU:HD22	1:435:A:ILE:HD13	4	0.37	0.19	0.36
(1,6208)	1:189:A:ILE:HG23	1:201:A:THR:HG23	4	0.36	0.17	0.37
(1,6208)	1:189:A:ILE:HG23	1:201:A:THR:HG22	4	0.36	0.17	0.37
(1,6773)	1:262:A:THR:HG23	1:265:A:SER:H	4	0.36	0.07	0.36
(1,6773)	1:262:A:THR:HG22	1:265:A:SER:H	4	0.36	0.07	0.36
(1,6773)	1:262:A:THR:HG21	1:265:A:SER:H	4	0.36	0.07	0.36
(1,4654)	1:318:A:ILE:HD13	1:360:A:PHE:HE1	4	0.34	0.1	0.34
(1,4654)	1:318:A:ILE:HD12	1:360:A:PHE:HE1	4	0.34	0.1	0.34
(1,4876)	1:327:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HD23	4	0.32	0.12	0.32
(1,4876)	1:327:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HD21	4	0.32	0.12	0.32
(1,4876)	1:327:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HD22	4	0.32	0.12	0.32
(1,4736)	1:351:A:GLN:HE21	1:348:A:PRO:HB2	4	0.32	0.12	0.32
(1,4736)	1:351:A:GLN:HE21	1:272:A:ARG:HB2	4	0.32	0.12	0.32
(1,5314)	1:254:A:ASN:HD21	1:256:A:GLU:HA	4	0.32	0.11	0.3
(1,5944)	1:255:A:LEU:HD12	1:255:A:LEU:H	4	0.31	0.01	0.32
(1,5944)	1:255:A:LEU:HD11	1:255:A:LEU:H	4	0.31	0.01	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5944)	1:255:A:LEU:HD13	1:255:A:LEU:H	4	0.31	0.01	0.32
(1,3571)	1:439:A:LEU:HD21	1:439:A:LEU:HA	4	0.3	0.01	0.3
(1,3571)	1:439:A:LEU:HD22	1:439:A:LEU:HA	4	0.3	0.01	0.3
(1,3571)	1:439:A:LEU:HD23	1:439:A:LEU:HA	4	0.3	0.01	0.3
(2,38)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:H	4	0.29	0.08	0.31
(2,38)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:H	4	0.29	0.08	0.31
(2,38)	1:443:A:LEU:HD23	1:399:A:LYS:H	4	0.29	0.08	0.31
(1,4856)	1:425:A:LYS:H	1:423:A:LEU:HD22	4	0.28	0.07	0.29
(1,4856)	1:425:A:LYS:H	1:416:A:LEU:HD11	4	0.28	0.07	0.29
(1,4856)	1:425:A:LYS:H	1:423:A:LEU:HD11	4	0.28	0.07	0.29
(1,3353)	1:359:A:VAL:HG11	1:358:A:TYR:H	4	0.27	0.07	0.24
(1,3353)	1:359:A:VAL:HG12	1:358:A:TYR:H	4	0.27	0.07	0.24
(1,3353)	1:359:A:VAL:HG13	1:358:A:TYR:H	4	0.27	0.07	0.24
(1,6843)	1:357:A:LEU:HD23	1:343:A:SER:HA	4	0.27	0.15	0.26
(1,6843)	1:357:A:LEU:HD22	1:343:A:SER:HA	4	0.27	0.15	0.26
(1,2543)	1:393:A:GLU:HG2	1:442:A:LYS:HE2	4	0.26	0.09	0.27
(1,2543)	1:393:A:GLU:HG2	1:442:A:LYS:HE3	4	0.26	0.09	0.27
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HE1	4	0.25	0.07	0.24
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HE2	4	0.25	0.07	0.24
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HE1	4	0.25	0.07	0.24
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HE2	4	0.25	0.07	0.24
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE1	4	0.25	0.07	0.24
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE2	4	0.25	0.07	0.24
(1,5303)	1:277:A:ASN:HD21	1:351:A:GLN:HA	4	0.25	0.09	0.27
(1,1158)	1:248:A:ASP:H	1:249:A:ARG:HG2	4	0.24	0.09	0.24
(1,2379)	1:413:A:HIS:HB3	1:409:A:LEU:HD21	4	0.24	0.15	0.17
(1,2379)	1:413:A:HIS:HB3	1:409:A:LEU:HD22	4	0.24	0.15	0.17
(1,2379)	1:413:A:HIS:HB3	1:409:A:LEU:HD23	4	0.24	0.15	0.17
(1,2379)	1:413:A:HIS:HB3	1:409:A:LEU:HD11	4	0.24	0.15	0.17
(1,2379)	1:413:A:HIS:HB3	1:409:A:LEU:HD12	4	0.24	0.15	0.17
(1,2379)	1:413:A:HIS:HB3	1:409:A:LEU:HD13	4	0.24	0.15	0.17
(1,854)	1:201:A:THR:H	1:202:A:MET:HG3	4	0.22	0.08	0.21
(1,1803)	1:424:A:SER:H	1:423:A:LEU:HB3	4	0.22	0.09	0.2
(1,6430)	1:217:A:ILE:HD13	1:213:A:PHE:HE1	4	0.22	0.12	0.16
(1,6430)	1:217:A:ILE:HD12	1:213:A:PHE:HE1	4	0.22	0.12	0.16
(1,6430)	1:217:A:ILE:HD11	1:213:A:PHE:HE1	4	0.22	0.12	0.16
(1,6010)	1:351:A:GLN:HG3	1:272:A:ARG:HB3	4	0.21	0.05	0.22
(1,1144)	1:410:A:ASN:H	1:432:A:VAL:HG21	4	0.21	0.05	0.22
(1,1144)	1:410:A:ASN:H	1:432:A:VAL:HG22	4	0.21	0.05	0.22
(1,1144)	1:410:A:ASN:H	1:432:A:VAL:HG23	4	0.21	0.05	0.22
(1,1144)	1:410:A:ASN:H	1:432:A:VAL:HG11	4	0.21	0.05	0.22
(1,1144)	1:410:A:ASN:H	1:432:A:VAL:HG12	4	0.21	0.05	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1144)	1:410:A:ASN:H	1:432:A:VAL:HG13	4	0.21	0.05	0.22
(1,2238)	1:226:A:LYS:HG3	1:226:A:LYS:HE2	4	0.2	0.02	0.2
(1,2238)	1:226:A:LYS:HG3	1:226:A:LYS:HE3	4	0.2	0.02	0.2
(1,4843)	1:351:A:GLN:H	1:351:A:GLN:HB3	4	0.2	0.05	0.2
(1,4843)	1:251:A:GLU:H	1:251:A:GLU:HG3	4	0.2	0.05	0.2
(1,6429)	1:304:A:GLN:HG3	1:300:A:VAL:HG12	4	0.2	0.08	0.18
(1,6429)	1:304:A:GLN:HG3	1:300:A:VAL:HG13	4	0.2	0.08	0.18
(1,6429)	1:304:A:GLN:HG3	1:300:A:VAL:HG11	4	0.2	0.08	0.18
(1,4451)	1:284:A:MET:HG3	1:279:A:LEU:H	4	0.18	0.04	0.18
(1,4844)	1:417:A:GLN:HE22	1:413:A:HIS:HB2	4	0.18	0.04	0.19
(1,2719)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:HD21	4	0.18	0.05	0.18
(1,2719)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:HD22	4	0.18	0.05	0.18
(1,2719)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:HD23	4	0.18	0.05	0.18
(1,4179)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HA	4	0.17	0.05	0.16
(1,6213)	1:322:A:ILE:HA	1:346:A:LEU:HD21	4	0.15	0.03	0.15
(1,6213)	1:322:A:ILE:HA	1:346:A:LEU:HD22	4	0.15	0.03	0.15
(1,483)	1:375:A:GLN:HE21	1:377:A:MET:HE1	4	0.15	0.04	0.15
(1,483)	1:375:A:GLN:HE21	1:377:A:MET:HE2	4	0.15	0.04	0.15
(1,483)	1:375:A:GLN:HE21	1:377:A:MET:HE3	4	0.15	0.04	0.15
(2,6)	1:338:A:ASN:H	1:332:A:GLU:HA	4	0.15	0.03	0.13
(1,2366)	1:336:A:LYS:HD3	1:335:A:THR:H	4	0.14	0.03	0.14
(1,4293)	1:226:A:LYS:HA	1:226:A:LYS:HE2	4	0.14	0.03	0.13
(1,4293)	1:226:A:LYS:HA	1:226:A:LYS:HE3	4	0.14	0.03	0.13
(2,111)	1:209:A:LEU:H	1:411:A:CYS:HG	4	0.14	0.03	0.14
(1,2739)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HG	4	0.14	0.03	0.14
(1,2739)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HG	4	0.14	0.03	0.14
(1,2739)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HG	4	0.14	0.03	0.14
(1,4662)	1:187:A:LYS:HG2	1:187:A:LYS:H	4	0.13	0.02	0.12
(2,93)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:H	4	0.13	0.01	0.12
(2,93)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:H	4	0.13	0.01	0.12
(2,93)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:H	4	0.13	0.01	0.12
(1,1017)	1:388:A:MET:H	1:382:A:TRP:HH2	4	0.13	0.03	0.12
(3,210)	1:434:A:ARG:O	1:438:A:ALA:H	4	0.12	0.01	0.12
(1,835)	1:374:A:LYS:H	1:372:A:VAL:H	4	0.12	0.02	0.12
(1,1873)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HD11	4	0.12	0.01	0.12
(1,1873)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HD12	4	0.12	0.01	0.12
(1,1873)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HD13	4	0.12	0.01	0.12
(1,4522)	1:209:A:LEU:HD21	1:209:A:LEU:HA	4	0.12	0.01	0.12
(1,4522)	1:209:A:LEU:HD22	1:209:A:LEU:HA	4	0.12	0.01	0.12
(1,4522)	1:209:A:LEU:HD23	1:209:A:LEU:HA	4	0.12	0.01	0.12
(1,3890)	1:336:A:LYS:HD3	1:337:A:MET:H	4	0.12	0.01	0.12
(1,6371)	1:284:A:MET:HE2	1:284:A:MET:HA	4	0.12	0.02	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6371)	1:284:A:MET:HE1	1:284:A:MET:HA	4	0.12	0.02	0.11
(1,6371)	1:284:A:MET:HE3	1:284:A:MET:HA	4	0.12	0.02	0.11
(3,110)	1:324:A:HIS:O	1:328:A:VAL:H	4	0.12	0.0	0.12
(1,4222)	1:294:A:THR:HG21	1:294:A:THR:HA	4	0.11	0.0	0.11
(1,4222)	1:294:A:THR:HG22	1:294:A:THR:HA	4	0.11	0.0	0.11
(1,4222)	1:294:A:THR:HG23	1:294:A:THR:HA	4	0.11	0.0	0.11
(1,3570)	1:184:A:PRO:HG2	1:184:A:PRO:HD2	4	0.11	0.0	0.11
(1,3570)	1:184:A:PRO:HG3	1:184:A:PRO:HD3	4	0.11	0.0	0.11
(1,4049)	1:243:A:LEU:HD11	1:267:A:LEU:H	3	1.79	0.15	1.78
(1,4049)	1:243:A:LEU:HD12	1:267:A:LEU:H	3	1.79	0.15	1.78
(1,4049)	1:243:A:LEU:HD13	1:267:A:LEU:H	3	1.79	0.15	1.78
(1,4196)	1:253:A:THR:HB	1:243:A:LEU:HD21	3	1.62	0.2	1.51
(1,4196)	1:253:A:THR:HB	1:243:A:LEU:HD22	3	1.62	0.2	1.51
(1,4196)	1:253:A:THR:HB	1:243:A:LEU:HD23	3	1.62	0.2	1.51
(1,2779)	1:253:A:THR:HG21	1:243:A:LEU:HD21	3	1.42	0.4	1.43
(1,2779)	1:253:A:THR:HG21	1:243:A:LEU:HD22	3	1.42	0.4	1.43
(1,2779)	1:253:A:THR:HG21	1:243:A:LEU:HD23	3	1.42	0.4	1.43
(1,2779)	1:253:A:THR:HG22	1:243:A:LEU:HD21	3	1.42	0.4	1.43
(1,2779)	1:253:A:THR:HG22	1:243:A:LEU:HD22	3	1.42	0.4	1.43
(1,2779)	1:253:A:THR:HG22	1:243:A:LEU:HD23	3	1.42	0.4	1.43
(1,2779)	1:253:A:THR:HG23	1:243:A:LEU:HD21	3	1.42	0.4	1.43
(1,2779)	1:253:A:THR:HG23	1:243:A:LEU:HD22	3	1.42	0.4	1.43
(1,2779)	1:253:A:THR:HG23	1:243:A:LEU:HD23	3	1.42	0.4	1.43
(1,2639)	1:301:A:GLN:HG2	1:301:A:GLN:H	3	1.14	0.05	1.14
(1,5201)	1:280:A:THR:H	1:278:A:LEU:HD22	3	0.92	0.12	0.85
(1,5201)	1:280:A:THR:H	1:278:A:LEU:HD23	3	0.92	0.12	0.85
(1,5201)	1:280:A:THR:H	1:278:A:LEU:HD21	3	0.92	0.12	0.85
(1,5865)	1:327:A:HIS:HD2	1:323:A:VAL:HG11	3	0.92	0.8	0.63
(1,5865)	1:327:A:HIS:HD2	1:323:A:VAL:HG13	3	0.92	0.8	0.63
(1,5865)	1:327:A:HIS:HD2	1:372:A:VAL:HG23	3	0.92	0.8	0.63
(1,6426)	1:243:A:LEU:HD21	1:246:A:ALA:H	3	0.84	0.1	0.78
(1,6426)	1:243:A:LEU:HD23	1:246:A:ALA:H	3	0.84	0.1	0.78
(1,6190)	1:266:A:LEU:HD22	1:190:A:PHE:HD1	3	0.77	0.19	0.85
(1,6190)	1:266:A:LEU:HD21	1:190:A:PHE:HD1	3	0.77	0.19	0.85
(1,6190)	1:266:A:LEU:HD22	1:268:A:LYS:H	3	0.77	0.19	0.85
(1,1589)	1:266:A:LEU:H	1:243:A:LEU:HD11	3	0.76	0.26	0.93
(1,1589)	1:266:A:LEU:H	1:243:A:LEU:HD12	3	0.76	0.26	0.93
(1,1589)	1:266:A:LEU:H	1:243:A:LEU:HD13	3	0.76	0.26	0.93
(1,3712)	1:297:A:THR:HG21	1:301:A:GLN:HG2	3	0.76	0.02	0.76
(1,3712)	1:297:A:THR:HG22	1:301:A:GLN:HG2	3	0.76	0.02	0.76
(1,3712)	1:297:A:THR:HG23	1:301:A:GLN:HG2	3	0.76	0.02	0.76
(2,74)	1:253:A:THR:HG21	1:212:A:VAL:HG21	3	0.75	0.44	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(2,74)	1:253:A:THR:HG21	1:212:A:VAL:HG22	3	0.75	0.44	0.51
(2,74)	1:253:A:THR:HG21	1:212:A:VAL:HG23	3	0.75	0.44	0.51
(2,74)	1:253:A:THR:HG22	1:212:A:VAL:HG21	3	0.75	0.44	0.51
(2,74)	1:253:A:THR:HG22	1:212:A:VAL:HG22	3	0.75	0.44	0.51
(2,74)	1:253:A:THR:HG22	1:212:A:VAL:HG23	3	0.75	0.44	0.51
(2,74)	1:253:A:THR:HG23	1:212:A:VAL:HG21	3	0.75	0.44	0.51
(2,74)	1:253:A:THR:HG23	1:212:A:VAL:HG22	3	0.75	0.44	0.51
(2,74)	1:253:A:THR:HG23	1:212:A:VAL:HG23	3	0.75	0.44	0.51
(1,5568)	1:373:A:LEU:HD13	1:324:A:HIS:HD2	3	0.72	0.47	0.44
(1,5568)	1:373:A:LEU:HD12	1:324:A:HIS:HD2	3	0.72	0.47	0.44
(1,1150)	1:301:A:GLN:HE21	1:301:A:GLN:HG2	3	0.65	0.01	0.64
(1,6127)	1:439:A:LEU:HD21	1:398:A:ILE:HA	3	0.62	0.27	0.79
(1,6127)	1:439:A:LEU:HD22	1:402:A:ILE:HA	3	0.62	0.27	0.79
(1,6127)	1:439:A:LEU:HD23	1:398:A:ILE:HA	3	0.62	0.27	0.79
(1,2756)	1:278:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HD21	3	0.57	0.37	0.59
(1,2756)	1:278:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HD21	3	0.57	0.37	0.59
(1,2756)	1:278:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HD21	3	0.57	0.37	0.59
(1,6781)	1:194:A:LEU:HD22	1:210:A:PRO:HG2	3	0.51	0.39	0.38
(1,6781)	1:194:A:LEU:HD22	1:192:A:ILE:HG13	3	0.51	0.39	0.38
(1,4473)	1:194:A:LEU:HD21	1:313:A:CYS:HB3	3	0.5	0.17	0.46
(1,4473)	1:194:A:LEU:HD22	1:313:A:CYS:HB3	3	0.5	0.17	0.46
(1,4473)	1:194:A:LEU:HD23	1:313:A:CYS:HB3	3	0.5	0.17	0.46
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD21	1:217:A:ILE:HD11	3	0.47	0.08	0.52
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD21	1:217:A:ILE:HD12	3	0.47	0.08	0.52
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD21	1:217:A:ILE:HD13	3	0.47	0.08	0.52
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD22	1:217:A:ILE:HD11	3	0.47	0.08	0.52
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD22	1:217:A:ILE:HD12	3	0.47	0.08	0.52
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD22	1:217:A:ILE:HD13	3	0.47	0.08	0.52
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD23	1:217:A:ILE:HD11	3	0.47	0.08	0.52
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD23	1:217:A:ILE:HD12	3	0.47	0.08	0.52
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD23	1:217:A:ILE:HD13	3	0.47	0.08	0.52
(1,5710)	1:243:A:LEU:HD11	1:266:A:LEU:HB2	3	0.46	0.19	0.52
(1,5710)	1:243:A:LEU:HD13	1:266:A:LEU:HB2	3	0.46	0.19	0.52
(1,5763)	1:227:A:CYS:HB3	1:230:A:ILE:HD11	3	0.46	0.3	0.42
(1,5363)	1:277:A:ASN:HD21	1:278:A:LEU:HD21	3	0.45	0.18	0.35
(1,5363)	1:277:A:ASN:HD21	1:278:A:LEU:HD22	3	0.45	0.18	0.35
(1,5363)	1:277:A:ASN:HD21	1:350:A:VAL:HG22	3	0.45	0.18	0.35
(1,2128)	1:278:A:LEU:HD21	1:278:A:LEU:HA	3	0.42	0.15	0.51
(1,2128)	1:278:A:LEU:HD22	1:278:A:LEU:HA	3	0.42	0.15	0.51
(1,2128)	1:278:A:LEU:HD23	1:278:A:LEU:HA	3	0.42	0.15	0.51
(1,3730)	1:222:A:LYS:HD3	1:219:A:TYR:HA	3	0.42	0.31	0.3
(1,5102)	1:185:A:ASN:HD22	1:187:A:LYS:HB2	3	0.42	0.3	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5102)	1:185:A:ASN:HD22	1:187:A:LYS:HB3	3	0.42	0.3	0.26
(1,2755)	1:374:A:LYS:HE3	1:372:A:VAL:HG11	3	0.41	0.14	0.35
(1,2755)	1:374:A:LYS:HE3	1:372:A:VAL:HG12	3	0.41	0.14	0.35
(1,2755)	1:374:A:LYS:HE3	1:372:A:VAL:HG13	3	0.41	0.14	0.35
(1,2755)	1:374:A:LYS:HE2	1:372:A:VAL:HG11	3	0.41	0.14	0.35
(1,2755)	1:374:A:LYS:HE2	1:372:A:VAL:HG12	3	0.41	0.14	0.35
(1,2755)	1:374:A:LYS:HE2	1:372:A:VAL:HG13	3	0.41	0.14	0.35
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD11	1:212:A:VAL:HG11	3	0.39	0.08	0.36
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD11	1:212:A:VAL:HG12	3	0.39	0.08	0.36
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD11	1:212:A:VAL:HG13	3	0.39	0.08	0.36
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD12	1:212:A:VAL:HG11	3	0.39	0.08	0.36
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD12	1:212:A:VAL:HG12	3	0.39	0.08	0.36
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD12	1:212:A:VAL:HG13	3	0.39	0.08	0.36
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD13	1:212:A:VAL:HG11	3	0.39	0.08	0.36
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD13	1:212:A:VAL:HG12	3	0.39	0.08	0.36
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD13	1:212:A:VAL:HG13	3	0.39	0.08	0.36
(1,4969)	1:301:A:GLN:HE22	1:301:A:GLN:HA	3	0.39	0.02	0.39
(1,6164)	1:303:A:PHE:HE2	1:367:A:LEU:HD12	3	0.37	0.09	0.41
(1,6164)	1:303:A:PHE:HE2	1:367:A:LEU:HD11	3	0.37	0.09	0.41
(1,6164)	1:303:A:PHE:HE2	1:367:A:LEU:HD13	3	0.37	0.09	0.41
(1,5890)	1:439:A:LEU:HD12	1:401:A:GLU:H	3	0.36	0.28	0.21
(1,5890)	1:439:A:LEU:HD13	1:401:A:GLU:H	3	0.36	0.28	0.21
(1,6836)	1:225:A:MET:HE1	1:221:A:GLU:H	3	0.36	0.19	0.25
(1,6836)	1:225:A:MET:HE2	1:221:A:GLU:H	3	0.36	0.19	0.25
(1,6474)	1:210:A:PRO:HD3	1:209:A:LEU:HD13	3	0.36	0.22	0.25
(1,6474)	1:210:A:PRO:HD3	1:209:A:LEU:HD11	3	0.36	0.22	0.25
(1,5924)	1:230:A:ILE:HD12	1:265:A:SER:H	3	0.36	0.2	0.29
(1,5924)	1:230:A:ILE:HD13	1:225:A:MET:H	3	0.36	0.2	0.29
(1,5924)	1:230:A:ILE:HD12	1:225:A:MET:H	3	0.36	0.2	0.29
(1,5702)	1:222:A:LYS:HG3	1:223:A:TYR:HD1	3	0.35	0.06	0.39
(1,5702)	1:222:A:LYS:HG3	1:223:A:TYR:HD2	3	0.35	0.06	0.39
(1,6491)	1:189:A:ILE:HD12	1:200:A:ARG:HA	3	0.34	0.2	0.27
(1,6491)	1:189:A:ILE:HD13	1:200:A:ARG:HA	3	0.34	0.2	0.27
(1,868)	1:394:A:THR:H	1:442:A:LYS:HE3	3	0.34	0.15	0.27
(1,4859)	1:299:A:LYS:H	1:293:A:ARG:HG2	3	0.34	0.13	0.29
(1,4177)	1:362:A:THR:HG21	1:362:A:THR:H	3	0.33	0.02	0.34
(1,4177)	1:362:A:THR:HG22	1:362:A:THR:H	3	0.33	0.02	0.34
(1,4177)	1:362:A:THR:HG23	1:362:A:THR:H	3	0.33	0.02	0.34
(1,148)	1:248:A:ASP:H	1:249:A:ARG:HB2	3	0.32	0.02	0.33
(1,5131)	1:314:A:ASN:HD21	1:314:A:ASN:HA	3	0.31	0.06	0.3
(1,6742)	1:364:A:VAL:HG11	1:326:A:ASP:HB3	3	0.31	0.15	0.3
(1,6742)	1:364:A:VAL:HG13	1:326:A:ASP:HB3	3	0.31	0.15	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6742)	1:364:A:VAL:HG13	1:363:A:HIS:HB3	3	0.31	0.15	0.3
(1,5953)	1:239:A:LYS:HD2	1:262:A:THR:HG22	3	0.3	0.1	0.26
(1,5953)	1:239:A:LYS:HD2	1:262:A:THR:HG23	3	0.3	0.1	0.26
(1,1475)	1:313:A:CYS:H	1:198:A:VAL:HG21	3	0.3	0.08	0.28
(1,1475)	1:313:A:CYS:H	1:198:A:VAL:HG22	3	0.3	0.08	0.28
(1,1475)	1:313:A:CYS:H	1:198:A:VAL:HG23	3	0.3	0.08	0.28
(1,1475)	1:313:A:CYS:H	1:198:A:VAL:HG11	3	0.3	0.08	0.28
(1,1475)	1:313:A:CYS:H	1:198:A:VAL:HG12	3	0.3	0.08	0.28
(1,1475)	1:313:A:CYS:H	1:198:A:VAL:HG13	3	0.3	0.08	0.28
(1,4424)	1:374:A:LYS:HE2	1:374:A:LYS:H	3	0.3	0.09	0.34
(1,5015)	1:288:A:GLU:H	1:356:A:VAL:HG21	3	0.3	0.21	0.18
(1,5015)	1:288:A:GLU:H	1:356:A:VAL:HG23	3	0.3	0.21	0.18
(1,2373)	1:243:A:LEU:HD21	1:243:A:LEU:HA	3	0.29	0.11	0.25
(1,2373)	1:243:A:LEU:HD22	1:243:A:LEU:HA	3	0.29	0.11	0.25
(1,2373)	1:243:A:LEU:HD23	1:243:A:LEU:HA	3	0.29	0.11	0.25
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB1	1:243:A:LEU:HD21	3	0.29	0.1	0.24
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB1	1:243:A:LEU:HD22	3	0.29	0.1	0.24
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB1	1:243:A:LEU:HD23	3	0.29	0.1	0.24
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB2	1:243:A:LEU:HD21	3	0.29	0.1	0.24
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB2	1:243:A:LEU:HD22	3	0.29	0.1	0.24
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB2	1:243:A:LEU:HD23	3	0.29	0.1	0.24
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB3	1:243:A:LEU:HD21	3	0.29	0.1	0.24
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB3	1:243:A:LEU:HD22	3	0.29	0.1	0.24
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB3	1:243:A:LEU:HD23	3	0.29	0.1	0.24
(1,1287)	1:293:A:ARG:H	1:299:A:LYS:HE2	3	0.29	0.07	0.34
(1,3772)	1:332:A:GLU:HG2	1:329:A:ILE:HA	3	0.29	0.04	0.3
(1,6871)	1:198:A:VAL:HG23	1:209:A:LEU:HA	3	0.29	0.11	0.33
(1,6871)	1:198:A:VAL:HG21	1:209:A:LEU:HA	3	0.29	0.11	0.33
(1,6132)	1:342:A:ILE:HD11	1:335:A:THR:HG1	3	0.28	0.1	0.32
(1,6132)	1:342:A:ILE:HD13	1:231:A:TYR:HA	3	0.28	0.1	0.32
(1,6132)	1:342:A:ILE:HD11	1:231:A:TYR:HA	3	0.28	0.1	0.32
(1,242)	1:438:A:ALA:H	1:441:A:ARG:HD3	3	0.26	0.17	0.16
(1,801)	1:222:A:LYS:H	1:219:A:TYR:HB2	3	0.26	0.07	0.27
(1,6385)	1:217:A:ILE:HA	1:267:A:LEU:HD11	3	0.26	0.06	0.22
(1,6385)	1:217:A:ILE:HA	1:325:A:MET:HE2	3	0.26	0.06	0.22
(1,6385)	1:217:A:ILE:HA	1:325:A:MET:HE1	3	0.26	0.06	0.22
(1,4389)	1:416:A:LEU:HD11	1:426:A:GLU:HG3	3	0.25	0.09	0.29
(1,4389)	1:416:A:LEU:HD12	1:426:A:GLU:HG3	3	0.25	0.09	0.29
(1,4389)	1:416:A:LEU:HD13	1:426:A:GLU:HG3	3	0.25	0.09	0.29
(1,4266)	1:443:A:LEU:HD11	1:399:A:LYS:HE2	3	0.25	0.13	0.18
(1,4266)	1:443:A:LEU:HD12	1:399:A:LYS:HE2	3	0.25	0.13	0.18
(1,4266)	1:443:A:LEU:HD13	1:399:A:LYS:HE2	3	0.25	0.13	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,4266)	1:443:A:LEU:HD11	1:399:A:LYS:HE3	3	0.25	0.13	0.18
(1,4266)	1:443:A:LEU:HD12	1:399:A:LYS:HE3	3	0.25	0.13	0.18
(1,4266)	1:443:A:LEU:HD13	1:399:A:LYS:HE3	3	0.25	0.13	0.18
(1,77)	1:370:A:ASN:HD22	1:371:A:VAL:HG21	3	0.24	0.04	0.26
(1,77)	1:370:A:ASN:HD22	1:371:A:VAL:HG22	3	0.24	0.04	0.26
(1,77)	1:370:A:ASN:HD22	1:371:A:VAL:HG23	3	0.24	0.04	0.26
(1,6293)	1:372:A:VAL:HG11	1:371:A:VAL:H	3	0.24	0.1	0.22
(1,6293)	1:372:A:VAL:HG13	1:371:A:VAL:H	3	0.24	0.1	0.22
(1,6293)	1:372:A:VAL:HG12	1:371:A:VAL:H	3	0.24	0.1	0.22
(1,5452)	1:256:A:GLU:H	1:258:A:TYR:HE1	3	0.24	0.05	0.22
(1,5452)	1:256:A:GLU:H	1:258:A:TYR:HE2	3	0.24	0.05	0.22
(1,5387)	1:230:A:ILE:H	1:335:A:THR:HG21	3	0.22	0.05	0.25
(1,5387)	1:230:A:ILE:H	1:335:A:THR:HG22	3	0.22	0.05	0.25
(1,5384)	1:269:A:GLN:H	1:190:A:PHE:HE2	3	0.21	0.05	0.25
(1,5384)	1:269:A:GLN:H	1:270:A:TYR:HD2	3	0.21	0.05	0.25
(1,5384)	1:269:A:GLN:H	1:190:A:PHE:HE1	3	0.21	0.05	0.25
(1,428)	1:419:A:GLY:H	1:420:A:ILE:HD12	3	0.21	0.05	0.23
(1,428)	1:419:A:GLY:H	1:420:A:ILE:HD11	3	0.21	0.05	0.23
(1,428)	1:419:A:GLY:H	1:420:A:ILE:HD13	3	0.21	0.05	0.23
(1,6416)	1:345:A:VAL:HB	1:342:A:ILE:HD11	3	0.2	0.06	0.18
(1,6416)	1:345:A:VAL:HB	1:342:A:ILE:HD13	3	0.2	0.06	0.18
(1,2857)	1:202:A:MET:HE1	1:206:A:GLY:HA3	3	0.2	0.03	0.19
(1,2857)	1:202:A:MET:HE2	1:206:A:GLY:HA3	3	0.2	0.03	0.19
(1,2857)	1:202:A:MET:HE3	1:206:A:GLY:HA3	3	0.2	0.03	0.19
(1,1200)	1:356:A:VAL:H	1:360:A:PHE:HD2	3	0.2	0.07	0.23
(1,5223)	1:225:A:MET:H	1:226:A:LYS:HD2	3	0.2	0.07	0.19
(1,5223)	1:225:A:MET:H	1:331:A:LYS:HD3	3	0.2	0.07	0.19
(1,4028)	1:436:A:LEU:HD11	1:406:A:GLU:HG2	3	0.2	0.01	0.2
(1,4028)	1:436:A:LEU:HD12	1:406:A:GLU:HG2	3	0.2	0.01	0.2
(1,4028)	1:436:A:LEU:HD13	1:406:A:GLU:HG2	3	0.2	0.01	0.2
(1,1033)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HD11	3	0.19	0.04	0.16
(1,1033)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HD12	3	0.19	0.04	0.16
(1,1033)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HD13	3	0.19	0.04	0.16
(1,91)	1:256:A:GLU:H	1:256:A:GLU:HB2	3	0.19	0.03	0.2
(1,2352)	1:373:A:LEU:HD21	1:373:A:LEU:H	3	0.19	0.05	0.18
(1,2352)	1:373:A:LEU:HD22	1:373:A:LEU:H	3	0.19	0.05	0.18
(1,2352)	1:373:A:LEU:HD23	1:373:A:LEU:H	3	0.19	0.05	0.18
(1,4199)	1:418:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HD12	3	0.18	0.03	0.16
(1,4199)	1:418:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HD13	3	0.18	0.03	0.16
(1,6845)	1:310:A:LEU:HD22	1:309:A:GLU:H	3	0.18	0.06	0.16
(1,335)	1:223:A:TYR:H	1:221:A:GLU:HB2	3	0.18	0.06	0.16
(1,6788)	1:430:A:TRP:HD1	1:433:A:GLN:HB3	3	0.17	0.06	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2303)	1:366:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG21	3	0.16	0.02	0.17
(1,2303)	1:366:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG22	3	0.16	0.02	0.17
(1,2303)	1:366:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG23	3	0.16	0.02	0.17
(1,6125)	1:295:A:THR:HG23	1:296:A:GLU:HB3	3	0.16	0.07	0.12
(1,6125)	1:295:A:THR:HG21	1:296:A:GLU:HB3	3	0.16	0.07	0.12
(1,2798)	1:245:A:ALA:HB1	1:248:A:ASP:HB2	3	0.16	0.02	0.17
(1,2798)	1:245:A:ALA:HB2	1:248:A:ASP:HB2	3	0.16	0.02	0.17
(1,2798)	1:245:A:ALA:HB3	1:248:A:ASP:HB2	3	0.16	0.02	0.17
(1,6345)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HB2	3	0.16	0.04	0.17
(1,6345)	1:284:A:MET:HG2	1:285:A:PRO:HG3	3	0.16	0.04	0.17
(1,5740)	1:225:A:MET:HE3	1:225:A:MET:HA	3	0.15	0.04	0.17
(1,2930)	1:400:A:GLU:HG3	1:400:A:GLU:HA	3	0.15	0.02	0.15
(1,4138)	1:305:A:ARG:HG2	1:306:A:LEU:HD21	3	0.15	0.05	0.13
(1,4138)	1:305:A:ARG:HG2	1:306:A:LEU:HD22	3	0.15	0.05	0.13
(1,4138)	1:305:A:ARG:HG2	1:306:A:LEU:HD23	3	0.15	0.05	0.13
(1,5731)	1:350:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HB3	3	0.15	0.03	0.15
(1,5731)	1:350:A:VAL:HG21	1:279:A:LEU:HG	3	0.15	0.03	0.15
(1,5731)	1:350:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HB3	3	0.15	0.03	0.15
(1,5195)	1:271:A:LEU:H	1:271:A:LEU:HG	3	0.15	0.01	0.14
(1,652)	1:341:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HG13	3	0.14	0.03	0.13
(1,705)	1:259:A:GLU:H	1:261:A:ASN:HD22	3	0.14	0.03	0.13
(2,23)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HB3	3	0.14	0.02	0.14
(1,6143)	1:209:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HB3	3	0.14	0.0	0.14
(1,6143)	1:209:A:LEU:HD12	1:210:A:PRO:HD2	3	0.14	0.0	0.14
(1,6143)	1:209:A:LEU:HD13	1:210:A:PRO:HD2	3	0.14	0.0	0.14
(2,41)	1:225:A:MET:HE1	1:224:A:GLY:H	3	0.14	0.01	0.14
(2,41)	1:225:A:MET:HE2	1:224:A:GLY:H	3	0.14	0.01	0.14
(2,41)	1:225:A:MET:HE3	1:224:A:GLY:H	3	0.14	0.01	0.14
(1,4753)	1:254:A:ASN:HD22	1:257:A:ASP:HA	3	0.13	0.02	0.14
(1,2520)	1:429:A:LEU:HD21	1:430:A:TRP:HA	3	0.13	0.01	0.12
(1,2520)	1:429:A:LEU:HD22	1:430:A:TRP:HA	3	0.13	0.01	0.12
(1,2520)	1:429:A:LEU:HD23	1:430:A:TRP:HA	3	0.13	0.01	0.12
(1,4504)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HA	3	0.13	0.01	0.13
(2,134)	1:259:A:GLU:H	1:411:A:CYS:HG	3	0.13	0.02	0.11
(1,928)	1:243:A:LEU:H	1:258:A:TYR:HD1	3	0.12	0.01	0.12
(1,928)	1:243:A:LEU:H	1:258:A:TYR:HD2	3	0.12	0.01	0.12
(1,5217)	1:351:A:GLN:HE22	1:350:A:VAL:HA	3	0.12	0.03	0.11
(3,204)	1:431:A:GLU:O	1:435:A:ILE:H	3	0.12	0.01	0.12
(1,4445)	1:306:A:LEU:HD21	1:306:A:LEU:H	3	0.12	0.02	0.11
(1,4445)	1:306:A:LEU:HD22	1:306:A:LEU:H	3	0.12	0.02	0.11
(1,4445)	1:306:A:LEU:HD23	1:306:A:LEU:H	3	0.12	0.02	0.11
(1,987)	1:230:A:ILE:H	1:231:A:TYR:HD2	3	0.12	0.01	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,3247)	1:256:A:GLU:HG2	1:256:A:GLU:HA	3	0.11	0.01	0.11
(1,2505)	1:328:A:VAL:HA	1:335:A:THR:HG21	3	0.11	0.0	0.11
(1,2505)	1:328:A:VAL:HA	1:335:A:THR:HG22	3	0.11	0.0	0.11
(1,2505)	1:328:A:VAL:HA	1:335:A:THR:HG23	3	0.11	0.0	0.11
(3,84)	1:305:A:ARG:O	1:309:A:GLU:H	3	0.11	0.0	0.11
(1,1944)	1:310:A:LEU:H	1:309:A:GLU:H	3	0.11	0.01	0.11
(1,3316)	1:376:A:VAL:HG11	1:376:A:VAL:H	3	0.11	0.01	0.11
(1,3316)	1:376:A:VAL:HG12	1:376:A:VAL:H	3	0.11	0.01	0.11
(1,3316)	1:376:A:VAL:HG13	1:376:A:VAL:H	3	0.11	0.01	0.11
(1,5565)	1:352:A:ILE:HD11	1:279:A:LEU:HD22	2	2.44	0.08	2.44
(1,5565)	1:352:A:ILE:HD13	1:279:A:LEU:HD23	2	2.44	0.08	2.44
(1,3987)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HD21	2	2.2	0.09	2.2
(1,3987)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HD22	2	2.2	0.09	2.2
(1,3987)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HD23	2	2.2	0.09	2.2
(1,3987)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HD21	2	2.2	0.09	2.2
(1,3987)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HD22	2	2.2	0.09	2.2
(1,3987)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HD23	2	2.2	0.09	2.2
(1,3987)	1:284:A:MET:HE3	1:279:A:LEU:HD21	2	2.2	0.09	2.2
(1,3987)	1:284:A:MET:HE3	1:279:A:LEU:HD22	2	2.2	0.09	2.2
(1,3987)	1:284:A:MET:HE3	1:279:A:LEU:HD23	2	2.2	0.09	2.2
(1,4924)	1:277:A:ASN:HD21	1:318:A:ILE:HD11	2	1.82	0.14	1.82
(1,4924)	1:277:A:ASN:HD21	1:318:A:ILE:HD13	2	1.82	0.14	1.82
(1,4548)	1:284:A:MET:HG3	1:279:A:LEU:HD21	2	1.42	0.04	1.42
(1,4548)	1:284:A:MET:HG3	1:279:A:LEU:HD22	2	1.42	0.04	1.42
(1,4548)	1:284:A:MET:HG3	1:279:A:LEU:HD23	2	1.42	0.04	1.42
(1,2956)	1:296:A:GLU:HB2	1:300:A:VAL:HG11	2	1.3	0.18	1.3
(1,2956)	1:296:A:GLU:HB2	1:300:A:VAL:HG12	2	1.3	0.18	1.3
(1,2956)	1:296:A:GLU:HB2	1:300:A:VAL:HG13	2	1.3	0.18	1.3
(1,3157)	1:279:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HA	2	1.17	0.01	1.17
(1,3157)	1:279:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HA	2	1.17	0.01	1.17
(1,3157)	1:279:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HA	2	1.17	0.01	1.17
(1,5712)	1:300:A:VAL:HG22	1:301:A:GLN:H	2	1.03	0.27	1.03
(1,5712)	1:300:A:VAL:HG21	1:301:A:GLN:H	2	1.03	0.27	1.03
(1,2107)	1:300:A:VAL:HG11	1:300:A:VAL:H	2	0.98	0.02	0.98
(1,2107)	1:300:A:VAL:HG12	1:300:A:VAL:H	2	0.98	0.02	0.98
(1,2107)	1:300:A:VAL:HG13	1:300:A:VAL:H	2	0.98	0.02	0.98
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG21	2	0.96	0.55	0.96
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG22	2	0.96	0.55	0.96
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG23	2	0.96	0.55	0.96
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG21	2	0.96	0.55	0.96
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG22	2	0.96	0.55	0.96
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG23	2	0.96	0.55	0.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG21	2	0.96	0.55	0.96
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG22	2	0.96	0.55	0.96
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG23	2	0.96	0.55	0.96
(1,5028)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG2	2	0.86	0.62	0.86
(1,5028)	1:382:A:TRP:HE1	1:388:A:MET:HG3	2	0.86	0.62	0.86
(1,5679)	1:318:A:ILE:HB	1:279:A:LEU:HD13	2	0.8	0.04	0.8
(1,5679)	1:318:A:ILE:HB	1:279:A:LEU:HD12	2	0.8	0.04	0.8
(1,6436)	1:300:A:VAL:HG13	1:363:A:HIS:H	2	0.73	0.02	0.73
(1,6436)	1:300:A:VAL:HG13	1:298:A:GLU:H	2	0.73	0.02	0.73
(1,861)	1:279:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	2	0.72	0.03	0.72
(1,861)	1:279:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	2	0.72	0.03	0.72
(1,861)	1:279:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	2	0.72	0.03	0.72
(1,3896)	1:274:A:LEU:HD21	1:191:A:GLY:HA3	2	0.62	0.1	0.62
(1,3896)	1:274:A:LEU:HD22	1:191:A:GLY:HA3	2	0.62	0.1	0.62
(1,3896)	1:274:A:LEU:HD23	1:191:A:GLY:HA3	2	0.62	0.1	0.62
(1,5356)	1:274:A:LEU:H	1:274:A:LEU:HD22	2	0.62	0.01	0.62
(1,5356)	1:274:A:LEU:H	1:274:A:LEU:HD21	2	0.62	0.01	0.62
(1,5958)	1:198:A:VAL:HG12	1:202:A:MET:HE2	2	0.62	0.46	0.62
(1,5958)	1:198:A:VAL:HG11	1:202:A:MET:HE3	2	0.62	0.46	0.62
(1,3145)	1:377:A:MET:HB3	1:204:A:TYR:HD1	2	0.6	0.04	0.6
(1,3145)	1:377:A:MET:HB3	1:204:A:TYR:HE1	2	0.6	0.04	0.6
(1,6671)	1:279:A:LEU:HD21	1:287:A:PHE:HB3	2	0.56	0.28	0.56
(1,6671)	1:279:A:LEU:HD23	1:350:A:VAL:HB	2	0.56	0.28	0.56
(1,6472)	1:243:A:LEU:HD11	1:253:A:THR:H	2	0.51	0.13	0.51
(1,6472)	1:243:A:LEU:HD12	1:253:A:THR:H	2	0.51	0.13	0.51
(1,1533)	1:363:A:HIS:H	1:300:A:VAL:HG11	2	0.5	0.37	0.5
(1,1533)	1:363:A:HIS:H	1:300:A:VAL:HG12	2	0.5	0.37	0.5
(1,1533)	1:363:A:HIS:H	1:300:A:VAL:HG13	2	0.5	0.37	0.5
(1,6228)	1:430:A:TRP:HD1	1:433:A:GLN:HB2	2	0.5	0.01	0.5
(1,4111)	1:296:A:GLU:HA	1:300:A:VAL:HG11	2	0.49	0.19	0.49
(1,4111)	1:296:A:GLU:HA	1:300:A:VAL:HG12	2	0.49	0.19	0.49
(1,4111)	1:296:A:GLU:HA	1:300:A:VAL:HG13	2	0.49	0.19	0.49
(1,2808)	1:202:A:MET:HE1	1:208:A:ARG:HD2	2	0.48	0.38	0.48
(1,2808)	1:202:A:MET:HE2	1:208:A:ARG:HD2	2	0.48	0.38	0.48
(1,2808)	1:202:A:MET:HE3	1:208:A:ARG:HD2	2	0.48	0.38	0.48
(1,6191)	1:279:A:LEU:HD12	1:278:A:LEU:HA	2	0.48	0.01	0.48
(1,6191)	1:279:A:LEU:HD11	1:278:A:LEU:HA	2	0.48	0.01	0.48
(1,6732)	1:293:A:ARG:HD2	1:295:A:THR:H	2	0.48	0.01	0.48
(1,329)	1:304:A:GLN:HE21	1:300:A:VAL:HG21	2	0.46	0.18	0.46
(1,329)	1:304:A:GLN:HE21	1:300:A:VAL:HG22	2	0.46	0.18	0.46
(1,329)	1:304:A:GLN:HE21	1:300:A:VAL:HG23	2	0.46	0.18	0.46
(1,6654)	1:300:A:VAL:HG13	1:364:A:VAL:H	2	0.46	0.13	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6654)	1:300:A:VAL:HG13	1:299:A:LYS:H	2	0.46	0.13	0.46
(1,4898)	1:229:A:GLY:H	1:232:A:ARG:HB2	2	0.44	0.1	0.44
(1,3505)	1:385:A:MET:HE1	1:383:A:SER:HB2	2	0.41	0.29	0.41
(1,3505)	1:385:A:MET:HE2	1:383:A:SER:HB2	2	0.41	0.29	0.41
(1,3505)	1:385:A:MET:HE3	1:383:A:SER:HB2	2	0.41	0.29	0.41
(1,685)	1:370:A:ASN:H	1:368:A:PHE:HA	2	0.39	0.05	0.39
(1,1270)	1:286:A:ARG:H	1:286:A:ARG:HG3	2	0.38	0.03	0.38
(1,2565)	1:243:A:LEU:HD11	1:240:A:VAL:HA	2	0.38	0.06	0.38
(1,2565)	1:243:A:LEU:HD12	1:240:A:VAL:HA	2	0.38	0.06	0.38
(1,2565)	1:243:A:LEU:HD13	1:240:A:VAL:HA	2	0.38	0.06	0.38
(1,5187)	1:257:A:ASP:H	1:254:A:ASN:HB3	2	0.37	0.04	0.37
(1,6026)	1:342:A:ILE:HD12	1:337:A:MET:HB3	2	0.36	0.16	0.36
(1,6026)	1:342:A:ILE:HD11	1:337:A:MET:HB3	2	0.36	0.16	0.36
(1,6362)	1:226:A:LYS:HG2	1:226:A:LYS:HE2	2	0.36	0.02	0.36
(1,5959)	1:300:A:VAL:HG12	1:366:A:GLU:H	2	0.36	0.21	0.36
(1,68)	1:304:A:GLN:HE22	1:300:A:VAL:HG21	2	0.36	0.01	0.36
(1,68)	1:304:A:GLN:HE22	1:300:A:VAL:HG22	2	0.36	0.01	0.36
(1,68)	1:304:A:GLN:HE22	1:300:A:VAL:HG23	2	0.36	0.01	0.36
(1,6328)	1:212:A:VAL:HG22	1:210:A:PRO:HG3	2	0.35	0.21	0.35
(1,1788)	1:422:A:ASP:H	1:421:A:LYS:HE2	2	0.35	0.09	0.35
(1,1079)	1:301:A:GLN:H	1:300:A:VAL:HG21	2	0.34	0.18	0.34
(1,1079)	1:301:A:GLN:H	1:300:A:VAL:HG22	2	0.34	0.18	0.34
(1,1079)	1:301:A:GLN:H	1:300:A:VAL:HG23	2	0.34	0.18	0.34
(1,5814)	1:371:A:VAL:HG23	1:370:A:ASN:HD21	2	0.34	0.01	0.34
(1,5814)	1:376:A:VAL:HG13	1:204:A:TYR:HE1	2	0.34	0.01	0.34
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD11	1:279:A:LEU:HD11	2	0.34	0.02	0.34
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD11	1:279:A:LEU:HD12	2	0.34	0.02	0.34
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD11	1:279:A:LEU:HD13	2	0.34	0.02	0.34
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD12	1:279:A:LEU:HD11	2	0.34	0.02	0.34
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD12	1:279:A:LEU:HD12	2	0.34	0.02	0.34
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD12	1:279:A:LEU:HD13	2	0.34	0.02	0.34
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD13	1:279:A:LEU:HD11	2	0.34	0.02	0.34
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD13	1:279:A:LEU:HD12	2	0.34	0.02	0.34
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD13	1:279:A:LEU:HD13	2	0.34	0.02	0.34
(1,6682)	1:352:A:ILE:HD11	1:279:A:LEU:HG	2	0.34	0.08	0.34
(1,6682)	1:352:A:ILE:HD13	1:279:A:LEU:HG	2	0.34	0.08	0.34
(1,2410)	1:296:A:GLU:HB3	1:300:A:VAL:HG11	2	0.32	0.03	0.32
(1,2410)	1:296:A:GLU:HB3	1:300:A:VAL:HG12	2	0.32	0.03	0.32
(1,2410)	1:296:A:GLU:HB3	1:300:A:VAL:HG13	2	0.32	0.03	0.32
(1,2871)	1:208:A:ARG:HD2	1:198:A:VAL:HG11	2	0.3	0.15	0.3
(1,2871)	1:208:A:ARG:HD2	1:198:A:VAL:HG12	2	0.3	0.15	0.3
(1,2871)	1:208:A:ARG:HD2	1:198:A:VAL:HG13	2	0.3	0.15	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,5171)	1:219:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG21	2	0.3	0.15	0.3
(1,5171)	1:219:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG22	2	0.3	0.15	0.3
(2,53)	1:267:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:H	2	0.3	0.16	0.3
(2,53)	1:267:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:H	2	0.3	0.16	0.3
(2,53)	1:267:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:H	2	0.3	0.16	0.3
(1,4979)	1:307:A:LEU:H	1:315:A:TYR:HE1	2	0.3	0.19	0.3
(1,4979)	1:307:A:LEU:H	1:315:A:TYR:HE2	2	0.3	0.19	0.3
(1,1711)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HD3	2	0.28	0.13	0.28
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD11	1:209:A:LEU:HD21	2	0.27	0.01	0.27
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD11	1:209:A:LEU:HD22	2	0.27	0.01	0.27
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD11	1:209:A:LEU:HD23	2	0.27	0.01	0.27
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD12	1:209:A:LEU:HD21	2	0.27	0.01	0.27
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD12	1:209:A:LEU:HD22	2	0.27	0.01	0.27
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD12	1:209:A:LEU:HD23	2	0.27	0.01	0.27
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD13	1:209:A:LEU:HD21	2	0.27	0.01	0.27
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD13	1:209:A:LEU:HD22	2	0.27	0.01	0.27
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD13	1:209:A:LEU:HD23	2	0.27	0.01	0.27
(1,530)	1:185:A:ASN:HD22	1:188:A:PRO:HB2	2	0.26	0.03	0.26
(1,1805)	1:301:A:GLN:HE22	1:300:A:VAL:HG11	2	0.26	0.02	0.26
(1,1805)	1:301:A:GLN:HE22	1:300:A:VAL:HG12	2	0.26	0.02	0.26
(1,1805)	1:301:A:GLN:HE22	1:300:A:VAL:HG13	2	0.26	0.02	0.26
(1,3189)	1:391:A:LEU:HD11	1:442:A:LYS:HE2	2	0.26	0.13	0.26
(1,3189)	1:391:A:LEU:HD12	1:442:A:LYS:HE2	2	0.26	0.13	0.26
(1,3189)	1:391:A:LEU:HD13	1:442:A:LYS:HE2	2	0.26	0.13	0.26
(1,3189)	1:391:A:LEU:HD11	1:442:A:LYS:HE3	2	0.26	0.13	0.26
(1,3189)	1:391:A:LEU:HD12	1:442:A:LYS:HE3	2	0.26	0.13	0.26
(1,3189)	1:391:A:LEU:HD13	1:442:A:LYS:HE3	2	0.26	0.13	0.26
(1,5699)	1:367:A:LEU:HD11	1:303:A:PHE:HB3	2	0.26	0.03	0.26
(1,5699)	1:367:A:LEU:HD12	1:363:A:HIS:HB3	2	0.26	0.03	0.26
(1,5788)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HB2	2	0.26	0.12	0.26
(1,5788)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HB2	2	0.26	0.12	0.26
(1,3426)	1:251:A:GLU:HG3	1:251:A:GLU:H	2	0.25	0.13	0.25
(1,6509)	1:320:A:TRP:HE3	1:207:A:ILE:HD13	2	0.25	0.04	0.25
(1,6509)	1:320:A:TRP:HE3	1:207:A:ILE:HD11	2	0.25	0.04	0.25
(1,6614)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD21	2	0.24	0.12	0.24
(1,751)	1:430:A:TRP:HE1	1:423:A:LEU:HD21	2	0.24	0.08	0.24
(1,751)	1:430:A:TRP:HE1	1:423:A:LEU:HD22	2	0.24	0.08	0.24
(1,751)	1:430:A:TRP:HE1	1:423:A:LEU:HD23	2	0.24	0.08	0.24
(1,2389)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:H	2	0.23	0.05	0.23
(1,2389)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:H	2	0.23	0.05	0.23
(1,2389)	1:194:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:H	2	0.23	0.05	0.23
(1,5635)	1:306:A:LEU:HD11	1:302:A:GLU:HA	2	0.23	0.04	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1172)	1:219:A:TYR:H	1:255:A:LEU:HG	2	0.23	0.02	0.23
(1,1172)	1:219:A:TYR:H	1:255:A:LEU:HB2	2	0.23	0.02	0.23
(1,4783)	1:288:A:GLU:H	1:284:A:MET:HG3	2	0.23	0.08	0.23
(1,4756)	1:243:A:LEU:H	1:240:A:VAL:HG23	2	0.22	0.04	0.22
(1,5394)	1:366:A:GLU:H	1:367:A:LEU:HB3	2	0.22	0.08	0.22
(1,5394)	1:366:A:GLU:H	1:300:A:VAL:HG12	2	0.22	0.08	0.22
(1,4454)	1:373:A:LEU:HD11	1:323:A:VAL:HB	2	0.22	0.02	0.22
(1,4454)	1:373:A:LEU:HD12	1:323:A:VAL:HB	2	0.22	0.02	0.22
(1,4454)	1:373:A:LEU:HD13	1:323:A:VAL:HB	2	0.22	0.02	0.22
(1,5269)	1:320:A:TRP:HE1	1:374:A:LYS:HB2	2	0.22	0.08	0.22
(1,5326)	1:374:A:LYS:H	1:374:A:LYS:HG3	2	0.22	0.03	0.22
(1,5043)	1:198:A:VAL:H	1:196:A:ASP:HB2	2	0.22	0.1	0.22
(1,3670)	1:425:A:LYS:HD2	1:425:A:LYS:HA	2	0.21	0.01	0.21
(1,3670)	1:425:A:LYS:HD3	1:425:A:LYS:HA	2	0.21	0.01	0.21
(1,6423)	1:266:A:LEU:HD22	1:244:A:LYS:HA	2	0.21	0.07	0.21
(1,6544)	1:194:A:LEU:HD13	1:313:A:CYS:HB2	2	0.21	0.05	0.21
(1,6544)	1:194:A:LEU:HD12	1:313:A:CYS:HB2	2	0.21	0.05	0.21
(1,5450)	1:338:A:ASN:H	1:337:A:MET:HB3	2	0.2	0.03	0.2
(1,6794)	1:284:A:MET:HE1	1:352:A:ILE:HD13	2	0.2	0.0	0.2
(1,6794)	1:284:A:MET:HE3	1:352:A:ILE:HD11	2	0.2	0.0	0.2
(1,6285)	1:230:A:ILE:HD11	1:224:A:GLY:HA2	2	0.2	0.09	0.2
(1,6285)	1:230:A:ILE:HD13	1:261:A:ASN:HA	2	0.2	0.09	0.2
(1,2988)	1:399:A:LYS:HA	1:399:A:LYS:HD3	2	0.2	0.05	0.2
(1,2203)	1:279:A:LEU:HD11	1:284:A:MET:HG3	2	0.2	0.06	0.2
(1,2203)	1:279:A:LEU:HD12	1:284:A:MET:HG3	2	0.2	0.06	0.2
(1,2203)	1:279:A:LEU:HD13	1:284:A:MET:HG3	2	0.2	0.06	0.2
(1,3335)	1:335:A:THR:HG21	1:331:A:LYS:HB3	2	0.2	0.05	0.2
(1,3335)	1:335:A:THR:HG22	1:331:A:LYS:HB3	2	0.2	0.05	0.2
(1,3335)	1:335:A:THR:HG23	1:331:A:LYS:HB3	2	0.2	0.05	0.2
(1,3786)	1:202:A:MET:HE1	1:202:A:MET:HA	2	0.2	0.04	0.2
(1,3786)	1:202:A:MET:HE2	1:202:A:MET:HA	2	0.2	0.04	0.2
(1,3786)	1:202:A:MET:HE3	1:202:A:MET:HA	2	0.2	0.04	0.2
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HD21	2	0.19	0.05	0.19
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HD22	2	0.19	0.05	0.19
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HD23	2	0.19	0.05	0.19
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HD21	2	0.19	0.05	0.19
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HD22	2	0.19	0.05	0.19
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HD23	2	0.19	0.05	0.19
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HD21	2	0.19	0.05	0.19
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HD22	2	0.19	0.05	0.19
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HD23	2	0.19	0.05	0.19
(1,6108)	1:321:A:LEU:HA	1:317:A:LEU:HD21	2	0.19	0.02	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,6177)	1:364:A:VAL:HG22	1:323:A:VAL:H	2	0.19	0.02	0.19
(1,6177)	1:364:A:VAL:HG21	1:323:A:VAL:H	2	0.19	0.02	0.19
(1,6704)	1:284:A:MET:HE3	1:277:A:ASN:HD21	2	0.19	0.08	0.19
(1,6704)	1:284:A:MET:HE1	1:277:A:ASN:HD21	2	0.19	0.08	0.19
(1,6769)	1:223:A:TYR:HD2	1:222:A:LYS:HA	2	0.18	0.06	0.18
(1,394)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG12	2	0.17	0.0	0.17
(1,394)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HD12	2	0.17	0.0	0.17
(1,1549)	1:315:A:TYR:H	1:314:A:ASN:HB2	2	0.17	0.01	0.17
(1,6404)	1:209:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HG	2	0.17	0.01	0.17
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB1	1:243:A:LEU:HD21	2	0.16	0.06	0.16
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB1	1:243:A:LEU:HD22	2	0.16	0.06	0.16
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB1	1:243:A:LEU:HD23	2	0.16	0.06	0.16
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB2	1:243:A:LEU:HD21	2	0.16	0.06	0.16
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB2	1:243:A:LEU:HD22	2	0.16	0.06	0.16
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB2	1:243:A:LEU:HD23	2	0.16	0.06	0.16
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB3	1:243:A:LEU:HD21	2	0.16	0.06	0.16
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB3	1:243:A:LEU:HD22	2	0.16	0.06	0.16
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB3	1:243:A:LEU:HD23	2	0.16	0.06	0.16
(1,6570)	1:194:A:LEU:HD21	1:276:A:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(1,6570)	1:194:A:LEU:HD22	1:313:A:CYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(1,4057)	1:302:A:GLU:HA	1:305:A:ARG:HB3	2	0.16	0.05	0.16
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD11	2	0.16	0.03	0.16
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	2	0.16	0.03	0.16
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	2	0.16	0.03	0.16
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	2	0.16	0.03	0.16
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	2	0.16	0.03	0.16
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	2	0.16	0.03	0.16
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	2	0.16	0.03	0.16
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	2	0.16	0.03	0.16
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	2	0.16	0.03	0.16
(1,5816)	1:334:A:GLU:HG3	1:331:A:LYS:HE2	2	0.16	0.05	0.16
(1,5816)	1:334:A:GLU:HG3	1:331:A:LYS:HE3	2	0.16	0.05	0.16
(1,5967)	1:217:A:ILE:HB	1:267:A:LEU:HD22	2	0.16	0.05	0.16
(1,5967)	1:217:A:ILE:HB	1:267:A:LEU:HD23	2	0.16	0.05	0.16
(1,2617)	1:388:A:MET:HE1	1:391:A:LEU:HD21	2	0.15	0.02	0.15
(1,2617)	1:388:A:MET:HE1	1:391:A:LEU:HD22	2	0.15	0.02	0.15
(1,2617)	1:388:A:MET:HE1	1:391:A:LEU:HD23	2	0.15	0.02	0.15
(1,2617)	1:388:A:MET:HE2	1:391:A:LEU:HD21	2	0.15	0.02	0.15
(1,2617)	1:388:A:MET:HE2	1:391:A:LEU:HD22	2	0.15	0.02	0.15
(1,2617)	1:388:A:MET:HE2	1:391:A:LEU:HD23	2	0.15	0.02	0.15
(1,2617)	1:388:A:MET:HE3	1:391:A:LEU:HD21	2	0.15	0.02	0.15
(1,2617)	1:388:A:MET:HE3	1:391:A:LEU:HD22	2	0.15	0.02	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2617)	1:388:A:MET:HE3	1:391:A:LEU:HD23	2	0.15	0.02	0.15
(1,3409)	1:331:A:LYS:HE2	1:331:A:LYS:HA	2	0.15	0.01	0.15
(1,875)	1:417:A:GLN:HE22	1:414:A:ARG:HA	2	0.15	0.03	0.15
(1,1647)	1:254:A:ASN:HD21	1:254:A:ASN:HA	2	0.15	0.02	0.15
(1,2023)	1:233:A:VAL:H	1:232:A:ARG:H	2	0.15	0.0	0.15
(1,4431)	1:236:A:ILE:HD11	1:258:A:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(1,4431)	1:236:A:ILE:HD11	1:258:A:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(1,4431)	1:236:A:ILE:HD12	1:258:A:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(1,4431)	1:236:A:ILE:HD12	1:258:A:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(1,4431)	1:236:A:ILE:HD13	1:258:A:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(1,4431)	1:236:A:ILE:HD13	1:258:A:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(1,6730)	1:315:A:TYR:HE1	1:310:A:LEU:HG	2	0.15	0.02	0.15
(1,1678)	1:187:A:LYS:H	1:188:A:PRO:HB3	2	0.14	0.03	0.14
(1,3463)	1:251:A:GLU:HB3	1:246:A:ALA:HA	2	0.14	0.01	0.14
(1,6765)	1:364:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HG21	2	0.14	0.02	0.14
(1,6765)	1:364:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HG23	2	0.14	0.02	0.14
(1,2575)	1:377:A:MET:HE1	1:407:A:PHE:HD1	2	0.14	0.02	0.14
(1,2575)	1:377:A:MET:HE1	1:407:A:PHE:HD2	2	0.14	0.02	0.14
(1,2575)	1:377:A:MET:HE2	1:407:A:PHE:HD1	2	0.14	0.02	0.14
(1,2575)	1:377:A:MET:HE2	1:407:A:PHE:HD2	2	0.14	0.02	0.14
(1,2575)	1:377:A:MET:HE3	1:407:A:PHE:HD1	2	0.14	0.02	0.14
(1,2575)	1:377:A:MET:HE3	1:407:A:PHE:HD2	2	0.14	0.02	0.14
(1,3151)	1:242:A:GLU:HG3	1:243:A:LEU:HD11	2	0.14	0.02	0.14
(1,3151)	1:242:A:GLU:HG3	1:243:A:LEU:HD12	2	0.14	0.02	0.14
(1,3151)	1:242:A:GLU:HG3	1:243:A:LEU:HD13	2	0.14	0.02	0.14
(1,4401)	1:202:A:MET:HE1	1:209:A:LEU:H	2	0.14	0.02	0.14
(1,4401)	1:202:A:MET:HE2	1:209:A:LEU:H	2	0.14	0.02	0.14
(1,4401)	1:202:A:MET:HE3	1:209:A:LEU:H	2	0.14	0.02	0.14
(1,5001)	1:313:A:CYS:H	1:315:A:TYR:HB2	2	0.14	0.02	0.14
(1,5177)	1:185:A:ASN:HD22	1:185:A:ASN:H	2	0.14	0.02	0.14
(1,5177)	1:185:A:ASN:HD22	1:187:A:LYS:H	2	0.14	0.02	0.14
(1,5247)	1:301:A:GLN:HE22	1:297:A:THR:HA	2	0.14	0.02	0.14
(1,6461)	1:318:A:ILE:HG22	1:278:A:LEU:HB3	2	0.14	0.04	0.14
(1,6461)	1:318:A:ILE:HG23	1:278:A:LEU:HB3	2	0.14	0.04	0.14
(1,139)	1:243:A:LEU:H	1:243:A:LEU:HB3	2	0.13	0.0	0.13
(1,2478)	1:333:A:LEU:HB3	1:334:A:GLU:HG2	2	0.13	0.03	0.13
(1,6724)	1:342:A:ILE:HD13	1:332:A:GLU:HB3	2	0.13	0.01	0.13
(3,76)	1:301:A:GLN:O	1:305:A:ARG:H	2	0.13	0.02	0.13
(3,130)	1:341:A:ASN:O	1:345:A:VAL:H	2	0.13	0.02	0.13
(1,711)	1:417:A:GLN:HE21	1:420:A:ILE:HB	2	0.12	0.01	0.12
(1,1004)	1:371:A:VAL:H	1:371:A:VAL:HB	2	0.12	0.01	0.12
(1,1034)	1:365:A:GLN:HE22	1:364:A:VAL:HA	2	0.12	0.02	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

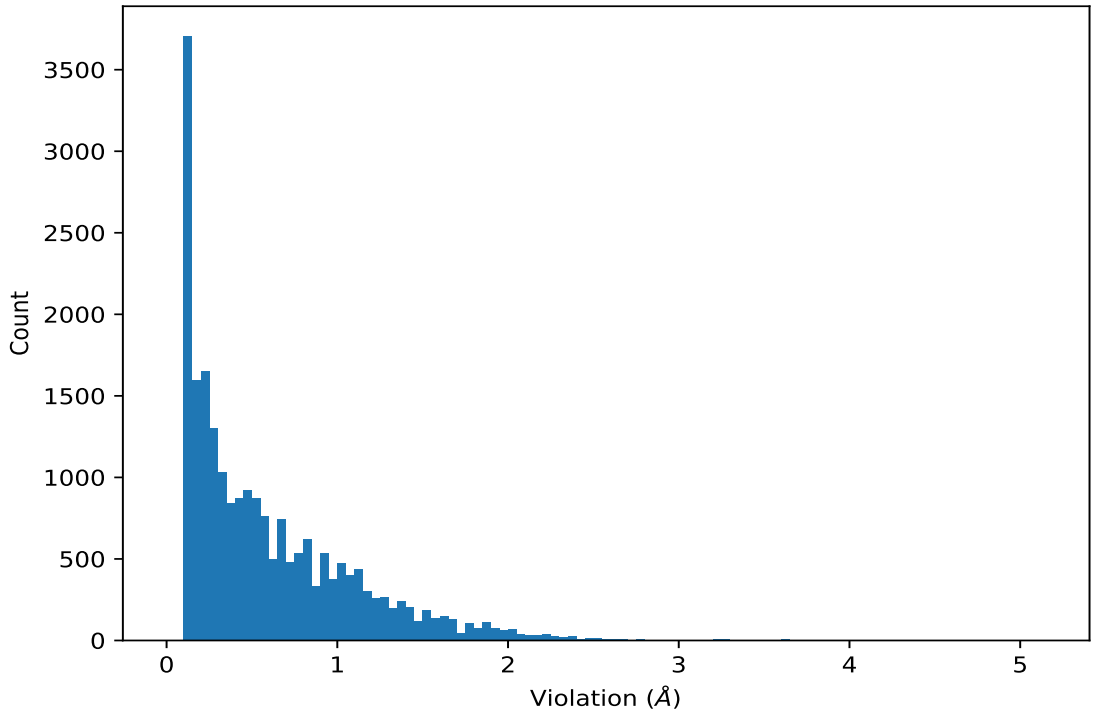
Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1114)	1:407:A:PHE:H	1:204:A:TYR:HD1	2	0.12	0.02	0.12
(1,1114)	1:407:A:PHE:H	1:204:A:TYR:HD2	2	0.12	0.02	0.12
(1,3121)	1:189:A:ILE:HB	1:248:A:ASP:HA	2	0.12	0.01	0.12
(1,3582)	1:228:A:GLU:HG2	1:229:A:GLY:H	2	0.12	0.01	0.12
(1,5309)	1:276:A:GLU:H	1:274:A:LEU:HD13	2	0.12	0.01	0.12
(1,6068)	1:342:A:ILE:HG23	1:346:A:LEU:HB3	2	0.12	0.01	0.12
(1,1700)	1:186:A:LEU:H	1:185:A:ASN:HA	2	0.12	0.02	0.12
(2,25)	1:196:A:ASP:H	1:192:A:ILE:HG21	2	0.12	0.01	0.12
(2,25)	1:196:A:ASP:H	1:192:A:ILE:HG22	2	0.12	0.01	0.12
(2,25)	1:196:A:ASP:H	1:192:A:ILE:HG23	2	0.12	0.01	0.12
(3,104)	1:321:A:LEU:O	1:325:A:MET:H	2	0.12	0.01	0.12
(1,198)	1:292:A:GLY:H	1:303:A:PHE:HE1	2	0.12	0.02	0.12
(1,198)	1:292:A:GLY:H	1:303:A:PHE:HE2	2	0.12	0.02	0.12
(1,472)	1:246:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD21	2	0.12	0.02	0.12
(1,472)	1:246:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD22	2	0.12	0.02	0.12
(1,472)	1:246:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD23	2	0.12	0.02	0.12
(1,3458)	1:309:A:GLU:HG2	1:306:A:LEU:HA	2	0.12	0.0	0.12
(2,10)	1:417:A:GLN:HE22	1:414:A:ARG:HG3	2	0.12	0.0	0.12
(2,83)	1:446:A:ALA:HB1	1:444:A:ARG:HD3	2	0.12	0.0	0.12
(2,83)	1:446:A:ALA:HB2	1:444:A:ARG:HD3	2	0.12	0.0	0.12
(2,83)	1:446:A:ALA:HB3	1:444:A:ARG:HD3	2	0.12	0.0	0.12
(1,3574)	1:407:A:PHE:HD1	1:410:A:ASN:HB2	2	0.11	0.01	0.11
(1,3574)	1:407:A:PHE:HD2	1:410:A:ASN:HB2	2	0.11	0.01	0.11
(1,6646)	1:198:A:VAL:HG13	1:198:A:VAL:HA	2	0.11	0.0	0.11
(1,6646)	1:198:A:VAL:HG11	1:198:A:VAL:HA	2	0.11	0.0	0.11
(1,1790)	1:341:A:ASN:HD21	1:337:A:MET:HA	2	0.11	0.0	0.11
(1,3922)	1:289:A:GLU:HG2	1:306:A:LEU:HD21	2	0.11	0.0	0.11
(1,3922)	1:289:A:GLU:HG2	1:306:A:LEU:HD22	2	0.11	0.0	0.11
(1,3922)	1:289:A:GLU:HG2	1:306:A:LEU:HD23	2	0.11	0.0	0.11
(1,4533)	1:359:A:VAL:HG21	1:359:A:VAL:H	2	0.11	0.0	0.11
(1,4533)	1:359:A:VAL:HG22	1:359:A:VAL:H	2	0.11	0.0	0.11
(1,4533)	1:359:A:VAL:HG23	1:359:A:VAL:H	2	0.11	0.0	0.11
(1,881)	1:365:A:GLN:HE22	1:365:A:GLN:HG2	2	0.1	0.0	0.1
(1,3175)	1:223:A:TYR:HE1	1:256:A:GLU:HB2	2	0.1	0.0	0.1
(1,3175)	1:223:A:TYR:HE2	1:256:A:GLU:HB2	2	0.1	0.0	0.1
(1,4438)	1:272:A:ARG:HG3	1:274:A:LEU:H	2	0.1	0.0	0.1

[1]Number of violated models, [2]Standard deviation

9.5 All violated distance restraints (i)

9.5.1 Histogram : Distribution of distance violations (i)

The following histogram shows the distribution of the absolute value of the violation for all violated restraints in the ensemble.



9.5.2 Table : All distance violations (i)

The following table lists the absolute value of the violation for each restraint in the ensemble sorted by its value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD13	1:210:A:PRO:HD3	11	5.14
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD11	1:210:A:PRO:HD3	15	5.14
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD21	1:318:A:ILE:HG21	18	4.95
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:HG22	27	4.89
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:HG21	17	4.83
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD12	1:210:A:PRO:HD3	16	4.78
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD22	1:323:A:VAL:HG21	21	4.77
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD23	1:323:A:VAL:HG21	22	4.75
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:HG21	13	4.69
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG12	2	4.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD21	1:323:A:VAL:HG22	15	4.68
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG11	20	4.65
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD21	1:318:A:ILE:HG23	26	4.63
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:HG21	1	4.52
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:HG22	35	4.42
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG11	7	4.41
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HG13	3	4.38
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:HG22	34	4.32
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:HG22	9	4.3
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:HG21	11	4.27
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD13	1:210:A:PRO:HD3	27	4.26
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:HG21	23	4.25
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD21	1:318:A:ILE:HG21	29	4.19
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD21	1:318:A:ILE:HG21	25	4.18
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD21	1:318:A:ILE:HG23	24	4.17
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD21	1:318:A:ILE:HG21	10	4.09
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:HG21	6	4.02
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG11	1:300:A:VAL:HG12	21	3.95
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG13	13	3.9
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG22	1:322:A:ILE:HG21	20	3.82
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG22	1:322:A:ILE:HG21	7	3.8
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD13	1:414:A:ARG:H	19	3.79
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:318:A:ILE:HD11	19	3.67
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG12	1:300:A:VAL:HG13	10	3.64
(1,5833)	1:300:A:VAL:HG21	1:301:A:GLN:HG2	10	3.63
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HG21	2	3.62
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HG21	3	3.62
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD21	1:432:A:VAL:HG11	5	3.62
(1,5989)	1:212:A:VAL:HG21	1:253:A:THR:HG22	19	3.6
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD12	1:414:A:ARG:H	31	3.57
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD13	13	3.53
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	25	3.51
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HB2	24	3.51
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD12	1:413:A:HIS:HE1	28	3.51
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD12	2	3.45
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD12	1:414:A:ARG:H	9	3.43
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG11	3	3.39
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD23	1:432:A:VAL:HG12	35	3.39
(1,3929)	1:267:A:LEU:HD22	1:231:A:TYR:HE1	2	3.38
(1,3929)	1:267:A:LEU:HD21	1:231:A:TYR:HE1	4	3.38
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:318:A:ILE:HD13	20	3.37
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD12	1:413:A:HIS:HE1	12	3.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD13	1:414:A:ARG:H	1	3.32
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HB2	19	3.31
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	7	3.3
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG12	1	3.29
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD21	1:432:A:VAL:HG13	28	3.28
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG23	1:279:A:LEU:HD12	20	3.28
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD11	1:413:A:HIS:HE1	23	3.26
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD11	1:413:A:HIS:HE1	34	3.25
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD21	1:432:A:VAL:HG23	12	3.24
(1,3929)	1:267:A:LEU:HD21	1:231:A:TYR:HE1	35	3.24
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD11	25	3.23
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD21	1:432:A:VAL:HG21	29	3.22
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:408:A:LEU:HD23	13	3.21
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD11	18	3.21
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG23	1:300:A:VAL:HG11	22	3.18
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD1	1:436:A:LEU:HD22	34	3.17
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:408:A:LEU:HD23	30	3.12
(1,6740)	1:377:A:MET:HE1	1:412:A:LEU:HD23	29	3.11
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG13	34	3.11
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD22	28	3.09
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD21	1:432:A:VAL:HG13	9	3.08
(1,5908)	1:380:A:LEU:HD12	1:382:A:TRP:HB2	17	3.08
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD12	31	3.05
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD1	1:436:A:LEU:HD23	5	3.01
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:436:A:LEU:HD21	20	3.01
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG12	1:341:A:ASN:H	14	3.0
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD1	1:408:A:LEU:HD23	15	3.0
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HB2	35	2.99
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:436:A:LEU:HD22	9	2.99
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD11	1:413:A:HIS:HE1	2	2.97
(1,3929)	1:267:A:LEU:HD21	1:231:A:TYR:HE1	17	2.97
(1,3929)	1:267:A:LEU:HD23	1:231:A:TYR:HE1	22	2.97
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD13	29	2.94
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD11	32	2.92
(1,6054)	1:267:A:LEU:HD21	1:220:A:VAL:HG22	11	2.88
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD12	10	2.88
(1,3929)	1:267:A:LEU:HD22	1:231:A:TYR:HE1	7	2.86
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD13	14	2.83
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD11	8	2.83
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HB2	1	2.81
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD23	1:325:A:MET:HE1	11	2.81
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HB2	12	2.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5756)	1:203:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:HG13	4	2.79
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	15	2.79
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	15	2.79
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	15	2.79
(1,6496)	1:262:A:THR:HG23	1:243:A:LEU:HD12	19	2.76
(1,5756)	1:203:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:HG11	8	2.76
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD13	1:413:A:HIS:HE1	32	2.71
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG22	1:300:A:VAL:HG13	19	2.7
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:436:A:LEU:HD22	29	2.7
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD12	3	2.7
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD1	1:412:A:LEU:HD13	19	2.69
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD12	33	2.69
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:408:A:LEU:HD21	17	2.68
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD1	1:412:A:LEU:HD13	21	2.68
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD1	1:412:A:LEU:HD12	32	2.68
(1,6740)	1:377:A:MET:HE1	1:402:A:ILE:HD11	21	2.67
(1,1366)	1:253:A:THR:H	1:243:A:LEU:HD21	19	2.67
(1,1366)	1:253:A:THR:H	1:243:A:LEU:HD22	19	2.67
(1,1366)	1:253:A:THR:H	1:243:A:LEU:HD23	19	2.67
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG21	1:367:A:LEU:HB2	14	2.66
(1,6740)	1:377:A:MET:HE2	1:402:A:ILE:HD12	1	2.65
(1,6740)	1:377:A:MET:HE2	1:402:A:ILE:HD13	24	2.65
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:408:A:LEU:HD21	27	2.65
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD1	1:436:A:LEU:HD21	25	2.63
(1,5885)	1:300:A:VAL:HG11	1:302:A:GLU:HB3	10	2.63
(1,5756)	1:203:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:HG11	25	2.61
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:209:A:LEU:HG	33	2.61
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG23	1:209:A:LEU:HD22	10	2.6
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:408:A:LEU:HD22	12	2.59
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:408:A:LEU:HD21	35	2.59
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:209:A:LEU:HG	32	2.58
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD21	1:364:A:VAL:HG23	13	2.57
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:436:A:LEU:HD21	31	2.57
(1,5833)	1:300:A:VAL:HG23	1:301:A:GLN:HG2	21	2.57
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:408:A:LEU:HD23	28	2.55
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:408:A:LEU:HD22	33	2.55
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:263:A:VAL:HG13	9	2.55
(1,6740)	1:377:A:MET:HE3	1:402:A:ILE:HD12	20	2.53
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD21	1:373:A:LEU:HD13	13	2.53
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG21	1:209:A:LEU:HD22	32	2.53
(1,6740)	1:377:A:MET:HE1	1:402:A:ILE:HD11	18	2.52
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD13	1:274:A:LEU:HB3	23	2.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5565)	1:352:A:ILE:HD13	1:279:A:LEU:HD23	20	2.52
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:350:A:VAL:HG22	1	2.52
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD22	10	2.52
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD12	1:274:A:LEU:HB3	17	2.51
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD1	1:412:A:LEU:HD13	26	2.5
(1,5775)	1:201:A:THR:HG23	1:213:A:PHE:HB3	20	2.5
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HB3	5	2.49
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG21	1:367:A:LEU:HB2	8	2.49
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HG13	33	2.49
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:408:A:LEU:HD23	23	2.49
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD1	1:412:A:LEU:HD13	24	2.49
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD21	26	2.49
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD23	1:433:A:GLN:HG2	20	2.48
(1,5775)	1:201:A:THR:HG23	1:202:A:MET:HG3	22	2.48
(1,5723)	1:203:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG21	27	2.48
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:209:A:LEU:HG	29	2.48
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HG12	4	2.46
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE2	7	2.45
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:408:A:LEU:HD21	2	2.45
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:408:A:LEU:HD21	8	2.45
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:263:A:VAL:HG13	18	2.45
(1,6740)	1:377:A:MET:HE2	1:412:A:LEU:HD21	2	2.43
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD21	32	2.43
(1,1366)	1:253:A:THR:H	1:243:A:LEU:HD21	11	2.43
(1,1366)	1:253:A:THR:H	1:243:A:LEU:HD22	11	2.43
(1,1366)	1:253:A:THR:H	1:243:A:LEU:HD23	11	2.43
(1,5756)	1:203:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:HG13	35	2.42
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HB3	26	2.41
(1,6878)	1:307:A:LEU:HD13	1:360:A:PHE:HZ	6	2.4
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG23	1:300:A:VAL:HG12	31	2.4
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD22	1:325:A:MET:HE1	3	2.4
(1,6442)	1:350:A:VAL:HG22	1:353:A:SER:H	17	2.39
(1,6442)	1:350:A:VAL:HG22	1:353:A:SER:H	26	2.39
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:408:A:LEU:HD22	6	2.39
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:408:A:LEU:HD22	14	2.39
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD21	1:433:A:GLN:HG2	10	2.38
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD13	1:274:A:LEU:HB3	21	2.37
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:H	2	2.37
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG21	7	2.37
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG22	7	2.37
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG23	7	2.37
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG21	7	2.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG22	7	2.37
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG23	7	2.37
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG21	7	2.37
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG22	7	2.37
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG23	7	2.37
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG23	1:279:A:LEU:HD13	5	2.36
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD23	1:364:A:VAL:HG22	28	2.36
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD23	1:364:A:VAL:HG22	35	2.36
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:436:A:LEU:HD21	1	2.36
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:408:A:LEU:HD21	3	2.35
(1,5756)	1:203:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:HG11	27	2.35
(1,5565)	1:352:A:ILE:HD11	1:279:A:LEU:HD22	19	2.35
(1,6585)	1:359:A:VAL:HG23	1:363:A:HIS:HB3	20	2.34
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD21	1:373:A:LEU:HD11	1	2.34
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG12	19	2.34
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:408:A:LEU:HD21	22	2.34
(1,5775)	1:201:A:THR:HG23	1:213:A:PHE:HB3	4	2.34
(1,6113)	1:350:A:VAL:HG22	1:352:A:ILE:H	17	2.33
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:H	31	2.33
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD22	1:364:A:VAL:HG22	23	2.33
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HG12	24	2.33
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD1	1:412:A:LEU:HD13	10	2.33
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB1	1:266:A:LEU:HD23	28	2.33
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	18	2.33
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	18	2.33
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	18	2.33
(1,2642)	1:373:A:LEU:HD21	1:327:A:HIS:HE1	25	2.33
(1,2642)	1:373:A:LEU:HD22	1:327:A:HIS:HE1	25	2.33
(1,2642)	1:373:A:LEU:HD23	1:327:A:HIS:HE1	25	2.33
(1,6740)	1:377:A:MET:HE1	1:402:A:ILE:HD11	15	2.32
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG22	1:300:A:VAL:HG11	17	2.32
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG21	1:279:A:LEU:HD12	21	2.32
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG21	1:279:A:LEU:HD12	24	2.32
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD21	1:373:A:LEU:HD13	8	2.31
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG23	1:279:A:LEU:HD13	27	2.31
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG12	30	2.31
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:274:A:LEU:HD21	8	2.3
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG23	1:209:A:LEU:HD23	3	2.3
(1,3987)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HD21	20	2.3
(1,3987)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HD22	20	2.3
(1,3987)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HD23	20	2.3
(1,3987)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HD21	20	2.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3987)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HD22	20	2.3
(1,3987)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HD23	20	2.3
(1,3987)	1:284:A:MET:HE3	1:279:A:LEU:HD21	20	2.3
(1,3987)	1:284:A:MET:HE3	1:279:A:LEU:HD22	20	2.3
(1,3987)	1:284:A:MET:HE3	1:279:A:LEU:HD23	20	2.3
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD13	1:274:A:LEU:HB3	7	2.29
(1,6442)	1:350:A:VAL:HG22	1:353:A:SER:H	4	2.29
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD23	1:364:A:VAL:HG23	32	2.29
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD23	1:373:A:LEU:HD11	17	2.28
(1,6406)	1:243:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG21	2	2.28
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:436:A:LEU:HD23	11	2.28
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG23	1:279:A:LEU:HD13	28	2.27
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD22	1:325:A:MET:HE1	15	2.27
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD22	31	2.27
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG13	1:300:A:VAL:HG11	29	2.27
(1,5862)	1:307:A:LEU:HD22	1:304:A:GLN:HA	24	2.26
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:243:A:LEU:HD12	29	2.26
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG21	1:300:A:VAL:HG13	10	2.25
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG21	1:279:A:LEU:HD12	13	2.25
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:H	18	2.25
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD11	1:192:A:ILE:HG13	20	2.25
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG13	5	2.25
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HG11	11	2.25
(1,5790)	1:207:A:ILE:HG21	1:209:A:LEU:HD23	8	2.25
(1,6740)	1:377:A:MET:HE3	1:402:A:ILE:HD13	11	2.24
(1,6585)	1:359:A:VAL:HG21	1:363:A:HIS:HB3	2	2.24
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HG13	35	2.24
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD22	1:398:A:ILE:H	19	2.24
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD12	21	2.24
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD13	1:210:A:PRO:HD3	3	2.23
(1,6113)	1:350:A:VAL:HG23	1:352:A:ILE:H	13	2.23
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD11	1:325:A:MET:HE2	7	2.23
(1,5862)	1:307:A:LEU:HD22	1:304:A:GLN:HA	20	2.23
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG11	1:300:A:VAL:HG11	11	2.23
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HG21	19	2.22
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD23	1:373:A:LEU:HD12	5	2.22
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD23	1:373:A:LEU:HD11	6	2.22
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD12	1:210:A:PRO:HD3	22	2.22
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD12	1:210:A:PRO:HD3	5	2.21
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG21	1:279:A:LEU:HD11	1	2.21
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG22	1:279:A:LEU:HD11	3	2.21
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG22	1:300:A:VAL:HG12	18	2.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6113)	1:350:A:VAL:HG22	1:352:A:ILE:H	4	2.21
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HE3	18	2.21
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD22	2	2.21
(1,5756)	1:203:A:MET:HE1	1:198:A:VAL:HG13	6	2.21
(1,5756)	1:203:A:MET:HE1	1:198:A:VAL:HG13	12	2.21
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:243:A:LEU:HD11	32	2.21
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:209:A:LEU:HG	4	2.21
(1,2824)	1:364:A:VAL:HG11	1:326:A:ASP:HB2	22	2.21
(1,2824)	1:364:A:VAL:HG12	1:326:A:ASP:HB2	22	2.21
(1,2824)	1:364:A:VAL:HG13	1:326:A:ASP:HB2	22	2.21
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:436:A:LEU:HD23	4	2.2
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:408:A:LEU:HD22	16	2.2
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:274:A:LEU:HD22	29	2.2
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG21	35	2.2
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG22	35	2.2
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG23	35	2.2
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG21	35	2.2
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG22	35	2.2
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG23	35	2.2
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG21	35	2.2
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG22	35	2.2
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG23	35	2.2
(1,6740)	1:377:A:MET:HE2	1:412:A:LEU:HD22	7	2.19
(1,6740)	1:377:A:MET:HE2	1:402:A:ILE:HD13	13	2.19
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD12	1:274:A:LEU:HB3	1	2.19
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD21	1:402:A:ILE:H	15	2.19
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD22	1:398:A:ILE:H	33	2.19
(1,5790)	1:207:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD22	18	2.19
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HD12	11	2.19
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:209:A:LEU:HG	8	2.19
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HB2	26	2.19
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HB2	26	2.19
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HB2	26	2.19
(1,6492)	1:350:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HA	26	2.18
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:255:A:LEU:HD23	31	2.18
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD11	1:210:A:PRO:HD3	28	2.17
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG23	1:367:A:LEU:HB2	31	2.17
(1,5862)	1:307:A:LEU:HD23	1:304:A:GLN:HA	7	2.17
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD11	6	2.17
(1,4584)	1:364:A:VAL:HG11	1:365:A:GLN:HG2	22	2.17
(1,4584)	1:364:A:VAL:HG12	1:365:A:GLN:HG2	22	2.17
(1,4584)	1:364:A:VAL:HG13	1:365:A:GLN:HG2	22	2.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6585)	1:359:A:VAL:HG23	1:363:A:HIS:HB3	7	2.16
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD11	1:210:A:PRO:HD3	17	2.16
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG23	1:300:A:VAL:HG11	34	2.16
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD22	1:325:A:MET:HE3	5	2.16
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HG12	28	2.16
(1,5790)	1:207:A:ILE:HG23	1:209:A:LEU:HD21	33	2.16
(1,5723)	1:203:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG21	19	2.16
(1,6442)	1:350:A:VAL:HG23	1:353:A:SER:H	13	2.15
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD21	1:325:A:MET:HE1	24	2.15
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD12	1:371:A:VAL:HG21	14	2.15
(1,5407)	1:214:A:ARG:H	1:209:A:LEU:HG	33	2.15
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:263:A:VAL:HG12	23	2.15
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG13	18	2.14
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG23	1:209:A:LEU:HD22	4	2.14
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD23	9	2.14
(1,5756)	1:203:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:HG11	31	2.14
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD11	1:210:A:PRO:HD3	21	2.13
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG13	15	2.13
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG12	17	2.13
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	31	2.13
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	31	2.13
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	31	2.13
(1,6740)	1:377:A:MET:HE2	1:402:A:ILE:HD11	22	2.12
(1,6492)	1:350:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HA	4	2.12
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD23	1:433:A:GLN:HG2	2	2.12
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG23	1:279:A:LEU:HD11	8	2.12
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HG12	29	2.12
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG23	1:209:A:LEU:HD22	29	2.12
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD12	2	2.12
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD12	1:210:A:PRO:HD3	30	2.11
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HB3	6	2.11
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG12	1	2.11
(1,5862)	1:307:A:LEU:HD23	1:304:A:GLN:HA	1	2.11
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:HG23	28	2.11
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG12	1:300:A:VAL:HG13	24	2.11
(1,3987)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HD21	19	2.11
(1,3987)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HD22	19	2.11
(1,3987)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HD23	19	2.11
(1,3987)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HD21	19	2.11
(1,3987)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HD22	19	2.11
(1,3987)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HD23	19	2.11
(1,3987)	1:284:A:MET:HE3	1:279:A:LEU:HD21	19	2.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3987)	1:284:A:MET:HE3	1:279:A:LEU:HD22	19	2.11
(1,3987)	1:284:A:MET:HE3	1:279:A:LEU:HD23	19	2.11
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD11	1:438:A:ALA:H	1	2.1
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG23	1:300:A:VAL:HG12	23	2.1
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG21	1:279:A:LEU:HD12	26	2.1
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG23	1:279:A:LEU:HD13	4	2.09
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG21	1:300:A:VAL:HG12	16	2.09
(1,6057)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HD22	21	2.09
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD11	1:366:A:GLU:H	18	2.09
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HG22	2	2.09
(1,6442)	1:350:A:VAL:HG21	1:353:A:SER:H	19	2.08
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG22	1:279:A:LEU:HD13	6	2.08
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG21	1:279:A:LEU:HD12	30	2.08
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG23	1:279:A:LEU:HD11	35	2.08
(1,5862)	1:307:A:LEU:HD23	1:304:A:GLN:HA	31	2.08
(1,5756)	1:203:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:HG12	11	2.08
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD13	1:210:A:PRO:HD3	7	2.07
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD13	1:210:A:PRO:HD3	23	2.07
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD13	1:438:A:ALA:H	31	2.07
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG22	1:279:A:LEU:HD12	29	2.07
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HE3	33	2.07
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:H	1	2.07
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HG13	10	2.07
(1,5835)	1:207:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD11	26	2.07
(1,5756)	1:203:A:MET:HE1	1:198:A:VAL:HG12	10	2.07
(1,5723)	1:203:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG23	34	2.07
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD13	23	2.07
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:243:A:LEU:HD12	33	2.07
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:243:A:LEU:HD11	34	2.07
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD11	1:427:A:GLU:HG3	12	2.07
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD12	1:427:A:GLU:HG3	12	2.07
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD13	1:427:A:GLU:HG3	12	2.07
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD11	1:427:A:GLU:HG3	17	2.07
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD12	1:427:A:GLU:HG3	17	2.07
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD13	1:427:A:GLU:HG3	17	2.07
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD23	1:373:A:LEU:HD12	21	2.06
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD21	1:373:A:LEU:HD11	32	2.06
(1,6496)	1:262:A:THR:HG21	1:243:A:LEU:HD13	11	2.06
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG22	1:300:A:VAL:HG11	32	2.06
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE2	2	2.06
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HG11	16	2.06
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:243:A:LEU:HD12	15	2.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HG21	9	2.05
(1,6634)	1:253:A:THR:HG22	1:244:A:LYS:HA	27	2.05
(1,6525)	1:203:A:MET:HE1	1:207:A:ILE:HG12	22	2.05
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:436:A:LEU:HD23	7	2.05
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:274:A:LEU:HD21	32	2.05
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:350:A:VAL:HG13	16	2.05
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:255:A:LEU:HD22	25	2.05
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	17	2.05
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	17	2.05
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	17	2.05
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	17	2.05
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	17	2.05
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	17	2.05
(1,1358)	1:364:A:VAL:H	1:323:A:VAL:HG21	7	2.05
(1,1358)	1:364:A:VAL:H	1:323:A:VAL:HG22	7	2.05
(1,1358)	1:364:A:VAL:H	1:323:A:VAL:HG23	7	2.05
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD12	1:413:A:HIS:HE1	18	2.04
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG23	1:279:A:LEU:HD12	9	2.04
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HE2	17	2.04
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD12	1:192:A:ILE:HG13	28	2.04
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HG13	9	2.04
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG22	1:367:A:LEU:HB2	12	2.04
(1,5837)	1:225:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG23	30	2.04
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HG21	22	2.03
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD23	1:364:A:VAL:HG22	20	2.03
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HG12	13	2.03
(1,5789)	1:278:A:LEU:HD11	1:350:A:VAL:HB	25	2.03
(1,5407)	1:214:A:ARG:H	1:209:A:LEU:HG	18	2.03
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:263:A:VAL:HG13	8	2.03
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	2	2.03
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	2	2.03
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	2	2.03
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD23	1:373:A:LEU:HD13	29	2.02
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG21	1:279:A:LEU:HD13	12	2.02
(1,6057)	1:345:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HD22	25	2.02
(1,5837)	1:225:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG23	19	2.02
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	10	2.02
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	10	2.02
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	10	2.02
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	14	2.02
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	14	2.02
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	14	2.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD11	1:427:A:GLU:HG3	4	2.02
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD12	1:427:A:GLU:HG3	4	2.02
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD13	1:427:A:GLU:HG3	4	2.02
(1,6514)	1:315:A:TYR:HE1	1:367:A:LEU:HD22	1	2.01
(1,6492)	1:350:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HA	13	2.01
(1,6283)	1:323:A:VAL:HG23	1:371:A:VAL:HG22	7	2.01
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HE2	1	2.01
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD22	1:364:A:VAL:HG23	26	2.01
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HG13	25	2.01
(1,5865)	1:327:A:HIS:HD2	1:372:A:VAL:HG23	7	2.01
(1,5835)	1:217:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD12	1	2.01
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:350:A:VAL:HG12	27	2.01
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:263:A:VAL:HG11	20	2.01
(2,40)	1:367:A:LEU:HD11	1:359:A:VAL:HG21	3	2.0
(2,40)	1:367:A:LEU:HD11	1:359:A:VAL:HG22	3	2.0
(2,40)	1:367:A:LEU:HD11	1:359:A:VAL:HG23	3	2.0
(2,40)	1:367:A:LEU:HD12	1:359:A:VAL:HG21	3	2.0
(2,40)	1:367:A:LEU:HD12	1:359:A:VAL:HG22	3	2.0
(2,40)	1:367:A:LEU:HD12	1:359:A:VAL:HG23	3	2.0
(2,40)	1:367:A:LEU:HD13	1:359:A:VAL:HG21	3	2.0
(2,40)	1:367:A:LEU:HD13	1:359:A:VAL:HG22	3	2.0
(2,40)	1:367:A:LEU:HD13	1:359:A:VAL:HG23	3	2.0
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG23	1:203:A:MET:HE3	30	2.0
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG22	1:279:A:LEU:HD12	25	2.0
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD23	1:305:A:ARG:HG2	30	2.0
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:209:A:LEU:HG	2	2.0
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD11	1:427:A:GLU:HG3	31	2.0
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD12	1:427:A:GLU:HG3	31	2.0
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD13	1:427:A:GLU:HG3	31	2.0
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD21	17	1.99
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD22	17	1.99
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD23	17	1.99
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD13	1:325:A:MET:HB3	14	1.99
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD23	1:373:A:LEU:HD11	2	1.99
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD21	1:373:A:LEU:HD12	10	1.99
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD12	1:210:A:PRO:HD3	13	1.99
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD23	1:325:A:MET:HE3	21	1.99
(1,5862)	1:307:A:LEU:HD22	1:304:A:GLN:HA	13	1.99
(1,5862)	1:307:A:LEU:HD22	1:304:A:GLN:HA	22	1.99
(1,5407)	1:214:A:ARG:H	1:209:A:LEU:HG	29	1.99
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	11	1.99
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	11	1.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	11	1.99
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD21	11	1.98
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD22	11	1.98
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD23	11	1.98
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HG21	14	1.98
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD13	1:210:A:PRO:HD3	20	1.98
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:H	14	1.98
(1,5837)	1:225:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG22	8	1.98
(1,5835)	1:217:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD12	17	1.98
(1,5835)	1:217:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD11	23	1.98
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD23	7	1.98
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:274:A:LEU:HD22	9	1.98
(1,4663)	1:373:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HA	7	1.98
(1,4663)	1:373:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HA	7	1.98
(1,4663)	1:373:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HA	7	1.98
(1,4049)	1:243:A:LEU:HD11	1:267:A:LEU:H	2	1.98
(1,4049)	1:243:A:LEU:HD12	1:267:A:LEU:H	2	1.98
(1,4049)	1:243:A:LEU:HD13	1:267:A:LEU:H	2	1.98
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HE1	1	1.98
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HE2	1	1.98
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HE1	1	1.98
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HE2	1	1.98
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HE1	1	1.98
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HE2	1	1.98
(1,6492)	1:350:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HA	19	1.97
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD22	1:325:A:MET:HE3	12	1.97
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD11	1:366:A:GLU:H	17	1.97
(1,5862)	1:307:A:LEU:HD21	1:304:A:GLN:HA	5	1.97
(1,5862)	1:307:A:LEU:HD22	1:304:A:GLN:HA	10	1.97
(1,5789)	1:278:A:LEU:HD11	1:350:A:VAL:HB	15	1.97
(1,5775)	1:201:A:THR:HG22	1:202:A:MET:HG3	8	1.97
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HG22	28	1.96
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD21	1:278:A:LEU:HD22	23	1.96
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	4	1.96
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	18	1.96
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG12	6	1.96
(1,5756)	1:203:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:HG12	34	1.96
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:350:A:VAL:HG12	11	1.96
(1,5407)	1:214:A:ARG:H	1:209:A:LEU:HG	32	1.96
(1,4924)	1:277:A:ASN:HD21	1:318:A:ILE:HD11	19	1.96
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:345:A:VAL:HG23	35	1.96
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	1	1.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	1	1.96
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	1	1.96
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	4	1.96
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	4	1.96
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	4	1.96
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD11	1:427:A:GLU:HG3	28	1.96
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD12	1:427:A:GLU:HG3	28	1.96
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD13	1:427:A:GLU:HG3	28	1.96
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	5	1.96
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	5	1.96
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	5	1.96
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD21	20	1.95
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD22	20	1.95
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD23	20	1.95
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD11	1:210:A:PRO:HD3	25	1.95
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD13	1:210:A:PRO:HD3	32	1.95
(1,6113)	1:350:A:VAL:HG21	1:352:A:ILE:H	19	1.95
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HE2	26	1.95
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:H	11	1.95
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HG12	23	1.95
(1,5862)	1:307:A:LEU:HD23	1:304:A:GLN:HA	4	1.95
(1,5862)	1:307:A:LEU:HD23	1:304:A:GLN:HA	21	1.95
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HB2	17	1.95
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HB2	17	1.95
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HB2	17	1.95
(1,6804)	1:267:A:LEU:HD23	1:212:A:VAL:HG11	12	1.94
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD13	1:210:A:PRO:HD3	14	1.94
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	2	1.94
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HE2	20	1.94
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG11	1:300:A:VAL:HG11	5	1.94
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	20	1.94
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:243:A:LEU:HD11	6	1.94
(1,4085)	1:364:A:VAL:HG11	1:365:A:GLN:H	22	1.94
(1,4085)	1:364:A:VAL:HG12	1:365:A:GLN:H	22	1.94
(1,4085)	1:364:A:VAL:HG13	1:365:A:GLN:H	22	1.94
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD21	4	1.93
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD22	4	1.93
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD23	4	1.93
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD21	25	1.93
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD22	25	1.93
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD23	25	1.93
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HG22	23	1.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD23	1:373:A:LEU:HD11	20	1.93
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD11	1:210:A:PRO:HD3	34	1.93
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD21	1:433:A:GLN:HG2	16	1.93
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG12	21	1.93
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:243:A:LEU:HD11	22	1.93
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HE1	2	1.93
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HE2	2	1.93
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HE1	2	1.93
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HE2	2	1.93
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HE1	2	1.93
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HE2	2	1.93
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG22	1:322:A:ILE:HG21	12	1.92
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HG23	21	1.92
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD23	1:325:A:MET:HE3	17	1.92
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD23	1:364:A:VAL:HG22	31	1.92
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HG11	26	1.92
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG11	27	1.92
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG11	1:300:A:VAL:HG11	6	1.92
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG21	3	1.91
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG22	3	1.91
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG23	3	1.91
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG21	3	1.91
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG22	3	1.91
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG23	3	1.91
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG21	3	1.91
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG22	3	1.91
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG23	3	1.91
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD21	30	1.91
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD22	30	1.91
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD23	30	1.91
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG22	1:322:A:ILE:HG21	25	1.91
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG22	1:322:A:ILE:HG22	32	1.91
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD23	1:373:A:LEU:HD13	23	1.91
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD21	1:433:A:GLN:HG2	17	1.91
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD22	1:426:A:GLU:HG2	32	1.91
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG22	1:279:A:LEU:HD13	11	1.91
(1,6113)	1:350:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HE2	26	1.91
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD22	1:364:A:VAL:HG22	34	1.91
(1,5835)	1:207:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD12	21	1.91
(1,5756)	1:203:A:MET:HE1	1:198:A:VAL:HG11	16	1.91
(1,5723)	1:203:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG22	4	1.91
(1,5723)	1:203:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG23	11	1.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	11	1.91
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:345:A:VAL:HG22	25	1.91
(1,4663)	1:373:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HA	14	1.91
(1,4663)	1:373:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HA	14	1.91
(1,4663)	1:373:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HA	14	1.91
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG21	20	1.9
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG22	20	1.9
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG23	20	1.9
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG21	20	1.9
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG22	20	1.9
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG23	20	1.9
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG21	20	1.9
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG22	20	1.9
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG23	20	1.9
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HE2	8	1.9
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:H	4	1.9
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD21	1:325:A:MET:HE1	14	1.9
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD23	1:364:A:VAL:HG23	16	1.9
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:274:A:LEU:HD21	25	1.9
(1,5723)	1:203:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG22	29	1.9
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:321:A:LEU:HD21	35	1.9
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	7	1.9
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	7	1.9
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	7	1.9
(1,4196)	1:253:A:THR:HB	1:243:A:LEU:HD21	19	1.9
(1,4196)	1:253:A:THR:HB	1:243:A:LEU:HD22	19	1.9
(1,4196)	1:253:A:THR:HB	1:243:A:LEU:HD23	19	1.9
(1,2779)	1:253:A:THR:HG21	1:243:A:LEU:HD21	19	1.9
(1,2779)	1:253:A:THR:HG21	1:243:A:LEU:HD22	19	1.9
(1,2779)	1:253:A:THR:HG21	1:243:A:LEU:HD23	19	1.9
(1,2779)	1:253:A:THR:HG22	1:243:A:LEU:HD21	19	1.9
(1,2779)	1:253:A:THR:HG22	1:243:A:LEU:HD22	19	1.9
(1,2779)	1:253:A:THR:HG22	1:243:A:LEU:HD23	19	1.9
(1,2779)	1:253:A:THR:HG23	1:243:A:LEU:HD21	19	1.9
(1,2779)	1:253:A:THR:HG23	1:243:A:LEU:HD22	19	1.9
(1,2779)	1:253:A:THR:HG23	1:243:A:LEU:HD23	19	1.9
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG22	1:322:A:ILE:HG21	16	1.89
(1,6655)	1:244:A:LYS:HD2	1:240:A:VAL:HB	22	1.89
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD21	1:373:A:LEU:HD12	31	1.89
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	14	1.89
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG21	1:279:A:LEU:HD11	7	1.89
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE2	23	1.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD23	1:364:A:VAL:HG22	27	1.89
(1,5775)	1:201:A:THR:HG23	1:213:A:PHE:HB3	24	1.89
(1,5756)	1:203:A:MET:HE3	1:255:A:LEU:HD11	23	1.89
(1,5398)	1:319:A:SER:H	1:316:A:LEU:HD13	29	1.89
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:230:A:ILE:HG23	16	1.89
(1,3921)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HH2	17	1.89
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HB3	14	1.89
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HB3	14	1.89
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HB3	14	1.89
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	18	1.89
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	18	1.89
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	18	1.89
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	18	1.89
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	18	1.89
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	18	1.89
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	13	1.89
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	13	1.89
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	13	1.89
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD21	2	1.88
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD22	2	1.88
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD23	2	1.88
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD21	10	1.88
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD22	10	1.88
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD23	10	1.88
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HG21	15	1.88
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HG21	31	1.88
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HE1	13	1.88
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD13	1:438:A:ALA:H	11	1.88
(1,6253)	1:316:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HD1	3	1.88
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD11	1:253:A:THR:HG22	13	1.88
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HE2	25	1.88
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:194:A:LEU:HD11	10	1.88
(1,5837)	1:225:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG13	18	1.88
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD11	1:427:A:GLU:HG3	10	1.88
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD12	1:427:A:GLU:HG3	10	1.88
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD13	1:427:A:GLU:HG3	10	1.88
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	7	1.87
(1,6268)	1:283:A:LEU:HD11	1:309:A:GLU:HG3	11	1.87
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD21	1:305:A:ARG:HG2	6	1.87
(1,5908)	1:380:A:LEU:HD12	1:382:A:TRP:HB2	10	1.87
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:HG23	33	1.87
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	12	1.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:234:A:SER:HB2	31	1.87
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG11	31	1.87
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG12	31	1.87
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG13	31	1.87
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	20	1.87
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	20	1.87
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	20	1.87
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG21	7	1.86
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG22	7	1.86
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG23	7	1.86
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG21	7	1.86
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG22	7	1.86
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG23	7	1.86
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG21	7	1.86
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG22	7	1.86
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG23	7	1.86
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD13	1:210:A:PRO:HD3	6	1.86
(1,6368)	1:334:A:GLU:HG3	1:331:A:LYS:HD3	2	1.86
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	4	1.86
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG21	1:323:A:VAL:HG11	23	1.86
(1,5723)	1:203:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG21	13	1.86
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG12	1:300:A:VAL:HG13	33	1.86
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD11	1:430:A:TRP:HZ2	13	1.86
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HZ2	13	1.86
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD13	1:430:A:TRP:HZ2	13	1.86
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD11	1:427:A:GLU:HG3	15	1.86
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD12	1:427:A:GLU:HG3	15	1.86
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD13	1:427:A:GLU:HG3	15	1.86
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE3	23	1.85
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD12	1:210:A:PRO:HD3	29	1.85
(1,6496)	1:262:A:THR:HG21	1:243:A:LEU:HD13	2	1.85
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:H	10	1.85
(1,5835)	1:217:A:ILE:HG21	1:209:A:LEU:HD11	7	1.85
(1,5756)	1:203:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:HG12	14	1.85
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG11	1:300:A:VAL:HG13	19	1.85
(1,5398)	1:319:A:SER:H	1:316:A:LEU:HD12	21	1.85
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	2	1.85
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG21	2	1.84
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG22	2	1.84
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG23	2	1.84
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG21	2	1.84
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG22	2	1.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG23	2	1.84
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG21	2	1.84
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG22	2	1.84
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG23	2	1.84
(1,6804)	1:283:A:LEU:HD21	1:306:A:LEU:HD21	9	1.84
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HG22	1	1.84
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	10	1.84
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD21	1:325:A:MET:HE1	29	1.84
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD21	1:305:A:ARG:HG2	23	1.84
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:HG23	4	1.84
(1,5723)	1:203:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG21	23	1.84
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD13	1	1.84
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	34	1.84
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	34	1.84
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	34	1.84
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE1	26	1.83
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HG21	34	1.83
(1,6492)	1:350:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HA	17	1.83
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD11	1:341:A:ASN:HD22	1	1.83
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE2	5	1.83
(1,5835)	1:217:A:ILE:HG23	1:209:A:LEU:HD11	16	1.83
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:HG22	5	1.83
(1,5775)	1:201:A:THR:HG21	1:202:A:MET:HG3	32	1.83
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD23	6	1.83
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HD12	27	1.83
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD21	18	1.82
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD22	18	1.82
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD23	18	1.82
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HB3	7	1.82
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG22	1:322:A:ILE:HG22	13	1.82
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HG23	26	1.82
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD23	1:373:A:LEU:HD11	3	1.82
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG23	1:279:A:LEU:HD11	2	1.82
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD13	1:366:A:GLU:H	23	1.82
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:HG22	3	1.82
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:HG23	31	1.82
(1,5775)	1:201:A:THR:HG21	1:213:A:PHE:HB3	21	1.82
(1,5723)	1:203:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG23	22	1.82
(1,5723)	1:203:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG21	24	1.82
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG12	1:300:A:VAL:HG12	8	1.82
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HB2	9	1.82
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HB2	9	1.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HB2	9	1.82
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD12	1:325:A:MET:HE2	25	1.81
(1,5837)	1:225:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG22	7	1.81
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:HG21	20	1.81
(1,5723)	1:203:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG22	16	1.81
(1,5407)	1:214:A:ARG:H	1:209:A:LEU:HG	25	1.81
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD11	13	1.81
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD13	8	1.81
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD21	35	1.81
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HD11	9	1.81
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD21	19	1.81
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD22	19	1.81
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD23	19	1.81
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG21	1:360:A:PHE:HZ	14	1.81
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HZ	14	1.81
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HZ	14	1.81
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD11	1:427:A:GLU:HG3	2	1.81
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD12	1:427:A:GLU:HG3	2	1.81
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD13	1:427:A:GLU:HG3	2	1.81
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD11	1:427:A:GLU:HG3	19	1.81
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD12	1:427:A:GLU:HG3	19	1.81
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD13	1:427:A:GLU:HG3	19	1.81
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	19	1.81
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HG23	8	1.8
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HG21	27	1.8
(1,5756)	1:203:A:MET:HE2	1:255:A:LEU:HD11	28	1.8
(1,5723)	1:203:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG22	26	1.8
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:345:A:VAL:HG21	12	1.8
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG21	1:360:A:PHE:HZ	19	1.8
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HZ	19	1.8
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HZ	19	1.8
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD12	1:210:A:PRO:HD3	8	1.79
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG22	1:279:A:LEU:HD11	14	1.79
(1,5837)	1:225:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG23	1	1.79
(1,5837)	1:225:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG22	21	1.79
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:HG21	12	1.79
(1,5723)	1:203:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG21	15	1.79
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD12	32	1.79
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:230:A:ILE:HG21	27	1.79
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	8	1.79
(1,6655)	1:244:A:LYS:HD2	1:240:A:VAL:HB	10	1.78
(1,6655)	1:244:A:LYS:HD2	1:240:A:VAL:HB	29	1.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD21	1:432:A:VAL:HG12	14	1.78
(1,6368)	1:334:A:GLU:HG3	1:331:A:LYS:HD3	20	1.78
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HE2	29	1.78
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG11	34	1.78
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD22	1:398:A:ILE:H	13	1.78
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD12	1:366:A:GLU:H	13	1.78
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:274:A:LEU:HD23	2	1.78
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:274:A:LEU:HD22	3	1.78
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:274:A:LEU:HD23	31	1.78
(1,5756)	1:203:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:HG12	19	1.78
(1,5407)	1:214:A:ARG:H	1:209:A:LEU:HG	31	1.78
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD23	1	1.78
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	23	1.78
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:271:A:LEU:HD23	10	1.78
(1,4049)	1:243:A:LEU:HD11	1:267:A:LEU:H	11	1.78
(1,4049)	1:243:A:LEU:HD12	1:267:A:LEU:H	11	1.78
(1,4049)	1:243:A:LEU:HD13	1:267:A:LEU:H	11	1.78
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	33	1.78
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD21	32	1.77
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD22	32	1.77
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD23	32	1.77
(1,6535)	1:203:A:MET:HE1	1:210:A:PRO:HB3	12	1.77
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD11	1:210:A:PRO:HD3	2	1.77
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	22	1.77
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD12	1:325:A:MET:HE2	19	1.77
(1,5835)	1:217:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD13	5	1.77
(1,5723)	1:203:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG21	30	1.77
(1,5407)	1:214:A:ARG:H	1:209:A:LEU:HG	8	1.77
(1,5398)	1:319:A:SER:H	1:316:A:LEU:HD12	2	1.77
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD21	14	1.77
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD22	14	1.77
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD23	14	1.77
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD21	14	1.77
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD22	14	1.77
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD23	14	1.77
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD21	14	1.77
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD22	14	1.77
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD23	14	1.77
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD11	1:402:A:ILE:HA	6	1.77
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD12	1:402:A:ILE:HA	6	1.77
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD13	1:402:A:ILE:HA	6	1.77
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG21	4	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG22	4	1.77
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG23	4	1.77
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG21	4	1.77
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG22	4	1.77
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG23	4	1.77
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG21	4	1.77
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG22	4	1.77
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG23	4	1.77
(2,40)	1:367:A:LEU:HD11	1:359:A:VAL:HG21	2	1.76
(2,40)	1:367:A:LEU:HD11	1:359:A:VAL:HG22	2	1.76
(2,40)	1:367:A:LEU:HD11	1:359:A:VAL:HG23	2	1.76
(2,40)	1:367:A:LEU:HD12	1:359:A:VAL:HG21	2	1.76
(2,40)	1:367:A:LEU:HD12	1:359:A:VAL:HG22	2	1.76
(2,40)	1:367:A:LEU:HD12	1:359:A:VAL:HG23	2	1.76
(2,40)	1:367:A:LEU:HD13	1:359:A:VAL:HG21	2	1.76
(2,40)	1:367:A:LEU:HD13	1:359:A:VAL:HG22	2	1.76
(2,40)	1:367:A:LEU:HD13	1:359:A:VAL:HG23	2	1.76
(1,6740)	1:377:A:MET:HE1	1:402:A:ILE:HD13	16	1.76
(1,6376)	1:377:A:MET:HE3	1:408:A:LEU:HD23	13	1.76
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG23	1:279:A:LEU:HD11	15	1.76
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	7	1.76
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD22	1:325:A:MET:HE3	33	1.76
(1,5989)	1:212:A:VAL:HG22	1:255:A:LEU:HD12	29	1.76
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD12	1:325:A:MET:HE1	4	1.76
(1,5835)	1:217:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD12	14	1.76
(1,5756)	1:203:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:HG13	33	1.76
(1,5723)	1:203:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG22	33	1.76
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:271:A:LEU:HD22	10	1.76
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD11	3	1.76
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD22	23	1.76
(1,4663)	1:373:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HA	30	1.76
(1,4663)	1:373:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HA	30	1.76
(1,4663)	1:373:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HA	30	1.76
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD21	23	1.76
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD22	23	1.76
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD23	23	1.76
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD21	23	1.76
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD22	23	1.76
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD23	23	1.76
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD21	23	1.76
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD22	23	1.76
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD23	23	1.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	6	1.76
(1,1216)	1:236:A:ILE:H	1:239:A:LYS:HG2	27	1.76
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE1	28	1.75
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HG21	17	1.75
(1,6691)	1:266:A:LEU:HD13	1:268:A:LYS:H	26	1.75
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	23	1.75
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG22	1:323:A:VAL:HG11	26	1.75
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD23	1:325:A:MET:HE1	6	1.75
(1,5815)	1:207:A:ILE:HD12	1:374:A:LYS:HE3	27	1.75
(1,5790)	1:207:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD22	25	1.75
(1,5723)	1:203:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG21	2	1.75
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HD12	23	1.75
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	10	1.75
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	23	1.75
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:345:A:VAL:HG21	28	1.75
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD21	16	1.74
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD22	16	1.74
(2,42)	1:430:A:TRP:HZ2	1:429:A:LEU:HD23	16	1.74
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HG22	11	1.74
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG22	1:322:A:ILE:HG21	33	1.74
(1,6406)	1:243:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG23	19	1.74
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD21	1:194:A:LEU:HD13	25	1.74
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG21	1:323:A:VAL:HG12	27	1.74
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD23	1:325:A:MET:HE3	9	1.74
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG21	1:209:A:LEU:HD22	11	1.74
(1,5756)	1:203:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:HG11	24	1.74
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	19	1.74
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD11	17	1.74
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	16	1.73
(1,6740)	1:377:A:MET:HE1	1:412:A:LEU:HD22	12	1.73
(1,6178)	1:364:A:VAL:HG22	1:279:A:LEU:HD13	33	1.73
(1,5835)	1:217:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD13	24	1.73
(1,5723)	1:203:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG12	3	1.73
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:234:A:SER:HB2	18	1.73
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	35	1.73
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD11	1:427:A:GLU:HG3	20	1.73
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD12	1:427:A:GLU:HG3	20	1.73
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD13	1:427:A:GLU:HG3	20	1.73
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD11	1:210:A:PRO:HD3	9	1.72
(1,6368)	1:334:A:GLU:HG3	1:331:A:LYS:HD3	24	1.72
(1,6057)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HD22	15	1.72
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD22	1:305:A:ARG:HG2	25	1.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5756)	1:203:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:HG13	29	1.72
(1,5723)	1:203:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG23	18	1.72
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	6	1.72
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:243:A:LEU:HD11	16	1.72
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	11	1.72
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD11	1:427:A:GLU:HG3	11	1.72
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD12	1:427:A:GLU:HG3	11	1.72
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD13	1:427:A:GLU:HG3	11	1.72
(1,6740)	1:377:A:MET:HE2	1:412:A:LEU:HD23	6	1.71
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG13	7	1.71
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD13	1:210:A:PRO:HD3	26	1.71
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD23	1:426:A:GLU:HG2	30	1.71
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD11	1:366:A:GLU:H	26	1.71
(1,5723)	1:203:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG21	1	1.71
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG13	1:300:A:VAL:HG13	30	1.71
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB2	1:189:A:ILE:HD12	11	1.71
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD13	31	1.71
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:243:A:LEU:HD11	35	1.71
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	26	1.71
(1,6877)	1:212:A:VAL:HG23	1:270:A:TYR:H	29	1.7
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD23	1	1.7
(1,6406)	1:243:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG21	11	1.7
(1,6376)	1:377:A:MET:HE1	1:435:A:ILE:HG22	19	1.7
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD11	1:341:A:ASN:HD22	19	1.7
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD12	1:366:A:GLU:H	21	1.7
(1,5837)	1:225:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG23	5	1.7
(1,5837)	1:225:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG23	13	1.7
(1,5723)	1:203:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG21	31	1.7
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HD12	2	1.7
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HD11	33	1.7
(1,5407)	1:214:A:ARG:H	1:209:A:LEU:HG	9	1.7
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:255:A:LEU:HD11	6	1.7
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:345:A:VAL:HG21	7	1.7
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	18	1.7
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	18	1.7
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	18	1.7
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	29	1.7
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	29	1.7
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	29	1.7
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	35	1.7
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	35	1.7
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	35	1.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6740)	1:377:A:MET:HE2	1:412:A:LEU:HD21	14	1.69
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HG21	18	1.69
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD22	1:373:A:LEU:HD11	26	1.69
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:H	7	1.69
(1,6057)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HD22	1	1.69
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD23	1:325:A:MET:HE2	25	1.69
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG22	1:367:A:LEU:HB2	32	1.69
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD13	1:366:A:GLU:H	15	1.69
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:274:A:LEU:HD21	33	1.69
(1,5756)	1:203:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:HG12	9	1.69
(1,5756)	1:203:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:HG11	18	1.69
(1,5723)	1:203:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG21	5	1.69
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG12	1:300:A:VAL:HG11	35	1.69
(1,5398)	1:319:A:SER:H	1:316:A:LEU:HD12	27	1.69
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD13	18	1.69
(1,4924)	1:277:A:ASN:HD21	1:318:A:ILE:HD13	20	1.69
(1,4663)	1:373:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HA	25	1.69
(1,4663)	1:373:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HA	25	1.69
(1,4663)	1:373:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HA	25	1.69
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	22	1.69
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	22	1.69
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	22	1.69
(1,3921)	1:385:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HH2	20	1.69
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	9	1.69
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	30	1.69
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	30	1.69
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	30	1.69
(2,40)	1:367:A:LEU:HD11	1:359:A:VAL:HG21	7	1.68
(2,40)	1:367:A:LEU:HD11	1:359:A:VAL:HG22	7	1.68
(2,40)	1:367:A:LEU:HD11	1:359:A:VAL:HG23	7	1.68
(2,40)	1:367:A:LEU:HD12	1:359:A:VAL:HG21	7	1.68
(2,40)	1:367:A:LEU:HD12	1:359:A:VAL:HG22	7	1.68
(2,40)	1:367:A:LEU:HD12	1:359:A:VAL:HG23	7	1.68
(2,40)	1:367:A:LEU:HD13	1:359:A:VAL:HG21	7	1.68
(2,40)	1:367:A:LEU:HD13	1:359:A:VAL:HG22	7	1.68
(2,40)	1:367:A:LEU:HD13	1:359:A:VAL:HG23	7	1.68
(2,40)	1:367:A:LEU:HD11	1:359:A:VAL:HG21	20	1.68
(2,40)	1:367:A:LEU:HD11	1:359:A:VAL:HG22	20	1.68
(2,40)	1:367:A:LEU:HD11	1:359:A:VAL:HG23	20	1.68
(2,40)	1:367:A:LEU:HD12	1:359:A:VAL:HG21	20	1.68
(2,40)	1:367:A:LEU:HD12	1:359:A:VAL:HG22	20	1.68
(2,40)	1:367:A:LEU:HD12	1:359:A:VAL:HG23	20	1.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,40)	1:367:A:LEU:HD13	1:359:A:VAL:HG21	20	1.68
(2,40)	1:367:A:LEU:HD13	1:359:A:VAL:HG22	20	1.68
(2,40)	1:367:A:LEU:HD13	1:359:A:VAL:HG23	20	1.68
(1,6535)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB3	27	1.68
(1,6253)	1:316:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HD1	23	1.68
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD13	1:366:A:GLU:H	34	1.68
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	16	1.68
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD11	32	1.68
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:372:A:VAL:HG22	14	1.68
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	35	1.68
(1,4042)	1:239:A:LYS:HD3	1:242:A:GLU:HB3	34	1.68
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD11	1:427:A:GLU:HG3	29	1.68
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD12	1:427:A:GLU:HG3	29	1.68
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD13	1:427:A:GLU:HG3	29	1.68
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	3	1.68
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	3	1.68
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	3	1.68
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	17	1.68
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	17	1.68
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	17	1.68
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HB3	28	1.67
(1,6376)	1:377:A:MET:HE2	1:408:A:LEU:HD21	32	1.67
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	12	1.67
(1,5837)	1:225:A:MET:HE3	1:373:A:LEU:HD21	32	1.67
(1,5723)	1:203:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG23	7	1.67
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	7	1.67
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD12	13	1.67
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD13	25	1.67
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD11	29	1.67
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD21	17	1.67
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD11	1:427:A:GLU:HG3	22	1.67
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD12	1:427:A:GLU:HG3	22	1.67
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD13	1:427:A:GLU:HG3	22	1.67
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	25	1.67
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD13	1:346:A:LEU:H	14	1.66
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HB3	23	1.66
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD21	1:194:A:LEU:HD11	33	1.66
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HE2	32	1.66
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD21	1:325:A:MET:HE1	1	1.66
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD12	1:366:A:GLU:H	1	1.66
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD22	27	1.66
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	33	1.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5398)	1:319:A:SER:H	1:316:A:LEU:HD12	32	1.66
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD21	31	1.66
(1,3921)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HH2	35	1.66
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG21	1:360:A:PHE:HZ	8	1.66
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HZ	8	1.66
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HZ	8	1.66
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD11	1:427:A:GLU:HG3	18	1.66
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD12	1:427:A:GLU:HG3	18	1.66
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD13	1:427:A:GLU:HG3	18	1.66
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD11	1:427:A:GLU:HG3	30	1.66
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD12	1:427:A:GLU:HG3	30	1.66
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD13	1:427:A:GLU:HG3	30	1.66
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HD21	19	1.66
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HD22	19	1.66
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HD23	19	1.66
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HD21	19	1.66
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HD22	19	1.66
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HD23	19	1.66
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HD21	19	1.66
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HD22	19	1.66
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HD23	19	1.66
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	15	1.66
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:HG2	11	1.65
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD23	1:364:A:VAL:HG21	22	1.65
(1,5723)	1:203:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG21	25	1.65
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:243:A:LEU:HD13	2	1.65
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD22	24	1.65
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD12	16	1.65
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:345:A:VAL:HG21	8	1.65
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:345:A:VAL:HG23	21	1.65
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:233:A:VAL:HG22	26	1.65
(1,2874)	1:267:A:LEU:HD11	1:216:A:CYS:H	4	1.65
(1,2874)	1:267:A:LEU:HD12	1:216:A:CYS:H	4	1.65
(1,2874)	1:267:A:LEU:HD13	1:216:A:CYS:H	4	1.65
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HG21	5	1.64
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HG21	24	1.64
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD13	1:210:A:PRO:HD3	31	1.64
(1,5837)	1:225:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG21	29	1.64
(1,5723)	1:203:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG22	10	1.64
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB1	1:255:A:LEU:HD22	33	1.64
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:350:A:VAL:HG11	15	1.64
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:243:A:LEU:HD12	10	1.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:255:A:LEU:HD23	3	1.64
(1,4688)	1:318:A:ILE:H	1:278:A:LEU:HD23	20	1.64
(1,4663)	1:373:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HA	19	1.64
(1,4663)	1:373:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HA	19	1.64
(1,4663)	1:373:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HA	19	1.64
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB3	1:308:A:LYS:HE2	31	1.64
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	10	1.64
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	10	1.64
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	10	1.64
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	10	1.64
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	10	1.64
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	10	1.64
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	6	1.64
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	16	1.64
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	16	1.64
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	16	1.64
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	16	1.64
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HD13	8	1.63
(1,6804)	1:267:A:LEU:HD21	1:212:A:VAL:HG11	3	1.63
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HE1	31	1.63
(1,6535)	1:203:A:MET:HE1	1:210:A:PRO:HB3	1	1.63
(1,6514)	1:315:A:TYR:HE2	1:316:A:LEU:HD12	29	1.63
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD12	1:210:A:PRO:HD3	33	1.63
(1,6306)	1:253:A:THR:HG21	1:251:A:GLU:HB2	5	1.63
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	6	1.63
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD11	1:366:A:GLU:H	25	1.63
(1,5837)	1:225:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG23	28	1.63
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD22	19	1.63
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	32	1.63
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG13	1:300:A:VAL:HG13	14	1.63
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB3	1:189:A:ILE:HD12	17	1.63
(1,5407)	1:214:A:ARG:H	1:209:A:LEU:HG	4	1.63
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	2	1.63
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	24	1.63
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG13	23	1.63
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD21	34	1.63
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HE1	2	1.63
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HE1	2	1.63
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HE1	2	1.63
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HE1	29	1.63
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HE2	29	1.63
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HE1	29	1.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HE2	29	1.63
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HE1	29	1.63
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HE2	29	1.63
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	20	1.63
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	9	1.63
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE3	32	1.62
(1,6348)	1:380:A:LEU:HD12	1:384:A:ASN:HD21	17	1.62
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE2	21	1.62
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD22	1:255:A:LEU:HD23	28	1.62
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD11	1:366:A:GLU:H	10	1.62
(1,5837)	1:225:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG21	10	1.62
(1,5756)	1:203:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:HG12	5	1.62
(1,5398)	1:319:A:SER:H	1:316:A:LEU:HD12	1	1.62
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD21	13	1.62
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HE1	29	1.62
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HE1	29	1.62
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HE1	29	1.62
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HE1	32	1.62
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HE1	32	1.62
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HE1	32	1.62
(1,4049)	1:243:A:LEU:HD11	1:267:A:LEU:H	19	1.62
(1,4049)	1:243:A:LEU:HD12	1:267:A:LEU:H	19	1.62
(1,4049)	1:243:A:LEU:HD13	1:267:A:LEU:H	19	1.62
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD11	2	1.62
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD12	2	1.62
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD13	2	1.62
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD11	2	1.62
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD12	2	1.62
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD13	2	1.62
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD11	2	1.62
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD12	2	1.62
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD13	2	1.62
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	24	1.62
(1,6740)	1:377:A:MET:HE1	1:412:A:LEU:HD22	34	1.61
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG22	1:322:A:ILE:HG22	29	1.61
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD11	1:346:A:LEU:H	2	1.61
(1,6634)	1:253:A:THR:HG23	1:244:A:LYS:HA	9	1.61
(1,6535)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB3	3	1.61
(1,6535)	1:203:A:MET:HE1	1:210:A:PRO:HB3	22	1.61
(1,6329)	1:398:A:ILE:HG23	1:440:A:LYS:HG2	29	1.61
(1,5837)	1:225:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG23	24	1.61
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD13	1:265:A:SER:H	12	1.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5789)	1:429:A:LEU:HD23	1:433:A:GLN:HG3	20	1.61
(1,5723)	1:203:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG23	6	1.61
(1,5723)	1:203:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG21	14	1.61
(1,5723)	1:203:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG23	35	1.61
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	19	1.61
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG12	1:300:A:VAL:HG12	4	1.61
(1,5407)	1:214:A:ARG:H	1:255:A:LEU:HD23	3	1.61
(1,5407)	1:214:A:ARG:H	1:209:A:LEU:HG	19	1.61
(1,5398)	1:319:A:SER:H	1:316:A:LEU:HD12	23	1.61
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD22	21	1.61
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG13	25	1.61
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD23	33	1.61
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	21	1.61
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG21	7	1.61
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG22	7	1.61
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG23	7	1.61
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG21	7	1.61
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG22	7	1.61
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG23	7	1.61
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG21	7	1.61
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG22	7	1.61
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG23	7	1.61
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	10	1.61
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	34	1.61
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	14	1.61
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	23	1.61
(1,6804)	1:267:A:LEU:HD21	1:212:A:VAL:HG11	23	1.6
(1,6740)	1:377:A:MET:HE2	1:412:A:LEU:HD21	3	1.6
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HG23	10	1.6
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD13	1:346:A:LEU:H	9	1.6
(1,6639)	1:194:A:LEU:HD21	1:198:A:VAL:HB	28	1.6
(1,6634)	1:253:A:THR:HG21	1:244:A:LYS:HA	18	1.6
(1,6634)	1:253:A:THR:HG21	1:244:A:LYS:HA	24	1.6
(1,6253)	1:316:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HD1	21	1.6
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD11	1:366:A:GLU:H	9	1.6
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	8	1.6
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	18	1.6
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD23	15	1.6
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	28	1.6
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD23	29	1.6
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	4	1.6
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	9	1.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	9	1.6
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	9	1.6
(1,6691)	1:266:A:LEU:HD11	1:268:A:LYS:H	9	1.59
(1,6634)	1:253:A:THR:HG21	1:240:A:VAL:HA	2	1.59
(1,6315)	1:283:A:LEU:HD11	1:280:A:THR:HG22	17	1.59
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD22	1:278:A:LEU:HD12	8	1.59
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	17	1.59
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE2	13	1.59
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD12	1:192:A:ILE:HG13	26	1.59
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD21	1:398:A:ILE:H	31	1.59
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD12	1:366:A:GLU:H	35	1.59
(1,5790)	1:207:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD21	13	1.59
(1,5723)	1:203:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG22	20	1.59
(1,5398)	1:319:A:SER:H	1:316:A:LEU:HD11	3	1.59
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	21	1.59
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD21	1:315:A:TYR:H	33	1.59
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD22	1:315:A:TYR:H	33	1.59
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD23	1:315:A:TYR:H	33	1.59
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HB2	12	1.59
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HB2	12	1.59
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HB2	12	1.59
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HE1	32	1.59
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HE2	32	1.59
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HE1	32	1.59
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HE2	32	1.59
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HE1	32	1.59
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HE2	32	1.59
(1,2216)	1:203:A:MET:HE1	1:204:A:TYR:HD1	21	1.59
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	1	1.59
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	1	1.59
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	1	1.59
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	25	1.59
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	25	1.59
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	25	1.59
(1,253)	1:365:A:GLN:HE21	1:364:A:VAL:HG11	22	1.59
(1,253)	1:365:A:GLN:HE21	1:364:A:VAL:HG12	22	1.59
(1,253)	1:365:A:GLN:HE21	1:364:A:VAL:HG13	22	1.59
(1,6535)	1:203:A:MET:HE1	1:210:A:PRO:HB3	17	1.58
(1,6535)	1:203:A:MET:HE3	1:210:A:PRO:HB3	20	1.58
(1,6535)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB3	21	1.58
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD11	1:341:A:ASN:HD22	28	1.58
(1,6263)	1:346:A:LEU:HD21	1:343:A:SER:H	11	1.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	28	1.58
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG21	1:323:A:VAL:HG11	31	1.58
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD22	1:321:A:LEU:HD12	7	1.58
(1,5835)	1:217:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD13	28	1.58
(1,5835)	1:217:A:ILE:HG21	1:209:A:LEU:HD12	35	1.58
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD13	1:265:A:SER:H	28	1.58
(1,5708)	1:436:A:LEU:HD13	1:402:A:ILE:H	4	1.58
(1,5708)	1:436:A:LEU:HD13	1:439:A:LEU:H	6	1.58
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	35	1.58
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD11	6	1.58
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD12	6	1.58
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD13	6	1.58
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD11	6	1.58
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD12	6	1.58
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD13	6	1.58
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD11	6	1.58
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD12	6	1.58
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD13	6	1.58
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	21	1.58
(1,1366)	1:253:A:THR:H	1:243:A:LEU:HD21	2	1.58
(1,1366)	1:253:A:THR:H	1:243:A:LEU:HD22	2	1.58
(1,1366)	1:253:A:THR:H	1:243:A:LEU:HD23	2	1.58
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HB3	6	1.57
(1,6634)	1:253:A:THR:HG23	1:244:A:LYS:HA	12	1.57
(1,6634)	1:253:A:THR:HG22	1:244:A:LYS:HA	30	1.57
(1,6253)	1:423:A:LEU:HD21	1:430:A:TRP:HZ2	1	1.57
(1,6041)	1:284:A:MET:HE1	1:288:A:GLU:H	10	1.57
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD21	1:305:A:ARG:HG2	33	1.57
(1,5789)	1:429:A:LEU:HD23	1:433:A:GLN:HG3	7	1.57
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	20	1.57
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	6	1.57
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:253:A:THR:HG21	15	1.57
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	22	1.57
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD11	1:402:A:ILE:HA	10	1.57
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD12	1:402:A:ILE:HA	10	1.57
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD13	1:402:A:ILE:HA	10	1.57
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	12	1.57
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD21	23	1.57
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD22	23	1.57
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD23	23	1.57
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	1	1.57
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	32	1.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	13	1.57
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	4	1.56
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HB3	10	1.56
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	10	1.56
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	34	1.56
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	35	1.56
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD11	1:325:A:MET:HE3	30	1.56
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	4	1.56
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	21	1.56
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD11	30	1.56
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HD11	5	1.56
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HD12	5	1.56
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HD13	5	1.56
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HD11	5	1.56
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HD12	5	1.56
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HD13	5	1.56
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HD11	5	1.56
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HD12	5	1.56
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HD13	5	1.56
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD11	1:427:A:GLU:HG3	9	1.56
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD12	1:427:A:GLU:HG3	9	1.56
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD13	1:427:A:GLU:HG3	9	1.56
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	19	1.56
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE1	11	1.55
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE2	13	1.55
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD23	1:363:A:HIS:H	17	1.55
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD11	6	1.55
(1,6535)	1:203:A:MET:HE3	1:210:A:PRO:HB3	4	1.55
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HB3	1	1.55
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG21	1:269:A:GLN:HB2	2	1.55
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD12	1:341:A:ASN:HD22	3	1.55
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD11	1:341:A:ASN:HD22	33	1.55
(1,6263)	1:346:A:LEU:HD22	1:343:A:SER:H	35	1.55
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG13	26	1.55
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD22	1:256:A:GLU:HG3	3	1.55
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HE2	6	1.55
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HE2	31	1.55
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD22	1:325:A:MET:HE2	10	1.55
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD12	1:316:A:LEU:HA	20	1.55
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD11	1:366:A:GLU:H	27	1.55
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HA	11	1.55
(1,5837)	1:225:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG13	17	1.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5835)	1:207:A:ILE:HG23	1:209:A:LEU:HD11	6	1.55
(1,5813)	1:420:A:ILE:HG21	1:425:A:LYS:HE3	19	1.55
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:HG22	8	1.55
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	29	1.55
(1,5642)	1:225:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG21	31	1.55
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD23	17	1.55
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	34	1.55
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	33	1.55
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:H	35	1.55
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:H	35	1.55
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:H	35	1.55
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD21	21	1.55
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD22	21	1.55
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD23	21	1.55
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	35	1.55
(1,6535)	1:203:A:MET:HE3	1:210:A:PRO:HB3	9	1.54
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD12	1:366:A:GLU:H	29	1.54
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD13	1:373:A:LEU:HA	1	1.54
(1,5756)	1:203:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:HG11	3	1.54
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD13	1:315:A:TYR:HA	21	1.54
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	14	1.54
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG13	1:300:A:VAL:HG12	9	1.54
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD11	33	1.54
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	6	1.54
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD21	7	1.54
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD22	19	1.54
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:194:A:LEU:HA	35	1.54
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG21	3	1.54
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG22	3	1.54
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG23	3	1.54
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG21	3	1.54
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG22	3	1.54
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG23	3	1.54
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG21	3	1.54
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG22	3	1.54
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG23	3	1.54
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG21	21	1.54
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG22	21	1.54
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG23	21	1.54
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG21	21	1.54
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG22	21	1.54
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG23	21	1.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG21	21	1.54
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG22	21	1.54
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG23	21	1.54
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HB3	28	1.54
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD12	1:227:A:CYS:HB3	28	1.54
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD13	1:227:A:CYS:HB3	28	1.54
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	14	1.54
(1,6877)	1:212:A:VAL:HG21	1:270:A:TYR:H	15	1.53
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD13	1:346:A:LEU:H	6	1.53
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD12	1:346:A:LEU:H	13	1.53
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG21	1:189:A:ILE:HB	26	1.53
(1,6402)	1:377:A:MET:HE1	1:378:A:LYS:HA	23	1.53
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	18	1.53
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:H	22	1.53
(1,6041)	1:284:A:MET:HE2	1:286:A:ARG:H	28	1.53
(1,5862)	1:307:A:LEU:HD23	1:304:A:GLN:HA	28	1.53
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:HG22	2	1.53
(1,5709)	1:212:A:VAL:HG22	1:213:A:PHE:HB3	4	1.53
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	16	1.53
(1,4977)	1:253:A:THR:H	1:251:A:GLU:HB2	5	1.53
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:345:A:VAL:HG22	5	1.53
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:230:A:ILE:HG22	6	1.53
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HG22	15	1.53
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:345:A:VAL:HG21	30	1.53
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	1	1.53
(1,2874)	1:267:A:LEU:HD11	1:216:A:CYS:H	7	1.53
(1,2874)	1:267:A:LEU:HD12	1:216:A:CYS:H	7	1.53
(1,2874)	1:267:A:LEU:HD13	1:216:A:CYS:H	7	1.53
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HD11	20	1.53
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HD12	20	1.53
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HD13	20	1.53
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HD11	20	1.53
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HD12	20	1.53
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HD13	20	1.53
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HD11	20	1.53
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HD12	20	1.53
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HD13	20	1.53
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HE1	27	1.53
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HE2	27	1.53
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HE1	27	1.53
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HE2	27	1.53
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HE1	27	1.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HE2	27	1.53
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	18	1.53
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	12	1.52
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HE1	3	1.52
(1,6535)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB3	31	1.52
(1,6372)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:H	30	1.52
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD13	1:374:A:LYS:HA	11	1.52
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	13	1.52
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD11	1:253:A:THR:HG23	23	1.52
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HE2	3	1.52
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG22	1:367:A:LEU:HD21	3	1.52
(1,5835)	1:217:A:ILE:HG21	1:209:A:LEU:HD13	22	1.52
(1,5723)	1:203:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG21	17	1.52
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB2	1:189:A:ILE:HD12	22	1.52
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	3	1.52
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	5	1.52
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	8	1.52
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	12	1.52
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	31	1.52
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG21	20	1.52
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG22	20	1.52
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG23	20	1.52
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG21	20	1.52
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG22	20	1.52
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG23	20	1.52
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG21	20	1.52
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG22	20	1.52
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG23	20	1.52
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD11	1:427:A:GLU:HG3	13	1.52
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD12	1:427:A:GLU:HG3	13	1.52
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD13	1:427:A:GLU:HG3	13	1.52
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HE1	23	1.52
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HE2	23	1.52
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HE1	23	1.52
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HE2	23	1.52
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HE1	23	1.52
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HE2	23	1.52
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	25	1.52
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	30	1.52
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HB3	17	1.51
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HB3	7	1.51
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HB3	20	1.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6535)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB3	25	1.51
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	13	1.51
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG12	3	1.51
(1,6199)	1:416:A:LEU:HD12	1:415:A:ASP:HB3	12	1.51
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	30	1.51
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD22	1:305:A:ARG:HG2	18	1.51
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD21	1:305:A:ARG:HG2	35	1.51
(1,5908)	1:380:A:LEU:HD13	1:382:A:TRP:HB2	19	1.51
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:HG21	19	1.51
(1,5709)	1:212:A:VAL:HG21	1:213:A:PHE:HB3	8	1.51
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	17	1.51
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB2	1:189:A:ILE:HD11	15	1.51
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:234:A:SER:HB2	30	1.51
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HD12	4	1.51
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:345:A:VAL:HG23	1	1.51
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD21	30	1.51
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD22	30	1.51
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD23	30	1.51
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD21	30	1.51
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD22	30	1.51
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD23	30	1.51
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD21	30	1.51
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD22	30	1.51
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD23	30	1.51
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	6	1.51
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	6	1.51
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	6	1.51
(1,4196)	1:253:A:THR:HB	1:243:A:LEU:HD21	2	1.51
(1,4196)	1:253:A:THR:HB	1:243:A:LEU:HD22	2	1.51
(1,4196)	1:253:A:THR:HB	1:243:A:LEU:HD23	2	1.51
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG21	2	1.51
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG22	2	1.51
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG23	2	1.51
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG21	2	1.51
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG22	2	1.51
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG23	2	1.51
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG21	2	1.51
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG22	2	1.51
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG23	2	1.51
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	7	1.51
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	23	1.51
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	12	1.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	12	1.51
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	12	1.51
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD11	1:346:A:LEU:H	25	1.5
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD13	1:413:A:HIS:HE1	25	1.5
(1,6342)	1:388:A:MET:HE1	1:387:A:THR:H	26	1.5
(1,6041)	1:284:A:MET:HE1	1:286:A:ARG:H	16	1.5
(1,6041)	1:284:A:MET:HE2	1:286:A:ARG:H	19	1.5
(1,5908)	1:380:A:LEU:HD13	1:382:A:TRP:HB2	13	1.5
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:HG23	30	1.5
(1,5723)	1:203:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG21	28	1.5
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB3	1:266:A:LEU:HD21	29	1.5
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	7	1.5
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD21	12	1.5
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	24	1.5
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD11	1:430:A:TRP:HZ2	11	1.5
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HZ2	11	1.5
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD13	1:430:A:TRP:HZ2	11	1.5
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB3	1:308:A:LYS:HE2	1	1.5
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG21	19	1.5
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG22	19	1.5
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG23	19	1.5
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG21	19	1.5
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG22	19	1.5
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG23	19	1.5
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG21	19	1.5
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG22	19	1.5
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG23	19	1.5
(1,3393)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HD11	11	1.5
(1,3393)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HD12	11	1.5
(1,3393)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HD13	11	1.5
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HE1	3	1.5
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HE2	3	1.5
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HE1	3	1.5
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HE2	3	1.5
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HE1	3	1.5
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HE2	3	1.5
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HB3	9	1.49
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD13	1:373:A:LEU:HB3	13	1.49
(1,6556)	1:263:A:VAL:HG11	1:255:A:LEU:HB3	29	1.49
(1,6535)	1:203:A:MET:HE3	1:210:A:PRO:HB3	24	1.49
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HB3	5	1.49
(1,6402)	1:377:A:MET:HE3	1:378:A:LYS:HA	28	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG11	30	1.49
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG12	32	1.49
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE2	10	1.49
(1,5708)	1:436:A:LEU:HD11	1:439:A:LEU:H	22	1.49
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:350:A:VAL:HG12	12	1.49
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:234:A:SER:HB2	6	1.49
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	16	1.49
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	34	1.49
(1,5028)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG2	16	1.49
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG12	30	1.49
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD22	5	1.49
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HD12	19	1.49
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	2	1.49
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:194:A:LEU:HA	2	1.49
(1,2642)	1:373:A:LEU:HD21	1:327:A:HIS:HE1	4	1.49
(1,2642)	1:373:A:LEU:HD22	1:327:A:HIS:HE1	4	1.49
(1,2642)	1:373:A:LEU:HD23	1:327:A:HIS:HE1	4	1.49
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	3	1.49
(1,6825)	1:267:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HD12	17	1.48
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:HB2	10	1.48
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD11	1:346:A:LEU:H	16	1.48
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:420:A:ILE:HG22	35	1.48
(1,6486)	1:272:A:ARG:HG3	1:269:A:GLN:HG2	3	1.48
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HB3	21	1.48
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HB3	10	1.48
(1,6329)	1:398:A:ILE:HG23	1:399:A:LYS:HG2	28	1.48
(1,6263)	1:346:A:LEU:HD21	1:343:A:SER:H	13	1.48
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG12	28	1.48
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	1	1.48
(1,5837)	1:225:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG23	25	1.48
(1,5723)	1:203:A:MET:HE2	1:207:A:ILE:HG23	9	1.48
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	11	1.48
(1,5407)	1:214:A:ARG:H	1:209:A:LEU:HG	27	1.48
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	7	1.48
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:263:A:VAL:HG12	14	1.48
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	14	1.48
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	17	1.48
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	22	1.48
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	22	1.48
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	22	1.48
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	22	1.48
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	22	1.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	22	1.48
(1,2956)	1:296:A:GLU:HB2	1:300:A:VAL:HG11	10	1.48
(1,2956)	1:296:A:GLU:HB2	1:300:A:VAL:HG12	10	1.48
(1,2956)	1:296:A:GLU:HB2	1:300:A:VAL:HG13	10	1.48
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	22	1.48
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HB3	25	1.47
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD21	1:351:A:GLN:HE21	26	1.47
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HB3	2	1.47
(1,6691)	1:266:A:LEU:HD12	1:190:A:PHE:HD2	17	1.47
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE1	1:310:A:LEU:HD12	7	1.47
(1,6535)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB3	8	1.47
(1,6514)	1:315:A:TYR:HE2	1:316:A:LEU:HD11	27	1.47
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD13	1:350:A:VAL:H	2	1.47
(1,6329)	1:398:A:ILE:HG22	1:440:A:LYS:HG2	6	1.47
(1,6315)	1:283:A:LEU:HD12	1:280:A:THR:HG21	9	1.47
(1,6041)	1:284:A:MET:HE3	1:286:A:ARG:H	21	1.47
(1,6041)	1:284:A:MET:HE1	1:286:A:ARG:H	35	1.47
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD22	1:305:A:ARG:HG2	16	1.47
(1,5723)	1:203:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG23	8	1.47
(1,5708)	1:436:A:LEU:HD11	1:439:A:LEU:H	7	1.47
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	5	1.47
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	27	1.47
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG23	22	1.47
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:194:A:LEU:HA	5	1.47
(1,4228)	1:283:A:LEU:HD21	1:280:A:THR:HG1	11	1.47
(1,4228)	1:283:A:LEU:HD22	1:280:A:THR:HG1	11	1.47
(1,4228)	1:283:A:LEU:HD23	1:280:A:THR:HG1	11	1.47
(1,3921)	1:385:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HH2	22	1.47
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	30	1.47
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	31	1.47
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD21	27	1.47
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD22	27	1.47
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD23	27	1.47
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	12	1.47
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	8	1.47
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HB3	23	1.46
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:HB2	19	1.46
(1,6804)	1:283:A:LEU:HD23	1:306:A:LEU:HD22	34	1.46
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD12	1:346:A:LEU:H	29	1.46
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD11	1:346:A:LEU:H	32	1.46
(1,6514)	1:315:A:TYR:HE2	1:316:A:LEU:HD11	23	1.46
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD12	1:210:A:PRO:HD3	10	1.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6402)	1:377:A:MET:HE2	1:378:A:LYS:HA	17	1.46
(1,6329)	1:398:A:ILE:HG22	1:440:A:LYS:HG2	10	1.46
(1,5837)	1:225:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG21	16	1.46
(1,5835)	1:217:A:ILE:HG23	1:209:A:LEU:HD12	12	1.46
(1,5708)	1:436:A:LEU:HD11	1:439:A:LEU:H	14	1.46
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG13	1:300:A:VAL:HG12	26	1.46
(1,5642)	1:225:A:MET:HE2	1:230:A:ILE:HG22	9	1.46
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB3	1:189:A:ILE:HD12	2	1.46
(1,5407)	1:214:A:ARG:H	1:255:A:LEU:HD23	10	1.46
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	1	1.46
(1,4548)	1:284:A:MET:HG3	1:279:A:LEU:HD21	20	1.46
(1,4548)	1:284:A:MET:HG3	1:279:A:LEU:HD22	20	1.46
(1,4548)	1:284:A:MET:HG3	1:279:A:LEU:HD23	20	1.46
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD21	1:315:A:TYR:H	6	1.46
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD22	1:315:A:TYR:H	6	1.46
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD23	1:315:A:TYR:H	6	1.46
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD11	33	1.46
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD12	33	1.46
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD13	33	1.46
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD11	33	1.46
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD12	33	1.46
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD13	33	1.46
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD11	33	1.46
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD12	33	1.46
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD13	33	1.46
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	20	1.46
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	27	1.46
(1,6877)	1:212:A:VAL:HG22	1:270:A:TYR:H	28	1.45
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:HB2	22	1.45
(1,6740)	1:377:A:MET:HE1	1:412:A:LEU:HD23	9	1.45
(1,6740)	1:377:A:MET:HE2	1:412:A:LEU:HD22	30	1.45
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD12	1:346:A:LEU:H	8	1.45
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD13	1:346:A:LEU:H	17	1.45
(1,6535)	1:203:A:MET:HE3	1:210:A:PRO:HB3	11	1.45
(1,6525)	1:203:A:MET:HE2	1:207:A:ILE:HG12	21	1.45
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD11	1:374:A:LYS:HA	17	1.45
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD13	1:341:A:ASN:HD22	5	1.45
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG22	1:240:A:VAL:HB	19	1.45
(1,6263)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:H	2	1.45
(1,6263)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:H	30	1.45
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG11	19	1.45
(1,6041)	1:284:A:MET:HE3	1:286:A:ARG:H	1	1.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6041)	1:284:A:MET:HE1	1:286:A:ARG:H	8	1.45
(1,6041)	1:284:A:MET:HE3	1:286:A:ARG:H	34	1.45
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG21	1:341:A:ASN:HB3	31	1.45
(1,5708)	1:436:A:LEU:HD11	1:439:A:LEU:H	10	1.45
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	13	1.45
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD22	32	1.45
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD11	28	1.45
(1,4750)	1:314:A:ASN:HD21	1:278:A:LEU:HD22	21	1.45
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD21	1:315:A:TYR:H	15	1.45
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD22	1:315:A:TYR:H	15	1.45
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD23	1:315:A:TYR:H	15	1.45
(1,4196)	1:253:A:THR:HB	1:243:A:LEU:HD21	11	1.45
(1,4196)	1:253:A:THR:HB	1:243:A:LEU:HD22	11	1.45
(1,4196)	1:253:A:THR:HB	1:243:A:LEU:HD23	11	1.45
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	34	1.45
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	34	1.45
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	34	1.45
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	34	1.45
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	34	1.45
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	34	1.45
(1,2874)	1:267:A:LEU:HD11	1:216:A:CYS:H	35	1.45
(1,2874)	1:267:A:LEU:HD12	1:216:A:CYS:H	35	1.45
(1,2874)	1:267:A:LEU:HD13	1:216:A:CYS:H	35	1.45
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	4	1.45
(1,932)	1:320:A:TRP:H	1:373:A:LEU:HD11	7	1.45
(1,932)	1:320:A:TRP:H	1:373:A:LEU:HD12	7	1.45
(1,932)	1:320:A:TRP:H	1:373:A:LEU:HD13	7	1.45
(1,6877)	1:212:A:VAL:HG21	1:270:A:TYR:H	35	1.44
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HE2	22	1.44
(1,6655)	1:244:A:LYS:HD2	1:240:A:VAL:HB	23	1.44
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD13	1:346:A:LEU:H	12	1.44
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD23	9	1.44
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG13	7	1.44
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG12	24	1.44
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG22	1:274:A:LEU:HD21	21	1.44
(1,6041)	1:284:A:MET:HE2	1:286:A:ARG:H	6	1.44
(1,5837)	1:225:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG13	11	1.44
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG22	1:371:A:VAL:H	33	1.44
(1,5756)	1:203:A:MET:HE1	1:198:A:VAL:HG23	22	1.44
(1,5723)	1:203:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG22	12	1.44
(1,5697)	1:362:A:THR:HG21	1:359:A:VAL:HG21	14	1.44
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	2	1.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	35	1.44
(1,5200)	1:269:A:GLN:HE22	1:244:A:LYS:HD2	34	1.44
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD13	34	1.44
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	18	1.44
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HE1	1	1.44
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HE1	1	1.44
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HE1	1	1.44
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	27	1.44
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	32	1.44
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD21	1	1.44
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD22	1	1.44
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD23	1	1.44
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD21	32	1.44
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD22	32	1.44
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD23	32	1.44
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	3	1.44
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HB3	35	1.43
(1,6766)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HA	27	1.43
(1,6740)	1:377:A:MET:HE3	1:412:A:LEU:HD23	35	1.43
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HE1	27	1.43
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD13	1:346:A:LEU:H	19	1.43
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD12	1:346:A:LEU:H	30	1.43
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD13	1:346:A:LEU:H	35	1.43
(1,6546)	1:367:A:LEU:HD23	1:363:A:HIS:HB3	17	1.43
(1,6535)	1:203:A:MET:HE1	1:210:A:PRO:HB3	13	1.43
(1,6535)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB3	34	1.43
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG2	1:207:A:ILE:HG21	1	1.43
(1,6486)	1:272:A:ARG:HG2	1:273:A:ASP:HB3	32	1.43
(1,6402)	1:377:A:MET:HE2	1:378:A:LYS:HA	29	1.43
(1,6376)	1:377:A:MET:HE3	1:408:A:LEU:HD21	8	1.43
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG11	23	1.43
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:328:A:VAL:HG23	23	1.43
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD23	1:325:A:MET:HE2	8	1.43
(1,6041)	1:284:A:MET:HE3	1:286:A:ARG:H	12	1.43
(1,6000)	1:225:A:MET:HE2	1:326:A:ASP:H	18	1.43
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD11	1:366:A:GLU:H	11	1.43
(1,5835)	1:217:A:ILE:HG21	1:209:A:LEU:HD12	34	1.43
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	24	1.43
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG12	1:300:A:VAL:HG13	12	1.43
(1,5642)	1:225:A:MET:HE2	1:230:A:ILE:HG23	32	1.43
(1,5407)	1:214:A:ARG:H	1:209:A:LEU:HG	13	1.43
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:350:A:VAL:HG23	15	1.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD12	10	1.43
(1,5200)	1:269:A:GLN:HE22	1:240:A:VAL:HG13	32	1.43
(1,4977)	1:253:A:THR:H	1:251:A:GLU:HB2	34	1.43
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD23	3	1.43
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD23	23	1.43
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HD13	35	1.43
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:230:A:ILE:HG22	22	1.43
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HE1	3	1.43
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HE1	3	1.43
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HE1	3	1.43
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HD11	31	1.43
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HD12	31	1.43
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HD13	31	1.43
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HD11	31	1.43
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HD12	31	1.43
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HD13	31	1.43
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HD11	31	1.43
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HD12	31	1.43
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HD13	31	1.43
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	23	1.43
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	23	1.43
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	23	1.43
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	23	1.43
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	23	1.43
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	23	1.43
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD11	1:427:A:GLU:HG3	24	1.43
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD12	1:427:A:GLU:HG3	24	1.43
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD13	1:427:A:GLU:HG3	24	1.43
(1,2779)	1:253:A:THR:HG21	1:243:A:LEU:HD21	11	1.43
(1,2779)	1:253:A:THR:HG21	1:243:A:LEU:HD22	11	1.43
(1,2779)	1:253:A:THR:HG21	1:243:A:LEU:HD23	11	1.43
(1,2779)	1:253:A:THR:HG22	1:243:A:LEU:HD21	11	1.43
(1,2779)	1:253:A:THR:HG22	1:243:A:LEU:HD22	11	1.43
(1,2779)	1:253:A:THR:HG22	1:243:A:LEU:HD23	11	1.43
(1,2779)	1:253:A:THR:HG23	1:243:A:LEU:HD21	11	1.43
(1,2779)	1:253:A:THR:HG23	1:243:A:LEU:HD22	11	1.43
(1,2779)	1:253:A:THR:HG23	1:243:A:LEU:HD23	11	1.43
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE1	20	1.42
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HD12	33	1.42
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD13	1:346:A:LEU:H	18	1.42
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD21	19	1.42
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG12	8	1.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG22	18	1.42
(1,6402)	1:377:A:MET:HE1	1:378:A:LYS:HA	33	1.42
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD11	1:337:A:MET:H	6	1.42
(1,6342)	1:388:A:MET:HE2	1:386:A:ALA:H	28	1.42
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD11	1:253:A:THR:HG23	14	1.42
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:HD11	29	1.42
(1,6041)	1:284:A:MET:HE2	1:286:A:ARG:H	18	1.42
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD13	1:198:A:VAL:HA	35	1.42
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:194:A:LEU:HD13	4	1.42
(1,5789)	1:429:A:LEU:HD23	1:433:A:GLN:HG3	21	1.42
(1,5756)	1:203:A:MET:HE1	1:198:A:VAL:HG11	26	1.42
(1,5709)	1:212:A:VAL:HG22	1:213:A:PHE:HB3	25	1.42
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	9	1.42
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG13	1:300:A:VAL:HG11	22	1.42
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	29	1.42
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD12	1	1.42
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:350:A:VAL:HG21	27	1.42
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	26	1.42
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	32	1.42
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	24	1.42
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD23	9	1.42
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD22	30	1.42
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG23	6	1.42
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG21	1:360:A:PHE:HZ	11	1.42
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HZ	11	1.42
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HZ	11	1.42
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD11	17	1.42
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD12	17	1.42
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD13	17	1.42
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD11	17	1.42
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD12	17	1.42
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD13	17	1.42
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD11	17	1.42
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD12	17	1.42
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD13	17	1.42
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	28	1.42
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	28	1.42
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	28	1.42
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HB3	4	1.41
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	8	1.41
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HG23	6	1.41
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HG23	30	1.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG21	1:360:A:PHE:HB3	3	1.41
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD13	1:346:A:LEU:H	11	1.41
(1,6634)	1:253:A:THR:HG22	1:244:A:LYS:HA	15	1.41
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD13	24	1.41
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD12	1:374:A:LYS:HA	34	1.41
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG13	20	1.41
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	10	1.41
(1,5803)	1:189:A:ILE:HG21	1:197:A:ALA:HB3	30	1.41
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD11	1:315:A:TYR:HA	28	1.41
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:234:A:SER:HB3	33	1.41
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	14	1.41
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	25	1.41
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HB2	25	1.41
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD23	4	1.41
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD22	8	1.41
(1,3131)	1:203:A:MET:HE1	1:215:A:GLU:HG3	32	1.41
(1,3131)	1:203:A:MET:HE2	1:215:A:GLU:HG3	32	1.41
(1,3131)	1:203:A:MET:HE3	1:215:A:GLU:HG3	32	1.41
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD21	3	1.41
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD22	3	1.41
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD23	3	1.41
(1,6740)	1:377:A:MET:HE2	1:412:A:LEU:HD21	28	1.4
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE1	1:310:A:LEU:HD12	28	1.4
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD11	1:346:A:LEU:H	22	1.4
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	35	1.4
(1,6535)	1:203:A:MET:HE1	1:210:A:PRO:HB3	28	1.4
(1,6535)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB3	35	1.4
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD11	1:210:A:PRO:HD2	20	1.4
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD12	1:337:A:MET:H	16	1.4
(1,6263)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:H	24	1.4
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG11	27	1.4
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD22	1:257:A:ASP:HB3	16	1.4
(1,6141)	1:278:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HB3	25	1.4
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	9	1.4
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD12	1:410:A:ASN:HA	34	1.4
(1,6041)	1:284:A:MET:HE2	1:286:A:ARG:H	7	1.4
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG22	1:371:A:VAL:H	20	1.4
(1,5697)	1:362:A:THR:HG21	1:359:A:VAL:HG21	8	1.4
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	4	1.4
(1,5407)	1:214:A:ARG:H	1:209:A:LEU:HG	11	1.4
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	18	1.4
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	24	1.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD22	21	1.4
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	15	1.4
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	8	1.4
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:278:A:LEU:HA	7	1.4
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:193:A:PRO:HD2	9	1.4
(1,4663)	1:373:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HA	4	1.4
(1,4663)	1:373:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HA	4	1.4
(1,4663)	1:373:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HA	4	1.4
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	14	1.4
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	20	1.4
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD11	1:427:A:GLU:HG3	33	1.4
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD12	1:427:A:GLU:HG3	33	1.4
(1,2915)	1:423:A:LEU:HD13	1:427:A:GLU:HG3	33	1.4
(1,2166)	1:350:A:VAL:HG21	1:352:A:ILE:HB	17	1.4
(1,2166)	1:350:A:VAL:HG22	1:352:A:ILE:HB	17	1.4
(1,2166)	1:350:A:VAL:HG23	1:352:A:ILE:HB	17	1.4
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	17	1.4
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	18	1.4
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HE2	25	1.39
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD12	1:346:A:LEU:H	24	1.39
(1,6639)	1:194:A:LEU:HD22	1:198:A:VAL:HB	19	1.39
(1,6486)	1:272:A:ARG:HG3	1:269:A:GLN:HG2	11	1.39
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD12	1:374:A:LYS:HA	5	1.39
(1,6329)	1:398:A:ILE:HG21	1:440:A:LYS:HG2	20	1.39
(1,6257)	1:337:A:MET:HE3	1:328:A:VAL:HB	31	1.39
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD13	1:410:A:ASN:HA	12	1.39
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG22	1:323:A:VAL:HG11	22	1.39
(1,5677)	1:212:A:VAL:HG13	1:210:A:PRO:HB3	35	1.39
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	23	1.39
(1,4801)	1:209:A:LEU:H	1:213:A:PHE:HB2	20	1.39
(1,4548)	1:284:A:MET:HG3	1:279:A:LEU:HD21	19	1.39
(1,4548)	1:284:A:MET:HG3	1:279:A:LEU:HD22	19	1.39
(1,4548)	1:284:A:MET:HG3	1:279:A:LEU:HD23	19	1.39
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HE1	27	1.39
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HE1	27	1.39
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HE1	27	1.39
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD11	5	1.39
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD12	5	1.39
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD13	5	1.39
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD11	5	1.39
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD12	5	1.39
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD13	5	1.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD11	5	1.39
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD12	5	1.39
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD13	5	1.39
(1,2166)	1:350:A:VAL:HG21	1:352:A:ILE:HB	13	1.39
(1,2166)	1:350:A:VAL:HG22	1:352:A:ILE:HB	13	1.39
(1,2166)	1:350:A:VAL:HG23	1:352:A:ILE:HB	13	1.39
(1,2166)	1:350:A:VAL:HG21	1:352:A:ILE:HB	26	1.39
(1,2166)	1:350:A:VAL:HG22	1:352:A:ILE:HB	26	1.39
(1,2166)	1:350:A:VAL:HG23	1:352:A:ILE:HB	26	1.39
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	29	1.39
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	9	1.39
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	27	1.39
(2,63)	1:255:A:LEU:HD21	1:215:A:GLU:H	32	1.38
(2,63)	1:255:A:LEU:HD22	1:215:A:GLU:H	32	1.38
(2,63)	1:255:A:LEU:HD23	1:215:A:GLU:H	32	1.38
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG21	32	1.38
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD12	1:350:A:VAL:H	13	1.38
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	20	1.38
(1,6374)	1:243:A:LEU:HD21	1:255:A:LEU:HD13	11	1.38
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD13	1:374:A:LYS:HA	12	1.38
(1,6263)	1:346:A:LEU:HD22	1:343:A:SER:H	29	1.38
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG12	21	1.38
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG11	34	1.38
(1,6008)	1:316:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HD12	16	1.38
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD23	1:305:A:ARG:HG2	29	1.38
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD22	1:402:A:ILE:H	28	1.38
(1,5835)	1:217:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD13	30	1.38
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG22	1:371:A:VAL:H	10	1.38
(1,5697)	1:362:A:THR:HG22	1:359:A:VAL:HG23	30	1.38
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	15	1.38
(1,5568)	1:373:A:LEU:HD13	1:324:A:HIS:HD2	14	1.38
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD13	26	1.38
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:350:A:VAL:HG21	16	1.38
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG23	20	1.38
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	29	1.38
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	30	1.38
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG22	25	1.38
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD11	26	1.38
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD12	26	1.38
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD13	26	1.38
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD11	26	1.38
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD12	26	1.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD13	26	1.38
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD11	26	1.38
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD12	26	1.38
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD13	26	1.38
(1,1635)	1:246:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	16	1.38
(2,74)	1:253:A:THR:HG21	1:212:A:VAL:HG21	19	1.37
(2,74)	1:253:A:THR:HG21	1:212:A:VAL:HG22	19	1.37
(2,74)	1:253:A:THR:HG21	1:212:A:VAL:HG23	19	1.37
(2,74)	1:253:A:THR:HG22	1:212:A:VAL:HG21	19	1.37
(2,74)	1:253:A:THR:HG22	1:212:A:VAL:HG22	19	1.37
(2,74)	1:253:A:THR:HG22	1:212:A:VAL:HG23	19	1.37
(2,74)	1:253:A:THR:HG23	1:212:A:VAL:HG21	19	1.37
(2,74)	1:253:A:THR:HG23	1:212:A:VAL:HG22	19	1.37
(2,74)	1:253:A:THR:HG23	1:212:A:VAL:HG23	19	1.37
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HB3	22	1.37
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD13	1:373:A:LEU:HB3	29	1.37
(1,6804)	1:283:A:LEU:HD21	1:306:A:LEU:HD21	14	1.37
(1,6263)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:H	9	1.37
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG12	25	1.37
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG21	1:274:A:LEU:HD23	35	1.37
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD13	1:255:A:LEU:HD13	17	1.37
(1,6041)	1:284:A:MET:HE1	1:286:A:ARG:H	23	1.37
(1,6000)	1:225:A:MET:HE2	1:326:A:ASP:H	4	1.37
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	6	1.37
(1,5837)	1:225:A:MET:HE3	1:373:A:LEU:HD22	2	1.37
(1,5837)	1:225:A:MET:HE1	1:373:A:LEU:HD23	3	1.37
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG21	1:371:A:VAL:H	27	1.37
(1,5756)	1:203:A:MET:HE2	1:255:A:LEU:HD12	17	1.37
(1,5709)	1:212:A:VAL:HG22	1:213:A:PHE:HB3	35	1.37
(1,5708)	1:436:A:LEU:HD12	1:439:A:LEU:H	11	1.37
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	27	1.37
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB2	1:189:A:ILE:HD11	32	1.37
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:350:A:VAL:HG13	24	1.37
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:253:A:THR:HG21	7	1.37
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:350:A:VAL:HG12	11	1.37
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	28	1.37
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD23	13	1.37
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD23	18	1.37
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD11	22	1.37
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD21	1:315:A:TYR:H	19	1.37
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD22	1:315:A:TYR:H	19	1.37
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD23	1:315:A:TYR:H	19	1.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4042)	1:239:A:LYS:HD3	1:242:A:GLU:HB3	27	1.37
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HD11	4	1.37
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HD12	4	1.37
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HD13	4	1.37
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HD11	4	1.37
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HD12	4	1.37
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HD13	4	1.37
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HD11	4	1.37
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HD12	4	1.37
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HD13	4	1.37
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD11	23	1.37
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD12	23	1.37
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD13	23	1.37
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD11	23	1.37
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD12	23	1.37
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD13	23	1.37
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD11	23	1.37
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD12	23	1.37
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD13	23	1.37
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	19	1.37
(2,82)	1:391:A:LEU:HD21	1:388:A:MET:HG3	23	1.36
(2,82)	1:391:A:LEU:HD22	1:388:A:MET:HG3	23	1.36
(2,82)	1:391:A:LEU:HD23	1:388:A:MET:HG3	23	1.36
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	6	1.36
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD13	1:277:A:ASN:HD21	1	1.36
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG22	1:242:A:GLU:HG2	35	1.36
(1,6253)	1:423:A:LEU:HD23	1:430:A:TRP:HZ2	27	1.36
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HA	5	1.36
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD11	1:410:A:ASN:HA	26	1.36
(1,6041)	1:284:A:MET:HE1	1:286:A:ARG:H	2	1.36
(1,6041)	1:284:A:MET:HE2	1:286:A:ARG:H	24	1.36
(1,6041)	1:284:A:MET:HE1	1:286:A:ARG:H	31	1.36
(1,5903)	1:337:A:MET:HE2	1:343:A:SER:H	29	1.36
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD13	1:373:A:LEU:HA	10	1.36
(1,5837)	1:225:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG13	14	1.36
(1,5837)	1:225:A:MET:HE1	1:373:A:LEU:HD23	15	1.36
(1,5701)	1:302:A:GLU:HG2	1:305:A:ARG:HD3	18	1.36
(1,5697)	1:362:A:THR:HG23	1:359:A:VAL:HG22	35	1.36
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	23	1.36
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB2	1:189:A:ILE:HD12	12	1.36
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB3	1:189:A:ILE:HD13	13	1.36
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:234:A:SER:HB3	1	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:253:A:THR:HG21	30	1.36
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:321:A:LEU:HD21	12	1.36
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:193:A:PRO:HD2	22	1.36
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD21	17	1.36
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD22	17	1.36
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD23	17	1.36
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD21	17	1.36
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD22	17	1.36
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD23	17	1.36
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD21	17	1.36
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD22	17	1.36
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD23	17	1.36
(1,3224)	1:327:A:HIS:HD2	1:373:A:LEU:HB2	25	1.36
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD11	20	1.36
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD12	20	1.36
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD13	20	1.36
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD11	20	1.36
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD12	20	1.36
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD13	20	1.36
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD11	20	1.36
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD12	20	1.36
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD13	20	1.36
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	1	1.36
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE1	3	1.35
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HE2	14	1.35
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE1	1:310:A:LEU:HD11	20	1.35
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD11	1:350:A:VAL:H	6	1.35
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD23	1:433:A:GLN:HG2	18	1.35
(1,6402)	1:377:A:MET:HE3	1:378:A:LYS:HA	34	1.35
(1,6402)	1:377:A:MET:HE1	1:378:A:LYS:HA	35	1.35
(1,6263)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:H	17	1.35
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG13	2	1.35
(1,6141)	1:278:A:LEU:HD23	1:271:A:LEU:HB3	21	1.35
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD13	1:410:A:ASN:HA	28	1.35
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD11	1:198:A:VAL:HA	1	1.35
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD11	1:366:A:GLU:H	24	1.35
(1,5779)	1:438:A:ALA:HB1	1:392:A:PRO:HD2	12	1.35
(1,5708)	1:436:A:LEU:HD11	1:439:A:LEU:H	18	1.35
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HD13	13	1.35
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD22	14	1.35
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HE1	21	1.35
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HE2	21	1.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HE1	21	1.35
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HE2	21	1.35
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HE1	21	1.35
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HE2	21	1.35
(1,2209)	1:267:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HA	17	1.35
(1,2209)	1:267:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HA	17	1.35
(1,2209)	1:267:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HA	17	1.35
(1,932)	1:320:A:TRP:H	1:373:A:LEU:HD11	14	1.35
(1,932)	1:320:A:TRP:H	1:373:A:LEU:HD12	14	1.35
(1,932)	1:320:A:TRP:H	1:373:A:LEU:HD13	14	1.35
(2,82)	1:391:A:LEU:HD21	1:388:A:MET:HG3	11	1.34
(2,82)	1:391:A:LEU:HD22	1:388:A:MET:HG3	11	1.34
(2,82)	1:391:A:LEU:HD23	1:388:A:MET:HG3	11	1.34
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HB3	12	1.34
(1,6674)	1:339:A:ILE:HD11	1:361:A:PHE:HA	28	1.34
(1,6397)	1:365:A:GLN:HG2	1:323:A:VAL:HG23	7	1.34
(1,6368)	1:334:A:GLU:HG3	1:333:A:LEU:HB2	1	1.34
(1,6041)	1:284:A:MET:HE2	1:286:A:ARG:H	11	1.34
(1,6041)	1:284:A:MET:HE1	1:286:A:ARG:H	13	1.34
(1,6041)	1:284:A:MET:HE3	1:286:A:ARG:H	14	1.34
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD12	1:366:A:GLU:H	22	1.34
(1,5903)	1:337:A:MET:HE1	1:343:A:SER:H	5	1.34
(1,5803)	1:189:A:ILE:HG21	1:197:A:ALA:HB2	15	1.34
(1,5789)	1:429:A:LEU:HD23	1:433:A:GLN:HG3	3	1.34
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG22	1:371:A:VAL:H	31	1.34
(1,5677)	1:212:A:VAL:HG13	1:210:A:PRO:HB3	1	1.34
(1,5407)	1:214:A:ARG:H	1:209:A:LEU:HG	2	1.34
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD13	11	1.34
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD11	35	1.34
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HD13	12	1.34
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:230:A:ILE:HG23	13	1.34
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD21	15	1.34
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD22	15	1.34
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD23	15	1.34
(1,4593)	1:283:A:LEU:HD11	1:283:A:LEU:HA	11	1.34
(1,4593)	1:283:A:LEU:HD12	1:283:A:LEU:HA	11	1.34
(1,4593)	1:283:A:LEU:HD13	1:283:A:LEU:HA	11	1.34
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	13	1.34
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	17	1.34
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	22	1.34
(2,82)	1:391:A:LEU:HD21	1:388:A:MET:HG3	32	1.33
(2,82)	1:391:A:LEU:HD22	1:388:A:MET:HG3	32	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,82)	1:391:A:LEU:HD23	1:388:A:MET:HG3	32	1.33
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD21	1:351:A:GLN:HE21	28	1.33
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD13	1:346:A:LEU:H	10	1.33
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HB3	17	1.33
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HB3	26	1.33
(1,6257)	1:337:A:MET:HE1	1:328:A:VAL:HB	5	1.33
(1,6041)	1:284:A:MET:HE3	1:286:A:ARG:H	9	1.33
(1,6041)	1:284:A:MET:HE2	1:286:A:ARG:H	22	1.33
(1,5932)	1:198:A:VAL:HG12	1:199:A:GLU:HG2	4	1.33
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG21	1:371:A:VAL:H	15	1.33
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG23	1:371:A:VAL:H	30	1.33
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	30	1.33
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	32	1.33
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD12	6	1.33
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD13	24	1.33
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD12	27	1.33
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:253:A:THR:HG22	14	1.33
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG11	27	1.33
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD22	22	1.33
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	6	1.33
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	33	1.33
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	33	1.33
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	33	1.33
(1,3921)	1:385:A:MET:HE2	1:382:A:TRP:HH2	30	1.33
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB3	1:308:A:LYS:HE2	2	1.33
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG21	1:216:A:CYS:HB3	15	1.33
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:H	30	1.33
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:H	30	1.33
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:H	30	1.33
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	20	1.33
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	11	1.33
(1,6877)	1:212:A:VAL:HG22	1:270:A:TYR:H	7	1.32
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	14	1.32
(1,6740)	1:377:A:MET:HE1	1:412:A:LEU:HD22	4	1.32
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD13	1:346:A:LEU:H	4	1.32
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD11	1:346:A:LEU:H	5	1.32
(1,6306)	1:253:A:THR:HG21	1:251:A:GLU:HB2	34	1.32
(1,6257)	1:337:A:MET:HE1	1:328:A:VAL:HB	4	1.32
(1,6257)	1:337:A:MET:HE2	1:328:A:VAL:HB	9	1.32
(1,6253)	1:423:A:LEU:HD21	1:430:A:TRP:HZ2	32	1.32
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD21	1:325:A:MET:HE1	2	1.32
(1,6041)	1:284:A:MET:HE3	1:286:A:ARG:H	32	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5903)	1:337:A:MET:HE1	1:343:A:SER:H	27	1.32
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD13	1:265:A:SER:H	3	1.32
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:HG21	7	1.32
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:HG21	16	1.32
(1,5789)	1:429:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:HG3	26	1.32
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG21	1:371:A:VAL:H	25	1.32
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD11	1:317:A:LEU:H	21	1.32
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD12	1:317:A:LEU:H	28	1.32
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	22	1.32
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG12	1:300:A:VAL:HG12	25	1.32
(1,5626)	1:316:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HA	21	1.32
(1,5626)	1:316:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HA	29	1.32
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD13	16	1.32
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	15	1.32
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD21	13	1.32
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD22	13	1.32
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD23	13	1.32
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD22	29	1.32
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD22	29	1.32
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD22	29	1.32
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD22	32	1.32
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD22	32	1.32
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD22	32	1.32
(1,3921)	1:385:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HH2	13	1.32
(1,3882)	1:409:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:HG2	34	1.32
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG22	1:216:A:CYS:HG	2	1.32
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG21	1:216:A:CYS:HG	19	1.32
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	28	1.32
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD21	29	1.32
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD22	29	1.32
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD23	29	1.32
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	5	1.32
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	8	1.32
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	35	1.32
(1,6878)	1:307:A:LEU:HD11	1:360:A:PHE:HZ	13	1.31
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HE3	25	1.31
(1,6702)	1:342:A:ILE:HG22	1:344:A:ILE:HB	13	1.31
(1,6655)	1:244:A:LYS:HD2	1:269:A:GLN:HB2	14	1.31
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD22	1:363:A:HIS:H	18	1.31
(1,6535)	1:203:A:MET:HE3	1:210:A:PRO:HB3	5	1.31
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD13	1:350:A:VAL:H	30	1.31
(1,6402)	1:377:A:MET:HE3	1:378:A:LYS:HA	12	1.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD12	1:337:A:MET:H	10	1.31
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG21	1:274:A:LEU:HD22	1	1.31
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG22	1:266:A:LEU:HD23	33	1.31
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD12	1:410:A:ASN:HA	2	1.31
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD11	1:410:A:ASN:HA	32	1.31
(1,6041)	1:284:A:MET:HE2	1:286:A:ARG:H	3	1.31
(1,6041)	1:284:A:MET:HE3	1:286:A:ARG:H	4	1.31
(1,6041)	1:284:A:MET:HE3	1:286:A:ARG:H	17	1.31
(1,6041)	1:284:A:MET:HE2	1:286:A:ARG:H	30	1.31
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HA	17	1.31
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG21	1:371:A:VAL:H	1	1.31
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG23	1:371:A:VAL:H	16	1.31
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG23	1:371:A:VAL:H	21	1.31
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG22	1:371:A:VAL:H	26	1.31
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG23	1:371:A:VAL:H	32	1.31
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD11	1:317:A:LEU:H	16	1.31
(1,5626)	1:316:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HA	3	1.31
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG23	32	1.31
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD22	18	1.31
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	10	1.31
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	19	1.31
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD23	1	1.31
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	29	1.31
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD21	1:315:A:TYR:H	2	1.31
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD22	1:315:A:TYR:H	2	1.31
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD23	1:315:A:TYR:H	2	1.31
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD21	1:315:A:TYR:H	5	1.31
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD22	1:315:A:TYR:H	5	1.31
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD23	1:315:A:TYR:H	5	1.31
(1,1469)	1:375:A:GLN:HE22	1:222:A:LYS:HG2	29	1.31
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	6	1.31
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	15	1.31
(2,82)	1:391:A:LEU:HD21	1:388:A:MET:HG3	33	1.3
(2,82)	1:391:A:LEU:HD22	1:388:A:MET:HG3	33	1.3
(2,82)	1:391:A:LEU:HD23	1:388:A:MET:HG3	33	1.3
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:H	13	1.3
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG22	1:322:A:ILE:HG22	35	1.3
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD21	28	1.3
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG21	10	1.3
(1,6365)	1:359:A:VAL:HG11	1:360:A:PHE:HB3	30	1.3
(1,6263)	1:346:A:LEU:HD22	1:343:A:SER:H	34	1.3
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	24	1.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	29	1.3
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD13	1:410:A:ASN:HA	9	1.3
(1,6041)	1:284:A:MET:HE3	1:286:A:ARG:H	27	1.3
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD22	1:305:A:ARG:HG2	7	1.3
(1,5903)	1:337:A:MET:HE2	1:343:A:SER:H	11	1.3
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG21	1:371:A:VAL:H	8	1.3
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG21	1:371:A:VAL:H	28	1.3
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG22	1:371:A:VAL:H	34	1.3
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG22	1:316:A:LEU:HD12	23	1.3
(1,5712)	1:300:A:VAL:HG21	1:301:A:GLN:H	21	1.3
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HD13	21	1.3
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD11	1:315:A:TYR:HA	19	1.3
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	25	1.3
(1,5626)	1:316:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HA	23	1.3
(1,5626)	1:316:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HA	32	1.3
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB1	1:189:A:ILE:HD13	18	1.3
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:271:A:LEU:HD22	9	1.3
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	33	1.3
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG12	20	1.3
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	10	1.3
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD21	1:315:A:TYR:H	29	1.3
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD22	1:315:A:TYR:H	29	1.3
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD23	1:315:A:TYR:H	29	1.3
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HD11	20	1.3
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HD12	20	1.3
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HD13	20	1.3
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HD11	20	1.3
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HD12	20	1.3
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HD13	20	1.3
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HD11	20	1.3
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HD12	20	1.3
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HD13	20	1.3
(1,3921)	1:385:A:MET:HE2	1:382:A:TRP:HH2	19	1.3
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	24	1.3
(1,2166)	1:350:A:VAL:HG21	1:352:A:ILE:HB	4	1.3
(1,2166)	1:350:A:VAL:HG22	1:352:A:ILE:HB	4	1.3
(1,2166)	1:350:A:VAL:HG23	1:352:A:ILE:HB	4	1.3
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD11	31	1.3
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD12	31	1.3
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD13	31	1.3
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	3	1.3
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	21	1.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	1	1.3
(2,82)	1:391:A:LEU:HD21	1:388:A:MET:HG3	17	1.29
(2,82)	1:391:A:LEU:HD22	1:388:A:MET:HG3	17	1.29
(2,82)	1:391:A:LEU:HD23	1:388:A:MET:HG3	17	1.29
(1,6718)	1:359:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HG22	4	1.29
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HE2	11	1.29
(1,6655)	1:244:A:LYS:HD2	1:240:A:VAL:HB	28	1.29
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD12	1:346:A:LEU:H	33	1.29
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD22	1:373:A:LEU:HD12	18	1.29
(1,6535)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB3	33	1.29
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG23	17	1.29
(1,6368)	1:334:A:GLU:HG3	1:333:A:LEU:HB2	23	1.29
(1,6368)	1:334:A:GLU:HG3	1:331:A:LYS:HD3	31	1.29
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD11	1:374:A:LYS:HA	6	1.29
(1,6257)	1:337:A:MET:HE2	1:328:A:VAL:HB	11	1.29
(1,6205)	1:329:A:ILE:HD12	1:230:A:ILE:HG23	8	1.29
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	26	1.29
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD11	1:410:A:ASN:HA	1	1.29
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD13	1:410:A:ASN:HA	17	1.29
(1,6041)	1:284:A:MET:HE3	1:286:A:ARG:H	33	1.29
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:274:A:LEU:HD22	9	1.29
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD13	1:265:A:SER:H	27	1.29
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD21	1:318:A:ILE:HG22	14	1.29
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD13	1:357:A:LEU:HA	12	1.29
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	32	1.29
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	28	1.29
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	19	1.29
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG13	16	1.29
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD21	20	1.29
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD22	20	1.29
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD23	20	1.29
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD21	1	1.29
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD22	1	1.29
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD23	1	1.29
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD21	1	1.29
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD22	1	1.29
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD23	1	1.29
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD21	1	1.29
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD22	1	1.29
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD23	1	1.29
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD21	13	1.29
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD22	13	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD23	13	1.29
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD21	13	1.29
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD22	13	1.29
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD23	13	1.29
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD21	13	1.29
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD22	13	1.29
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD23	13	1.29
(1,3921)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HH2	6	1.29
(1,3921)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HH2	7	1.29
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	29	1.29
(1,6878)	1:307:A:LEU:HD11	1:360:A:PHE:HZ	28	1.28
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE3	16	1.28
(1,6804)	1:283:A:LEU:HD22	1:306:A:LEU:HD23	6	1.28
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD21	1:351:A:GLN:HE21	1	1.28
(1,6634)	1:253:A:THR:HG21	1:244:A:LYS:HA	35	1.28
(1,6535)	1:203:A:MET:HE3	1:210:A:PRO:HB3	7	1.28
(1,6535)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB3	30	1.28
(1,6486)	1:272:A:ARG:HG3	1:269:A:GLN:HG2	5	1.28
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HB3	7	1.28
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:268:A:LYS:HE2	2	1.28
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	16	1.28
(1,6368)	1:334:A:GLU:HG3	1:333:A:LEU:HB2	29	1.28
(1,6368)	1:334:A:GLU:HG3	1:333:A:LEU:HB2	35	1.28
(1,6365)	1:359:A:VAL:HG13	1:360:A:PHE:HB3	4	1.28
(1,6342)	1:388:A:MET:HE3	1:387:A:THR:H	23	1.28
(1,6174)	1:253:A:THR:HB	1:239:A:LYS:HD3	9	1.28
(1,6041)	1:284:A:MET:HE1	1:286:A:ARG:H	26	1.28
(1,5930)	1:363:A:HIS:HD2	1:300:A:VAL:HG21	1	1.28
(1,5813)	1:420:A:ILE:HG21	1:425:A:LYS:HE3	5	1.28
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD12	1:265:A:SER:H	24	1.28
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD12	1:265:A:SER:H	30	1.28
(1,5775)	1:201:A:THR:HG21	1:202:A:MET:HG3	11	1.28
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG21	1:371:A:VAL:H	2	1.28
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG23	1:371:A:VAL:H	9	1.28
(1,5723)	1:203:A:MET:HE2	1:207:A:ILE:HG22	32	1.28
(1,5709)	1:212:A:VAL:HG23	1:213:A:PHE:HB3	7	1.28
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:301:A:GLN:HB3	34	1.28
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG21	17	1.28
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	15	1.28
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG11	6	1.28
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	6	1.28
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:193:A:PRO:HD2	6	1.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4395)	1:310:A:LEU:HD21	1:310:A:LEU:HA	9	1.28
(1,4395)	1:310:A:LEU:HD22	1:310:A:LEU:HA	9	1.28
(1,4395)	1:310:A:LEU:HD23	1:310:A:LEU:HA	9	1.28
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD21	1:315:A:TYR:H	22	1.28
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD22	1:315:A:TYR:H	22	1.28
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD23	1:315:A:TYR:H	22	1.28
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD21	1:315:A:TYR:H	35	1.28
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD22	1:315:A:TYR:H	35	1.28
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD23	1:315:A:TYR:H	35	1.28
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	10	1.28
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	17	1.28
(2,82)	1:391:A:LEU:HD21	1:388:A:MET:HG3	19	1.27
(2,82)	1:391:A:LEU:HD22	1:388:A:MET:HG3	19	1.27
(2,82)	1:391:A:LEU:HD23	1:388:A:MET:HG3	19	1.27
(2,82)	1:391:A:LEU:HD21	1:388:A:MET:HG3	28	1.27
(2,82)	1:391:A:LEU:HD22	1:388:A:MET:HG3	28	1.27
(2,82)	1:391:A:LEU:HD23	1:388:A:MET:HG3	28	1.27
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HB3	1	1.27
(1,6702)	1:342:A:ILE:HG21	1:344:A:ILE:HB	14	1.27
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG22	30	1.27
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG21	1:189:A:ILE:HB	5	1.27
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG23	1:269:A:GLN:HB2	18	1.27
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:HB3	25	1.27
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD13	1:414:A:ARG:H	6	1.27
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD11	1:374:A:LYS:HA	1	1.27
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD11	1:374:A:LYS:HA	26	1.27
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD13	1:374:A:LYS:HA	30	1.27
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD11	1:337:A:MET:H	9	1.27
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD23	1:194:A:LEU:HD11	31	1.27
(1,6263)	1:346:A:LEU:HD21	1:343:A:SER:H	28	1.27
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	22	1.27
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD12	1:410:A:ASN:HA	23	1.27
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD12	1:366:A:GLU:H	6	1.27
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG21	1:371:A:VAL:H	3	1.27
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG23	1:371:A:VAL:H	17	1.27
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG23	1:371:A:VAL:H	35	1.27
(1,5626)	1:316:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HA	27	1.27
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB1	1:189:A:ILE:HD12	21	1.27
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	20	1.27
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	33	1.27
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD22	25	1.27
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD11	1:402:A:ILE:HA	22	1.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD12	1:402:A:ILE:HA	22	1.27
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD13	1:402:A:ILE:HA	22	1.27
(1,4395)	1:310:A:LEU:HD21	1:310:A:LEU:HA	11	1.27
(1,4395)	1:310:A:LEU:HD22	1:310:A:LEU:HA	11	1.27
(1,4395)	1:310:A:LEU:HD23	1:310:A:LEU:HA	11	1.27
(1,4395)	1:310:A:LEU:HD21	1:310:A:LEU:HA	17	1.27
(1,4395)	1:310:A:LEU:HD22	1:310:A:LEU:HA	17	1.27
(1,4395)	1:310:A:LEU:HD23	1:310:A:LEU:HA	17	1.27
(1,3921)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HH2	15	1.27
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	27	1.27
(1,2258)	1:323:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HG11	7	1.27
(1,2258)	1:323:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HG12	7	1.27
(1,2258)	1:323:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HG13	7	1.27
(1,2258)	1:323:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HG11	7	1.27
(1,2258)	1:323:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HG12	7	1.27
(1,2258)	1:323:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HG13	7	1.27
(1,2258)	1:323:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG11	7	1.27
(1,2258)	1:323:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG12	7	1.27
(1,2258)	1:323:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG13	7	1.27
(1,1061)	1:320:A:TRP:HE1	1:373:A:LEU:HD11	7	1.27
(1,1061)	1:320:A:TRP:HE1	1:373:A:LEU:HD12	7	1.27
(1,1061)	1:320:A:TRP:HE1	1:373:A:LEU:HD13	7	1.27
(1,1061)	1:320:A:TRP:HE1	1:373:A:LEU:HD11	30	1.27
(1,1061)	1:320:A:TRP:HE1	1:373:A:LEU:HD12	30	1.27
(1,1061)	1:320:A:TRP:HE1	1:373:A:LEU:HD13	30	1.27
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	30	1.27
(1,43)	1:300:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG21	7	1.27
(1,43)	1:300:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG22	7	1.27
(1,43)	1:300:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG23	7	1.27
(2,82)	1:391:A:LEU:HD21	1:388:A:MET:HG3	35	1.26
(2,82)	1:391:A:LEU:HD22	1:388:A:MET:HG3	35	1.26
(2,82)	1:391:A:LEU:HD23	1:388:A:MET:HG3	35	1.26
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE2	7	1.26
(1,6804)	1:283:A:LEU:HD22	1:306:A:LEU:HD22	19	1.26
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	29	1.26
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE1	1:310:A:LEU:HD11	5	1.26
(1,6564)	1:203:A:MET:HE1	1:210:A:PRO:HB2	12	1.26
(1,6537)	1:194:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HA	27	1.26
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD12	1:374:A:LYS:HA	15	1.26
(1,6329)	1:398:A:ILE:HG21	1:440:A:LYS:HG2	2	1.26
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD13	1:255:A:LEU:HD12	1	1.26
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:376:A:VAL:HG22	24	1.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6041)	1:284:A:MET:HE1	1:286:A:ARG:H	15	1.26
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD22	1:305:A:ARG:HG2	10	1.26
(1,5903)	1:337:A:MET:HE1	1:343:A:SER:H	18	1.26
(1,5903)	1:337:A:MET:HE2	1:343:A:SER:H	21	1.26
(1,5837)	1:225:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG22	6	1.26
(1,5837)	1:225:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG21	12	1.26
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD13	1:265:A:SER:H	4	1.26
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD11	1:265:A:SER:H	20	1.26
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD11	1:265:A:SER:H	31	1.26
(1,5789)	1:278:A:LEU:HD12	1:350:A:VAL:HB	10	1.26
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG22	1:371:A:VAL:H	24	1.26
(1,5697)	1:362:A:THR:HG23	1:359:A:VAL:HG22	11	1.26
(1,5697)	1:362:A:THR:HG21	1:359:A:VAL:HG21	24	1.26
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD13	1:315:A:TYR:HA	16	1.26
(1,5661)	1:415:A:ASP:HB2	1:416:A:LEU:HB3	30	1.26
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD12	32	1.26
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD13	33	1.26
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	31	1.26
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD13	17	1.26
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	22	1.26
(1,3921)	1:385:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HH2	34	1.26
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	23	1.26
(1,3684)	1:267:A:LEU:HD11	1:216:A:CYS:HB3	7	1.26
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	11	1.26
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	11	1.26
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	11	1.26
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	11	1.26
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	11	1.26
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	11	1.26
(1,2694)	1:364:A:VAL:HG21	1:368:A:PHE:HD1	22	1.26
(1,2694)	1:364:A:VAL:HG21	1:368:A:PHE:HD2	22	1.26
(1,2694)	1:364:A:VAL:HG22	1:368:A:PHE:HD1	22	1.26
(1,2694)	1:364:A:VAL:HG22	1:368:A:PHE:HD2	22	1.26
(1,2694)	1:364:A:VAL:HG23	1:368:A:PHE:HD1	22	1.26
(1,2694)	1:364:A:VAL:HG23	1:368:A:PHE:HD2	22	1.26
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	10	1.26
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	18	1.26
(1,487)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG11	3	1.26
(1,487)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG12	3	1.26
(1,487)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG13	3	1.26
(1,487)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG11	20	1.26
(1,487)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG12	20	1.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,487)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG13	20	1.26
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD13	1:373:A:LEU:HB3	31	1.25
(1,6702)	1:342:A:ILE:HG23	1:344:A:ILE:HB	22	1.25
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HE2	8	1.25
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG22	12	1.25
(1,6514)	1:315:A:TYR:HE2	1:316:A:LEU:HD11	21	1.25
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD11	1:210:A:PRO:HD3	4	1.25
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:253:A:THR:HG22	13	1.25
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD11	1:277:A:ASN:HD21	4	1.25
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD12	1:350:A:VAL:H	19	1.25
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD13	1:414:A:ARG:H	10	1.25
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD12	1:414:A:ARG:H	24	1.25
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD11	1:337:A:MET:H	14	1.25
(1,6342)	1:388:A:MET:HE3	1:387:A:THR:H	25	1.25
(1,6257)	1:337:A:MET:HE2	1:328:A:VAL:HB	2	1.25
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	21	1.25
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:HD12	30	1.25
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD13	1:430:A:TRP:HA	19	1.25
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD13	1:410:A:ASN:HA	31	1.25
(1,6041)	1:284:A:MET:HE2	1:286:A:ARG:H	5	1.25
(1,6041)	1:284:A:MET:HE1	1:286:A:ARG:H	20	1.25
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD22	1:255:A:LEU:HD23	34	1.25
(1,6020)	1:317:A:LEU:HD13	1:278:A:LEU:HD22	20	1.25
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HG	10	1.25
(1,5930)	1:320:A:TRP:HZ3	1:373:A:LEU:HD22	31	1.25
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	10	1.25
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD13	1:265:A:SER:H	18	1.25
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD13	1:265:A:SER:H	35	1.25
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG21	1:371:A:VAL:H	4	1.25
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG22	1:371:A:VAL:H	22	1.25
(1,5709)	1:212:A:VAL:HG23	1:213:A:PHE:HB3	33	1.25
(1,5697)	1:362:A:THR:HG21	1:359:A:VAL:HG23	5	1.25
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG11	1:300:A:VAL:HG11	34	1.25
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB1	1:255:A:LEU:HD21	34	1.25
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	26	1.25
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD13	16	1.25
(1,4977)	1:253:A:THR:H	1:251:A:GLU:HB2	14	1.25
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:345:A:VAL:HG23	23	1.25
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	35	1.25
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:194:A:LEU:HA	28	1.25
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:193:A:PRO:HD2	31	1.25
(1,4395)	1:310:A:LEU:HD21	1:310:A:LEU:HA	13	1.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4395)	1:310:A:LEU:HD22	1:310:A:LEU:HA	13	1.25
(1,4395)	1:310:A:LEU:HD23	1:310:A:LEU:HA	13	1.25
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD21	1:315:A:TYR:H	32	1.25
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD22	1:315:A:TYR:H	32	1.25
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD23	1:315:A:TYR:H	32	1.25
(1,3921)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HH2	11	1.25
(1,3921)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HH2	24	1.25
(1,3921)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HH2	25	1.25
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD11	1:304:A:GLN:HG3	6	1.25
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD12	1:304:A:GLN:HG3	6	1.25
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD13	1:304:A:GLN:HG3	6	1.25
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG23	1:216:A:CYS:HB3	20	1.25
(1,487)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG11	2	1.25
(1,487)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG12	2	1.25
(1,487)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG13	2	1.25
(1,6740)	1:377:A:MET:HE3	1:412:A:LEU:HD22	25	1.24
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD11	1:346:A:LEU:H	15	1.24
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HB3	13	1.24
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD13	1:341:A:ASN:HD22	29	1.24
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG21	1:240:A:VAL:HB	6	1.24
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG23	1:240:A:VAL:HB	25	1.24
(1,6342)	1:388:A:MET:HE2	1:387:A:THR:H	19	1.24
(1,6329)	1:398:A:ILE:HG23	1:440:A:LYS:HG2	26	1.24
(1,6257)	1:337:A:MET:HE2	1:328:A:VAL:HB	12	1.24
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG11	17	1.24
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:328:A:VAL:HG22	8	1.24
(1,6000)	1:225:A:MET:HE3	1:326:A:ASP:H	27	1.24
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG21	1:371:A:VAL:H	5	1.24
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG23	1:371:A:VAL:H	23	1.24
(1,5761)	1:315:A:TYR:HE1	1:318:A:ILE:HB	9	1.24
(1,5709)	1:212:A:VAL:HG21	1:216:A:CYS:HG	28	1.24
(1,5642)	1:225:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG22	12	1.24
(1,5626)	1:316:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HA	2	1.24
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:350:A:VAL:HG22	24	1.24
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:243:A:LEU:HD12	19	1.24
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG12	17	1.24
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG13	34	1.24
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD11	1:430:A:TRP:HZ2	18	1.24
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HZ2	18	1.24
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD13	1:430:A:TRP:HZ2	18	1.24
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE3	26	1.24
(1,2934)	1:383:A:SER:HB2	1:386:A:ALA:HB1	22	1.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2934)	1:383:A:SER:HB2	1:386:A:ALA:HB2	22	1.24
(1,2934)	1:383:A:SER:HB2	1:386:A:ALA:HB3	22	1.24
(1,2907)	1:331:A:LYS:HE3	1:334:A:GLU:H	10	1.24
(1,2532)	1:364:A:VAL:HG21	1:368:A:PHE:HE1	22	1.24
(1,2532)	1:364:A:VAL:HG21	1:368:A:PHE:HE2	22	1.24
(1,2532)	1:364:A:VAL:HG22	1:368:A:PHE:HE1	22	1.24
(1,2532)	1:364:A:VAL:HG22	1:368:A:PHE:HE2	22	1.24
(1,2532)	1:364:A:VAL:HG23	1:368:A:PHE:HE1	22	1.24
(1,2532)	1:364:A:VAL:HG23	1:368:A:PHE:HE2	22	1.24
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD11	30	1.24
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD12	30	1.24
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD13	30	1.24
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	31	1.24
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	33	1.24
(1,487)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG11	7	1.24
(1,487)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG12	7	1.24
(1,487)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG13	7	1.24
(1,6878)	1:307:A:LEU:HD11	1:360:A:PHE:HZ	21	1.23
(1,6877)	1:212:A:VAL:HG21	1:270:A:TYR:H	16	1.23
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD11	1:346:A:LEU:H	26	1.23
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:420:A:ILE:HG22	32	1.23
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG21	1:401:A:GLU:HG2	3	1.23
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HB3	29	1.23
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HB3	32	1.23
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD12	1:350:A:VAL:H	24	1.23
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG22	1:189:A:ILE:HB	22	1.23
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD12	1:414:A:ARG:H	35	1.23
(1,6365)	1:359:A:VAL:HG13	1:360:A:PHE:HB3	35	1.23
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD11	1:374:A:LYS:HA	32	1.23
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD12	1:337:A:MET:H	12	1.23
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD12	1:341:A:ASN:HD22	18	1.23
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG22	1:240:A:VAL:HB	22	1.23
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG22	1:240:A:VAL:HB	32	1.23
(1,6342)	1:388:A:MET:HE2	1:387:A:THR:H	32	1.23
(1,6296)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HE2	35	1.23
(1,6239)	1:355:A:ARG:HG3	1:291:A:CYS:HB2	27	1.23
(1,6199)	1:416:A:LEU:HD12	1:415:A:ASP:HB3	28	1.23
(1,6009)	1:246:A:ALA:HA	1:251:A:GLU:HG2	18	1.23
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD12	1:364:A:VAL:HB	10	1.23
(1,5908)	1:380:A:LEU:HD12	1:382:A:TRP:HB2	23	1.23
(1,5853)	1:393:A:GLU:HG3	1:446:A:ALA:HB1	34	1.23
(1,5756)	1:203:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:HG12	2	1.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD13	1:315:A:TYR:HA	20	1.23
(1,5626)	1:316:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HA	1	1.23
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG22	9	1.23
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	15	1.23
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD11	15	1.23
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	10	1.23
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG23	11	1.23
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG21	29	1.23
(1,5200)	1:269:A:GLN:HE22	1:244:A:LYS:HD2	20	1.23
(1,5200)	1:269:A:GLN:HE22	1:244:A:LYS:HD2	31	1.23
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG23	30	1.23
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG22	31	1.23
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG22	19	1.23
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:247:A:TYR:HE1	27	1.23
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD23	6	1.23
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD23	10	1.23
(1,4794)	1:365:A:GLN:HE21	1:323:A:VAL:HG23	7	1.23
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:278:A:LEU:HA	20	1.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD21	15	1.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD22	15	1.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD23	15	1.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD21	15	1.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD22	15	1.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD23	15	1.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD21	15	1.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD22	15	1.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD23	15	1.23
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD21	1:315:A:TYR:H	3	1.23
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD22	1:315:A:TYR:H	3	1.23
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD23	1:315:A:TYR:H	3	1.23
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD21	1:315:A:TYR:H	34	1.23
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD22	1:315:A:TYR:H	34	1.23
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD23	1:315:A:TYR:H	34	1.23
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD11	7	1.23
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD12	7	1.23
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD13	7	1.23
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD11	7	1.23
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD12	7	1.23
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD13	7	1.23
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD11	7	1.23
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD12	7	1.23
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD13	7	1.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HD11	28	1.23
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HD12	28	1.23
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HD13	28	1.23
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HD11	28	1.23
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HD12	28	1.23
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HD13	28	1.23
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HD11	28	1.23
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HD12	28	1.23
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HD13	28	1.23
(1,3921)	1:385:A:MET:HE2	1:382:A:TRP:HH2	5	1.23
(1,3921)	1:385:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HH2	8	1.23
(1,3921)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HH2	29	1.23
(1,3921)	1:385:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HH2	31	1.23
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	15	1.23
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG22	1:216:A:CYS:HB3	23	1.23
(1,2934)	1:383:A:SER:HB2	1:386:A:ALA:HB1	13	1.23
(1,2934)	1:383:A:SER:HB2	1:386:A:ALA:HB2	13	1.23
(1,2934)	1:383:A:SER:HB2	1:386:A:ALA:HB3	13	1.23
(1,2907)	1:331:A:LYS:HE3	1:334:A:GLU:H	22	1.23
(2,82)	1:391:A:LEU:HD21	1:388:A:MET:HG3	30	1.22
(2,82)	1:391:A:LEU:HD22	1:388:A:MET:HG3	30	1.22
(2,82)	1:391:A:LEU:HD23	1:388:A:MET:HG3	30	1.22
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HD13	2	1.22
(1,6804)	1:267:A:LEU:HD21	1:212:A:VAL:HG13	32	1.22
(1,6740)	1:377:A:MET:HE2	1:412:A:LEU:HD22	33	1.22
(1,6702)	1:342:A:ILE:HG23	1:344:A:ILE:HB	10	1.22
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD13	1:346:A:LEU:H	31	1.22
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD22	34	1.22
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD22	1:373:A:LEU:HD12	33	1.22
(1,6535)	1:203:A:MET:HE3	1:210:A:PRO:HB3	14	1.22
(1,6525)	1:203:A:MET:HE1	1:207:A:ILE:HG12	27	1.22
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG22	13	1.22
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HB3	3	1.22
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG22	1:189:A:ILE:HB	20	1.22
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD12	1:374:A:LYS:HA	21	1.22
(1,6174)	1:253:A:THR:HB	1:255:A:LEU:HG	2	1.22
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	11	1.22
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	25	1.22
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG23	1:266:A:LEU:HD21	29	1.22
(1,5908)	1:380:A:LEU:HD12	1:382:A:TRP:HB2	5	1.22
(1,5903)	1:337:A:MET:HE1	1:343:A:SER:H	23	1.22
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	17	1.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD12	1:265:A:SER:H	6	1.22
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD12	1:265:A:SER:H	8	1.22
(1,5775)	1:201:A:THR:HG21	1:202:A:MET:HG3	16	1.22
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG23	1:371:A:VAL:H	7	1.22
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG22	1:371:A:VAL:H	29	1.22
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD12	1:317:A:LEU:H	7	1.22
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD13	1:317:A:LEU:H	10	1.22
(1,5723)	1:203:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG23	21	1.22
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HD11	1	1.22
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB2	1:255:A:LEU:HD22	22	1.22
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG12	1:300:A:VAL:HG13	15	1.22
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD13	27	1.22
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD13	18	1.22
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:271:A:LEU:HD22	28	1.22
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD21	30	1.22
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG23	1	1.22
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG22	14	1.22
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:196:A:ASP:HB3	25	1.22
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG23	11	1.22
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HG3	32	1.22
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	11	1.22
(1,3921)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HH2	12	1.22
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	30	1.22
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	30	1.22
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	30	1.22
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG21	1:216:A:CYS:HB3	16	1.22
(1,932)	1:320:A:TRP:H	1:373:A:LEU:HD11	30	1.22
(1,932)	1:320:A:TRP:H	1:373:A:LEU:HD12	30	1.22
(1,932)	1:320:A:TRP:H	1:373:A:LEU:HD13	30	1.22
(1,6875)	1:423:A:LEU:HD22	1:430:A:TRP:HH2	3	1.21
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE2	34	1.21
(1,6803)	1:373:A:LEU:HD13	1:372:A:VAL:HG23	7	1.21
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	9	1.21
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	35	1.21
(1,6655)	1:244:A:LYS:HD2	1:269:A:GLN:HB2	11	1.21
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD11	1:346:A:LEU:H	3	1.21
(1,6634)	1:253:A:THR:HG22	1:244:A:LYS:HA	7	1.21
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:420:A:ILE:HG21	8	1.21
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	12	1.21
(1,6402)	1:377:A:MET:HE1	1:378:A:LYS:HA	14	1.21
(1,6402)	1:377:A:MET:HE2	1:378:A:LYS:HA	26	1.21
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD11	1:374:A:LYS:HA	29	1.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD12	1:335:A:THR:HG21	23	1.21
(1,6174)	1:253:A:THR:HB	1:255:A:LEU:HG	18	1.21
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	8	1.21
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD13	1:410:A:ASN:HA	18	1.21
(1,5903)	1:337:A:MET:HE3	1:343:A:SER:H	28	1.21
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD12	1:307:A:LEU:HA	3	1.21
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	11	1.21
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	23	1.21
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	25	1.21
(1,5775)	1:201:A:THR:HG21	1:202:A:MET:HG3	19	1.21
(1,5775)	1:201:A:THR:HG21	1:213:A:PHE:HB3	25	1.21
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG21	1:371:A:VAL:H	12	1.21
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD12	1:317:A:LEU:H	12	1.21
(1,5709)	1:212:A:VAL:HG21	1:213:A:PHE:HB3	29	1.21
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD12	14	1.21
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:271:A:LEU:HD22	3	1.21
(1,5200)	1:269:A:GLN:HE22	1:240:A:VAL:HG11	29	1.21
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	12	1.21
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG13	26	1.21
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD23	20	1.21
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	4	1.21
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:321:A:LEU:HD22	10	1.21
(1,4688)	1:318:A:ILE:H	1:278:A:LEU:HD22	8	1.21
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD21	7	1.21
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD22	7	1.21
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD23	7	1.21
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD21	7	1.21
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD22	7	1.21
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD23	7	1.21
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD21	7	1.21
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD22	7	1.21
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD23	7	1.21
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD11	1:430:A:TRP:HZ2	9	1.21
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HZ2	9	1.21
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD13	1:430:A:TRP:HZ2	9	1.21
(1,4270)	1:336:A:LYS:HD2	1:336:A:LYS:HA	7	1.21
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD11	25	1.21
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD12	25	1.21
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD13	25	1.21
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD11	25	1.21
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD12	25	1.21
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD13	25	1.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD11	25	1.21
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD12	25	1.21
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD13	25	1.21
(1,3921)	1:385:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HH2	1	1.21
(1,3921)	1:385:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HH2	33	1.21
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	15	1.21
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	15	1.21
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	15	1.21
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	15	1.21
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	15	1.21
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	15	1.21
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD11	1	1.21
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD12	1	1.21
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD13	1	1.21
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD11	1	1.21
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD12	1	1.21
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD13	1	1.21
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD11	1	1.21
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD12	1	1.21
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD13	1	1.21
(1,2907)	1:331:A:LYS:HE3	1:334:A:GLU:H	9	1.21
(1,2907)	1:331:A:LYS:HE3	1:334:A:GLU:H	19	1.21
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	2	1.21
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	8	1.21
(2,82)	1:391:A:LEU:HD21	1:388:A:MET:HG3	26	1.2
(2,82)	1:391:A:LEU:HD22	1:388:A:MET:HG3	26	1.2
(2,82)	1:391:A:LEU:HD23	1:388:A:MET:HG3	26	1.2
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE2	31	1.2
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HE2	5	1.2
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD11	1:346:A:LEU:H	7	1.2
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD12	1:346:A:LEU:H	23	1.2
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD13	1:346:A:LEU:H	27	1.2
(1,6639)	1:194:A:LEU:HD23	1:198:A:VAL:HB	29	1.2
(1,6634)	1:253:A:THR:HG23	1:244:A:LYS:HA	32	1.2
(1,6525)	1:203:A:MET:HE2	1:201:A:THR:HG21	25	1.2
(1,6525)	1:203:A:MET:HE2	1:207:A:ILE:HG12	34	1.2
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG23	2	1.2
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG22	21	1.2
(1,6499)	1:271:A:LEU:HD12	1:210:A:PRO:HD3	18	1.2
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:268:A:LYS:HE2	30	1.2
(1,6402)	1:377:A:MET:HE1	1:378:A:LYS:HA	5	1.2
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD11	1:414:A:ARG:H	14	1.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6317)	1:225:A:MET:HE3	1:325:A:MET:H	13	1.2
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG12	22	1.2
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG21	1:266:A:LEU:HD23	15	1.2
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:H	6	1.2
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD12	1:307:A:LEU:HA	28	1.2
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	26	1.2
(1,5837)	1:225:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG23	31	1.2
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD13	1:265:A:SER:H	17	1.2
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD11	1:317:A:LEU:H	20	1.2
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HD11	18	1.2
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HD13	31	1.2
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG21	27	1.2
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	23	1.2
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD21	2	1.2
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:321:A:LEU:HD21	20	1.2
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:345:A:VAL:HG21	14	1.2
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	13	1.2
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	27	1.2
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG23	27	1.2
(1,2907)	1:331:A:LYS:HE3	1:334:A:GLU:H	6	1.2
(1,2874)	1:267:A:LEU:HD11	1:216:A:CYS:H	22	1.2
(1,2874)	1:267:A:LEU:HD12	1:216:A:CYS:H	22	1.2
(1,2874)	1:267:A:LEU:HD13	1:216:A:CYS:H	22	1.2
(1,2639)	1:301:A:GLN:HG2	1:301:A:GLN:H	33	1.2
(1,2216)	1:203:A:MET:HE1	1:204:A:TYR:HD2	23	1.2
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	21	1.2
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	24	1.2
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	28	1.2
(2,82)	1:391:A:LEU:HD21	1:388:A:MET:HG3	18	1.19
(2,82)	1:391:A:LEU:HD22	1:388:A:MET:HG3	18	1.19
(2,82)	1:391:A:LEU:HD23	1:388:A:MET:HG3	18	1.19
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	1	1.19
(1,6740)	1:377:A:MET:HE3	1:412:A:LEU:HD23	27	1.19
(1,6731)	1:239:A:LYS:HD3	1:243:A:LEU:HD11	11	1.19
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE1	1:307:A:LEU:HD23	10	1.19
(1,6639)	1:194:A:LEU:HD23	1:198:A:VAL:HB	3	1.19
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD11	1:325:A:MET:H	4	1.19
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG13	1:266:A:LEU:HD21	34	1.19
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HB3	29	1.19
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD11	1:414:A:ARG:H	21	1.19
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD13	1:414:A:ARG:H	33	1.19
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD11	1:374:A:LYS:HA	8	1.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG21	1:240:A:VAL:HB	8	1.19
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD11	1:438:A:ALA:H	6	1.19
(1,6257)	1:337:A:MET:HE3	1:328:A:VAL:HB	6	1.19
(1,6041)	1:284:A:MET:HE2	1:286:A:ARG:H	25	1.19
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HA	23	1.19
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HA	35	1.19
(1,5837)	1:225:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG22	22	1.19
(1,5837)	1:225:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG22	34	1.19
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD11	1:265:A:SER:H	1	1.19
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD12	1:265:A:SER:H	5	1.19
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD13	1:265:A:SER:H	23	1.19
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD13	1:395:A:GLN:HG2	9	1.19
(1,5775)	1:201:A:THR:HG21	1:202:A:MET:HG3	17	1.19
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG23	1:371:A:VAL:H	18	1.19
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD11	1:317:A:LEU:H	29	1.19
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB1	1:189:A:ILE:HD13	3	1.19
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB3	1:189:A:ILE:HD13	20	1.19
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG21	19	1.19
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG23	21	1.19
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG22	26	1.19
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HD21	11	1.19
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:189:A:ILE:HD11	22	1.19
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG21	25	1.19
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	13	1.19
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	26	1.19
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	16	1.19
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HB3	24	1.19
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD12	1:227:A:CYS:HB3	24	1.19
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD13	1:227:A:CYS:HB3	24	1.19
(1,2166)	1:350:A:VAL:HG21	1:352:A:ILE:HB	19	1.19
(1,2166)	1:350:A:VAL:HG22	1:352:A:ILE:HB	19	1.19
(1,2166)	1:350:A:VAL:HG23	1:352:A:ILE:HB	19	1.19
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	22	1.19
(1,6878)	1:307:A:LEU:HD12	1:360:A:PHE:HZ	1	1.18
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:420:A:ILE:HG23	30	1.18
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG21	20	1.18
(1,6402)	1:377:A:MET:HE3	1:378:A:LYS:HA	30	1.18
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD12	1:374:A:LYS:HA	13	1.18
(1,6360)	1:278:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:HD13	20	1.18
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD13	1:335:A:THR:HG22	26	1.18
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG11	6	1.18
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD21	1:305:A:ARG:HG2	12	1.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5908)	1:380:A:LEU:HD13	1:381:A:ARG:HD2	35	1.18
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	9	1.18
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	21	1.18
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD11	1:265:A:SER:H	13	1.18
(1,5775)	1:201:A:THR:HG23	1:202:A:MET:HG3	29	1.18
(1,5761)	1:315:A:TYR:HE1	1:318:A:ILE:HB	17	1.18
(1,5707)	1:274:A:LEU:HD11	1:274:A:LEU:HA	6	1.18
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB2	1:189:A:ILE:HD11	23	1.18
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG22	28	1.18
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD12	7	1.18
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD13	17	1.18
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:271:A:LEU:HD21	4	1.18
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG21	4	1.18
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG22	9	1.18
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG23	17	1.18
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	5	1.18
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	24	1.18
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:278:A:LEU:HA	19	1.18
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD22	31	1.18
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD22	31	1.18
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD22	31	1.18
(1,3881)	1:377:A:MET:HG2	1:408:A:LEU:HD21	30	1.18
(1,3881)	1:377:A:MET:HG2	1:408:A:LEU:HD22	30	1.18
(1,3881)	1:377:A:MET:HG2	1:408:A:LEU:HD23	30	1.18
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	6	1.18
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	8	1.18
(1,3157)	1:279:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HA	20	1.18
(1,3157)	1:279:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HA	20	1.18
(1,3157)	1:279:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HA	20	1.18
(1,2874)	1:267:A:LEU:HD11	1:216:A:CYS:H	2	1.18
(1,2874)	1:267:A:LEU:HD12	1:216:A:CYS:H	2	1.18
(1,2874)	1:267:A:LEU:HD13	1:216:A:CYS:H	2	1.18
(1,2106)	1:377:A:MET:HB2	1:204:A:TYR:HE1	31	1.18
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD21	30	1.18
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD22	30	1.18
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD23	30	1.18
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	3	1.18
(1,60)	1:375:A:GLN:HE22	1:378:A:LYS:HB2	7	1.18
(2,82)	1:391:A:LEU:HD21	1:388:A:MET:HG3	25	1.17
(2,82)	1:391:A:LEU:HD22	1:388:A:MET:HG3	25	1.17
(2,82)	1:391:A:LEU:HD23	1:388:A:MET:HG3	25	1.17
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE2	19	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HB3	24	1.17
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD11	1:346:A:LEU:H	20	1.17
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG22	1:366:A:GLU:H	19	1.17
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG23	22	1.17
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG23	1:395:A:GLN:HG2	16	1.17
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HB3	8	1.17
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD13	1:350:A:VAL:H	22	1.17
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD13	1:350:A:VAL:H	33	1.17
(1,6402)	1:377:A:MET:HE3	1:378:A:LYS:HA	31	1.17
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD13	1:413:A:HIS:HE1	13	1.17
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD12	1:341:A:ASN:HD22	32	1.17
(1,6329)	1:398:A:ILE:HG21	1:440:A:LYS:HG2	18	1.17
(1,6296)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HE3	16	1.17
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG11	14	1.17
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG23	1:367:A:LEU:HD23	4	1.17
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD21	1:325:A:MET:HE2	18	1.17
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD12	1:198:A:VAL:HA	21	1.17
(1,5903)	1:337:A:MET:HE2	1:343:A:SER:H	13	1.17
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	16	1.17
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD11	1:265:A:SER:H	16	1.17
(1,5789)	1:429:A:LEU:HD21	1:433:A:GLN:HG3	8	1.17
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD11	1:395:A:GLN:HG2	10	1.17
(1,5775)	1:201:A:THR:HG23	1:202:A:MET:HG3	5	1.17
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG21	1:371:A:VAL:H	11	1.17
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD11	1:317:A:LEU:H	33	1.17
(1,5707)	1:274:A:LEU:HD13	1:274:A:LEU:HA	11	1.17
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB2	1:189:A:ILE:HD12	30	1.17
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:350:A:VAL:HG21	1	1.17
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG23	13	1.17
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	26	1.17
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG12	33	1.17
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:230:A:ILE:HG22	11	1.17
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	25	1.17
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG21	33	1.17
(1,4270)	1:336:A:LYS:HD2	1:336:A:LYS:HA	24	1.17
(1,4270)	1:336:A:LYS:HD2	1:336:A:LYS:HA	28	1.17
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	12	1.17
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD11	31	1.17
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD12	31	1.17
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD13	31	1.17
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD11	31	1.17
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD12	31	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD13	31	1.17
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD11	31	1.17
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD12	31	1.17
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD13	31	1.17
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD11	19	1.17
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD12	19	1.17
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD13	19	1.17
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD11	19	1.17
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD12	19	1.17
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD13	19	1.17
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD11	19	1.17
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD12	19	1.17
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD13	19	1.17
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD21	4	1.17
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD22	4	1.17
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD23	4	1.17
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD21	10	1.17
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD22	10	1.17
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD23	10	1.17
(1,60)	1:375:A:GLN:HE22	1:378:A:LYS:HD2	32	1.17
(1,43)	1:300:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG21	20	1.17
(1,43)	1:300:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG22	20	1.17
(1,43)	1:300:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG23	20	1.17
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE1	1:310:A:LEU:HD11	24	1.16
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD12	1:346:A:LEU:H	34	1.16
(1,6634)	1:253:A:THR:HG22	1:244:A:LYS:HA	10	1.16
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD13	1:325:A:MET:H	35	1.16
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG11	24	1.16
(1,6486)	1:272:A:ARG:HG2	1:350:A:VAL:HB	31	1.16
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD11	1:277:A:ASN:HD21	17	1.16
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD11	1:374:A:LYS:HA	22	1.16
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG22	1:240:A:VAL:HB	21	1.16
(1,6348)	1:409:A:LEU:HD13	1:413:A:HIS:HD2	32	1.16
(1,6248)	1:317:A:LEU:HD21	1:320:A:TRP:HB3	1	1.16
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG23	1:367:A:LEU:HD23	20	1.16
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD12	1:198:A:VAL:HA	27	1.16
(1,5989)	1:212:A:VAL:HG23	1:255:A:LEU:HD12	16	1.16
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD23	1:305:A:ARG:HG2	17	1.16
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD11	1:371:A:VAL:HG22	5	1.16
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD12	1:371:A:VAL:HG21	13	1.16
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	18	1.16
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	32	1.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD11	1:265:A:SER:H	2	1.16
(1,5775)	1:201:A:THR:HG21	1:202:A:MET:HG3	26	1.16
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG23	1:371:A:VAL:H	19	1.16
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD12	1:317:A:LEU:H	25	1.16
(1,5707)	1:274:A:LEU:HD13	1:274:A:LEU:HA	34	1.16
(1,5697)	1:362:A:THR:HG22	1:359:A:VAL:HG22	29	1.16
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	8	1.16
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD11	20	1.16
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:271:A:LEU:HD23	20	1.16
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG23	2	1.16
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG21	5	1.16
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG22	15	1.16
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG21	30	1.16
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG21	13	1.16
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG13	35	1.16
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD12	5	1.16
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD21	21	1.16
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD22	21	1.16
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD23	21	1.16
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD21	21	1.16
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD22	21	1.16
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD23	21	1.16
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD21	21	1.16
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD22	21	1.16
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD23	21	1.16
(1,4270)	1:336:A:LYS:HD2	1:336:A:LYS:HA	32	1.16
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HE1	21	1.16
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HE1	21	1.16
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HE1	21	1.16
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	6	1.16
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	6	1.16
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	6	1.16
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD22	11	1.16
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD22	11	1.16
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD22	11	1.16
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	32	1.16
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	8	1.16
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	8	1.16
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	8	1.16
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	23	1.16
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	23	1.16
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	23	1.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD11	1:333:A:LEU:HA	8	1.16
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD12	1:333:A:LEU:HA	8	1.16
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD13	1:333:A:LEU:HA	8	1.16
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD11	1:333:A:LEU:HA	19	1.16
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD12	1:333:A:LEU:HA	19	1.16
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD13	1:333:A:LEU:HA	19	1.16
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD11	1:333:A:LEU:HA	20	1.16
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD12	1:333:A:LEU:HA	20	1.16
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD13	1:333:A:LEU:HA	20	1.16
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD11	1:333:A:LEU:HA	23	1.16
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD12	1:333:A:LEU:HA	23	1.16
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD13	1:333:A:LEU:HA	23	1.16
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD11	1:333:A:LEU:HA	29	1.16
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD12	1:333:A:LEU:HA	29	1.16
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD13	1:333:A:LEU:HA	29	1.16
(1,3157)	1:279:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HA	19	1.16
(1,3157)	1:279:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HA	19	1.16
(1,3157)	1:279:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HA	19	1.16
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD11	9	1.16
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD12	9	1.16
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD13	9	1.16
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD11	9	1.16
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD12	9	1.16
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD13	9	1.16
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD11	9	1.16
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD12	9	1.16
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD13	9	1.16
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD11	20	1.16
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD12	20	1.16
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD13	20	1.16
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	5	1.16
(1,6674)	1:339:A:ILE:HD13	1:361:A:PHE:HA	24	1.15
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:420:A:ILE:HG23	26	1.15
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG22	1:208:A:ARG:HB2	7	1.15
(1,6564)	1:203:A:MET:HE1	1:210:A:PRO:HB2	22	1.15
(1,6525)	1:203:A:MET:HE1	1:207:A:ILE:HG12	18	1.15
(1,6486)	1:272:A:ARG:HG3	1:273:A:ASP:HB3	29	1.15
(1,6402)	1:377:A:MET:HE3	1:378:A:LYS:HA	19	1.15
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD12	1:374:A:LYS:HA	35	1.15
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD13	1:337:A:MET:H	15	1.15
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG23	1:240:A:VAL:HB	24	1.15
(1,6329)	1:398:A:ILE:HG22	1:440:A:LYS:HG2	24	1.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5903)	1:337:A:MET:HE2	1:343:A:SER:H	24	1.15
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD12	1:307:A:LEU:HA	14	1.15
(1,5756)	1:203:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:HG13	20	1.15
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD12	1:317:A:LEU:H	3	1.15
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD11	1:317:A:LEU:H	5	1.15
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD13	1:317:A:LEU:H	26	1.15
(1,5701)	1:302:A:GLU:HG2	1:305:A:ARG:HD3	3	1.15
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG13	1:300:A:VAL:HG11	13	1.15
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG23	32	1.15
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD11	31	1.15
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG21	12	1.15
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	18	1.15
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HD22	7	1.15
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG21	8	1.15
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG23	29	1.15
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	3	1.15
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	16	1.15
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	26	1.15
(1,4270)	1:336:A:LYS:HD2	1:336:A:LYS:HA	3	1.15
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD22	30	1.15
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD22	30	1.15
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD22	30	1.15
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD11	1:333:A:LEU:HA	3	1.15
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD12	1:333:A:LEU:HA	3	1.15
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD13	1:333:A:LEU:HA	3	1.15
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD11	1:333:A:LEU:HA	11	1.15
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD12	1:333:A:LEU:HA	11	1.15
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD13	1:333:A:LEU:HA	11	1.15
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD11	1:333:A:LEU:HA	16	1.15
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD12	1:333:A:LEU:HA	16	1.15
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD13	1:333:A:LEU:HA	16	1.15
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD11	1:333:A:LEU:HA	27	1.15
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD12	1:333:A:LEU:HA	27	1.15
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD13	1:333:A:LEU:HA	27	1.15
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD11	1:333:A:LEU:HA	32	1.15
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD12	1:333:A:LEU:HA	32	1.15
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD13	1:333:A:LEU:HA	32	1.15
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD11	1:333:A:LEU:HA	34	1.15
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD12	1:333:A:LEU:HA	34	1.15
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD13	1:333:A:LEU:HA	34	1.15
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD11	1:333:A:LEU:HA	35	1.15
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD12	1:333:A:LEU:HA	35	1.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD13	1:333:A:LEU:HA	35	1.15
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	11	1.15
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	12	1.15
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD21	19	1.15
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD22	19	1.15
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD23	19	1.15
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE3	12	1.14
(1,6740)	1:377:A:MET:HE1	1:412:A:LEU:HD22	17	1.14
(1,6634)	1:253:A:THR:HG22	1:244:A:LYS:HA	16	1.14
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD23	35	1.14
(1,6564)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB2	3	1.14
(1,6537)	1:194:A:LEU:HD23	1:311:A:PRO:HD3	11	1.14
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG23	5	1.14
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD11	1:444:A:ARG:H	18	1.14
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD12	1:280:A:THR:H	25	1.14
(1,6402)	1:377:A:MET:HE1	1:378:A:LYS:HA	25	1.14
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD12	1:413:A:HIS:HE1	11	1.14
(1,6376)	1:377:A:MET:HE1	1:408:A:LEU:HD22	20	1.14
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD13	1:337:A:MET:H	4	1.14
(1,6342)	1:388:A:MET:HE2	1:387:A:THR:H	18	1.14
(1,6329)	1:398:A:ILE:HG21	1:440:A:LYS:HG2	21	1.14
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD11	1:253:A:THR:HG22	21	1.14
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD23	1:305:A:ARG:HG2	28	1.14
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HA	12	1.14
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	12	1.14
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	30	1.14
(1,5837)	1:225:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG23	9	1.14
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD12	1:265:A:SER:H	22	1.14
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG21	1:316:A:LEU:HD21	10	1.14
(1,5707)	1:274:A:LEU:HD11	1:274:A:LEU:HA	15	1.14
(1,5661)	1:415:A:ASP:HB2	1:416:A:LEU:HB3	35	1.14
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD13	22	1.14
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD12	2	1.14
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:271:A:LEU:HD23	5	1.14
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG21	8	1.14
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG21	18	1.14
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG23	21	1.14
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG21	7	1.14
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG22	21	1.14
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG12	32	1.14
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:429:A:LEU:HD22	5	1.14
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD23	14	1.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	11	1.14
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	30	1.14
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:194:A:LEU:HA	30	1.14
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD21	6	1.14
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD22	6	1.14
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD23	6	1.14
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD21	6	1.14
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD22	6	1.14
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD23	6	1.14
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD21	6	1.14
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD22	6	1.14
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD23	6	1.14
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD21	1:315:A:TYR:H	14	1.14
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD22	1:315:A:TYR:H	14	1.14
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD23	1:315:A:TYR:H	14	1.14
(1,3921)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HH2	3	1.14
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD11	7	1.14
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD12	7	1.14
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD13	7	1.14
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD11	7	1.14
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD12	7	1.14
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD13	7	1.14
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD11	7	1.14
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD12	7	1.14
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD13	7	1.14
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD11	10	1.14
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD12	10	1.14
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD13	10	1.14
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD11	10	1.14
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD12	10	1.14
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD13	10	1.14
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD11	10	1.14
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD12	10	1.14
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD13	10	1.14
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG23	1:216:A:CYS:HG	29	1.14
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD11	1:333:A:LEU:HA	14	1.14
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD12	1:333:A:LEU:HA	14	1.14
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD13	1:333:A:LEU:HA	14	1.14
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD11	1:333:A:LEU:HA	22	1.14
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD12	1:333:A:LEU:HA	22	1.14
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD13	1:333:A:LEU:HA	22	1.14
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD11	1:333:A:LEU:HA	33	1.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD12	1:333:A:LEU:HA	33	1.14
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD13	1:333:A:LEU:HA	33	1.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG21	10	1.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG22	10	1.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG23	10	1.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG21	10	1.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG22	10	1.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG23	10	1.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG21	10	1.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG22	10	1.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG23	10	1.14
(1,2639)	1:301:A:GLN:HG2	1:301:A:GLN:H	5	1.14
(1,2216)	1:203:A:MET:HE1	1:204:A:TYR:HD1	15	1.14
(1,2216)	1:203:A:MET:HE1	1:204:A:TYR:HD1	27	1.14
(1,2209)	1:267:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HA	35	1.14
(1,2209)	1:267:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HA	35	1.14
(1,2209)	1:267:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HA	35	1.14
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD21	18	1.14
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD22	18	1.14
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD23	18	1.14
(1,1216)	1:236:A:ILE:H	1:239:A:LYS:HG2	34	1.14
(1,932)	1:320:A:TRP:H	1:373:A:LEU:HD11	25	1.14
(1,932)	1:320:A:TRP:H	1:373:A:LEU:HD12	25	1.14
(1,932)	1:320:A:TRP:H	1:373:A:LEU:HD13	25	1.14
(1,60)	1:375:A:GLN:HE22	1:378:A:LYS:HD3	21	1.14
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	11	1.13
(1,6877)	1:212:A:VAL:HG21	1:270:A:TYR:H	1	1.13
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE3	21	1.13
(1,6702)	1:342:A:ILE:HG22	1:344:A:ILE:HB	8	1.13
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD12	1:346:A:LEU:H	1	1.13
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	15	1.13
(1,6535)	1:203:A:MET:HE1	1:210:A:PRO:HB3	10	1.13
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD11	1:350:A:VAL:H	14	1.13
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG21	1:240:A:VAL:HB	28	1.13
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG22	1:240:A:VAL:HB	30	1.13
(1,6329)	1:398:A:ILE:HG21	1:440:A:LYS:HG2	9	1.13
(1,6257)	1:337:A:MET:HE2	1:328:A:VAL:HB	35	1.13
(1,5903)	1:337:A:MET:HE3	1:343:A:SER:H	31	1.13
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD12	1:307:A:LEU:HA	29	1.13
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD12	1:265:A:SER:H	33	1.13
(1,5775)	1:201:A:THR:HG21	1:202:A:MET:HG3	6	1.13
(1,5756)	1:203:A:MET:HE2	1:255:A:LEU:HD13	1	1.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG13	1:300:A:VAL:HG12	18	1.13
(1,5642)	1:225:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG22	27	1.13
(1,5591)	1:272:A:ARG:HD2	1:349:A:THR:HB	32	1.13
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	25	1.13
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG23	26	1.13
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:255:A:LEU:HD12	21	1.13
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:317:A:LEU:HB3	20	1.13
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:374:A:LYS:HB3	7	1.13
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG13	22	1.13
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD12	15	1.13
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:274:A:LEU:HD23	17	1.13
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD11	27	1.13
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:271:A:LEU:HD23	11	1.13
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HG3	24	1.13
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:194:A:LEU:HA	26	1.13
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD11	1:402:A:ILE:HA	7	1.13
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD12	1:402:A:ILE:HA	7	1.13
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD13	1:402:A:ILE:HA	7	1.13
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD21	1:315:A:TYR:H	10	1.13
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD22	1:315:A:TYR:H	10	1.13
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD23	1:315:A:TYR:H	10	1.13
(1,4270)	1:336:A:LYS:HD2	1:336:A:LYS:HA	34	1.13
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HE1	23	1.13
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HE1	23	1.13
(1,4254)	1:316:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HE1	23	1.13
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD11	14	1.13
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD12	14	1.13
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD13	14	1.13
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD11	14	1.13
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD12	14	1.13
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD13	14	1.13
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD11	14	1.13
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD12	14	1.13
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD13	14	1.13
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	18	1.13
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG23	1:216:A:CYS:HB3	9	1.13
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD11	1:333:A:LEU:HA	1	1.13
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD12	1:333:A:LEU:HA	1	1.13
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD13	1:333:A:LEU:HA	1	1.13
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD11	1:333:A:LEU:HA	4	1.13
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD12	1:333:A:LEU:HA	4	1.13
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD13	1:333:A:LEU:HA	4	1.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD11	1:333:A:LEU:HA	5	1.13
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD12	1:333:A:LEU:HA	5	1.13
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD13	1:333:A:LEU:HA	5	1.13
(1,2907)	1:331:A:LYS:HE3	1:334:A:GLU:H	28	1.13
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD21	11	1.13
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD22	11	1.13
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD23	11	1.13
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	8	1.13
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG23	1:357:A:LEU:HB3	2	1.12
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG21	1:357:A:LEU:HB3	3	1.12
(1,6804)	1:267:A:LEU:HD22	1:212:A:VAL:HG13	10	1.12
(1,6804)	1:267:A:LEU:HD21	1:212:A:VAL:HG12	20	1.12
(1,6790)	1:413:A:HIS:HE1	1:416:A:LEU:HD21	20	1.12
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	10	1.12
(1,6740)	1:377:A:MET:HE2	1:412:A:LEU:HD22	23	1.12
(1,6655)	1:244:A:LYS:HD2	1:269:A:GLN:HB2	33	1.12
(1,6634)	1:253:A:THR:HG22	1:244:A:LYS:HA	31	1.12
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	19	1.12
(1,6535)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB3	19	1.12
(1,6525)	1:203:A:MET:HE3	1:207:A:ILE:HG12	4	1.12
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG13	1:231:A:TYR:HD1	19	1.12
(1,6402)	1:377:A:MET:HE1	1:378:A:LYS:HA	7	1.12
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG23	1:240:A:VAL:HB	13	1.12
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG23	1:240:A:VAL:HB	20	1.12
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD13	1:335:A:THR:HG23	20	1.12
(1,6257)	1:337:A:MET:HE1	1:328:A:VAL:HB	15	1.12
(1,6257)	1:337:A:MET:HE3	1:328:A:VAL:HB	29	1.12
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:328:A:VAL:HG21	35	1.12
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD22	1:207:A:ILE:HD13	19	1.12
(1,5903)	1:337:A:MET:HE3	1:343:A:SER:H	16	1.12
(1,5903)	1:337:A:MET:HE3	1:343:A:SER:H	33	1.12
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD13	1:373:A:LEU:HA	7	1.12
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HA	30	1.12
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	33	1.12
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD12	1:307:A:LEU:HA	35	1.12
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	12	1.12
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD13	1:265:A:SER:H	7	1.12
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD12	1:265:A:SER:H	9	1.12
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG21	1:316:A:LEU:HD12	1	1.12
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD13	1:317:A:LEU:H	15	1.12
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD13	1:317:A:LEU:H	32	1.12
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD12	1:317:A:LEU:H	34	1.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5707)	1:274:A:LEU:HD12	1:274:A:LEU:HA	27	1.12
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB1	1:189:A:ILE:HD12	26	1.12
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:350:A:VAL:HG13	35	1.12
(1,5290)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HB2	23	1.12
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG22	3	1.12
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG23	4	1.12
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG23	30	1.12
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG11	15	1.12
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD12	26	1.12
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:337:A:MET:HB3	17	1.12
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HG3	30	1.12
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG22	30	1.12
(1,4270)	1:336:A:LYS:HD2	1:336:A:LYS:HA	19	1.12
(1,4270)	1:336:A:LYS:HD2	1:336:A:LYS:HA	20	1.12
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD11	29	1.12
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD12	29	1.12
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD13	29	1.12
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD11	29	1.12
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD12	29	1.12
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD13	29	1.12
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD11	29	1.12
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD12	29	1.12
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD13	29	1.12
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG22	1:216:A:CYS:HG	11	1.12
(1,3131)	1:203:A:MET:HE1	1:215:A:GLU:HG3	29	1.12
(1,3131)	1:203:A:MET:HE2	1:215:A:GLU:HG3	29	1.12
(1,3131)	1:203:A:MET:HE3	1:215:A:GLU:HG3	29	1.12
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD11	25	1.12
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD12	25	1.12
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD13	25	1.12
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD11	25	1.12
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD12	25	1.12
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD13	25	1.12
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD11	25	1.12
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD12	25	1.12
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD13	25	1.12
(1,2956)	1:296:A:GLU:HB2	1:300:A:VAL:HG11	21	1.12
(1,2956)	1:296:A:GLU:HB2	1:300:A:VAL:HG12	21	1.12
(1,2956)	1:296:A:GLU:HB2	1:300:A:VAL:HG13	21	1.12
(1,2209)	1:267:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HA	7	1.12
(1,2209)	1:267:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HA	7	1.12
(1,2209)	1:267:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HA	7	1.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,932)	1:320:A:TRP:H	1:373:A:LEU:HD11	19	1.12
(1,932)	1:320:A:TRP:H	1:373:A:LEU:HD12	19	1.12
(1,932)	1:320:A:TRP:H	1:373:A:LEU:HD13	19	1.12
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD21	15	1.12
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD22	15	1.12
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD23	15	1.12
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	21	1.12
(1,6877)	1:212:A:VAL:HG22	1:270:A:TYR:H	21	1.11
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG22	1:366:A:GLU:HB2	12	1.11
(1,6792)	1:258:A:TYR:HD2	1:240:A:VAL:HG23	13	1.11
(1,6702)	1:342:A:ILE:HG21	1:344:A:ILE:HB	31	1.11
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE1	1:310:A:LEU:HD13	4	1.11
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD23	1:363:A:HIS:H	15	1.11
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD12	1:324:A:HIS:H	2	1.11
(1,6535)	1:203:A:MET:HE1	1:210:A:PRO:HB3	6	1.11
(1,6535)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB3	18	1.11
(1,6535)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB3	23	1.11
(1,6486)	1:272:A:ARG:HG3	1:269:A:GLN:HG2	8	1.11
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG13	1:231:A:TYR:HD1	27	1.11
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD12	1:350:A:VAL:H	18	1.11
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG22	1:189:A:ILE:HB	10	1.11
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	5	1.11
(1,6365)	1:359:A:VAL:HG13	1:360:A:PHE:HB3	24	1.11
(1,6329)	1:398:A:ILE:HG22	1:440:A:LYS:HG2	33	1.11
(1,6205)	1:329:A:ILE:HD12	1:325:A:MET:HE1	31	1.11
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:328:A:VAL:HG22	34	1.11
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG22	1:266:A:LEU:HD22	28	1.11
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD21	1:305:A:ARG:HG2	4	1.11
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:271:A:LEU:HD22	19	1.11
(1,5903)	1:337:A:MET:HE1	1:343:A:SER:H	3	1.11
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	34	1.11
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD13	1:265:A:SER:H	10	1.11
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD13	1:265:A:SER:H	21	1.11
(1,5789)	1:429:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:HG3	9	1.11
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG23	1:316:A:LEU:HD12	32	1.11
(1,5707)	1:274:A:LEU:HD12	1:274:A:LEU:HA	10	1.11
(1,5707)	1:274:A:LEU:HD12	1:274:A:LEU:HA	35	1.11
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB1	1:266:A:LEU:HD23	3	1.11
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG23	34	1.11
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD23	15	1.11
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD12	7	1.11
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:230:A:ILE:HG22	10	1.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HG2	14	1.11
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HG3	25	1.11
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:193:A:PRO:HD2	10	1.11
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD21	1:315:A:TYR:H	7	1.11
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD22	1:315:A:TYR:H	7	1.11
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD23	1:315:A:TYR:H	7	1.11
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD22	35	1.11
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD22	35	1.11
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD22	35	1.11
(1,3921)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HH2	18	1.11
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	7	1.11
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE3	19	1.11
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	34	1.11
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	6	1.11
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	6	1.11
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	6	1.11
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD11	8	1.11
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD12	8	1.11
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD13	8	1.11
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD11	8	1.11
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD12	8	1.11
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD13	8	1.11
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD11	8	1.11
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD12	8	1.11
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD13	8	1.11
(1,3131)	1:203:A:MET:HE1	1:215:A:GLU:HG3	9	1.11
(1,3131)	1:203:A:MET:HE2	1:215:A:GLU:HG3	9	1.11
(1,3131)	1:203:A:MET:HE3	1:215:A:GLU:HG3	9	1.11
(1,3131)	1:203:A:MET:HE1	1:215:A:GLU:HG3	12	1.11
(1,3131)	1:203:A:MET:HE2	1:215:A:GLU:HG3	12	1.11
(1,3131)	1:203:A:MET:HE3	1:215:A:GLU:HG3	12	1.11
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD11	7	1.11
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD12	7	1.11
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD13	7	1.11
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD11	7	1.11
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD12	7	1.11
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD13	7	1.11
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD11	7	1.11
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD12	7	1.11
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD13	7	1.11
(1,6853)	1:239:A:LYS:HD3	1:262:A:THR:HG22	25	1.1
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HB3	34	1.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6740)	1:377:A:MET:HE2	1:412:A:LEU:HD22	31	1.1
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:H	3	1.1
(1,6535)	1:203:A:MET:HE3	1:210:A:PRO:HB3	29	1.1
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HB3	31	1.1
(1,6402)	1:377:A:MET:HE1	1:378:A:LYS:HA	2	1.1
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD11	1:337:A:MET:H	17	1.1
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD12	1:341:A:ASN:HD22	26	1.1
(1,6332)	1:267:A:LEU:HD22	1:213:A:PHE:HZ	2	1.1
(1,6329)	1:398:A:ILE:HG21	1:440:A:LYS:HG2	13	1.1
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD13	1:198:A:VAL:HA	18	1.1
(1,6000)	1:225:A:MET:HE3	1:326:A:ASP:H	1	1.1
(1,6000)	1:225:A:MET:HE3	1:326:A:ASP:H	13	1.1
(1,5908)	1:380:A:LEU:HD12	1:382:A:TRP:HB2	15	1.1
(1,5775)	1:201:A:THR:HG23	1:202:A:MET:HG3	3	1.1
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD12	1:317:A:LEU:H	4	1.1
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD12	1:317:A:LEU:H	8	1.1
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD12	1:317:A:LEU:H	19	1.1
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD12	1:317:A:LEU:H	23	1.1
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD11	1:317:A:LEU:H	30	1.1
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD13	1:317:A:LEU:H	35	1.1
(1,5707)	1:274:A:LEU:HD13	1:274:A:LEU:HA	29	1.1
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG12	1:300:A:VAL:HG12	31	1.1
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	5	1.1
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD13	27	1.1
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD12	29	1.1
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG21	4	1.1
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	16	1.1
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD11	4	1.1
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:271:A:LEU:HD23	7	1.1
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG23	17	1.1
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG23	6	1.1
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG22	12	1.1
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG21	14	1.1
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG21	20	1.1
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG21	23	1.1
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HG2	10	1.1
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	20	1.1
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	20	1.1
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	20	1.1
(1,3093)	1:305:A:ARG:HD3	1:283:A:LEU:HD11	11	1.1
(1,3093)	1:305:A:ARG:HD3	1:283:A:LEU:HD12	11	1.1
(1,3093)	1:305:A:ARG:HD3	1:283:A:LEU:HD13	11	1.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2889)	1:222:A:LYS:HE2	1:222:A:LYS:HG2	29	1.1
(1,2229)	1:377:A:MET:HE2	1:204:A:TYR:HE1	11	1.1
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD21	17	1.1
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD22	17	1.1
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD23	17	1.1
(1,43)	1:300:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG21	3	1.1
(1,43)	1:300:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG22	3	1.1
(1,43)	1:300:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG23	3	1.1
(1,6877)	1:212:A:VAL:HG21	1:270:A:TYR:H	25	1.09
(1,6702)	1:342:A:ILE:HG22	1:344:A:ILE:HB	17	1.09
(1,6702)	1:342:A:ILE:HG22	1:344:A:ILE:HB	32	1.09
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HE2	29	1.09
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD13	1:346:A:LEU:H	21	1.09
(1,6644)	1:344:A:ILE:HD13	1:346:A:LEU:H	28	1.09
(1,6634)	1:253:A:THR:HG22	1:244:A:LYS:HA	3	1.09
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD13	1:325:A:MET:H	22	1.09
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD21	15	1.09
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG22	1:366:A:GLU:H	14	1.09
(1,6539)	1:278:A:LEU:HD23	1:280:A:THR:H	35	1.09
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG22	9	1.09
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG23	35	1.09
(1,6365)	1:359:A:VAL:HG11	1:360:A:PHE:HB3	29	1.09
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD13	1:374:A:LYS:HA	10	1.09
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG23	1:240:A:VAL:HB	5	1.09
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG23	1:240:A:VAL:HB	12	1.09
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG22	1:240:A:VAL:HB	34	1.09
(1,6298)	1:208:A:ARG:HG3	1:312:A:GLU:HB2	7	1.09
(1,6257)	1:337:A:MET:HE3	1:328:A:VAL:HB	16	1.09
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:HD12	12	1.09
(1,6012)	1:359:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG13	22	1.09
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD12	1:284:A:MET:HE3	18	1.09
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD21	1:305:A:ARG:HG2	21	1.09
(1,5948)	1:189:A:ILE:HD12	1:196:A:ASP:HB3	24	1.09
(1,5903)	1:337:A:MET:HE3	1:343:A:SER:H	7	1.09
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	19	1.09
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	19	1.09
(1,5775)	1:201:A:THR:HG22	1:202:A:MET:HG3	1	1.09
(1,5775)	1:201:A:THR:HG23	1:202:A:MET:HG3	2	1.09
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD12	1:317:A:LEU:H	13	1.09
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD13	1:317:A:LEU:H	24	1.09
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD12	1:317:A:LEU:H	31	1.09
(1,5707)	1:274:A:LEU:HD11	1:274:A:LEU:HA	25	1.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB2	1:189:A:ILE:HD13	28	1.09
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD12	10	1.09
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD11	3	1.09
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:266:A:LEU:HD11	23	1.09
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG22	26	1.09
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG21	8	1.09
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG21	17	1.09
(1,5201)	1:280:A:THR:H	1:278:A:LEU:HD23	35	1.09
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG22	16	1.09
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG23	24	1.09
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	15	1.09
(1,4867)	1:235:A:GLY:H	1:262:A:THR:HG21	10	1.09
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:337:A:MET:HB3	1	1.09
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE1	9	1.09
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	27	1.09
(1,4688)	1:318:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD21	21	1.09
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD11	1:416:A:LEU:HA	18	1.09
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD12	1:416:A:LEU:HA	18	1.09
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD13	1:416:A:LEU:HA	18	1.09
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD11	1:430:A:TRP:HZ2	24	1.09
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HZ2	24	1.09
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD13	1:430:A:TRP:HZ2	24	1.09
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD21	1:315:A:TYR:H	31	1.09
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD22	1:315:A:TYR:H	31	1.09
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD23	1:315:A:TYR:H	31	1.09
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	14	1.09
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	14	1.09
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	14	1.09
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD11	7	1.09
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD12	7	1.09
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD13	7	1.09
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD11	7	1.09
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD12	7	1.09
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD13	7	1.09
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD11	7	1.09
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD12	7	1.09
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD13	7	1.09
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD11	20	1.09
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD12	20	1.09
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD13	20	1.09
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD11	20	1.09
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD12	20	1.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD13	20	1.09
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD11	20	1.09
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD12	20	1.09
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD13	20	1.09
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD11	1:333:A:LEU:HA	24	1.09
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD12	1:333:A:LEU:HA	24	1.09
(1,3213)	1:333:A:LEU:HD13	1:333:A:LEU:HA	24	1.09
(1,1658)	1:375:A:GLN:HE21	1:378:A:LYS:HD2	32	1.09
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	28	1.09
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD21	16	1.09
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD22	16	1.09
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD23	16	1.09
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD21	25	1.09
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD22	25	1.09
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD23	25	1.09
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	5	1.09
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	30	1.09
(1,1061)	1:320:A:TRP:HE1	1:373:A:LEU:HD11	14	1.09
(1,1061)	1:320:A:TRP:HE1	1:373:A:LEU:HD12	14	1.09
(1,1061)	1:320:A:TRP:HE1	1:373:A:LEU:HD13	14	1.09
(2,63)	1:255:A:LEU:HD21	1:215:A:GLU:H	7	1.08
(2,63)	1:255:A:LEU:HD22	1:215:A:GLU:H	7	1.08
(2,63)	1:255:A:LEU:HD23	1:215:A:GLU:H	7	1.08
(1,6766)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HA	9	1.08
(1,6639)	1:194:A:LEU:HD21	1:198:A:VAL:HB	34	1.08
(1,6564)	1:203:A:MET:HE1	1:210:A:PRO:HB2	17	1.08
(1,6546)	1:367:A:LEU:HD22	1:363:A:HIS:HB3	18	1.08
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG21	1:366:A:GLU:H	7	1.08
(1,6535)	1:203:A:MET:HE1	1:210:A:PRO:HB3	16	1.08
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG23	11	1.08
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD11	1:320:A:TRP:HB3	2	1.08
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD11	1:337:A:MET:H	11	1.08
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD12	1:337:A:MET:H	30	1.08
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD12	1:337:A:MET:H	34	1.08
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG23	1:240:A:VAL:HB	7	1.08
(1,6317)	1:225:A:MET:HE2	1:325:A:MET:H	18	1.08
(1,6263)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:H	12	1.08
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG13	16	1.08
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG12	33	1.08
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD23	1:257:A:ASP:HB3	18	1.08
(1,6248)	1:317:A:LEU:HD23	1:320:A:TRP:HB3	5	1.08
(1,6161)	1:274:A:LEU:HD22	1:212:A:VAL:HG23	29	1.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:328:A:VAL:HG21	20	1.08
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD13	1:284:A:MET:HE1	14	1.08
(1,5958)	1:198:A:VAL:HG11	1:202:A:MET:HE3	4	1.08
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD11	1:407:A:PHE:H	21	1.08
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD11	1:407:A:PHE:H	34	1.08
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD13	1:373:A:LEU:HA	17	1.08
(1,5881)	1:202:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:HA	33	1.08
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD13	1:265:A:SER:H	32	1.08
(1,5779)	1:438:A:ALA:HB3	1:392:A:PRO:HD2	8	1.08
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG22	1:316:A:LEU:HD12	27	1.08
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD12	1:317:A:LEU:H	2	1.08
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD12	1:317:A:LEU:H	9	1.08
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD13	1:317:A:LEU:H	18	1.08
(1,5708)	1:436:A:LEU:HD11	1:402:A:ILE:H	2	1.08
(1,5707)	1:274:A:LEU:HD11	1:274:A:LEU:HA	22	1.08
(1,5605)	1:337:A:MET:HE2	1:342:A:ILE:HA	29	1.08
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD12	14	1.08
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG22	1	1.08
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:344:A:ILE:HA	28	1.08
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:344:A:ILE:HA	31	1.08
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:271:A:LEU:HD23	31	1.08
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG22	25	1.08
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	29	1.08
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG21	31	1.08
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG23	34	1.08
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG11	9	1.08
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	23	1.08
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	8	1.08
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:337:A:MET:HB3	8	1.08
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	28	1.08
(1,4688)	1:318:A:ILE:H	1:278:A:LEU:HD22	3	1.08
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:194:A:LEU:HA	33	1.08
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HD11	7	1.08
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HD12	7	1.08
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HD13	7	1.08
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HD11	7	1.08
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HD12	7	1.08
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HD13	7	1.08
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HD11	7	1.08
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HD12	7	1.08
(1,3950)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HD13	7	1.08
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	28	1.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	33	1.08
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	11	1.08
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	11	1.08
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	11	1.08
(1,3684)	1:267:A:LEU:HD13	1:216:A:CYS:HB3	35	1.08
(1,2934)	1:383:A:SER:HB2	1:386:A:ALA:HB1	20	1.08
(1,2934)	1:383:A:SER:HB2	1:386:A:ALA:HB2	20	1.08
(1,2934)	1:383:A:SER:HB2	1:386:A:ALA:HB3	20	1.08
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD21	2	1.08
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD22	2	1.08
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD23	2	1.08
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD21	20	1.08
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD22	20	1.08
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD23	20	1.08
(1,1061)	1:320:A:TRP:HE1	1:373:A:LEU:HD11	25	1.08
(1,1061)	1:320:A:TRP:HE1	1:373:A:LEU:HD12	25	1.08
(1,1061)	1:320:A:TRP:HE1	1:373:A:LEU:HD13	25	1.08
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD21	6	1.08
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD22	6	1.08
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD23	6	1.08
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG11	29	1.08
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG12	29	1.08
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG13	29	1.08
(1,60)	1:375:A:GLN:HE22	1:378:A:LYS:HB2	29	1.08
(2,82)	1:391:A:LEU:HD21	1:388:A:MET:HG3	21	1.07
(2,82)	1:391:A:LEU:HD22	1:388:A:MET:HG3	21	1.07
(2,82)	1:391:A:LEU:HD23	1:388:A:MET:HG3	21	1.07
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HB3	8	1.07
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HA	30	1.07
(1,6655)	1:244:A:LYS:HD2	1:240:A:VAL:HB	6	1.07
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG22	15	1.07
(1,6515)	1:325:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HA	23	1.07
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:HG2	4	1.07
(1,6402)	1:377:A:MET:HE3	1:378:A:LYS:HA	15	1.07
(1,6368)	1:334:A:GLU:HG3	1:333:A:LEU:HB2	4	1.07
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD11	1:374:A:LYS:HA	4	1.07
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD12	1:335:A:THR:HG22	24	1.07
(1,6221)	1:225:A:MET:HE2	1:331:A:LYS:HG2	31	1.07
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD21	1:253:A:THR:H	31	1.07
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD11	1:198:A:VAL:HA	6	1.07
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD22	1:305:A:ARG:HG2	22	1.07
(1,5930)	1:320:A:TRP:HZ3	1:373:A:LEU:HD21	3	1.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5930)	1:320:A:TRP:HZ3	1:373:A:LEU:HD21	26	1.07
(1,5903)	1:337:A:MET:HE3	1:343:A:SER:H	26	1.07
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HA	34	1.07
(1,5775)	1:201:A:THR:HG22	1:202:A:MET:HG3	12	1.07
(1,5775)	1:201:A:THR:HG21	1:202:A:MET:HG3	30	1.07
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD13	1:317:A:LEU:H	1	1.07
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG23	33	1.07
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD12	1:315:A:TYR:HA	6	1.07
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB2	1:266:A:LEU:HD23	11	1.07
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG12	1:300:A:VAL:HG12	23	1.07
(1,5482)	1:398:A:ILE:H	1:395:A:GLN:HG2	31	1.07
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD11	15	1.07
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD13	29	1.07
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG23	6	1.07
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG21	9	1.07
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG23	11	1.07
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG23	25	1.07
(1,5328)	1:185:A:ASN:HD21	1:187:A:LYS:HB2	13	1.07
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	13	1.07
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG23	24	1.07
(1,5163)	1:327:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HG	14	1.07
(1,5121)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HD13	4	1.07
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	17	1.07
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	20	1.07
(1,4977)	1:253:A:THR:H	1:251:A:GLU:HB2	7	1.07
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG21	27	1.07
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:429:A:LEU:HD22	22	1.07
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:429:A:LEU:HD23	27	1.07
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:230:A:ILE:HG22	18	1.07
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:337:A:MET:HB3	15	1.07
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:356:A:VAL:HG21	20	1.07
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG21	28	1.07
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:194:A:LEU:HA	12	1.07
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG21	27	1.07
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG22	27	1.07
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG23	27	1.07
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD11	1:430:A:TRP:HZ2	22	1.07
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HZ2	22	1.07
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD13	1:430:A:TRP:HZ2	22	1.07
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD21	1:315:A:TYR:H	17	1.07
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD22	1:315:A:TYR:H	17	1.07
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD23	1:315:A:TYR:H	17	1.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD21	1:315:A:TYR:H	28	1.07
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD22	1:315:A:TYR:H	28	1.07
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD23	1:315:A:TYR:H	28	1.07
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD22	16	1.07
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD22	16	1.07
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD22	16	1.07
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	2	1.07
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	2	1.07
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	2	1.07
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	9	1.07
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	9	1.07
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	9	1.07
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	9	1.07
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	9	1.07
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	9	1.07
(1,2889)	1:222:A:LYS:HE2	1:222:A:LYS:HG2	27	1.07
(1,2639)	1:301:A:GLN:HG2	1:301:A:GLN:H	10	1.07
(1,2110)	1:226:A:LYS:HG3	1:334:A:GLU:HG3	20	1.07
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	1	1.06
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE1	29	1.06
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HB3	5	1.06
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG22	1:357:A:LEU:HB3	7	1.06
(1,6660)	1:210:A:PRO:HB3	1:274:A:LEU:HD22	29	1.06
(1,6634)	1:253:A:THR:HG23	1:244:A:LYS:HA	14	1.06
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD21	1:363:A:HIS:H	23	1.06
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD23	1:432:A:VAL:HG12	27	1.06
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG21	1:366:A:GLU:H	35	1.06
(1,6525)	1:203:A:MET:HE1	1:207:A:ILE:HG12	8	1.06
(1,6515)	1:325:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HA	3	1.06
(1,6486)	1:272:A:ARG:HG3	1:269:A:GLN:HG2	12	1.06
(1,6402)	1:377:A:MET:HE2	1:378:A:LYS:HA	27	1.06
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG23	1:240:A:VAL:HB	3	1.06
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD11	1:335:A:THR:HG22	27	1.06
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG12	1	1.06
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD22	1:321:A:LEU:HD11	4	1.06
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD23	1:398:A:ILE:H	3	1.06
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD23	1:398:A:ILE:H	5	1.06
(1,5930)	1:320:A:TRP:HZ3	1:373:A:LEU:HD23	13	1.06
(1,5885)	1:300:A:VAL:HG11	1:296:A:GLU:HB2	20	1.06
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD12	1:307:A:LEU:HA	13	1.06
(1,5837)	1:225:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG21	20	1.06
(1,5775)	1:201:A:THR:HG21	1:202:A:MET:HG3	34	1.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD12	1:317:A:LEU:H	11	1.06
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD11	1:317:A:LEU:H	14	1.06
(1,5701)	1:302:A:GLU:HG2	1:286:A:ARG:HD3	32	1.06
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD13	1:315:A:TYR:HA	5	1.06
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD11	23	1.06
(1,5407)	1:214:A:ARG:H	1:209:A:LEU:HG	20	1.06
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD13	2	1.06
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG21	27	1.06
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG23	33	1.06
(1,5329)	1:270:A:TYR:H	1:266:A:LEU:HD12	17	1.06
(1,5290)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HB2	11	1.06
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG23	30	1.06
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD21	23	1.06
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG21	18	1.06
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG21	22	1.06
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG11	19	1.06
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:429:A:LEU:HD22	8	1.06
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD13	16	1.06
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	20	1.06
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:230:A:ILE:HG23	4	1.06
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	33	1.06
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD11	1:416:A:LEU:HA	24	1.06
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD12	1:416:A:LEU:HA	24	1.06
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD13	1:416:A:LEU:HA	24	1.06
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD11	1:430:A:TRP:HZ2	19	1.06
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HZ2	19	1.06
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD13	1:430:A:TRP:HZ2	19	1.06
(1,3224)	1:327:A:HIS:HD2	1:373:A:LEU:HB2	4	1.06
(1,2642)	1:373:A:LEU:HD21	1:327:A:HIS:HE1	30	1.06
(1,2642)	1:373:A:LEU:HD22	1:327:A:HIS:HE1	30	1.06
(1,2642)	1:373:A:LEU:HD23	1:327:A:HIS:HE1	30	1.06
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD21	6	1.06
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD22	6	1.06
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD23	6	1.06
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG21	1:357:A:LEU:HB3	5	1.05
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG22	1:357:A:LEU:HB3	20	1.05
(1,6660)	1:210:A:PRO:HB3	1:274:A:LEU:HD21	32	1.05
(1,6634)	1:253:A:THR:HG21	1:244:A:LYS:HA	8	1.05
(1,6549)	1:337:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG21	35	1.05
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG22	1:366:A:GLU:H	4	1.05
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG22	1:366:A:GLU:H	34	1.05
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG23	3	1.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6506)	1:312:A:GLU:HG2	1:208:A:ARG:HG3	23	1.05
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD23	1:413:A:HIS:H	10	1.05
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD21	1:413:A:HIS:H	16	1.05
(1,6374)	1:243:A:LEU:HD22	1:255:A:LEU:HD12	19	1.05
(1,6329)	1:398:A:ILE:HG21	1:440:A:LYS:HG2	31	1.05
(1,6257)	1:337:A:MET:HE3	1:328:A:VAL:HB	34	1.05
(1,6222)	1:409:A:LEU:HD23	1:408:A:LEU:H	5	1.05
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG23	1:266:A:LEU:HD21	4	1.05
(1,6009)	1:246:A:ALA:HA	1:251:A:GLU:HG2	32	1.05
(1,6000)	1:225:A:MET:HE1	1:326:A:ASP:H	5	1.05
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	15	1.05
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD12	1:265:A:SER:H	15	1.05
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD13	1:265:A:SER:H	34	1.05
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD12	1:401:A:GLU:HG2	13	1.05
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD13	1:317:A:LEU:H	6	1.05
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD13	1:317:A:LEU:H	27	1.05
(1,5707)	1:274:A:LEU:HD11	1:274:A:LEU:HA	21	1.05
(1,5707)	1:274:A:LEU:HD11	1:274:A:LEU:HA	23	1.05
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD13	1:315:A:TYR:HA	29	1.05
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB1	1:266:A:LEU:HD21	4	1.05
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	7	1.05
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG23	1:314:A:ASN:HB3	14	1.05
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:350:A:VAL:HG23	19	1.05
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD12	21	1.05
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD13	12	1.05
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG23	5	1.05
(1,5200)	1:269:A:GLN:HE22	1:240:A:VAL:HG12	15	1.05
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG23	18	1.05
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG11	12	1.05
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG13	13	1.05
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:429:A:LEU:HD21	7	1.05
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD13	21	1.05
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:345:A:VAL:HG21	19	1.05
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	27	1.05
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	13	1.05
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:337:A:MET:HB3	11	1.05
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE3	6	1.05
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG21	4	1.05
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG23	21	1.05
(1,4703)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HB2	22	1.05
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD21	34	1.05
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD22	34	1.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD23	34	1.05
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD11	1:416:A:LEU:HA	6	1.05
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD12	1:416:A:LEU:HA	6	1.05
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD13	1:416:A:LEU:HA	6	1.05
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD11	1:416:A:LEU:HA	34	1.05
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD12	1:416:A:LEU:HA	34	1.05
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD13	1:416:A:LEU:HA	34	1.05
(1,4270)	1:336:A:LYS:HD2	1:336:A:LYS:HA	25	1.05
(1,3921)	1:385:A:MET:HE2	1:382:A:TRP:HH2	27	1.05
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	25	1.05
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	30	1.05
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	35	1.05
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	15	1.05
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	15	1.05
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	15	1.05
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	26	1.05
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	26	1.05
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	26	1.05
(1,3656)	1:226:A:LYS:HB2	1:334:A:GLU:HG3	18	1.05
(1,3131)	1:203:A:MET:HE1	1:215:A:GLU:HG3	2	1.05
(1,3131)	1:203:A:MET:HE2	1:215:A:GLU:HG3	2	1.05
(1,3131)	1:203:A:MET:HE3	1:215:A:GLU:HG3	2	1.05
(1,2889)	1:222:A:LYS:HE2	1:222:A:LYS:HG2	5	1.05
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	27	1.05
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD21	29	1.05
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD22	29	1.05
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD23	29	1.05
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD21	32	1.05
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD22	32	1.05
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD23	32	1.05
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	25	1.04
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG22	1:357:A:LEU:HB3	33	1.04
(1,6804)	1:267:A:LEU:HD21	1:212:A:VAL:HG13	31	1.04
(1,6781)	1:194:A:LEU:HD22	1:192:A:ILE:HG13	4	1.04
(1,6766)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HA	4	1.04
(1,6674)	1:339:A:ILE:HD11	1:361:A:PHE:HA	20	1.04
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD21	1:363:A:HIS:H	34	1.04
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:420:A:ILE:HG21	22	1.04
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:H	2	1.04
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG21	1:366:A:GLU:H	9	1.04
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG21	1:366:A:GLU:H	20	1.04
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HB3	6	1.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	35	1.04
(1,6386)	1:398:A:ILE:HD13	1:392:A:PRO:HD2	12	1.04
(1,6365)	1:359:A:VAL:HG12	1:360:A:PHE:HB3	6	1.04
(1,6329)	1:398:A:ILE:HG23	1:440:A:LYS:HG2	4	1.04
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD23	1:194:A:LEU:HD11	7	1.04
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD11	1:335:A:THR:HG22	25	1.04
(1,6263)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:H	18	1.04
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG11	15	1.04
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG11	35	1.04
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD23	1:253:A:THR:H	35	1.04
(1,6141)	1:278:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HB3	5	1.04
(1,5965)	1:279:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:HG12	19	1.04
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	5	1.04
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD11	1:265:A:SER:H	25	1.04
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD12	1:265:A:SER:H	29	1.04
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB3	1:255:A:LEU:HD23	4	1.04
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD21	26	1.04
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	21	1.04
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD12	11	1.04
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG21	35	1.04
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	2	1.04
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG21	13	1.04
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG23	34	1.04
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG21	26	1.04
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD21	34	1.04
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG21	2	1.04
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:429:A:LEU:HD21	9	1.04
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD11	1:416:A:LEU:HA	1	1.04
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD12	1:416:A:LEU:HA	1	1.04
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD13	1:416:A:LEU:HA	1	1.04
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	5	1.04
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	5	1.04
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	5	1.04
(1,4042)	1:239:A:LYS:HD3	1:242:A:GLU:HB2	4	1.04
(1,3860)	1:308:A:LYS:HD3	1:304:A:GLN:HB2	10	1.04
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	17	1.04
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	17	1.04
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	17	1.04
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	27	1.04
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	27	1.04
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	27	1.04
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	33	1.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	33	1.04
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	33	1.04
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	35	1.04
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	35	1.04
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	35	1.04
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	35	1.04
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	35	1.04
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	35	1.04
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HB3	30	1.04
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD12	1:227:A:CYS:HB3	30	1.04
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD13	1:227:A:CYS:HB3	30	1.04
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD21	2	1.04
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD22	2	1.04
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD23	2	1.04
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	10	1.04
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	26	1.04
(2,82)	1:391:A:LEU:HD21	1:388:A:MET:HG3	3	1.03
(2,82)	1:391:A:LEU:HD22	1:388:A:MET:HG3	3	1.03
(2,82)	1:391:A:LEU:HD23	1:388:A:MET:HG3	3	1.03
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	29	1.03
(2,7)	1:429:A:LEU:H	1:416:A:LEU:HD11	7	1.03
(2,7)	1:429:A:LEU:H	1:416:A:LEU:HD12	7	1.03
(2,7)	1:429:A:LEU:H	1:416:A:LEU:HD13	7	1.03
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD12	1:408:A:LEU:H	17	1.03
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG21	1:366:A:GLU:HB2	9	1.03
(1,6660)	1:210:A:PRO:HB3	1:274:A:LEU:HD23	15	1.03
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD21	1:363:A:HIS:H	27	1.03
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD13	1:350:A:VAL:H	31	1.03
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG22	1:271:A:LEU:HG	11	1.03
(1,6402)	1:377:A:MET:HE1	1:378:A:LYS:HA	22	1.03
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG21	1:444:A:ARG:HA	35	1.03
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD12	1:374:A:LYS:HA	3	1.03
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD13	1:374:A:LYS:HA	18	1.03
(1,6317)	1:225:A:MET:HE3	1:325:A:MET:H	10	1.03
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD22	1:253:A:THR:H	8	1.03
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG23	1:266:A:LEU:HD21	8	1.03
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD11	1:364:A:VAL:HB	35	1.03
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD22	1:398:A:ILE:H	4	1.03
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD12	1:325:A:MET:HE3	12	1.03
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD11	1:407:A:PHE:H	15	1.03
(1,5881)	1:202:A:MET:HE3	1:208:A:ARG:HD3	23	1.03
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD11	1:395:A:GLN:HG2	31	1.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD11	1:317:A:LEU:H	17	1.03
(1,5736)	1:318:A:ILE:HD11	1:317:A:LEU:H	22	1.03
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD11	1:315:A:TYR:HA	23	1.03
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	18	1.03
(1,5482)	1:398:A:ILE:H	1:400:A:GLU:HG2	10	1.03
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD12	32	1.03
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG23	10	1.03
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD12	25	1.03
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG21	3	1.03
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG23	10	1.03
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	20	1.03
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG23	29	1.03
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG22	31	1.03
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG23	35	1.03
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:210:A:PRO:HB3	19	1.03
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD21	27	1.03
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG21	33	1.03
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG23	35	1.03
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG13	21	1.03
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:429:A:LEU:HD23	24	1.03
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	22	1.03
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:263:A:VAL:HG22	28	1.03
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG22	5	1.03
(1,4688)	1:318:A:ILE:H	1:278:A:LEU:HD21	15	1.03
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD11	1:416:A:LEU:HA	12	1.03
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD12	1:416:A:LEU:HA	12	1.03
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD13	1:416:A:LEU:HA	12	1.03
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD11	1:416:A:LEU:HA	19	1.03
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD12	1:416:A:LEU:HA	19	1.03
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD13	1:416:A:LEU:HA	19	1.03
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD11	1:416:A:LEU:HA	28	1.03
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD12	1:416:A:LEU:HA	28	1.03
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD13	1:416:A:LEU:HA	28	1.03
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD11	1:436:A:LEU:HA	6	1.03
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD12	1:436:A:LEU:HA	6	1.03
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD13	1:436:A:LEU:HA	6	1.03
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD11	1:436:A:LEU:HA	14	1.03
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD12	1:436:A:LEU:HA	14	1.03
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD13	1:436:A:LEU:HA	14	1.03
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD21	1:315:A:TYR:H	1	1.03
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD22	1:315:A:TYR:H	1	1.03
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD23	1:315:A:TYR:H	1	1.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD11	22	1.03
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD12	22	1.03
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD13	22	1.03
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD11	22	1.03
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD12	22	1.03
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD13	22	1.03
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD11	22	1.03
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD12	22	1.03
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD13	22	1.03
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	11	1.03
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	1	1.03
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	1	1.03
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	1	1.03
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	19	1.03
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	19	1.03
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	19	1.03
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD11	18	1.03
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD12	18	1.03
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD13	18	1.03
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD11	18	1.03
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD12	18	1.03
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD13	18	1.03
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD11	18	1.03
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD12	18	1.03
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD13	18	1.03
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG22	1:216:A:CYS:HB3	34	1.03
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD11	20	1.03
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD12	20	1.03
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD13	20	1.03
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD11	20	1.03
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD12	20	1.03
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD13	20	1.03
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD11	20	1.03
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD12	20	1.03
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD13	20	1.03
(1,2106)	1:377:A:MET:HB2	1:204:A:TYR:HE1	34	1.03
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD21	32	1.03
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD22	32	1.03
(1,1411)	1:430:A:TRP:HE1	1:429:A:LEU:HD23	32	1.03
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	12	1.03
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HB3	15	1.02
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:H	34	1.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD21	1:351:A:GLN:HE21	21	1.02
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD13	1:227:A:CYS:HA	34	1.02
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:420:A:ILE:HG21	31	1.02
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG21	1:366:A:GLU:H	16	1.02
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG22	1:366:A:GLU:H	23	1.02
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:H	29	1.02
(1,6535)	1:203:A:MET:HE3	1:210:A:PRO:HB3	2	1.02
(1,6515)	1:325:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HA	28	1.02
(1,6402)	1:377:A:MET:HE3	1:378:A:LYS:HA	10	1.02
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG21	1:393:A:GLU:HA	11	1.02
(1,6317)	1:225:A:MET:HE3	1:325:A:MET:H	1	1.02
(1,6317)	1:225:A:MET:HE1	1:325:A:MET:H	5	1.02
(1,6316)	1:425:A:LYS:HE2	1:426:A:GLU:H	4	1.02
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD21	1:256:A:GLU:HG3	11	1.02
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG22	1:274:A:LEU:HD23	7	1.02
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD22	1:266:A:LEU:HD21	33	1.02
(1,6009)	1:246:A:ALA:HA	1:251:A:GLU:HG3	24	1.02
(1,6008)	1:316:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HD13	12	1.02
(1,6008)	1:316:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HD13	14	1.02
(1,6000)	1:225:A:MET:HE3	1:326:A:ASP:H	32	1.02
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD12	1:321:A:LEU:HD11	17	1.02
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD11	1:371:A:VAL:HG23	28	1.02
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD11	1:407:A:PHE:H	3	1.02
(1,5903)	1:337:A:MET:HE2	1:343:A:SER:H	9	1.02
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	4	1.02
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD12	1:307:A:LEU:HA	24	1.02
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	9	1.02
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD13	1:271:A:LEU:HB3	4	1.02
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HD12	26	1.02
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD11	1:315:A:TYR:HA	2	1.02
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB1	1:266:A:LEU:HD22	26	1.02
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD13	26	1.02
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG21	13	1.02
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD11	5	1.02
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD12	23	1.02
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD13	9	1.02
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG23	19	1.02
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:243:A:LEU:HD13	11	1.02
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG21	11	1.02
(1,5121)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HD13	18	1.02
(1,4977)	1:253:A:THR:H	1:251:A:GLU:HB2	4	1.02
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG23	28	1.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:429:A:LEU:HD21	31	1.02
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:209:A:LEU:HG	20	1.02
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG22	1	1.02
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG23	19	1.02
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:193:A:PRO:HD2	11	1.02
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD11	1:416:A:LEU:HA	33	1.02
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD12	1:416:A:LEU:HA	33	1.02
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD13	1:416:A:LEU:HA	33	1.02
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD11	1:402:A:ILE:HA	14	1.02
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD12	1:402:A:ILE:HA	14	1.02
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD13	1:402:A:ILE:HA	14	1.02
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD11	1:436:A:LEU:HA	10	1.02
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD12	1:436:A:LEU:HA	10	1.02
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD13	1:436:A:LEU:HA	10	1.02
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD22	20	1.02
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD22	20	1.02
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD22	20	1.02
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	5	1.02
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	5	1.02
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	5	1.02
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	7	1.02
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	7	1.02
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	7	1.02
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD11	10	1.02
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD12	10	1.02
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD13	10	1.02
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD11	10	1.02
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD12	10	1.02
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD13	10	1.02
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD11	10	1.02
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD12	10	1.02
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD13	10	1.02
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG22	1:216:A:CYS:HB3	6	1.02
(1,2958)	1:283:A:LEU:HD11	1:306:A:LEU:HD11	11	1.02
(1,2958)	1:283:A:LEU:HD11	1:306:A:LEU:HD12	11	1.02
(1,2958)	1:283:A:LEU:HD11	1:306:A:LEU:HD13	11	1.02
(1,2958)	1:283:A:LEU:HD12	1:306:A:LEU:HD11	11	1.02
(1,2958)	1:283:A:LEU:HD12	1:306:A:LEU:HD12	11	1.02
(1,2958)	1:283:A:LEU:HD12	1:306:A:LEU:HD13	11	1.02
(1,2958)	1:283:A:LEU:HD13	1:306:A:LEU:HD11	11	1.02
(1,2958)	1:283:A:LEU:HD13	1:306:A:LEU:HD12	11	1.02
(1,2958)	1:283:A:LEU:HD13	1:306:A:LEU:HD13	11	1.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2756)	1:278:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HD21	21	1.02
(1,2756)	1:278:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HD21	21	1.02
(1,2756)	1:278:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HD21	21	1.02
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	15	1.02
(1,1061)	1:320:A:TRP:HE1	1:373:A:LEU:HD11	4	1.02
(1,1061)	1:320:A:TRP:HE1	1:373:A:LEU:HD12	4	1.02
(1,1061)	1:320:A:TRP:HE1	1:373:A:LEU:HD13	4	1.02
(1,1061)	1:320:A:TRP:HE1	1:373:A:LEU:HD11	19	1.02
(1,1061)	1:320:A:TRP:HE1	1:373:A:LEU:HD12	19	1.02
(1,1061)	1:320:A:TRP:HE1	1:373:A:LEU:HD13	19	1.02
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	14	1.02
(2,82)	1:391:A:LEU:HD21	1:388:A:MET:HG3	29	1.01
(2,82)	1:391:A:LEU:HD22	1:388:A:MET:HG3	29	1.01
(2,82)	1:391:A:LEU:HD23	1:388:A:MET:HG3	29	1.01
(2,63)	1:255:A:LEU:HD21	1:215:A:GLU:H	6	1.01
(2,63)	1:255:A:LEU:HD22	1:215:A:GLU:H	6	1.01
(2,63)	1:255:A:LEU:HD23	1:215:A:GLU:H	6	1.01
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG21	1:366:A:GLU:HB2	28	1.01
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG22	1:366:A:GLU:HB2	32	1.01
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD12	1:230:A:ILE:H	35	1.01
(1,6564)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB2	27	1.01
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:H	8	1.01
(1,6506)	1:312:A:GLU:HG2	1:208:A:ARG:HG3	11	1.01
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD21	1:413:A:HIS:H	30	1.01
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:253:A:THR:HG22	14	1.01
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG22	1:269:A:GLN:HB2	27	1.01
(1,6402)	1:377:A:MET:HE2	1:378:A:LYS:HA	9	1.01
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD12	1:414:A:ARG:H	27	1.01
(1,6257)	1:337:A:MET:HE2	1:328:A:VAL:HB	13	1.01
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG12	10	1.01
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG11	13	1.01
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG12	18	1.01
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD21	1:256:A:GLU:HG3	2	1.01
(1,6248)	1:317:A:LEU:HD21	1:320:A:TRP:HB3	8	1.01
(1,6222)	1:409:A:LEU:HD22	1:408:A:LEU:H	25	1.01
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD23	1:253:A:THR:H	4	1.01
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD22	1:253:A:THR:H	33	1.01
(1,6020)	1:317:A:LEU:HD13	1:194:A:LEU:HD12	9	1.01
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD12	1:198:A:VAL:HA	11	1.01
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD12	1:371:A:VAL:HG21	23	1.01
(1,5903)	1:337:A:MET:HE2	1:343:A:SER:H	20	1.01
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	27	1.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	23	1.01
(1,5775)	1:201:A:THR:HG21	1:202:A:MET:HG3	18	1.01
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD23	1:440:A:LYS:HA	31	1.01
(1,5701)	1:302:A:GLU:HG2	1:305:A:ARG:HD3	27	1.01
(1,5697)	1:362:A:THR:HG23	1:359:A:VAL:HG21	4	1.01
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD11	22	1.01
(1,5386)	1:269:A:GLN:HE21	1:244:A:LYS:HD2	10	1.01
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD12	10	1.01
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD12	12	1.01
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD12	35	1.01
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG23	23	1.01
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG22	28	1.01
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG22	30	1.01
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	7	1.01
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG21	16	1.01
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:210:A:PRO:HB3	3	1.01
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:210:A:PRO:HB3	33	1.01
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	34	1.01
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG22	32	1.01
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:429:A:LEU:HD23	29	1.01
(1,4908)	1:269:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD11	11	1.01
(1,4867)	1:235:A:GLY:H	1:262:A:THR:HG22	15	1.01
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	34	1.01
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:337:A:MET:HB3	29	1.01
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE3	14	1.01
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE1	32	1.01
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG21	6	1.01
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG22	6	1.01
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG23	6	1.01
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG21	18	1.01
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG22	18	1.01
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG23	18	1.01
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG21	26	1.01
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG22	26	1.01
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG23	26	1.01
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD11	1:416:A:LEU:HA	9	1.01
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD12	1:416:A:LEU:HA	9	1.01
(1,4532)	1:416:A:LEU:HD13	1:416:A:LEU:HA	9	1.01
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD11	1:402:A:ILE:HA	4	1.01
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD12	1:402:A:ILE:HA	4	1.01
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD13	1:402:A:ILE:HA	4	1.01
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD11	1:436:A:LEU:HA	4	1.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD12	1:436:A:LEU:HA	4	1.01
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD13	1:436:A:LEU:HA	4	1.01
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD11	1:436:A:LEU:HA	7	1.01
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD12	1:436:A:LEU:HA	7	1.01
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD13	1:436:A:LEU:HA	7	1.01
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD11	1:436:A:LEU:HA	22	1.01
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD12	1:436:A:LEU:HA	22	1.01
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD13	1:436:A:LEU:HA	22	1.01
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD11	1:430:A:TRP:HZ2	20	1.01
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HZ2	20	1.01
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD13	1:430:A:TRP:HZ2	20	1.01
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD11	19	1.01
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD12	19	1.01
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD13	19	1.01
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD11	19	1.01
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD12	19	1.01
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD13	19	1.01
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD11	19	1.01
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD12	19	1.01
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD13	19	1.01
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE3	3	1.01
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	22	1.01
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	22	1.01
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	22	1.01
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:H	33	1.01
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:H	33	1.01
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:H	33	1.01
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD21	1:304:A:GLN:HG2	24	1.01
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD22	1:304:A:GLN:HG2	24	1.01
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD23	1:304:A:GLN:HG2	24	1.01
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD21	33	1.01
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD22	33	1.01
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD23	33	1.01
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	35	1.0
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG23	1:357:A:LEU:HB3	11	1.0
(1,6677)	1:412:A:LEU:HD12	1:415:A:ASP:HB2	9	1.0
(1,6634)	1:253:A:THR:HG21	1:244:A:LYS:HA	33	1.0
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD22	1:363:A:HIS:H	26	1.0
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD12	1:324:A:HIS:H	31	1.0
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:416:A:LEU:HD21	21	1.0
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG21	1:366:A:GLU:H	5	1.0
(1,6456)	1:197:A:ALA:HB3	1:274:A:LEU:HB3	20	1.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD13	1:350:A:VAL:H	34	1.0
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG21	1:189:A:ILE:HB	31	1.0
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD13	1:414:A:ARG:H	15	1.0
(1,6329)	1:398:A:ILE:HG22	1:440:A:LYS:HG2	16	1.0
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:328:A:VAL:HG22	10	1.0
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:328:A:VAL:HG21	16	1.0
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD11	1:364:A:VAL:HB	15	1.0
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD11	1:284:A:MET:HE2	31	1.0
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HA	13	1.0
(1,5885)	1:300:A:VAL:HG13	1:296:A:GLU:HB2	32	1.0
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	7	1.0
(1,5837)	1:225:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG21	4	1.0
(1,5837)	1:225:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HG13	23	1.0
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD13	1:265:A:SER:H	11	1.0
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD12	1:265:A:SER:H	19	1.0
(1,5775)	1:201:A:THR:HG23	1:202:A:MET:HG3	15	1.0
(1,5761)	1:315:A:TYR:HE1	1:318:A:ILE:HB	11	1.0
(1,5707)	1:274:A:LEU:HD11	1:274:A:LEU:HA	9	1.0
(1,5661)	1:415:A:ASP:HB2	1:416:A:LEU:HB3	5	1.0
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	33	1.0
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB2	1:255:A:LEU:HD22	8	1.0
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD11	13	1.0
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG21	32	1.0
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG21	7	1.0
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD22	26	1.0
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:239:A:LYS:HD2	4	1.0
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	21	1.0
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	32	1.0
(1,5074)	1:202:A:MET:H	1:200:A:ARG:HG3	33	1.0
(1,5053)	1:209:A:LEU:H	1:213:A:PHE:HB3	25	1.0
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG11	11	1.0
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	10	1.0
(1,4703)	1:185:A:ASN:HD22	1:187:A:LYS:HD3	11	1.0
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:193:A:PRO:HD2	34	1.0
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG11	10	1.0
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG12	10	1.0
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG13	10	1.0
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	15	1.0
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	15	1.0
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	15	1.0
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	5	1.0
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	9	1.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	17	1.0
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	29	1.0
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	29	1.0
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	29	1.0
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	32	1.0
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	32	1.0
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	32	1.0
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	34	1.0
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	34	1.0
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	34	1.0
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD11	3	1.0
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD12	3	1.0
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD13	3	1.0
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD11	3	1.0
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD12	3	1.0
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD13	3	1.0
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD11	3	1.0
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD12	3	1.0
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD13	3	1.0
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD11	17	1.0
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD12	17	1.0
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD13	17	1.0
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD11	17	1.0
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD12	17	1.0
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD13	17	1.0
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD11	17	1.0
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD12	17	1.0
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD13	17	1.0
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:H	32	1.0
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:H	32	1.0
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:H	32	1.0
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD11	15	1.0
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD12	15	1.0
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD13	15	1.0
(1,2107)	1:300:A:VAL:HG11	1:300:A:VAL:H	10	1.0
(1,2107)	1:300:A:VAL:HG12	1:300:A:VAL:H	10	1.0
(1,2107)	1:300:A:VAL:HG13	1:300:A:VAL:H	10	1.0
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD11	6	1.0
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD12	6	1.0
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD13	6	1.0
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	9	0.99
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE3	30	0.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HB3	16	0.99
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:HB2	31	0.99
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD11	1:351:A:GLN:HE22	27	0.99
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	22	0.99
(1,6768)	1:278:A:LEU:HD21	1:350:A:VAL:HB	6	0.99
(1,6716)	1:239:A:LYS:HD2	1:242:A:GLU:HB2	4	0.99
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE1	1:310:A:LEU:HD11	31	0.99
(1,6633)	1:432:A:VAL:HG12	1:435:A:ILE:HG23	18	0.99
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD23	1:363:A:HIS:H	1	0.99
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD23	1:363:A:HIS:H	13	0.99
(1,6564)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB2	34	0.99
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:H	11	0.99
(1,6515)	1:325:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HA	27	0.99
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD22	1:413:A:HIS:H	7	0.99
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	17	0.99
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG22	1:393:A:GLU:HA	22	0.99
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD13	1:413:A:HIS:HE1	17	0.99
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG21	1:240:A:VAL:HB	11	0.99
(1,6342)	1:388:A:MET:HE3	1:387:A:THR:H	35	0.99
(1,6257)	1:337:A:MET:HE2	1:328:A:VAL:HB	1	0.99
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD21	1:256:A:GLU:HG3	24	0.99
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD23	1:256:A:GLU:H	28	0.99
(1,6157)	1:323:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:H	23	0.99
(1,6056)	1:373:A:LEU:HD21	1:325:A:MET:HE3	30	0.99
(1,6000)	1:225:A:MET:HE2	1:326:A:ASP:H	8	0.99
(1,5951)	1:274:A:LEU:HD11	1:192:A:ILE:H	24	0.99
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD12	1:371:A:VAL:HG21	15	0.99
(1,5930)	1:320:A:TRP:HZ3	1:373:A:LEU:HD22	28	0.99
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:209:A:LEU:HG	15	0.99
(1,5903)	1:337:A:MET:HE1	1:343:A:SER:H	12	0.99
(1,5881)	1:202:A:MET:HE1	1:208:A:ARG:HD3	6	0.99
(1,5881)	1:202:A:MET:HE3	1:208:A:ARG:HD3	28	0.99
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	1	0.99
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	7	0.99
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	22	0.99
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	25	0.99
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	29	0.99
(1,5837)	1:225:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG23	27	0.99
(1,5832)	1:283:A:LEU:HD22	1:279:A:LEU:HD13	20	0.99
(1,5775)	1:201:A:THR:HG21	1:202:A:MET:HG3	27	0.99
(1,5761)	1:315:A:TYR:HE1	1:318:A:ILE:HB	13	0.99
(1,5707)	1:367:A:LEU:HD13	1:367:A:LEU:HA	18	0.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5701)	1:302:A:GLU:HG2	1:305:A:ARG:HD3	13	0.99
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB1	1:266:A:LEU:HD23	20	0.99
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD13	8	0.99
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD12	25	0.99
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG22	12	0.99
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD11	28	0.99
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:266:A:LEU:HD13	29	0.99
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:271:A:LEU:HD22	22	0.99
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG21	14	0.99
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD23	1	0.99
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD23	13	0.99
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	35	0.99
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG21	15	0.99
(1,4977)	1:253:A:THR:H	1:255:A:LEU:HB2	21	0.99
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:325:A:MET:HG2	23	0.99
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	33	0.99
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HG21	20	0.99
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD2	5	0.99
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD2	17	0.99
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:337:A:MET:HB3	26	0.99
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG21	22	0.99
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG22	22	0.99
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG23	22	0.99
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD1	7	0.99
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD2	7	0.99
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD1	7	0.99
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD2	7	0.99
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD1	7	0.99
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD2	7	0.99
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	35	0.99
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	35	0.99
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	35	0.99
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD11	30	0.99
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD12	30	0.99
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD13	30	0.99
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD11	30	0.99
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD12	30	0.99
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD13	30	0.99
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD11	30	0.99
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD12	30	0.99
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD13	30	0.99
(1,4056)	1:227:A:CYS:HB3	1:230:A:ILE:HB	28	0.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD21	32	0.99
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD21	32	0.99
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD21	32	0.99
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	29	0.99
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	21	0.99
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	21	0.99
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	21	0.99
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG3	9	0.99
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG21	1:216:A:CYS:HG	22	0.99
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HB2	28	0.99
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HB2	28	0.99
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HB2	28	0.99
(1,2216)	1:203:A:MET:HE3	1:204:A:TYR:HD1	6	0.99
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD21	28	0.99
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD22	28	0.99
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD23	28	0.99
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	34	0.98
(1,6804)	1:267:A:LEU:HD21	1:212:A:VAL:HG13	13	0.98
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	18	0.98
(1,6716)	1:239:A:LYS:HD2	1:242:A:GLU:HB2	30	0.98
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HE2	17	0.98
(1,6633)	1:432:A:VAL:HG21	1:408:A:LEU:HD21	15	0.98
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD22	1:363:A:HIS:H	25	0.98
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD11	1:325:A:MET:H	28	0.98
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	14	0.98
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG21	1:366:A:GLU:H	1	0.98
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:H	15	0.98
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG23	6	0.98
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD21	1:413:A:HIS:H	15	0.98
(1,6426)	1:243:A:LEU:HD21	1:246:A:ALA:H	2	0.98
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	11	0.98
(1,6402)	1:377:A:MET:HE3	1:378:A:LYS:HA	32	0.98
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG23	1:240:A:VAL:HB	9	0.98
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG21	1:240:A:VAL:HB	18	0.98
(1,6342)	1:388:A:MET:HE2	1:387:A:THR:H	11	0.98
(1,6332)	1:267:A:LEU:HD23	1:213:A:PHE:HZ	22	0.98
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD23	1:194:A:LEU:HD11	10	0.98
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD22	1:194:A:LEU:HD12	17	0.98
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD12	1:335:A:THR:HG23	21	0.98
(1,6263)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:H	6	0.98
(1,6257)	1:337:A:MET:HE2	1:328:A:VAL:HB	21	0.98
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD23	1:256:A:GLU:HG3	9	0.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6141)	1:278:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HB3	26	0.98
(1,5948)	1:189:A:ILE:HD12	1:196:A:ASP:HB3	18	0.98
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD12	1:371:A:VAL:HG23	24	0.98
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD12	1:325:A:MET:HE2	34	0.98
(1,5903)	1:337:A:MET:HE2	1:343:A:SER:H	1	0.98
(1,5903)	1:337:A:MET:HE2	1:343:A:SER:H	10	0.98
(1,5881)	1:202:A:MET:HE3	1:208:A:ARG:HD3	3	0.98
(1,5871)	1:305:A:ARG:HD2	1:305:A:ARG:HB2	31	0.98
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	20	0.98
(1,5775)	1:201:A:THR:HG21	1:202:A:MET:HG3	14	0.98
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG23	1:371:A:VAL:H	13	0.98
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:HA	13	0.98
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG21	25	0.98
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG21	31	0.98
(1,5707)	1:274:A:LEU:HD12	1:274:A:LEU:HA	13	0.98
(1,5707)	1:274:A:LEU:HD11	1:274:A:LEU:HA	24	0.98
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD11	1:315:A:TYR:HA	3	0.98
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD11	1:315:A:TYR:HA	31	0.98
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG11	1:300:A:VAL:HG13	1	0.98
(1,5642)	1:225:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG22	26	0.98
(1,5605)	1:337:A:MET:HE1	1:342:A:ILE:HA	18	0.98
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB2	1:189:A:ILE:HD13	5	0.98
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB3	1:189:A:ILE:HD11	14	0.98
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD12	17	0.98
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD13	20	0.98
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD11	31	0.98
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG23	21	0.98
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:209:A:LEU:HD12	20	0.98
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD22	25	0.98
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	10	0.98
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG23	5	0.98
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG22	33	0.98
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:416:A:LEU:HD23	12	0.98
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD12	6	0.98
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	14	0.98
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	19	0.98
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HG3	18	0.98
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HG3	31	0.98
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG21	32	0.98
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:193:A:PRO:HD2	29	0.98
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD11	1:402:A:ILE:HA	11	0.98
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD12	1:402:A:ILE:HA	11	0.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD13	1:402:A:ILE:HA	11	0.98
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD11	1:436:A:LEU:HA	11	0.98
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD12	1:436:A:LEU:HA	11	0.98
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD13	1:436:A:LEU:HA	11	0.98
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG23	4	0.98
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG23	19	0.98
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG23	31	0.98
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE2	22	0.98
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	27	0.98
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	27	0.98
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	27	0.98
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	27	0.98
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	27	0.98
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	27	0.98
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	7	0.98
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD21	3	0.98
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD22	3	0.98
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD23	3	0.98
(1,60)	1:375:A:GLN:HE22	1:378:A:LYS:HD2	19	0.98
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG11	19	0.98
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG12	19	0.98
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG13	19	0.98
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	23	0.97
(1,6877)	1:212:A:VAL:HG21	1:270:A:TYR:H	4	0.97
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HD13	20	0.97
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:HB2	17	0.97
(1,6677)	1:412:A:LEU:HD13	1:411:A:CYS:HB2	35	0.97
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD11	1:325:A:MET:H	17	0.97
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:H	25	0.97
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:253:A:THR:HG22	1	0.97
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD12	1:280:A:THR:H	9	0.97
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD13	1:280:A:THR:H	32	0.97
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	1	0.97
(1,6342)	1:388:A:MET:HE2	1:387:A:THR:H	8	0.97
(1,6316)	1:425:A:LYS:HE2	1:426:A:GLU:H	9	0.97
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD13	1:335:A:THR:HG22	28	0.97
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD22	1:256:A:GLU:HG3	19	0.97
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD21	1:253:A:THR:H	17	0.97
(1,6174)	1:253:A:THR:HB	1:255:A:LEU:HG	24	0.97
(1,6141)	1:409:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG11	8	0.97
(1,6040)	1:367:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HB3	6	0.97
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD13	1:284:A:MET:HE3	5	0.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD12	1:284:A:MET:HE3	24	0.97
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD12	1:284:A:MET:HE1	27	0.97
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD23	14	0.97
(1,5965)	1:279:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HG12	20	0.97
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD11	1:407:A:PHE:H	16	0.97
(1,5885)	1:300:A:VAL:HG13	1:296:A:GLU:HB2	35	0.97
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD12	1:307:A:LEU:HA	8	0.97
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD11	1:265:A:SER:H	14	0.97
(1,5793)	1:266:A:LEU:HD11	1:265:A:SER:H	26	0.97
(1,5775)	1:201:A:THR:HG23	1:202:A:MET:HG3	28	0.97
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG22	1:314:A:ASN:HB3	17	0.97
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD12	11	0.97
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	4	0.97
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	26	0.97
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD11	3	0.97
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG22	4	0.97
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG23	7	0.97
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG23	18	0.97
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG21	10	0.97
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG21	7	0.97
(1,5211)	1:428:A:ARG:H	1:425:A:LYS:HD3	6	0.97
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG21	17	0.97
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD13	14	0.97
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	29	0.97
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	9	0.97
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD2	25	0.97
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:337:A:MET:HB3	19	0.97
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:439:A:LEU:HD12	34	0.97
(1,4703)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HB2	7	0.97
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:194:A:LEU:HA	14	0.97
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG21	23	0.97
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG22	23	0.97
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG23	23	0.97
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	22	0.97
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	22	0.97
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	22	0.97
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	29	0.97
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	29	0.97
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	29	0.97
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	24	0.97
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	24	0.97
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	24	0.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	24	0.97
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	24	0.97
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	24	0.97
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	24	0.97
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	24	0.97
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	24	0.97
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD11	6	0.97
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD12	6	0.97
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD13	6	0.97
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD11	6	0.97
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD12	6	0.97
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD13	6	0.97
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD11	6	0.97
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD12	6	0.97
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD13	6	0.97
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD11	13	0.97
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD12	13	0.97
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD13	13	0.97
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD11	13	0.97
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD12	13	0.97
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD13	13	0.97
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD11	13	0.97
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD12	13	0.97
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD13	13	0.97
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD11	1:304:A:GLN:HG3	24	0.97
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD12	1:304:A:GLN:HG3	24	0.97
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD13	1:304:A:GLN:HG3	24	0.97
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG21	1:216:A:CYS:HG	18	0.97
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD11	30	0.97
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD12	30	0.97
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD13	30	0.97
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD11	30	0.97
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD12	30	0.97
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD13	30	0.97
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD11	30	0.97
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD12	30	0.97
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD13	30	0.97
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD21	1:304:A:GLN:HG2	7	0.97
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD22	1:304:A:GLN:HG2	7	0.97
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD23	1:304:A:GLN:HG2	7	0.97
(1,2216)	1:203:A:MET:HE1	1:204:A:TYR:HD1	4	0.97
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	35	0.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,82)	1:391:A:LEU:HD21	1:388:A:MET:HG3	1	0.96
(2,82)	1:391:A:LEU:HD22	1:388:A:MET:HG3	1	0.96
(2,82)	1:391:A:LEU:HD23	1:388:A:MET:HG3	1	0.96
(2,4)	1:378:A:LYS:H	1:376:A:VAL:HG21	33	0.96
(2,4)	1:378:A:LYS:H	1:376:A:VAL:HG22	33	0.96
(2,4)	1:378:A:LYS:H	1:376:A:VAL:HG23	33	0.96
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD12	1:408:A:LEU:H	34	0.96
(1,6766)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HA	18	0.96
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD12	1:325:A:MET:H	6	0.96
(1,6515)	1:325:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HA	26	0.96
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD13	1:444:A:ARG:H	8	0.96
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD11	1:444:A:ARG:H	32	0.96
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG22	1:393:A:GLU:HA	14	0.96
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD11	1:335:A:THR:HG21	2	0.96
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG21	1:244:A:LYS:H	22	0.96
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD21	1:364:A:VAL:H	17	0.96
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD13	1:364:A:VAL:HB	7	0.96
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD13	1:364:A:VAL:HB	34	0.96
(1,5951)	1:367:A:LEU:HD11	1:304:A:GLN:HE21	21	0.96
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HA	21	0.96
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HA	29	0.96
(1,5885)	1:300:A:VAL:HG12	1:296:A:GLU:HB2	2	0.96
(1,5881)	1:202:A:MET:HE2	1:208:A:ARG:HD3	11	0.96
(1,5871)	1:305:A:ARG:HD2	1:305:A:ARG:HB2	2	0.96
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	20	0.96
(1,5775)	1:201:A:THR:HG22	1:202:A:MET:HG3	31	0.96
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:HA	3	0.96
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD12	1:315:A:TYR:HA	1	0.96
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD11	1:315:A:TYR:HA	25	0.96
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG11	1:300:A:VAL:HG11	32	0.96
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB3	1:189:A:ILE:HD11	10	0.96
(1,5482)	1:398:A:ILE:H	1:395:A:GLN:HG2	4	0.96
(1,5482)	1:398:A:ILE:H	1:395:A:GLN:HG2	20	0.96
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD11	16	0.96
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	8	0.96
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD11	8	0.96
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG21	1	0.96
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG21	34	0.96
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG23	22	0.96
(1,5215)	1:364:A:VAL:H	1:367:A:LEU:HD21	17	0.96
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG22	2	0.96
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG22	3	0.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	9	0.96
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	27	0.96
(1,4867)	1:235:A:GLY:H	1:262:A:THR:HG21	35	0.96
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	7	0.96
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	9	0.96
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	6	0.96
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG21	29	0.96
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	11	0.96
(1,4430)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG11	17	0.96
(1,4430)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG12	17	0.96
(1,4430)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG13	17	0.96
(1,4430)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG11	17	0.96
(1,4430)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG12	17	0.96
(1,4430)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG13	17	0.96
(1,4430)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG11	17	0.96
(1,4430)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG12	17	0.96
(1,4430)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG13	17	0.96
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD11	1:436:A:LEU:HA	18	0.96
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD12	1:436:A:LEU:HA	18	0.96
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD13	1:436:A:LEU:HA	18	0.96
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD11	1:436:A:LEU:HA	31	0.96
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD12	1:436:A:LEU:HA	31	0.96
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD13	1:436:A:LEU:HA	31	0.96
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	2	0.96
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	2	0.96
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	2	0.96
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD22	33	0.96
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD22	33	0.96
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD22	33	0.96
(1,3921)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HH2	21	0.96
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG21	15	0.96
(1,2554)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG2	30	0.96
(1,2245)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:HE3	15	0.96
(1,2216)	1:203:A:MET:HE2	1:204:A:TYR:HD2	14	0.96
(1,2107)	1:300:A:VAL:HG11	1:300:A:VAL:H	21	0.96
(1,2107)	1:300:A:VAL:HG12	1:300:A:VAL:H	21	0.96
(1,2107)	1:300:A:VAL:HG13	1:300:A:VAL:H	21	0.96
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	33	0.96
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	15	0.95
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	26	0.95
(1,6792)	1:258:A:TYR:HD2	1:240:A:VAL:HG21	21	0.95
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HE2	24	0.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HE2	35	0.95
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD13	1:230:A:ILE:H	15	0.95
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:H	17	0.95
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG11	1:274:A:LEU:HD23	2	0.95
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG21	1:208:A:ARG:HB2	4	0.95
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:H	3	0.95
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:H	13	0.95
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG22	1:366:A:GLU:H	24	0.95
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:H	33	0.95
(1,6486)	1:272:A:ARG:HG3	1:269:A:GLN:HG2	33	0.95
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG21	1:189:A:ILE:HB	14	0.95
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG22	1:189:A:ILE:HB	32	0.95
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD13	1:414:A:ARG:H	3	0.95
(1,6365)	1:359:A:VAL:HG12	1:360:A:PHE:HB3	5	0.95
(1,6365)	1:359:A:VAL:HG13	1:360:A:PHE:HB3	33	0.95
(1,6316)	1:425:A:LYS:HE2	1:426:A:GLU:H	7	0.95
(1,6263)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:H	10	0.95
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG13	8	0.95
(1,6248)	1:317:A:LEU:HD23	1:320:A:TRP:HB3	2	0.95
(1,6222)	1:409:A:LEU:HD23	1:408:A:LEU:H	20	0.95
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:328:A:VAL:HG23	32	0.95
(1,6009)	1:246:A:ALA:HA	1:251:A:GLU:HG2	27	0.95
(1,6000)	1:225:A:MET:HE3	1:326:A:ASP:H	10	0.95
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD22	23	0.95
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HG	14	0.95
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD22	1:402:A:ILE:H	16	0.95
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD12	1:407:A:PHE:H	29	0.95
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD12	1:407:A:PHE:H	30	0.95
(1,5871)	1:305:A:ARG:HD2	1:305:A:ARG:HB2	1	0.95
(1,5871)	1:305:A:ARG:HD2	1:305:A:ARG:HB2	24	0.95
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	26	0.95
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	3	0.95
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG22	22	0.95
(1,5707)	1:274:A:LEU:HD11	1:274:A:LEU:HA	1	0.95
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD12	1:315:A:TYR:HA	32	0.95
(1,5605)	1:337:A:MET:HE1	1:342:A:ILE:HA	5	0.95
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	9	0.95
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB3	1:189:A:ILE:HD12	27	0.95
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD12	4	0.95
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	6	0.95
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:344:A:ILE:HA	7	0.95
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	27	0.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	32	0.95
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD12	21	0.95
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:266:A:LEU:HD12	14	0.95
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:443:A:LEU:HD13	26	0.95
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:325:A:MET:HG2	7	0.95
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:325:A:MET:HG2	14	0.95
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:219:A:TYR:HE1	16	0.95
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:429:A:LEU:HD21	15	0.95
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	19	0.95
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:230:A:ILE:HG23	33	0.95
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HG3	22	0.95
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:193:A:PRO:HD2	13	0.95
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:194:A:LEU:HA	27	0.95
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG21	3	0.95
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG22	3	0.95
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG23	3	0.95
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD11	1:436:A:LEU:HA	1	0.95
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD12	1:436:A:LEU:HA	1	0.95
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD13	1:436:A:LEU:HA	1	0.95
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD11	1:436:A:LEU:HA	2	0.95
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD12	1:436:A:LEU:HA	2	0.95
(1,4387)	1:436:A:LEU:HD13	1:436:A:LEU:HA	2	0.95
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD1	6	0.95
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD2	6	0.95
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD1	6	0.95
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD2	6	0.95
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD1	6	0.95
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD2	6	0.95
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG22	27	0.95
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE3	4	0.95
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	25	0.95
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	25	0.95
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	25	0.95
(1,3656)	1:226:A:LYS:HB2	1:334:A:GLU:HG3	20	0.95
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD11	1:304:A:GLN:HG3	35	0.95
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD12	1:304:A:GLN:HG3	35	0.95
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD13	1:304:A:GLN:HG3	35	0.95
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HB2	34	0.95
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HB2	34	0.95
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HB2	34	0.95
(1,2216)	1:203:A:MET:HE3	1:204:A:TYR:HD2	28	0.95
(1,2152)	1:208:A:ARG:HG3	1:312:A:GLU:HG2	23	0.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1658)	1:375:A:GLN:HE21	1:378:A:LYS:HD2	18	0.95
(1,1589)	1:266:A:LEU:H	1:243:A:LEU:HD11	11	0.95
(1,1589)	1:266:A:LEU:H	1:243:A:LEU:HD12	11	0.95
(1,1589)	1:266:A:LEU:H	1:243:A:LEU:HD13	11	0.95
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	13	0.94
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:HB2	21	0.94
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD13	1:227:A:CYS:HA	10	0.94
(1,6564)	1:203:A:MET:HE3	1:210:A:PRO:HB2	11	0.94
(1,6549)	1:337:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG23	25	0.94
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG22	1:366:A:GLU:H	18	0.94
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:H	22	0.94
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:H	32	0.94
(1,6537)	1:194:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HA	15	0.94
(1,6535)	1:203:A:MET:HE1	1:210:A:PRO:HB3	26	0.94
(1,6532)	1:228:A:GLU:HG3	1:227:A:CYS:HB3	35	0.94
(1,6492)	1:350:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HA	33	0.94
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG23	1:401:A:GLU:HG2	14	0.94
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD12	1:280:A:THR:H	11	0.94
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD11	1:280:A:THR:H	20	0.94
(1,6402)	1:377:A:MET:HE1	1:378:A:LYS:HA	1	0.94
(1,6296)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HE3	10	0.94
(1,6190)	1:266:A:LEU:HD21	1:190:A:PHE:HD1	29	0.94
(1,6174)	1:253:A:THR:HB	1:255:A:LEU:HG	27	0.94
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG21	1:367:A:LEU:HD23	16	0.94
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HB2	2	0.94
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD13	1:371:A:VAL:HG23	3	0.94
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HA	5	0.94
(1,5871)	1:305:A:ARG:HD2	1:305:A:ARG:HB2	13	0.94
(1,5853)	1:393:A:GLU:HG3	1:394:A:THR:HG23	21	0.94
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	31	0.94
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	13	0.94
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	21	0.94
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD13	1:395:A:GLN:HG2	8	0.94
(1,5756)	1:203:A:MET:HE3	1:255:A:LEU:HD12	21	0.94
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG23	23	0.94
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HD13	8	0.94
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD12	1:315:A:TYR:HA	15	0.94
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD13	1:315:A:TYR:HA	33	0.94
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB1	1:266:A:LEU:HD21	8	0.94
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB1	1:255:A:LEU:HD21	18	0.94
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG23	1:314:A:ASN:HB3	27	0.94
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG23	15	0.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG23	31	0.94
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG23	2	0.94
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG21	16	0.94
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG22	17	0.94
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG21	15	0.94
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	23	0.94
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HG3	33	0.94
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG22	11	0.94
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG21	2	0.94
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG22	2	0.94
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG23	2	0.94
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG21	12	0.94
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG22	12	0.94
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG23	12	0.94
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG21	32	0.94
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG22	32	0.94
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG23	32	0.94
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD11	1:430:A:TRP:HZ2	33	0.94
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HZ2	33	0.94
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD13	1:430:A:TRP:HZ2	33	0.94
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HG23	35	0.94
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG21	5	0.94
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG22	8	0.94
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG21	23	0.94
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG23	32	0.94
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	9	0.94
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	9	0.94
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	9	0.94
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	16	0.94
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	16	0.94
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	16	0.94
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	18	0.94
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	18	0.94
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	18	0.94
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	31	0.94
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	31	0.94
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	31	0.94
(1,2209)	1:267:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HA	4	0.94
(1,2209)	1:267:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HA	4	0.94
(1,2209)	1:267:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HA	4	0.94
(1,2110)	1:226:A:LYS:HG3	1:334:A:GLU:HG3	15	0.94
(2,63)	1:255:A:LEU:HD21	1:215:A:GLU:H	23	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,63)	1:255:A:LEU:HD22	1:215:A:GLU:H	23	0.93
(2,63)	1:255:A:LEU:HD23	1:215:A:GLU:H	23	0.93
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HD11	31	0.93
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	17	0.93
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD13	1:230:A:ILE:H	31	0.93
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD22	12	0.93
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG21	1:366:A:GLU:H	27	0.93
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG21	1:366:A:GLU:H	30	0.93
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG22	1:401:A:GLU:HG3	28	0.93
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG21	1:189:A:ILE:HB	9	0.93
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD11	1:414:A:ARG:H	22	0.93
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD11	1:337:A:MET:H	2	0.93
(1,6342)	1:388:A:MET:HE3	1:387:A:THR:H	17	0.93
(1,6317)	1:225:A:MET:HE2	1:325:A:MET:H	8	0.93
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD11	1:335:A:THR:HG22	30	0.93
(1,6263)	1:346:A:LEU:HD21	1:343:A:SER:H	7	0.93
(1,6257)	1:337:A:MET:HE1	1:328:A:VAL:HB	23	0.93
(1,6222)	1:409:A:LEU:HD23	1:408:A:LEU:H	3	0.93
(1,6205)	1:329:A:ILE:HD13	1:230:A:ILE:HG21	22	0.93
(1,5871)	1:305:A:ARG:HD2	1:305:A:ARG:HB2	15	0.93
(1,5871)	1:305:A:ARG:HD2	1:305:A:ARG:HB2	19	0.93
(1,5871)	1:305:A:ARG:HD2	1:305:A:ARG:HB2	20	0.93
(1,5871)	1:305:A:ARG:HD2	1:305:A:ARG:HB2	26	0.93
(1,5871)	1:305:A:ARG:HD2	1:305:A:ARG:HB2	27	0.93
(1,5871)	1:305:A:ARG:HD2	1:305:A:ARG:HB2	34	0.93
(1,5791)	1:367:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:HG22	32	0.93
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD11	1:395:A:GLN:HG2	18	0.93
(1,5775)	1:201:A:THR:HG23	1:202:A:MET:HG3	23	0.93
(1,5775)	1:201:A:THR:HG22	1:202:A:MET:HG3	35	0.93
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG22	1:371:A:VAL:H	6	0.93
(1,5707)	1:274:A:LEU:HD12	1:274:A:LEU:HA	17	0.93
(1,5707)	1:274:A:LEU:HD11	1:274:A:LEU:HA	26	0.93
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG22	1:314:A:ASN:HB3	23	0.93
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG21	1:314:A:ASN:HB3	24	0.93
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD13	7	0.93
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:344:A:ILE:HA	35	0.93
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD12	34	0.93
(1,5074)	1:202:A:MET:H	1:200:A:ARG:HG3	24	0.93
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG22	32	0.93
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG22	6	0.93
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:443:A:LEU:HD13	10	0.93
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:400:A:GLU:HG2	21	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG13	24	0.93
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	18	0.93
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	35	0.93
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD12	20	0.93
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD2	7	0.93
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD2	12	0.93
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	21	0.93
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:193:A:PRO:HD2	17	0.93
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG21	11	0.93
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG22	11	0.93
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG23	11	0.93
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG21	14	0.93
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG22	14	0.93
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG23	14	0.93
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG21	13	0.93
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD11	15	0.93
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD12	15	0.93
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD13	15	0.93
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD11	15	0.93
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD12	15	0.93
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD13	15	0.93
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD11	15	0.93
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD12	15	0.93
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD13	15	0.93
(1,3485)	1:267:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HD1	17	0.93
(1,3485)	1:267:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HD2	17	0.93
(1,3485)	1:267:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HD1	17	0.93
(1,3485)	1:267:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HD2	17	0.93
(1,3485)	1:267:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HD1	17	0.93
(1,3485)	1:267:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HD2	17	0.93
(1,2779)	1:253:A:THR:HG21	1:243:A:LEU:HD21	2	0.93
(1,2779)	1:253:A:THR:HG21	1:243:A:LEU:HD22	2	0.93
(1,2779)	1:253:A:THR:HG21	1:243:A:LEU:HD23	2	0.93
(1,2779)	1:253:A:THR:HG22	1:243:A:LEU:HD21	2	0.93
(1,2779)	1:253:A:THR:HG22	1:243:A:LEU:HD22	2	0.93
(1,2779)	1:253:A:THR:HG22	1:243:A:LEU:HD23	2	0.93
(1,2779)	1:253:A:THR:HG23	1:243:A:LEU:HD21	2	0.93
(1,2779)	1:253:A:THR:HG23	1:243:A:LEU:HD22	2	0.93
(1,2779)	1:253:A:THR:HG23	1:243:A:LEU:HD23	2	0.93
(1,2245)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:HE3	26	0.93
(1,1589)	1:266:A:LEU:H	1:243:A:LEU:HD11	2	0.93
(1,1589)	1:266:A:LEU:H	1:243:A:LEU:HD12	2	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1589)	1:266:A:LEU:H	1:243:A:LEU:HD13	2	0.93
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG11	19	0.93
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG12	19	0.93
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG13	19	0.93
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD12	1:408:A:LEU:H	1	0.92
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:H	29	0.92
(1,6790)	1:413:A:HIS:HE1	1:416:A:LEU:HD22	25	0.92
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	13	0.92
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HE2	34	0.92
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE1	1:310:A:LEU:HD13	22	0.92
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD13	1:230:A:ILE:H	28	0.92
(1,6634)	1:253:A:THR:HG21	1:244:A:LYS:HA	4	0.92
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD23	33	0.92
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	4	0.92
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG12	1:274:A:LEU:HD22	10	0.92
(1,6515)	1:325:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HA	21	0.92
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG23	1:401:A:GLU:HG3	23	0.92
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HB3	2	0.92
(1,6468)	1:283:A:LEU:HD21	1:305:A:ARG:HD3	2	0.92
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD13	1:280:A:THR:H	26	0.92
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	21	0.92
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	25	0.92
(1,6316)	1:425:A:LYS:HE3	1:426:A:GLU:H	13	0.92
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD22	1:194:A:LEU:HD12	29	0.92
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD21	1:253:A:THR:H	7	0.92
(1,6009)	1:246:A:ALA:HA	1:251:A:GLU:HG2	12	0.92
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD11	1:364:A:VAL:HB	1	0.92
(1,5964)	1:289:A:GLU:HB3	1:306:A:LEU:HD21	34	0.92
(1,5930)	1:320:A:TRP:HZ3	1:373:A:LEU:HD22	27	0.92
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD11	1:407:A:PHE:H	13	0.92
(1,5871)	1:305:A:ARG:HD2	1:305:A:ARG:HB2	14	0.92
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG22	18	0.92
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD13	1:315:A:TYR:HA	14	0.92
(1,5642)	1:225:A:MET:HE2	1:230:A:ILE:HG21	4	0.92
(1,5642)	1:225:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG23	6	0.92
(1,5642)	1:225:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG23	34	0.92
(1,5605)	1:337:A:MET:HE2	1:342:A:ILE:HA	24	0.92
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB2	1:189:A:ILE:HD13	31	0.92
(1,5580)	1:207:A:ILE:HD11	1:214:A:ARG:HB3	22	0.92
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:344:A:ILE:HA	23	0.92
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD11	34	0.92
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:266:A:LEU:HD13	6	0.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:271:A:LEU:HD21	14	0.92
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:263:A:VAL:HG13	26	0.92
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG22	7	0.92
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG23	5	0.92
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	14	0.92
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	32	0.92
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	4	0.92
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG22	20	0.92
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG21	10	0.92
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG22	10	0.92
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG23	10	0.92
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG21	30	0.92
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG22	30	0.92
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG23	30	0.92
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG22	11	0.92
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG23	34	0.92
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	12	0.92
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	12	0.92
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	12	0.92
(1,2106)	1:377:A:MET:HB2	1:204:A:TYR:HD1	4	0.92
(1,1658)	1:375:A:GLN:HE21	1:378:A:LYS:HD3	7	0.92
(1,1658)	1:375:A:GLN:HE21	1:378:A:LYS:HB2	10	0.92
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	32	0.92
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD21	5	0.92
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD22	5	0.92
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD23	5	0.92
(2,82)	1:391:A:LEU:HD21	1:388:A:MET:HG3	16	0.91
(2,82)	1:391:A:LEU:HD22	1:388:A:MET:HG3	16	0.91
(2,82)	1:391:A:LEU:HD23	1:388:A:MET:HG3	16	0.91
(2,82)	1:391:A:LEU:HD21	1:388:A:MET:HG3	31	0.91
(2,82)	1:391:A:LEU:HD22	1:388:A:MET:HG3	31	0.91
(2,82)	1:391:A:LEU:HD23	1:388:A:MET:HG3	31	0.91
(2,4)	1:378:A:LYS:H	1:376:A:VAL:HG21	27	0.91
(2,4)	1:378:A:LYS:H	1:376:A:VAL:HG22	27	0.91
(2,4)	1:378:A:LYS:H	1:376:A:VAL:HG23	27	0.91
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE2	8	0.91
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD13	1:408:A:LEU:H	9	0.91
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD12	1:408:A:LEU:H	16	0.91
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HB3	2	0.91
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG23	1:357:A:LEU:HB3	29	0.91
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD11	1:403:A:ARG:HA	26	0.91
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD12	1:230:A:ILE:H	29	0.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD21	1:363:A:HIS:H	21	0.91
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD11	1:325:A:MET:H	23	0.91
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG13	1:274:A:LEU:HD21	11	0.91
(1,6564)	1:203:A:MET:HE1	1:210:A:PRO:HB2	28	0.91
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:H	12	0.91
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HD21	12	0.91
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD23	1:413:A:HIS:H	11	0.91
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG21	1:393:A:GLU:HA	28	0.91
(1,6354)	1:225:A:MET:HE3	1:221:A:GLU:HA	35	0.91
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG13	11	0.91
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD21	1:257:A:ASP:HB3	7	0.91
(1,6222)	1:409:A:LEU:HD23	1:408:A:LEU:H	26	0.91
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HD22	9	0.91
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD12	1:267:A:LEU:HD23	19	0.91
(1,6008)	1:316:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HD11	30	0.91
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD13	1:284:A:MET:HE1	17	0.91
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD22	1:305:A:ARG:HG2	11	0.91
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HA	7	0.91
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HB2	18	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD11	1:325:A:MET:HE3	9	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD13	1:371:A:VAL:HG23	26	0.91
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD13	1:325:A:MET:HE3	33	0.91
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD12	1:407:A:PHE:H	32	0.91
(1,5850)	1:306:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	2	0.91
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	6	0.91
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	8	0.91
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	15	0.91
(1,5775)	1:201:A:THR:HG21	1:202:A:MET:HG3	7	0.91
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD12	1:315:A:TYR:HA	35	0.91
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG23	11	0.91
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG22	27	0.91
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	13	0.91
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:344:A:ILE:HA	16	0.91
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	24	0.91
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD12	22	0.91
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG22	22	0.91
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG22	24	0.91
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG22	33	0.91
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG22	1	0.91
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG21	6	0.91
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD21	21	0.91
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG23	13	0.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4977)	1:253:A:THR:H	1:251:A:GLU:HB2	20	0.91
(1,4977)	1:253:A:THR:H	1:251:A:GLU:HB2	30	0.91
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:219:A:TYR:HE1	12	0.91
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD11	24	0.91
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	33	0.91
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD2	18	0.91
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:337:A:MET:HB3	3	0.91
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE2	23	0.91
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:356:A:VAL:HG23	19	0.91
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG21	5	0.91
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG22	5	0.91
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG23	5	0.91
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HG22	3	0.91
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG21	2	0.91
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG23	10	0.91
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG23	17	0.91
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG21	20	0.91
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG21	25	0.91
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG22	26	0.91
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	3	0.91
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	3	0.91
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	3	0.91
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	29	0.91
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	29	0.91
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	29	0.91
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	29	0.91
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	29	0.91
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	29	0.91
(1,3131)	1:203:A:MET:HE1	1:215:A:GLU:HG3	23	0.91
(1,3131)	1:203:A:MET:HE2	1:215:A:GLU:HG3	23	0.91
(1,3131)	1:203:A:MET:HE3	1:215:A:GLU:HG3	23	0.91
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD11	19	0.91
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD12	19	0.91
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD13	19	0.91
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD11	19	0.91
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD12	19	0.91
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD13	19	0.91
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD11	19	0.91
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD12	19	0.91
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD13	19	0.91
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	24	0.91
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	24	0.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	24	0.91
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD21	1:304:A:GLN:HG2	22	0.91
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD22	1:304:A:GLN:HG2	22	0.91
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD23	1:304:A:GLN:HG2	22	0.91
(1,2152)	1:208:A:ARG:HG3	1:312:A:GLU:HG2	11	0.91
(1,1716)	1:222:A:LYS:H	1:222:A:LYS:HG3	29	0.91
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	13	0.91
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD21	34	0.91
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD22	34	0.91
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD23	34	0.91
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD12	1:408:A:LEU:H	6	0.9
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD13	1:408:A:LEU:H	15	0.9
(1,6792)	1:258:A:TYR:HD2	1:240:A:VAL:HG21	12	0.9
(1,6740)	1:377:A:MET:HE3	1:412:A:LEU:HD21	5	0.9
(1,6731)	1:239:A:LYS:HD3	1:243:A:LEU:HD13	28	0.9
(1,6716)	1:239:A:LYS:HD2	1:242:A:GLU:HB3	31	0.9
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HE2	7	0.9
(1,6655)	1:244:A:LYS:HD2	1:269:A:GLN:HB2	25	0.9
(1,6634)	1:253:A:THR:HG22	1:244:A:LYS:HA	21	0.9
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	16	0.9
(1,6549)	1:337:A:MET:HE2	1:230:A:ILE:HG23	30	0.9
(1,6546)	1:367:A:LEU:HD21	1:363:A:HIS:HB3	34	0.9
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG22	1:366:A:GLU:H	26	0.9
(1,6525)	1:203:A:MET:HE3	1:207:A:ILE:HG12	13	0.9
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD21	1:413:A:HIS:H	24	0.9
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD11	1:280:A:THR:H	21	0.9
(1,6442)	1:350:A:VAL:HG21	1:353:A:SER:H	33	0.9
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG22	1:189:A:ILE:HB	13	0.9
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG23	1:393:A:GLU:HA	33	0.9
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD12	1:413:A:HIS:HE1	8	0.9
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD13	1:341:A:ASN:HD22	24	0.9
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG21	1:240:A:VAL:HB	33	0.9
(1,6317)	1:225:A:MET:HE1	1:325:A:MET:H	19	0.9
(1,6316)	1:425:A:LYS:HE2	1:426:A:GLU:H	28	0.9
(1,6257)	1:337:A:MET:HE3	1:328:A:VAL:HB	7	0.9
(1,6248)	1:317:A:LEU:HD21	1:320:A:TRP:HB3	32	0.9
(1,6222)	1:409:A:LEU:HD23	1:408:A:LEU:H	15	0.9
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:328:A:VAL:HG21	11	0.9
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD11	1:253:A:THR:HG22	30	0.9
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD12	1:410:A:ASN:HA	13	0.9
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD13	1:198:A:VAL:HA	25	0.9
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD13	1:371:A:VAL:HB	21	0.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD13	1:364:A:VAL:HB	11	0.9
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD22	1:305:A:ARG:HG2	9	0.9
(1,5948)	1:189:A:ILE:HD12	1:196:A:ASP:HB3	25	0.9
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD11	1:407:A:PHE:H	20	0.9
(1,5903)	1:337:A:MET:HE2	1:343:A:SER:H	2	0.9
(1,5885)	1:300:A:VAL:HG13	1:296:A:GLU:HB2	3	0.9
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	22	0.9
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	24	0.9
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	32	0.9
(1,5775)	1:201:A:THR:HG23	1:202:A:MET:HG3	10	0.9
(1,5686)	1:345:A:VAL:HG11	1:346:A:LEU:HB3	14	0.9
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG23	1:314:A:ASN:HB3	1	0.9
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG22	1:314:A:ASN:HB3	13	0.9
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG21	1:314:A:ASN:HB3	31	0.9
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD12	30	0.9
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG21	3	0.9
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG22	30	0.9
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	8	0.9
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	29	0.9
(1,5215)	1:364:A:VAL:H	1:367:A:LEU:HD21	27	0.9
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG21	18	0.9
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:210:A:PRO:HB3	29	0.9
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:255:A:LEU:HD13	23	0.9
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE2	6	0.9
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG21	1	0.9
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:429:A:LEU:HD21	13	0.9
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	30	0.9
(1,4867)	1:235:A:GLY:H	1:262:A:THR:HG21	7	0.9
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:194:A:LEU:HD13	18	0.9
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	3	0.9
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	11	0.9
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HG3	13	0.9
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG21	17	0.9
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG22	17	0.9
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG23	17	0.9
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD1	15	0.9
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD2	15	0.9
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD1	15	0.9
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD2	15	0.9
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD1	15	0.9
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD2	15	0.9
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD11	7	0.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD21	22	0.9
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD22	22	0.9
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD23	22	0.9
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD21	22	0.9
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD22	22	0.9
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD23	22	0.9
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD21	22	0.9
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD22	22	0.9
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD23	22	0.9
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG21	6	0.9
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG21	7	0.9
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG21	12	0.9
(1,3819)	1:364:A:VAL:HG11	1:361:A:PHE:HA	22	0.9
(1,3819)	1:364:A:VAL:HG12	1:361:A:PHE:HA	22	0.9
(1,3819)	1:364:A:VAL:HG13	1:361:A:PHE:HA	22	0.9
(1,3131)	1:203:A:MET:HE1	1:215:A:GLU:HG3	14	0.9
(1,3131)	1:203:A:MET:HE2	1:215:A:GLU:HG3	14	0.9
(1,3131)	1:203:A:MET:HE3	1:215:A:GLU:HG3	14	0.9
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD21	1:304:A:GLN:HG2	1	0.9
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD22	1:304:A:GLN:HG2	1	0.9
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD23	1:304:A:GLN:HG2	1	0.9
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD21	1:304:A:GLN:HG2	20	0.9
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD22	1:304:A:GLN:HG2	20	0.9
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD23	1:304:A:GLN:HG2	20	0.9
(1,60)	1:375:A:GLN:HE22	1:378:A:LYS:HD2	2	0.9
(1,43)	1:300:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG21	2	0.9
(1,43)	1:300:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG22	2	0.9
(1,43)	1:300:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HG23	2	0.9
(2,63)	1:255:A:LEU:HD21	1:215:A:GLU:H	1	0.89
(2,63)	1:255:A:LEU:HD22	1:215:A:GLU:H	1	0.89
(2,63)	1:255:A:LEU:HD23	1:215:A:GLU:H	1	0.89
(1,6850)	1:323:A:VAL:HG13	1:361:A:PHE:HD1	17	0.89
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD12	1:408:A:LEU:H	33	0.89
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD13	1:405:A:GLN:HA	14	0.89
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HB3	21	0.89
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HB3	27	0.89
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HE2	4	0.89
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HE2	9	0.89
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG22	25	0.89
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD21	1:413:A:HIS:H	4	0.89
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:253:A:THR:HG22	23	0.89
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG11	1:340:A:GLN:HE21	7	0.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD11	1:280:A:THR:H	15	0.89
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD13	1:350:A:VAL:H	16	0.89
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD12	1:350:A:VAL:H	29	0.89
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD11	1:374:A:LYS:HA	25	0.89
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD12	1:337:A:MET:H	35	0.89
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG21	1:240:A:VAL:HB	14	0.89
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG22	1:240:A:VAL:HB	23	0.89
(1,6317)	1:225:A:MET:HE1	1:325:A:MET:H	21	0.89
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG11	9	0.89
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG12	31	0.89
(1,6248)	1:317:A:LEU:HD22	1:320:A:TRP:HB3	26	0.89
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG23	1:264:A:ALA:H	17	0.89
(1,6161)	1:274:A:LEU:HD23	1:212:A:VAL:HG22	28	0.89
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD21	1:266:A:LEU:HD22	35	0.89
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD13	1:371:A:VAL:HG21	32	0.89
(1,5903)	1:337:A:MET:HE3	1:343:A:SER:H	15	0.89
(1,5873)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HG3	5	0.89
(1,5873)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HG2	31	0.89
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	30	0.89
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	34	0.89
(1,5844)	1:346:A:LEU:HD21	1:349:A:THR:H	10	0.89
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG11	1:342:A:ILE:HD11	21	0.89
(1,5697)	1:362:A:THR:HG21	1:359:A:VAL:HG21	33	0.89
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD11	1:315:A:TYR:HA	4	0.89
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD13	1:315:A:TYR:HA	22	0.89
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD12	1:315:A:TYR:HA	24	0.89
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB2	1:266:A:LEU:HD23	9	0.89
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	27	0.89
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	4	0.89
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	11	0.89
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	17	0.89
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG21	5	0.89
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD21	26	0.89
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG21	27	0.89
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	9	0.89
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:416:A:LEU:HD22	1	0.89
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	2	0.89
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:278:A:LEU:HD12	16	0.89
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:230:A:ILE:HG22	29	0.89
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HG3	28	0.89
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG21	12	0.89
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG22	17	0.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:193:A:PRO:HD2	1	0.89
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:193:A:PRO:HD2	32	0.89
(1,3921)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HH2	2	0.89
(1,3881)	1:377:A:MET:HG2	1:408:A:LEU:HD21	15	0.89
(1,3881)	1:377:A:MET:HG2	1:408:A:LEU:HD22	15	0.89
(1,3881)	1:377:A:MET:HG2	1:408:A:LEU:HD23	15	0.89
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG23	16	0.89
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG22	28	0.89
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	4	0.89
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	4	0.89
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	4	0.89
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	10	0.89
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	10	0.89
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	10	0.89
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD21	1:334:A:GLU:HG2	27	0.89
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD22	1:334:A:GLU:HG2	27	0.89
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD23	1:334:A:GLU:HG2	27	0.89
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG22	1:216:A:CYS:HB3	10	0.89
(1,3131)	1:203:A:MET:HE1	1:215:A:GLU:HG3	16	0.89
(1,3131)	1:203:A:MET:HE2	1:215:A:GLU:HG3	16	0.89
(1,3131)	1:203:A:MET:HE3	1:215:A:GLU:HG3	16	0.89
(1,3131)	1:203:A:MET:HE1	1:215:A:GLU:HG3	30	0.89
(1,3131)	1:203:A:MET:HE2	1:215:A:GLU:HG3	30	0.89
(1,3131)	1:203:A:MET:HE3	1:215:A:GLU:HG3	30	0.89
(1,2934)	1:383:A:SER:HB2	1:386:A:ALA:HB1	8	0.89
(1,2934)	1:383:A:SER:HB2	1:386:A:ALA:HB2	8	0.89
(1,2934)	1:383:A:SER:HB2	1:386:A:ALA:HB3	8	0.89
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	25	0.89
(2,4)	1:378:A:LYS:H	1:376:A:VAL:HG21	4	0.88
(2,4)	1:378:A:LYS:H	1:376:A:VAL:HG22	4	0.88
(2,4)	1:378:A:LYS:H	1:376:A:VAL:HG23	4	0.88
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD13	1:408:A:LEU:H	14	0.88
(1,6804)	1:267:A:LEU:HD23	1:212:A:VAL:HG12	18	0.88
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD11	1:403:A:ARG:HA	4	0.88
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:420:A:ILE:HG21	21	0.88
(1,6546)	1:367:A:LEU:HD21	1:363:A:HIS:HB3	32	0.88
(1,6525)	1:203:A:MET:HE1	1:207:A:ILE:HG12	12	0.88
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD21	1:413:A:HIS:H	25	0.88
(1,6486)	1:272:A:ARG:HG3	1:269:A:GLN:HG2	22	0.88
(1,6332)	1:267:A:LEU:HD21	1:213:A:PHE:HZ	4	0.88
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD22	1:194:A:LEU:HD13	5	0.88
(1,6257)	1:337:A:MET:HE3	1:328:A:VAL:HB	25	0.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6248)	1:317:A:LEU:HD21	1:320:A:TRP:HB3	13	0.88
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD23	1:253:A:THR:H	29	0.88
(1,6141)	1:409:A:LEU:HD23	1:432:A:VAL:HG13	20	0.88
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HG	6	0.88
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD23	1:402:A:ILE:H	6	0.88
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD11	1:325:A:MET:HE1	29	0.88
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD13	1:373:A:LEU:HA	8	0.88
(1,5844)	1:346:A:LEU:HD22	1:349:A:THR:H	13	0.88
(1,5833)	1:300:A:VAL:HG21	1:301:A:GLN:HG2	33	0.88
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	28	0.88
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HD11	20	0.88
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD12	1:315:A:TYR:HA	18	0.88
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB3	1:266:A:LEU:HD21	14	0.88
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB1	1:266:A:LEU:HD23	25	0.88
(1,5642)	1:225:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG21	25	0.88
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB1	1:189:A:ILE:HD12	16	0.88
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG21	1:314:A:ASN:HB3	4	0.88
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG23	1:314:A:ASN:HB3	32	0.88
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	14	0.88
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	15	0.88
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD11	19	0.88
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG22	23	0.88
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG23	1	0.88
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG23	28	0.88
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:395:A:GLN:HG2	20	0.88
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:429:A:LEU:HD21	14	0.88
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	35	0.88
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	35	0.88
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	35	0.88
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	35	0.88
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	35	0.88
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	35	0.88
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	35	0.88
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	35	0.88
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	35	0.88
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	35	0.88
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	35	0.88
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	35	0.88
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD11	28	0.88
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD12	28	0.88
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD13	28	0.88
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD11	28	0.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD12	28	0.88
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD13	28	0.88
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD11	28	0.88
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD12	28	0.88
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD13	28	0.88
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD11	1:255:A:LEU:HA	7	0.88
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD12	1:255:A:LEU:HA	7	0.88
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD13	1:255:A:LEU:HA	7	0.88
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD21	2	0.88
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD22	2	0.88
(1,1870)	1:207:A:ILE:H	1:316:A:LEU:HD23	2	0.88
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HD11	25	0.87
(1,6790)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HD21	17	0.87
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD12	1:403:A:ARG:HA	15	0.87
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD11	1:403:A:ARG:HA	24	0.87
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD23	25	0.87
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG11	1:274:A:LEU:HD22	6	0.87
(1,6546)	1:367:A:LEU:HD21	1:363:A:HIS:HB3	23	0.87
(1,6515)	1:325:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HA	20	0.87
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD13	1:350:A:VAL:H	27	0.87
(1,6376)	1:377:A:MET:HE2	1:408:A:LEU:HD22	21	0.87
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD11	1:374:A:LYS:HA	2	0.87
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD12	1:337:A:MET:H	13	0.87
(1,6342)	1:388:A:MET:HE3	1:387:A:THR:H	30	0.87
(1,6317)	1:225:A:MET:HE2	1:325:A:MET:H	20	0.87
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD22	1:194:A:LEU:HD13	6	0.87
(1,6248)	1:317:A:LEU:HD23	1:320:A:TRP:HB3	21	0.87
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD22	1:253:A:THR:H	14	0.87
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD23	1:253:A:THR:H	26	0.87
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD11	1:410:A:ASN:HA	30	0.87
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD12	1:198:A:VAL:HA	33	0.87
(1,6008)	1:316:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HD11	22	0.87
(1,6000)	1:225:A:MET:HE1	1:326:A:ASP:H	30	0.87
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD13	1:284:A:MET:HE3	22	0.87
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HG	24	0.87
(1,5964)	1:289:A:GLU:HB3	1:306:A:LEU:HD23	10	0.87
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD11	1:371:A:VAL:HG23	11	0.87
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD11	1:371:A:VAL:HG23	27	0.87
(1,5885)	1:263:A:VAL:HG13	1:259:A:GLU:HB2	17	0.87
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	28	0.87
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	33	0.87
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	35	0.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5756)	1:203:A:MET:HE3	1:255:A:LEU:HD12	30	0.87
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG22	28	0.87
(1,5708)	1:436:A:LEU:HD12	1:402:A:ILE:H	1	0.87
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD12	1:315:A:TYR:HA	27	0.87
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB2	1:189:A:ILE:HD11	9	0.87
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG23	1:314:A:ASN:HB3	2	0.87
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG22	1:314:A:ASN:HB3	6	0.87
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD21	34	0.87
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	5	0.87
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	10	0.87
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	30	0.87
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:266:A:LEU:HD11	7	0.87
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:266:A:LEU:HD13	33	0.87
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG21	13	0.87
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	29	0.87
(1,4871)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HD12	24	0.87
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	33	0.87
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	16	0.87
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD2	24	0.87
(1,4688)	1:318:A:ILE:H	1:278:A:LEU:HD22	32	0.87
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:194:A:LEU:HA	16	0.87
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD11	1:430:A:TRP:HZ2	30	0.87
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HZ2	30	0.87
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD13	1:430:A:TRP:HZ2	30	0.87
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD1	17	0.87
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD2	17	0.87
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD1	17	0.87
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD2	17	0.87
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD1	17	0.87
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD2	17	0.87
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG23	9	0.87
(1,3131)	1:203:A:MET:HE1	1:215:A:GLU:HG3	22	0.87
(1,3131)	1:203:A:MET:HE2	1:215:A:GLU:HG3	22	0.87
(1,3131)	1:203:A:MET:HE3	1:215:A:GLU:HG3	22	0.87
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	32	0.87
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	32	0.87
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	32	0.87
(1,2385)	1:222:A:LYS:HE3	1:223:A:TYR:H	6	0.87
(1,2245)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:HE3	31	0.87
(1,2216)	1:203:A:MET:HE1	1:204:A:TYR:HD2	25	0.87
(1,1533)	1:363:A:HIS:H	1:300:A:VAL:HG11	21	0.87
(1,1533)	1:363:A:HIS:H	1:300:A:VAL:HG12	21	0.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1533)	1:363:A:HIS:H	1:300:A:VAL:HG13	21	0.87
(1,932)	1:320:A:TRP:H	1:373:A:LEU:HD11	4	0.87
(1,932)	1:320:A:TRP:H	1:373:A:LEU:HD12	4	0.87
(1,932)	1:320:A:TRP:H	1:373:A:LEU:HD13	4	0.87
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD11	11	0.87
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD12	11	0.87
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD13	11	0.87
(1,166)	1:364:A:VAL:H	1:364:A:VAL:HB	22	0.87
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	1	0.87
(2,82)	1:391:A:LEU:HD21	1:388:A:MET:HG3	20	0.86
(2,82)	1:391:A:LEU:HD22	1:388:A:MET:HG3	20	0.86
(2,82)	1:391:A:LEU:HD23	1:388:A:MET:HG3	20	0.86
(1,6877)	1:212:A:VAL:HG22	1:270:A:TYR:H	33	0.86
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HB3	30	0.86
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:HB2	18	0.86
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD13	1:403:A:ARG:HA	21	0.86
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	21	0.86
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD21	3	0.86
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG11	1:274:A:LEU:HD22	14	0.86
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG12	1:274:A:LEU:HD21	32	0.86
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:H	17	0.86
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HD21	16	0.86
(1,6515)	1:325:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HA	11	0.86
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD21	1:413:A:HIS:H	33	0.86
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG22	1:401:A:GLU:HG2	24	0.86
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HB3	31	0.86
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG23	1:240:A:VAL:HB	29	0.86
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD21	1:256:A:GLU:HG3	25	0.86
(1,6205)	1:329:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:HG21	14	0.86
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:328:A:VAL:HG22	2	0.86
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:328:A:VAL:HG23	15	0.86
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:328:A:VAL:HG21	29	0.86
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD11	1:267:A:LEU:HD12	4	0.86
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD13	1:198:A:VAL:HA	31	0.86
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD11	1:284:A:MET:HE2	13	0.86
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD12	1:284:A:MET:HE1	32	0.86
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD23	1:402:A:ILE:H	21	0.86
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD11	1:371:A:VAL:HG21	31	0.86
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HA	14	0.86
(1,5881)	1:202:A:MET:HE1	1:208:A:ARG:HD3	32	0.86
(1,5881)	1:202:A:MET:HE1	1:208:A:ARG:HD3	34	0.86
(1,5847)	1:320:A:TRP:HE3	1:209:A:LEU:HG	31	0.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	2	0.86
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD11	1:271:A:LEU:HB3	25	0.86
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG22	1:316:A:LEU:HD13	29	0.86
(1,5708)	1:436:A:LEU:HD11	1:402:A:ILE:H	31	0.86
(1,5647)	1:202:A:MET:HE1	1:198:A:VAL:H	21	0.86
(1,5642)	1:225:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG21	16	0.86
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG22	1:314:A:ASN:HB3	18	0.86
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD11	10	0.86
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG23	35	0.86
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:344:A:ILE:HA	22	0.86
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD12	28	0.86
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:266:A:LEU:HD12	25	0.86
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:350:A:VAL:HG21	17	0.86
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:209:A:LEU:HD13	17	0.86
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	21	0.86
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG23	10	0.86
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG21	14	0.86
(1,5121)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HD12	33	0.86
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	13	0.86
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG12	1	0.86
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG12	4	0.86
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:219:A:TYR:HE1	32	0.86
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	31	0.86
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD11	1	0.86
(1,4867)	1:235:A:GLY:H	1:262:A:THR:HG23	3	0.86
(1,4801)	1:209:A:LEU:H	1:202:A:MET:HG2	13	0.86
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:271:A:LEU:HD23	27	0.86
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	14	0.86
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	27	0.86
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	31	0.86
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG21	24	0.86
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD21	32	0.86
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD22	32	0.86
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD23	32	0.86
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD21	32	0.86
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD22	32	0.86
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD23	32	0.86
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD21	32	0.86
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD22	32	0.86
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD23	32	0.86
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG21	1	0.86
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG23	3	0.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HD13	21	0.86
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG23	24	0.86
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG21	29	0.86
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG22	30	0.86
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG22	33	0.86
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD21	29	0.86
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD21	29	0.86
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD21	29	0.86
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD11	1:255:A:LEU:HA	30	0.86
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD12	1:255:A:LEU:HA	30	0.86
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD13	1:255:A:LEU:HA	30	0.86
(1,3131)	1:203:A:MET:HE1	1:215:A:GLU:HG3	28	0.86
(1,3131)	1:203:A:MET:HE2	1:215:A:GLU:HG3	28	0.86
(1,3131)	1:203:A:MET:HE3	1:215:A:GLU:HG3	28	0.86
(1,2808)	1:202:A:MET:HE1	1:208:A:ARG:HD2	25	0.86
(1,2808)	1:202:A:MET:HE2	1:208:A:ARG:HD2	25	0.86
(1,2808)	1:202:A:MET:HE3	1:208:A:ARG:HD2	25	0.86
(1,2216)	1:203:A:MET:HE2	1:204:A:TYR:HD1	24	0.86
(1,2209)	1:267:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HA	22	0.86
(1,2209)	1:267:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HA	22	0.86
(1,2209)	1:267:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HA	22	0.86
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	4	0.86
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD21	2	0.86
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD22	2	0.86
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD23	2	0.86
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD11	23	0.86
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD12	23	0.86
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD13	23	0.86
(1,6867)	1:312:A:GLU:HG3	1:208:A:ARG:HG3	7	0.85
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD12	1:408:A:LEU:H	3	0.85
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD13	1:408:A:LEU:H	22	0.85
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG22	1:357:A:LEU:HB3	14	0.85
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD13	1:351:A:GLN:HE22	16	0.85
(1,6792)	1:258:A:TYR:HD2	1:240:A:VAL:HG23	27	0.85
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE1	1:307:A:LEU:HD21	1	0.85
(1,6671)	1:279:A:LEU:HD21	1:287:A:PHE:HB3	19	0.85
(1,6634)	1:253:A:THR:HG22	1:244:A:LYS:HA	17	0.85
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG3	29	0.85
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG11	1:274:A:LEU:HD21	20	0.85
(1,6560)	1:429:A:LEU:HD21	1:430:A:TRP:HD1	10	0.85
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG22	1:366:A:GLU:H	6	0.85
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HD21	21	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG21	1:358:A:TYR:HE2	30	0.85
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD13	1:280:A:THR:H	8	0.85
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG23	1:393:A:GLU:HA	19	0.85
(1,6296)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HE2	14	0.85
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD11	1:335:A:THR:HG21	3	0.85
(1,6222)	1:409:A:LEU:HD23	1:408:A:LEU:H	7	0.85
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG23	1:244:A:LYS:H	26	0.85
(1,6205)	1:329:A:ILE:HD13	1:230:A:ILE:HG22	16	0.85
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD22	1:253:A:THR:H	3	0.85
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD22	1:253:A:THR:H	5	0.85
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD22	1:253:A:THR:H	13	0.85
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD22	1:253:A:THR:H	15	0.85
(1,6190)	1:266:A:LEU:HD22	1:268:A:LYS:H	21	0.85
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG23	1:358:A:TYR:HD1	10	0.85
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:HD11	19	0.85
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD12	1:410:A:ASN:HA	25	0.85
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD21	1:255:A:LEU:HD23	26	0.85
(1,6009)	1:246:A:ALA:HA	1:251:A:GLU:HG3	15	0.85
(1,5951)	1:367:A:LEU:HD13	1:304:A:GLN:HE21	25	0.85
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD13	1:371:A:VAL:HG22	35	0.85
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD12	1:407:A:PHE:H	19	0.85
(1,5903)	1:337:A:MET:HE2	1:343:A:SER:H	22	0.85
(1,5881)	1:202:A:MET:HE1	1:208:A:ARG:HD3	1	0.85
(1,5881)	1:202:A:MET:HE3	1:208:A:ARG:HD3	5	0.85
(1,5847)	1:320:A:TRP:HE3	1:209:A:LEU:HG	3	0.85
(1,5847)	1:320:A:TRP:HE3	1:209:A:LEU:HG	32	0.85
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	17	0.85
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD12	1:271:A:LEU:HB3	9	0.85
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD12	1:395:A:GLN:HG2	2	0.85
(1,5763)	1:227:A:CYS:HB3	1:230:A:ILE:HD11	30	0.85
(1,5756)	1:203:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:HG21	32	0.85
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG13	1:342:A:ILE:HD11	19	0.85
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD11	1:315:A:TYR:HA	9	0.85
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD11	1:315:A:TYR:HA	34	0.85
(1,5679)	1:318:A:ILE:HB	1:279:A:LEU:HD13	19	0.85
(1,5647)	1:202:A:MET:HE1	1:198:A:VAL:H	20	0.85
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB2	1:189:A:ILE:HD11	1	0.85
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG21	1:314:A:ASN:HB3	28	0.85
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	3	0.85
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	34	0.85
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD12	19	0.85
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD12	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG23	28	0.85
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:210:A:PRO:HB3	32	0.85
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:302:A:GLU:HA	6	0.85
(1,5201)	1:280:A:THR:H	1:278:A:LEU:HD21	12	0.85
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	27	0.85
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HD22	30	0.85
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:401:A:GLU:HG2	28	0.85
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	15	0.85
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	32	0.85
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:337:A:MET:HB3	21	0.85
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD11	1:402:A:ILE:HA	18	0.85
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD12	1:402:A:ILE:HA	18	0.85
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD13	1:402:A:ILE:HA	18	0.85
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD1	21	0.85
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD2	21	0.85
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD1	21	0.85
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD2	21	0.85
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD1	21	0.85
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD2	21	0.85
(1,4160)	1:351:A:GLN:HG3	1:351:A:GLN:H	12	0.85
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	3	0.85
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	3	0.85
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	3	0.85
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD22	7	0.85
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD22	7	0.85
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD22	7	0.85
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD21	11	0.85
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD22	11	0.85
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD23	11	0.85
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD21	11	0.85
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD22	11	0.85
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD23	11	0.85
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD21	11	0.85
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD22	11	0.85
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD23	11	0.85
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HD13	14	0.85
(1,3785)	1:371:A:VAL:HB	1:373:A:LEU:HD11	25	0.85
(1,3785)	1:371:A:VAL:HB	1:373:A:LEU:HD12	25	0.85
(1,3785)	1:371:A:VAL:HB	1:373:A:LEU:HD13	25	0.85
(1,3785)	1:371:A:VAL:HB	1:373:A:LEU:HD11	30	0.85
(1,3785)	1:371:A:VAL:HB	1:373:A:LEU:HD12	30	0.85
(1,3785)	1:371:A:VAL:HB	1:373:A:LEU:HD13	30	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD11	1:255:A:LEU:HA	13	0.85
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD12	1:255:A:LEU:HA	13	0.85
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD13	1:255:A:LEU:HA	13	0.85
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD11	1:255:A:LEU:HA	15	0.85
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD12	1:255:A:LEU:HA	15	0.85
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD13	1:255:A:LEU:HA	15	0.85
(1,2589)	1:192:A:ILE:HG21	1:188:A:PRO:HD2	16	0.85
(1,2589)	1:192:A:ILE:HG22	1:188:A:PRO:HD2	16	0.85
(1,2589)	1:192:A:ILE:HG23	1:188:A:PRO:HD2	16	0.85
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	29	0.85
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	29	0.85
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	29	0.85
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD21	1:304:A:GLN:HG2	21	0.85
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD22	1:304:A:GLN:HG2	21	0.85
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD23	1:304:A:GLN:HG2	21	0.85
(1,1618)	1:357:A:LEU:H	1:346:A:LEU:HB3	33	0.85
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	20	0.85
(2,4)	1:378:A:LYS:H	1:376:A:VAL:HG21	28	0.84
(2,4)	1:378:A:LYS:H	1:376:A:VAL:HG22	28	0.84
(2,4)	1:378:A:LYS:H	1:376:A:VAL:HG23	28	0.84
(1,6878)	1:307:A:LEU:HD11	1:360:A:PHE:HZ	20	0.84
(1,6875)	1:423:A:LEU:HD23	1:430:A:TRP:HH2	21	0.84
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD13	1:408:A:LEU:H	2	0.84
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD13	1:408:A:LEU:H	21	0.84
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD11	1:403:A:ARG:HA	31	0.84
(1,6677)	1:412:A:LEU:HD13	1:411:A:CYS:HB2	17	0.84
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HB3	16	0.84
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD22	1:363:A:HIS:H	10	0.84
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD22	1:363:A:HIS:H	29	0.84
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG11	1:274:A:LEU:HD21	22	0.84
(1,6564)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB2	25	0.84
(1,6549)	1:337:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG21	14	0.84
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG12	1:231:A:TYR:HD1	13	0.84
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG11	1:340:A:GLN:HE21	21	0.84
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD13	1:444:A:ARG:H	11	0.84
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD12	1:280:A:THR:H	7	0.84
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG21	1:240:A:VAL:HB	17	0.84
(1,6248)	1:317:A:LEU:HD23	1:320:A:TRP:HB3	20	0.84
(1,6060)	1:267:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HE1	17	0.84
(1,6000)	1:225:A:MET:HE1	1:326:A:ASP:H	19	0.84
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD13	1:284:A:MET:HE1	33	0.84
(1,5948)	1:189:A:ILE:HD11	1:196:A:ASP:HB3	26	0.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD13	1:321:A:LEU:HD11	16	0.84
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD12	1:321:A:LEU:HD12	21	0.84
(1,5903)	1:337:A:MET:HE1	1:343:A:SER:H	35	0.84
(1,5885)	1:263:A:VAL:HG12	1:259:A:GLU:HB2	30	0.84
(1,5873)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HG3	12	0.84
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	1	0.84
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	4	0.84
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	31	0.84
(1,5813)	1:420:A:ILE:HG23	1:425:A:LYS:HE2	15	0.84
(1,5775)	1:201:A:THR:HG22	1:202:A:MET:HG3	9	0.84
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD13	1:315:A:TYR:HA	10	0.84
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD13	1:315:A:TYR:HA	30	0.84
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG21	1:314:A:ASN:HB3	30	0.84
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD11	31	0.84
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD12	33	0.84
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	28	0.84
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	30	0.84
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	2	0.84
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:302:A:GLU:HA	27	0.84
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:255:A:LEU:HD12	27	0.84
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD22	10	0.84
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD22	29	0.84
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:236:A:ILE:HB	35	0.84
(1,5121)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HD12	11	0.84
(1,5102)	1:185:A:ASN:HD22	1:187:A:LYS:HB3	11	0.84
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG22	1	0.84
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG22	29	0.84
(1,4999)	1:304:A:GLN:H	1:367:A:LEU:HB2	24	0.84
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	26	0.84
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	28	0.84
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG12	18	0.84
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD2	35	0.84
(1,4735)	1:219:A:TYR:H	1:219:A:TYR:HE2	27	0.84
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG22	14	0.84
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG21	35	0.84
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	32	0.84
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	32	0.84
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	32	0.84
(1,3730)	1:222:A:LYS:HD3	1:219:A:TYR:HA	29	0.84
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	13	0.84
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	13	0.84
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	13	0.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD11	1:255:A:LEU:HA	6	0.84
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD12	1:255:A:LEU:HA	6	0.84
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD13	1:255:A:LEU:HA	6	0.84
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD11	1:255:A:LEU:HA	17	0.84
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD12	1:255:A:LEU:HA	17	0.84
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD13	1:255:A:LEU:HA	17	0.84
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	8	0.84
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	8	0.84
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	8	0.84
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	25	0.84
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	25	0.84
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	25	0.84
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG21	27	0.84
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG22	27	0.84
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG23	27	0.84
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD21	22	0.84
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD22	22	0.84
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD23	22	0.84
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD21	35	0.84
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD22	35	0.84
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD23	35	0.84
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD11	24	0.84
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD12	24	0.84
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD13	24	0.84
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD11	35	0.84
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD12	35	0.84
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD13	35	0.84
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	31	0.84
(2,82)	1:391:A:LEU:HD21	1:388:A:MET:HG3	8	0.83
(2,82)	1:391:A:LEU:HD22	1:388:A:MET:HG3	8	0.83
(2,82)	1:391:A:LEU:HD23	1:388:A:MET:HG3	8	0.83
(1,6842)	1:212:A:VAL:HA	1:255:A:LEU:HD21	32	0.83
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD11	1:408:A:LEU:H	28	0.83
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	15	0.83
(1,6677)	1:412:A:LEU:HD13	1:415:A:ASP:HB2	25	0.83
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HB3	29	0.83
(1,6634)	1:253:A:THR:HG23	1:244:A:LYS:HA	26	0.83
(1,6633)	1:432:A:VAL:HG12	1:408:A:LEU:HD21	14	0.83
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:420:A:ILE:HG23	20	0.83
(1,6549)	1:337:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG21	6	0.83
(1,6546)	1:367:A:LEU:HD23	1:363:A:HIS:HB3	16	0.83
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG22	1:366:A:GLU:H	28	0.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6537)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HA	33	0.83
(1,6525)	1:203:A:MET:HE2	1:207:A:ILE:HG12	3	0.83
(1,6515)	1:325:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HA	15	0.83
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD22	1:413:A:HIS:H	27	0.83
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:253:A:THR:HG21	17	0.83
(1,6406)	1:243:A:LEU:HD11	1:240:A:VAL:HG23	17	0.83
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG21	1:240:A:VAL:HB	10	0.83
(1,6348)	1:409:A:LEU:HD12	1:413:A:HIS:HD2	12	0.83
(1,6317)	1:225:A:MET:HE1	1:325:A:MET:H	4	0.83
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD21	1:257:A:ASP:HB3	6	0.83
(1,6127)	1:439:A:LEU:HD23	1:398:A:ILE:HA	30	0.83
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG21	1:266:A:LEU:HD23	25	0.83
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD11	1:284:A:MET:HE2	23	0.83
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HA	19	0.83
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HG	22	0.83
(1,5903)	1:337:A:MET:HE3	1:343:A:SER:H	4	0.83
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD13	1:373:A:LEU:HA	32	0.83
(1,5848)	1:377:A:MET:HG3	1:405:A:GLN:HA	13	0.83
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	27	0.83
(1,5837)	1:225:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HG21	33	0.83
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB3	1:263:A:VAL:HG12	24	0.83
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	27	0.83
(1,5701)	1:302:A:GLU:HG2	1:305:A:ARG:HD3	20	0.83
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD11	1:315:A:TYR:HA	8	0.83
(1,5605)	1:337:A:MET:HE1	1:342:A:ILE:HA	11	0.83
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG22	1:314:A:ASN:HB3	11	0.83
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD13	30	0.83
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:266:A:LEU:HD11	10	0.83
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	25	0.83
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:189:A:ILE:HD12	14	0.83
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG23	10	0.83
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	3	0.83
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:416:A:LEU:HD22	28	0.83
(1,4867)	1:235:A:GLY:H	1:262:A:THR:HG21	27	0.83
(1,4860)	1:261:A:ASN:HD21	1:233:A:VAL:HA	20	0.83
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE1	15	0.83
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:193:A:PRO:HD2	23	0.83
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD1	1	0.83
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD2	1	0.83
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD1	1	0.83
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD2	1	0.83
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD1	1	0.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD2	1	0.83
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD11	4	0.83
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD12	4	0.83
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD13	4	0.83
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD11	4	0.83
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD12	4	0.83
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD13	4	0.83
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD11	4	0.83
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD12	4	0.83
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD13	4	0.83
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE3	21	0.83
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	22	0.83
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	22	0.83
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	22	0.83
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	22	0.83
(1,2385)	1:222:A:LYS:HE3	1:223:A:TYR:H	19	0.83
(1,2216)	1:203:A:MET:HE1	1:204:A:TYR:HD1	8	0.83
(1,1658)	1:375:A:GLN:HE21	1:378:A:LYS:HB2	4	0.83
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	2	0.83
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	22	0.83
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	32	0.83
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD21	7	0.83
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD22	7	0.83
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD23	7	0.83
(1,805)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HB3	18	0.83
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	28	0.83
(2,63)	1:255:A:LEU:HD21	1:215:A:GLU:H	17	0.82
(2,63)	1:255:A:LEU:HD22	1:215:A:GLU:H	17	0.82
(2,63)	1:255:A:LEU:HD23	1:215:A:GLU:H	17	0.82
(1,6825)	1:267:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HD11	35	0.82
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:394:A:THR:HG22	25	0.82
(1,6766)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HA	33	0.82
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG23	1:307:A:LEU:HD12	11	0.82
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HB3	21	0.82
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HB3	24	0.82
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD12	1:230:A:ILE:H	34	0.82
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:420:A:ILE:HG21	33	0.82
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD11	1:325:A:MET:H	7	0.82
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD12	1:324:A:HIS:H	12	0.82
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG2	35	0.82
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	30	0.82
(1,6564)	1:203:A:MET:HE3	1:210:A:PRO:HB2	5	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6564)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB2	30	0.82
(1,6535)	1:203:A:MET:HE3	1:210:A:PRO:HB3	32	0.82
(1,6515)	1:325:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HA	13	0.82
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG12	1:341:A:ASN:H	4	0.82
(1,6456)	1:197:A:ALA:HB1	1:274:A:LEU:HB3	17	0.82
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD13	1:280:A:THR:H	3	0.82
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG21	1:393:A:GLU:HA	5	0.82
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD12	1:414:A:ARG:H	20	0.82
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD12	1:374:A:LYS:HA	9	0.82
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD12	1:374:A:LYS:HA	24	0.82
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG23	1:240:A:VAL:HB	15	0.82
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG22	1:240:A:VAL:HB	26	0.82
(1,6341)	1:433:A:GLN:HG3	1:429:A:LEU:HB2	25	0.82
(1,6315)	1:283:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HD22	13	0.82
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD11	1:335:A:THR:HG23	19	0.82
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD21	1:257:A:ASP:HB3	22	0.82
(1,6222)	1:278:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:H	10	0.82
(1,6222)	1:409:A:LEU:HD23	1:408:A:LEU:H	21	0.82
(1,6182)	1:212:A:VAL:HG11	1:213:A:PHE:HB3	19	0.82
(1,6104)	1:220:A:VAL:HB	1:217:A:ILE:HG13	2	0.82
(1,6104)	1:220:A:VAL:HB	1:217:A:ILE:HG21	3	0.82
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HA	8	0.82
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD11	1:267:A:LEU:HD23	18	0.82
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD13	1:198:A:VAL:HA	4	0.82
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HA	26	0.82
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD22	1:402:A:ILE:H	34	0.82
(1,5903)	1:337:A:MET:HE3	1:343:A:SER:H	6	0.82
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	10	0.82
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	11	0.82
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	14	0.82
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	16	0.82
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD13	1:395:A:GLN:HG2	25	0.82
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	14	0.82
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HD12	5	0.82
(1,5645)	1:373:A:LEU:HD23	1:221:A:GLU:HB3	30	0.82
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG23	1:314:A:ASN:HB3	8	0.82
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG22	1:314:A:ASN:HB3	10	0.82
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	29	0.82
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD12	5	0.82
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:350:A:VAL:HG22	13	0.82
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	1	0.82
(1,5264)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HG23	28	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:210:A:PRO:HB3	34	0.82
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	34	0.82
(1,5068)	1:205:A:ASP:H	1:202:A:MET:HE2	24	0.82
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:219:A:TYR:HE1	25	0.82
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	1	0.82
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	28	0.82
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD2	22	0.82
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	13	0.82
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG23	3	0.82
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD12	2	0.82
(1,3684)	1:267:A:LEU:HD11	1:216:A:CYS:HG	4	0.82
(1,3459)	1:373:A:LEU:HD11	1:373:A:LEU:HA	30	0.82
(1,3459)	1:373:A:LEU:HD12	1:373:A:LEU:HA	30	0.82
(1,3459)	1:373:A:LEU:HD13	1:373:A:LEU:HA	30	0.82
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD11	1:255:A:LEU:HA	1	0.82
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD12	1:255:A:LEU:HA	1	0.82
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD13	1:255:A:LEU:HA	1	0.82
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD11	1:255:A:LEU:HA	14	0.82
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD12	1:255:A:LEU:HA	14	0.82
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD13	1:255:A:LEU:HA	14	0.82
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD11	1:255:A:LEU:HA	23	0.82
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD12	1:255:A:LEU:HA	23	0.82
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD13	1:255:A:LEU:HA	23	0.82
(1,2833)	1:400:A:GLU:HG3	1:400:A:GLU:H	17	0.82
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE3	7	0.82
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE3	7	0.82
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE3	7	0.82
(1,2110)	1:226:A:LYS:HG3	1:334:A:GLU:HG3	18	0.82
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD21	17	0.82
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD22	17	0.82
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD23	17	0.82
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD11	1:408:A:LEU:H	29	0.81
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD11	1:408:A:LEU:H	35	0.81
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG22	1:357:A:LEU:HB3	24	0.81
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD12	1:403:A:ARG:HA	6	0.81
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD11	1:403:A:ARG:HA	33	0.81
(1,6751)	1:209:A:LEU:HD23	1:217:A:ILE:HG22	1	0.81
(1,6740)	1:377:A:MET:HE1	1:402:A:ILE:HD12	32	0.81
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	8	0.81
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	19	0.81
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD12	1:227:A:CYS:HA	15	0.81
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HB3	20	0.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HB3	34	0.81
(1,6639)	1:194:A:LEU:HD23	1:198:A:VAL:HB	5	0.81
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD12	1:325:A:MET:H	24	0.81
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD13	1:325:A:MET:H	27	0.81
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	18	0.81
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD23	1:432:A:VAL:HG23	16	0.81
(1,6525)	1:203:A:MET:HE2	1:207:A:ILE:HG12	5	0.81
(1,6525)	1:203:A:MET:HE3	1:201:A:THR:HG23	24	0.81
(1,6515)	1:325:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HA	19	0.81
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD21	1:413:A:HIS:H	35	0.81
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HB3	22	0.81
(1,6365)	1:359:A:VAL:HG13	1:360:A:PHE:HB3	8	0.81
(1,6365)	1:359:A:VAL:HG11	1:360:A:PHE:HB3	14	0.81
(1,6348)	1:409:A:LEU:HD13	1:413:A:HIS:HD2	1	0.81
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG21	1:284:A:MET:HG3	5	0.81
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD12	1:335:A:THR:HG21	32	0.81
(1,6248)	1:317:A:LEU:HD23	1:320:A:TRP:HB3	17	0.81
(1,6160)	1:303:A:PHE:HE2	1:352:A:ILE:HG23	8	0.81
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:328:A:VAL:HG21	33	0.81
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:HD11	31	0.81
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HD22	25	0.81
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD11	1:198:A:VAL:HA	16	0.81
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HA	10	0.81
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HA	12	0.81
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD13	1:407:A:PHE:H	24	0.81
(1,5880)	1:254:A:ASN:HB3	1:253:A:THR:HG22	13	0.81
(1,5873)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HG2	8	0.81
(1,5847)	1:320:A:TRP:HE3	1:209:A:LEU:HG	10	0.81
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:HA	4	0.81
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HD12	10	0.81
(1,5701)	1:302:A:GLU:HG2	1:286:A:ARG:HD3	5	0.81
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD11	1:315:A:TYR:HA	7	0.81
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG13	1:300:A:VAL:HG12	28	0.81
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB1	1:189:A:ILE:HD13	35	0.81
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG22	1:314:A:ASN:HB3	7	0.81
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG22	1:314:A:ASN:HB3	15	0.81
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG22	5	0.81
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	20	0.81
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD12	20	0.81
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD11	26	0.81
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	17	0.81
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:302:A:GLU:HA	21	0.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5201)	1:280:A:THR:H	1:278:A:LEU:HD22	10	0.81
(1,5200)	1:269:A:GLN:HE22	1:244:A:LYS:HD2	4	0.81
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	23	0.81
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	32	0.81
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:400:A:GLU:HG2	4	0.81
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	17	0.81
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	21	0.81
(1,4872)	1:349:A:THR:H	1:357:A:LEU:HD23	33	0.81
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:230:A:ILE:HG23	3	0.81
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	10	0.81
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	10	0.81
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	10	0.81
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	14	0.81
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	14	0.81
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	14	0.81
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	19	0.81
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	19	0.81
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	19	0.81
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	34	0.81
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	34	0.81
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	34	0.81
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD22	8	0.81
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD22	8	0.81
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD22	8	0.81
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	24	0.81
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	24	0.81
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	24	0.81
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	24	0.81
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	24	0.81
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	24	0.81
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	24	0.81
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	24	0.81
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	24	0.81
(1,3882)	1:409:A:LEU:HD23	1:433:A:GLN:HG2	31	0.81
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	20	0.81
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD12	1:307:A:LEU:HA	20	0.81
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	20	0.81
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HD13	18	0.81
(1,3785)	1:371:A:VAL:HB	1:373:A:LEU:HD11	7	0.81
(1,3785)	1:371:A:VAL:HB	1:373:A:LEU:HD12	7	0.81
(1,3785)	1:371:A:VAL:HB	1:373:A:LEU:HD13	7	0.81
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD11	16	0.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD12	16	0.81
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD13	16	0.81
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD11	16	0.81
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD12	16	0.81
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD13	16	0.81
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD11	16	0.81
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD12	16	0.81
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD13	16	0.81
(1,3459)	1:373:A:LEU:HD11	1:373:A:LEU:HA	4	0.81
(1,3459)	1:373:A:LEU:HD12	1:373:A:LEU:HA	4	0.81
(1,3459)	1:373:A:LEU:HD13	1:373:A:LEU:HA	4	0.81
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD2	12	0.81
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD2	12	0.81
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD3	26	0.81
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD3	26	0.81
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	27	0.81
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD21	1:304:A:GLN:HG2	10	0.81
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD22	1:304:A:GLN:HG2	10	0.81
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD23	1:304:A:GLN:HG2	10	0.81
(1,2209)	1:267:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HA	2	0.81
(1,2209)	1:267:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HA	2	0.81
(1,2209)	1:267:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HA	2	0.81
(1,2106)	1:377:A:MET:HB2	1:204:A:TYR:HE1	10	0.81
(1,2106)	1:377:A:MET:HB2	1:204:A:TYR:HD1	14	0.81
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	29	0.81
(1,1091)	1:375:A:GLN:HE21	1:222:A:LYS:HG2	29	0.81
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	20	0.81
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	27	0.81
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG11	33	0.81
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG12	33	0.81
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG13	33	0.81
(1,6877)	1:212:A:VAL:HG21	1:270:A:TYR:H	17	0.8
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG23	1:426:A:GLU:H	21	0.8
(1,6853)	1:239:A:LYS:HD3	1:262:A:THR:HG23	19	0.8
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD12	1:408:A:LEU:H	10	0.8
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD13	1:408:A:LEU:H	23	0.8
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:HB2	15	0.8
(1,6804)	1:267:A:LEU:HD23	1:212:A:VAL:HG12	24	0.8
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD11	1:403:A:ARG:HA	11	0.8
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD12	1:403:A:ARG:HA	25	0.8
(1,6766)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HA	11	0.8
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	5	0.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	28	0.8
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD12	1:227:A:CYS:HA	21	0.8
(1,6660)	1:210:A:PRO:HB3	1:274:A:LEU:HD21	8	0.8
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD23	1:363:A:HIS:H	9	0.8
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD13	1:325:A:MET:H	34	0.8
(1,6549)	1:337:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG21	21	0.8
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG23	31	0.8
(1,6486)	1:272:A:ARG:HG2	1:350:A:VAL:HB	9	0.8
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:253:A:THR:HG21	6	0.8
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG12	1:231:A:TYR:HD1	30	0.8
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD11	1:444:A:ARG:H	19	0.8
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG23	1:393:A:GLU:HA	3	0.8
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG22	1:393:A:GLU:HA	25	0.8
(1,6257)	1:337:A:MET:HE1	1:328:A:VAL:HB	27	0.8
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD22	1:256:A:GLU:HG3	31	0.8
(1,6248)	1:317:A:LEU:HD23	1:320:A:TRP:HB3	3	0.8
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD21	1:253:A:THR:H	23	0.8
(1,6174)	1:253:A:THR:HB	1:255:A:LEU:HG	16	0.8
(1,6139)	1:317:A:LEU:HD13	1:210:A:PRO:HG3	22	0.8
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG21	1:274:A:LEU:HD21	19	0.8
(1,6079)	1:208:A:ARG:HG2	1:312:A:GLU:HA	10	0.8
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD23	1:398:A:ILE:H	35	0.8
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HA	4	0.8
(1,5881)	1:202:A:MET:HE1	1:208:A:ARG:HD3	10	0.8
(1,5847)	1:320:A:TRP:HE3	1:209:A:LEU:HG	8	0.8
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HD11	29	0.8
(1,5686)	1:345:A:VAL:HG11	1:232:A:ARG:HB2	5	0.8
(1,5642)	1:225:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG13	23	0.8
(1,5605)	1:337:A:MET:HE1	1:342:A:ILE:HA	23	0.8
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	13	0.8
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG23	1:314:A:ASN:HB3	3	0.8
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG21	1:314:A:ASN:HB3	26	0.8
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG23	1:314:A:ASN:HB3	34	0.8
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD21	4	0.8
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD22	29	0.8
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG22	26	0.8
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:344:A:ILE:HA	9	0.8
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	12	0.8
(1,5383)	1:254:A:ASN:HD22	1:255:A:LEU:HD11	4	0.8
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG23	8	0.8
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD21	2	0.8
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	19	0.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	13	0.8
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	5	0.8
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD23	9	0.8
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG22	27	0.8
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG11	7	0.8
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	12	0.8
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	3	0.8
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	20	0.8
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:337:A:MET:HB3	23	0.8
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	15	0.8
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD11	1:361:A:PHE:HB3	25	0.8
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD12	1:361:A:PHE:HB3	25	0.8
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD13	1:361:A:PHE:HB3	25	0.8
(1,4160)	1:351:A:GLN:HG3	1:351:A:GLN:H	29	0.8
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	1	0.8
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	1	0.8
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	1	0.8
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	17	0.8
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	17	0.8
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	17	0.8
(1,3921)	1:385:A:MET:HE2	1:382:A:TRP:HH2	14	0.8
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	1	0.8
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD12	1:307:A:LEU:HA	1	0.8
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	1	0.8
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	24	0.8
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD12	1:307:A:LEU:HA	24	0.8
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	24	0.8
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	31	0.8
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD12	1:307:A:LEU:HA	31	0.8
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	31	0.8
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HD12	22	0.8
(1,3459)	1:373:A:LEU:HD11	1:373:A:LEU:HA	7	0.8
(1,3459)	1:373:A:LEU:HD12	1:373:A:LEU:HA	7	0.8
(1,3459)	1:373:A:LEU:HD13	1:373:A:LEU:HA	7	0.8
(1,3459)	1:373:A:LEU:HD11	1:373:A:LEU:HA	19	0.8
(1,3459)	1:373:A:LEU:HD12	1:373:A:LEU:HA	19	0.8
(1,3459)	1:373:A:LEU:HD13	1:373:A:LEU:HA	19	0.8
(1,3198)	1:351:A:GLN:HG3	1:351:A:GLN:HA	12	0.8
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD11	1:255:A:LEU:HA	32	0.8
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD12	1:255:A:LEU:HA	32	0.8
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD13	1:255:A:LEU:HA	32	0.8
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	20	0.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2833)	1:400:A:GLU:HG3	1:400:A:GLU:H	3	0.8
(1,2833)	1:400:A:GLU:HG3	1:400:A:GLU:H	6	0.8
(1,2642)	1:373:A:LEU:HD21	1:327:A:HIS:HE1	7	0.8
(1,2642)	1:373:A:LEU:HD22	1:327:A:HIS:HE1	7	0.8
(1,2642)	1:373:A:LEU:HD23	1:327:A:HIS:HE1	7	0.8
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	13	0.8
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	13	0.8
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	13	0.8
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	19	0.8
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	19	0.8
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	19	0.8
(1,2415)	1:336:A:LYS:HE3	1:337:A:MET:H	15	0.8
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:H	20	0.8
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:H	20	0.8
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:H	20	0.8
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD21	8	0.8
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD22	8	0.8
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD23	8	0.8
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	7	0.8
(2,63)	1:255:A:LEU:HD21	1:215:A:GLU:H	13	0.79
(2,63)	1:255:A:LEU:HD22	1:215:A:GLU:H	13	0.79
(2,63)	1:255:A:LEU:HD23	1:215:A:GLU:H	13	0.79
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD11	1:408:A:LEU:H	20	0.79
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:446:A:ALA:HB3	32	0.79
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:H	33	0.79
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD13	1:403:A:ARG:HA	1	0.79
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD11	1:403:A:ARG:HA	35	0.79
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	33	0.79
(1,6751)	1:209:A:LEU:HD23	1:217:A:ILE:HG21	7	0.79
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	6	0.79
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	10	0.79
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	24	0.79
(1,6716)	1:239:A:LYS:HD2	1:242:A:GLU:HB3	14	0.79
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG23	1:307:A:LEU:HD11	12	0.79
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HB3	15	0.79
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HB3	23	0.79
(1,6634)	1:253:A:THR:HG23	1:244:A:LYS:HA	20	0.79
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD21	20	0.79
(1,6525)	1:203:A:MET:HE3	1:201:A:THR:HG23	7	0.79
(1,6525)	1:203:A:MET:HE2	1:201:A:THR:HG21	33	0.79
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG23	28	0.79
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD21	1:413:A:HIS:H	14	0.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG13	1:341:A:ASN:H	1	0.79
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG11	1:341:A:ASN:H	19	0.79
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG13	1:231:A:TYR:HD1	11	0.79
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	27	0.79
(1,6402)	1:377:A:MET:HE3	1:378:A:LYS:HA	4	0.79
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD12	1:374:A:LYS:HA	31	0.79
(1,6348)	1:409:A:LEU:HD13	1:413:A:HIS:HD2	19	0.79
(1,6248)	1:317:A:LEU:HD23	1:320:A:TRP:HB3	23	0.79
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD22	1:266:A:LEU:H	30	0.79
(1,6141)	1:409:A:LEU:HD23	1:432:A:VAL:HG23	3	0.79
(1,6127)	1:439:A:LEU:HD22	1:402:A:ILE:HA	28	0.79
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD13	1:364:A:VAL:HB	4	0.79
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD12	1:366:A:GLU:H	32	0.79
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD13	1:373:A:LEU:HA	6	0.79
(1,5775)	1:201:A:THR:HG23	1:202:A:MET:HG3	13	0.79
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG22	1:316:A:LEU:HD12	21	0.79
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG22	34	0.79
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG13	1:300:A:VAL:HG12	16	0.79
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	26	0.79
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	35	0.79
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:209:A:LEU:HD12	5	0.79
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG21	20	0.79
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:302:A:GLU:HA	11	0.79
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	28	0.79
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HD21	13	0.79
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HD23	35	0.79
(1,5053)	1:209:A:LEU:H	1:213:A:PHE:HB3	3	0.79
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG23	20	0.79
(1,4860)	1:261:A:ASN:HD21	1:233:A:VAL:HA	29	0.79
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD2	26	0.79
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD2	30	0.79
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:337:A:MET:HB3	5	0.79
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD11	1:402:A:ILE:HA	2	0.79
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD12	1:402:A:ILE:HA	2	0.79
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD13	1:402:A:ILE:HA	2	0.79
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD21	1:318:A:ILE:H	20	0.79
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:H	20	0.79
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:H	20	0.79
(1,3459)	1:373:A:LEU:HD11	1:373:A:LEU:HA	25	0.79
(1,3459)	1:373:A:LEU:HD12	1:373:A:LEU:HA	25	0.79
(1,3459)	1:373:A:LEU:HD13	1:373:A:LEU:HA	25	0.79
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	30	0.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD11	11	0.79
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD12	11	0.79
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD13	11	0.79
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD11	11	0.79
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD12	11	0.79
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD13	11	0.79
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD11	11	0.79
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD12	11	0.79
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD13	11	0.79
(1,2833)	1:400:A:GLU:HG3	1:400:A:GLU:H	16	0.79
(1,805)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HB3	22	0.79
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	4	0.79
(2,63)	1:255:A:LEU:HD21	1:215:A:GLU:H	15	0.78
(2,63)	1:255:A:LEU:HD22	1:215:A:GLU:H	15	0.78
(2,63)	1:255:A:LEU:HD23	1:215:A:GLU:H	15	0.78
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG21	1:357:A:LEU:HB3	6	0.78
(1,6716)	1:239:A:LYS:HD2	1:242:A:GLU:HB3	26	0.78
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HE2	15	0.78
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HB3	26	0.78
(1,6660)	1:210:A:PRO:HB3	1:274:A:LEU:HD22	3	0.78
(1,6639)	1:194:A:LEU:HD21	1:198:A:VAL:HB	10	0.78
(1,6639)	1:194:A:LEU:HD23	1:198:A:VAL:HB	17	0.78
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD13	1:230:A:ILE:H	33	0.78
(1,6634)	1:253:A:THR:HG22	1:244:A:LYS:HA	19	0.78
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:416:A:LEU:HD23	27	0.78
(1,6535)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB3	15	0.78
(1,6525)	1:203:A:MET:HE1	1:201:A:THR:HG23	6	0.78
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD21	1:413:A:HIS:H	8	0.78
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG13	1:341:A:ASN:H	13	0.78
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG12	1:341:A:ASN:H	25	0.78
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HB3	3	0.78
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HB3	33	0.78
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD21	5	0.78
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD23	16	0.78
(1,6426)	1:243:A:LEU:HD23	1:246:A:ALA:H	11	0.78
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	6	0.78
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG22	1:393:A:GLU:HA	20	0.78
(1,6386)	1:398:A:ILE:HD13	1:392:A:PRO:HD2	27	0.78
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD13	1:335:A:THR:HG21	34	0.78
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD21	1:256:A:GLU:HG3	12	0.78
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD22	1:253:A:THR:H	1	0.78
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:328:A:VAL:HG21	6	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:328:A:VAL:HG23	9	0.78
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD13	1:314:A:ASN:HD21	10	0.78
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD12	1:314:A:ASN:HD21	24	0.78
(1,6041)	1:284:A:MET:HE1	1:286:A:ARG:H	29	0.78
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD12	1:198:A:VAL:HA	26	0.78
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD12	1:364:A:VAL:HB	29	0.78
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD21	17	0.78
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HA	6	0.78
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HB2	32	0.78
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD21	1:402:A:ILE:H	22	0.78
(1,5943)	1:278:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HD22	35	0.78
(1,5903)	1:337:A:MET:HE2	1:343:A:SER:H	17	0.78
(1,5903)	1:337:A:MET:HE2	1:343:A:SER:H	34	0.78
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HA	25	0.78
(1,5848)	1:183:A:MET:HG3	1:182:A:HIS:HA	20	0.78
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG23	1:316:A:LEU:HD11	3	0.78
(1,5642)	1:225:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG23	2	0.78
(1,5605)	1:337:A:MET:HE2	1:342:A:ILE:HA	28	0.78
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG22	1:314:A:ASN:HB3	33	0.78
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	5	0.78
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	22	0.78
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	25	0.78
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG22	8	0.78
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG22	21	0.78
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG23	23	0.78
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:255:A:LEU:HD13	18	0.78
(1,5200)	1:269:A:GLN:HE22	1:244:A:LYS:HD2	22	0.78
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	8	0.78
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	11	0.78
(1,4867)	1:235:A:GLY:H	1:262:A:THR:HG23	30	0.78
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD2	34	0.78
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:426:A:GLU:HG2	11	0.78
(1,4688)	1:318:A:ILE:H	1:278:A:LEU:HD23	7	0.78
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	21	0.78
(1,4394)	1:393:A:GLU:HB2	1:442:A:LYS:HE3	14	0.78
(1,4329)	1:377:A:MET:HG3	1:204:A:TYR:HD1	19	0.78
(1,4152)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:HG2	23	0.78
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	31	0.78
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	31	0.78
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	31	0.78
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD11	4	0.78
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD12	4	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD13	4	0.78
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD11	4	0.78
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD12	4	0.78
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD13	4	0.78
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD11	4	0.78
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD12	4	0.78
(1,4061)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD13	4	0.78
(1,4042)	1:239:A:LYS:HD3	1:242:A:GLU:HB3	14	0.78
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD21	29	0.78
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD22	29	0.78
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD23	29	0.78
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD21	29	0.78
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD22	29	0.78
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD23	29	0.78
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD21	29	0.78
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD22	29	0.78
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD23	29	0.78
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	5	0.78
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD12	1:307:A:LEU:HA	5	0.78
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	5	0.78
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	7	0.78
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD12	1:307:A:LEU:HA	7	0.78
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	7	0.78
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	10	0.78
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD12	1:307:A:LEU:HA	10	0.78
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	10	0.78
(1,3712)	1:297:A:THR:HG21	1:301:A:GLN:HG2	5	0.78
(1,3712)	1:297:A:THR:HG22	1:301:A:GLN:HG2	5	0.78
(1,3712)	1:297:A:THR:HG23	1:301:A:GLN:HG2	5	0.78
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HB2	28	0.78
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HB2	28	0.78
(1,3693)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HB2	28	0.78
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD2	30	0.78
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD2	30	0.78
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD11	1:255:A:LEU:HA	21	0.78
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD12	1:255:A:LEU:HA	21	0.78
(1,3197)	1:255:A:LEU:HD13	1:255:A:LEU:HA	21	0.78
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	4	0.78
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE3	30	0.78
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE3	30	0.78
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE3	30	0.78
(1,2229)	1:377:A:MET:HE3	1:204:A:TYR:HE1	21	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2216)	1:203:A:MET:HE2	1:204:A:TYR:HD1	9	0.78
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD21	15	0.78
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD22	15	0.78
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD23	15	0.78
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG21	1	0.78
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG22	1	0.78
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG23	1	0.78
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	30	0.78
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG2	9	0.78
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	6	0.78
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	20	0.78
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG2	32	0.78
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	6	0.77
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD11	1:408:A:LEU:H	24	0.77
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HB3	11	0.77
(1,6804)	1:267:A:LEU:HD22	1:212:A:VAL:HG11	5	0.77
(1,6792)	1:258:A:TYR:HD1	1:240:A:VAL:HG23	4	0.77
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD11	1:403:A:ARG:HA	3	0.77
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD12	1:403:A:ARG:HA	7	0.77
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	13	0.77
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	18	0.77
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	30	0.77
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	34	0.77
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG21	1:307:A:LEU:HD12	2	0.77
(1,6677)	1:412:A:LEU:HD11	1:415:A:ASP:HB2	20	0.77
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD12	1:230:A:ILE:H	13	0.77
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD23	1:363:A:HIS:H	11	0.77
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD21	1:363:A:HIS:H	35	0.77
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	28	0.77
(1,6532)	1:228:A:GLU:HG3	1:227:A:CYS:HB3	10	0.77
(1,6525)	1:203:A:MET:HE1	1:201:A:THR:HG21	1	0.77
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG22	7	0.77
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG22	16	0.77
(1,6515)	1:325:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HA	32	0.77
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	15	0.77
(1,6314)	1:334:A:GLU:HG2	1:331:A:LYS:HD3	7	0.77
(1,6296)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HE2	18	0.77
(1,6257)	1:337:A:MET:HE2	1:328:A:VAL:HB	22	0.77
(1,6257)	1:337:A:MET:HE3	1:328:A:VAL:HB	33	0.77
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG12	4	0.77
(1,6222)	1:409:A:LEU:HD22	1:408:A:LEU:H	8	0.77
(1,6222)	1:409:A:LEU:HD21	1:408:A:LEU:H	11	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD22	1:253:A:THR:H	34	0.77
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:328:A:VAL:HG22	19	0.77
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD13	1:253:A:THR:HG22	7	0.77
(1,6000)	1:225:A:MET:HE1	1:326:A:ASP:H	6	0.77
(1,6000)	1:225:A:MET:HE1	1:326:A:ASP:H	21	0.77
(1,5873)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HG3	22	0.77
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	18	0.77
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	12	0.77
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	20	0.77
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG13	1:342:A:ILE:HD11	15	0.77
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG21	14	0.77
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HD12	12	0.77
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB2	1:266:A:LEU:HD23	10	0.77
(1,5605)	1:337:A:MET:HE3	1:342:A:ILE:HA	27	0.77
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG23	1:314:A:ASN:HB3	35	0.77
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	30	0.77
(1,5328)	1:185:A:ASN:HD21	1:187:A:LYS:HB2	15	0.77
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	14	0.77
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:263:A:VAL:HG13	27	0.77
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG22	9	0.77
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG22	25	0.77
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:210:A:PRO:HB3	35	0.77
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:302:A:GLU:HA	1	0.77
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	18	0.77
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:302:A:GLU:HA	25	0.77
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	31	0.77
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD23	11	0.77
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD21	35	0.77
(1,5186)	1:329:A:ILE:H	1:332:A:GLU:HG2	19	0.77
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG2	17	0.77
(1,5074)	1:202:A:MET:H	1:200:A:ARG:HG3	9	0.77
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG21	23	0.77
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG23	26	0.77
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:416:A:LEU:HD23	33	0.77
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	10	0.77
(1,4860)	1:261:A:ASN:HD21	1:233:A:VAL:HA	15	0.77
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	4	0.77
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:193:A:PRO:HD2	3	0.77
(1,4682)	1:359:A:VAL:H	1:303:A:PHE:HE2	1	0.77
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	8	0.77
(1,4160)	1:351:A:GLN:HG3	1:351:A:GLN:H	1	0.77
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	13	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD12	1:307:A:LEU:HA	13	0.77
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	13	0.77
(1,3837)	1:419:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG21	35	0.77
(1,3459)	1:373:A:LEU:HD11	1:373:A:LEU:HA	14	0.77
(1,3459)	1:373:A:LEU:HD12	1:373:A:LEU:HA	14	0.77
(1,3459)	1:373:A:LEU:HD13	1:373:A:LEU:HA	14	0.77
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	6	0.77
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	6	0.77
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	6	0.77
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	6	0.77
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	6	0.77
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	6	0.77
(1,3278)	1:282:A:GLU:HG2	1:283:A:LEU:HD11	11	0.77
(1,3278)	1:282:A:GLU:HG2	1:283:A:LEU:HD12	11	0.77
(1,3278)	1:282:A:GLU:HG2	1:283:A:LEU:HD13	11	0.77
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG11	1:232:A:ARG:HD3	14	0.77
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG12	1:232:A:ARG:HD3	14	0.77
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG13	1:232:A:ARG:HD3	14	0.77
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	31	0.77
(1,3131)	1:203:A:MET:HE1	1:215:A:GLU:HG3	3	0.77
(1,3131)	1:203:A:MET:HE2	1:215:A:GLU:HG3	3	0.77
(1,3131)	1:203:A:MET:HE3	1:215:A:GLU:HG3	3	0.77
(1,2833)	1:400:A:GLU:HG3	1:400:A:GLU:H	27	0.77
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:H	7	0.77
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:H	7	0.77
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:H	7	0.77
(1,2106)	1:377:A:MET:HB2	1:204:A:TYR:HE1	30	0.77
(1,1635)	1:246:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	28	0.77
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	10	0.77
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD21	31	0.77
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD22	31	0.77
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD23	31	0.77
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG2	1	0.77
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG2	30	0.77
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	22	0.77
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG11	23	0.77
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG12	23	0.77
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG13	23	0.77
(1,6878)	1:307:A:LEU:HD13	1:360:A:PHE:HZ	7	0.76
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD13	1:408:A:LEU:H	11	0.76
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD22	1:209:A:LEU:HD12	6	0.76
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD12	1:403:A:ARG:HA	2	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6751)	1:209:A:LEU:HD21	1:217:A:ILE:HG12	6	0.76
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	22	0.76
(1,6716)	1:239:A:LYS:HD2	1:242:A:GLU:HB3	12	0.76
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HE2	2	0.76
(1,6677)	1:412:A:LEU:HD11	1:415:A:ASP:HB2	29	0.76
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HA	19	0.76
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HB3	9	0.76
(1,6660)	1:210:A:PRO:HB3	1:274:A:LEU:HD22	10	0.76
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD12	1:230:A:ILE:H	12	0.76
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD13	1:324:A:HIS:H	14	0.76
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG3	19	0.76
(1,6564)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB2	33	0.76
(1,6556)	1:263:A:VAL:HG12	1:255:A:LEU:HB3	19	0.76
(1,6532)	1:228:A:GLU:HG3	1:227:A:CYS:HB3	9	0.76
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG13	1:341:A:ASN:H	18	0.76
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD23	1	0.76
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG22	1:393:A:GLU:HA	27	0.76
(1,6376)	1:377:A:MET:HE2	1:408:A:LEU:HD23	25	0.76
(1,6360)	1:278:A:LEU:HD21	1:279:A:LEU:HD21	25	0.76
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG22	1:240:A:VAL:HB	1	0.76
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG21	1:240:A:VAL:HB	4	0.76
(1,6317)	1:225:A:MET:HE1	1:325:A:MET:H	31	0.76
(1,6317)	1:225:A:MET:HE3	1:325:A:MET:H	32	0.76
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD21	1:194:A:LEU:HD13	18	0.76
(1,6263)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:H	33	0.76
(1,6248)	1:317:A:LEU:HD21	1:320:A:TRP:HB3	31	0.76
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD12	1:314:A:ASN:HD21	6	0.76
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD12	1:314:A:ASN:HD21	15	0.76
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD11	1:314:A:ASN:HD21	31	0.76
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD12	1:314:A:ASN:HD21	35	0.76
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:HD11	34	0.76
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD21	1:255:A:LEU:HD21	29	0.76
(1,6020)	1:317:A:LEU:HD12	1:278:A:LEU:HD23	21	0.76
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HA	21	0.76
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HA	32	0.76
(1,5948)	1:189:A:ILE:HD11	1:196:A:ASP:HB3	16	0.76
(1,5903)	1:337:A:MET:HE2	1:343:A:SER:H	19	0.76
(1,5873)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HG3	3	0.76
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB1	1:263:A:VAL:HG11	1	0.76
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB1	1:263:A:VAL:HG13	12	0.76
(1,5712)	1:300:A:VAL:HG22	1:301:A:GLN:H	10	0.76
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD11	1:315:A:TYR:HA	13	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5679)	1:318:A:ILE:HB	1:279:A:LEU:HD12	20	0.76
(1,5642)	1:225:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG23	19	0.76
(1,5605)	1:337:A:MET:HE1	1:342:A:ILE:HA	3	0.76
(1,5605)	1:337:A:MET:HE3	1:342:A:ILE:HA	33	0.76
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB2	1:189:A:ILE:HD13	25	0.76
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG23	1:314:A:ASN:HB3	9	0.76
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG21	1:314:A:ASN:HB3	22	0.76
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	3	0.76
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG23	21	0.76
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	23	0.76
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:263:A:VAL:HG11	28	0.76
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG22	31	0.76
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	4	0.76
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	27	0.76
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:302:A:GLU:HA	30	0.76
(1,4999)	1:304:A:GLN:H	1:367:A:LEU:HB2	13	0.76
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	21	0.76
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:395:A:GLN:HG2	15	0.76
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	10	0.76
(1,4688)	1:318:A:ILE:H	1:278:A:LEU:HD23	25	0.76
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:194:A:LEU:HA	15	0.76
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HB	22	0.76
(1,4670)	1:293:A:ARG:HE	1:301:A:GLN:HG3	11	0.76
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG21	34	0.76
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG22	34	0.76
(1,4582)	1:210:A:PRO:HG3	1:212:A:VAL:HG23	34	0.76
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD11	1:430:A:TRP:HZ2	29	0.76
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HZ2	29	0.76
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD13	1:430:A:TRP:HZ2	29	0.76
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD1	23	0.76
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD2	23	0.76
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD1	23	0.76
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD2	23	0.76
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD1	23	0.76
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD2	23	0.76
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HG21	15	0.76
(1,4042)	1:239:A:LYS:HD3	1:242:A:GLU:HB3	15	0.76
(1,4042)	1:239:A:LYS:HD3	1:242:A:GLU:HB3	16	0.76
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	4	0.76
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD12	1:307:A:LEU:HA	4	0.76
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	4	0.76
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD21	20	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD21	20	0.76
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD21	20	0.76
(1,3712)	1:297:A:THR:HG21	1:301:A:GLN:HG2	10	0.76
(1,3712)	1:297:A:THR:HG22	1:301:A:GLN:HG2	10	0.76
(1,3712)	1:297:A:THR:HG23	1:301:A:GLN:HG2	10	0.76
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG23	1:216:A:CYS:HG	33	0.76
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	5	0.76
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	6	0.76
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	14	0.76
(1,2833)	1:400:A:GLU:HG3	1:400:A:GLU:H	2	0.76
(1,2833)	1:400:A:GLU:HG3	1:400:A:GLU:H	18	0.76
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	5	0.76
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	5	0.76
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	5	0.76
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD21	1:304:A:GLN:HG2	13	0.76
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD22	1:304:A:GLN:HG2	13	0.76
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD23	1:304:A:GLN:HG2	13	0.76
(1,2229)	1:377:A:MET:HE2	1:204:A:TYR:HE1	16	0.76
(1,2216)	1:203:A:MET:HE3	1:204:A:TYR:HD1	7	0.76
(1,1658)	1:375:A:GLN:HE21	1:378:A:LYS:HB2	30	0.76
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	3	0.76
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD21	10	0.76
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD22	10	0.76
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD23	10	0.76
(2,63)	1:255:A:LEU:HD21	1:215:A:GLU:H	21	0.75
(2,63)	1:255:A:LEU:HD22	1:215:A:GLU:H	21	0.75
(2,63)	1:255:A:LEU:HD23	1:215:A:GLU:H	21	0.75
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD11	1:408:A:LEU:H	13	0.75
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HD12	13	0.75
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG23	1:357:A:LEU:HB3	35	0.75
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:446:A:ALA:HB3	11	0.75
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD13	1:403:A:ARG:HA	22	0.75
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	1	0.75
(1,6731)	1:239:A:LYS:HD3	1:243:A:LEU:HD12	10	0.75
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD12	1:227:A:CYS:HA	17	0.75
(1,6669)	1:279:A:LEU:HD12	1:287:A:PHE:H	16	0.75
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HB3	5	0.75
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD12	1:230:A:ILE:H	16	0.75
(1,6634)	1:253:A:THR:HG23	1:244:A:LYS:HA	11	0.75
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD12	1:324:A:HIS:H	15	0.75
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG13	1:271:A:LEU:HD23	27	0.75
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG23	1:361:A:PHE:HZ	34	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6525)	1:203:A:MET:HE1	1:201:A:THR:HG23	16	0.75
(1,6506)	1:312:A:GLU:HG2	1:208:A:ARG:HG3	34	0.75
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG13	1:341:A:ASN:H	30	0.75
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD12	1:444:A:ARG:H	20	0.75
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HB3	18	0.75
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD12	1:350:A:VAL:H	28	0.75
(1,6436)	1:300:A:VAL:HG13	1:298:A:GLU:H	21	0.75
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD23	26	0.75
(1,6426)	1:243:A:LEU:HD21	1:246:A:ALA:H	19	0.75
(1,6402)	1:377:A:MET:HE1	1:378:A:LYS:HA	24	0.75
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD22	1:409:A:LEU:H	15	0.75
(1,6316)	1:425:A:LYS:HE2	1:426:A:GLU:H	23	0.75
(1,6257)	1:337:A:MET:HE3	1:328:A:VAL:HB	24	0.75
(1,6248)	1:317:A:LEU:HD21	1:320:A:TRP:HB3	10	0.75
(1,6172)	1:409:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:HA	17	0.75
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD11	1:267:A:LEU:HD21	33	0.75
(1,6000)	1:225:A:MET:HE2	1:326:A:ASP:H	2	0.75
(1,6000)	1:225:A:MET:HE1	1:326:A:ASP:H	31	0.75
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD23	16	0.75
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD21	29	0.75
(1,5951)	1:274:A:LEU:HD13	1:192:A:ILE:H	29	0.75
(1,5945)	1:203:A:MET:HE2	1:247:A:TYR:HE1	12	0.75
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD13	1:373:A:LEU:HA	26	0.75
(1,5890)	1:439:A:LEU:HD13	1:401:A:GLU:H	6	0.75
(1,5848)	1:377:A:MET:HG3	1:376:A:VAL:HA	35	0.75
(1,5789)	1:429:A:LEU:HD21	1:433:A:GLN:HG3	32	0.75
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD13	1:395:A:GLN:HG2	29	0.75
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB2	1:263:A:VAL:HG12	5	0.75
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB3	1:263:A:VAL:HG12	14	0.75
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB2	1:263:A:VAL:HG13	17	0.75
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG12	1:342:A:ILE:HD13	13	0.75
(1,5701)	1:302:A:GLU:HG2	1:305:A:ARG:HD3	10	0.75
(1,5677)	1:212:A:VAL:HG12	1:210:A:PRO:HB3	29	0.75
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB1	1:255:A:LEU:HD22	23	0.75
(1,5386)	1:269:A:GLN:HE21	1:244:A:LYS:HD2	32	0.75
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	6	0.75
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	12	0.75
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG22	12	0.75
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:210:A:PRO:HB3	16	0.75
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	19	0.75
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	13	0.75
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:302:A:GLU:HA	16	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	23	0.75
(1,5200)	1:269:A:GLN:HE22	1:244:A:LYS:HD2	28	0.75
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	2	0.75
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	6	0.75
(1,4999)	1:304:A:GLN:H	1:307:A:LEU:HD21	10	0.75
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	15	0.75
(1,4992)	1:283:A:LEU:H	1:286:A:ARG:HG2	11	0.75
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG12	29	0.75
(1,4867)	1:235:A:GLY:H	1:262:A:THR:HG21	20	0.75
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	9	0.75
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD21	11	0.75
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HB	28	0.75
(1,4160)	1:351:A:GLN:HG3	1:351:A:GLN:H	34	0.75
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	6	0.75
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	6	0.75
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	6	0.75
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	6	0.75
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	6	0.75
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	6	0.75
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	6	0.75
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	6	0.75
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	6	0.75
(1,3282)	1:345:A:VAL:HG11	1:345:A:VAL:H	14	0.75
(1,3282)	1:345:A:VAL:HG12	1:345:A:VAL:H	14	0.75
(1,3282)	1:345:A:VAL:HG13	1:345:A:VAL:H	14	0.75
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	2	0.75
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD11	13	0.75
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD12	13	0.75
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD13	13	0.75
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD11	13	0.75
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD12	13	0.75
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD13	13	0.75
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD11	13	0.75
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD12	13	0.75
(1,2983)	1:310:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD13	13	0.75
(1,2785)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HG2	27	0.75
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG11	2	0.75
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG12	2	0.75
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG13	2	0.75
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG11	23	0.75
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG12	23	0.75
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG13	23	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1635)	1:246:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	8	0.75
(1,861)	1:279:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	19	0.75
(1,861)	1:279:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	19	0.75
(1,861)	1:279:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	19	0.75
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD21	14	0.75
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD22	14	0.75
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD23	14	0.75
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD21	28	0.75
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD22	28	0.75
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD23	28	0.75
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	24	0.75
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	26	0.75
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE2	10	0.74
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD12	1:408:A:LEU:H	4	0.74
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HB3	20	0.74
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:446:A:ALA:HB3	22	0.74
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	2	0.74
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	14	0.74
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	32	0.74
(1,6716)	1:239:A:LYS:HD2	1:242:A:GLU:HB3	17	0.74
(1,6716)	1:239:A:LYS:HD2	1:242:A:GLU:HB3	33	0.74
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HE2	19	0.74
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD13	1:227:A:CYS:HA	6	0.74
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HB3	7	0.74
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HB3	27	0.74
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD11	1:324:A:HIS:H	25	0.74
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG2	1	0.74
(1,6556)	1:263:A:VAL:HG13	1:255:A:LEU:HB3	33	0.74
(1,6546)	1:367:A:LEU:HD22	1:363:A:HIS:HB3	10	0.74
(1,6537)	1:194:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HA	4	0.74
(1,6537)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HA	14	0.74
(1,6532)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HE2	5	0.74
(1,6532)	1:228:A:GLU:HG3	1:227:A:CYS:HB3	17	0.74
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD23	1:413:A:HIS:H	22	0.74
(1,6486)	1:272:A:ARG:HG2	1:350:A:VAL:HB	26	0.74
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG12	1:341:A:ASN:H	34	0.74
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD12	1:274:A:LEU:HB3	35	0.74
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD12	1:280:A:THR:H	5	0.74
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD13	1:413:A:HIS:HE1	16	0.74
(1,6348)	1:409:A:LEU:HD11	1:413:A:HIS:HD2	34	0.74
(1,6257)	1:337:A:MET:HE2	1:328:A:VAL:HB	10	0.74
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG22	1:244:A:LYS:H	33	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6205)	1:329:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:HG21	15	0.74
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD13	1:267:A:LEU:HD11	35	0.74
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG3	1:282:A:GLU:HG2	4	0.74
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD13	1:198:A:VAL:HA	5	0.74
(1,6008)	1:316:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HD11	24	0.74
(1,6000)	1:225:A:MET:HE1	1:326:A:ASP:H	3	0.74
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD11	1:284:A:MET:HE3	3	0.74
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HA	29	0.74
(1,5964)	1:289:A:GLU:HB3	1:306:A:LEU:HD21	26	0.74
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HA	16	0.74
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD11	1:271:A:LEU:HB3	14	0.74
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD13	1:271:A:LEU:HB3	28	0.74
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG22	1:316:A:LEU:HD23	16	0.74
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB1	1:263:A:VAL:HG13	3	0.74
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB1	1:263:A:VAL:HG13	13	0.74
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG23	1:325:A:MET:H	13	0.74
(1,5647)	1:202:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:H	3	0.74
(1,5647)	1:202:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:H	19	0.74
(1,5642)	1:225:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG21	3	0.74
(1,5605)	1:337:A:MET:HE2	1:342:A:ILE:HA	1	0.74
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG22	1:314:A:ASN:HB3	19	0.74
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	19	0.74
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	21	0.74
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD21	16	0.74
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD21	19	0.74
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:263:A:VAL:HG11	5	0.74
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	3	0.74
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:302:A:GLU:HA	20	0.74
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	32	0.74
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:255:A:LEU:HD12	25	0.74
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG3	8	0.74
(1,5121)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HD11	8	0.74
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	3	0.74
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:395:A:GLN:HG2	25	0.74
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:416:A:LEU:HD22	19	0.74
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:278:A:LEU:HD13	5	0.74
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	16	0.74
(1,4801)	1:209:A:LEU:H	1:202:A:MET:HG2	15	0.74
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG21	20	0.74
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HE1	6	0.74
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HE2	6	0.74
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HE1	6	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HE2	6	0.74
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HE1	6	0.74
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HE2	6	0.74
(1,4055)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HD11	9	0.74
(1,4055)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HD12	9	0.74
(1,4055)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HD13	9	0.74
(1,4055)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HD11	19	0.74
(1,4055)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HD12	19	0.74
(1,4055)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HD13	19	0.74
(1,3921)	1:385:A:MET:HE2	1:382:A:TRP:HH2	28	0.74
(1,3921)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HH2	32	0.74
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	28	0.74
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD12	1:307:A:LEU:HA	28	0.74
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	28	0.74
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD21	30	0.74
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD21	30	0.74
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD21	30	0.74
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD21	7	0.74
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD22	7	0.74
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD23	7	0.74
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD21	7	0.74
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD22	7	0.74
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD23	7	0.74
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD21	7	0.74
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD22	7	0.74
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD23	7	0.74
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	25	0.74
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	25	0.74
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	25	0.74
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	25	0.74
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	25	0.74
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	25	0.74
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD3	8	0.74
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD3	8	0.74
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD2	17	0.74
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD2	17	0.74
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	17	0.74
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	24	0.74
(1,2486)	1:420:A:ILE:HD11	1:425:A:LYS:HE2	19	0.74
(1,2486)	1:420:A:ILE:HD12	1:425:A:LYS:HE2	19	0.74
(1,2486)	1:420:A:ILE:HD13	1:425:A:LYS:HE2	19	0.74
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	28	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	28	0.74
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	28	0.74
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD11	19	0.74
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD12	19	0.74
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD13	19	0.74
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG11	16	0.74
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG12	16	0.74
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG13	16	0.74
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	9	0.74
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	12	0.74
(1,310)	1:223:A:TYR:H	1:222:A:LYS:HB2	29	0.74
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	18	0.73
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD13	1:403:A:ARG:HA	20	0.73
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD12	1:403:A:ARG:HA	29	0.73
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	4	0.73
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG21	1:360:A:PHE:HB3	28	0.73
(1,6669)	1:279:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:H	28	0.73
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD13	1:230:A:ILE:H	19	0.73
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD22	1:363:A:HIS:H	24	0.73
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD11	1:324:A:HIS:H	29	0.73
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD23	1:432:A:VAL:HG11	15	0.73
(1,6532)	1:228:A:GLU:HG3	1:227:A:CYS:HB3	15	0.73
(1,6496)	1:262:A:THR:HG23	1:243:A:LEU:HD12	26	0.73
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD21	1:413:A:HIS:H	13	0.73
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG13	1:341:A:ASN:H	26	0.73
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD22	25	0.73
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD23	1:409:A:LEU:H	19	0.73
(1,6317)	1:225:A:MET:HE1	1:325:A:MET:H	30	0.73
(1,6306)	1:253:A:THR:HG21	1:251:A:GLU:HB2	20	0.73
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD11	1:335:A:THR:HG22	18	0.73
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:328:A:VAL:HG22	18	0.73
(1,6141)	1:278:A:LEU:HD23	1:271:A:LEU:HB3	11	0.73
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD11	1:314:A:ASN:HD21	7	0.73
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD12	1:314:A:ASN:HD21	18	0.73
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD12	1:314:A:ASN:HD21	27	0.73
(1,6079)	1:208:A:ARG:HG2	1:312:A:GLU:HA	8	0.73
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD11	1:198:A:VAL:HA	14	0.73
(1,6000)	1:225:A:MET:HE2	1:326:A:ASP:H	7	0.73
(1,5979)	1:272:A:ARG:HG2	1:351:A:GLN:H	33	0.73
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD23	24	0.73
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HG	16	0.73
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HA	24	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5881)	1:202:A:MET:HE2	1:208:A:ARG:HD3	19	0.73
(1,5845)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HA	5	0.73
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG22	1:341:A:ASN:HB3	24	0.73
(1,5775)	1:201:A:THR:HG22	1:202:A:MET:HG3	33	0.73
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD2	1:306:A:LEU:H	8	0.73
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	22	0.73
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG21	8	0.73
(1,5647)	1:202:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:H	34	0.73
(1,5642)	1:225:A:MET:HE2	1:230:A:ILE:HG21	33	0.73
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG22	1:314:A:ASN:HB3	21	0.73
(1,5482)	1:398:A:ILE:H	1:395:A:GLN:HG2	15	0.73
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:350:A:VAL:HG21	17	0.73
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:244:A:LYS:HD2	34	0.73
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	3	0.73
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:263:A:VAL:HG12	4	0.73
(1,5215)	1:364:A:VAL:H	1:367:A:LEU:HD23	18	0.73
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	24	0.73
(1,5200)	1:269:A:GLN:HE22	1:240:A:VAL:HG12	18	0.73
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD22	24	0.73
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD12	23	0.73
(1,4999)	1:304:A:GLN:H	1:307:A:LEU:HD22	1	0.73
(1,4990)	1:245:A:ALA:H	1:241:A:ASP:HB3	8	0.73
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	30	0.73
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:395:A:GLN:HG2	13	0.73
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	25	0.73
(1,4867)	1:235:A:GLY:H	1:262:A:THR:HG23	32	0.73
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD2	28	0.73
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:337:A:MET:HB3	2	0.73
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HG3	9	0.73
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	5	0.73
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG22	26	0.73
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD13	13	0.73
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	7	0.73
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	7	0.73
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	7	0.73
(1,4042)	1:239:A:LYS:HD3	1:242:A:GLU:HG2	26	0.73
(1,4042)	1:239:A:LYS:HD3	1:242:A:GLU:HB3	33	0.73
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	4	0.73
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	4	0.73
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	4	0.73
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	4	0.73
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	4	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	4	0.73
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	4	0.73
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	4	0.73
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	4	0.73
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	25	0.73
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	25	0.73
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	25	0.73
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	25	0.73
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	25	0.73
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	25	0.73
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	25	0.73
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	25	0.73
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	25	0.73
(1,3896)	1:274:A:LEU:HD21	1:191:A:GLY:HA3	26	0.73
(1,3896)	1:274:A:LEU:HD22	1:191:A:GLY:HA3	26	0.73
(1,3896)	1:274:A:LEU:HD23	1:191:A:GLY:HA3	26	0.73
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD21	11	0.73
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD21	11	0.73
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD21	11	0.73
(1,3712)	1:297:A:THR:HG21	1:301:A:GLN:HG2	33	0.73
(1,3712)	1:297:A:THR:HG22	1:301:A:GLN:HG2	33	0.73
(1,3712)	1:297:A:THR:HG23	1:301:A:GLN:HG2	33	0.73
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD21	1:334:A:GLU:HG2	32	0.73
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD22	1:334:A:GLU:HG2	32	0.73
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD23	1:334:A:GLU:HG2	32	0.73
(1,3225)	1:350:A:VAL:HG21	1:350:A:VAL:H	33	0.73
(1,3225)	1:350:A:VAL:HG22	1:350:A:VAL:H	33	0.73
(1,3225)	1:350:A:VAL:HG23	1:350:A:VAL:H	33	0.73
(1,3224)	1:327:A:HIS:HD2	1:373:A:LEU:HD21	14	0.73
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	33	0.73
(1,2833)	1:400:A:GLU:HG3	1:400:A:GLU:H	5	0.73
(1,2627)	1:255:A:LEU:HD11	1:253:A:THR:HB	32	0.73
(1,2627)	1:255:A:LEU:HD12	1:253:A:THR:HB	32	0.73
(1,2627)	1:255:A:LEU:HD13	1:253:A:THR:HB	32	0.73
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	10	0.73
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	10	0.73
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	10	0.73
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD21	1:304:A:GLN:HG2	31	0.73
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD22	1:304:A:GLN:HG2	31	0.73
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD23	1:304:A:GLN:HG2	31	0.73
(1,1635)	1:246:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	13	0.73
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	18	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1478)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HB2	11	0.73
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	3	0.73
(1,1216)	1:236:A:ILE:H	1:239:A:LYS:HG2	30	0.73
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	20	0.73
(1,60)	1:375:A:GLN:HE22	1:378:A:LYS:HB2	10	0.73
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG11	11	0.73
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG12	11	0.73
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG13	11	0.73
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG11	16	0.73
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG12	16	0.73
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG13	16	0.73
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG21	1:416:A:LEU:H	14	0.72
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:HB2	34	0.72
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	3	0.72
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	7	0.72
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	12	0.72
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	31	0.72
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:H	26	0.72
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD22	1:363:A:HIS:H	22	0.72
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD12	1:325:A:MET:H	9	0.72
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD11	1:324:A:HIS:H	13	0.72
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD23	2	0.72
(1,6603)	1:430:A:TRP:HZ2	1:423:A:LEU:HG	25	0.72
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG11	1:274:A:LEU:HD22	18	0.72
(1,6532)	1:228:A:GLU:HG3	1:227:A:CYS:HB3	16	0.72
(1,6525)	1:203:A:MET:HE2	1:207:A:ILE:HG12	14	0.72
(1,6490)	1:246:A:ALA:HB1	1:251:A:GLU:HB2	9	0.72
(1,6490)	1:246:A:ALA:HB3	1:251:A:GLU:HB2	18	0.72
(1,6490)	1:246:A:ALA:HB2	1:251:A:GLU:HB2	32	0.72
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG11	1:341:A:ASN:H	8	0.72
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG11	1:341:A:ASN:H	21	0.72
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG12	1:341:A:ASN:H	23	0.72
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG13	1:341:A:ASN:H	31	0.72
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HB3	8	0.72
(1,6456)	1:197:A:ALA:HB2	1:274:A:LEU:HB3	26	0.72
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG23	1:189:A:ILE:HB	3	0.72
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG22	1:393:A:GLU:HA	9	0.72
(1,6317)	1:225:A:MET:HE2	1:325:A:MET:H	2	0.72
(1,6317)	1:225:A:MET:HE1	1:325:A:MET:H	3	0.72
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD11	1:335:A:THR:HG22	7	0.72
(1,6248)	1:317:A:LEU:HD21	1:320:A:TRP:HB3	7	0.72
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD21	1:253:A:THR:H	25	0.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	20	0.72
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD13	1:314:A:ASN:HD21	14	0.72
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD11	1:322:A:ILE:HG23	4	0.72
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD12	1:410:A:ASN:HA	20	0.72
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HD22	31	0.72
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HD11	2	0.72
(1,5880)	1:254:A:ASN:HB3	1:255:A:LEU:HD13	29	0.72
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB3	1:263:A:VAL:HG13	4	0.72
(1,5729)	1:300:A:VAL:HG12	1:296:A:GLU:HG2	33	0.72
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HG22	7	0.72
(1,5686)	1:345:A:VAL:HG12	1:232:A:ARG:HB2	3	0.72
(1,5647)	1:202:A:MET:HE1	1:198:A:VAL:H	11	0.72
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	14	0.72
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG22	1:314:A:ASN:HB3	29	0.72
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:350:A:VAL:HG13	35	0.72
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	18	0.72
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	19	0.72
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG23	16	0.72
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	9	0.72
(1,5215)	1:364:A:VAL:H	1:367:A:LEU:HD23	13	0.72
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	11	0.72
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	21	0.72
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	22	0.72
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	22	0.72
(1,5200)	1:269:A:GLN:HE22	1:244:A:LYS:HD2	3	0.72
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD22	22	0.72
(1,5146)	1:212:A:VAL:H	1:266:A:LEU:HD13	15	0.72
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	4	0.72
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG22	25	0.72
(1,4999)	1:304:A:GLN:H	1:367:A:LEU:HB2	22	0.72
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	13	0.72
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	5	0.72
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	26	0.72
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD13	23	0.72
(1,4867)	1:235:A:GLY:H	1:262:A:THR:HG22	28	0.72
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG23	7	0.72
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	12	0.72
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	29	0.72
(1,4688)	1:318:A:ILE:H	1:278:A:LEU:HD21	5	0.72
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB1	1:331:A:LYS:HE3	2	0.72
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB2	1:331:A:LYS:HE3	2	0.72
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB3	1:331:A:LYS:HE3	2	0.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4473)	1:194:A:LEU:HD21	1:313:A:CYS:HB3	19	0.72
(1,4473)	1:194:A:LEU:HD22	1:313:A:CYS:HB3	19	0.72
(1,4473)	1:194:A:LEU:HD23	1:313:A:CYS:HB3	19	0.72
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HE1	7	0.72
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HE2	7	0.72
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HE1	7	0.72
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HE2	7	0.72
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HE1	7	0.72
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HE2	7	0.72
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD11	1:430:A:TRP:HZ2	12	0.72
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HZ2	12	0.72
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD13	1:430:A:TRP:HZ2	12	0.72
(1,4329)	1:377:A:MET:HG3	1:204:A:TYR:HD1	31	0.72
(1,4329)	1:377:A:MET:HG3	1:204:A:TYR:HE2	34	0.72
(1,4188)	1:225:A:MET:HE1	1:225:A:MET:HG2	3	0.72
(1,4188)	1:225:A:MET:HE2	1:225:A:MET:HG2	3	0.72
(1,4188)	1:225:A:MET:HE3	1:225:A:MET:HG2	3	0.72
(1,4188)	1:225:A:MET:HE1	1:225:A:MET:HG2	30	0.72
(1,4188)	1:225:A:MET:HE2	1:225:A:MET:HG2	30	0.72
(1,4188)	1:225:A:MET:HE3	1:225:A:MET:HG2	30	0.72
(1,4042)	1:239:A:LYS:HD3	1:242:A:GLU:HB3	12	0.72
(1,4042)	1:239:A:LYS:HD3	1:242:A:GLU:HG2	17	0.72
(1,4042)	1:239:A:LYS:HD3	1:242:A:GLU:HB2	30	0.72
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	23	0.72
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	23	0.72
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	23	0.72
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	23	0.72
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	23	0.72
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	23	0.72
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	23	0.72
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	23	0.72
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	23	0.72
(1,3962)	1:244:A:LYS:HE2	1:244:A:LYS:HA	29	0.72
(1,3656)	1:226:A:LYS:HB2	1:334:A:GLU:HG3	2	0.72
(1,3656)	1:226:A:LYS:HB2	1:334:A:GLU:HG3	4	0.72
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD11	1:304:A:GLN:HG3	29	0.72
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD12	1:304:A:GLN:HG3	29	0.72
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD13	1:304:A:GLN:HG3	29	0.72
(1,3225)	1:350:A:VAL:HG21	1:350:A:VAL:H	13	0.72
(1,3225)	1:350:A:VAL:HG22	1:350:A:VAL:H	13	0.72
(1,3225)	1:350:A:VAL:HG23	1:350:A:VAL:H	13	0.72
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	18	0.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	19	0.72
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	21	0.72
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	28	0.72
(1,2927)	1:391:A:LEU:HD21	1:442:A:LYS:HE2	21	0.72
(1,2927)	1:391:A:LEU:HD22	1:442:A:LYS:HE2	21	0.72
(1,2927)	1:391:A:LEU:HD23	1:442:A:LYS:HE2	21	0.72
(1,2785)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HG2	2	0.72
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG11	19	0.72
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG12	19	0.72
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG13	19	0.72
(1,1658)	1:375:A:GLN:HE21	1:378:A:LYS:HD2	29	0.72
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	29	0.72
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	21	0.72
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	22	0.72
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG11	2	0.72
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG12	2	0.72
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG13	2	0.72
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG22	1:426:A:GLU:H	15	0.71
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD11	1:408:A:LEU:H	18	0.71
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD12	1:408:A:LEU:H	32	0.71
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG21	1:366:A:GLU:HB2	26	0.71
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD11	1:403:A:ARG:HA	13	0.71
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD11	1:403:A:ARG:HA	14	0.71
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	11	0.71
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG23	1:307:A:LEU:HD12	15	0.71
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG21	1:307:A:LEU:HD12	32	0.71
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HB3	1	0.71
(1,6691)	1:266:A:LEU:HD11	1:190:A:PHE:HD2	28	0.71
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HA	3	0.71
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HB3	6	0.71
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HB3	18	0.71
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	6	0.71
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:416:A:LEU:HD21	13	0.71
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG22	1:208:A:ARG:HB2	22	0.71
(1,6525)	1:203:A:MET:HE1	1:207:A:ILE:HG12	35	0.71
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG21	4	0.71
(1,6515)	1:325:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HA	7	0.71
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD21	1:413:A:HIS:H	3	0.71
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:H	29	0.71
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG12	1:341:A:ASN:H	5	0.71
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG11	1:341:A:ASN:H	7	0.71
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG11	1:341:A:ASN:H	27	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG12	1:341:A:ASN:H	32	0.71
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG13	1:231:A:TYR:HD1	24	0.71
(1,6436)	1:300:A:VAL:HG13	1:363:A:HIS:H	10	0.71
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD22	3	0.71
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD22	30	0.71
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG22	1:393:A:GLU:HA	1	0.71
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG22	1:444:A:ARG:HA	17	0.71
(1,6334)	1:194:A:LEU:HD21	1:198:A:VAL:H	11	0.71
(1,6296)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HE2	17	0.71
(1,6257)	1:337:A:MET:HE2	1:328:A:VAL:HB	17	0.71
(1,6257)	1:337:A:MET:HE2	1:328:A:VAL:HB	30	0.71
(1,6221)	1:225:A:MET:HE3	1:331:A:LYS:HG2	16	0.71
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD23	1:253:A:THR:H	24	0.71
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG21	1:358:A:TYR:HD2	12	0.71
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD11	1:314:A:ASN:HD21	11	0.71
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD11	1:314:A:ASN:HD21	12	0.71
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD11	1:314:A:ASN:HD21	34	0.71
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD23	1:305:A:ARG:H	27	0.71
(1,6085)	1:374:A:LYS:HE3	1:207:A:ILE:HD13	16	0.71
(1,6079)	1:208:A:ARG:HG2	1:312:A:GLU:HA	9	0.71
(1,6000)	1:225:A:MET:HE1	1:326:A:ASP:H	22	0.71
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD13	1:364:A:VAL:HB	9	0.71
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD21	1:305:A:ARG:HG2	32	0.71
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD11	1:407:A:PHE:H	5	0.71
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD13	1:407:A:PHE:H	23	0.71
(1,5903)	1:337:A:MET:HE2	1:343:A:SER:H	32	0.71
(1,5848)	1:183:A:MET:HG3	1:182:A:HIS:HA	12	0.71
(1,5847)	1:320:A:TRP:HE3	1:209:A:LEU:HG	4	0.71
(1,5813)	1:420:A:ILE:HG22	1:425:A:LYS:HE2	7	0.71
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB3	1:263:A:VAL:HG11	21	0.71
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB3	1:263:A:VAL:HG11	27	0.71
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG23	1:325:A:MET:H	27	0.71
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	15	0.71
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG22	1:314:A:ASN:HB3	16	0.71
(1,5482)	1:398:A:ILE:H	1:395:A:GLN:HG2	25	0.71
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD23	7	0.71
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	5	0.71
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	34	0.71
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	1	0.71
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	25	0.71
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:266:A:LEU:HD13	22	0.71
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD2	20	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	4	0.71
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	33	0.71
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:255:A:LEU:HD13	1	0.71
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG3	5	0.71
(1,5121)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HD12	2	0.71
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:395:A:GLN:HG2	8	0.71
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	7	0.71
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	32	0.71
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	23	0.71
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:337:A:MET:HB3	12	0.71
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	35	0.71
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG22	2	0.71
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG22	9	0.71
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	23	0.71
(1,2841)	1:356:A:VAL:HA	1:359:A:VAL:HG11	3	0.71
(1,2841)	1:356:A:VAL:HA	1:359:A:VAL:HG12	3	0.71
(1,2841)	1:356:A:VAL:HA	1:359:A:VAL:HG13	3	0.71
(1,2833)	1:400:A:GLU:HG3	1:400:A:GLU:H	1	0.71
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	26	0.71
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	33	0.71
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD21	1:304:A:GLN:HG2	5	0.71
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD22	1:304:A:GLN:HG2	5	0.71
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD23	1:304:A:GLN:HG2	5	0.71
(1,1658)	1:375:A:GLN:HE21	1:378:A:LYS:HB2	15	0.71
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE3	3	0.71
(1,1348)	1:249:A:ARG:H	1:251:A:GLU:HG2	18	0.71
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD21	9	0.71
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD22	9	0.71
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD23	9	0.71
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	17	0.71
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	31	0.71
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD11	1:408:A:LEU:H	27	0.7
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG22	1:357:A:LEU:HB3	4	0.7
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:H	23	0.7
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD13	1:403:A:ARG:HA	9	0.7
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD13	1:403:A:ARG:HA	10	0.7
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD11	1:403:A:ARG:HA	16	0.7
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD13	1:227:A:CYS:HA	22	0.7
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HB3	3	0.7
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HB3	32	0.7
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD13	1:230:A:ILE:H	4	0.7
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG11	1:274:A:LEU:HD21	30	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG22	1:358:A:TYR:HE2	20	0.7
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG21	1:361:A:PHE:HZ	27	0.7
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD23	1:413:A:HIS:H	6	0.7
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG13	1:341:A:ASN:H	15	0.7
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG12	1:341:A:ASN:H	17	0.7
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD13	1:350:A:VAL:H	23	0.7
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD23	20	0.7
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD23	22	0.7
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD21	29	0.7
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG23	1:393:A:GLU:HA	6	0.7
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD22	1:194:A:LEU:HD13	2	0.7
(1,6296)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HE2	31	0.7
(1,6257)	1:337:A:MET:HE2	1:328:A:VAL:HB	32	0.7
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD13	1:314:A:ASN:HD21	5	0.7
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD12	1:314:A:ASN:HD21	26	0.7
(1,6105)	1:337:A:MET:HE3	1:341:A:ASN:HB3	31	0.7
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG21	1:266:A:LEU:HD23	16	0.7
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD13	1:322:A:ILE:HG22	16	0.7
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD13	1:284:A:MET:HE3	30	0.7
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD11	1:207:A:ILE:HD12	20	0.7
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD12	1:407:A:PHE:H	27	0.7
(1,5847)	1:320:A:TRP:HE3	1:209:A:LEU:HG	9	0.7
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG23	1:341:A:ASN:HB3	1	0.7
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD21	2	0.7
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD22	9	0.7
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:244:A:LYS:HD2	19	0.7
(1,5363)	1:277:A:ASN:HD21	1:350:A:VAL:HG22	23	0.7
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	22	0.7
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	1	0.7
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:302:A:GLU:HA	4	0.7
(1,5163)	1:327:A:HIS:H	1:364:A:VAL:HG12	7	0.7
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	15	0.7
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG22	8	0.7
(1,5068)	1:205:A:ASP:H	1:202:A:MET:HE2	15	0.7
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD12	21	0.7
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD12	28	0.7
(1,4999)	1:304:A:GLN:H	1:307:A:LEU:HD22	21	0.7
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:400:A:GLU:HG2	10	0.7
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:219:A:TYR:HE1	3	0.7
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:219:A:TYR:HE1	13	0.7
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	7	0.7
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:426:A:GLU:HG2	14	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:242:A:GLU:HA	18	0.7
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:242:A:GLU:HA	19	0.7
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG22	8	0.7
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG22	23	0.7
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HB	13	0.7
(1,4226)	1:364:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HA	22	0.7
(1,4226)	1:364:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HA	22	0.7
(1,4226)	1:364:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HA	22	0.7
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD11	14	0.7
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD12	14	0.7
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD13	14	0.7
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD11	14	0.7
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD12	14	0.7
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD13	14	0.7
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD11	14	0.7
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD12	14	0.7
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD13	14	0.7
(1,3737)	1:255:A:LEU:HD11	1:247:A:TYR:HD1	14	0.7
(1,3737)	1:255:A:LEU:HD11	1:247:A:TYR:HD2	14	0.7
(1,3737)	1:255:A:LEU:HD12	1:247:A:TYR:HD1	14	0.7
(1,3737)	1:255:A:LEU:HD12	1:247:A:TYR:HD2	14	0.7
(1,3737)	1:255:A:LEU:HD13	1:247:A:TYR:HD1	14	0.7
(1,3737)	1:255:A:LEU:HD13	1:247:A:TYR:HD2	14	0.7
(1,3505)	1:385:A:MET:HE1	1:383:A:SER:HB2	28	0.7
(1,3505)	1:385:A:MET:HE2	1:383:A:SER:HB2	28	0.7
(1,3505)	1:385:A:MET:HE3	1:383:A:SER:HB2	28	0.7
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD11	32	0.7
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD12	32	0.7
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD13	32	0.7
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD11	32	0.7
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD12	32	0.7
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD13	32	0.7
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD11	32	0.7
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD12	32	0.7
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD13	32	0.7
(1,3225)	1:350:A:VAL:HG21	1:350:A:VAL:H	4	0.7
(1,3225)	1:350:A:VAL:HG22	1:350:A:VAL:H	4	0.7
(1,3225)	1:350:A:VAL:HG23	1:350:A:VAL:H	4	0.7
(1,3225)	1:350:A:VAL:HG21	1:350:A:VAL:H	17	0.7
(1,3225)	1:350:A:VAL:HG22	1:350:A:VAL:H	17	0.7
(1,3225)	1:350:A:VAL:HG23	1:350:A:VAL:H	17	0.7
(1,2785)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HG2	23	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	35	0.7
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	35	0.7
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	35	0.7
(1,2415)	1:336:A:LYS:HE2	1:337:A:MET:H	1	0.7
(1,2110)	1:226:A:LYS:HG3	1:334:A:GLU:HG3	16	0.7
(1,2106)	1:377:A:MET:HB2	1:204:A:TYR:HE1	17	0.7
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	11	0.7
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	28	0.7
(1,861)	1:279:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	20	0.7
(1,861)	1:279:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	20	0.7
(1,861)	1:279:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	20	0.7
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	18	0.7
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD11	29	0.7
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD12	29	0.7
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD13	29	0.7
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG11	8	0.7
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG12	8	0.7
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG13	8	0.7
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	17	0.69
(1,6875)	1:423:A:LEU:HD22	1:430:A:TRP:HH2	23	0.69
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG22	1:344:A:ILE:H	25	0.69
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE1	1	0.69
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD13	1:373:A:LEU:HB3	10	0.69
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG22	1:357:A:LEU:HB3	8	0.69
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG22	1:366:A:GLU:HB2	16	0.69
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:H	4	0.69
(1,6766)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HA	14	0.69
(1,6740)	1:377:A:MET:HE3	1:412:A:LEU:HD21	26	0.69
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	20	0.69
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	25	0.69
(1,6650)	1:240:A:VAL:HG22	1:237:A:LYS:HG3	31	0.69
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:H	11	0.69
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD12	1:230:A:ILE:H	20	0.69
(1,6537)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HA	35	0.69
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG21	1:358:A:TYR:HE2	23	0.69
(1,6525)	1:203:A:MET:HE3	1:207:A:ILE:HG12	26	0.69
(1,6525)	1:203:A:MET:HE2	1:207:A:ILE:HG12	29	0.69
(1,6487)	1:225:A:MET:HE3	1:225:A:MET:H	9	0.69
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG13	1:341:A:ASN:H	3	0.69
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG13	1:341:A:ASN:H	10	0.69
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG11	1:341:A:ASN:H	11	0.69
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG13	1:341:A:ASN:H	20	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6467)	1:318:A:ILE:HG23	1:315:A:TYR:HD2	6	0.69
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD12	1:277:A:ASN:HD21	10	0.69
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD23	7	0.69
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD22	8	0.69
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD21	19	0.69
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD22	23	0.69
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG22	1:271:A:LEU:HG	12	0.69
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	8	0.69
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	24	0.69
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG22	1:393:A:GLU:HA	18	0.69
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD11	1:337:A:MET:H	8	0.69
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD12	1:337:A:MET:H	27	0.69
(1,6317)	1:225:A:MET:HE3	1:325:A:MET:H	27	0.69
(1,6296)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HE2	5	0.69
(1,6242)	1:243:A:LEU:HD12	1:242:A:GLU:HB3	30	0.69
(1,6141)	1:409:A:LEU:HD23	1:432:A:VAL:HG12	9	0.69
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD12	1:314:A:ASN:HD21	1	0.69
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD11	1:314:A:ASN:HD21	2	0.69
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD13	1:314:A:ASN:HD21	29	0.69
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD13	1:314:A:ASN:HD21	30	0.69
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD13	1:314:A:ASN:HD21	33	0.69
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD21	1:305:A:ARG:H	26	0.69
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:HD13	6	0.69
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HD12	22	0.69
(1,6020)	1:317:A:LEU:HD13	1:278:A:LEU:HD22	8	0.69
(1,6008)	1:316:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HD11	28	0.69
(1,6000)	1:225:A:MET:HE1	1:326:A:ASP:H	25	0.69
(1,5989)	1:212:A:VAL:HG23	1:255:A:LEU:HD12	15	0.69
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD23	8	0.69
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD21	28	0.69
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HG	21	0.69
(1,5873)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HG3	9	0.69
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB1	1:263:A:VAL:HG11	25	0.69
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB2	1:263:A:VAL:HG12	28	0.69
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	29	0.69
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HD12	6	0.69
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD12	1:315:A:TYR:HA	26	0.69
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB3	1:266:A:LEU:HD21	31	0.69
(1,5661)	1:415:A:ASP:HB2	1:416:A:LEU:HB3	25	0.69
(1,5647)	1:202:A:MET:HE1	1:198:A:VAL:H	31	0.69
(1,5604)	1:412:A:LEU:HD23	1:409:A:LEU:H	16	0.69
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HD12	5	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	17	0.69
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:350:A:VAL:HG23	19	0.69
(1,5328)	1:185:A:ASN:HD21	1:187:A:LYS:HB2	9	0.69
(1,5328)	1:185:A:ASN:HD21	1:187:A:LYS:HB2	30	0.69
(1,5215)	1:364:A:VAL:H	1:367:A:LEU:HD22	26	0.69
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	34	0.69
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:201:A:THR:HG23	22	0.69
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG22	29	0.69
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	25	0.69
(1,5053)	1:209:A:LEU:H	1:202:A:MET:HG3	8	0.69
(1,5053)	1:209:A:LEU:H	1:205:A:ASP:HB2	22	0.69
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD11	14	0.69
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	19	0.69
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:401:A:GLU:HG2	26	0.69
(1,4904)	1:407:A:PHE:H	1:411:A:CYS:HB2	34	0.69
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HG12	28	0.69
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:230:A:ILE:HG23	24	0.69
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:263:A:VAL:HG22	13	0.69
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE1	28	0.69
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	13	0.69
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:439:A:LEU:HD13	15	0.69
(1,4188)	1:225:A:MET:HE1	1:225:A:MET:HG2	29	0.69
(1,4188)	1:225:A:MET:HE2	1:225:A:MET:HG2	29	0.69
(1,4188)	1:225:A:MET:HE3	1:225:A:MET:HG2	29	0.69
(1,4188)	1:225:A:MET:HE1	1:225:A:MET:HG2	32	0.69
(1,4188)	1:225:A:MET:HE2	1:225:A:MET:HG2	32	0.69
(1,4188)	1:225:A:MET:HE3	1:225:A:MET:HG2	32	0.69
(1,4188)	1:225:A:MET:HE1	1:225:A:MET:HG2	33	0.69
(1,4188)	1:225:A:MET:HE2	1:225:A:MET:HG2	33	0.69
(1,4188)	1:225:A:MET:HE3	1:225:A:MET:HG2	33	0.69
(1,4152)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:HG2	12	0.69
(1,4152)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:HG2	17	0.69
(1,4152)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:HG2	31	0.69
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD13	4	0.69
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD13	19	0.69
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	14	0.69
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	14	0.69
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	14	0.69
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	14	0.69
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	14	0.69
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	14	0.69
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	14	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	14	0.69
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	14	0.69
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	21	0.69
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD12	1:307:A:LEU:HA	21	0.69
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	21	0.69
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD11	1:307:A:LEU:HA	22	0.69
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD12	1:307:A:LEU:HA	22	0.69
(1,3839)	1:307:A:LEU:HD13	1:307:A:LEU:HA	22	0.69
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD11	11	0.69
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD12	11	0.69
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD13	11	0.69
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD11	11	0.69
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD12	11	0.69
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD13	11	0.69
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD11	11	0.69
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD12	11	0.69
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD13	11	0.69
(1,3656)	1:226:A:LYS:HB2	1:334:A:GLU:HG3	25	0.69
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HB3	10	0.69
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HB3	10	0.69
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HB3	10	0.69
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD11	1:304:A:GLN:HG3	34	0.69
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD12	1:304:A:GLN:HG3	34	0.69
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD13	1:304:A:GLN:HG3	34	0.69
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	12	0.69
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:H	29	0.69
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:H	29	0.69
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:H	29	0.69
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD21	1:304:A:GLN:HG2	4	0.69
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD22	1:304:A:GLN:HG2	4	0.69
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD23	1:304:A:GLN:HG2	4	0.69
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG11	22	0.69
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG12	22	0.69
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG13	22	0.69
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG11	32	0.69
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG12	32	0.69
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG13	32	0.69
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	33	0.69
(1,1386)	1:312:A:GLU:H	1:313:A:CYS:HB3	3	0.69
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	25	0.69
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	33	0.69
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	35	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,63)	1:255:A:LEU:HD21	1:215:A:GLU:H	14	0.68
(2,63)	1:255:A:LEU:HD22	1:215:A:GLU:H	14	0.68
(2,63)	1:255:A:LEU:HD23	1:215:A:GLU:H	14	0.68
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:HB2	1	0.68
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:H	30	0.68
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD13	1:403:A:ARG:HA	5	0.68
(1,6766)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HA	2	0.68
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HB3	27	0.68
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD12	1:227:A:CYS:HA	23	0.68
(1,6634)	1:253:A:THR:HG23	1:244:A:LYS:HA	13	0.68
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	24	0.68
(1,6525)	1:203:A:MET:HE1	1:207:A:ILE:HG12	30	0.68
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG21	24	0.68
(1,6515)	1:325:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HA	31	0.68
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG11	1:341:A:ASN:H	16	0.68
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG11	1:341:A:ASN:H	24	0.68
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG12	1:341:A:ASN:H	28	0.68
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG11	1:341:A:ASN:H	29	0.68
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG12	1:340:A:GLN:HE21	23	0.68
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HB3	34	0.68
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD21	18	0.68
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG22	1:189:A:ILE:HB	23	0.68
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG21	1:393:A:GLU:HA	34	0.68
(1,6365)	1:359:A:VAL:HG12	1:360:A:PHE:HB3	11	0.68
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD12	1:374:A:LYS:HA	7	0.68
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD22	1:271:A:LEU:HD21	1	0.68
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD11	1:314:A:ASN:HD21	4	0.68
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD13	1:314:A:ASN:HD21	22	0.68
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD12	1:314:A:ASN:HD21	32	0.68
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD11	1:410:A:ASN:HA	21	0.68
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD12	1:410:A:ASN:HA	35	0.68
(1,6000)	1:225:A:MET:HE1	1:326:A:ASP:H	15	0.68
(1,6000)	1:225:A:MET:HE2	1:326:A:ASP:H	17	0.68
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD11	1:284:A:MET:HE1	12	0.68
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD21	31	0.68
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HA	1	0.68
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HG	27	0.68
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HA	15	0.68
(1,5885)	1:300:A:VAL:HG11	1:296:A:GLU:HB2	4	0.68
(1,5885)	1:263:A:VAL:HG12	1:259:A:GLU:HB2	14	0.68
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG22	1:341:A:ASN:HB3	3	0.68
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD2	1:306:A:LEU:H	13	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	25	0.68
(1,5760)	1:295:A:THR:HG23	1:298:A:GLU:HB2	15	0.68
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG23	1:316:A:LEU:HD23	28	0.68
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB3	1:263:A:VAL:HG11	26	0.68
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	32	0.68
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG23	6	0.68
(1,5605)	1:337:A:MET:HE2	1:342:A:ILE:HA	21	0.68
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB3	1:189:A:ILE:HD11	6	0.68
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG23	1:314:A:ASN:HB3	5	0.68
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG21	31	0.68
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	32	0.68
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:244:A:LYS:HD2	13	0.68
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	32	0.68
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:263:A:VAL:HG12	17	0.68
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	17	0.68
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	15	0.68
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	3	0.68
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	26	0.68
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:236:A:ILE:HB	29	0.68
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	10	0.68
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	16	0.68
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG23	21	0.68
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD12	8	0.68
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	9	0.68
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	27	0.68
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	30	0.68
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	16	0.68
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG22	15	0.68
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG23	27	0.68
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG23	28	0.68
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	8	0.68
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	16	0.68
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	24	0.68
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG22	18	0.68
(1,4188)	1:225:A:MET:HE1	1:225:A:MET:HG2	14	0.68
(1,4188)	1:225:A:MET:HE2	1:225:A:MET:HG2	14	0.68
(1,4188)	1:225:A:MET:HE3	1:225:A:MET:HG2	14	0.68
(1,4160)	1:351:A:GLN:HG3	1:351:A:GLN:H	6	0.68
(1,4111)	1:296:A:GLU:HA	1:300:A:VAL:HG11	10	0.68
(1,4111)	1:296:A:GLU:HA	1:300:A:VAL:HG12	10	0.68
(1,4111)	1:296:A:GLU:HA	1:300:A:VAL:HG13	10	0.68
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	10	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	10	0.68
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	10	0.68
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	10	0.68
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	10	0.68
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	10	0.68
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	10	0.68
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	10	0.68
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	10	0.68
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	21	0.68
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	21	0.68
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	21	0.68
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	21	0.68
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	21	0.68
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	21	0.68
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	21	0.68
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	21	0.68
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	21	0.68
(1,3836)	1:187:A:LYS:HD2	1:188:A:PRO:HD3	10	0.68
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG3	35	0.68
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	13	0.68
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	13	0.68
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	13	0.68
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	13	0.68
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	13	0.68
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	13	0.68
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	3	0.68
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	3	0.68
(1,2554)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG2	2	0.68
(1,2554)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG2	21	0.68
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	20	0.68
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	20	0.68
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	20	0.68
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	26	0.68
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	26	0.68
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	26	0.68
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:H	23	0.68
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:H	23	0.68
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:H	23	0.68
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG11	16	0.68
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG12	16	0.68
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG13	16	0.68
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG11	16	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG12	16	0.68
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG13	16	0.68
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG11	16	0.68
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG12	16	0.68
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG13	16	0.68
(1,1635)	1:246:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	12	0.68
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE2	11	0.68
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	7	0.68
(1,6878)	1:307:A:LEU:HD12	1:360:A:PHE:HZ	31	0.67
(1,6875)	1:423:A:LEU:HD21	1:430:A:TRP:HH2	1	0.67
(1,6875)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HD2	34	0.67
(1,6853)	1:239:A:LYS:HD3	1:262:A:THR:HG21	22	0.67
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD11	1:408:A:LEU:H	25	0.67
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD11	1:408:A:LEU:H	31	0.67
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HB3	19	0.67
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HD13	10	0.67
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG22	1:366:A:GLU:HB2	13	0.67
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD12	1:403:A:ARG:HA	18	0.67
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD13	1:403:A:ARG:HA	27	0.67
(1,6677)	1:412:A:LEU:HD13	1:415:A:ASP:HB2	18	0.67
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HB3	13	0.67
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HB3	33	0.67
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD12	1:230:A:ILE:H	30	0.67
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD13	1:324:A:HIS:H	8	0.67
(1,6549)	1:337:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG21	19	0.67
(1,6490)	1:246:A:ALA:HB3	1:251:A:GLU:HB2	15	0.67
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD22	1:413:A:HIS:H	20	0.67
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG11	1:341:A:ASN:H	6	0.67
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD12	1:444:A:ARG:H	14	0.67
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HB3	32	0.67
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD22	27	0.67
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD21	31	0.67
(1,6402)	1:377:A:MET:HE1	1:378:A:LYS:HA	13	0.67
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG21	1:393:A:GLU:HA	29	0.67
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD12	1:413:A:HIS:HE1	5	0.67
(1,6354)	1:225:A:MET:HE1	1:324:A:HIS:HA	23	0.67
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD21	1:256:A:GLU:H	10	0.67
(1,6174)	1:253:A:THR:HB	1:255:A:LEU:HG	12	0.67
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD11	1:314:A:ASN:HD21	3	0.67
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD13	1:314:A:ASN:HD21	17	0.67
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD13	1:314:A:ASN:HD21	20	0.67
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD11	1:314:A:ASN:HD21	25	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD22	1:305:A:ARG:H	18	0.67
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD11	1:371:A:VAL:HB	16	0.67
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD12	1:284:A:MET:HE3	6	0.67
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HA	3	0.67
(1,5948)	1:189:A:ILE:HD11	1:196:A:ASP:HB3	21	0.67
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HA	22	0.67
(1,5893)	1:310:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HG21	9	0.67
(1,5881)	1:202:A:MET:HE1	1:208:A:ARG:HD3	16	0.67
(1,5844)	1:346:A:LEU:HD21	1:349:A:THR:H	2	0.67
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD11	1:401:A:GLU:HG3	26	0.67
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG11	1:342:A:ILE:HD12	11	0.67
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG23	1:325:A:MET:H	11	0.67
(1,5677)	1:212:A:VAL:HG13	1:210:A:PRO:HB3	33	0.67
(1,5661)	1:415:A:ASP:HB2	1:416:A:LEU:HB3	21	0.67
(1,5642)	1:225:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG21	20	0.67
(1,5466)	1:340:A:GLN:HE21	1:342:A:ILE:HA	28	0.67
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG21	24	0.67
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG23	29	0.67
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	20	0.67
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:244:A:LYS:HD2	20	0.67
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:209:A:LEU:HD12	6	0.67
(1,5215)	1:364:A:VAL:H	1:367:A:LEU:HD23	1	0.67
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	12	0.67
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:396:A:ALA:H	29	0.67
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	17	0.67
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	35	0.67
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	6	0.67
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	34	0.67
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD13	3	0.67
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD11	19	0.67
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD13	27	0.67
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	28	0.67
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	34	0.67
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	27	0.67
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	2	0.67
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG13	2	0.67
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	16	0.67
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	34	0.67
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	2	0.67
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HG2	35	0.67
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	3	0.67
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	29	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:426:A:GLU:HG2	34	0.67
(1,4697)	1:440:A:LYS:H	1:398:A:ILE:HG21	32	0.67
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD11	1:430:A:TRP:HZ2	2	0.67
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HZ2	2	0.67
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD13	1:430:A:TRP:HZ2	2	0.67
(1,4188)	1:225:A:MET:HE1	1:225:A:MET:HG2	15	0.67
(1,4188)	1:225:A:MET:HE2	1:225:A:MET:HG2	15	0.67
(1,4188)	1:225:A:MET:HE3	1:225:A:MET:HG2	15	0.67
(1,4188)	1:225:A:MET:HE1	1:225:A:MET:HG2	20	0.67
(1,4188)	1:225:A:MET:HE2	1:225:A:MET:HG2	20	0.67
(1,4188)	1:225:A:MET:HE3	1:225:A:MET:HG2	20	0.67
(1,4160)	1:351:A:GLN:HG3	1:351:A:GLN:H	8	0.67
(1,4160)	1:351:A:GLN:HG3	1:351:A:GLN:H	23	0.67
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD11	21	0.67
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD12	21	0.67
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD13	21	0.67
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD11	21	0.67
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD12	21	0.67
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD13	21	0.67
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD11	21	0.67
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD12	21	0.67
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD13	21	0.67
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE1	1:340:A:GLN:HG3	31	0.67
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE2	1:340:A:GLN:HG3	31	0.67
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	1	0.67
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	1	0.67
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	1	0.67
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD21	16	0.67
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD22	16	0.67
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD23	16	0.67
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE2	18	0.67
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	13	0.67
(1,6878)	1:307:A:LEU:HD12	1:360:A:PHE:HZ	4	0.66
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG21	1:416:A:LEU:H	27	0.66
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:HB2	27	0.66
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD13	1:403:A:ARG:HA	12	0.66
(1,6766)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HA	31	0.66
(1,6751)	1:209:A:LEU:HD22	1:217:A:ILE:HG12	17	0.66
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	9	0.66
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	23	0.66
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	27	0.66
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HE2	6	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG23	1:307:A:LEU:HD12	18	0.66
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HB3	8	0.66
(1,6655)	1:244:A:LYS:HD2	1:240:A:VAL:HB	34	0.66
(1,6639)	1:194:A:LEU:HD21	1:198:A:VAL:HB	2	0.66
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:H	23	0.66
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:420:A:ILE:HG21	16	0.66
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	22	0.66
(1,6564)	1:203:A:MET:HE1	1:210:A:PRO:HB2	10	0.66
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG13	31	0.66
(1,6525)	1:203:A:MET:HE1	1:207:A:ILE:HG12	17	0.66
(1,6474)	1:210:A:PRO:HD3	1:209:A:LEU:HD11	13	0.66
(1,6467)	1:318:A:ILE:HG23	1:315:A:TYR:HD1	20	0.66
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD23	21	0.66
(1,6360)	1:278:A:LEU:HD21	1:318:A:ILE:HD12	26	0.66
(1,6342)	1:388:A:MET:HE1	1:387:A:THR:H	20	0.66
(1,6317)	1:225:A:MET:HE1	1:325:A:MET:H	22	0.66
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD22	1:253:A:THR:H	12	0.66
(1,6162)	1:278:A:LEU:HD22	1:277:A:ASN:HA	35	0.66
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD11	1:314:A:ASN:HD21	8	0.66
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD11	1:314:A:ASN:HD21	19	0.66
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD12	1:410:A:ASN:HA	27	0.66
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD23	1:266:A:LEU:HD22	5	0.66
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD11	1:284:A:MET:HE2	2	0.66
(1,5885)	1:300:A:VAL:HG11	1:296:A:GLU:HB2	26	0.66
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD13	1:395:A:GLN:HG2	20	0.66
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG21	1:323:A:VAL:HG13	28	0.66
(1,5710)	1:243:A:LEU:HD13	1:266:A:LEU:HB2	11	0.66
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG12	1:300:A:VAL:HG13	27	0.66
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB2	1:189:A:ILE:HD13	24	0.66
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG22	1:314:A:ASN:HB3	12	0.66
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG22	1:314:A:ASN:HB3	20	0.66
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD21	32	0.66
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	24	0.66
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD11	18	0.66
(1,5328)	1:185:A:ASN:HD21	1:189:A:ILE:HG12	5	0.66
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	26	0.66
(1,5211)	1:428:A:ARG:H	1:425:A:LYS:HD2	34	0.66
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	35	0.66
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:302:A:GLU:HA	7	0.66
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	15	0.66
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:255:A:LEU:HD11	13	0.66
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	1	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5068)	1:205:A:ASP:H	1:202:A:MET:HE3	18	0.66
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD13	20	0.66
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD13	22	0.66
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD13	31	0.66
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	3	0.66
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	11	0.66
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	14	0.66
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	15	0.66
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	17	0.66
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	26	0.66
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	5	0.66
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	13	0.66
(1,4160)	1:351:A:GLN:HG3	1:351:A:GLN:H	32	0.66
(1,4152)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:HG2	27	0.66
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	20	0.66
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	20	0.66
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	20	0.66
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	20	0.66
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	20	0.66
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	20	0.66
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	20	0.66
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	20	0.66
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	20	0.66
(1,3860)	1:308:A:LYS:HD3	1:304:A:GLN:HB2	8	0.66
(1,3684)	1:267:A:LEU:HD13	1:216:A:CYS:HB3	22	0.66
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD11	25	0.66
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD12	25	0.66
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD13	25	0.66
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD11	25	0.66
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD12	25	0.66
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD13	25	0.66
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD11	25	0.66
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD12	25	0.66
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD13	25	0.66
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	10	0.66
(1,3002)	1:409:A:LEU:HD11	1:406:A:GLU:H	29	0.66
(1,3002)	1:409:A:LEU:HD12	1:406:A:GLU:H	29	0.66
(1,3002)	1:409:A:LEU:HD13	1:406:A:GLU:H	29	0.66
(1,2833)	1:400:A:GLU:HG3	1:400:A:GLU:H	32	0.66
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	1	0.66
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	28	0.66
(1,2729)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HG	10	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD11	27	0.66
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD12	27	0.66
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD13	27	0.66
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	5	0.66
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	26	0.66
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG2	18	0.66
(1,1150)	1:301:A:GLN:HE21	1:301:A:GLN:HG2	10	0.66
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	21	0.66
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	9	0.66
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	11	0.66
(2,7)	1:429:A:LEU:H	1:416:A:LEU:HD11	30	0.65
(2,7)	1:429:A:LEU:H	1:416:A:LEU:HD12	30	0.65
(2,7)	1:429:A:LEU:H	1:416:A:LEU:HD13	30	0.65
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG23	1:344:A:ILE:H	32	0.65
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD12	1:408:A:LEU:H	7	0.65
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:H	2	0.65
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	16	0.65
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	29	0.65
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HE2	18	0.65
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG21	1:307:A:LEU:HD13	35	0.65
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD12	1:227:A:CYS:HA	32	0.65
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG12	1:374:A:LYS:HG3	28	0.65
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	9	0.65
(1,6556)	1:263:A:VAL:HG12	1:255:A:LEU:HB3	6	0.65
(1,6546)	1:367:A:LEU:HD22	1:363:A:HIS:HB3	26	0.65
(1,6532)	1:228:A:GLU:HG3	1:227:A:CYS:HB3	31	0.65
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG22	1:358:A:TYR:HE2	11	0.65
(1,6525)	1:203:A:MET:HE2	1:207:A:ILE:HG12	11	0.65
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG11	1:341:A:ASN:H	35	0.65
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG11	1:231:A:TYR:HD1	4	0.65
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD11	1:395:A:GLN:HE21	23	0.65
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD23	10	0.65
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD21	28	0.65
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	23	0.65
(1,6376)	1:377:A:MET:HE3	1:436:A:LEU:HD21	1	0.65
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG22	1:407:A:PHE:H	11	0.65
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG11	12	0.65
(1,6221)	1:225:A:MET:HE3	1:331:A:LYS:HG2	18	0.65
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG21	1:358:A:TYR:HD1	16	0.65
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG22	1:358:A:TYR:HD1	34	0.65
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG2	1:282:A:GLU:HG2	23	0.65
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD11	1:198:A:VAL:HA	32	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6000)	1:225:A:MET:HE1	1:326:A:ASP:H	20	0.65
(1,6000)	1:225:A:MET:HE3	1:326:A:ASP:H	24	0.65
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD13	1:364:A:VAL:HB	25	0.65
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HA	13	0.65
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HA	27	0.65
(1,5949)	1:407:A:PHE:HD2	1:408:A:LEU:HD23	18	0.65
(1,5948)	1:189:A:ILE:HD13	1:196:A:ASP:HB3	8	0.65
(1,5909)	1:443:A:LEU:HD12	1:444:A:ARG:H	33	0.65
(1,5905)	1:278:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HD13	15	0.65
(1,5844)	1:346:A:LEU:HD21	1:349:A:THR:H	17	0.65
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB1	1:263:A:VAL:HG13	31	0.65
(1,5741)	1:351:A:GLN:HG3	1:272:A:ARG:HG2	23	0.65
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HD11	3	0.65
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HD11	17	0.65
(1,5677)	1:212:A:VAL:HG12	1:210:A:PRO:HB3	4	0.65
(1,5647)	1:202:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:H	9	0.65
(1,5647)	1:202:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:H	26	0.65
(1,5645)	1:373:A:LEU:HD21	1:371:A:VAL:HB	19	0.65
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	20	0.65
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG23	15	0.65
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	21	0.65
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:263:A:VAL:HG12	12	0.65
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	34	0.65
(1,5215)	1:364:A:VAL:H	1:367:A:LEU:HD21	23	0.65
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	9	0.65
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	20	0.65
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG2	1	0.65
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG2	19	0.65
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD11	2	0.65
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD13	4	0.65
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE2	12	0.65
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	19	0.65
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	24	0.65
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:395:A:GLN:HG2	31	0.65
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	21	0.65
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG11	5	0.65
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:278:A:LEU:HD11	19	0.65
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:278:A:LEU:HD12	34	0.65
(1,4860)	1:261:A:ASN:HD21	1:233:A:VAL:HA	11	0.65
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	30	0.65
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:285:A:PRO:HB3	34	0.65
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	29	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:426:A:GLU:HG2	21	0.65
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HA	23	0.65
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HA	23	0.65
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HA	23	0.65
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HE1	15	0.65
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HE2	15	0.65
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HE1	15	0.65
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HE2	15	0.65
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HE1	15	0.65
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HE2	15	0.65
(1,4188)	1:225:A:MET:HE1	1:225:A:MET:HG2	35	0.65
(1,4188)	1:225:A:MET:HE2	1:225:A:MET:HG2	35	0.65
(1,4188)	1:225:A:MET:HE3	1:225:A:MET:HG2	35	0.65
(1,4152)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:HG2	26	0.65
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD22	21	0.65
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD22	21	0.65
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD22	21	0.65
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	7	0.65
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	7	0.65
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	7	0.65
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	7	0.65
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	7	0.65
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	7	0.65
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	7	0.65
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	7	0.65
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	7	0.65
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	13	0.65
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	13	0.65
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	13	0.65
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	13	0.65
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	13	0.65
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	13	0.65
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	13	0.65
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	13	0.65
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	13	0.65
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD21	1:334:A:GLU:HG2	20	0.65
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD22	1:334:A:GLU:HG2	20	0.65
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD23	1:334:A:GLU:HG2	20	0.65
(1,3225)	1:350:A:VAL:HG21	1:350:A:VAL:H	19	0.65
(1,3225)	1:350:A:VAL:HG22	1:350:A:VAL:H	19	0.65
(1,3225)	1:350:A:VAL:HG23	1:350:A:VAL:H	19	0.65
(1,3225)	1:350:A:VAL:HG21	1:350:A:VAL:H	26	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3225)	1:350:A:VAL:HG22	1:350:A:VAL:H	26	0.65
(1,3225)	1:350:A:VAL:HG23	1:350:A:VAL:H	26	0.65
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE1	1:340:A:GLN:HG3	10	0.65
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE2	1:340:A:GLN:HG3	10	0.65
(1,2789)	1:187:A:LYS:HD3	1:188:A:PRO:HD3	24	0.65
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	9	0.65
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:H	11	0.65
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:H	11	0.65
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:H	11	0.65
(1,2216)	1:203:A:MET:HE1	1:204:A:TYR:HD1	19	0.65
(1,2152)	1:208:A:ARG:HG3	1:312:A:GLU:HG2	34	0.65
(1,2106)	1:377:A:MET:HB2	1:204:A:TYR:HD1	25	0.65
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	20	0.65
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	31	0.65
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	16	0.65
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	17	0.65
(1,329)	1:304:A:GLN:HE21	1:300:A:VAL:HG21	10	0.65
(1,329)	1:304:A:GLN:HE21	1:300:A:VAL:HG22	10	0.65
(1,329)	1:304:A:GLN:HE21	1:300:A:VAL:HG23	10	0.65
(1,260)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HG2	9	0.65
(1,6878)	1:307:A:LEU:HD13	1:360:A:PHE:HZ	5	0.64
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG22	1:416:A:LEU:H	4	0.64
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG22	1:416:A:LEU:H	17	0.64
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG22	1:416:A:LEU:H	32	0.64
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD22	1:309:A:GLU:HG3	12	0.64
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HB3	18	0.64
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG21	1:357:A:LEU:HB3	30	0.64
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:H	31	0.64
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD11	1:403:A:ARG:HA	8	0.64
(1,6731)	1:239:A:LYS:HD3	1:243:A:LEU:HD12	24	0.64
(1,6716)	1:239:A:LYS:HD2	1:242:A:GLU:HB3	15	0.64
(1,6714)	1:391:A:LEU:HD22	1:435:A:ILE:HD13	6	0.64
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG21	1:307:A:LEU:HD13	14	0.64
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE2	1:310:A:LEU:HD12	6	0.64
(1,6677)	1:412:A:LEU:HD13	1:415:A:ASP:HB2	1	0.64
(1,6677)	1:412:A:LEU:HD11	1:415:A:ASP:HB2	15	0.64
(1,6661)	1:362:A:THR:HG23	1:358:A:TYR:HD2	28	0.64
(1,6564)	1:203:A:MET:HE3	1:210:A:PRO:HB2	14	0.64
(1,6543)	1:300:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:H	31	0.64
(1,6525)	1:203:A:MET:HE1	1:207:A:ILE:HG12	15	0.64
(1,6513)	1:279:A:LEU:HD22	1:278:A:LEU:HG	19	0.64
(1,6472)	1:243:A:LEU:HD11	1:253:A:THR:H	19	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6456)	1:197:A:ALA:HB1	1:274:A:LEU:HB3	35	0.64
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD23	12	0.64
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD21	32	0.64
(1,6414)	1:279:A:LEU:HD12	1:278:A:LEU:HD21	2	0.64
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:268:A:LYS:HE2	28	0.64
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD23	1:409:A:LEU:H	24	0.64
(1,6363)	1:266:A:LEU:HD12	1:244:A:LYS:HA	25	0.64
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG23	1:284:A:MET:HG3	8	0.64
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD21	1:256:A:GLU:HG3	33	0.64
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD23	1:253:A:THR:H	32	0.64
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG22	1:358:A:TYR:HD1	15	0.64
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG21	1:358:A:TYR:HD1	25	0.64
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD22	1:305:A:ARG:H	13	0.64
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD13	1:322:A:ILE:HG23	13	0.64
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:HD11	20	0.64
(1,6000)	1:225:A:MET:HE1	1:326:A:ASP:H	9	0.64
(1,6000)	1:225:A:MET:HE2	1:326:A:ASP:H	29	0.64
(1,5948)	1:189:A:ILE:HD13	1:196:A:ASP:HB3	14	0.64
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD22	1:398:A:ILE:H	23	0.64
(1,5930)	1:363:A:HIS:HD2	1:300:A:VAL:HG21	20	0.64
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD11	1:407:A:PHE:H	8	0.64
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD13	1:407:A:PHE:H	9	0.64
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HA	9	0.64
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD13	1:373:A:LEU:HA	18	0.64
(1,5877)	1:318:A:ILE:HD12	1:279:A:LEU:HD12	20	0.64
(1,5770)	1:372:A:VAL:HG22	1:371:A:VAL:H	14	0.64
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD13	1:315:A:TYR:HA	17	0.64
(1,5661)	1:415:A:ASP:HB2	1:416:A:LEU:HB3	8	0.64
(1,5647)	1:202:A:MET:HE1	1:198:A:VAL:H	23	0.64
(1,5605)	1:337:A:MET:HE1	1:342:A:ILE:HA	12	0.64
(1,5605)	1:337:A:MET:HE3	1:342:A:ILE:HA	16	0.64
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	17	0.64
(1,5591)	1:268:A:LYS:HE2	1:349:A:THR:HB	23	0.64
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG21	17	0.64
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG22	21	0.64
(1,5360)	1:386:A:ALA:H	1:382:A:TRP:HD1	31	0.64
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:209:A:LEU:HD12	7	0.64
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	11	0.64
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	16	0.64
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:302:A:GLU:HA	19	0.64
(1,5186)	1:329:A:ILE:H	1:332:A:GLU:HG2	18	0.64
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	30	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG22	7	0.64
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG21	23	0.64
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG3	2	0.64
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG2	6	0.64
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG2	31	0.64
(1,5068)	1:205:A:ASP:H	1:202:A:MET:HE2	13	0.64
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD13	15	0.64
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD12	18	0.64
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD13	24	0.64
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD12	30	0.64
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	22	0.64
(1,4990)	1:245:A:ALA:H	1:241:A:ASP:HB3	3	0.64
(1,4987)	1:341:A:ASN:HD22	1:344:A:ILE:HD12	24	0.64
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE2	2	0.64
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	35	0.64
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:278:A:LEU:HD13	7	0.64
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	4	0.64
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG22	31	0.64
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE2	24	0.64
(1,4735)	1:219:A:TYR:H	1:223:A:TYR:HD2	25	0.64
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:426:A:GLU:HG2	19	0.64
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	25	0.64
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	4	0.64
(1,4167)	1:239:A:LYS:HD3	1:239:A:LYS:HA	34	0.64
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD11	23	0.64
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD13	30	0.64
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	17	0.64
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	17	0.64
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	17	0.64
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	17	0.64
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	17	0.64
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	17	0.64
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	17	0.64
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	17	0.64
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	17	0.64
(1,3836)	1:187:A:LYS:HD2	1:188:A:PRO:HD3	21	0.64
(1,3684)	1:267:A:LEU:HD11	1:216:A:CYS:HG	2	0.64
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD11	25	0.64
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD12	25	0.64
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB1	1:317:A:LEU:HD13	25	0.64
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD11	25	0.64
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD12	25	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB2	1:317:A:LEU:HD13	25	0.64
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD11	25	0.64
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD12	25	0.64
(1,3290)	1:197:A:ALA:HB3	1:317:A:LEU:HD13	25	0.64
(1,3145)	1:377:A:MET:HB3	1:204:A:TYR:HE1	18	0.64
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	23	0.64
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	6	0.64
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	6	0.64
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	6	0.64
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD11	10	0.64
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD12	10	0.64
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD13	10	0.64
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD21	17	0.64
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD22	17	0.64
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD23	17	0.64
(1,1618)	1:357:A:LEU:H	1:346:A:LEU:HB3	10	0.64
(1,1298)	1:200:A:ARG:H	1:202:A:MET:HG3	21	0.64
(1,1150)	1:301:A:GLN:HE21	1:301:A:GLN:HG2	5	0.64
(1,1150)	1:301:A:GLN:HE21	1:301:A:GLN:HG2	33	0.64
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	25	0.64
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	34	0.64
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	5	0.64
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	30	0.64
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	5	0.64
(1,6875)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HD2	26	0.63
(1,6836)	1:225:A:MET:HE1	1:221:A:GLU:H	35	0.63
(1,6816)	1:219:A:TYR:HE2	1:255:A:LEU:HD11	32	0.63
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:H	24	0.63
(1,6792)	1:258:A:TYR:HD1	1:240:A:VAL:HG22	28	0.63
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD12	1:403:A:ARG:HA	17	0.63
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	35	0.63
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HE2	33	0.63
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HB3	31	0.63
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD13	1:227:A:CYS:HA	12	0.63
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG12	1:374:A:LYS:HG3	2	0.63
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG13	1:274:A:LEU:HD22	3	0.63
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG13	1:274:A:LEU:HD21	5	0.63
(1,6556)	1:263:A:VAL:HG13	1:255:A:LEU:HB3	16	0.63
(1,6549)	1:337:A:MET:HE2	1:230:A:ILE:HG21	8	0.63
(1,6546)	1:367:A:LEU:HD23	1:363:A:HIS:HB3	13	0.63
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG22	1:358:A:TYR:HE2	24	0.63
(1,6515)	1:325:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HA	35	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6514)	1:315:A:TYR:HE1	1:367:A:LEU:HD22	2	0.63
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG22	1:401:A:GLU:HG2	11	0.63
(1,6456)	1:197:A:ALA:HB2	1:274:A:LEU:HB3	2	0.63
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD21	4	0.63
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD22	14	0.63
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD21	24	0.63
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	26	0.63
(1,6406)	1:243:A:LEU:HD11	1:240:A:VAL:HG23	26	0.63
(1,6402)	1:377:A:MET:HE1	1:378:A:LYS:HA	8	0.63
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HD12	22	0.63
(1,6342)	1:388:A:MET:HE3	1:386:A:ALA:H	22	0.63
(1,6317)	1:225:A:MET:HE2	1:325:A:MET:H	7	0.63
(1,6316)	1:425:A:LYS:HE2	1:416:A:LEU:H	31	0.63
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG23	1:244:A:LYS:H	35	0.63
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG3	1:270:A:TYR:H	20	0.63
(1,6199)	1:416:A:LEU:HD11	1:422:A:ASP:HB3	19	0.63
(1,6161)	1:255:A:LEU:HD23	1:212:A:VAL:HG23	16	0.63
(1,6104)	1:220:A:VAL:HB	1:217:A:ILE:HG13	27	0.63
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	8	0.63
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD12	1:198:A:VAL:HA	22	0.63
(1,6008)	1:316:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HD13	34	0.63
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD13	1:407:A:PHE:H	25	0.63
(1,5924)	1:230:A:ILE:HD12	1:265:A:SER:H	35	0.63
(1,5865)	1:327:A:HIS:HD2	1:323:A:VAL:HG13	12	0.63
(1,5847)	1:320:A:TRP:HE3	1:209:A:LEU:HG	25	0.63
(1,5847)	1:320:A:TRP:HE3	1:209:A:LEU:HG	29	0.63
(1,5837)	1:225:A:MET:HE2	1:373:A:LEU:HD23	26	0.63
(1,5832)	1:283:A:LEU:HD23	1:279:A:LEU:HD12	11	0.63
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB1	1:263:A:VAL:HG12	30	0.63
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HG22	27	0.63
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD21	1:440:A:LYS:HA	33	0.63
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG21	1:325:A:MET:H	15	0.63
(1,5661)	1:415:A:ASP:HB2	1:416:A:LEU:HB3	20	0.63
(1,5644)	1:359:A:VAL:HG12	1:300:A:VAL:HG11	17	0.63
(1,5642)	1:225:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG23	11	0.63
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB2	1:189:A:ILE:HD11	7	0.63
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD22	3	0.63
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	33	0.63
(1,5356)	1:274:A:LEU:H	1:274:A:LEU:HD22	26	0.63
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD22	29	0.63
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:255:A:LEU:HD12	35	0.63
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB1	15	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG22	34	0.63
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	30	0.63
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HD22	18	0.63
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD11	13	0.63
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD13	16	0.63
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	2	0.63
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	6	0.63
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	18	0.63
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG13	31	0.63
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:278:A:LEU:HD11	13	0.63
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG21	6	0.63
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	23	0.63
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:337:A:MET:HB3	4	0.63
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	6	0.63
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	18	0.63
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:426:A:GLU:HG2	32	0.63
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:266:A:LEU:HA	34	0.63
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG22	31	0.63
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	34	0.63
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HB	18	0.63
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HE1	17	0.63
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HE2	17	0.63
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HE1	17	0.63
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HE2	17	0.63
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HE1	17	0.63
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HE2	17	0.63
(1,4152)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:HG2	5	0.63
(1,4056)	1:227:A:CYS:HB3	1:230:A:ILE:HB	30	0.63
(1,3836)	1:187:A:LYS:HD2	1:188:A:PRO:HD3	1	0.63
(1,3836)	1:187:A:LYS:HD2	1:188:A:PRO:HD3	17	0.63
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG21	33	0.63
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG22	33	0.63
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG23	33	0.63
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD2	31	0.63
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD2	31	0.63
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	15	0.63
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	16	0.63
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	21	0.63
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	34	0.63
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE3	33	0.63
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE3	33	0.63
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE3	33	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HB3	3	0.63
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD12	1:227:A:CYS:HB3	3	0.63
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD13	1:227:A:CYS:HB3	3	0.63
(1,1635)	1:246:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	31	0.63
(1,1386)	1:312:A:GLU:H	1:313:A:CYS:HB3	22	0.63
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD21	1	0.63
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD22	1	0.63
(1,842)	1:314:A:ASN:H	1:194:A:LEU:HD23	1	0.63
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	14	0.63
(1,260)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HG2	29	0.63
(1,260)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HG2	34	0.63
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	5	0.63
(1,60)	1:375:A:GLN:HE22	1:378:A:LYS:HB2	11	0.63
(2,7)	1:429:A:LEU:H	1:416:A:LEU:HD11	2	0.62
(2,7)	1:429:A:LEU:H	1:416:A:LEU:HD12	2	0.62
(2,7)	1:429:A:LEU:H	1:416:A:LEU:HD13	2	0.62
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD11	1:408:A:LEU:H	30	0.62
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD13	1:373:A:LEU:HB3	33	0.62
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD13	1:403:A:ARG:HA	34	0.62
(1,6731)	1:239:A:LYS:HD3	1:243:A:LEU:HD13	20	0.62
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HE2	20	0.62
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG21	1:360:A:PHE:HB3	23	0.62
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HA	8	0.62
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG12	1:374:A:LYS:HG3	22	0.62
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD12	1:324:A:HIS:H	5	0.62
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG2	9	0.62
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG13	1:274:A:LEU:HD22	23	0.62
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG22	1:210:A:PRO:HB3	6	0.62
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG22	1:208:A:ARG:HB2	27	0.62
(1,6515)	1:325:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HA	16	0.62
(1,6515)	1:325:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HA	17	0.62
(1,6491)	1:189:A:ILE:HD13	1:200:A:ARG:HA	22	0.62
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HB3	18	0.62
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HB3	25	0.62
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HG23	11	0.62
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:310:A:LEU:HD23	33	0.62
(1,6414)	1:279:A:LEU:HD13	1:278:A:LEU:HD22	30	0.62
(1,6317)	1:225:A:MET:HE1	1:325:A:MET:H	6	0.62
(1,6248)	1:317:A:LEU:HD23	1:320:A:TRP:HB3	29	0.62
(1,6238)	1:364:A:VAL:HG22	1:324:A:HIS:H	8	0.62
(1,6238)	1:364:A:VAL:HG21	1:324:A:HIS:H	19	0.62
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD11	1:314:A:ASN:HD21	9	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD11	1:314:A:ASN:HD21	13	0.62
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD11	1:322:A:ILE:HG22	19	0.62
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD11	1:255:A:LEU:HD12	3	0.62
(1,6054)	1:283:A:LEU:HD21	1:280:A:THR:HG23	13	0.62
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD12	1:267:A:LEU:HD22	7	0.62
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD11	1:198:A:VAL:HA	10	0.62
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD22	15	0.62
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD22	1:402:A:ILE:H	24	0.62
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD13	1:321:A:LEU:HD12	22	0.62
(1,5914)	1:197:A:ALA:HB3	1:189:A:ILE:HD13	25	0.62
(1,5893)	1:310:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HG23	17	0.62
(1,5729)	1:300:A:VAL:HG13	1:296:A:GLU:HG2	5	0.62
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG12	1:342:A:ILE:HD11	1	0.62
(1,5701)	1:302:A:GLU:HG2	1:286:A:ARG:HD3	15	0.62
(1,5701)	1:302:A:GLU:HG2	1:286:A:ARG:HD3	33	0.62
(1,5693)	1:318:A:ILE:HD11	1:315:A:TYR:HA	11	0.62
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG22	1:325:A:MET:H	7	0.62
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG22	1:325:A:MET:H	31	0.62
(1,5686)	1:345:A:VAL:HG13	1:232:A:ARG:HB2	29	0.62
(1,5677)	1:212:A:VAL:HG13	1:210:A:PRO:HB3	16	0.62
(1,5677)	1:212:A:VAL:HG11	1:210:A:PRO:HB3	25	0.62
(1,5661)	1:415:A:ASP:HB2	1:416:A:LEU:HB3	11	0.62
(1,5604)	1:412:A:LEU:HD23	1:409:A:LEU:H	12	0.62
(1,5580)	1:207:A:ILE:HD11	1:214:A:ARG:HB3	35	0.62
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD23	5	0.62
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD23	30	0.62
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD13	2	0.62
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG22	23	0.62
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	34	0.62
(1,5352)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:HA	17	0.62
(1,5328)	1:185:A:ASN:HD21	1:189:A:ILE:HG12	29	0.62
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	18	0.62
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	27	0.62
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	31	0.62
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	35	0.62
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:210:A:PRO:HB3	4	0.62
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	8	0.62
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:255:A:LEU:HD11	17	0.62
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG21	5	0.62
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG3	3	0.62
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG2	9	0.62
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG2	12	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	13	0.62
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD12	25	0.62
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	18	0.62
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	19	0.62
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	23	0.62
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	35	0.62
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	28	0.62
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:401:A:GLU:HG2	24	0.62
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:219:A:TYR:HE1	34	0.62
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG23	22	0.62
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	1	0.62
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:337:A:MET:HB3	16	0.62
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	7	0.62
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	22	0.62
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	12	0.62
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD23	25	0.62
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	14	0.62
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	17	0.62
(1,4322)	1:183:A:MET:HB3	1:184:A:PRO:HD2	17	0.62
(1,4035)	1:348:A:PRO:HD3	1:346:A:LEU:HB3	7	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	3	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	3	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	3	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	3	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	3	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	3	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	3	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	3	0.62
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	3	0.62
(1,3962)	1:244:A:LYS:HE2	1:244:A:LYS:HA	6	0.62
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG22	1:216:A:CYS:HG	8	0.62
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD11	4	0.62
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD12	4	0.62
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD13	4	0.62
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD11	4	0.62
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD12	4	0.62
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD13	4	0.62
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD11	4	0.62
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD12	4	0.62
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD13	4	0.62
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE1	1:340:A:GLN:HG3	7	0.62
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE2	1:340:A:GLN:HG3	7	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE1	1:340:A:GLN:HG3	9	0.62
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE2	1:340:A:GLN:HG3	9	0.62
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE1	1:340:A:GLN:HG3	22	0.62
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE2	1:340:A:GLN:HG3	22	0.62
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	2	0.62
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	7	0.62
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	13	0.62
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE2	23	0.62
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE2	23	0.62
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE2	23	0.62
(1,2106)	1:377:A:MET:HB2	1:204:A:TYR:HE2	26	0.62
(1,1680)	1:332:A:GLU:H	1:332:A:GLU:HB2	14	0.62
(1,1680)	1:332:A:GLU:H	1:332:A:GLU:HB2	17	0.62
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE3	1	0.62
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE2	28	0.62
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE2	35	0.62
(1,1386)	1:312:A:GLU:H	1:313:A:CYS:HB3	30	0.62
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	34	0.62
(1,1216)	1:236:A:ILE:H	1:239:A:LYS:HG2	12	0.62
(1,1052)	1:371:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB3	2	0.62
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	28	0.62
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	2	0.62
(2,7)	1:429:A:LEU:H	1:416:A:LEU:HD11	35	0.61
(2,7)	1:429:A:LEU:H	1:416:A:LEU:HD12	35	0.61
(2,7)	1:429:A:LEU:H	1:416:A:LEU:HD13	35	0.61
(1,6878)	1:307:A:LEU:HD11	1:360:A:PHE:HZ	10	0.61
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD12	1:405:A:GLN:HA	6	0.61
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HD12	29	0.61
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG22	1:366:A:GLU:HB2	25	0.61
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD13	1:403:A:ARG:HA	23	0.61
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD11	1:403:A:ARG:HA	30	0.61
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	15	0.61
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG22	1:307:A:LEU:HD11	30	0.61
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD13	1:227:A:CYS:HA	13	0.61
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD12	1:227:A:CYS:HA	14	0.61
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HA	29	0.61
(1,6639)	1:194:A:LEU:HD21	1:198:A:VAL:HB	14	0.61
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD12	1:230:A:ILE:H	5	0.61
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG22	1:210:A:PRO:HB3	11	0.61
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HD21	25	0.61
(1,6525)	1:203:A:MET:HE1	1:207:A:ILE:HG12	31	0.61
(1,6490)	1:246:A:ALA:HB3	1:251:A:GLU:HB2	16	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6490)	1:246:A:ALA:HB1	1:251:A:GLU:HB2	24	0.61
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG12	1:341:A:ASN:H	2	0.61
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG11	1:341:A:ASN:H	12	0.61
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG23	1:189:A:ILE:HB	34	0.61
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	34	0.61
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG22	1:393:A:GLU:HA	8	0.61
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD13	1:337:A:MET:H	22	0.61
(1,6317)	1:225:A:MET:HE2	1:325:A:MET:H	29	0.61
(1,6314)	1:334:A:GLU:HG2	1:331:A:LYS:HD2	2	0.61
(1,6296)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HE3	15	0.61
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG21	1:407:A:PHE:H	19	0.61
(1,6221)	1:225:A:MET:HE1	1:331:A:LYS:HG2	17	0.61
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG21	1:264:A:ALA:H	16	0.61
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD11	1:410:A:ASN:HA	14	0.61
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HA	5	0.61
(1,5951)	1:274:A:LEU:HD11	1:192:A:ILE:H	15	0.61
(1,5943)	1:321:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:HD11	10	0.61
(1,5908)	1:380:A:LEU:HD11	1:382:A:TRP:HB2	7	0.61
(1,5908)	1:380:A:LEU:HD13	1:382:A:TRP:HB2	34	0.61
(1,5903)	1:337:A:MET:HE1	1:343:A:SER:H	8	0.61
(1,5893)	1:310:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HG23	13	0.61
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	34	0.61
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG23	5	0.61
(1,5677)	1:212:A:VAL:HG13	1:210:A:PRO:HB3	21	0.61
(1,5677)	1:212:A:VAL:HG12	1:210:A:PRO:HB3	28	0.61
(1,5605)	1:337:A:MET:HE3	1:342:A:ILE:HA	9	0.61
(1,5580)	1:207:A:ILE:HD13	1:214:A:ARG:HB3	18	0.61
(1,5482)	1:398:A:ILE:H	1:395:A:GLN:HG2	21	0.61
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD11	3	0.61
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG21	33	0.61
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:271:A:LEU:HD21	26	0.61
(1,5356)	1:274:A:LEU:H	1:274:A:LEU:HD21	28	0.61
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	33	0.61
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG23	25	0.61
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	29	0.61
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HB2	11	0.61
(1,5121)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HD12	27	0.61
(1,5068)	1:205:A:ASP:H	1:202:A:MET:HE1	9	0.61
(1,5068)	1:205:A:ASP:H	1:202:A:MET:HE2	23	0.61
(1,5060)	1:225:A:MET:H	1:225:A:MET:HG2	27	0.61
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD11	29	0.61
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	25	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:401:A:GLU:HG2	19	0.61
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	25	0.61
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	34	0.61
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:219:A:TYR:HE1	4	0.61
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	16	0.61
(1,4766)	1:314:A:ASN:H	1:315:A:TYR:HD1	29	0.61
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:426:A:GLU:HG2	23	0.61
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	27	0.61
(1,4697)	1:440:A:LYS:H	1:398:A:ILE:HG21	21	0.61
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:337:A:MET:HB3	10	0.61
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB1	1:331:A:LYS:HE2	20	0.61
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB2	1:331:A:LYS:HE2	20	0.61
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB3	1:331:A:LYS:HE2	20	0.61
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD11	1:361:A:PHE:HB3	32	0.61
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD12	1:361:A:PHE:HB3	32	0.61
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD13	1:361:A:PHE:HB3	32	0.61
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD11	1:200:A:ARG:HD2	27	0.61
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD12	1:200:A:ARG:HD2	27	0.61
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD13	1:200:A:ARG:HD2	27	0.61
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD21	16	0.61
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD22	16	0.61
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD23	16	0.61
(1,4055)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HD11	12	0.61
(1,4055)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HD12	12	0.61
(1,4055)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HD13	12	0.61
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD21	35	0.61
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD21	35	0.61
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD21	35	0.61
(1,3656)	1:226:A:LYS:HB2	1:334:A:GLU:HG3	6	0.61
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG3	12	0.61
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD11	1:304:A:GLN:HG3	25	0.61
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD12	1:304:A:GLN:HG3	25	0.61
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD13	1:304:A:GLN:HG3	25	0.61
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG21	1:216:A:CYS:HG	32	0.61
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE1	1:340:A:GLN:HG3	18	0.61
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE2	1:340:A:GLN:HG3	18	0.61
(1,2788)	1:256:A:GLU:HG2	1:254:A:ASN:HB3	14	0.61
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	10	0.61
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD21	1:361:A:PHE:HZ	18	0.61
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD22	1:361:A:PHE:HZ	18	0.61
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD23	1:361:A:PHE:HZ	18	0.61
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	11	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	11	0.61
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	11	0.61
(1,2415)	1:336:A:LYS:HE3	1:337:A:MET:H	22	0.61
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD11	13	0.61
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD12	13	0.61
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD13	13	0.61
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG11	9	0.61
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG12	9	0.61
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG13	9	0.61
(1,1680)	1:332:A:GLU:H	1:332:A:GLU:HB2	32	0.61
(1,1635)	1:246:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	32	0.61
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	33	0.61
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE2	15	0.61
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG2	10	0.61
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG2	26	0.61
(1,260)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HG2	13	0.61
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	17	0.61
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG23	1:426:A:GLU:H	8	0.6
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG23	1:416:A:LEU:H	29	0.6
(1,6792)	1:258:A:TYR:HD2	1:240:A:VAL:HG22	5	0.6
(1,6766)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HA	29	0.6
(1,6740)	1:377:A:MET:HE1	1:412:A:LEU:HD23	10	0.6
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	17	0.6
(1,6731)	1:239:A:LYS:HD3	1:243:A:LEU:HD13	19	0.6
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HA	4	0.6
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HA	7	0.6
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD12	1:227:A:CYS:HA	16	0.6
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD13	1:227:A:CYS:HA	26	0.6
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HA	35	0.6
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HB3	19	0.6
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD12	1:230:A:ILE:H	24	0.6
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD23	1:363:A:HIS:H	6	0.6
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:416:A:LEU:HD23	22	0.6
(1,6564)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB2	23	0.6
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD21	1:432:A:VAL:HG12	22	0.6
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG21	34	0.6
(1,6490)	1:246:A:ALA:HB1	1:251:A:GLU:HB2	27	0.6
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG21	1:189:A:ILE:HB	17	0.6
(1,6393)	1:278:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HD11	27	0.6
(1,6360)	1:278:A:LEU:HD21	1:279:A:LEU:HD21	7	0.6
(1,6354)	1:225:A:MET:HE2	1:221:A:GLU:HA	27	0.6
(1,6317)	1:225:A:MET:HE3	1:325:A:MET:H	24	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG21	1:407:A:PHE:H	35	0.6
(1,6248)	1:317:A:LEU:HD23	1:320:A:TRP:HB3	6	0.6
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG23	1:244:A:LYS:H	19	0.6
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG21	1:244:A:LYS:H	30	0.6
(1,6161)	1:255:A:LEU:HD23	1:212:A:VAL:HG23	4	0.6
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD11	1:314:A:ASN:HD21	23	0.6
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HD22	33	0.6
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD12	1:192:A:ILE:HG13	35	0.6
(1,6027)	1:416:A:LEU:HD12	1:422:A:ASP:H	19	0.6
(1,6027)	1:416:A:LEU:HD11	1:422:A:ASP:H	33	0.6
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD22	1:255:A:LEU:HD22	20	0.6
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD11	1:198:A:VAL:HA	8	0.6
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD13	1:284:A:MET:HE2	20	0.6
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD23	9	0.6
(1,5964)	1:289:A:GLU:HB3	1:306:A:LEU:HD23	25	0.6
(1,5942)	1:358:A:TYR:HB2	1:357:A:LEU:HD22	7	0.6
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HA	2	0.6
(1,5885)	1:263:A:VAL:HG11	1:259:A:GLU:HB2	1	0.6
(1,5833)	1:300:A:VAL:HG22	1:301:A:GLN:HG2	5	0.6
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD13	1:395:A:GLN:HG2	3	0.6
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:HA	5	0.6
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD13	1:193:A:PRO:HA	7	0.6
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD11	1:191:A:GLY:HA2	18	0.6
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG22	27	0.6
(1,5605)	1:337:A:MET:HE2	1:342:A:ILE:HA	13	0.6
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD23	1:407:A:PHE:H	24	0.6
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG22	7	0.6
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	12	0.6
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	14	0.6
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	9	0.6
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	34	0.6
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD23	6	0.6
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB3	27	0.6
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG23	32	0.6
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	12	0.6
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG2	14	0.6
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	8	0.6
(1,5068)	1:205:A:ASP:H	1:202:A:MET:HE3	5	0.6
(1,5068)	1:205:A:ASP:H	1:202:A:MET:HE2	31	0.6
(1,5053)	1:209:A:LEU:H	1:213:A:PHE:HB3	15	0.6
(1,5053)	1:209:A:LEU:H	1:213:A:PHE:HB3	32	0.6
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD13	1	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD13	32	0.6
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:279:A:LEU:HD23	12	0.6
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	13	0.6
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG22	8	0.6
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG22	14	0.6
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG21	23	0.6
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:337:A:MET:HB3	7	0.6
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE3	12	0.6
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	10	0.6
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:426:A:GLU:HG2	20	0.6
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HB	32	0.6
(1,4152)	1:336:A:LYS:HE3	1:336:A:LYS:HG2	15	0.6
(1,3836)	1:187:A:LYS:HD2	1:188:A:PRO:HD2	7	0.6
(1,3836)	1:187:A:LYS:HD2	1:188:A:PRO:HD3	30	0.6
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD11	1	0.6
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD12	1	0.6
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD13	1	0.6
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD11	1	0.6
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD12	1	0.6
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD13	1	0.6
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD11	1	0.6
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD12	1	0.6
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD13	1	0.6
(1,3656)	1:226:A:LYS:HB2	1:334:A:GLU:HG3	15	0.6
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	1	0.6
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	1	0.6
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	1	0.6
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	1	0.6
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	1	0.6
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	1	0.6
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD11	1:304:A:GLN:HG3	10	0.6
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD12	1:304:A:GLN:HG3	10	0.6
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD13	1:304:A:GLN:HG3	10	0.6
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD2	4	0.6
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD2	4	0.6
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD2	33	0.6
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD2	33	0.6
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	29	0.6
(1,2755)	1:374:A:LYS:HE3	1:372:A:VAL:HG11	1	0.6
(1,2755)	1:374:A:LYS:HE3	1:372:A:VAL:HG12	1	0.6
(1,2755)	1:374:A:LYS:HE3	1:372:A:VAL:HG13	1	0.6
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD21	1:361:A:PHE:HZ	10	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD22	1:361:A:PHE:HZ	10	0.6
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD23	1:361:A:PHE:HZ	10	0.6
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG11	18	0.6
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG12	18	0.6
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG13	18	0.6
(1,1658)	1:375:A:GLN:HE21	1:378:A:LYS:HB3	33	0.6
(1,1635)	1:246:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	17	0.6
(1,1478)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HB2	34	0.6
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE3	17	0.6
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	27	0.6
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	13	0.6
(1,260)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HG2	26	0.6
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG11	10	0.6
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG12	10	0.6
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG13	10	0.6
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG11	34	0.6
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG12	34	0.6
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG13	34	0.6
(1,6804)	1:267:A:LEU:HD23	1:212:A:VAL:HG12	30	0.59
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD13	1:403:A:ARG:HA	32	0.59
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HE2	30	0.59
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG21	1:307:A:LEU:HD13	3	0.59
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HB3	12	0.59
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD13	1:227:A:CYS:HA	5	0.59
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HA	27	0.59
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG12	1:374:A:LYS:HG3	30	0.59
(1,6655)	1:244:A:LYS:HD2	1:240:A:VAL:HB	1	0.59
(1,6654)	1:300:A:VAL:HG13	1:364:A:VAL:H	10	0.59
(1,6639)	1:194:A:LEU:HD22	1:198:A:VAL:HB	1	0.59
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:416:A:LEU:HD22	14	0.59
(1,6546)	1:367:A:LEU:HD23	1:363:A:HIS:HB3	1	0.59
(1,6537)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HA	28	0.59
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG22	1:358:A:TYR:HE2	26	0.59
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:253:A:THR:HG21	21	0.59
(1,6456)	1:197:A:ALA:HB2	1:274:A:LEU:HB3	19	0.59
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:HG23	12	0.59
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG21	1:393:A:GLU:HA	30	0.59
(1,6360)	1:278:A:LEU:HD21	1:279:A:LEU:HD22	21	0.59
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD12	1:337:A:MET:H	20	0.59
(1,6332)	1:267:A:LEU:HD21	1:213:A:PHE:HZ	35	0.59
(1,6317)	1:225:A:MET:HE2	1:325:A:MET:H	34	0.59
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD22	1:194:A:LEU:HD13	21	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD21	1:256:A:GLU:HG3	20	0.59
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:328:A:VAL:HG22	22	0.59
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD13	1:410:A:ASN:HA	7	0.59
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD12	1:267:A:LEU:HD21	24	0.59
(1,6000)	1:225:A:MET:HE1	1:326:A:ASP:H	35	0.59
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD12	1:284:A:MET:HE2	26	0.59
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD22	1:305:A:ARG:HG2	8	0.59
(1,5964)	1:289:A:GLU:HB3	1:306:A:LEU:HD23	11	0.59
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD23	1:402:A:ILE:H	32	0.59
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD11	1:407:A:PHE:H	12	0.59
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD11	1:407:A:PHE:H	26	0.59
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:194:A:LEU:HD13	20	0.59
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD13	1:373:A:LEU:HA	28	0.59
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD11	1:373:A:LEU:HA	31	0.59
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG21	1:341:A:ASN:HB3	20	0.59
(1,5789)	1:429:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:HG3	5	0.59
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD12	1:395:A:GLN:HG2	24	0.59
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD11	1:193:A:PRO:HA	4	0.59
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HD11	32	0.59
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG21	1:325:A:MET:H	3	0.59
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG21	1:325:A:MET:H	22	0.59
(1,5647)	1:202:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:H	5	0.59
(1,5605)	1:337:A:MET:HE2	1:342:A:ILE:HA	26	0.59
(1,5604)	1:412:A:LEU:HD23	1:409:A:LEU:H	25	0.59
(1,5570)	1:318:A:ILE:HG22	1:314:A:ASN:HB3	25	0.59
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG23	9	0.59
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG23	24	0.59
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG22	31	0.59
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	22	0.59
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	19	0.59
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	24	0.59
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	16	0.59
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	24	0.59
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	29	0.59
(1,5163)	1:327:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HG	19	0.59
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HD23	5	0.59
(1,5068)	1:205:A:ASP:H	1:202:A:MET:HE1	14	0.59
(1,5068)	1:205:A:ASP:H	1:202:A:MET:HE3	16	0.59
(1,5068)	1:205:A:ASP:H	1:202:A:MET:HE1	19	0.59
(1,5068)	1:205:A:ASP:H	1:202:A:MET:HE1	30	0.59
(1,5068)	1:205:A:ASP:H	1:202:A:MET:HE3	32	0.59
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD12	7	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD13	17	0.59
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD11	34	0.59
(1,5015)	1:288:A:GLU:H	1:356:A:VAL:HG21	10	0.59
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	10	0.59
(1,4990)	1:245:A:ALA:H	1:241:A:ASP:HB3	13	0.59
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	1	0.59
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	26	0.59
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:395:A:GLN:HG2	14	0.59
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	6	0.59
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:247:A:TYR:HE1	18	0.59
(1,4867)	1:235:A:GLY:H	1:262:A:THR:HG22	4	0.59
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:278:A:LEU:HD12	21	0.59
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	6	0.59
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	12	0.59
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	35	0.59
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG21	9	0.59
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG22	24	0.59
(1,4688)	1:318:A:ILE:H	1:278:A:LEU:HD23	9	0.59
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:337:A:MET:HB3	30	0.59
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	1	0.59
(1,4329)	1:377:A:MET:HG3	1:204:A:TYR:HE1	10	0.59
(1,4152)	1:336:A:LYS:HE3	1:336:A:LYS:HG2	16	0.59
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD11	31	0.59
(1,3785)	1:371:A:VAL:HB	1:373:A:LEU:HD11	19	0.59
(1,3785)	1:371:A:VAL:HB	1:373:A:LEU:HD12	19	0.59
(1,3785)	1:371:A:VAL:HB	1:373:A:LEU:HD13	19	0.59
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE1	27	0.59
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE2	27	0.59
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE1	27	0.59
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE2	27	0.59
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE1	27	0.59
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE2	27	0.59
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE1	1:340:A:GLN:HG3	1	0.59
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE2	1:340:A:GLN:HG3	1	0.59
(1,2756)	1:278:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HD21	10	0.59
(1,2756)	1:278:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HD21	10	0.59
(1,2756)	1:278:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HD21	10	0.59
(1,2693)	1:281:A:LYS:HE2	1:277:A:ASN:H	7	0.59
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD21	1:361:A:PHE:HZ	2	0.59
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD22	1:361:A:PHE:HZ	2	0.59
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD23	1:361:A:PHE:HZ	2	0.59
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	17	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	17	0.59
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	17	0.59
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG11	10	0.59
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG12	10	0.59
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG13	10	0.59
(1,1680)	1:332:A:GLU:H	1:332:A:GLU:HB2	10	0.59
(1,1680)	1:332:A:GLU:H	1:332:A:GLU:HB2	13	0.59
(1,1680)	1:332:A:GLU:H	1:332:A:GLU:HB2	31	0.59
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE3	27	0.59
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG2	3	0.59
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG21	7	0.59
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG22	7	0.59
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG23	7	0.59
(1,924)	1:351:A:GLN:HE22	1:272:A:ARG:HD2	10	0.59
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	23	0.59
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG11	6	0.59
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG12	6	0.59
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG13	6	0.59
(1,260)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HG2	16	0.59
(1,260)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HG2	23	0.59
(1,60)	1:375:A:GLN:HE22	1:378:A:LYS:HD3	1	0.59
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD13	1:405:A:GLN:HA	22	0.58
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:H	1	0.58
(1,6792)	1:258:A:TYR:HD2	1:240:A:VAL:HG21	3	0.58
(1,6766)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HA	20	0.58
(1,6703)	1:329:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:H	22	0.58
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HB3	16	0.58
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HB3	32	0.58
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HA	2	0.58
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG12	1:374:A:LYS:HG3	17	0.58
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG13	1:374:A:LYS:HG3	31	0.58
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:H	8	0.58
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD23	1:363:A:HIS:H	16	0.58
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD12	1:324:A:HIS:H	18	0.58
(1,6603)	1:430:A:TRP:HZ2	1:423:A:LEU:HB3	35	0.58
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG23	1:208:A:ARG:HB2	32	0.58
(1,6560)	1:429:A:LEU:HD22	1:430:A:TRP:HD1	11	0.58
(1,6514)	1:315:A:TYR:HE1	1:367:A:LEU:HD23	3	0.58
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG23	1:401:A:GLU:HG3	27	0.58
(1,6363)	1:266:A:LEU:HD12	1:240:A:VAL:HA	9	0.58
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG22	1:240:A:VAL:HB	2	0.58
(1,6316)	1:425:A:LYS:HE3	1:426:A:GLU:H	6	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG22	1:407:A:PHE:H	6	0.58
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG11	29	0.58
(1,6239)	1:355:A:ARG:HG2	1:291:A:CYS:HB2	3	0.58
(1,6221)	1:225:A:MET:HE2	1:331:A:LYS:HG2	34	0.58
(1,6139)	1:317:A:LEU:HD13	1:210:A:PRO:HG3	12	0.58
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD12	1:322:A:ILE:HG22	25	0.58
(1,6009)	1:246:A:ALA:HA	1:242:A:GLU:HG2	9	0.58
(1,5881)	1:202:A:MET:HE1	1:208:A:ARG:HD3	35	0.58
(1,5848)	1:377:A:MET:HG3	1:376:A:VAL:HA	7	0.58
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD13	1:395:A:GLN:HG2	19	0.58
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	19	0.58
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	1	0.58
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG13	1:342:A:ILE:HD13	24	0.58
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG23	32	0.58
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG23	1:325:A:MET:H	32	0.58
(1,5677)	1:212:A:VAL:HG13	1:210:A:PRO:HB3	15	0.58
(1,5673)	1:319:A:SER:HA	1:323:A:VAL:HG13	2	0.58
(1,5605)	1:337:A:MET:HE2	1:342:A:ILE:HA	10	0.58
(1,5604)	1:412:A:LEU:HD22	1:409:A:LEU:H	3	0.58
(1,5590)	1:436:A:LEU:HD21	1:433:A:GLN:H	34	0.58
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD22	8	0.58
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:350:A:VAL:HG22	13	0.58
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG22	3	0.58
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG21	11	0.58
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG22	12	0.58
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG22	18	0.58
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG22	25	0.58
(1,5443)	1:225:A:MET:H	1:227:A:CYS:HB2	14	0.58
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:266:A:LEU:HD13	5	0.58
(1,5360)	1:431:A:GLU:H	1:433:A:GLN:HE21	34	0.58
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG21	27	0.58
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	1	0.58
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:210:A:PRO:HB3	24	0.58
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	10	0.58
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	33	0.58
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:255:A:LEU:HD12	10	0.58
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD23	16	0.58
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG23	6	0.58
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG2	7	0.58
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG2	10	0.58
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HD21	26	0.58
(1,5068)	1:205:A:ASP:H	1:202:A:MET:HE3	28	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	16	0.58
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	7	0.58
(1,4827)	1:326:A:ASP:H	1:373:A:LEU:HG	22	0.58
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	32	0.58
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	1	0.58
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG21	32	0.58
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	17	0.58
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	10	0.58
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HB	9	0.58
(1,4544)	1:253:A:THR:HG21	1:254:A:ASN:HB2	11	0.58
(1,4544)	1:253:A:THR:HG22	1:254:A:ASN:HB2	11	0.58
(1,4544)	1:253:A:THR:HG23	1:254:A:ASN:HB2	11	0.58
(1,4544)	1:253:A:THR:HG21	1:254:A:ASN:HB2	29	0.58
(1,4544)	1:253:A:THR:HG22	1:254:A:ASN:HB2	29	0.58
(1,4544)	1:253:A:THR:HG23	1:254:A:ASN:HB2	29	0.58
(1,4152)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:HG2	9	0.58
(1,4152)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:HG2	14	0.58
(1,4152)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:HG2	33	0.58
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD11	31	0.58
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD12	31	0.58
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD13	31	0.58
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD11	31	0.58
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD12	31	0.58
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD13	31	0.58
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD11	31	0.58
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD12	31	0.58
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD13	31	0.58
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG3	1	0.58
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG2	18	0.58
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	21	0.58
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	21	0.58
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	21	0.58
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	21	0.58
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	21	0.58
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	21	0.58
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD11	1:304:A:GLN:HG3	21	0.58
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD12	1:304:A:GLN:HG3	21	0.58
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD13	1:304:A:GLN:HG3	21	0.58
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD2	27	0.58
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD2	27	0.58
(1,2907)	1:331:A:LYS:HE3	1:334:A:GLU:H	18	0.58
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE1	1:340:A:GLN:HG3	28	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE2	1:340:A:GLN:HG3	28	0.58
(1,2837)	1:310:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HD21	6	0.58
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	25	0.58
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	14	0.58
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	14	0.58
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	14	0.58
(1,2385)	1:222:A:LYS:HE3	1:223:A:TYR:H	28	0.58
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE2	27	0.58
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE2	27	0.58
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE2	27	0.58
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE3	21	0.58
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE3	32	0.58
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG2	31	0.58
(1,1348)	1:249:A:ARG:H	1:251:A:GLU:HG2	24	0.58
(1,1348)	1:249:A:ARG:H	1:251:A:GLU:HG2	34	0.58
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD21	3	0.58
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD22	3	0.58
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD23	3	0.58
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	18	0.58
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	19	0.58
(1,260)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HG2	25	0.58
(2,82)	1:391:A:LEU:HD21	1:388:A:MET:HG3	27	0.57
(2,82)	1:391:A:LEU:HD22	1:388:A:MET:HG3	27	0.57
(2,82)	1:391:A:LEU:HD23	1:388:A:MET:HG3	27	0.57
(1,6853)	1:239:A:LYS:HD3	1:262:A:THR:HG23	5	0.57
(1,6853)	1:239:A:LYS:HD3	1:262:A:THR:HG22	24	0.57
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD22	1:309:A:GLU:HG3	4	0.57
(1,6805)	1:201:A:THR:HG21	1:189:A:ILE:HB	16	0.57
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG23	1:307:A:LEU:HD13	19	0.57
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HB3	18	0.57
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HB3	21	0.57
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HB3	22	0.57
(1,6677)	1:412:A:LEU:HD13	1:415:A:ASP:HB2	16	0.57
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG12	1:374:A:LYS:HG3	10	0.57
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HB3	12	0.57
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD11	1:324:A:HIS:H	20	0.57
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	34	0.57
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG12	1:274:A:LEU:HD23	31	0.57
(1,6564)	1:203:A:MET:HE3	1:210:A:PRO:HB2	29	0.57
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD21	1:432:A:VAL:HG11	26	0.57
(1,6515)	1:325:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HA	5	0.57
(1,6468)	1:283:A:LEU:HD22	1:305:A:ARG:HD3	22	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HG21	2	0.57
(1,6393)	1:278:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD11	28	0.57
(1,6363)	1:266:A:LEU:HD13	1:244:A:LYS:HA	15	0.57
(1,6360)	1:278:A:LEU:HD21	1:279:A:LEU:HD21	5	0.57
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG23	1:284:A:MET:HG3	3	0.57
(1,6317)	1:225:A:MET:HE1	1:325:A:MET:H	15	0.57
(1,6296)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HE2	33	0.57
(1,6242)	1:243:A:LEU:HD12	1:242:A:GLU:HG2	28	0.57
(1,6208)	1:189:A:ILE:HG23	1:201:A:THR:HG23	30	0.57
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD21	1:253:A:THR:H	27	0.57
(1,6160)	1:303:A:PHE:HE1	1:359:A:VAL:HG11	11	0.57
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD12	1:255:A:LEU:HD13	6	0.57
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:HD13	17	0.57
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD13	1:410:A:ASN:HA	6	0.57
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG2	1:282:A:GLU:HG2	12	0.57
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HA	2	0.57
(1,5951)	1:367:A:LEU:HD13	1:304:A:GLN:HE21	26	0.57
(1,5885)	1:300:A:VAL:HG11	1:296:A:GLU:HB2	31	0.57
(1,5873)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HG3	29	0.57
(1,5848)	1:377:A:MET:HG3	1:376:A:VAL:HA	29	0.57
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG21	1:341:A:ASN:HB3	23	0.57
(1,5813)	1:420:A:ILE:HG21	1:425:A:LYS:HE2	27	0.57
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD12	1:271:A:LEU:HB3	30	0.57
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG21	1:323:A:VAL:HG11	13	0.57
(1,5779)	1:438:A:ALA:HB2	1:392:A:PRO:HD2	35	0.57
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	9	0.57
(1,5751)	1:264:A:ALA:HB2	1:263:A:VAL:HG12	7	0.57
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	5	0.57
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HG21	3	0.57
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG13	1:342:A:ILE:HD12	8	0.57
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG12	1:342:A:ILE:HD11	31	0.57
(1,5647)	1:202:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:H	17	0.57
(1,5642)	1:225:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG21	17	0.57
(1,5591)	1:272:A:ARG:HD2	1:349:A:THR:HB	3	0.57
(1,5591)	1:268:A:LYS:HE2	1:349:A:THR:HB	28	0.57
(1,5466)	1:340:A:GLN:HE21	1:342:A:ILE:HA	7	0.57
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG23	5	0.57
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG21	26	0.57
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG21	32	0.57
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG23	33	0.57
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	10	0.57
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	2	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:244:A:LYS:HD2	35	0.57
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	35	0.57
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	18	0.57
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	29	0.57
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	33	0.57
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:396:A:ALA:H	18	0.57
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:396:A:ALA:H	23	0.57
(1,5165)	1:280:A:THR:H	1:278:A:LEU:HG	11	0.57
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	32	0.57
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG22	4	0.57
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG2	20	0.57
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:189:A:ILE:HD12	20	0.57
(1,5068)	1:205:A:ASP:H	1:202:A:MET:HE3	6	0.57
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE1	30	0.57
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	5	0.57
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:429:A:LEU:HD21	35	0.57
(1,4871)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HD13	9	0.57
(1,4871)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HD11	22	0.57
(1,4860)	1:261:A:ASN:HD21	1:233:A:VAL:HA	19	0.57
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	17	0.57
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	28	0.57
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG22	13	0.57
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:194:A:LEU:HA	18	0.57
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:337:A:MET:HB3	24	0.57
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD11	1:361:A:PHE:HB3	1	0.57
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD12	1:361:A:PHE:HB3	1	0.57
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD13	1:361:A:PHE:HB3	1	0.57
(1,4152)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:HG2	10	0.57
(1,4152)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:HG2	35	0.57
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD13	12	0.57
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	16	0.57
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	16	0.57
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	16	0.57
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	16	0.57
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	16	0.57
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	16	0.57
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	16	0.57
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	16	0.57
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	16	0.57
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG21	5	0.57
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG22	5	0.57
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG23	5	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HB3	30	0.57
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HB3	30	0.57
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HB3	30	0.57
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	6	0.57
(1,2642)	1:373:A:LEU:HD21	1:327:A:HIS:HE1	19	0.57
(1,2642)	1:373:A:LEU:HD22	1:327:A:HIS:HE1	19	0.57
(1,2642)	1:373:A:LEU:HD23	1:327:A:HIS:HE1	19	0.57
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD21	29	0.57
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD22	29	0.57
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD23	29	0.57
(1,1661)	1:372:A:VAL:H	1:373:A:LEU:HD11	14	0.57
(1,1661)	1:372:A:VAL:H	1:373:A:LEU:HD12	14	0.57
(1,1661)	1:372:A:VAL:H	1:373:A:LEU:HD13	14	0.57
(1,1658)	1:375:A:GLN:HE21	1:378:A:LYS:HD2	2	0.57
(1,1635)	1:246:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	15	0.57
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	6	0.57
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	12	0.57
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG2	32	0.57
(1,1386)	1:312:A:GLU:H	1:313:A:CYS:HB3	18	0.57
(1,1052)	1:371:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB3	17	0.57
(1,1052)	1:371:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB3	22	0.57
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	15	0.57
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	11	0.57
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	25	0.57
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG11	18	0.57
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG12	18	0.57
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG13	18	0.57
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG11	22	0.57
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG12	22	0.57
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG13	22	0.57
(1,6842)	1:212:A:VAL:HA	1:255:A:LEU:HD22	23	0.56
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD12	1:405:A:GLN:HA	33	0.56
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	33	0.56
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG22	1:307:A:LEU:HD11	26	0.56
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG21	1:360:A:PHE:HB3	9	0.56
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HB3	13	0.56
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG12	1:374:A:LYS:HG3	1	0.56
(1,6660)	1:210:A:PRO:HB3	1:274:A:LEU:HD23	2	0.56
(1,6660)	1:210:A:PRO:HB3	1:274:A:LEU:HD21	19	0.56
(1,6634)	1:253:A:THR:HG21	1:244:A:LYS:HA	28	0.56
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:420:A:ILE:HG23	11	0.56
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG12	19	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6546)	1:367:A:LEU:HD21	1:363:A:HIS:HB3	21	0.56
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG23	27	0.56
(1,6490)	1:246:A:ALA:HB3	1:251:A:GLU:HB2	12	0.56
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG21	1:401:A:GLU:HG3	12	0.56
(1,6393)	1:278:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HD11	19	0.56
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD12	1:374:A:LYS:HA	16	0.56
(1,6360)	1:278:A:LEU:HD23	1:279:A:LEU:HD22	32	0.56
(1,6354)	1:225:A:MET:HE2	1:324:A:HIS:HA	26	0.56
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG23	1:240:A:VAL:HB	31	0.56
(1,6328)	1:212:A:VAL:HG22	1:210:A:PRO:HG3	25	0.56
(1,6316)	1:425:A:LYS:HE3	1:426:A:GLU:H	10	0.56
(1,6316)	1:421:A:LYS:HE2	1:426:A:GLU:H	26	0.56
(1,6306)	1:253:A:THR:HG21	1:251:A:GLU:HB2	14	0.56
(1,6239)	1:355:A:ARG:HG2	1:291:A:CYS:HB2	32	0.56
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG3	1:270:A:TYR:H	7	0.56
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG2	1:270:A:TYR:H	8	0.56
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD23	1:253:A:THR:H	22	0.56
(1,6169)	1:225:A:MET:HG2	1:331:A:LYS:HD3	23	0.56
(1,6142)	1:367:A:LEU:HD21	1:366:A:GLU:H	32	0.56
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD13	1:322:A:ILE:HG22	12	0.56
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD11	1:410:A:ASN:HA	11	0.56
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG22	1:367:A:LEU:HD22	14	0.56
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HD22	3	0.56
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	21	0.56
(1,6000)	1:225:A:MET:HE2	1:326:A:ASP:H	34	0.56
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HG	11	0.56
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HG	35	0.56
(1,5965)	1:279:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:HG12	16	0.56
(1,5964)	1:289:A:GLU:HB3	1:306:A:LEU:HD22	1	0.56
(1,5959)	1:300:A:VAL:HG12	1:366:A:GLU:H	21	0.56
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD22	1:402:A:ILE:H	29	0.56
(1,5914)	1:197:A:ALA:HB2	1:189:A:ILE:HD11	7	0.56
(1,5909)	1:443:A:LEU:HD12	1:444:A:ARG:H	19	0.56
(1,5885)	1:263:A:VAL:HG11	1:259:A:GLU:HB2	21	0.56
(1,5819)	1:284:A:MET:HE3	1:351:A:GLN:HA	26	0.56
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD13	1:271:A:LEU:HB3	19	0.56
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	30	0.56
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD12	1:193:A:PRO:HA	1	0.56
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD12	1:193:A:PRO:HA	27	0.56
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG13	1:342:A:ILE:HD13	35	0.56
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG23	1:325:A:MET:H	35	0.56
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB2	1:255:A:LEU:HD21	30	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5647)	1:202:A:MET:HE1	1:198:A:VAL:H	12	0.56
(1,5647)	1:202:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:H	18	0.56
(1,5642)	1:225:A:MET:HE2	1:230:A:ILE:HG23	35	0.56
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD22	1:407:A:PHE:H	28	0.56
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG22	7	0.56
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG22	13	0.56
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	33	0.56
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG23	12	0.56
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	29	0.56
(1,5328)	1:185:A:ASN:HD21	1:187:A:LYS:HB2	1	0.56
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	20	0.56
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	21	0.56
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:396:A:ALA:H	20	0.56
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG22	14	0.56
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	8	0.56
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG2	32	0.56
(1,4999)	1:304:A:GLN:H	1:367:A:LEU:HB2	20	0.56
(1,4992)	1:283:A:LEU:H	1:286:A:ARG:HG2	18	0.56
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	6	0.56
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	15	0.56
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:416:A:LEU:HD23	3	0.56
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:285:A:PRO:HB3	8	0.56
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	9	0.56
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG22	4	0.56
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG22	7	0.56
(1,4735)	1:219:A:TYR:H	1:223:A:TYR:HD2	13	0.56
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:265:A:SER:HB2	13	0.56
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	32	0.56
(1,4682)	1:359:A:VAL:H	1:303:A:PHE:HE2	28	0.56
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HB	31	0.56
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	25	0.56
(1,4329)	1:377:A:MET:HG3	1:204:A:TYR:HE2	5	0.56
(1,4152)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:HG2	4	0.56
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	28	0.56
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	28	0.56
(1,4117)	1:194:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	28	0.56
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD22	5	0.56
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD22	5	0.56
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD22	5	0.56
(1,3881)	1:377:A:MET:HG2	1:408:A:LEU:HD21	5	0.56
(1,3881)	1:377:A:MET:HG2	1:408:A:LEU:HD22	5	0.56
(1,3881)	1:377:A:MET:HG2	1:408:A:LEU:HD23	5	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD21	1:334:A:GLU:HG2	19	0.56
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD22	1:334:A:GLU:HG2	19	0.56
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD23	1:334:A:GLU:HG2	19	0.56
(1,3099)	1:307:A:LEU:HD21	1:318:A:ILE:H	6	0.56
(1,3099)	1:307:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:H	6	0.56
(1,3099)	1:307:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:H	6	0.56
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	12	0.56
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	32	0.56
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	12	0.56
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	12	0.56
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	12	0.56
(1,2415)	1:336:A:LYS:HE3	1:337:A:MET:H	13	0.56
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG11	29	0.56
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG12	29	0.56
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG13	29	0.56
(1,1661)	1:372:A:VAL:H	1:373:A:LEU:HD11	7	0.56
(1,1661)	1:372:A:VAL:H	1:373:A:LEU:HD12	7	0.56
(1,1661)	1:372:A:VAL:H	1:373:A:LEU:HD13	7	0.56
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG2	2	0.56
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG2	12	0.56
(1,1216)	1:236:A:ILE:H	1:239:A:LYS:HG2	14	0.56
(1,1052)	1:371:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB3	18	0.56
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	8	0.56
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	12	0.56
(1,260)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HG2	1	0.56
(1,70)	1:297:A:THR:H	1:296:A:GLU:HB3	22	0.56
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG11	33	0.56
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG12	33	0.56
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG13	33	0.56
(2,43)	1:355:A:ARG:HD2	1:356:A:VAL:H	18	0.55
(2,43)	1:355:A:ARG:HD2	1:356:A:VAL:H	31	0.55
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD11	1:405:A:GLN:HA	16	0.55
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:H	6	0.55
(1,6734)	1:284:A:MET:HG3	1:283:A:LEU:H	26	0.55
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD13	1:227:A:CYS:HA	31	0.55
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HA	33	0.55
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG13	1:374:A:LYS:HG3	35	0.55
(1,6634)	1:253:A:THR:HG23	1:244:A:LYS:HA	5	0.55
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD12	1:324:A:HIS:H	26	0.55
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD23	1:432:A:VAL:HG11	6	0.55
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG21	1:358:A:TYR:HE2	19	0.55
(1,6490)	1:246:A:ALA:HB1	1:251:A:GLU:HB2	2	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6443)	1:315:A:TYR:HD1	1:307:A:LEU:HG	5	0.55
(1,6374)	1:243:A:LEU:HD22	1:255:A:LEU:HD13	2	0.55
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG22	1:284:A:MET:HG3	4	0.55
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG23	1:284:A:MET:HG3	35	0.55
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD11	1:335:A:THR:HG22	8	0.55
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD21	1:256:A:GLU:HG3	5	0.55
(1,6242)	1:243:A:LEU:HD12	1:242:A:GLU:HG2	23	0.55
(1,6238)	1:364:A:VAL:HG21	1:324:A:HIS:H	14	0.55
(1,6205)	1:329:A:ILE:HD11	1:333:A:LEU:HD21	19	0.55
(1,6172)	1:409:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:HA	18	0.55
(1,6161)	1:274:A:LEU:HD21	1:212:A:VAL:HG22	33	0.55
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:263:A:VAL:HG21	12	0.55
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:263:A:VAL:HG22	30	0.55
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD12	1:322:A:ILE:HG22	5	0.55
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD12	1:410:A:ASN:HA	24	0.55
(1,6064)	1:300:A:VAL:HG13	1:363:A:HIS:HB3	10	0.55
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD13	1:267:A:LEU:HD22	5	0.55
(1,6020)	1:317:A:LEU:HD11	1:278:A:LEU:HD22	3	0.55
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD23	13	0.55
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD23	18	0.55
(1,5964)	1:289:A:GLU:HB3	1:306:A:LEU:HD23	22	0.55
(1,5951)	1:274:A:LEU:HD11	1:192:A:ILE:H	1	0.55
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD22	1:402:A:ILE:H	12	0.55
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD12	1:407:A:PHE:H	28	0.55
(1,5885)	1:300:A:VAL:HG13	1:296:A:GLU:HB2	34	0.55
(1,5873)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HG3	32	0.55
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	15	0.55
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HG22	26	0.55
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD23	1:395:A:GLN:HA	35	0.55
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HD13	7	0.55
(1,5701)	1:302:A:GLU:HG2	1:286:A:ARG:HD3	9	0.55
(1,5604)	1:412:A:LEU:HD22	1:409:A:LEU:H	28	0.55
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	21	0.55
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	30	0.55
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG22	10	0.55
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:244:A:LYS:HD2	3	0.55
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:209:A:LEU:HD11	1	0.55
(1,5328)	1:185:A:ASN:HD21	1:187:A:LYS:HB2	35	0.55
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	8	0.55
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	11	0.55
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:263:A:VAL:HG12	3	0.55
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	31	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:396:A:ALA:H	24	0.55
(1,5165)	1:280:A:THR:H	1:276:A:GLU:HB3	15	0.55
(1,5060)	1:225:A:MET:H	1:225:A:MET:HG2	9	0.55
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	8	0.55
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	4	0.55
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	10	0.55
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	11	0.55
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:395:A:GLN:HG2	12	0.55
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	11	0.55
(1,4929)	1:317:A:LEU:H	1:315:A:TYR:HD2	32	0.55
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:219:A:TYR:HE1	21	0.55
(1,4911)	1:269:A:GLN:HE21	1:268:A:LYS:HG3	5	0.55
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG23	3	0.55
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:426:A:GLU:HG2	2	0.55
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	26	0.55
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD21	9	0.55
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	21	0.55
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	6	0.55
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	23	0.55
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	12	0.55
(1,4167)	1:239:A:LYS:HD3	1:239:A:LYS:HA	16	0.55
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	28	0.55
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	28	0.55
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	28	0.55
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	28	0.55
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	28	0.55
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	28	0.55
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	28	0.55
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	28	0.55
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	28	0.55
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD21	1:318:A:ILE:H	21	0.55
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:H	21	0.55
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:H	21	0.55
(1,3145)	1:377:A:MET:HB3	1:204:A:TYR:HD1	16	0.55
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	24	0.55
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD11	11	0.55
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	11	0.55
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	11	0.55
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	11	0.55
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	11	0.55
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	11	0.55
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	11	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	11	0.55
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	11	0.55
(1,2681)	1:308:A:LYS:HB3	1:308:A:LYS:HE3	10	0.55
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HB2	32	0.55
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HB2	32	0.55
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HB2	32	0.55
(1,2284)	1:223:A:TYR:HE1	1:256:A:GLU:HG3	23	0.55
(1,2284)	1:223:A:TYR:HE2	1:256:A:GLU:HG3	23	0.55
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG11	34	0.55
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG12	34	0.55
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG13	34	0.55
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE3	10	0.55
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE3	22	0.55
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG2	16	0.55
(1,1386)	1:312:A:GLU:H	1:313:A:CYS:HB3	12	0.55
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	16	0.55
(1,868)	1:394:A:THR:H	1:442:A:LYS:HE3	12	0.55
(1,805)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HB3	2	0.55
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	16	0.55
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	35	0.55
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	3	0.55
(1,60)	1:375:A:GLN:HE22	1:378:A:LYS:HB2	8	0.55
(2,4)	1:378:A:LYS:H	1:376:A:VAL:HG21	1	0.54
(2,4)	1:378:A:LYS:H	1:376:A:VAL:HG22	1	0.54
(2,4)	1:378:A:LYS:H	1:376:A:VAL:HG23	1	0.54
(1,6867)	1:312:A:GLU:HG3	1:208:A:ARG:HG2	35	0.54
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG21	1:416:A:LEU:H	16	0.54
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE2	2	0.54
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE3	18	0.54
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD11	1:408:A:LEU:H	12	0.54
(1,6703)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:H	13	0.54
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG21	1:360:A:PHE:HB3	26	0.54
(1,6677)	1:412:A:LEU:HD11	1:415:A:ASP:HB2	28	0.54
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD13	1:227:A:CYS:HA	1	0.54
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HA	9	0.54
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:416:A:LEU:HD21	23	0.54
(1,6603)	1:430:A:TRP:HZ2	1:423:A:LEU:HB3	13	0.54
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	27	0.54
(1,6560)	1:278:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HE1	17	0.54
(1,6560)	1:278:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HE2	20	0.54
(1,6556)	1:263:A:VAL:HG11	1:255:A:LEU:HB3	2	0.54
(1,6549)	1:337:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG22	2	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6549)	1:337:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG21	34	0.54
(1,6502)	1:440:A:LYS:HB3	1:443:A:LEU:HD12	35	0.54
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:255:A:LEU:HD12	22	0.54
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD12	1:274:A:LEU:HB3	12	0.54
(1,6386)	1:398:A:ILE:HD11	1:392:A:PRO:HD2	30	0.54
(1,6376)	1:377:A:MET:HE1	1:439:A:LEU:HD23	15	0.54
(1,6376)	1:377:A:MET:HE2	1:436:A:LEU:HD22	22	0.54
(1,6330)	1:228:A:GLU:HB2	1:227:A:CYS:HB3	6	0.54
(1,6317)	1:225:A:MET:HE2	1:325:A:MET:H	17	0.54
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD22	1:194:A:LEU:HD13	3	0.54
(1,6296)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HE3	22	0.54
(1,6257)	1:337:A:MET:HE2	1:328:A:VAL:HB	14	0.54
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG22	1:264:A:ALA:H	25	0.54
(1,6155)	1:300:A:VAL:HG23	1:363:A:HIS:HB3	16	0.54
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD13	1:410:A:ASN:HA	3	0.54
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD11	1:410:A:ASN:HA	22	0.54
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD11	1:192:A:ILE:HG13	24	0.54
(1,6027)	1:416:A:LEU:HD11	1:422:A:ASP:H	12	0.54
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD23	1:255:A:LEU:HD23	10	0.54
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD11	1:198:A:VAL:HA	7	0.54
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD13	1:371:A:VAL:HB	17	0.54
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD12	1:371:A:VAL:HB	29	0.54
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	11	0.54
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD22	33	0.54
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HG	28	0.54
(1,5909)	1:443:A:LEU:HD12	1:444:A:ARG:H	15	0.54
(1,5885)	1:300:A:VAL:HG11	1:296:A:GLU:HB2	28	0.54
(1,5881)	1:202:A:MET:HE3	1:208:A:ARG:HD3	25	0.54
(1,5837)	1:225:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HG13	35	0.54
(1,5815)	1:207:A:ILE:HD13	1:374:A:LYS:HE3	33	0.54
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	14	0.54
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD2	1:306:A:LEU:H	23	0.54
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG22	1:316:A:LEU:HD23	9	0.54
(1,5729)	1:300:A:VAL:HG13	1:296:A:GLU:HG2	13	0.54
(1,5729)	1:300:A:VAL:HG12	1:296:A:GLU:HG2	15	0.54
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD12	1:193:A:PRO:HA	8	0.54
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG11	1:342:A:ILE:HD13	5	0.54
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HD13	30	0.54
(1,5673)	1:319:A:SER:HA	1:323:A:VAL:HG11	27	0.54
(1,5647)	1:202:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:H	6	0.54
(1,5647)	1:202:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:H	16	0.54
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD23	1:407:A:PHE:H	19	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB3	1:189:A:ILE:HD13	29	0.54
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD21	18	0.54
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG22	6	0.54
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG23	14	0.54
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG22	16	0.54
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:294:A:THR:HG23	29	0.54
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:266:A:LEU:HD11	11	0.54
(1,5338)	1:310:A:LEU:H	1:318:A:ILE:HG21	2	0.54
(1,5328)	1:185:A:ASN:HD21	1:189:A:ILE:HG12	4	0.54
(1,5328)	1:185:A:ASN:HD21	1:189:A:ILE:HG12	20	0.54
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	21	0.54
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	25	0.54
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:263:A:VAL:HG11	30	0.54
(1,5231)	1:330:A:ALA:H	1:329:A:ILE:HG21	3	0.54
(1,5211)	1:428:A:ARG:H	1:425:A:LYS:HD3	16	0.54
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:253:A:THR:HG21	15	0.54
(1,5165)	1:280:A:THR:H	1:278:A:LEU:HG	5	0.54
(1,5165)	1:280:A:THR:H	1:278:A:LEU:HG	21	0.54
(1,5165)	1:280:A:THR:H	1:278:A:LEU:HG	25	0.54
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HD22	1	0.54
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:189:A:ILE:HD12	29	0.54
(1,5031)	1:277:A:ASN:HD21	1:352:A:ILE:HD11	5	0.54
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	4	0.54
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	20	0.54
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	30	0.54
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:279:A:LEU:HD22	29	0.54
(1,4929)	1:317:A:LEU:H	1:315:A:TYR:HD2	1	0.54
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:416:A:LEU:HD22	34	0.54
(1,4898)	1:229:A:GLY:H	1:232:A:ARG:HB2	26	0.54
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:278:A:LEU:HD11	8	0.54
(1,4860)	1:261:A:ASN:HD21	1:233:A:VAL:HA	7	0.54
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:352:A:ILE:HG12	32	0.54
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG21	12	0.54
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	26	0.54
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	10	0.54
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD11	27	0.54
(1,3836)	1:187:A:LYS:HD2	1:188:A:PRO:HD2	12	0.54
(1,3836)	1:187:A:LYS:HD2	1:188:A:PRO:HD3	22	0.54
(1,3823)	1:377:A:MET:HG2	1:204:A:TYR:HD2	5	0.54
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:H	25	0.54
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:H	25	0.54
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:H	25	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HB3	7	0.54
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HB3	7	0.54
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HB3	7	0.54
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HB3	11	0.54
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HB3	11	0.54
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HB3	11	0.54
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG3	29	0.54
(1,3529)	1:393:A:GLU:HG3	1:442:A:LYS:HE2	28	0.54
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD21	1:217:A:ILE:HD11	2	0.54
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD21	1:217:A:ILE:HD12	2	0.54
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD21	1:217:A:ILE:HD13	2	0.54
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD22	1:217:A:ILE:HD11	2	0.54
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD22	1:217:A:ILE:HD12	2	0.54
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD22	1:217:A:ILE:HD13	2	0.54
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD23	1:217:A:ILE:HD11	2	0.54
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD23	1:217:A:ILE:HD12	2	0.54
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD23	1:217:A:ILE:HD13	2	0.54
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD11	1:316:A:LEU:HA	23	0.54
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD12	1:316:A:LEU:HA	23	0.54
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD13	1:316:A:LEU:HA	23	0.54
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD2	14	0.54
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD2	14	0.54
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD11	30	0.54
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	30	0.54
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	30	0.54
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	30	0.54
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	30	0.54
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	30	0.54
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	30	0.54
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	30	0.54
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	30	0.54
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD11	35	0.54
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	35	0.54
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	35	0.54
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	35	0.54
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	35	0.54
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	35	0.54
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	35	0.54
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	35	0.54
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	35	0.54
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	5	0.54
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	17	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD21	1:361:A:PHE:HZ	6	0.54
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD22	1:361:A:PHE:HZ	6	0.54
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD23	1:361:A:PHE:HZ	6	0.54
(1,2128)	1:278:A:LEU:HD21	1:278:A:LEU:HA	10	0.54
(1,2128)	1:278:A:LEU:HD22	1:278:A:LEU:HA	10	0.54
(1,2128)	1:278:A:LEU:HD23	1:278:A:LEU:HA	10	0.54
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD21	5	0.54
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD22	5	0.54
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD23	5	0.54
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD21	33	0.54
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD22	33	0.54
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD23	33	0.54
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG11	8	0.54
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG12	8	0.54
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG13	8	0.54
(1,1680)	1:332:A:GLU:H	1:332:A:GLU:HB2	8	0.54
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE2	30	0.54
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG2	1	0.54
(1,1216)	1:236:A:ILE:H	1:239:A:LYS:HG2	15	0.54
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	14	0.54
(1,924)	1:351:A:GLN:HE22	1:272:A:ARG:HD2	19	0.54
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	1	0.54
(1,397)	1:286:A:ARG:H	1:283:A:LEU:HD11	11	0.54
(1,397)	1:286:A:ARG:H	1:283:A:LEU:HD12	11	0.54
(1,397)	1:286:A:ARG:H	1:283:A:LEU:HD13	11	0.54
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG11	2	0.54
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG12	2	0.54
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG13	2	0.54
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG11	32	0.54
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG12	32	0.54
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG13	32	0.54
(1,260)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HG2	11	0.54
(1,260)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HG2	15	0.54
(1,260)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HG2	35	0.54
(1,6875)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HD2	25	0.53
(1,6853)	1:239:A:LYS:HD3	1:262:A:THR:HG22	11	0.53
(1,6853)	1:239:A:LYS:HD3	1:262:A:THR:HG23	35	0.53
(1,6851)	1:371:A:VAL:HG13	1:323:A:VAL:HG11	6	0.53
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD21	1:282:A:GLU:HG3	21	0.53
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:H	14	0.53
(1,6766)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HA	6	0.53
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD12	1:230:A:ILE:HG22	13	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6703)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:H	8	0.53
(1,6703)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:H	31	0.53
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG23	1:307:A:LEU:HD11	23	0.53
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HB3	34	0.53
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE1	1:310:A:LEU:HD11	21	0.53
(1,6639)	1:194:A:LEU:HD22	1:198:A:VAL:HB	6	0.53
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:420:A:ILE:HG22	24	0.53
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD12	1:325:A:MET:H	1	0.53
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	8	0.53
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG2	23	0.53
(1,6549)	1:337:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG21	7	0.53
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG22	1:358:A:TYR:HE2	4	0.53
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:280:A:THR:HG21	2	0.53
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD22	1:409:A:LEU:H	28	0.53
(1,6283)	1:323:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HG21	19	0.53
(1,6253)	1:423:A:LEU:HD23	1:430:A:TRP:HZ2	2	0.53
(1,6238)	1:364:A:VAL:HG22	1:324:A:HIS:H	5	0.53
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD21	1:364:A:VAL:H	34	0.53
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD13	1:322:A:ILE:HG22	3	0.53
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD13	1:322:A:ILE:HG21	20	0.53
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD11	1:322:A:ILE:HG21	26	0.53
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD11	1:322:A:ILE:HG22	27	0.53
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG22	1:367:A:LEU:HD23	32	0.53
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD12	1:192:A:ILE:HG13	16	0.53
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD12	1:267:A:LEU:HD21	8	0.53
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG2	1:282:A:GLU:HG2	6	0.53
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD12	1:364:A:VAL:HB	16	0.53
(1,5885)	1:300:A:VAL:HG13	1:296:A:GLU:HB2	29	0.53
(1,5844)	1:346:A:LEU:HD23	1:361:A:PHE:HE1	33	0.53
(1,5844)	1:346:A:LEU:HD23	1:349:A:THR:H	35	0.53
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG21	1:341:A:ASN:HB3	26	0.53
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HG21	23	0.53
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG11	1:342:A:ILE:HD11	7	0.53
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG13	1:342:A:ILE:HD11	22	0.53
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG21	1:325:A:MET:H	5	0.53
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG22	1:325:A:MET:H	23	0.53
(1,5615)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HB3	28	0.53
(1,5591)	1:272:A:ARG:HD2	1:349:A:THR:HB	12	0.53
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD23	1:407:A:PHE:H	2	0.53
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD22	1:407:A:PHE:H	21	0.53
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	35	0.53
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD22	6	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:220:A:VAL:HB	28	0.53
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:244:A:LYS:HD2	24	0.53
(1,5341)	1:289:A:GLU:H	1:303:A:PHE:HE1	12	0.53
(1,5341)	1:302:A:GLU:H	1:303:A:PHE:HE1	33	0.53
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:209:A:LEU:HD12	26	0.53
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	15	0.53
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG21	35	0.53
(1,5311)	1:331:A:LYS:H	1:335:A:THR:HG23	18	0.53
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	23	0.53
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	34	0.53
(1,5215)	1:364:A:VAL:H	1:367:A:LEU:HD21	34	0.53
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	15	0.53
(1,5091)	1:187:A:LYS:H	1:185:A:ASN:HB2	3	0.53
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:189:A:ILE:HD11	28	0.53
(1,5060)	1:225:A:MET:H	1:225:A:MET:HG2	32	0.53
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD12	6	0.53
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	29	0.53
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	27	0.53
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:279:A:LEU:HD23	27	0.53
(1,4934)	1:316:A:LEU:H	1:209:A:LEU:HD11	27	0.53
(1,4871)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HD13	14	0.53
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	7	0.53
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG21	5	0.53
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD21	26	0.53
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD21	32	0.53
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	13	0.53
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	1	0.53
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	32	0.53
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG21	15	0.53
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG22	15	0.53
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG23	15	0.53
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG21	15	0.53
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG22	15	0.53
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG23	15	0.53
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG21	15	0.53
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG22	15	0.53
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG23	15	0.53
(1,4322)	1:183:A:MET:HB3	1:184:A:PRO:HD2	10	0.53
(1,4056)	1:227:A:CYS:HB3	1:230:A:ILE:HB	12	0.53
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	12	0.53
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	12	0.53
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	12	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	12	0.53
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	12	0.53
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	12	0.53
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	12	0.53
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	12	0.53
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	12	0.53
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	30	0.53
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	30	0.53
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	30	0.53
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	30	0.53
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	30	0.53
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	30	0.53
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	30	0.53
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	30	0.53
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	30	0.53
(1,3921)	1:385:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HH2	10	0.53
(1,3882)	1:409:A:LEU:HD23	1:433:A:GLN:HB3	8	0.53
(1,3881)	1:377:A:MET:HG2	1:408:A:LEU:HD21	34	0.53
(1,3881)	1:377:A:MET:HG2	1:408:A:LEU:HD22	34	0.53
(1,3881)	1:377:A:MET:HG2	1:408:A:LEU:HD23	34	0.53
(1,3836)	1:187:A:LYS:HD2	1:188:A:PRO:HD3	2	0.53
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HB3	28	0.53
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HB3	28	0.53
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HB3	28	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD11	29	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD12	29	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD13	29	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD11	29	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD12	29	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD13	29	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD11	29	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD12	29	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD13	29	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD21	35	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD22	35	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD23	35	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD21	35	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD22	35	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD23	35	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD21	35	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD22	35	0.53
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD23	35	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD11	1:316:A:LEU:HA	1	0.53
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD12	1:316:A:LEU:HA	1	0.53
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD13	1:316:A:LEU:HA	1	0.53
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD11	1:316:A:LEU:HA	27	0.53
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD12	1:316:A:LEU:HA	27	0.53
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD13	1:316:A:LEU:HA	27	0.53
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD11	2	0.53
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	2	0.53
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	2	0.53
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	2	0.53
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	2	0.53
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	2	0.53
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	2	0.53
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	2	0.53
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	2	0.53
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD11	13	0.53
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	13	0.53
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	13	0.53
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	13	0.53
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	13	0.53
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	13	0.53
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	13	0.53
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	13	0.53
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	13	0.53
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE1	1:340:A:GLN:HG3	3	0.53
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE2	1:340:A:GLN:HG3	3	0.53
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	20	0.53
(1,2630)	1:252:A:SER:HB3	1:253:A:THR:HA	24	0.53
(1,2415)	1:336:A:LYS:HE2	1:337:A:MET:H	6	0.53
(1,2415)	1:336:A:LYS:HE2	1:337:A:MET:H	11	0.53
(1,2284)	1:223:A:TYR:HE1	1:256:A:GLU:HG3	16	0.53
(1,2284)	1:223:A:TYR:HE2	1:256:A:GLU:HG3	16	0.53
(1,2106)	1:377:A:MET:HB2	1:204:A:TYR:HE2	5	0.53
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD11	35	0.53
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD12	35	0.53
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD13	35	0.53
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE3	29	0.53
(1,1386)	1:312:A:GLU:H	1:313:A:CYS:HB3	8	0.53
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	17	0.53
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG21	10	0.53
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG22	10	0.53
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG23	10	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	28	0.53
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	34	0.53
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG22	1:416:A:LEU:H	25	0.52
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE1	6	0.52
(1,6842)	1:212:A:VAL:HA	1:255:A:LEU:HD22	14	0.52
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD12	1:408:A:LEU:H	19	0.52
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD12	1:403:A:ARG:HA	28	0.52
(1,6751)	1:209:A:LEU:HD21	1:217:A:ILE:HG12	23	0.52
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG21	1:307:A:LEU:HD12	21	0.52
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG21	1:307:A:LEU:HD12	27	0.52
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HB3	17	0.52
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HB3	14	0.52
(1,6634)	1:253:A:THR:HG23	1:244:A:LYS:HA	23	0.52
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD12	1:324:A:HIS:H	33	0.52
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	25	0.52
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG12	1:274:A:LEU:HD22	13	0.52
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD23	1:432:A:VAL:HG12	32	0.52
(1,6556)	1:263:A:VAL:HG13	1:255:A:LEU:HB3	9	0.52
(1,6546)	1:367:A:LEU:HD21	1:363:A:HIS:HB3	12	0.52
(1,6537)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HA	34	0.52
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG22	1:358:A:TYR:HE1	35	0.52
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG22	1:401:A:GLU:HG2	4	0.52
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HB3	25	0.52
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:280:A:THR:HG21	34	0.52
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD12	1:413:A:HIS:HE1	26	0.52
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG21	1:240:A:VAL:HB	16	0.52
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG23	1:284:A:MET:HG3	32	0.52
(1,6284)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HB3	21	0.52
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG21	1:407:A:PHE:H	23	0.52
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG21	1:244:A:LYS:H	20	0.52
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG2	1:270:A:TYR:H	5	0.52
(1,6194)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:H	6	0.52
(1,6194)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:H	28	0.52
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG22	1:358:A:TYR:HD1	17	0.52
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:HD12	23	0.52
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:376:A:VAL:HG22	33	0.52
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD13	1:410:A:ASN:HA	33	0.52
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG23	1:367:A:LEU:HD21	8	0.52
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD11	1:192:A:ILE:HG13	1	0.52
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD12	1:192:A:ILE:HG13	19	0.52
(1,6026)	1:342:A:ILE:HD12	1:337:A:MET:HB3	16	0.52
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD22	1:255:A:LEU:HD22	8	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6009)	1:246:A:ALA:HA	1:251:A:GLU:HG2	16	0.52
(1,5930)	1:363:A:HIS:HD2	1:300:A:VAL:HG23	35	0.52
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:194:A:LEU:HD12	27	0.52
(1,5893)	1:310:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:HG23	11	0.52
(1,5848)	1:377:A:MET:HG3	1:376:A:VAL:HA	2	0.52
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	35	0.52
(1,5710)	1:243:A:LEU:HD11	1:266:A:LEU:HB2	2	0.52
(1,5686)	1:345:A:VAL:HG12	1:232:A:ARG:HG2	15	0.52
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB2	1:266:A:LEU:HD23	19	0.52
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB1	1:266:A:LEU:HD21	34	0.52
(1,5591)	1:272:A:ARG:HD2	1:349:A:THR:HB	8	0.52
(1,5580)	1:207:A:ILE:HD12	1:214:A:ARG:HB3	33	0.52
(1,5569)	1:284:A:MET:HE2	1:352:A:ILE:HG21	16	0.52
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD22	23	0.52
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG22	35	0.52
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	22	0.52
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:266:A:LEU:HD12	31	0.52
(1,5343)	1:332:A:GLU:H	1:331:A:LYS:HE2	9	0.52
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	10	0.52
(1,5328)	1:185:A:ASN:HD21	1:200:A:ARG:HG2	16	0.52
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	7	0.52
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	20	0.52
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	32	0.52
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	6	0.52
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	12	0.52
(1,5203)	1:290:A:ALA:H	1:293:A:ARG:HA	14	0.52
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB3	3	0.52
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB2	9	0.52
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	11	0.52
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG22	15	0.52
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG23	22	0.52
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	7	0.52
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	32	0.52
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG3	4	0.52
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:322:A:ILE:HD12	33	0.52
(1,5068)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HB3	4	0.52
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	6	0.52
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	4	0.52
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	22	0.52
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE2	5	0.52
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	17	0.52
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	14	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:279:A:LEU:HD21	13	0.52
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG12	28	0.52
(1,4867)	1:235:A:GLY:H	1:262:A:THR:HG23	25	0.52
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:278:A:LEU:HD11	28	0.52
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:263:A:VAL:HG22	17	0.52
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	15	0.52
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG21	35	0.52
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	16	0.52
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	19	0.52
(1,4383)	1:345:A:VAL:HG11	1:232:A:ARG:HA	14	0.52
(1,4383)	1:345:A:VAL:HG12	1:232:A:ARG:HA	14	0.52
(1,4383)	1:345:A:VAL:HG13	1:232:A:ARG:HA	14	0.52
(1,4056)	1:227:A:CYS:HB3	1:230:A:ILE:HB	24	0.52
(1,4042)	1:239:A:LYS:HD3	1:242:A:GLU:HB3	31	0.52
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	27	0.52
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	27	0.52
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	27	0.52
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	27	0.52
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	27	0.52
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	27	0.52
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	27	0.52
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	27	0.52
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	27	0.52
(1,3896)	1:274:A:LEU:HD21	1:191:A:GLY:HA3	28	0.52
(1,3896)	1:274:A:LEU:HD22	1:191:A:GLY:HA3	28	0.52
(1,3896)	1:274:A:LEU:HD23	1:191:A:GLY:HA3	28	0.52
(1,3860)	1:308:A:LYS:HD3	1:304:A:GLN:HB2	1	0.52
(1,3836)	1:187:A:LYS:HD2	1:188:A:PRO:HD2	16	0.52
(1,3836)	1:187:A:LYS:HD2	1:188:A:PRO:HD3	24	0.52
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:H	18	0.52
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:H	18	0.52
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:H	18	0.52
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD21	1:217:A:ILE:HD11	22	0.52
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD21	1:217:A:ILE:HD12	22	0.52
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD21	1:217:A:ILE:HD13	22	0.52
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD22	1:217:A:ILE:HD11	22	0.52
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD22	1:217:A:ILE:HD12	22	0.52
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD22	1:217:A:ILE:HD13	22	0.52
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD23	1:217:A:ILE:HD11	22	0.52
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD23	1:217:A:ILE:HD12	22	0.52
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD23	1:217:A:ILE:HD13	22	0.52
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD11	1:316:A:LEU:HA	2	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD12	1:316:A:LEU:HA	2	0.52
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD13	1:316:A:LEU:HA	2	0.52
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD11	1:316:A:LEU:HA	3	0.52
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD12	1:316:A:LEU:HA	3	0.52
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD13	1:316:A:LEU:HA	3	0.52
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD11	1:316:A:LEU:HA	21	0.52
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD12	1:316:A:LEU:HA	21	0.52
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD13	1:316:A:LEU:HA	21	0.52
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD11	1:316:A:LEU:HA	29	0.52
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD12	1:316:A:LEU:HA	29	0.52
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD13	1:316:A:LEU:HA	29	0.52
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD11	1:316:A:LEU:HA	32	0.52
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD12	1:316:A:LEU:HA	32	0.52
(1,3257)	1:316:A:LEU:HD13	1:316:A:LEU:HA	32	0.52
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD2	28	0.52
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD2	28	0.52
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	15	0.52
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	15	0.52
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	15	0.52
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	21	0.52
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	21	0.52
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	21	0.52
(1,3045)	1:244:A:LYS:HE2	1:244:A:LYS:H	6	0.52
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	6	0.52
(1,2927)	1:391:A:LEU:HD21	1:442:A:LYS:HE2	11	0.52
(1,2927)	1:391:A:LEU:HD22	1:442:A:LYS:HE2	11	0.52
(1,2927)	1:391:A:LEU:HD23	1:442:A:LYS:HE2	11	0.52
(1,2926)	1:305:A:ARG:HB2	1:306:A:LEU:H	31	0.52
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD11	7	0.52
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	7	0.52
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	7	0.52
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	7	0.52
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	7	0.52
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	7	0.52
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	7	0.52
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	7	0.52
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	7	0.52
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD11	29	0.52
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	29	0.52
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	29	0.52
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	29	0.52
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	29	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	29	0.52
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	29	0.52
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	29	0.52
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	29	0.52
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	4	0.52
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	4	0.52
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	4	0.52
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	4	0.52
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD21	1:443:A:LEU:HA	26	0.52
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD22	1:443:A:LEU:HA	26	0.52
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD23	1:443:A:LEU:HA	26	0.52
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG11	33	0.52
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG12	33	0.52
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG13	33	0.52
(1,1635)	1:246:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	23	0.52
(1,1386)	1:312:A:GLU:H	1:313:A:CYS:HB3	4	0.52
(1,1386)	1:312:A:GLU:H	1:313:A:CYS:HB3	5	0.52
(1,1348)	1:249:A:ARG:H	1:251:A:GLU:HG2	27	0.52
(1,1216)	1:236:A:ILE:H	1:239:A:LYS:HG2	4	0.52
(1,1079)	1:301:A:GLN:H	1:300:A:VAL:HG21	21	0.52
(1,1079)	1:301:A:GLN:H	1:300:A:VAL:HG22	21	0.52
(1,1079)	1:301:A:GLN:H	1:300:A:VAL:HG23	21	0.52
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	33	0.52
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	33	0.52
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	8	0.52
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG11	29	0.52
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG12	29	0.52
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG13	29	0.52
(2,74)	1:253:A:THR:HG21	1:212:A:VAL:HG21	29	0.51
(2,74)	1:253:A:THR:HG21	1:212:A:VAL:HG22	29	0.51
(2,74)	1:253:A:THR:HG21	1:212:A:VAL:HG23	29	0.51
(2,74)	1:253:A:THR:HG22	1:212:A:VAL:HG21	29	0.51
(2,74)	1:253:A:THR:HG22	1:212:A:VAL:HG22	29	0.51
(2,74)	1:253:A:THR:HG22	1:212:A:VAL:HG23	29	0.51
(2,74)	1:253:A:THR:HG23	1:212:A:VAL:HG21	29	0.51
(2,74)	1:253:A:THR:HG23	1:212:A:VAL:HG22	29	0.51
(2,74)	1:253:A:THR:HG23	1:212:A:VAL:HG23	29	0.51
(1,6853)	1:239:A:LYS:HD3	1:262:A:THR:HG21	1	0.51
(1,6851)	1:371:A:VAL:HG13	1:323:A:VAL:HG13	14	0.51
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:446:A:ALA:HB1	34	0.51
(1,6731)	1:239:A:LYS:HD3	1:243:A:LEU:HD11	34	0.51
(1,6703)	1:329:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:H	14	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6677)	1:412:A:LEU:HD11	1:415:A:ASP:HB2	34	0.51
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD13	1:227:A:CYS:HA	11	0.51
(1,6669)	1:279:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:H	21	0.51
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:420:A:ILE:HG23	5	0.51
(1,6564)	1:203:A:MET:HE1	1:210:A:PRO:HB2	1	0.51
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG11	2	0.51
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG11	33	0.51
(1,6540)	1:337:A:MET:HE1	1:232:A:ARG:HD3	9	0.51
(1,6537)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HA	22	0.51
(1,6532)	1:228:A:GLU:HG3	1:227:A:CYS:HB3	29	0.51
(1,6525)	1:203:A:MET:HE3	1:207:A:ILE:HG12	10	0.51
(1,6525)	1:203:A:MET:HE1	1:207:A:ILE:HG12	19	0.51
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG12	1:231:A:TYR:HD2	1	0.51
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD11	1:444:A:ARG:H	17	0.51
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HB3	30	0.51
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HG23	15	0.51
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HG21	32	0.51
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD23	1:426:A:GLU:HG2	19	0.51
(1,6360)	1:278:A:LEU:HD23	1:279:A:LEU:HD22	3	0.51
(1,6332)	1:267:A:LEU:HD22	1:213:A:PHE:HZ	7	0.51
(1,6317)	1:225:A:MET:HE3	1:325:A:MET:H	12	0.51
(1,6257)	1:337:A:MET:HE1	1:328:A:VAL:HB	8	0.51
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD21	1:256:A:GLU:HG3	8	0.51
(1,6228)	1:430:A:TRP:HD1	1:433:A:GLN:HB2	6	0.51
(1,6190)	1:266:A:LEU:HD22	1:190:A:PHE:HD1	32	0.51
(1,6163)	1:284:A:MET:HE1	1:350:A:VAL:HG21	10	0.51
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD11	1:322:A:ILE:HG23	28	0.51
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD13	1:253:A:THR:HG22	15	0.51
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD12	1:192:A:ILE:HG13	14	0.51
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD11	1:192:A:ILE:HG13	23	0.51
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD11	1:267:A:LEU:HD21	11	0.51
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD13	1:267:A:LEU:HD21	30	0.51
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD11	1:198:A:VAL:HA	23	0.51
(1,6000)	1:225:A:MET:HE2	1:326:A:ASP:H	11	0.51
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD13	1:371:A:VAL:HB	34	0.51
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HG	34	0.51
(1,5964)	1:289:A:GLU:HB3	1:306:A:LEU:HD21	30	0.51
(1,5951)	1:274:A:LEU:HD11	1:192:A:ILE:H	9	0.51
(1,5951)	1:274:A:LEU:HD12	1:192:A:ILE:H	35	0.51
(1,5948)	1:189:A:ILE:HD13	1:196:A:ASP:HB3	1	0.51
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD12	1:325:A:MET:HE1	6	0.51
(1,5908)	1:380:A:LEU:HD12	1:382:A:TRP:HB2	8	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5908)	1:380:A:LEU:HD12	1:382:A:TRP:HB2	14	0.51
(1,5903)	1:337:A:MET:HE1	1:343:A:SER:H	14	0.51
(1,5885)	1:300:A:VAL:HG11	1:296:A:GLU:HB2	23	0.51
(1,5844)	1:346:A:LEU:HD23	1:349:A:THR:H	18	0.51
(1,5789)	1:429:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:HG3	11	0.51
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	4	0.51
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	25	0.51
(1,5729)	1:300:A:VAL:HG11	1:296:A:GLU:HG2	25	0.51
(1,5686)	1:345:A:VAL:HG12	1:232:A:ARG:HB2	20	0.51
(1,5645)	1:373:A:LEU:HD22	1:371:A:VAL:HB	7	0.51
(1,5642)	1:225:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG23	14	0.51
(1,5642)	1:225:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG22	30	0.51
(1,5605)	1:337:A:MET:HE3	1:342:A:ILE:HA	15	0.51
(1,5605)	1:337:A:MET:HE3	1:342:A:ILE:HA	32	0.51
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD22	1:407:A:PHE:H	15	0.51
(1,5569)	1:284:A:MET:HE3	1:352:A:ILE:HG21	5	0.51
(1,5569)	1:284:A:MET:HE2	1:352:A:ILE:HG21	35	0.51
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	12	0.51
(1,5386)	1:269:A:GLN:HE21	1:244:A:LYS:HD2	29	0.51
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD2	7	0.51
(1,5231)	1:255:A:LEU:H	1:255:A:LEU:HD22	30	0.51
(1,5148)	1:219:A:TYR:H	1:220:A:VAL:HB	28	0.51
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	5	0.51
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	31	0.51
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG3	21	0.51
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG3	27	0.51
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	1	0.51
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	14	0.51
(1,4987)	1:341:A:ASN:HD22	1:344:A:ILE:HD13	31	0.51
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	3	0.51
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:279:A:LEU:HD23	25	0.51
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:219:A:TYR:HE1	28	0.51
(1,4859)	1:299:A:LYS:H	1:293:A:ARG:HG2	28	0.51
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	1	0.51
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	3	0.51
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:209:A:LEU:HG	15	0.51
(1,4735)	1:219:A:TYR:H	1:223:A:TYR:HD2	28	0.51
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	1	0.51
(1,4697)	1:247:A:TYR:H	1:266:A:LEU:HD22	30	0.51
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	12	0.51
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	16	0.51
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	13	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	17	0.51
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	20	0.51
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	25	0.51
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	33	0.51
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD11	1:402:A:ILE:HA	31	0.51
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD12	1:402:A:ILE:HA	31	0.51
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD13	1:402:A:ILE:HA	31	0.51
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HE1	1	0.51
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HE2	1	0.51
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HE1	1	0.51
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HE2	1	0.51
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HE1	1	0.51
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HE2	1	0.51
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD11	1:430:A:TRP:HZ2	15	0.51
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HZ2	15	0.51
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD13	1:430:A:TRP:HZ2	15	0.51
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD11	1:200:A:ARG:HD2	11	0.51
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD12	1:200:A:ARG:HD2	11	0.51
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD13	1:200:A:ARG:HD2	11	0.51
(1,4152)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:HG2	29	0.51
(1,3860)	1:308:A:LYS:HD3	1:304:A:GLN:HB2	23	0.51
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:H	19	0.51
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:H	19	0.51
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:H	19	0.51
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD21	1:334:A:GLU:HG2	34	0.51
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD22	1:334:A:GLU:HG2	34	0.51
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD23	1:334:A:GLU:HG2	34	0.51
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HB3	33	0.51
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HB3	33	0.51
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HB3	33	0.51
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG2	2	0.51
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG2	6	0.51
(1,3529)	1:393:A:GLU:HG3	1:442:A:LYS:HE2	11	0.51
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD11	9	0.51
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	9	0.51
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	9	0.51
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	9	0.51
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	9	0.51
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	9	0.51
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	9	0.51
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	9	0.51
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	9	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2762)	1:323:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD11	7	0.51
(1,2762)	1:323:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD12	7	0.51
(1,2762)	1:323:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD13	7	0.51
(1,2762)	1:323:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD11	7	0.51
(1,2762)	1:323:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD12	7	0.51
(1,2762)	1:323:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD13	7	0.51
(1,2762)	1:323:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD11	7	0.51
(1,2762)	1:323:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD12	7	0.51
(1,2762)	1:323:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD13	7	0.51
(1,2729)	1:284:A:MET:HE3	1:279:A:LEU:HG	18	0.51
(1,2499)	1:183:A:MET:HG3	1:183:A:MET:HB2	3	0.51
(1,2499)	1:183:A:MET:HG3	1:183:A:MET:HB2	4	0.51
(1,2499)	1:183:A:MET:HG3	1:183:A:MET:HB2	10	0.51
(1,2499)	1:183:A:MET:HG3	1:183:A:MET:HB2	17	0.51
(1,2499)	1:183:A:MET:HG3	1:183:A:MET:HB2	19	0.51
(1,2499)	1:183:A:MET:HG3	1:183:A:MET:HB2	29	0.51
(1,2499)	1:183:A:MET:HG3	1:183:A:MET:HB2	30	0.51
(1,2499)	1:183:A:MET:HG3	1:183:A:MET:HB2	33	0.51
(1,2499)	1:183:A:MET:HG3	1:183:A:MET:HB2	34	0.51
(1,2499)	1:183:A:MET:HG3	1:183:A:MET:HB2	35	0.51
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	9	0.51
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD11	1:212:A:VAL:HG11	33	0.51
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD11	1:212:A:VAL:HG12	33	0.51
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD11	1:212:A:VAL:HG13	33	0.51
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD12	1:212:A:VAL:HG11	33	0.51
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD12	1:212:A:VAL:HG12	33	0.51
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD12	1:212:A:VAL:HG13	33	0.51
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD13	1:212:A:VAL:HG11	33	0.51
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD13	1:212:A:VAL:HG12	33	0.51
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD13	1:212:A:VAL:HG13	33	0.51
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD21	1:443:A:LEU:HA	24	0.51
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD22	1:443:A:LEU:HA	24	0.51
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD23	1:443:A:LEU:HA	24	0.51
(1,2128)	1:278:A:LEU:HD21	1:278:A:LEU:HA	12	0.51
(1,2128)	1:278:A:LEU:HD22	1:278:A:LEU:HA	12	0.51
(1,2128)	1:278:A:LEU:HD23	1:278:A:LEU:HA	12	0.51
(1,1680)	1:332:A:GLU:H	1:332:A:GLU:HB2	22	0.51
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE2	25	0.51
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE2	26	0.51
(1,1386)	1:312:A:GLU:H	1:313:A:CYS:HB3	6	0.51
(1,804)	1:224:A:GLY:H	1:225:A:MET:HG3	9	0.51
(1,70)	1:297:A:THR:H	1:296:A:GLU:HB3	15	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG21	1:416:A:LEU:H	22	0.5
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG21	1:416:A:LEU:H	31	0.5
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD22	1:309:A:GLU:HG3	26	0.5
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD13	1:405:A:GLN:HA	11	0.5
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:446:A:ALA:HB3	2	0.5
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:394:A:THR:HG21	7	0.5
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HA	18	0.5
(1,6633)	1:432:A:VAL:HG12	1:408:A:LEU:HD23	8	0.5
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD21	1:363:A:HIS:H	32	0.5
(1,6610)	1:403:A:ARG:HD2	1:400:A:GLU:HA	33	0.5
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	25	0.5
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG3	24	0.5
(1,6549)	1:337:A:MET:HE2	1:230:A:ILE:HG21	23	0.5
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD22	1:413:A:HIS:H	26	0.5
(1,6487)	1:225:A:MET:HE1	1:225:A:MET:H	27	0.5
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG23	1:401:A:GLU:HG2	2	0.5
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG11	1:231:A:TYR:HD2	28	0.5
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD13	1:444:A:ARG:H	16	0.5
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HB3	28	0.5
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:280:A:THR:HG21	35	0.5
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG23	1:271:A:LEU:HG	24	0.5
(1,6348)	1:409:A:LEU:HD12	1:413:A:HIS:HD2	31	0.5
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG22	1:407:A:PHE:H	33	0.5
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG23	1:264:A:ALA:H	11	0.5
(1,6194)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:H	32	0.5
(1,6155)	1:300:A:VAL:HG22	1:363:A:HIS:HB3	32	0.5
(1,6142)	1:367:A:LEU:HD21	1:366:A:GLU:H	12	0.5
(1,6102)	1:283:A:LEU:HD21	1:310:A:LEU:HA	11	0.5
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD12	1:322:A:ILE:HG22	14	0.5
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD13	1:410:A:ASN:HA	10	0.5
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HD22	2	0.5
(1,6054)	1:283:A:LEU:HD23	1:280:A:THR:HG22	17	0.5
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	4	0.5
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD13	1:267:A:LEU:HD21	13	0.5
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD21	3	0.5
(1,5968)	1:315:A:TYR:HE2	1:316:A:LEU:H	1	0.5
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HG	15	0.5
(1,5964)	1:289:A:GLU:HB3	1:306:A:LEU:HD22	20	0.5
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD12	1:325:A:MET:HE1	2	0.5
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HA	33	0.5
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG23	1:323:A:VAL:HG11	24	0.5
(1,5729)	1:300:A:VAL:HG13	1:296:A:GLU:HG2	11	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5729)	1:300:A:VAL:HG12	1:296:A:GLU:HG3	27	0.5
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HG22	17	0.5
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD11	1:357:A:LEU:HD11	26	0.5
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG12	1:342:A:ILE:HD12	3	0.5
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG23	1:325:A:MET:H	28	0.5
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB2	1:255:A:LEU:HD21	17	0.5
(1,5642)	1:225:A:MET:HE2	1:230:A:ILE:HG21	24	0.5
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	33	0.5
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD22	22	0.5
(1,5466)	1:340:A:GLN:HE21	1:344:A:ILE:HA	35	0.5
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:295:A:THR:HG23	20	0.5
(1,5328)	1:185:A:ASN:HD21	1:187:A:LYS:HB2	33	0.5
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	26	0.5
(1,5263)	1:419:A:GLY:H	1:416:A:LEU:HB3	3	0.5
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	8	0.5
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:396:A:ALA:H	10	0.5
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:255:A:LEU:HD13	29	0.5
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD21	32	0.5
(1,5163)	1:327:A:HIS:H	1:364:A:VAL:HG11	25	0.5
(1,5163)	1:327:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HG	33	0.5
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	26	0.5
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HD23	16	0.5
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	2	0.5
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	11	0.5
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	24	0.5
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	34	0.5
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:395:A:GLN:HG2	30	0.5
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	31	0.5
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG13	10	0.5
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:219:A:TYR:HE1	31	0.5
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:352:A:ILE:HG12	7	0.5
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	8	0.5
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	22	0.5
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	26	0.5
(1,4688)	1:318:A:ILE:H	1:278:A:LEU:HD23	26	0.5
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	22	0.5
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD11	1:402:A:ILE:HA	1	0.5
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD12	1:402:A:ILE:HA	1	0.5
(1,4509)	1:436:A:LEU:HD13	1:402:A:ILE:HA	1	0.5
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HE1	23	0.5
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HE2	23	0.5
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HE1	23	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HE2	23	0.5
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HE1	23	0.5
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HE2	23	0.5
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	12	0.5
(1,4329)	1:377:A:MET:HG3	1:204:A:TYR:HD1	11	0.5
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD1	14	0.5
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD2	14	0.5
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD1	14	0.5
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD2	14	0.5
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD1	14	0.5
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD2	14	0.5
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD1	30	0.5
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD2	30	0.5
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD1	30	0.5
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD2	30	0.5
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD1	30	0.5
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD2	30	0.5
(1,3882)	1:409:A:LEU:HD21	1:433:A:GLN:HB3	5	0.5
(1,3836)	1:187:A:LYS:HD2	1:188:A:PRO:HD2	20	0.5
(1,3650)	1:409:A:LEU:HD11	1:433:A:GLN:HE21	31	0.5
(1,3650)	1:409:A:LEU:HD12	1:433:A:GLN:HE21	31	0.5
(1,3650)	1:409:A:LEU:HD13	1:433:A:GLN:HE21	31	0.5
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG2	14	0.5
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HB3	5	0.5
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HB3	5	0.5
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HB3	5	0.5
(1,3198)	1:351:A:GLN:HG3	1:351:A:GLN:HA	23	0.5
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	2	0.5
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	2	0.5
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	2	0.5
(1,2926)	1:305:A:ARG:HB2	1:306:A:LEU:H	1	0.5
(1,2926)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:H	34	0.5
(1,2907)	1:331:A:LYS:HE3	1:334:A:GLU:H	13	0.5
(1,2499)	1:183:A:MET:HG3	1:183:A:MET:HB2	7	0.5
(1,2499)	1:183:A:MET:HG3	1:183:A:MET:HB2	15	0.5
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD21	1:443:A:LEU:HA	22	0.5
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD22	1:443:A:LEU:HA	22	0.5
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD23	1:443:A:LEU:HA	22	0.5
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HB3	14	0.5
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD12	1:227:A:CYS:HB3	14	0.5
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD13	1:227:A:CYS:HB3	14	0.5
(1,1661)	1:372:A:VAL:H	1:373:A:LEU:HD11	25	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1661)	1:372:A:VAL:H	1:373:A:LEU:HD12	25	0.5
(1,1661)	1:372:A:VAL:H	1:373:A:LEU:HD13	25	0.5
(1,1658)	1:375:A:GLN:HE21	1:378:A:LYS:HB3	35	0.5
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE3	14	0.5
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE2	33	0.5
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG3	17	0.5
(1,1386)	1:312:A:GLU:H	1:313:A:CYS:HB3	11	0.5
(1,1386)	1:312:A:GLU:H	1:313:A:CYS:HB3	23	0.5
(1,242)	1:438:A:ALA:H	1:441:A:ARG:HD3	12	0.5
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG11	9	0.5
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG12	9	0.5
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG13	9	0.5
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD13	1:405:A:GLN:HA	34	0.49
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:394:A:THR:HG22	26	0.49
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD12	1:351:A:GLN:HE22	28	0.49
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	30	0.49
(1,6742)	1:364:A:VAL:HG13	1:363:A:HIS:HB3	22	0.49
(1,6702)	1:342:A:ILE:HG21	1:332:A:GLU:HG3	3	0.49
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG21	1:307:A:LEU:HD12	34	0.49
(1,6674)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HA	25	0.49
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HB3	11	0.49
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG2	2	0.49
(1,6571)	1:212:A:VAL:HG12	1:271:A:LEU:HD23	24	0.49
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD21	1:432:A:VAL:HG22	30	0.49
(1,6540)	1:337:A:MET:HE2	1:232:A:ARG:HD3	7	0.49
(1,6537)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HA	19	0.49
(1,6487)	1:225:A:MET:HE3	1:225:A:MET:H	4	0.49
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG12	1:231:A:TYR:HD1	26	0.49
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:280:A:THR:HG23	6	0.49
(1,6434)	1:311:A:PRO:HA	1:280:A:THR:HG21	15	0.49
(1,6317)	1:225:A:MET:HE3	1:325:A:MET:H	28	0.49
(1,6316)	1:425:A:LYS:HE2	1:426:A:GLU:H	24	0.49
(1,6257)	1:337:A:MET:HE2	1:328:A:VAL:HB	19	0.49
(1,6241)	1:217:A:ILE:HG22	1:324:A:HIS:H	17	0.49
(1,6241)	1:217:A:ILE:HG21	1:375:A:GLN:H	28	0.49
(1,6228)	1:430:A:TRP:HD1	1:433:A:GLN:HB2	25	0.49
(1,6221)	1:225:A:MET:HE1	1:331:A:LYS:HG2	7	0.49
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG3	1:272:A:ARG:H	32	0.49
(1,6191)	1:279:A:LEU:HD11	1:278:A:LEU:HA	20	0.49
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG21	1:358:A:TYR:HD1	32	0.49
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD11	1:322:A:ILE:HG22	24	0.49
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:HD11	15	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD12	1:192:A:ILE:HG13	17	0.49
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD12	1:192:A:ILE:HG13	27	0.49
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD11	1:192:A:ILE:HG13	30	0.49
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD13	1:192:A:ILE:HG13	34	0.49
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG2	1:282:A:GLU:HG2	17	0.49
(1,5989)	1:212:A:VAL:HG22	1:253:A:THR:HG23	14	0.49
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HG	1	0.49
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HG	3	0.49
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HG	31	0.49
(1,5930)	1:363:A:HIS:HD2	1:300:A:VAL:HG21	12	0.49
(1,5848)	1:377:A:MET:HG3	1:405:A:GLN:HA	22	0.49
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG23	1:341:A:ASN:HB3	27	0.49
(1,5741)	1:351:A:GLN:HG3	1:272:A:ARG:HG2	6	0.49
(1,5729)	1:300:A:VAL:HG11	1:296:A:GLU:HG3	16	0.49
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD11	1:193:A:PRO:HA	14	0.49
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD13	1:193:A:PRO:HA	24	0.49
(1,5647)	1:202:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:H	29	0.49
(1,5615)	1:222:A:LYS:HE2	1:222:A:LYS:HB3	29	0.49
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD23	1:407:A:PHE:H	13	0.49
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	15	0.49
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD21	14	0.49
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD21	21	0.49
(1,5408)	1:265:A:SER:H	1:261:A:ASN:HB3	22	0.49
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	14	0.49
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:244:A:LYS:HD2	8	0.49
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD11	11	0.49
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	30	0.49
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	11	0.49
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	29	0.49
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:255:A:LEU:HD13	9	0.49
(1,5165)	1:280:A:THR:H	1:278:A:LEU:HG	8	0.49
(1,5146)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HG23	18	0.49
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	6	0.49
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	22	0.49
(1,5060)	1:225:A:MET:H	1:225:A:MET:HG2	30	0.49
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	5	0.49
(1,4979)	1:307:A:LEU:H	1:315:A:TYR:HE2	6	0.49
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	17	0.49
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	23	0.49
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	8	0.49
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:219:A:TYR:HE1	2	0.49
(1,4876)	1:327:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HD23	4	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4860)	1:261:A:ASN:HD21	1:233:A:VAL:HA	28	0.49
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	10	0.49
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG22	17	0.49
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG22	25	0.49
(1,4736)	1:351:A:GLN:HE21	1:272:A:ARG:HB2	12	0.49
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	9	0.49
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD23	12	0.49
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	19	0.49
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB1	1:331:A:LYS:HE3	31	0.49
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB2	1:331:A:LYS:HE3	31	0.49
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB3	1:331:A:LYS:HE3	31	0.49
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	6	0.49
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD12	8	0.49
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD13	10	0.49
(1,3979)	1:236:A:ILE:HD11	1:239:A:LYS:HE3	23	0.49
(1,3979)	1:236:A:ILE:HD12	1:239:A:LYS:HE3	23	0.49
(1,3979)	1:236:A:ILE:HD13	1:239:A:LYS:HE3	23	0.49
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HB3	13	0.49
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HB3	13	0.49
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HB3	13	0.49
(1,3224)	1:327:A:HIS:HD2	1:373:A:LEU:HD21	19	0.49
(1,3198)	1:351:A:GLN:HG3	1:351:A:GLN:HA	32	0.49
(1,2926)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:H	19	0.49
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD11	34	0.49
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	34	0.49
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	34	0.49
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	34	0.49
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	34	0.49
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	34	0.49
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	34	0.49
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	34	0.49
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	34	0.49
(1,2554)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG2	23	0.49
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD21	1:361:A:PHE:HZ	9	0.49
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD22	1:361:A:PHE:HZ	9	0.49
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD23	1:361:A:PHE:HZ	9	0.49
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD21	1:361:A:PHE:HZ	12	0.49
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD22	1:361:A:PHE:HZ	12	0.49
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD23	1:361:A:PHE:HZ	12	0.49
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD21	1:361:A:PHE:HZ	33	0.49
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD22	1:361:A:PHE:HZ	33	0.49
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD23	1:361:A:PHE:HZ	33	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD21	27	0.49
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD22	27	0.49
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD23	27	0.49
(1,2379)	1:413:A:HIS:HB3	1:409:A:LEU:HD21	8	0.49
(1,2379)	1:413:A:HIS:HB3	1:409:A:LEU:HD22	8	0.49
(1,2379)	1:413:A:HIS:HB3	1:409:A:LEU:HD23	8	0.49
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD21	1:443:A:LEU:HA	10	0.49
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD22	1:443:A:LEU:HA	10	0.49
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD23	1:443:A:LEU:HA	10	0.49
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD21	1:443:A:LEU:HA	12	0.49
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD22	1:443:A:LEU:HA	12	0.49
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD23	1:443:A:LEU:HA	12	0.49
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD21	1:443:A:LEU:HA	29	0.49
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD22	1:443:A:LEU:HA	29	0.49
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD23	1:443:A:LEU:HA	29	0.49
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE2	7	0.49
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE2	7	0.49
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE2	7	0.49
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG11	15	0.49
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG12	15	0.49
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG13	15	0.49
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG2	7	0.49
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG11	14	0.49
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG12	14	0.49
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG13	14	0.49
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD11	21	0.49
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD12	21	0.49
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD13	21	0.49
(1,357)	1:396:A:ALA:H	1:398:A:ILE:HD13	9	0.49
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG11	16	0.49
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG12	16	0.49
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG13	16	0.49
(1,60)	1:375:A:GLN:HE22	1:378:A:LYS:HB2	12	0.49
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	22	0.48
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG23	1:416:A:LEU:H	6	0.48
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG23	1:416:A:LEU:H	30	0.48
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG23	1:344:A:ILE:H	1	0.48
(1,6804)	1:267:A:LEU:HD21	1:212:A:VAL:HG12	15	0.48
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:446:A:ALA:HB1	33	0.48
(1,6732)	1:293:A:ARG:HD2	1:295:A:THR:H	27	0.48
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HB3	15	0.48
(1,6677)	1:412:A:LEU:HD13	1:415:A:ASP:HB2	5	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG13	1:374:A:LYS:HG3	25	0.48
(1,6660)	1:210:A:PRO:HB3	1:274:A:LEU:HD23	31	0.48
(1,6639)	1:194:A:LEU:HD22	1:198:A:VAL:HB	33	0.48
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD13	1:230:A:ILE:H	7	0.48
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:416:A:LEU:HD11	15	0.48
(1,6610)	1:200:A:ARG:HD3	1:197:A:ALA:HA	32	0.48
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD13	1:324:A:HIS:H	10	0.48
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	17	0.48
(1,6564)	1:203:A:MET:HE3	1:210:A:PRO:HB2	20	0.48
(1,6549)	1:337:A:MET:HE2	1:230:A:ILE:HG22	4	0.48
(1,6540)	1:337:A:MET:HE3	1:232:A:ARG:HD3	23	0.48
(1,6536)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HB3	7	0.48
(1,6532)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HE2	19	0.48
(1,6468)	1:283:A:LEU:HD22	1:305:A:ARG:HD3	4	0.48
(1,6365)	1:359:A:VAL:HG11	1:360:A:PHE:HB3	3	0.48
(1,6351)	1:236:A:ILE:HG22	1:240:A:VAL:HB	27	0.48
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG22	1:284:A:MET:HG3	2	0.48
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD21	1:194:A:LEU:HD13	26	0.48
(1,6296)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HE2	1	0.48
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG21	1:407:A:PHE:H	28	0.48
(1,6239)	1:355:A:ARG:HG3	1:291:A:CYS:HB2	2	0.48
(1,6221)	1:225:A:MET:HE2	1:331:A:LYS:HG2	6	0.48
(1,6221)	1:225:A:MET:HE1	1:331:A:LYS:HG2	12	0.48
(1,6208)	1:189:A:ILE:HG23	1:201:A:THR:HG22	15	0.48
(1,6194)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:H	19	0.48
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG22	1:358:A:TYR:HD1	18	0.48
(1,6105)	1:337:A:MET:HE3	1:341:A:ASN:HB3	27	0.48
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD12	1:322:A:ILE:HG22	31	0.48
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HE2	34	0.48
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD13	1:410:A:ASN:HA	4	0.48
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD12	1:410:A:ASN:HA	16	0.48
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HD22	10	0.48
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	22	0.48
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	25	0.48
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG2	1:282:A:GLU:HG2	28	0.48
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD13	1:198:A:VAL:HA	3	0.48
(1,6006)	1:307:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HD1	21	0.48
(1,6000)	1:225:A:MET:HE3	1:326:A:ASP:H	28	0.48
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HG	19	0.48
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HG	33	0.48
(1,5964)	1:289:A:GLU:HB3	1:306:A:LEU:HD22	21	0.48
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD11	1:321:A:LEU:HD12	8	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HA	3	0.48
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD12	1:373:A:LEU:HA	23	0.48
(1,5877)	1:318:A:ILE:HD13	1:322:A:ILE:HG13	19	0.48
(1,5848)	1:183:A:MET:HG3	1:182:A:HIS:HA	33	0.48
(1,5847)	1:320:A:TRP:HE3	1:209:A:LEU:HG	33	0.48
(1,5844)	1:346:A:LEU:HD21	1:349:A:THR:H	6	0.48
(1,5819)	1:284:A:MET:HE3	1:351:A:GLN:HA	29	0.48
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD11	1:271:A:LEU:HB3	8	0.48
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD13	1:271:A:LEU:HB3	13	0.48
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG22	1:316:A:LEU:HD23	12	0.48
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	6	0.48
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	33	0.48
(1,5709)	1:212:A:VAL:HG23	1:216:A:CYS:HG	15	0.48
(1,5655)	1:346:A:LEU:HD22	1:343:A:SER:HA	5	0.48
(1,5605)	1:337:A:MET:HE1	1:342:A:ILE:HA	6	0.48
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD22	1:407:A:PHE:H	34	0.48
(1,5580)	1:207:A:ILE:HD13	1:214:A:ARG:HB3	26	0.48
(1,5567)	1:329:A:ILE:HD12	1:339:A:ILE:HB	32	0.48
(1,5482)	1:398:A:ILE:H	1:395:A:GLN:HG2	35	0.48
(1,5466)	1:340:A:GLN:HE21	1:344:A:ILE:HA	22	0.48
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:244:A:LYS:HD2	4	0.48
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:350:A:VAL:HG12	12	0.48
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD13	34	0.48
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD2	18	0.48
(1,5314)	1:254:A:ASN:HD21	1:256:A:GLU:HA	18	0.48
(1,5311)	1:331:A:LYS:H	1:335:A:THR:HG22	31	0.48
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	13	0.48
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	10	0.48
(1,5200)	1:269:A:GLN:HE22	1:244:A:LYS:HD2	26	0.48
(1,5200)	1:269:A:GLN:HE22	1:244:A:LYS:HD2	30	0.48
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG22	10	0.48
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	9	0.48
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	24	0.48
(1,5121)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HD12	26	0.48
(1,5119)	1:442:A:LYS:H	1:441:A:ARG:HD3	35	0.48
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HD22	10	0.48
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	35	0.48
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	28	0.48
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	29	0.48
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	33	0.48
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	35	0.48
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	12	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	20	0.48
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:219:A:TYR:HE1	8	0.48
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:219:A:TYR:HE1	10	0.48
(1,4911)	1:269:A:GLN:HE21	1:268:A:LYS:HG3	12	0.48
(1,4867)	1:235:A:GLY:H	1:262:A:THR:HG21	5	0.48
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	4	0.48
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:352:A:ILE:HG12	30	0.48
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:352:A:ILE:HG12	35	0.48
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG22	6	0.48
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HG	31	0.48
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:242:A:GLU:HA	22	0.48
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD21	30	0.48
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD22	30	0.48
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD23	30	0.48
(1,4476)	1:442:A:LYS:HE3	1:398:A:ILE:HD13	14	0.48
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG21	28	0.48
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG22	28	0.48
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG23	28	0.48
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG21	28	0.48
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG22	28	0.48
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG23	28	0.48
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG21	28	0.48
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG22	28	0.48
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG23	28	0.48
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HE1	14	0.48
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HE2	14	0.48
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HE1	14	0.48
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HE2	14	0.48
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HE1	14	0.48
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HE2	14	0.48
(1,4270)	1:336:A:LYS:HD2	1:336:A:LYS:HA	2	0.48
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD13	26	0.48
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD22	23	0.48
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD22	23	0.48
(1,4086)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD22	23	0.48
(1,4035)	1:348:A:PRO:HD3	1:346:A:LEU:HB3	29	0.48
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	31	0.48
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	31	0.48
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	31	0.48
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	31	0.48
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	31	0.48
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	31	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	31	0.48
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	31	0.48
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	31	0.48
(1,3882)	1:409:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:HB3	6	0.48
(1,3881)	1:377:A:MET:HG2	1:408:A:LEU:HD21	25	0.48
(1,3881)	1:377:A:MET:HG2	1:408:A:LEU:HD22	25	0.48
(1,3881)	1:377:A:MET:HG2	1:408:A:LEU:HD23	25	0.48
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:H	27	0.48
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:H	27	0.48
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:H	27	0.48
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG21	33	0.48
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG22	33	0.48
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG23	33	0.48
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD21	1:334:A:GLU:HG2	3	0.48
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD22	1:334:A:GLU:HG2	3	0.48
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD23	1:334:A:GLU:HG2	3	0.48
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HB3	34	0.48
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HB3	34	0.48
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HB3	34	0.48
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD11	33	0.48
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD12	33	0.48
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD13	33	0.48
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD11	33	0.48
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD12	33	0.48
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD13	33	0.48
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD11	33	0.48
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD12	33	0.48
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD13	33	0.48
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD2	2	0.48
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD2	2	0.48
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD3	35	0.48
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD3	35	0.48
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	19	0.48
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	19	0.48
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	19	0.48
(1,2926)	1:305:A:ARG:HB2	1:306:A:LEU:H	2	0.48
(1,2785)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HG2	26	0.48
(1,2729)	1:284:A:MET:HE3	1:279:A:LEU:HG	11	0.48
(1,2729)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HG	34	0.48
(1,2527)	1:377:A:MET:HG2	1:377:A:MET:H	21	0.48
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	15	0.48
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	15	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	15	0.48
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD21	1:443:A:LEU:HA	16	0.48
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD22	1:443:A:LEU:HA	16	0.48
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD23	1:443:A:LEU:HA	16	0.48
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD21	1:443:A:LEU:HA	25	0.48
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD22	1:443:A:LEU:HA	25	0.48
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD23	1:443:A:LEU:HA	25	0.48
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD21	1:443:A:LEU:HA	34	0.48
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD22	1:443:A:LEU:HA	34	0.48
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD23	1:443:A:LEU:HA	34	0.48
(1,2284)	1:223:A:TYR:HE1	1:256:A:GLU:HG3	30	0.48
(1,2284)	1:223:A:TYR:HE2	1:256:A:GLU:HG3	30	0.48
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG11	11	0.48
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG12	11	0.48
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG13	11	0.48
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	27	0.48
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE3	8	0.48
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE2	16	0.48
(1,1397)	1:375:A:GLN:HE22	1:222:A:LYS:HD2	28	0.48
(1,1386)	1:312:A:GLU:H	1:313:A:CYS:HB3	27	0.48
(1,1348)	1:249:A:ARG:H	1:251:A:GLU:HG2	5	0.48
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG11	13	0.48
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG12	13	0.48
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG13	13	0.48
(1,6818)	1:359:A:VAL:HG21	1:366:A:GLU:HB2	23	0.47
(1,6732)	1:293:A:ARG:HD2	1:295:A:THR:H	28	0.47
(1,6731)	1:239:A:LYS:HD3	1:243:A:LEU:HD12	1	0.47
(1,6731)	1:239:A:LYS:HD3	1:243:A:LEU:HD12	27	0.47
(1,6702)	1:342:A:ILE:HG21	1:332:A:GLU:HG3	15	0.47
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG23	1:307:A:LEU:HD11	29	0.47
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG23	1:307:A:LEU:HD12	33	0.47
(1,6650)	1:240:A:VAL:HG22	1:237:A:LYS:HG3	10	0.47
(1,6610)	1:272:A:ARG:HD2	1:349:A:THR:HA	14	0.47
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	29	0.47
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	13	0.47
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG2	21	0.47
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG21	1:210:A:PRO:HB3	10	0.47
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD23	1:413:A:HIS:H	21	0.47
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:255:A:LEU:HD11	19	0.47
(1,6402)	1:377:A:MET:HE2	1:378:A:LYS:HA	20	0.47
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG21	1:393:A:GLU:HA	24	0.47
(1,6348)	1:409:A:LEU:HD12	1:413:A:HIS:HD2	9	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6306)	1:253:A:THR:HG21	1:251:A:GLU:HB2	11	0.47
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG23	1:407:A:PHE:H	3	0.47
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD23	1:257:A:ASP:HB3	14	0.47
(1,6236)	1:198:A:VAL:HG12	1:195:A:ALA:HA	4	0.47
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG22	1:244:A:LYS:H	24	0.47
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG3	1:270:A:TYR:H	23	0.47
(1,6194)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:H	33	0.47
(1,6191)	1:279:A:LEU:HD12	1:278:A:LEU:HA	19	0.47
(1,6160)	1:303:A:PHE:HE1	1:359:A:VAL:HG13	29	0.47
(1,6155)	1:300:A:VAL:HG23	1:363:A:HIS:HB3	17	0.47
(1,6104)	1:220:A:VAL:HB	1:217:A:ILE:HG13	10	0.47
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE1	27	0.47
(1,6085)	1:374:A:LYS:HE3	1:207:A:ILE:HD11	14	0.47
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD11	1:192:A:ILE:HG13	2	0.47
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD13	1:192:A:ILE:HG13	12	0.47
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD13	1:192:A:ILE:HG13	29	0.47
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD13	1:192:A:ILE:HG13	31	0.47
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD22	2	0.47
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD22	35	0.47
(1,5964)	1:289:A:GLU:HB3	1:306:A:LEU:HD22	6	0.47
(1,5943)	1:278:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HD12	23	0.47
(1,5844)	1:346:A:LEU:HD22	1:349:A:THR:H	7	0.47
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD12	1:395:A:GLN:HG2	28	0.47
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	22	0.47
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD21	1:440:A:LYS:HA	19	0.47
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD11	1:193:A:PRO:HA	20	0.47
(1,5657)	1:300:A:VAL:HG22	1:303:A:PHE:H	10	0.47
(1,5655)	1:346:A:LEU:HD23	1:343:A:SER:HA	8	0.47
(1,5647)	1:202:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:H	1	0.47
(1,5645)	1:373:A:LEU:HD21	1:371:A:VAL:HB	25	0.47
(1,5605)	1:337:A:MET:HE3	1:342:A:ILE:HA	4	0.47
(1,5466)	1:340:A:GLN:HE21	1:342:A:ILE:HA	31	0.47
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	35	0.47
(1,5215)	1:364:A:VAL:H	1:367:A:LEU:HD21	21	0.47
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	1	0.47
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	16	0.47
(1,5165)	1:280:A:THR:H	1:276:A:GLU:HB3	3	0.47
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB1	5	0.47
(1,5148)	1:219:A:TYR:H	1:220:A:VAL:HB	3	0.47
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG23	14	0.47
(1,4972)	1:397:A:GLY:H	1:443:A:LEU:HD12	9	0.47
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	1	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	20	0.47
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	21	0.47
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	22	0.47
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	23	0.47
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:219:A:TYR:HE1	15	0.47
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:247:A:TYR:HE1	24	0.47
(1,4867)	1:235:A:GLY:H	1:262:A:THR:HG23	34	0.47
(1,4860)	1:261:A:ASN:HD21	1:233:A:VAL:HA	30	0.47
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	28	0.47
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG23	8	0.47
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG23	14	0.47
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	1	0.47
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	9	0.47
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	15	0.47
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	18	0.47
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:194:A:LEU:HA	21	0.47
(1,4682)	1:328:A:VAL:H	1:231:A:TYR:HE2	18	0.47
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB1	1:331:A:LYS:HE2	18	0.47
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB2	1:331:A:LYS:HE2	18	0.47
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB3	1:331:A:LYS:HE2	18	0.47
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD11	1:361:A:PHE:HB3	9	0.47
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD12	1:361:A:PHE:HB3	9	0.47
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD13	1:361:A:PHE:HB3	9	0.47
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG11	21	0.47
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG12	21	0.47
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG13	21	0.47
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD1	13	0.47
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD2	13	0.47
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD1	13	0.47
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD2	13	0.47
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD1	13	0.47
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD2	13	0.47
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD1	32	0.47
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HD2	32	0.47
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD1	32	0.47
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HD2	32	0.47
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD1	32	0.47
(1,4328)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HD2	32	0.47
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG11	1:231:A:TYR:HB3	27	0.47
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG12	1:231:A:TYR:HB3	27	0.47
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG13	1:231:A:TYR:HB3	27	0.47
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD12	9	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD11	21	0.47
(1,4035)	1:348:A:PRO:HD3	1:346:A:LEU:HB3	6	0.47
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG2	4	0.47
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	26	0.47
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	26	0.47
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	26	0.47
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	26	0.47
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	26	0.47
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	26	0.47
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD11	1:304:A:GLN:HG3	22	0.47
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD12	1:304:A:GLN:HG3	22	0.47
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD13	1:304:A:GLN:HG3	22	0.47
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD3	29	0.47
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD3	29	0.47
(1,2982)	1:225:A:MET:HE1	1:327:A:HIS:HB2	5	0.47
(1,2982)	1:225:A:MET:HE2	1:327:A:HIS:HB2	5	0.47
(1,2982)	1:225:A:MET:HE3	1:327:A:HIS:HB2	5	0.47
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	4	0.47
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	31	0.47
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD11	6	0.47
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	6	0.47
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	6	0.47
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	6	0.47
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	6	0.47
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	6	0.47
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	6	0.47
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	6	0.47
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	6	0.47
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD11	10	0.47
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	10	0.47
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	10	0.47
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	10	0.47
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	10	0.47
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	10	0.47
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	10	0.47
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	10	0.47
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	10	0.47
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE1	1:340:A:GLN:HG3	17	0.47
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE2	1:340:A:GLN:HG3	17	0.47
(1,2729)	1:284:A:MET:HE3	1:279:A:LEU:HG	5	0.47
(1,2729)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HG	12	0.47
(1,2729)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HG	14	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2729)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HB3	31	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD21	1:443:A:LEU:HA	1	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD22	1:443:A:LEU:HA	1	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD23	1:443:A:LEU:HA	1	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD21	1:443:A:LEU:HA	2	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD22	1:443:A:LEU:HA	2	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD23	1:443:A:LEU:HA	2	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD21	1:443:A:LEU:HA	6	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD22	1:443:A:LEU:HA	6	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD23	1:443:A:LEU:HA	6	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD21	1:443:A:LEU:HA	7	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD22	1:443:A:LEU:HA	7	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD23	1:443:A:LEU:HA	7	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD21	1:443:A:LEU:HA	14	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD22	1:443:A:LEU:HA	14	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD23	1:443:A:LEU:HA	14	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD21	1:443:A:LEU:HA	17	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD22	1:443:A:LEU:HA	17	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD23	1:443:A:LEU:HA	17	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD21	1:443:A:LEU:HA	21	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD22	1:443:A:LEU:HA	21	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD23	1:443:A:LEU:HA	21	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD21	1:443:A:LEU:HA	28	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD22	1:443:A:LEU:HA	28	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD23	1:443:A:LEU:HA	28	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD21	1:443:A:LEU:HA	32	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD22	1:443:A:LEU:HA	32	0.47
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD23	1:443:A:LEU:HA	32	0.47
(1,2106)	1:377:A:MET:HB2	1:204:A:TYR:HD1	15	0.47
(1,2106)	1:377:A:MET:HB2	1:204:A:TYR:HD1	28	0.47
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD21	32	0.47
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD22	32	0.47
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD23	32	0.47
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD21	22	0.47
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD22	22	0.47
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD23	22	0.47
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG11	11	0.47
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG12	11	0.47
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG13	11	0.47
(1,1658)	1:375:A:GLN:HE21	1:378:A:LYS:HD3	12	0.47
(1,1635)	1:246:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	22	0.47
(1,1618)	1:357:A:LEU:H	1:346:A:LEU:HB3	24	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	6	0.47
(1,1566)	1:323:A:VAL:H	1:323:A:VAL:HB	7	0.47
(1,1397)	1:375:A:GLN:HE22	1:222:A:LYS:HD2	6	0.47
(1,1397)	1:375:A:GLN:HE22	1:222:A:LYS:HD2	19	0.47
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	19	0.47
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD21	29	0.47
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD22	29	0.47
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD23	29	0.47
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD21	32	0.47
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD22	32	0.47
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD23	32	0.47
(1,804)	1:224:A:GLY:H	1:225:A:MET:HG3	27	0.47
(1,60)	1:375:A:GLN:HE22	1:378:A:LYS:HB2	15	0.47
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG11	6	0.47
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG12	6	0.47
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG13	6	0.47
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG11	20	0.47
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG12	20	0.47
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG13	20	0.47
(2,63)	1:255:A:LEU:HD21	1:215:A:GLU:H	30	0.46
(2,63)	1:255:A:LEU:HD22	1:215:A:GLU:H	30	0.46
(2,63)	1:255:A:LEU:HD23	1:215:A:GLU:H	30	0.46
(2,53)	1:267:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:H	17	0.46
(2,53)	1:267:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:H	17	0.46
(2,53)	1:267:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:H	17	0.46
(1,6875)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HD2	35	0.46
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG23	1:344:A:ILE:H	2	0.46
(1,6853)	1:239:A:LYS:HD3	1:262:A:THR:HG23	20	0.46
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD23	1:209:A:LEU:HD12	5	0.46
(1,6777)	1:402:A:ILE:HD13	1:403:A:ARG:HA	19	0.46
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	5	0.46
(1,6766)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HA	21	0.46
(1,6731)	1:239:A:LYS:HD3	1:243:A:LEU:HD11	6	0.46
(1,6731)	1:239:A:LYS:HD3	1:243:A:LEU:HD11	32	0.46
(1,6731)	1:239:A:LYS:HD3	1:243:A:LEU:HD11	35	0.46
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG21	1:307:A:LEU:HD11	8	0.46
(1,6639)	1:194:A:LEU:HD21	1:198:A:VAL:HB	31	0.46
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	7	0.46
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:310:A:LEU:HB2	11	0.46
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG2	20	0.46
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG22	1:210:A:PRO:HB3	12	0.46
(1,6549)	1:337:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG22	24	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6537)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HA	6	0.46
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG23	1:358:A:TYR:HE1	28	0.46
(1,6525)	1:203:A:MET:HE2	1:207:A:ILE:HG12	2	0.46
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HG23	18	0.46
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	32	0.46
(1,6402)	1:377:A:MET:HE3	1:378:A:LYS:HA	3	0.46
(1,6402)	1:377:A:MET:HE3	1:378:A:LYS:HA	16	0.46
(1,6402)	1:377:A:MET:HE3	1:378:A:LYS:HA	18	0.46
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD12	1:374:A:LYS:HA	33	0.46
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG22	1:284:A:MET:HG3	15	0.46
(1,6317)	1:225:A:MET:HE1	1:325:A:MET:H	25	0.46
(1,6316)	1:425:A:LYS:HE3	1:416:A:LEU:H	32	0.46
(1,6283)	1:323:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HG21	5	0.46
(1,6252)	1:335:A:THR:HB	1:328:A:VAL:HG12	5	0.46
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD23	1:256:A:GLU:HG3	34	0.46
(1,6221)	1:225:A:MET:HE3	1:331:A:LYS:HG2	10	0.46
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG2	1:270:A:TYR:H	26	0.46
(1,6164)	1:303:A:PHE:HE2	1:367:A:LEU:HD12	3	0.46
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:263:A:VAL:HG22	31	0.46
(1,6104)	1:220:A:VAL:HB	1:217:A:ILE:HG13	31	0.46
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD12	1:322:A:ILE:HG21	6	0.46
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD12	1:322:A:ILE:HG21	21	0.46
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD13	1:322:A:ILE:HG23	32	0.46
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD11	1:192:A:ILE:HG13	15	0.46
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD11	1:192:A:ILE:HG13	25	0.46
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG2	1:282:A:GLU:HG2	10	0.46
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG2	1:282:A:GLU:HG2	34	0.46
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG2	1:282:A:GLU:HG2	35	0.46
(1,6000)	1:225:A:MET:HE3	1:326:A:ASP:H	12	0.46
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD11	1:371:A:VAL:HB	5	0.46
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD12	1:371:A:VAL:HB	8	0.46
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HG	23	0.46
(1,5951)	1:274:A:LEU:HD11	1:192:A:ILE:H	6	0.46
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD22	1:402:A:ILE:H	14	0.46
(1,5945)	1:203:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	6	0.46
(1,5914)	1:197:A:ALA:HB3	1:189:A:ILE:HD11	1	0.46
(1,5880)	1:254:A:ASN:HB3	1:253:A:THR:HG22	11	0.46
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG23	1:341:A:ASN:HB3	14	0.46
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	5	0.46
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	7	0.46
(1,5756)	1:203:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:HG23	7	0.46
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	17	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5729)	1:300:A:VAL:HG11	1:296:A:GLU:HG2	8	0.46
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG11	1:342:A:ILE:HD13	29	0.46
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG22	3	0.46
(1,5701)	1:302:A:GLU:HG2	1:286:A:ARG:HD3	31	0.46
(1,5677)	1:212:A:VAL:HG12	1:210:A:PRO:HB3	7	0.46
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB2	1:255:A:LEU:HD21	13	0.46
(1,5661)	1:415:A:ASP:HB2	1:416:A:LEU:HB3	31	0.46
(1,5590)	1:436:A:LEU:HD23	1:405:A:GLN:H	24	0.46
(1,5482)	1:398:A:ILE:H	1:395:A:GLN:HG2	30	0.46
(1,5466)	1:340:A:GLN:HE21	1:344:A:ILE:HA	16	0.46
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:294:A:THR:HG22	23	0.46
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD11	29	0.46
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG22	11	0.46
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	19	0.46
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	28	0.46
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:255:A:LEU:HD12	11	0.46
(1,5165)	1:280:A:THR:H	1:276:A:GLU:HB3	9	0.46
(1,5148)	1:219:A:TYR:H	1:220:A:VAL:HB	7	0.46
(1,5148)	1:219:A:TYR:H	1:220:A:VAL:HB	35	0.46
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	27	0.46
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	20	0.46
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	35	0.46
(1,5060)	1:225:A:MET:H	1:225:A:MET:HG2	3	0.46
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD11	11	0.46
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE2	13	0.46
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	8	0.46
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	2	0.46
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	15	0.46
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	18	0.46
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:219:A:TYR:HE1	9	0.46
(1,4871)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HD13	18	0.46
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	12	0.46
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	20	0.46
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	30	0.46
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	31	0.46
(1,4801)	1:209:A:LEU:H	1:202:A:MET:HG2	25	0.46
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE1	29	0.46
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD21	13	0.46
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD23	27	0.46
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	11	0.46
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	23	0.46
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	31	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	34	0.46
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	35	0.46
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	2	0.46
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	5	0.46
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	7	0.46
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HB	33	0.46
(1,4654)	1:318:A:ILE:HD12	1:360:A:PHE:HE1	22	0.46
(1,4473)	1:194:A:LEU:HD21	1:313:A:CYS:HB3	15	0.46
(1,4473)	1:194:A:LEU:HD22	1:313:A:CYS:HB3	15	0.46
(1,4473)	1:194:A:LEU:HD23	1:313:A:CYS:HB3	15	0.46
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HE1	21	0.46
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HE2	21	0.46
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HE1	21	0.46
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HE2	21	0.46
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HE1	21	0.46
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HE2	21	0.46
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD11	8	0.46
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD12	8	0.46
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD13	8	0.46
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD13	6	0.46
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD11	14	0.46
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD12	32	0.46
(1,3882)	1:409:A:LEU:HD21	1:433:A:GLN:HG2	15	0.46
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG2	7	0.46
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG2	10	0.46
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG3	32	0.46
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HB3	22	0.46
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HB3	22	0.46
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HB3	22	0.46
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD11	1:304:A:GLN:HG3	15	0.46
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD12	1:304:A:GLN:HG3	15	0.46
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD13	1:304:A:GLN:HG3	15	0.46
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	16	0.46
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	16	0.46
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	16	0.46
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	33	0.46
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	33	0.46
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	33	0.46
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	20	0.46
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	26	0.46
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD11	28	0.46
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	28	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	28	0.46
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	28	0.46
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	28	0.46
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	28	0.46
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	28	0.46
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	28	0.46
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	28	0.46
(1,2841)	1:356:A:VAL:HA	1:359:A:VAL:HG11	20	0.46
(1,2841)	1:356:A:VAL:HA	1:359:A:VAL:HG12	20	0.46
(1,2841)	1:356:A:VAL:HA	1:359:A:VAL:HG13	20	0.46
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	35	0.46
(1,2693)	1:281:A:LYS:HE3	1:277:A:ASN:H	3	0.46
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD11	1:412:A:LEU:HA	15	0.46
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD12	1:412:A:LEU:HA	15	0.46
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD13	1:412:A:LEU:HA	15	0.46
(1,2415)	1:336:A:LYS:HE2	1:337:A:MET:H	8	0.46
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD21	6	0.46
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD22	6	0.46
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD23	6	0.46
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD21	1:443:A:LEU:HA	8	0.46
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD22	1:443:A:LEU:HA	8	0.46
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD23	1:443:A:LEU:HA	8	0.46
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD21	1:443:A:LEU:HA	9	0.46
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD22	1:443:A:LEU:HA	9	0.46
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD23	1:443:A:LEU:HA	9	0.46
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD21	18	0.46
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD22	18	0.46
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD23	18	0.46
(1,1386)	1:312:A:GLU:H	1:313:A:CYS:HB3	29	0.46
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	34	0.46
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	10	0.46
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD11	34	0.46
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD12	34	0.46
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD13	34	0.46
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG11	9	0.46
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG12	9	0.46
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG13	9	0.46
(1,260)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HG2	7	0.46
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG11	35	0.46
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG12	35	0.46
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG13	35	0.46
(2,69)	1:342:A:ILE:HD11	1:329:A:ILE:HG13	31	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,69)	1:342:A:ILE:HD12	1:329:A:ILE:HG13	31	0.45
(2,69)	1:342:A:ILE:HD13	1:329:A:ILE:HG13	31	0.45
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG23	1:416:A:LEU:H	12	0.45
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG21	1:416:A:LEU:H	33	0.45
(1,6843)	1:357:A:LEU:HD23	1:343:A:SER:HA	21	0.45
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD12	1:405:A:GLN:HA	7	0.45
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:446:A:ALA:HB1	3	0.45
(1,6790)	1:413:A:HIS:HE1	1:416:A:LEU:HD21	11	0.45
(1,6773)	1:262:A:THR:HG21	1:265:A:SER:H	34	0.45
(1,6766)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HA	15	0.45
(1,6751)	1:209:A:LEU:HD22	1:217:A:ILE:HG12	26	0.45
(1,6703)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:H	15	0.45
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG23	1:307:A:LEU:HD13	16	0.45
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HB3	25	0.45
(1,6661)	1:362:A:THR:HG23	1:358:A:TYR:HD1	27	0.45
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD11	1:324:A:HIS:H	16	0.45
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	33	0.45
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:416:A:LEU:HD21	11	0.45
(1,6585)	1:359:A:VAL:HG22	1:363:A:HIS:HB3	3	0.45
(1,6574)	1:317:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	11	0.45
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:HG21	35	0.45
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD22	1:409:A:LEU:H	34	0.45
(1,6393)	1:278:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD11	16	0.45
(1,6368)	1:334:A:GLU:HG3	1:331:A:LYS:HD3	18	0.45
(1,6363)	1:266:A:LEU:HD13	1:244:A:LYS:HA	19	0.45
(1,6342)	1:388:A:MET:HE3	1:387:A:THR:H	33	0.45
(1,6257)	1:337:A:MET:HE3	1:328:A:VAL:HB	26	0.45
(1,6242)	1:243:A:LEU:HD11	1:242:A:GLU:HB3	35	0.45
(1,6222)	1:409:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HD22	32	0.45
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG3	1:270:A:TYR:H	21	0.45
(1,6160)	1:303:A:PHE:HE1	1:359:A:VAL:HG13	14	0.45
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD22	1:305:A:ARG:H	1	0.45
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD23	1:305:A:ARG:H	21	0.45
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD23	1:305:A:ARG:H	23	0.45
(1,6104)	1:220:A:VAL:HB	1:217:A:ILE:HG13	23	0.45
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD12	1:192:A:ILE:HG13	7	0.45
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD11	1:192:A:ILE:HG13	9	0.45
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD12	1:192:A:ILE:HG13	13	0.45
(1,6027)	1:416:A:LEU:HD13	1:422:A:ASP:H	18	0.45
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD13	1:198:A:VAL:HA	24	0.45
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD23	1:305:A:ARG:HG2	34	0.45
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HG	9	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HG	12	0.45
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HG	20	0.45
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD23	1:402:A:ILE:H	1	0.45
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD12	1:325:A:MET:HE1	1	0.45
(1,5909)	1:443:A:LEU:HD11	1:444:A:ARG:H	31	0.45
(1,5844)	1:346:A:LEU:HD21	1:349:A:THR:H	28	0.45
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG22	1:341:A:ASN:HB3	19	0.45
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG21	1:341:A:ASN:HB3	21	0.45
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD13	1:395:A:GLN:HG2	32	0.45
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	17	0.45
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	19	0.45
(1,5729)	1:300:A:VAL:HG12	1:296:A:GLU:HG2	19	0.45
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HG23	20	0.45
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD21	1:440:A:LYS:HA	15	0.45
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HD21	27	0.45
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG22	21	0.45
(1,5686)	1:345:A:VAL:HG11	1:232:A:ARG:HB2	34	0.45
(1,5660)	1:284:A:MET:HE2	1:280:A:THR:HA	30	0.45
(1,5605)	1:337:A:MET:HE3	1:342:A:ILE:HA	35	0.45
(1,5591)	1:272:A:ARG:HD2	1:349:A:THR:HB	17	0.45
(1,5569)	1:284:A:MET:HE1	1:352:A:ILE:HG23	34	0.45
(1,5466)	1:340:A:GLN:HE21	1:344:A:ILE:HA	23	0.45
(1,5443)	1:225:A:MET:H	1:227:A:CYS:HB2	16	0.45
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:220:A:VAL:HB	7	0.45
(1,5341)	1:302:A:GLU:H	1:303:A:PHE:HE1	32	0.45
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD12	22	0.45
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	20	0.45
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	33	0.45
(1,5263)	1:419:A:GLY:H	1:416:A:LEU:HG	25	0.45
(1,5171)	1:219:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG22	23	0.45
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB3	2	0.45
(1,5146)	1:212:A:VAL:H	1:267:A:LEU:HD11	30	0.45
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	13	0.45
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	16	0.45
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG2	23	0.45
(1,4993)	1:265:A:SER:H	1:268:A:LYS:HB3	7	0.45
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	35	0.45
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE2	24	0.45
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	12	0.45
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	9	0.45
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:279:A:LEU:HD21	32	0.45
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HG12	14	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4860)	1:261:A:ASN:HD21	1:233:A:VAL:HA	32	0.45
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HG21	34	0.45
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG23	3	0.45
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG21	4	0.45
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG22	13	0.45
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD21	34	0.45
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG23	10	0.45
(1,4697)	1:247:A:TYR:H	1:266:A:LEU:HD21	8	0.45
(1,4697)	1:440:A:LYS:H	1:398:A:ILE:HG22	29	0.45
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	30	0.45
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	35	0.45
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HA	1	0.45
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HA	1	0.45
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HA	1	0.45
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HA	17	0.45
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HA	17	0.45
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HA	17	0.45
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB1	1:251:A:GLU:HG2	32	0.45
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB2	1:251:A:GLU:HG2	32	0.45
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB3	1:251:A:GLU:HG2	32	0.45
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD11	1:430:A:TRP:HZ2	17	0.45
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HZ2	17	0.45
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD13	1:430:A:TRP:HZ2	17	0.45
(1,4322)	1:183:A:MET:HB3	1:184:A:PRO:HD2	3	0.45
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD11	14	0.45
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD12	14	0.45
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD13	14	0.45
(1,3979)	1:236:A:ILE:HD11	1:239:A:LYS:HE3	9	0.45
(1,3979)	1:236:A:ILE:HD12	1:239:A:LYS:HE3	9	0.45
(1,3979)	1:236:A:ILE:HD13	1:239:A:LYS:HE3	9	0.45
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	8	0.45
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	8	0.45
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	8	0.45
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	8	0.45
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	8	0.45
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	8	0.45
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	8	0.45
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	8	0.45
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	8	0.45
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD21	15	0.45
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD22	15	0.45
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD23	15	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD21	15	0.45
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD22	15	0.45
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD23	15	0.45
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD21	15	0.45
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD22	15	0.45
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD23	15	0.45
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD21	1:318:A:ILE:H	8	0.45
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:H	8	0.45
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:H	8	0.45
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD21	1:334:A:GLU:HG2	5	0.45
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD22	1:334:A:GLU:HG2	5	0.45
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD23	1:334:A:GLU:HG2	5	0.45
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HB3	10	0.45
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HB3	10	0.45
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HB3	10	0.45
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HB3	13	0.45
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HB3	13	0.45
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HB3	13	0.45
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG2	28	0.45
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD11	1:304:A:GLN:HG3	9	0.45
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD12	1:304:A:GLN:HG3	9	0.45
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD13	1:304:A:GLN:HG3	9	0.45
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	20	0.45
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	20	0.45
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	20	0.45
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	34	0.45
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	34	0.45
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	34	0.45
(1,2926)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:H	27	0.45
(1,2871)	1:208:A:ARG:HD2	1:198:A:VAL:HG11	24	0.45
(1,2871)	1:208:A:ARG:HD2	1:198:A:VAL:HG12	24	0.45
(1,2871)	1:208:A:ARG:HD2	1:198:A:VAL:HG13	24	0.45
(1,2708)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HA	10	0.45
(1,2554)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG2	25	0.45
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD21	1:361:A:PHE:HZ	29	0.45
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD22	1:361:A:PHE:HZ	29	0.45
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD23	1:361:A:PHE:HZ	29	0.45
(1,2373)	1:243:A:LEU:HD21	1:243:A:LEU:HA	2	0.45
(1,2373)	1:243:A:LEU:HD22	1:243:A:LEU:HA	2	0.45
(1,2373)	1:243:A:LEU:HD23	1:243:A:LEU:HA	2	0.45
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG11	6	0.45
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG12	6	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG13	6	0.45
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE3	23	0.45
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG3	19	0.45
(1,1298)	1:200:A:ARG:H	1:202:A:MET:HG3	22	0.45
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	18	0.45
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	24	0.45
(1,560)	1:187:A:LYS:H	1:188:A:PRO:HG3	31	0.45
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD11	25	0.45
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD12	25	0.45
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD13	25	0.45
(1,282)	1:313:A:CYS:H	1:312:A:GLU:HB3	26	0.45
(1,6875)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HD2	14	0.44
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG23	1:416:A:LEU:H	11	0.44
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG22	1:426:A:GLU:H	26	0.44
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD22	1:282:A:GLU:HG3	13	0.44
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HD13	18	0.44
(1,6816)	1:219:A:TYR:HE2	1:230:A:ILE:HD11	24	0.44
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:H	18	0.44
(1,6766)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HA	7	0.44
(1,6731)	1:239:A:LYS:HD3	1:243:A:LEU:HD12	5	0.44
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	10	0.44
(1,6603)	1:430:A:TRP:HZ2	1:423:A:LEU:HB3	5	0.44
(1,6564)	1:203:A:MET:HE3	1:378:A:LYS:HG2	8	0.44
(1,6556)	1:263:A:VAL:HG12	1:255:A:LEU:HB3	23	0.44
(1,6549)	1:337:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG21	12	0.44
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:HG21	14	0.44
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG21	1:189:A:ILE:HB	4	0.44
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD21	1:426:A:GLU:HG2	34	0.44
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HD11	6	0.44
(1,6363)	1:266:A:LEU:HD13	1:244:A:LYS:HA	8	0.44
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG23	1:284:A:MET:HG3	23	0.44
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG23	1:284:A:MET:HG3	30	0.44
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD23	1:194:A:LEU:HD12	32	0.44
(1,6297)	1:297:A:THR:HG22	1:298:A:GLU:HG2	28	0.44
(1,6296)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HE3	13	0.44
(1,6284)	1:399:A:LYS:HE3	1:399:A:LYS:HB3	10	0.44
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	5	0.44
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD11	1:438:A:ALA:H	9	0.44
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG22	1:407:A:PHE:H	18	0.44
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG22	1:407:A:PHE:H	31	0.44
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD13	1:335:A:THR:HG23	22	0.44
(1,6241)	1:217:A:ILE:HG23	1:375:A:GLN:H	7	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6194)	1:374:A:LYS:HG2	1:375:A:GLN:H	34	0.44
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG23	1:358:A:TYR:HD1	23	0.44
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD12	1:322:A:ILE:HG22	18	0.44
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD12	1:255:A:LEU:HD11	32	0.44
(1,6054)	1:283:A:LEU:HD21	1:280:A:THR:HG21	9	0.44
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	16	0.44
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	29	0.44
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD12	1:192:A:ILE:HG13	10	0.44
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD13	1:192:A:ILE:HG13	11	0.44
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD22	4	0.44
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HA	4	0.44
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HA	8	0.44
(1,5953)	1:239:A:LYS:HD2	1:262:A:THR:HG23	18	0.44
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG23	1:341:A:ASN:HB3	16	0.44
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG22	1:341:A:ASN:HB3	28	0.44
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD13	1:395:A:GLN:HG2	17	0.44
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG21	1:323:A:VAL:HG11	35	0.44
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	1	0.44
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD2	1:306:A:LEU:H	27	0.44
(1,5756)	1:203:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:HG22	15	0.44
(1,5729)	1:300:A:VAL:HG12	1:296:A:GLU:HG3	24	0.44
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HG22	30	0.44
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG23	1:325:A:MET:H	4	0.44
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG23	1:325:A:MET:H	26	0.44
(1,5655)	1:346:A:LEU:HD23	1:343:A:SER:HA	4	0.44
(1,5604)	1:412:A:LEU:HD21	1:409:A:LEU:H	20	0.44
(1,5604)	1:412:A:LEU:HD21	1:409:A:LEU:H	35	0.44
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	20	0.44
(1,5568)	1:373:A:LEU:HD13	1:324:A:HIS:HD2	25	0.44
(1,5482)	1:398:A:ILE:H	1:395:A:GLN:HG2	8	0.44
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD23	25	0.44
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG23	19	0.44
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:271:A:LEU:HD21	2	0.44
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:209:A:LEU:HD13	21	0.44
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD2	24	0.44
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	24	0.44
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	15	0.44
(1,5268)	1:241:A:ASP:H	1:236:A:ILE:HG22	35	0.44
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	28	0.44
(1,5165)	1:280:A:THR:H	1:276:A:GLU:HB3	7	0.44
(1,5148)	1:219:A:TYR:H	1:220:A:VAL:HB	17	0.44
(1,5148)	1:219:A:TYR:H	1:220:A:VAL:HB	23	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5146)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HG21	33	0.44
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:236:A:ILE:HB	7	0.44
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG21	9	0.44
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	15	0.44
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:322:A:ILE:HD13	28	0.44
(1,5074)	1:202:A:MET:H	1:200:A:ARG:HG3	19	0.44
(1,4993)	1:265:A:SER:H	1:268:A:LYS:HB3	16	0.44
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	25	0.44
(1,4977)	1:253:A:THR:H	1:251:A:GLU:HB2	2	0.44
(1,4977)	1:253:A:THR:H	1:251:A:GLU:HB2	26	0.44
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE2	7	0.44
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	7	0.44
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	28	0.44
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	32	0.44
(1,4897)	1:313:A:CYS:H	1:209:A:LEU:HD13	15	0.44
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	2	0.44
(1,4801)	1:209:A:LEU:H	1:202:A:MET:HG2	22	0.44
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG23	30	0.44
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD22	17	0.44
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD21	31	0.44
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	24	0.44
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	29	0.44
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	9	0.44
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	15	0.44
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	2	0.44
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	3	0.44
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG21	17	0.44
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG22	17	0.44
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG23	17	0.44
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG21	17	0.44
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG22	17	0.44
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG23	17	0.44
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG21	17	0.44
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG22	17	0.44
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG23	17	0.44
(1,4167)	1:239:A:LYS:HD3	1:239:A:LYS:HA	27	0.44
(1,4167)	1:239:A:LYS:HD3	1:239:A:LYS:HA	31	0.44
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD13	28	0.44
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	34	0.44
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	34	0.44
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	34	0.44
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	34	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	34	0.44
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	34	0.44
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	34	0.44
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	34	0.44
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	34	0.44
(1,3860)	1:308:A:LYS:HD3	1:304:A:GLN:HB2	14	0.44
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG3	19	0.44
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG3	27	0.44
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG2	31	0.44
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE1	22	0.44
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE2	22	0.44
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE1	22	0.44
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE2	22	0.44
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE1	22	0.44
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE2	22	0.44
(1,3198)	1:351:A:GLN:HG3	1:351:A:GLN:HA	8	0.44
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	30	0.44
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	30	0.44
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	30	0.44
(1,3089)	1:333:A:LEU:HG	1:333:A:LEU:HA	17	0.44
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	21	0.44
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	33	0.44
(1,2926)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:H	14	0.44
(1,2926)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:H	20	0.44
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB1	1:243:A:LEU:HD21	2	0.44
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB1	1:243:A:LEU:HD22	2	0.44
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB1	1:243:A:LEU:HD23	2	0.44
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB2	1:243:A:LEU:HD21	2	0.44
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB2	1:243:A:LEU:HD22	2	0.44
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB2	1:243:A:LEU:HD23	2	0.44
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB3	1:243:A:LEU:HD21	2	0.44
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB3	1:243:A:LEU:HD22	2	0.44
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB3	1:243:A:LEU:HD23	2	0.44
(1,2729)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HG	27	0.44
(1,2565)	1:243:A:LEU:HD11	1:240:A:VAL:HA	11	0.44
(1,2565)	1:243:A:LEU:HD12	1:240:A:VAL:HA	11	0.44
(1,2565)	1:243:A:LEU:HD13	1:240:A:VAL:HA	11	0.44
(1,2527)	1:377:A:MET:HG2	1:377:A:MET:H	1	0.44
(1,2527)	1:377:A:MET:HG2	1:377:A:MET:H	8	0.44
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	1	0.44
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	1	0.44
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	1	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	8	0.44
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	8	0.44
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	8	0.44
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	31	0.44
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	31	0.44
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	31	0.44
(1,2460)	1:350:A:VAL:HG11	1:349:A:THR:HG21	33	0.44
(1,2460)	1:350:A:VAL:HG11	1:349:A:THR:HG22	33	0.44
(1,2460)	1:350:A:VAL:HG11	1:349:A:THR:HG23	33	0.44
(1,2460)	1:350:A:VAL:HG12	1:349:A:THR:HG21	33	0.44
(1,2460)	1:350:A:VAL:HG12	1:349:A:THR:HG22	33	0.44
(1,2460)	1:350:A:VAL:HG12	1:349:A:THR:HG23	33	0.44
(1,2460)	1:350:A:VAL:HG13	1:349:A:THR:HG21	33	0.44
(1,2460)	1:350:A:VAL:HG13	1:349:A:THR:HG22	33	0.44
(1,2460)	1:350:A:VAL:HG13	1:349:A:THR:HG23	33	0.44
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD11	13	0.44
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD12	13	0.44
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD13	13	0.44
(1,1788)	1:422:A:ASP:H	1:421:A:LYS:HE2	12	0.44
(1,1618)	1:357:A:LEU:H	1:346:A:LEU:HB3	2	0.44
(1,1386)	1:312:A:GLU:H	1:313:A:CYS:HB3	13	0.44
(1,1372)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HG3	32	0.44
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	2	0.44
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	13	0.44
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG11	20	0.44
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG12	20	0.44
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG13	20	0.44
(1,804)	1:224:A:GLY:H	1:225:A:MET:HG3	30	0.44
(1,685)	1:370:A:ASN:H	1:368:A:PHE:HA	33	0.44
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	29	0.44
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG11	11	0.44
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG12	11	0.44
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG13	11	0.44
(1,6875)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HD2	5	0.43
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG23	1:416:A:LEU:H	20	0.43
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD23	1:309:A:GLU:HG3	9	0.43
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD21	1:309:A:GLU:HG3	29	0.43
(1,6801)	1:333:A:LEU:HD13	1:334:A:GLU:HA	24	0.43
(1,6766)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HA	10	0.43
(1,6703)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:H	10	0.43
(1,6677)	1:412:A:LEU:HD11	1:415:A:ASP:HB2	30	0.43
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD13	1:230:A:ILE:H	1	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:H	9	0.43
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	19	0.43
(1,6564)	1:203:A:MET:HE3	1:210:A:PRO:HB2	2	0.43
(1,6564)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB2	18	0.43
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD23	1:432:A:VAL:HG21	10	0.43
(1,6532)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HE3	22	0.43
(1,6525)	1:203:A:MET:HE3	1:207:A:ILE:HG12	28	0.43
(1,6502)	1:440:A:LYS:HB3	1:443:A:LEU:HD23	26	0.43
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG11	1:341:A:ASN:H	22	0.43
(1,6456)	1:197:A:ALA:HB3	1:274:A:LEU:HB3	23	0.43
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD22	1:426:A:GLU:HG2	5	0.43
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD13	1:413:A:HIS:HE1	29	0.43
(1,6372)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:H	27	0.43
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD11	1:337:A:MET:H	23	0.43
(1,6330)	1:228:A:GLU:HB2	1:227:A:CYS:HB3	18	0.43
(1,6296)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HE2	4	0.43
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	3	0.43
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD11	1:438:A:ALA:H	24	0.43
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG21	1:244:A:LYS:H	7	0.43
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG3	1:270:A:TYR:H	28	0.43
(1,6194)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:H	35	0.43
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HD22	19	0.43
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HD22	20	0.43
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD11	1:192:A:ILE:HG13	3	0.43
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD11	1:267:A:LEU:HD21	31	0.43
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG2	1:282:A:GLU:HG2	18	0.43
(1,6020)	1:317:A:LEU:HD11	1:278:A:LEU:HD22	32	0.43
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	25	0.43
(1,5951)	1:274:A:LEU:HD11	1:192:A:ILE:H	23	0.43
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD13	1:325:A:MET:HE2	10	0.43
(1,5881)	1:202:A:MET:HE1	1:208:A:ARG:HD3	17	0.43
(1,5880)	1:254:A:ASN:HB3	1:253:A:THR:HG22	1	0.43
(1,5832)	1:283:A:LEU:HD22	1:279:A:LEU:HD11	19	0.43
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG21	1:323:A:VAL:HG12	11	0.43
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD12	1:193:A:PRO:HA	32	0.43
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD13	1:193:A:PRO:HA	35	0.43
(1,5701)	1:302:A:GLU:HG2	1:286:A:ARG:HD3	21	0.43
(1,5677)	1:212:A:VAL:HG13	1:210:A:PRO:HB3	8	0.43
(1,5660)	1:284:A:MET:HE1	1:281:A:LYS:HA	31	0.43
(1,5605)	1:337:A:MET:HE1	1:342:A:ILE:HA	2	0.43
(1,5569)	1:284:A:MET:HE1	1:352:A:ILE:HG21	33	0.43
(1,5482)	1:398:A:ILE:H	1:401:A:GLU:HG2	13	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5408)	1:265:A:SER:H	1:261:A:ASN:HB3	27	0.43
(1,5403)	1:340:A:GLN:HE22	1:343:A:SER:HB2	25	0.43
(1,5370)	1:224:A:GLY:H	1:221:A:GLU:HB3	33	0.43
(1,5341)	1:302:A:GLU:H	1:303:A:PHE:HE1	7	0.43
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:209:A:LEU:HD12	23	0.43
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	22	0.43
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD23	12	0.43
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	14	0.43
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:263:A:VAL:HG12	31	0.43
(1,5231)	1:255:A:LEU:H	1:255:A:LEU:HD21	15	0.43
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	10	0.43
(1,5211)	1:428:A:ARG:H	1:425:A:LYS:HD2	14	0.43
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	5	0.43
(1,5146)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HG22	34	0.43
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG22	31	0.43
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG21	35	0.43
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG22	30	0.43
(1,4987)	1:341:A:ASN:HD22	1:344:A:ILE:HD11	3	0.43
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	22	0.43
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	31	0.43
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	4	0.43
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:279:A:LEU:HD21	3	0.43
(1,4934)	1:316:A:LEU:H	1:209:A:LEU:HD11	19	0.43
(1,4911)	1:269:A:GLN:HE21	1:268:A:LYS:HG3	3	0.43
(1,4911)	1:269:A:GLN:HE21	1:268:A:LYS:HG3	26	0.43
(1,4911)	1:269:A:GLN:HE21	1:268:A:LYS:HG3	29	0.43
(1,4871)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HD13	31	0.43
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	12	0.43
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG21	13	0.43
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG23	18	0.43
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD23	7	0.43
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD23	8	0.43
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:356:A:VAL:HG22	18	0.43
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:265:A:SER:HB3	12	0.43
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	8	0.43
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	8	0.43
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	31	0.43
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:337:A:MET:HB3	20	0.43
(1,4322)	1:183:A:MET:HB3	1:184:A:PRO:HD2	35	0.43
(1,4266)	1:443:A:LEU:HD11	1:399:A:LYS:HE3	5	0.43
(1,4266)	1:443:A:LEU:HD12	1:399:A:LYS:HE3	5	0.43
(1,4266)	1:443:A:LEU:HD13	1:399:A:LYS:HE3	5	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3860)	1:308:A:LYS:HD3	1:304:A:GLN:HB2	34	0.43
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:H	33	0.43
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:H	33	0.43
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:H	33	0.43
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HB3	29	0.43
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HB3	29	0.43
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HB3	29	0.43
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD11	1:304:A:GLN:HG3	26	0.43
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD12	1:304:A:GLN:HG3	26	0.43
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD13	1:304:A:GLN:HG3	26	0.43
(1,3198)	1:351:A:GLN:HG3	1:351:A:GLN:HA	6	0.43
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	13	0.43
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	13	0.43
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	13	0.43
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	17	0.43
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	17	0.43
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	17	0.43
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	24	0.43
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	24	0.43
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	24	0.43
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	27	0.43
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	27	0.43
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	27	0.43
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	8	0.43
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	27	0.43
(1,2788)	1:256:A:GLU:HG2	1:254:A:ASN:HB3	27	0.43
(1,2527)	1:377:A:MET:HG2	1:377:A:MET:H	20	0.43
(1,2385)	1:222:A:LYS:HE3	1:223:A:TYR:H	18	0.43
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD21	1:443:A:LEU:HA	30	0.43
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD22	1:443:A:LEU:HA	30	0.43
(1,2299)	1:443:A:LEU:HD23	1:443:A:LEU:HA	30	0.43
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:HE2	6	0.43
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:HE2	6	0.43
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD23	1:399:A:LYS:HE2	6	0.43
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD11	8	0.43
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD12	8	0.43
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD13	8	0.43
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE2	20	0.43
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG3	29	0.43
(1,1386)	1:312:A:GLU:H	1:313:A:CYS:HB3	9	0.43
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG11	10	0.43
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG12	10	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG13	10	0.43
(1,70)	1:297:A:THR:H	1:296:A:GLU:HB3	8	0.43
(1,6875)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HD1	16	0.42
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG21	1:416:A:LEU:H	10	0.42
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD13	1:373:A:LEU:HB3	32	0.42
(1,6790)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HD22	35	0.42
(1,6731)	1:239:A:LYS:HD3	1:243:A:LEU:HD13	25	0.42
(1,6703)	1:329:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:H	17	0.42
(1,6682)	1:352:A:ILE:HD13	1:279:A:LEU:HG	20	0.42
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD12	1:324:A:HIS:H	11	0.42
(1,6591)	1:438:A:ALA:HB1	1:435:A:ILE:HG23	34	0.42
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	12	0.42
(1,6564)	1:203:A:MET:HE1	1:210:A:PRO:HB2	13	0.42
(1,6540)	1:337:A:MET:HE1	1:232:A:ARG:HD3	35	0.42
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG11	1:340:A:GLN:HE21	22	0.42
(1,6467)	1:318:A:ILE:HG23	1:315:A:TYR:HD2	16	0.42
(1,6456)	1:197:A:ALA:HB3	1:274:A:LEU:HB3	31	0.42
(1,6443)	1:315:A:TYR:HD1	1:307:A:LEU:HG	20	0.42
(1,6430)	1:217:A:ILE:HD11	1:213:A:PHE:HE1	28	0.42
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD21	1:409:A:LEU:H	23	0.42
(1,6354)	1:225:A:MET:HE3	1:221:A:GLU:HA	29	0.42
(1,6306)	1:253:A:THR:HG23	1:251:A:GLU:HB2	21	0.42
(1,6297)	1:297:A:THR:HG21	1:298:A:GLU:HG2	29	0.42
(1,6284)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HB3	4	0.42
(1,6199)	1:416:A:LEU:HD13	1:422:A:ASP:HB3	29	0.42
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD23	1:364:A:VAL:H	15	0.42
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD11	1:322:A:ILE:HG22	17	0.42
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD12	1:322:A:ILE:HG22	34	0.42
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HD22	5	0.42
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	35	0.42
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD11	1:192:A:ILE:HG13	22	0.42
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD12	1:267:A:LEU:HD21	32	0.42
(1,6027)	1:416:A:LEU:HD11	1:422:A:ASP:H	6	0.42
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG2	1:282:A:GLU:HG2	13	0.42
(1,6006)	1:307:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HD1	1	0.42
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD12	1:371:A:VAL:HB	9	0.42
(1,5980)	1:304:A:GLN:HG2	1:300:A:VAL:HA	8	0.42
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HA	33	0.42
(1,5948)	1:189:A:ILE:HD13	1:196:A:ASP:HB3	19	0.42
(1,5930)	1:363:A:HIS:HD2	1:300:A:VAL:HG22	24	0.42
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:194:A:LEU:HD13	11	0.42
(1,5881)	1:202:A:MET:HE1	1:208:A:ARG:HD3	26	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB2	1:329:A:ILE:HG23	13	0.42
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG23	1:209:A:LEU:HD22	26	0.42
(1,5763)	1:227:A:CYS:HB3	1:230:A:ILE:HD11	3	0.42
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG21	1:316:A:LEU:HD22	19	0.42
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG23	1:316:A:LEU:HD23	35	0.42
(1,5748)	1:323:A:VAL:HG23	1:365:A:GLN:HE22	7	0.42
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	23	0.42
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	31	0.42
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HG22	28	0.42
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HD21	20	0.42
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG12	1:342:A:ILE:HD13	10	0.42
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG21	7	0.42
(1,5660)	1:284:A:MET:HE2	1:280:A:THR:HA	6	0.42
(1,5642)	1:225:A:MET:HE2	1:230:A:ILE:HG13	15	0.42
(1,5642)	1:225:A:MET:HE2	1:230:A:ILE:HG23	18	0.42
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD22	1:407:A:PHE:H	16	0.42
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG22	1	0.42
(1,5215)	1:364:A:VAL:H	1:367:A:LEU:HD23	15	0.42
(1,5163)	1:327:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HG	30	0.42
(1,5148)	1:219:A:TYR:H	1:220:A:VAL:HB	31	0.42
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG23	3	0.42
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	19	0.42
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	33	0.42
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HD23	21	0.42
(1,5074)	1:202:A:MET:H	1:200:A:ARG:HG3	17	0.42
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	27	0.42
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	18	0.42
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	32	0.42
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE2	35	0.42
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	5	0.42
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	9	0.42
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	10	0.42
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	1	0.42
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG12	26	0.42
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:278:A:LEU:HD11	3	0.42
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	1	0.42
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:352:A:ILE:HG12	26	0.42
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	14	0.42
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	19	0.42
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG22	17	0.42
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	28	0.42
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	30	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD21	4	0.42
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD23	33	0.42
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	27	0.42
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	28	0.42
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	3	0.42
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	24	0.42
(1,4463)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:H	28	0.42
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB1	1:251:A:GLU:HG2	12	0.42
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB2	1:251:A:GLU:HG2	12	0.42
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB3	1:251:A:GLU:HG2	12	0.42
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB1	1:251:A:GLU:HG3	30	0.42
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB2	1:251:A:GLU:HG3	30	0.42
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB3	1:251:A:GLU:HG3	30	0.42
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	17	0.42
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	35	0.42
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD11	23	0.42
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD12	23	0.42
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD13	23	0.42
(1,4056)	1:227:A:CYS:HB3	1:230:A:ILE:HB	14	0.42
(1,4035)	1:348:A:PRO:HD3	1:346:A:LEU:HB3	9	0.42
(1,3860)	1:308:A:LYS:HD3	1:304:A:GLN:HB2	15	0.42
(1,3836)	1:187:A:LYS:HD2	1:188:A:PRO:HD2	3	0.42
(1,3836)	1:187:A:LYS:HD2	1:188:A:PRO:HD2	29	0.42
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HB3	12	0.42
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HB3	12	0.42
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HB3	12	0.42
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HB3	18	0.42
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HB3	18	0.42
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HB3	18	0.42
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD11	1	0.42
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD12	1	0.42
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD13	1	0.42
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD11	1	0.42
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD12	1	0.42
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD13	1	0.42
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD11	1	0.42
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD12	1	0.42
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD13	1	0.42
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG2	3	0.42
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG3	16	0.42
(1,3311)	1:346:A:LEU:HG	1:346:A:LEU:HB3	6	0.42
(1,3311)	1:346:A:LEU:HG	1:346:A:LEU:HB3	7	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3311)	1:346:A:LEU:HG	1:346:A:LEU:HB3	10	0.42
(1,3311)	1:346:A:LEU:HG	1:346:A:LEU:HB3	11	0.42
(1,3311)	1:346:A:LEU:HG	1:346:A:LEU:HB3	13	0.42
(1,3311)	1:346:A:LEU:HG	1:346:A:LEU:HB3	17	0.42
(1,3311)	1:346:A:LEU:HG	1:346:A:LEU:HB3	18	0.42
(1,3311)	1:346:A:LEU:HG	1:346:A:LEU:HB3	24	0.42
(1,3311)	1:346:A:LEU:HG	1:346:A:LEU:HB3	35	0.42
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	8	0.42
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	8	0.42
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	8	0.42
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	23	0.42
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	23	0.42
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	23	0.42
(1,3089)	1:333:A:LEU:HG	1:333:A:LEU:HA	9	0.42
(1,3072)	1:278:A:LEU:HD21	1:318:A:ILE:HA	20	0.42
(1,3072)	1:278:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:HA	20	0.42
(1,3072)	1:278:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:HA	20	0.42
(1,2982)	1:225:A:MET:HE1	1:327:A:HIS:HB2	1	0.42
(1,2982)	1:225:A:MET:HE2	1:327:A:HIS:HB2	1	0.42
(1,2982)	1:225:A:MET:HE3	1:327:A:HIS:HB2	1	0.42
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	12	0.42
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD11	24	0.42
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	24	0.42
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	24	0.42
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	24	0.42
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	24	0.42
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	24	0.42
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	24	0.42
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	24	0.42
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	24	0.42
(1,2788)	1:256:A:GLU:HG2	1:254:A:ASN:HB3	10	0.42
(1,2729)	1:284:A:MET:HE3	1:279:A:LEU:HG	22	0.42
(1,2527)	1:377:A:MET:HG2	1:377:A:MET:H	13	0.42
(1,2527)	1:377:A:MET:HG2	1:377:A:MET:H	24	0.42
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HB2	10	0.42
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HB2	10	0.42
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HB2	10	0.42
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	2	0.42
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	2	0.42
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	2	0.42
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	32	0.42
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	32	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	32	0.42
(1,2450)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:H	19	0.42
(1,2229)	1:377:A:MET:HE2	1:204:A:TYR:HE2	20	0.42
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:HE2	30	0.42
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:HE2	30	0.42
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD23	1:399:A:LYS:HE2	30	0.42
(1,2195)	1:378:A:LYS:HE3	1:378:A:LYS:H	2	0.42
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD11	18	0.42
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD12	18	0.42
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD13	18	0.42
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE3	31	0.42
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE3	31	0.42
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE3	31	0.42
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD11	34	0.42
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD12	34	0.42
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD13	34	0.42
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG11	6	0.42
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG12	6	0.42
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG13	6	0.42
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG11	35	0.42
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG12	35	0.42
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG13	35	0.42
(1,1711)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HD3	14	0.42
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	26	0.42
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG3	23	0.42
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG2	10	0.42
(1,340)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HB3	13	0.42
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	4	0.42
(1,282)	1:313:A:CYS:H	1:312:A:GLU:HB3	11	0.42
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	34	0.42
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	7	0.41
(1,6877)	1:212:A:VAL:HG23	1:270:A:TYR:H	8	0.41
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG21	1:426:A:GLU:H	13	0.41
(1,6850)	1:323:A:VAL:HG12	1:368:A:PHE:HD2	12	0.41
(1,6848)	1:324:A:HIS:HD2	1:325:A:MET:HE3	33	0.41
(1,6703)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:H	29	0.41
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD21	1:351:A:GLN:HE21	16	0.41
(1,6677)	1:412:A:LEU:HD13	1:415:A:ASP:HB2	3	0.41
(1,6677)	1:412:A:LEU:HD11	1:415:A:ASP:HB2	12	0.41
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD12	1:230:A:ILE:H	10	0.41
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD21	1:363:A:HIS:H	12	0.41
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:420:A:ILE:HG22	13	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:420:A:ILE:HG22	25	0.41
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	35	0.41
(1,6564)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB2	31	0.41
(1,6564)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB2	35	0.41
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD21	1:432:A:VAL:HG23	11	0.41
(1,6532)	1:228:A:GLU:HG3	1:227:A:CYS:HB3	33	0.41
(1,6483)	1:345:A:VAL:HG11	1:341:A:ASN:H	9	0.41
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:HG22	30	0.41
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG22	1:189:A:ILE:HB	33	0.41
(1,6374)	1:243:A:LEU:HD22	1:253:A:THR:HG23	33	0.41
(1,6372)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:H	29	0.41
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD13	1:337:A:MET:H	25	0.41
(1,6342)	1:388:A:MET:HE1	1:387:A:THR:H	13	0.41
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG21	1:284:A:MET:HG3	29	0.41
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG22	1:284:A:MET:HG3	31	0.41
(1,6298)	1:208:A:ARG:HG2	1:312:A:GLU:HB2	24	0.41
(1,6296)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HE2	9	0.41
(1,6296)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HE2	29	0.41
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD13	1:438:A:ALA:H	35	0.41
(1,6239)	1:355:A:ARG:HG2	1:291:A:CYS:HB2	28	0.41
(1,6238)	1:364:A:VAL:HG21	1:324:A:HIS:H	11	0.41
(1,6222)	1:409:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HD22	9	0.41
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG3	1:270:A:TYR:H	12	0.41
(1,6164)	1:303:A:PHE:HE2	1:367:A:LEU:HD13	31	0.41
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:263:A:VAL:HG21	3	0.41
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD13	1:322:A:ILE:HG23	29	0.41
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:HD11	35	0.41
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:H	29	0.41
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HD22	1	0.41
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HD22	30	0.41
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	7	0.41
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD13	1:267:A:LEU:HD21	27	0.41
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG2	1:282:A:GLU:HG2	30	0.41
(1,6020)	1:317:A:LEU:HD13	1:278:A:LEU:HD23	25	0.41
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD11	1:284:A:MET:HE3	19	0.41
(1,5964)	1:289:A:GLU:HB3	1:306:A:LEU:HD21	19	0.41
(1,5930)	1:363:A:HIS:HD2	1:300:A:VAL:HG22	2	0.41
(1,5844)	1:346:A:LEU:HD21	1:349:A:THR:H	30	0.41
(1,5819)	1:284:A:MET:HE2	1:351:A:GLN:HA	12	0.41
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	33	0.41
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	34	0.41
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	2	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG21	1:342:A:ILE:HG13	32	0.41
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD21	1:440:A:LYS:HA	30	0.41
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG13	1:342:A:ILE:HD13	16	0.41
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG11	1:342:A:ILE:HD12	23	0.41
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HD13	9	0.41
(1,5701)	1:302:A:GLU:HG2	1:305:A:ARG:HD3	2	0.41
(1,5655)	1:346:A:LEU:HD23	1:343:A:SER:HA	27	0.41
(1,5642)	1:225:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG13	29	0.41
(1,5582)	1:211:A:ALA:HB2	1:189:A:ILE:HD11	19	0.41
(1,5466)	1:340:A:GLN:HE21	1:344:A:ILE:HA	9	0.41
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:244:A:LYS:HD2	1	0.41
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD2	5	0.41
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	3	0.41
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	6	0.41
(1,5263)	1:419:A:GLY:H	1:416:A:LEU:HG	11	0.41
(1,5231)	1:255:A:LEU:H	1:255:A:LEU:HD21	7	0.41
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	9	0.41
(1,5211)	1:428:A:ARG:H	1:425:A:LYS:HD3	24	0.41
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	26	0.41
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:396:A:ALA:H	31	0.41
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:255:A:LEU:HD12	34	0.41
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD21	12	0.41
(1,5187)	1:257:A:ASP:H	1:254:A:ASN:HB3	29	0.41
(1,5060)	1:225:A:MET:H	1:225:A:MET:HG2	4	0.41
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:278:A:LEU:HD11	12	0.41
(1,4993)	1:265:A:SER:H	1:268:A:LYS:HB3	10	0.41
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	15	0.41
(1,4969)	1:301:A:GLN:HE22	1:301:A:GLN:HA	5	0.41
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:395:A:GLN:HG2	35	0.41
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	26	0.41
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:279:A:LEU:HD21	2	0.41
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:279:A:LEU:HD23	8	0.41
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:219:A:TYR:HE1	5	0.41
(1,4911)	1:269:A:GLN:HE21	1:268:A:LYS:HG3	13	0.41
(1,4871)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HD12	23	0.41
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG23	2	0.41
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD21	3	0.41
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	7	0.41
(1,4688)	1:318:A:ILE:H	1:278:A:LEU:HD23	11	0.41
(1,4654)	1:318:A:ILE:HD12	1:360:A:PHE:HE1	14	0.41
(1,4476)	1:442:A:LYS:HE3	1:398:A:ILE:HD13	12	0.41
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG21	16	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG22	16	0.41
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG23	16	0.41
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG21	16	0.41
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG22	16	0.41
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG23	16	0.41
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG21	16	0.41
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG22	16	0.41
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG23	16	0.41
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	9	0.41
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD21	15	0.41
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD22	15	0.41
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD23	15	0.41
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG11	1:231:A:TYR:HB3	23	0.41
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG12	1:231:A:TYR:HB3	23	0.41
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG13	1:231:A:TYR:HB3	23	0.41
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD13	16	0.41
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD13	17	0.41
(1,4035)	1:348:A:PRO:HD3	1:346:A:LEU:HB3	2	0.41
(1,4035)	1:348:A:PRO:HD3	1:346:A:LEU:HB3	13	0.41
(1,3979)	1:236:A:ILE:HD11	1:239:A:LYS:HE3	18	0.41
(1,3979)	1:236:A:ILE:HD12	1:239:A:LYS:HE3	18	0.41
(1,3979)	1:236:A:ILE:HD13	1:239:A:LYS:HE3	18	0.41
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	33	0.41
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	33	0.41
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	33	0.41
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	33	0.41
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	33	0.41
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	33	0.41
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	33	0.41
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	33	0.41
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	33	0.41
(1,3882)	1:409:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:HG2	10	0.41
(1,3836)	1:187:A:LYS:HD2	1:188:A:PRO:HD2	8	0.41
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD11	2	0.41
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD12	2	0.41
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD13	2	0.41
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD11	2	0.41
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD12	2	0.41
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD13	2	0.41
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD11	2	0.41
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD12	2	0.41
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD13	2	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HB3	24	0.41
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HB3	24	0.41
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HB3	24	0.41
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HB3	35	0.41
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HB3	35	0.41
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HB3	35	0.41
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG2	8	0.41
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG2	30	0.41
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG21	29	0.41
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG22	29	0.41
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG23	29	0.41
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG21	29	0.41
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG22	29	0.41
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG23	29	0.41
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG21	29	0.41
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG22	29	0.41
(1,3496)	1:255:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG23	29	0.41
(1,3311)	1:346:A:LEU:HG	1:346:A:LEU:HB3	2	0.41
(1,3311)	1:346:A:LEU:HG	1:346:A:LEU:HB3	9	0.41
(1,3311)	1:346:A:LEU:HG	1:346:A:LEU:HB3	12	0.41
(1,3311)	1:346:A:LEU:HG	1:346:A:LEU:HB3	28	0.41
(1,3311)	1:346:A:LEU:HG	1:346:A:LEU:HB3	29	0.41
(1,3311)	1:346:A:LEU:HG	1:346:A:LEU:HB3	30	0.41
(1,3311)	1:346:A:LEU:HG	1:346:A:LEU:HB3	33	0.41
(1,3311)	1:346:A:LEU:HG	1:346:A:LEU:HB3	34	0.41
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD11	1:304:A:GLN:HG3	1	0.41
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD12	1:304:A:GLN:HG3	1	0.41
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD13	1:304:A:GLN:HG3	1	0.41
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	1	0.41
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	1	0.41
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	1	0.41
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	3	0.41
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	3	0.41
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	3	0.41
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	4	0.41
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	4	0.41
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	4	0.41
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	12	0.41
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	12	0.41
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	12	0.41
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	26	0.41
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	26	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	26	0.41
(1,3089)	1:333:A:LEU:HG	1:333:A:LEU:HA	12	0.41
(1,3089)	1:333:A:LEU:HG	1:333:A:LEU:HA	25	0.41
(1,3089)	1:333:A:LEU:HG	1:333:A:LEU:HA	26	0.41
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	8	0.41
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	29	0.41
(1,2926)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:H	26	0.41
(1,2841)	1:356:A:VAL:HA	1:359:A:VAL:HG11	2	0.41
(1,2841)	1:356:A:VAL:HA	1:359:A:VAL:HG12	2	0.41
(1,2841)	1:356:A:VAL:HA	1:359:A:VAL:HG13	2	0.41
(1,2789)	1:187:A:LYS:HD3	1:188:A:PRO:HD2	21	0.41
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	3	0.41
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	3	0.41
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	3	0.41
(1,2415)	1:336:A:LYS:HE2	1:337:A:MET:H	18	0.41
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE3	21	0.41
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE3	21	0.41
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE3	21	0.41
(1,1666)	1:202:A:MET:H	1:202:A:MET:HB2	32	0.41
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	16	0.41
(1,1475)	1:313:A:CYS:H	1:198:A:VAL:HG21	20	0.41
(1,1475)	1:313:A:CYS:H	1:198:A:VAL:HG22	20	0.41
(1,1475)	1:313:A:CYS:H	1:198:A:VAL:HG23	20	0.41
(1,1270)	1:286:A:ARG:H	1:286:A:ARG:HG3	11	0.41
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD21	10	0.41
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD22	10	0.41
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD23	10	0.41
(1,804)	1:224:A:GLY:H	1:225:A:MET:HG3	14	0.41
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	15	0.41
(1,340)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HB3	16	0.41
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG11	23	0.41
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG12	23	0.41
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG13	23	0.41
(1,6875)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HD2	7	0.4
(1,6871)	1:198:A:VAL:HG21	1:209:A:LEU:HA	4	0.4
(1,6867)	1:312:A:GLU:HG3	1:208:A:ARG:HG2	5	0.4
(1,6714)	1:391:A:LEU:HD23	1:435:A:ILE:HG21	1	0.4
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD23	1:351:A:GLN:HE21	12	0.4
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG23	1:307:A:LEU:HD12	28	0.4
(1,6639)	1:194:A:LEU:HD22	1:198:A:VAL:HB	35	0.4
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:H	18	0.4
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	21	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6515)	1:325:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HA	14	0.4
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD23	1:409:A:LEU:H	27	0.4
(1,6386)	1:398:A:ILE:HD13	1:392:A:PRO:HD2	7	0.4
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD11	1:374:A:LYS:HA	28	0.4
(1,6306)	1:253:A:THR:HG21	1:251:A:GLU:HB2	23	0.4
(1,6284)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HB3	19	0.4
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG23	1:407:A:PHE:H	13	0.4
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG21	1:407:A:PHE:H	29	0.4
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG3	1:270:A:TYR:H	29	0.4
(1,6194)	1:374:A:LYS:HG2	1:375:A:GLN:H	9	0.4
(1,6194)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:H	13	0.4
(1,6147)	1:225:A:MET:HE2	1:324:A:HIS:HE1	18	0.4
(1,6105)	1:337:A:MET:HE2	1:341:A:ASN:HB2	21	0.4
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG21	1:266:A:LEU:HD21	31	0.4
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD13	1:192:A:ILE:HG13	33	0.4
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD12	1:198:A:VAL:HA	12	0.4
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD13	1:198:A:VAL:HA	28	0.4
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD12	1:371:A:VAL:HB	23	0.4
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	23	0.4
(1,5989)	1:212:A:VAL:HG21	1:255:A:LEU:HD11	12	0.4
(1,5968)	1:315:A:TYR:HE2	1:316:A:LEU:H	2	0.4
(1,5951)	1:274:A:LEU:HD12	1:192:A:ILE:H	27	0.4
(1,5951)	1:274:A:LEU:HD13	1:192:A:ILE:H	34	0.4
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD13	1:407:A:PHE:H	17	0.4
(1,5881)	1:202:A:MET:HE2	1:208:A:ARG:HD3	21	0.4
(1,5881)	1:202:A:MET:HE2	1:208:A:ARG:HD3	31	0.4
(1,5877)	1:318:A:ILE:HD13	1:279:A:LEU:HD12	30	0.4
(1,5844)	1:346:A:LEU:HD22	1:349:A:THR:H	29	0.4
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB1	1:329:A:ILE:HG23	31	0.4
(1,5803)	1:189:A:ILE:HG23	1:197:A:ALA:HB1	16	0.4
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD12	1:395:A:GLN:HG2	7	0.4
(1,5729)	1:300:A:VAL:HG11	1:296:A:GLU:HG3	9	0.4
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD11	1:193:A:PRO:HA	11	0.4
(1,5702)	1:222:A:LYS:HG3	1:223:A:TYR:HD2	12	0.4
(1,5673)	1:319:A:SER:HA	1:316:A:LEU:HD21	21	0.4
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:283:A:LEU:HB3	3	0.4
(1,5647)	1:202:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:H	35	0.4
(1,5605)	1:337:A:MET:HE3	1:342:A:ILE:HA	19	0.4
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	3	0.4
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	31	0.4
(1,5591)	1:272:A:ARG:HD2	1:349:A:THR:HB	21	0.4
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	24	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD23	31	0.4
(1,5370)	1:224:A:GLY:H	1:221:A:GLU:HB3	29	0.4
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:271:A:LEU:HD21	18	0.4
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD13	30	0.4
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	28	0.4
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	16	0.4
(1,5263)	1:419:A:GLY:H	1:416:A:LEU:HB3	7	0.4
(1,5263)	1:419:A:GLY:H	1:416:A:LEU:HG	29	0.4
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	22	0.4
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB1	35	0.4
(1,5074)	1:202:A:MET:H	1:200:A:ARG:HG3	13	0.4
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	6	0.4
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE2	20	0.4
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	27	0.4
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	32	0.4
(1,4958)	1:230:A:ILE:H	1:231:A:TYR:HA	32	0.4
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:401:A:GLU:HG2	11	0.4
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG12	35	0.4
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:278:A:LEU:HD11	26	0.4
(1,4860)	1:261:A:ASN:HD21	1:230:A:ILE:HA	35	0.4
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG22	26	0.4
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:265:A:SER:HB2	30	0.4
(1,4660)	1:202:A:MET:HB3	1:198:A:VAL:HG21	4	0.4
(1,4660)	1:202:A:MET:HB3	1:198:A:VAL:HG22	4	0.4
(1,4660)	1:202:A:MET:HB3	1:198:A:VAL:HG23	4	0.4
(1,4648)	1:308:A:LYS:HD3	1:305:A:ARG:HA	10	0.4
(1,4463)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:H	12	0.4
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	11	0.4
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD13	33	0.4
(1,4042)	1:239:A:LYS:HD3	1:242:A:GLU:HB3	7	0.4
(1,4035)	1:348:A:PRO:HD3	1:346:A:LEU:HB3	12	0.4
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	1	0.4
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	1	0.4
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	1	0.4
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	1	0.4
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	1	0.4
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	1	0.4
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	1	0.4
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	1	0.4
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	1	0.4
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD21	1:334:A:GLU:HG2	17	0.4
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD22	1:334:A:GLU:HG2	17	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD23	1:334:A:GLU:HG2	17	0.4
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG3	15	0.4
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD11	35	0.4
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD12	35	0.4
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD13	35	0.4
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD3	25	0.4
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD3	25	0.4
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	28	0.4
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	28	0.4
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	28	0.4
(1,3089)	1:333:A:LEU:HG	1:333:A:LEU:HA	21	0.4
(1,3089)	1:333:A:LEU:HG	1:333:A:LEU:HA	28	0.4
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD21	14	0.4
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD22	14	0.4
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD23	14	0.4
(1,2982)	1:225:A:MET:HE1	1:327:A:HIS:HB2	8	0.4
(1,2982)	1:225:A:MET:HE2	1:327:A:HIS:HB2	8	0.4
(1,2982)	1:225:A:MET:HE3	1:327:A:HIS:HB2	8	0.4
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	5	0.4
(1,2926)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:H	24	0.4
(1,2729)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HB3	6	0.4
(1,2729)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HG	9	0.4
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD21	1:361:A:PHE:HZ	30	0.4
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD22	1:361:A:PHE:HZ	30	0.4
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD23	1:361:A:PHE:HZ	30	0.4
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	18	0.4
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	18	0.4
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	18	0.4
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	4	0.4
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	12	0.4
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	25	0.4
(1,1778)	1:266:A:LEU:H	1:267:A:LEU:HB3	17	0.4
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG11	20	0.4
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG12	20	0.4
(1,1771)	1:261:A:ASN:H	1:263:A:VAL:HG13	20	0.4
(1,1618)	1:357:A:LEU:H	1:346:A:LEU:HB3	35	0.4
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	18	0.4
(1,1386)	1:312:A:GLU:H	1:313:A:CYS:HB3	10	0.4
(1,1386)	1:312:A:GLU:H	1:313:A:CYS:HB3	31	0.4
(1,805)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HB3	17	0.4
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	19	0.4
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD11	15	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD12	15	0.4
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD13	15	0.4
(1,340)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HB3	9	0.4
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	7	0.4
(1,6853)	1:239:A:LYS:HD3	1:262:A:THR:HG21	28	0.39
(1,6842)	1:212:A:VAL:HA	1:255:A:LEU:HD23	7	0.39
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD11	1:405:A:GLN:HA	9	0.39
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HD12	21	0.39
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	11	0.39
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE1	1:307:A:LEU:HD22	12	0.39
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:H	6	0.39
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	3	0.39
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	34	0.39
(1,6564)	1:203:A:MET:HE3	1:210:A:PRO:HB2	24	0.39
(1,6546)	1:367:A:LEU:HD21	1:363:A:HIS:HB3	27	0.39
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG21	1:358:A:TYR:HE2	7	0.39
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG21	1:361:A:PHE:HZ	32	0.39
(1,6515)	1:325:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HA	25	0.39
(1,6506)	1:312:A:GLU:HG2	1:208:A:ARG:HG2	3	0.39
(1,6502)	1:440:A:LYS:HB3	1:443:A:LEU:HD13	13	0.39
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD13	1:444:A:ARG:H	4	0.39
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD13	1:444:A:ARG:H	35	0.39
(1,6456)	1:197:A:ALA:HB2	1:274:A:LEU:HB3	9	0.39
(1,6453)	1:278:A:LEU:HD11	1:277:A:ASN:HD21	12	0.39
(1,6443)	1:315:A:TYR:HD1	1:307:A:LEU:HG	24	0.39
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:HG21	3	0.39
(1,6414)	1:279:A:LEU:HD13	1:350:A:VAL:HG22	6	0.39
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	18	0.39
(1,6360)	1:278:A:LEU:HD23	1:279:A:LEU:HD21	8	0.39
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG21	1:284:A:MET:HG3	10	0.39
(1,6297)	1:297:A:THR:HG23	1:298:A:GLU:HG2	12	0.39
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD13	1:438:A:ALA:H	27	0.39
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	34	0.39
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG21	1:407:A:PHE:H	8	0.39
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG23	1:407:A:PHE:H	32	0.39
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD21	1:257:A:ASP:HB3	15	0.39
(1,6221)	1:225:A:MET:HE1	1:331:A:LYS:HG2	21	0.39
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG3	1:270:A:TYR:H	4	0.39
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD22	1:253:A:THR:H	18	0.39
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE2	4	0.39
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HE2	15	0.39
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE2	28	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HE2	30	0.39
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:H	15	0.39
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HD22	4	0.39
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HD22	15	0.39
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD13	1:192:A:ILE:HG13	5	0.39
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD11	1:192:A:ILE:HG13	21	0.39
(1,6008)	1:316:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HD13	35	0.39
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	18	0.39
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HA	18	0.39
(1,5969)	1:258:A:TYR:HD1	1:253:A:THR:HG21	21	0.39
(1,5915)	1:352:A:ILE:HD11	1:357:A:LEU:HA	28	0.39
(1,5844)	1:346:A:LEU:HD22	1:349:A:THR:H	12	0.39
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	3	0.39
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HD23	31	0.39
(1,5702)	1:222:A:LYS:HG3	1:223:A:TYR:HD1	16	0.39
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG23	1:325:A:MET:H	34	0.39
(1,5605)	1:337:A:MET:HE3	1:342:A:ILE:HA	17	0.39
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD21	1:407:A:PHE:H	30	0.39
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	2	0.39
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	22	0.39
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD13	24	0.39
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:266:A:LEU:HD12	2	0.39
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD21	24	0.39
(1,5268)	1:241:A:ASP:H	1:236:A:ILE:HG22	19	0.39
(1,5263)	1:419:A:GLY:H	1:416:A:LEU:HG	8	0.39
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	6	0.39
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	9	0.39
(1,5211)	1:428:A:ARG:H	1:425:A:LYS:HD3	26	0.39
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:396:A:ALA:H	9	0.39
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	14	0.39
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB2	19	0.39
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB3	28	0.39
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	18	0.39
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:373:A:LEU:HD11	13	0.39
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:373:A:LEU:HD13	22	0.39
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG23	4	0.39
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG21	12	0.39
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG23	17	0.39
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	11	0.39
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	32	0.39
(1,4990)	1:245:A:ALA:H	1:241:A:ASP:HB3	20	0.39
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	5	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	8	0.39
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	31	0.39
(1,4969)	1:301:A:GLN:HE22	1:301:A:GLN:HA	10	0.39
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	16	0.39
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:401:A:GLU:HG2	7	0.39
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HG12	13	0.39
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:272:A:ARG:HG2	35	0.39
(1,4871)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HD11	32	0.39
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:352:A:ILE:HG12	17	0.39
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG23	1	0.39
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG23	1	0.39
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:337:A:MET:HB3	34	0.39
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	17	0.39
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	31	0.39
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD21	2	0.39
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	6	0.39
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	19	0.39
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	20	0.39
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	25	0.39
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	33	0.39
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	21	0.39
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD11	1:361:A:PHE:HB3	2	0.39
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD12	1:361:A:PHE:HB3	2	0.39
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD13	1:361:A:PHE:HB3	2	0.39
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD21	11	0.39
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD22	11	0.39
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD23	11	0.39
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD21	11	0.39
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD22	11	0.39
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD23	11	0.39
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD21	11	0.39
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD22	11	0.39
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD23	11	0.39
(1,4476)	1:442:A:LYS:HE3	1:398:A:ILE:HD12	31	0.39
(1,4463)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:H	35	0.39
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	4	0.39
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD11	11	0.39
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD11	25	0.39
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD12	34	0.39
(1,4055)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HD11	28	0.39
(1,4055)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HD12	28	0.39
(1,4055)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HD13	28	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4035)	1:348:A:PRO:HD3	1:346:A:LEU:HB3	18	0.39
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD11	18	0.39
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD12	18	0.39
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG21	1:436:A:LEU:HD13	18	0.39
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD11	18	0.39
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD12	18	0.39
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG22	1:436:A:LEU:HD13	18	0.39
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD11	18	0.39
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD12	18	0.39
(1,3832)	1:402:A:ILE:HG23	1:436:A:LEU:HD13	18	0.39
(1,3529)	1:393:A:GLU:HG3	1:442:A:LYS:HE2	5	0.39
(1,3529)	1:393:A:GLU:HG3	1:442:A:LYS:HE2	14	0.39
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE1	13	0.39
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE2	13	0.39
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE1	13	0.39
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE2	13	0.39
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE1	13	0.39
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE2	13	0.39
(1,3353)	1:359:A:VAL:HG11	1:358:A:TYR:H	3	0.39
(1,3353)	1:359:A:VAL:HG12	1:358:A:TYR:H	3	0.39
(1,3353)	1:359:A:VAL:HG13	1:358:A:TYR:H	3	0.39
(1,3315)	1:202:A:MET:HE1	1:206:A:GLY:HA2	9	0.39
(1,3315)	1:202:A:MET:HE2	1:206:A:GLY:HA2	9	0.39
(1,3315)	1:202:A:MET:HE3	1:206:A:GLY:HA2	9	0.39
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD2	7	0.39
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD2	7	0.39
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD3	11	0.39
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD3	11	0.39
(1,3198)	1:351:A:GLN:HG3	1:351:A:GLN:HA	29	0.39
(1,3189)	1:391:A:LEU:HD11	1:442:A:LYS:HE3	21	0.39
(1,3189)	1:391:A:LEU:HD12	1:442:A:LYS:HE3	21	0.39
(1,3189)	1:391:A:LEU:HD13	1:442:A:LYS:HE3	21	0.39
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	9	0.39
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	9	0.39
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	9	0.39
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	10	0.39
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	10	0.39
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	10	0.39
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	22	0.39
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	22	0.39
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	22	0.39
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	35	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	35	0.39
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	35	0.39
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD21	23	0.39
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD22	23	0.39
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD23	23	0.39
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	2	0.39
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	18	0.39
(1,2729)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HG	1	0.39
(1,2729)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HG	4	0.39
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD21	1:361:A:PHE:HZ	17	0.39
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD22	1:361:A:PHE:HZ	17	0.39
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD23	1:361:A:PHE:HZ	17	0.39
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD21	1:361:A:PHE:HZ	35	0.39
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD22	1:361:A:PHE:HZ	35	0.39
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD23	1:361:A:PHE:HZ	35	0.39
(1,2527)	1:377:A:MET:HG2	1:377:A:MET:H	11	0.39
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD21	22	0.39
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD22	22	0.39
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD23	22	0.39
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:HE2	1	0.39
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:HE2	1	0.39
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD23	1:399:A:LYS:HE2	1	0.39
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE2	14	0.39
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE2	14	0.39
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE2	14	0.39
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE2	32	0.39
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE2	32	0.39
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE2	32	0.39
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	29	0.39
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG11	16	0.39
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG12	16	0.39
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG13	16	0.39
(1,1589)	1:266:A:LEU:H	1:243:A:LEU:HD11	19	0.39
(1,1589)	1:266:A:LEU:H	1:243:A:LEU:HD12	19	0.39
(1,1589)	1:266:A:LEU:H	1:243:A:LEU:HD13	19	0.39
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD11	15	0.39
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD12	15	0.39
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD13	15	0.39
(1,1386)	1:312:A:GLU:H	1:313:A:CYS:HB3	21	0.39
(1,1386)	1:312:A:GLU:H	1:313:A:CYS:HB3	26	0.39
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	6	0.39
(1,804)	1:224:A:GLY:H	1:225:A:MET:HG3	33	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,473)	1:293:A:ARG:H	1:298:A:GLU:HG3	14	0.39
(1,421)	1:369:A:GLY:H	1:368:A:PHE:HB2	11	0.39
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD11	1	0.39
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD12	1	0.39
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD13	1	0.39
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	5	0.39
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	25	0.39
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	27	0.39
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG11	32	0.39
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG12	32	0.39
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG13	32	0.39
(2,74)	1:253:A:THR:HG21	1:212:A:VAL:HG21	7	0.38
(2,74)	1:253:A:THR:HG21	1:212:A:VAL:HG22	7	0.38
(2,74)	1:253:A:THR:HG21	1:212:A:VAL:HG23	7	0.38
(2,74)	1:253:A:THR:HG22	1:212:A:VAL:HG21	7	0.38
(2,74)	1:253:A:THR:HG22	1:212:A:VAL:HG22	7	0.38
(2,74)	1:253:A:THR:HG22	1:212:A:VAL:HG23	7	0.38
(2,74)	1:253:A:THR:HG23	1:212:A:VAL:HG21	7	0.38
(2,74)	1:253:A:THR:HG23	1:212:A:VAL:HG22	7	0.38
(2,74)	1:253:A:THR:HG23	1:212:A:VAL:HG23	7	0.38
(2,38)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:H	28	0.38
(2,38)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:H	28	0.38
(2,38)	1:443:A:LEU:HD23	1:399:A:LYS:H	28	0.38
(1,6850)	1:323:A:VAL:HG12	1:368:A:PHE:HD2	27	0.38
(1,6843)	1:357:A:LEU:HD22	1:343:A:SER:HA	23	0.38
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD12	1:405:A:GLN:HA	4	0.38
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD11	1:405:A:GLN:HA	29	0.38
(1,6781)	1:194:A:LEU:HD22	1:210:A:PRO:HG2	24	0.38
(1,6773)	1:262:A:THR:HG22	1:265:A:SER:H	27	0.38
(1,6603)	1:430:A:TRP:HZ2	1:423:A:LEU:HG	16	0.38
(1,6564)	1:203:A:MET:HE3	1:210:A:PRO:HB2	4	0.38
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD21	1:432:A:VAL:HG23	4	0.38
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG23	18	0.38
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG22	1:358:A:TYR:HE2	6	0.38
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:253:A:THR:HG21	32	0.38
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG23	1:401:A:GLU:HG3	7	0.38
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG22	1:401:A:GLU:HG3	34	0.38
(1,6476)	1:317:A:LEU:HD13	1:320:A:TRP:HB3	33	0.38
(1,6472)	1:243:A:LEU:HD12	1:253:A:THR:H	11	0.38
(1,6467)	1:318:A:ILE:HG23	1:315:A:TYR:HD1	19	0.38
(1,6376)	1:377:A:MET:HE1	1:436:A:LEU:HD23	11	0.38
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HD11	26	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6363)	1:266:A:LEU:HD12	1:244:A:LYS:HA	14	0.38
(1,6362)	1:226:A:LYS:HG2	1:226:A:LYS:HE2	6	0.38
(1,6348)	1:409:A:LEU:HD12	1:413:A:HIS:HD2	28	0.38
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG22	1:284:A:MET:HG3	33	0.38
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD11	1:438:A:ALA:H	17	0.38
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG22	1:407:A:PHE:H	7	0.38
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG23	1:407:A:PHE:H	12	0.38
(1,6257)	1:337:A:MET:HE1	1:328:A:VAL:HB	3	0.38
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG23	1:244:A:LYS:H	32	0.38
(1,6205)	1:329:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:HG22	3	0.38
(1,6161)	1:255:A:LEU:HD22	1:212:A:VAL:HG22	8	0.38
(1,6157)	1:380:A:LEU:HD23	1:381:A:ARG:H	28	0.38
(1,6132)	1:342:A:ILE:HD11	1:231:A:TYR:HA	31	0.38
(1,6104)	1:220:A:VAL:HB	1:217:A:ILE:HG13	35	0.38
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD11	1:322:A:ILE:HG22	7	0.38
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HE2	16	0.38
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:H	3	0.38
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	33	0.38
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD13	1:192:A:ILE:HG13	18	0.38
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD12	1:267:A:LEU:HD22	14	0.38
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD11	1:267:A:LEU:HD22	29	0.38
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG2	1:282:A:GLU:HG2	1	0.38
(1,6008)	1:316:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HD12	7	0.38
(1,5969)	1:258:A:TYR:HD1	1:253:A:THR:HG22	23	0.38
(1,5968)	1:315:A:TYR:HE2	1:316:A:LEU:H	32	0.38
(1,5942)	1:358:A:TYR:HB2	1:357:A:LEU:HD22	20	0.38
(1,5909)	1:443:A:LEU:HD11	1:444:A:ARG:H	35	0.38
(1,5880)	1:254:A:ASN:HB3	1:253:A:THR:HG21	17	0.38
(1,5848)	1:377:A:MET:HG3	1:376:A:VAL:HA	32	0.38
(1,5819)	1:284:A:MET:HE2	1:351:A:GLN:HA	9	0.38
(1,5788)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HB2	17	0.38
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	11	0.38
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG22	1:316:A:LEU:HD23	30	0.38
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	16	0.38
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG23	1:335:A:THR:HG22	25	0.38
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD12	1:193:A:PRO:HA	13	0.38
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD12	1:193:A:PRO:HA	25	0.38
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG22	1:325:A:MET:H	16	0.38
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG21	1:325:A:MET:H	21	0.38
(1,5655)	1:346:A:LEU:HD21	1:343:A:SER:HA	15	0.38
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	24	0.38
(1,5591)	1:272:A:ARG:HD2	1:349:A:THR:HB	31	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	5	0.38
(1,5482)	1:398:A:ILE:H	1:395:A:GLN:HG2	14	0.38
(1,5443)	1:225:A:MET:H	1:227:A:CYS:HB2	33	0.38
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD13	25	0.38
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG22	6	0.38
(1,5268)	1:241:A:ASP:H	1:236:A:ILE:HG23	13	0.38
(1,5213)	1:199:A:GLU:H	1:210:A:PRO:HB3	15	0.38
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB1	26	0.38
(1,5148)	1:219:A:TYR:H	1:220:A:VAL:HB	2	0.38
(1,5131)	1:314:A:ASN:HD21	1:314:A:ASN:HA	28	0.38
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	3	0.38
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	13	0.38
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	17	0.38
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE2	28	0.38
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	12	0.38
(1,4958)	1:230:A:ILE:H	1:231:A:TYR:HA	31	0.38
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	9	0.38
(1,4944)	1:395:A:GLN:HE21	1:398:A:ILE:HB	33	0.38
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	33	0.38
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:247:A:TYR:HE2	17	0.38
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HG12	8	0.38
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:278:A:LEU:HD12	23	0.38
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:278:A:LEU:HD12	27	0.38
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:352:A:ILE:HG12	4	0.38
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:352:A:ILE:HG12	25	0.38
(1,4809)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HB2	5	0.38
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG23	5	0.38
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG23	9	0.38
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG21	24	0.38
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	20	0.38
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG23	34	0.38
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD21	30	0.38
(1,4697)	1:440:A:LYS:H	1:398:A:ILE:HG22	13	0.38
(1,4682)	1:359:A:VAL:H	1:303:A:PHE:HE2	31	0.38
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:337:A:MET:HB3	1	0.38
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:337:A:MET:HB3	8	0.38
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB1	1:331:A:LYS:HE2	24	0.38
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB2	1:331:A:LYS:HE2	24	0.38
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB3	1:331:A:LYS:HE2	24	0.38
(1,4476)	1:442:A:LYS:HE3	1:398:A:ILE:HD11	16	0.38
(1,4424)	1:374:A:LYS:HE2	1:374:A:LYS:H	24	0.38
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	15	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4394)	1:393:A:GLU:HB2	1:442:A:LYS:HE3	18	0.38
(1,4329)	1:377:A:MET:HG3	1:204:A:TYR:HD1	21	0.38
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD11	13	0.38
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD12	13	0.38
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD13	13	0.38
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD21	31	0.38
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD22	31	0.38
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD23	31	0.38
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD12	29	0.38
(1,3971)	1:255:A:LEU:HD11	1:247:A:TYR:HE1	14	0.38
(1,3971)	1:255:A:LEU:HD11	1:247:A:TYR:HE2	14	0.38
(1,3971)	1:255:A:LEU:HD12	1:247:A:TYR:HE1	14	0.38
(1,3971)	1:255:A:LEU:HD12	1:247:A:TYR:HE2	14	0.38
(1,3971)	1:255:A:LEU:HD13	1:247:A:TYR:HE1	14	0.38
(1,3971)	1:255:A:LEU:HD13	1:247:A:TYR:HE2	14	0.38
(1,3921)	1:385:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HH2	4	0.38
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD11	6	0.38
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD12	6	0.38
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD13	6	0.38
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD11	11	0.38
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD12	11	0.38
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD13	11	0.38
(1,3426)	1:251:A:GLU:HG3	1:251:A:GLU:H	2	0.38
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HG	20	0.38
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HG	20	0.38
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HG	20	0.38
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG3	25	0.38
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG3	25	0.38
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG3	25	0.38
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	3	0.38
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	9	0.38
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	15	0.38
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	17	0.38
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	34	0.38
(1,2926)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:H	13	0.38
(1,2926)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:H	15	0.38
(1,2729)	1:284:A:MET:HE3	1:279:A:LEU:HG	7	0.38
(1,2693)	1:281:A:LYS:HE3	1:277:A:ASN:H	27	0.38
(1,2543)	1:393:A:GLU:HG2	1:442:A:LYS:HE3	30	0.38
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG11	10	0.38
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG12	10	0.38
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG13	10	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG11	10	0.38
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG12	10	0.38
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG13	10	0.38
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG11	10	0.38
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG12	10	0.38
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG13	10	0.38
(1,2110)	1:226:A:LYS:HG3	1:334:A:GLU:HG3	21	0.38
(1,2106)	1:377:A:MET:HB2	1:204:A:TYR:HD1	23	0.38
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	34	0.38
(1,1618)	1:357:A:LEU:H	1:346:A:LEU:HB3	13	0.38
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	32	0.38
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	34	0.38
(1,1386)	1:312:A:GLU:H	1:313:A:CYS:HB3	20	0.38
(1,1277)	1:394:A:THR:H	1:394:A:THR:HG21	34	0.38
(1,1277)	1:394:A:THR:H	1:394:A:THR:HG22	34	0.38
(1,1277)	1:394:A:THR:H	1:394:A:THR:HG23	34	0.38
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	32	0.38
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	10	0.38
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	14	0.38
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	15	0.38
(2,43)	1:355:A:ARG:HD2	1:356:A:VAL:H	5	0.37
(1,6878)	1:307:A:LEU:HD11	1:360:A:PHE:HZ	24	0.37
(1,6859)	1:278:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HD22	20	0.37
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:446:A:ALA:HB1	8	0.37
(1,6766)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HA	19	0.37
(1,6731)	1:239:A:LYS:HD3	1:243:A:LEU:HD11	22	0.37
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG23	1:307:A:LEU:HD12	25	0.37
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG21	1:360:A:PHE:HB3	10	0.37
(1,6650)	1:240:A:VAL:HG21	1:237:A:LYS:HG3	35	0.37
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD21	1:363:A:HIS:H	33	0.37
(1,6614)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD21	5	0.37
(1,6610)	1:403:A:ARG:HD2	1:400:A:GLU:HA	25	0.37
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD12	1:324:A:HIS:H	21	0.37
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	29	0.37
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG2	18	0.37
(1,6579)	1:198:A:VAL:HG21	1:313:A:CYS:HB3	4	0.37
(1,6540)	1:337:A:MET:HE2	1:232:A:ARG:HD3	28	0.37
(1,6456)	1:197:A:ALA:HB3	1:274:A:LEU:HB3	6	0.37
(1,6456)	1:197:A:ALA:HB3	1:274:A:LEU:HB3	28	0.37
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	9	0.37
(1,6374)	1:243:A:LEU:HD22	1:253:A:THR:HG22	13	0.37
(1,6365)	1:359:A:VAL:HG11	1:360:A:PHE:HB3	20	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6363)	1:266:A:LEU:HD13	1:244:A:LYS:HA	30	0.37
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD12	1:374:A:LYS:HA	27	0.37
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	28	0.37
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG22	1:284:A:MET:HG3	1	0.37
(1,6293)	1:372:A:VAL:HG12	1:371:A:VAL:H	6	0.37
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG23	1:407:A:PHE:H	16	0.37
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD23	1:256:A:GLU:HG3	28	0.37
(1,6224)	1:439:A:LEU:HD13	1:438:A:ALA:H	13	0.37
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG21	1:264:A:ALA:H	15	0.37
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:263:A:VAL:HG23	1	0.37
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:263:A:VAL:HG21	24	0.37
(1,6147)	1:225:A:MET:HE2	1:328:A:VAL:H	8	0.37
(1,6141)	1:409:A:LEU:HD23	1:432:A:VAL:HG12	7	0.37
(1,6082)	1:409:A:LEU:HD13	1:410:A:ASN:HA	15	0.37
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	6	0.37
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	9	0.37
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	19	0.37
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD12	1:192:A:ILE:HG13	4	0.37
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD13	1:267:A:LEU:HD23	16	0.37
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD11	1:198:A:VAL:HA	19	0.37
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD23	7	0.37
(1,5969)	1:258:A:TYR:HD1	1:253:A:THR:HG21	17	0.37
(1,5964)	1:289:A:GLU:HB3	1:306:A:LEU:HD22	5	0.37
(1,5942)	1:358:A:TYR:HB2	1:357:A:LEU:HD21	2	0.37
(1,5930)	1:363:A:HIS:HD2	1:300:A:VAL:HG22	22	0.37
(1,5922)	1:367:A:LEU:HD12	1:366:A:GLU:H	16	0.37
(1,5915)	1:352:A:ILE:HD11	1:357:A:LEU:HA	18	0.37
(1,5908)	1:380:A:LEU:HD11	1:382:A:TRP:HB2	20	0.37
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG22	1:341:A:ASN:HB3	5	0.37
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB3	1:329:A:ILE:HG23	8	0.37
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG23	1:323:A:VAL:HG12	9	0.37
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG23	1:323:A:VAL:HG13	17	0.37
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	18	0.37
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD2	1:306:A:LEU:H	20	0.37
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	24	0.37
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG22	1:316:A:LEU:HD22	18	0.37
(1,5741)	1:351:A:GLN:HG3	1:272:A:ARG:HG2	32	0.37
(1,5729)	1:300:A:VAL:HG11	1:296:A:GLU:HG2	18	0.37
(1,5729)	1:300:A:VAL:HG13	1:301:A:GLN:HG2	22	0.37
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HG22	24	0.37
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD22	1:395:A:GLN:HA	23	0.37
(1,5692)	1:429:A:LEU:HD21	1:426:A:GLU:HA	6	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG21	1:325:A:MET:H	24	0.37
(1,5620)	1:300:A:VAL:HG13	1:303:A:PHE:H	2	0.37
(1,5615)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HB3	23	0.37
(1,5605)	1:337:A:MET:HE2	1:342:A:ILE:HA	7	0.37
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD23	1:407:A:PHE:H	27	0.37
(1,5408)	1:265:A:SER:H	1:261:A:ASN:HB3	16	0.37
(1,5346)	1:370:A:ASN:H	1:323:A:VAL:HG23	25	0.37
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	3	0.37
(1,5311)	1:331:A:LYS:H	1:335:A:THR:HG23	25	0.37
(1,5268)	1:241:A:ASP:H	1:236:A:ILE:HG21	6	0.37
(1,5268)	1:241:A:ASP:H	1:236:A:ILE:HG21	8	0.37
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	2	0.37
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	5	0.37
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	28	0.37
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	30	0.37
(1,5200)	1:269:A:GLN:HE22	1:244:A:LYS:HD2	16	0.37
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD21	33	0.37
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:189:A:ILE:HD11	27	0.37
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	31	0.37
(1,4992)	1:283:A:LEU:H	1:286:A:ARG:HG2	6	0.37
(1,4992)	1:283:A:LEU:H	1:286:A:ARG:HG2	10	0.37
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	9	0.37
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	12	0.37
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	24	0.37
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	33	0.37
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE2	18	0.37
(1,4969)	1:301:A:GLN:HE22	1:301:A:GLN:HA	33	0.37
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	13	0.37
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:400:A:GLU:HG2	34	0.37
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	19	0.37
(1,4934)	1:316:A:LEU:H	1:209:A:LEU:HD11	18	0.37
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG21	22	0.37
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG21	30	0.37
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG22	11	0.37
(1,4758)	1:340:A:GLN:HE22	1:337:A:MET:HB3	20	0.37
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:265:A:SER:HB2	8	0.37
(1,4697)	1:440:A:LYS:H	1:398:A:ILE:HG22	24	0.37
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	4	0.37
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	11	0.37
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD21	32	0.37
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD22	32	0.37
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD23	32	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HA	5	0.37
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HA	5	0.37
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HA	5	0.37
(1,4476)	1:442:A:LYS:HE3	1:398:A:ILE:HD11	19	0.37
(1,4463)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:H	4	0.37
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	20	0.37
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	22	0.37
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD11	1:430:A:TRP:HZ2	28	0.37
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HZ2	28	0.37
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD13	1:430:A:TRP:HZ2	28	0.37
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD11	1:200:A:ARG:HD3	16	0.37
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD12	1:200:A:ARG:HD3	16	0.37
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD13	1:200:A:ARG:HD3	16	0.37
(1,4035)	1:348:A:PRO:HD3	1:346:A:LEU:HB3	11	0.37
(1,4035)	1:348:A:PRO:HD3	1:346:A:LEU:HB3	17	0.37
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	2	0.37
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	2	0.37
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	2	0.37
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	2	0.37
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	2	0.37
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	2	0.37
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	2	0.37
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	2	0.37
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	2	0.37
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	9	0.37
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	9	0.37
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	9	0.37
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	9	0.37
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	9	0.37
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	9	0.37
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	9	0.37
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	9	0.37
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	9	0.37
(1,3882)	1:409:A:LEU:HD23	1:433:A:GLN:HG2	13	0.37
(1,3882)	1:409:A:LEU:HD23	1:433:A:GLN:HG2	14	0.37
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD11	25	0.37
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD12	25	0.37
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD13	25	0.37
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD11	29	0.37
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD12	29	0.37
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD13	29	0.37
(1,3411)	1:366:A:GLU:HA	1:366:A:GLU:HG2	4	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD11	1:304:A:GLN:HG3	11	0.37
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD12	1:304:A:GLN:HG3	11	0.37
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD13	1:304:A:GLN:HG3	11	0.37
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD3	9	0.37
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD3	9	0.37
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	29	0.37
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	29	0.37
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	29	0.37
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	32	0.37
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	32	0.37
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	32	0.37
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD11	14	0.37
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD12	14	0.37
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD13	14	0.37
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD11	14	0.37
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD12	14	0.37
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD13	14	0.37
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD11	14	0.37
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD12	14	0.37
(1,3126)	1:371:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD13	14	0.37
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	14	0.37
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	28	0.37
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE1	1:340:A:GLN:HG3	14	0.37
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE2	1:340:A:GLN:HG3	14	0.37
(1,2789)	1:187:A:LYS:HD3	1:188:A:PRO:HD3	2	0.37
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	27	0.37
(1,2729)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HG	21	0.37
(1,2554)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG2	5	0.37
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	5	0.37
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	5	0.37
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	5	0.37
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	27	0.37
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	27	0.37
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	27	0.37
(1,2450)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:H	3	0.37
(1,2415)	1:336:A:LYS:HE2	1:337:A:MET:H	12	0.37
(1,2245)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:HE3	18	0.37
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE3	13	0.37
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE3	13	0.37
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE3	13	0.37
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	1	0.37
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	7	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	13	0.37
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG11	25	0.37
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG12	25	0.37
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG13	25	0.37
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG11	19	0.37
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG12	19	0.37
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG13	19	0.37
(1,1661)	1:372:A:VAL:H	1:373:A:LEU:HD11	19	0.37
(1,1661)	1:372:A:VAL:H	1:373:A:LEU:HD12	19	0.37
(1,1661)	1:372:A:VAL:H	1:373:A:LEU:HD13	19	0.37
(1,1478)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HB2	3	0.37
(1,1478)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HB2	21	0.37
(1,1397)	1:375:A:GLN:HE22	1:222:A:LYS:HD2	23	0.37
(1,1386)	1:312:A:GLU:H	1:313:A:CYS:HB3	25	0.37
(1,1280)	1:395:A:GLN:HE21	1:444:A:ARG:HD3	23	0.37
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	4	0.37
(1,729)	1:388:A:MET:H	1:389:A:PRO:HD2	22	0.37
(1,357)	1:396:A:ALA:H	1:398:A:ILE:HD13	13	0.37
(1,340)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HB3	1	0.37
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	17	0.37
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	26	0.37
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	29	0.37
(1,70)	1:297:A:THR:H	1:296:A:GLU:HB3	11	0.37
(1,60)	1:375:A:GLN:HE22	1:378:A:LYS:HB2	16	0.37
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	11	0.36
(1,6878)	1:307:A:LEU:HD11	1:360:A:PHE:HZ	22	0.36
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG22	1:416:A:LEU:H	23	0.36
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG23	1:344:A:ILE:H	21	0.36
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD11	1:405:A:GLN:HA	13	0.36
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HD12	32	0.36
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:446:A:ALA:HB3	1	0.36
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:446:A:ALA:HB3	29	0.36
(1,6766)	1:225:A:MET:HE1	1:324:A:HIS:HB3	35	0.36
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	13	0.36
(1,6603)	1:430:A:TRP:HZ2	1:423:A:LEU:HG	6	0.36
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG2	17	0.36
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG22	1:210:A:PRO:HB3	17	0.36
(1,6564)	1:203:A:MET:HE1	1:210:A:PRO:HB2	16	0.36
(1,6536)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HB3	3	0.36
(1,6515)	1:325:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HA	24	0.36
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:HG22	26	0.36
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	29	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD21	1:257:A:ASP:HB3	1	0.36
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD22	1:256:A:GLU:HG3	4	0.36
(1,6238)	1:364:A:VAL:HG23	1:324:A:HIS:H	30	0.36
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG22	1:244:A:LYS:H	21	0.36
(1,6214)	1:281:A:LYS:HG2	1:276:A:GLU:HG3	27	0.36
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD23	1:253:A:THR:H	16	0.36
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD22	1:253:A:THR:H	20	0.36
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD23	1:253:A:THR:H	21	0.36
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HD2	11	0.36
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD13	1:322:A:ILE:HG23	11	0.36
(1,6079)	1:208:A:ARG:HG3	1:312:A:GLU:HA	18	0.36
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HD22	29	0.36
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD13	1:192:A:ILE:HG13	8	0.36
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD22	1:255:A:LEU:HD22	25	0.36
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD13	1:198:A:VAL:HA	20	0.36
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	27	0.36
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:HA	28	0.36
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HG	25	0.36
(1,5954)	1:300:A:VAL:HG23	1:366:A:GLU:HG3	10	0.36
(1,5951)	1:274:A:LEU:HD12	1:192:A:ILE:H	10	0.36
(1,5885)	1:300:A:VAL:HG11	1:296:A:GLU:HB2	16	0.36
(1,5880)	1:254:A:ASN:HB3	1:253:A:THR:HG21	32	0.36
(1,5844)	1:346:A:LEU:HD22	1:349:A:THR:H	9	0.36
(1,5814)	1:376:A:VAL:HG13	1:204:A:TYR:HE1	14	0.36
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD12	1:271:A:LEU:HB3	33	0.36
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD12	1:395:A:GLN:HG2	27	0.36
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG22	1:323:A:VAL:HG11	2	0.36
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG23	1:323:A:VAL:HG11	34	0.36
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	6	0.36
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	13	0.36
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	24	0.36
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HG21	34	0.36
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG11	1:342:A:ILE:HD13	27	0.36
(1,5701)	1:302:A:GLU:HG2	1:286:A:ARG:HD3	28	0.36
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB2	1:266:A:LEU:HD21	35	0.36
(1,5655)	1:346:A:LEU:HD22	1:343:A:SER:HA	32	0.36
(1,5605)	1:337:A:MET:HE3	1:342:A:ILE:HA	34	0.36
(1,5604)	1:412:A:LEU:HD23	1:409:A:LEU:H	1	0.36
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	19	0.36
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	3	0.36
(1,5569)	1:284:A:MET:HE1	1:352:A:ILE:HG21	9	0.36
(1,5569)	1:284:A:MET:HE2	1:352:A:ILE:HG23	20	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5468)	1:351:A:GLN:HE22	1:271:A:LEU:HD22	28	0.36
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	12	0.36
(1,5370)	1:224:A:GLY:H	1:225:A:MET:HE3	6	0.36
(1,5341)	1:302:A:GLU:H	1:303:A:PHE:HE1	16	0.36
(1,5328)	1:185:A:ASN:HD21	1:187:A:LYS:HB2	11	0.36
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG21	10	0.36
(1,5311)	1:331:A:LYS:H	1:335:A:THR:HG21	20	0.36
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	7	0.36
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	14	0.36
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	27	0.36
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	8	0.36
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:253:A:THR:HG21	32	0.36
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HD22	24	0.36
(1,4990)	1:245:A:ALA:H	1:241:A:ASP:HB3	14	0.36
(1,4990)	1:245:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	21	0.36
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	15	0.36
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:395:A:GLN:HG2	23	0.36
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG13	3	0.36
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:416:A:LEU:HD21	6	0.36
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HG12	20	0.36
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG12	27	0.36
(1,4856)	1:425:A:LYS:H	1:423:A:LEU:HD11	5	0.36
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:230:A:ILE:HG23	17	0.36
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:230:A:ILE:HG22	32	0.36
(1,4736)	1:351:A:GLN:HE21	1:348:A:PRO:HB2	33	0.36
(1,4704)	1:394:A:THR:H	1:398:A:ILE:HG23	16	0.36
(1,4697)	1:440:A:LYS:H	1:398:A:ILE:HG23	25	0.36
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	3	0.36
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	5	0.36
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	24	0.36
(1,4476)	1:442:A:LYS:HE3	1:398:A:ILE:HD11	15	0.36
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	16	0.36
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	16	0.36
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	16	0.36
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD21	1:315:A:TYR:H	27	0.36
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD22	1:315:A:TYR:H	27	0.36
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD23	1:315:A:TYR:H	27	0.36
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD12	20	0.36
(1,4035)	1:348:A:PRO:HD3	1:346:A:LEU:HB3	24	0.36
(1,4035)	1:348:A:PRO:HD3	1:346:A:LEU:HB3	35	0.36
(1,3852)	1:358:A:TYR:HE1	1:359:A:VAL:HG11	20	0.36
(1,3852)	1:358:A:TYR:HE1	1:359:A:VAL:HG12	20	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3852)	1:358:A:TYR:HE1	1:359:A:VAL:HG13	20	0.36
(1,3852)	1:358:A:TYR:HE2	1:359:A:VAL:HG11	20	0.36
(1,3852)	1:358:A:TYR:HE2	1:359:A:VAL:HG12	20	0.36
(1,3852)	1:358:A:TYR:HE2	1:359:A:VAL:HG13	20	0.36
(1,3823)	1:377:A:MET:HG2	1:204:A:TYR:HD1	4	0.36
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD21	1:334:A:GLU:HG2	16	0.36
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD22	1:334:A:GLU:HG2	16	0.36
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD23	1:334:A:GLU:HG2	16	0.36
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HB3	6	0.36
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HB3	6	0.36
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HB3	6	0.36
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG2	20	0.36
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD11	9	0.36
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD12	9	0.36
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD13	9	0.36
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD11	22	0.36
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD12	22	0.36
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD13	22	0.36
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD11	34	0.36
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD12	34	0.36
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD13	34	0.36
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HE1	16	0.36
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HE2	16	0.36
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HE1	16	0.36
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HE2	16	0.36
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE1	16	0.36
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE2	16	0.36
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD21	1:217:A:ILE:HD11	4	0.36
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD21	1:217:A:ILE:HD12	4	0.36
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD21	1:217:A:ILE:HD13	4	0.36
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD22	1:217:A:ILE:HD11	4	0.36
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD22	1:217:A:ILE:HD12	4	0.36
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD22	1:217:A:ILE:HD13	4	0.36
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD23	1:217:A:ILE:HD11	4	0.36
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD23	1:217:A:ILE:HD12	4	0.36
(1,3262)	1:267:A:LEU:HD23	1:217:A:ILE:HD13	4	0.36
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD2	13	0.36
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD2	13	0.36
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD3	21	0.36
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD3	21	0.36
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	14	0.36
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	14	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	14	0.36
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	31	0.36
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	31	0.36
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	31	0.36
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD11	1:279:A:LEU:HD11	20	0.36
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD11	1:279:A:LEU:HD12	20	0.36
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD11	1:279:A:LEU:HD13	20	0.36
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD12	1:279:A:LEU:HD11	20	0.36
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD12	1:279:A:LEU:HD12	20	0.36
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD12	1:279:A:LEU:HD13	20	0.36
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD13	1:279:A:LEU:HD11	20	0.36
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD13	1:279:A:LEU:HD12	20	0.36
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD13	1:279:A:LEU:HD13	20	0.36
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	1	0.36
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	23	0.36
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	32	0.36
(1,2784)	1:323:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD11	14	0.36
(1,2784)	1:323:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD12	14	0.36
(1,2784)	1:323:A:VAL:HG21	1:373:A:LEU:HD13	14	0.36
(1,2784)	1:323:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD11	14	0.36
(1,2784)	1:323:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD12	14	0.36
(1,2784)	1:323:A:VAL:HG22	1:373:A:LEU:HD13	14	0.36
(1,2784)	1:323:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD11	14	0.36
(1,2784)	1:323:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD12	14	0.36
(1,2784)	1:323:A:VAL:HG23	1:373:A:LEU:HD13	14	0.36
(1,2714)	1:348:A:PRO:HD2	1:346:A:LEU:HB3	13	0.36
(1,2489)	1:345:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:H	14	0.36
(1,2489)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:H	14	0.36
(1,2489)	1:345:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:H	14	0.36
(1,2466)	1:225:A:MET:HE1	1:331:A:LYS:HD3	20	0.36
(1,2466)	1:225:A:MET:HE2	1:331:A:LYS:HD3	20	0.36
(1,2466)	1:225:A:MET:HE3	1:331:A:LYS:HD3	20	0.36
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	25	0.36
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	25	0.36
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	25	0.36
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	11	0.36
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD21	18	0.36
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD22	18	0.36
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD23	18	0.36
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD11	1:212:A:VAL:HG11	4	0.36
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD11	1:212:A:VAL:HG12	4	0.36
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD11	1:212:A:VAL:HG13	4	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD12	1:212:A:VAL:HG11	4	0.36
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD12	1:212:A:VAL:HG12	4	0.36
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD12	1:212:A:VAL:HG13	4	0.36
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD13	1:212:A:VAL:HG11	4	0.36
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD13	1:212:A:VAL:HG12	4	0.36
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD13	1:212:A:VAL:HG13	4	0.36
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD11	5	0.36
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD12	5	0.36
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD13	5	0.36
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE3	24	0.36
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE3	24	0.36
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE3	24	0.36
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE3	29	0.36
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE3	29	0.36
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE3	29	0.36
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	9	0.36
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD21	29	0.36
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD22	29	0.36
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD23	29	0.36
(1,1635)	1:246:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	34	0.36
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD11	14	0.36
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD12	14	0.36
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD13	14	0.36
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD11	30	0.36
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD12	30	0.36
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD13	30	0.36
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG3	13	0.36
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG3	15	0.36
(1,1298)	1:200:A:ARG:H	1:202:A:MET:HG3	20	0.36
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD21	31	0.36
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD22	31	0.36
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD23	31	0.36
(1,917)	1:357:A:LEU:H	1:360:A:PHE:HB3	20	0.36
(1,804)	1:224:A:GLY:H	1:225:A:MET:HG3	3	0.36
(1,778)	1:191:A:GLY:H	1:273:A:ASP:HA	6	0.36
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	10	0.36
(1,340)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HB3	11	0.36
(1,340)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HB3	15	0.36
(1,340)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HB3	26	0.36
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG11	34	0.36
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG12	34	0.36
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG13	34	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	24	0.36
(1,282)	1:313:A:CYS:H	1:312:A:GLU:HB3	17	0.36
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	24	0.36
(1,68)	1:304:A:GLN:HE22	1:300:A:VAL:HG21	21	0.36
(1,68)	1:304:A:GLN:HE22	1:300:A:VAL:HG22	21	0.36
(1,68)	1:304:A:GLN:HE22	1:300:A:VAL:HG23	21	0.36
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	8	0.35
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	12	0.35
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG21	1:344:A:ILE:H	29	0.35
(1,6853)	1:239:A:LYS:HD3	1:262:A:THR:HG22	29	0.35
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD12	1:405:A:GLN:HA	1	0.35
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD12	1:405:A:GLN:HA	3	0.35
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	34	0.35
(1,6766)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HA	3	0.35
(1,6731)	1:239:A:LYS:HD3	1:243:A:LEU:HD12	29	0.35
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD13	1:230:A:ILE:HG21	15	0.35
(1,6702)	1:342:A:ILE:HG23	1:332:A:GLU:HG3	19	0.35
(1,6634)	1:253:A:THR:HG23	1:244:A:LYS:HA	1	0.35
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:416:A:LEU:HD12	29	0.35
(1,6610)	1:272:A:ARG:HD2	1:349:A:THR:HA	23	0.35
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	1	0.35
(1,6564)	1:203:A:MET:HE3	1:210:A:PRO:HB2	32	0.35
(1,6549)	1:337:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG22	13	0.35
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HB3	14	0.35
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HB3	24	0.35
(1,6402)	1:377:A:MET:HE2	1:378:A:LYS:HA	11	0.35
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD22	1:409:A:LEU:H	16	0.35
(1,6393)	1:278:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HD12	24	0.35
(1,6391)	1:409:A:LEU:HD12	1:413:A:HIS:HE1	30	0.35
(1,6374)	1:243:A:LEU:HD23	1:253:A:THR:HG21	17	0.35
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG22	1:322:A:ILE:HD11	34	0.35
(1,6365)	1:359:A:VAL:HG11	1:360:A:PHE:HB3	7	0.35
(1,6363)	1:266:A:LEU:HD11	1:244:A:LYS:HA	10	0.35
(1,6334)	1:194:A:LEU:HD22	1:313:A:CYS:H	20	0.35
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	19	0.35
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG21	1:284:A:MET:HG3	20	0.35
(1,6316)	1:425:A:LYS:HE3	1:426:A:GLU:H	21	0.35
(1,6283)	1:323:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HG21	22	0.35
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	8	0.35
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG22	1:407:A:PHE:H	24	0.35
(1,6221)	1:225:A:MET:HE2	1:331:A:LYS:HG2	24	0.35
(1,6205)	1:329:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:HG22	4	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG3	1:270:A:TYR:H	3	0.35
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG2	1:270:A:TYR:H	30	0.35
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG3	1:270:A:TYR:H	31	0.35
(1,6160)	1:303:A:PHE:HE1	1:359:A:VAL:HG11	5	0.35
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD11	1:322:A:ILE:HG22	33	0.35
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:H	24	0.35
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HD22	6	0.35
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	18	0.35
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	30	0.35
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD11	1:267:A:LEU:HD21	26	0.35
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD11	1:371:A:VAL:HB	28	0.35
(1,5989)	1:212:A:VAL:HG21	1:255:A:LEU:HD11	7	0.35
(1,5978)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HB	18	0.35
(1,5976)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD22	12	0.35
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HA	35	0.35
(1,5915)	1:352:A:ILE:HD12	1:357:A:LEU:HA	27	0.35
(1,5909)	1:443:A:LEU:HD12	1:444:A:ARG:H	20	0.35
(1,5847)	1:320:A:TRP:HE3	1:209:A:LEU:HG	11	0.35
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB3	1:329:A:ILE:HG22	1	0.35
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB2	1:329:A:ILE:HG23	18	0.35
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	2	0.35
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	16	0.35
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG23	1:316:A:LEU:HD23	31	0.35
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG21	1:316:A:LEU:HD21	34	0.35
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	7	0.35
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	8	0.35
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD11	1:357:A:LEU:HD12	6	0.35
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD11	1:357:A:LEU:HD12	14	0.35
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD11	1:193:A:PRO:HA	6	0.35
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD13	1:193:A:PRO:HA	15	0.35
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG13	1:342:A:ILE:HD12	6	0.35
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG12	1:342:A:ILE:HD13	30	0.35
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG22	30	0.35
(1,5709)	1:212:A:VAL:HG21	1:216:A:CYS:HG	21	0.35
(1,5647)	1:202:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:H	14	0.35
(1,5590)	1:436:A:LEU:HD21	1:405:A:GLN:H	8	0.35
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD21	1:407:A:PHE:H	8	0.35
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	7	0.35
(1,5459)	1:295:A:THR:H	1:294:A:THR:HG23	28	0.35
(1,5443)	1:225:A:MET:H	1:227:A:CYS:HB2	15	0.35
(1,5424)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HD1	16	0.35
(1,5363)	1:277:A:ASN:HD21	1:278:A:LEU:HD21	32	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5341)	1:302:A:GLU:H	1:303:A:PHE:HE1	6	0.35
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG13	4	0.35
(1,5303)	1:277:A:ASN:HD21	1:351:A:GLN:HA	32	0.35
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	2	0.35
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	17	0.35
(1,5200)	1:269:A:GLN:HE22	1:244:A:LYS:HD2	27	0.35
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG3	22	0.35
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:322:A:ILE:HD13	3	0.35
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:373:A:LEU:HD11	29	0.35
(1,4990)	1:245:A:ALA:H	1:241:A:ASP:HB3	30	0.35
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	20	0.35
(1,4944)	1:395:A:GLN:HE21	1:398:A:ILE:HB	19	0.35
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	17	0.35
(1,4929)	1:317:A:LEU:H	1:315:A:TYR:HD2	2	0.35
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:247:A:TYR:HE1	1	0.35
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:429:A:LEU:HD21	21	0.35
(1,4911)	1:269:A:GLN:HE21	1:268:A:LYS:HG3	32	0.35
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HG12	3	0.35
(1,4871)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HD12	13	0.35
(1,4860)	1:261:A:ASN:HD21	1:233:A:VAL:HA	18	0.35
(1,4857)	1:297:A:THR:H	1:293:A:ARG:HB2	27	0.35
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	9	0.35
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:352:A:ILE:HG12	24	0.35
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG23	32	0.35
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HG	33	0.35
(1,4735)	1:219:A:TYR:H	1:223:A:TYR:HD2	4	0.35
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD22	6	0.35
(1,4703)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HB2	20	0.35
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:337:A:MET:HB3	14	0.35
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HA	10	0.35
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HA	10	0.35
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HA	10	0.35
(1,4476)	1:442:A:LYS:HE3	1:398:A:ILE:HD13	7	0.35
(1,4463)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:H	23	0.35
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG11	13	0.35
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG12	13	0.35
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG13	13	0.35
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	25	0.35
(1,4394)	1:393:A:GLU:HB2	1:442:A:LYS:HE2	11	0.35
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	3	0.35
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	3	0.35
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	3	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	13	0.35
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	13	0.35
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	13	0.35
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	29	0.35
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	29	0.35
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	29	0.35
(1,4217)	1:226:A:LYS:HG2	1:334:A:GLU:HG3	4	0.35
(1,4177)	1:362:A:THR:HG21	1:362:A:THR:H	27	0.35
(1,4177)	1:362:A:THR:HG22	1:362:A:THR:H	27	0.35
(1,4177)	1:362:A:THR:HG23	1:362:A:THR:H	27	0.35
(1,4035)	1:348:A:PRO:HD3	1:346:A:LEU:HB3	30	0.35
(1,3968)	1:208:A:ARG:HG3	1:208:A:ARG:H	3	0.35
(1,3860)	1:308:A:LYS:HD3	1:304:A:GLN:HB2	13	0.35
(1,3836)	1:187:A:LYS:HD2	1:188:A:PRO:HD2	4	0.35
(1,3656)	1:226:A:LYS:HB2	1:334:A:GLU:HG3	16	0.35
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HB3	9	0.35
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HB3	9	0.35
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HB3	9	0.35
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG2	33	0.35
(1,3455)	1:372:A:VAL:HG21	1:374:A:LYS:HE3	1	0.35
(1,3455)	1:372:A:VAL:HG22	1:374:A:LYS:HE3	1	0.35
(1,3455)	1:372:A:VAL:HG23	1:374:A:LYS:HE3	1	0.35
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD3	15	0.35
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD3	15	0.35
(1,3218)	1:263:A:VAL:HG22	1:216:A:CYS:HG	35	0.35
(1,3198)	1:351:A:GLN:HG3	1:351:A:GLN:HA	1	0.35
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	7	0.35
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	7	0.35
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	7	0.35
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD11	28	0.35
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD12	28	0.35
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD13	28	0.35
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD11	28	0.35
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD12	28	0.35
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD13	28	0.35
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD11	28	0.35
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD12	28	0.35
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD13	28	0.35
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	13	0.35
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	19	0.35
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	25	0.35
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD11	18	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	18	0.35
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	18	0.35
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	18	0.35
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	18	0.35
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	18	0.35
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	18	0.35
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	18	0.35
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	18	0.35
(1,2789)	1:187:A:LYS:HD3	1:188:A:PRO:HD2	10	0.35
(1,2755)	1:374:A:LYS:HE2	1:372:A:VAL:HG11	6	0.35
(1,2755)	1:374:A:LYS:HE2	1:372:A:VAL:HG12	6	0.35
(1,2755)	1:374:A:LYS:HE2	1:372:A:VAL:HG13	6	0.35
(1,2729)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HB3	24	0.35
(1,2693)	1:281:A:LYS:HE3	1:277:A:ASN:H	33	0.35
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	4	0.35
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	4	0.35
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	4	0.35
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	15	0.35
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	15	0.35
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	15	0.35
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	22	0.35
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	22	0.35
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	22	0.35
(1,2410)	1:296:A:GLU:HB3	1:300:A:VAL:HG11	10	0.35
(1,2410)	1:296:A:GLU:HB3	1:300:A:VAL:HG12	10	0.35
(1,2410)	1:296:A:GLU:HB3	1:300:A:VAL:HG13	10	0.35
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD11	10	0.35
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD12	10	0.35
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD13	10	0.35
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD21	1:304:A:GLN:HG2	28	0.35
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD22	1:304:A:GLN:HG2	28	0.35
(1,2310)	1:307:A:LEU:HD23	1:304:A:GLN:HG2	28	0.35
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:HE2	26	0.35
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:HE2	26	0.35
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD23	1:399:A:LYS:HE2	26	0.35
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD11	3	0.35
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD12	3	0.35
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD13	3	0.35
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	26	0.35
(1,1803)	1:424:A:SER:H	1:423:A:LEU:HB3	13	0.35
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	21	0.35
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	35	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1478)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HB2	8	0.35
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD11	17	0.35
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD12	17	0.35
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD13	17	0.35
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG2	35	0.35
(1,1348)	1:249:A:ARG:H	1:251:A:GLU:HG2	9	0.35
(1,1270)	1:286:A:ARG:H	1:286:A:ARG:HG3	18	0.35
(1,1158)	1:248:A:ASP:H	1:249:A:ARG:HG2	23	0.35
(1,854)	1:201:A:THR:H	1:202:A:MET:HG3	21	0.35
(1,357)	1:396:A:ALA:H	1:398:A:ILE:HD11	31	0.35
(1,340)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HB3	34	0.35
(1,340)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HB3	35	0.35
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	15	0.35
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	20	0.35
(1,70)	1:297:A:THR:H	1:296:A:GLU:HB3	18	0.35
(1,68)	1:304:A:GLN:HE22	1:300:A:VAL:HG21	10	0.35
(1,68)	1:304:A:GLN:HE22	1:300:A:VAL:HG22	10	0.35
(1,68)	1:304:A:GLN:HE22	1:300:A:VAL:HG23	10	0.35
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	2	0.34
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	4	0.34
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	5	0.34
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	14	0.34
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	30	0.34
(1,6875)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HD2	8	0.34
(1,6859)	1:278:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HD22	21	0.34
(1,6853)	1:239:A:LYS:HD3	1:262:A:THR:HG22	32	0.34
(1,6851)	1:371:A:VAL:HG11	1:323:A:VAL:HG11	12	0.34
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD11	1:408:A:LEU:H	8	0.34
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:394:A:THR:HG22	17	0.34
(1,6757)	1:266:A:LEU:HD23	1:270:A:TYR:HB2	31	0.34
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD12	1:345:A:VAL:HG21	8	0.34
(1,6655)	1:244:A:LYS:HD2	1:269:A:GLN:HB2	2	0.34
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD21	1:363:A:HIS:H	19	0.34
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	3	0.34
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG2	6	0.34
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG2	33	0.34
(1,6564)	1:203:A:MET:HE2	1:210:A:PRO:HB2	15	0.34
(1,6515)	1:325:A:MET:HE2	1:217:A:ILE:HA	4	0.34
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG11	1:231:A:TYR:HD1	5	0.34
(1,6467)	1:318:A:ILE:HG21	1:315:A:TYR:HD1	5	0.34
(1,6456)	1:197:A:ALA:HB3	1:274:A:LEU:HB3	5	0.34
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD23	1:409:A:LEU:H	3	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD21	1:409:A:LEU:H	8	0.34
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD23	1:409:A:LEU:H	35	0.34
(1,6393)	1:278:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HD13	34	0.34
(1,6385)	1:217:A:ILE:HA	1:325:A:MET:HE2	4	0.34
(1,6368)	1:334:A:GLU:HG3	1:331:A:LYS:HD3	7	0.34
(1,6363)	1:266:A:LEU:HD12	1:244:A:LYS:HA	20	0.34
(1,6362)	1:226:A:LYS:HG2	1:226:A:LYS:HE2	7	0.34
(1,6334)	1:194:A:LEU:HD21	1:198:A:VAL:H	19	0.34
(1,6330)	1:228:A:GLU:HB2	1:227:A:CYS:HB3	8	0.34
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	33	0.34
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG21	1:284:A:MET:HG3	27	0.34
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG22	1:284:A:MET:HG3	34	0.34
(1,6315)	1:283:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HD23	16	0.34
(1,6297)	1:297:A:THR:HG23	1:298:A:GLU:HG2	32	0.34
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD11	1:438:A:ALA:H	23	0.34
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG23	1:407:A:PHE:H	14	0.34
(1,6257)	1:337:A:MET:HE2	1:328:A:VAL:HB	18	0.34
(1,6257)	1:337:A:MET:HE2	1:328:A:VAL:HB	20	0.34
(1,6241)	1:217:A:ILE:HG22	1:324:A:HIS:H	14	0.34
(1,6224)	1:439:A:LEU:HD13	1:438:A:ALA:H	31	0.34
(1,6221)	1:225:A:MET:HE1	1:331:A:LYS:HG2	20	0.34
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG3	1:270:A:TYR:H	10	0.34
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG3	1:270:A:TYR:H	27	0.34
(1,6161)	1:274:A:LEU:HD21	1:212:A:VAL:HG22	21	0.34
(1,6160)	1:303:A:PHE:HE1	1:359:A:VAL:HG12	24	0.34
(1,6157)	1:380:A:LEU:HD22	1:381:A:ARG:H	14	0.34
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD12	1:322:A:ILE:HG22	9	0.34
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HE2	9	0.34
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	5	0.34
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	32	0.34
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD12	1:267:A:LEU:HD22	3	0.34
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD11	1:371:A:VAL:HB	22	0.34
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	12	0.34
(1,5951)	1:274:A:LEU:HD11	1:192:A:ILE:H	22	0.34
(1,5948)	1:189:A:ILE:HD13	1:196:A:ASP:HB3	7	0.34
(1,5945)	1:203:A:MET:HE2	1:247:A:TYR:HE1	17	0.34
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD13	1:407:A:PHE:H	33	0.34
(1,5819)	1:284:A:MET:HE2	1:351:A:GLN:HA	17	0.34
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG22	1:323:A:VAL:HG13	30	0.34
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD12	1:357:A:LEU:HD13	15	0.34
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD11	1:193:A:PRO:HA	22	0.34
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD11	1:193:A:PRO:HA	33	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD12	1:193:A:PRO:HA	34	0.34
(1,5686)	1:345:A:VAL:HG13	1:232:A:ARG:HB2	6	0.34
(1,5673)	1:319:A:SER:HA	1:316:A:LEU:HD12	22	0.34
(1,5661)	1:415:A:ASP:HB2	1:416:A:LEU:HB3	7	0.34
(1,5655)	1:346:A:LEU:HD23	1:343:A:SER:HA	19	0.34
(1,5605)	1:337:A:MET:HE1	1:342:A:ILE:HA	20	0.34
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	25	0.34
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD22	1:407:A:PHE:H	18	0.34
(1,5569)	1:284:A:MET:HE1	1:352:A:ILE:HG21	14	0.34
(1,5569)	1:284:A:MET:HE1	1:352:A:ILE:HG23	17	0.34
(1,5568)	1:373:A:LEU:HD12	1:324:A:HIS:HD2	4	0.34
(1,5408)	1:265:A:SER:H	1:261:A:ASN:HB3	34	0.34
(1,5407)	1:214:A:ARG:H	1:209:A:LEU:HG	15	0.34
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	18	0.34
(1,5360)	1:431:A:GLU:H	1:433:A:GLN:HE21	33	0.34
(1,5352)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:HA	16	0.34
(1,5346)	1:370:A:ASN:H	1:323:A:VAL:HG21	30	0.34
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD11	27	0.34
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	30	0.34
(1,5290)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HB2	35	0.34
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	16	0.34
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	10	0.34
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	28	0.34
(1,5231)	1:255:A:LEU:H	1:255:A:LEU:HD22	32	0.34
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	18	0.34
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	23	0.34
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	2	0.34
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:255:A:LEU:HD12	28	0.34
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD21	19	0.34
(1,5163)	1:327:A:HIS:H	1:364:A:VAL:HG13	23	0.34
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB3	12	0.34
(1,5121)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HD12	21	0.34
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HD22	23	0.34
(1,5056)	1:372:A:VAL:H	1:370:A:ASN:HB2	18	0.34
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	10	0.34
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	21	0.34
(1,4977)	1:253:A:THR:H	1:251:A:GLU:HB2	23	0.34
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE2	27	0.34
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:247:A:TYR:HE1	22	0.34
(1,4898)	1:229:A:GLY:H	1:232:A:ARG:HB2	21	0.34
(1,4876)	1:327:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HD22	7	0.34
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	5	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	21	0.34
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:271:A:LEU:HD22	19	0.34
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG22	18	0.34
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG23	27	0.34
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD21	15	0.34
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD22	29	0.34
(1,4689)	1:298:A:GLU:H	1:293:A:ARG:HG2	30	0.34
(1,4424)	1:374:A:LYS:HE2	1:374:A:LYS:H	20	0.34
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG11	15	0.34
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG12	15	0.34
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG13	15	0.34
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	13	0.34
(1,4389)	1:416:A:LEU:HD11	1:426:A:GLU:HG3	18	0.34
(1,4389)	1:416:A:LEU:HD12	1:426:A:GLU:HG3	18	0.34
(1,4389)	1:416:A:LEU:HD13	1:426:A:GLU:HG3	18	0.34
(1,4329)	1:377:A:MET:HG3	1:204:A:TYR:HE1	20	0.34
(1,4177)	1:362:A:THR:HG21	1:362:A:THR:H	28	0.34
(1,4177)	1:362:A:THR:HG22	1:362:A:THR:H	28	0.34
(1,4177)	1:362:A:THR:HG23	1:362:A:THR:H	28	0.34
(1,3656)	1:226:A:LYS:HB2	1:334:A:GLU:HG3	8	0.34
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HB3	17	0.34
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HB3	17	0.34
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HB3	17	0.34
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD11	23	0.34
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD12	23	0.34
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD13	23	0.34
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD11	24	0.34
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD12	24	0.34
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD13	24	0.34
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD3	10	0.34
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD3	10	0.34
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD2	16	0.34
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD2	16	0.34
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	10	0.34
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	16	0.34
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	30	0.34
(1,2943)	1:185:A:ASN:HB2	1:186:A:LEU:HB2	35	0.34
(1,2729)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HB3	25	0.34
(1,2714)	1:348:A:PRO:HD2	1:346:A:LEU:HB3	2	0.34
(1,2708)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HA	4	0.34
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD21	1:361:A:PHE:HZ	24	0.34
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD22	1:361:A:PHE:HZ	24	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD23	1:361:A:PHE:HZ	24	0.34
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	14	0.34
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	14	0.34
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	14	0.34
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	22	0.34
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD11	1	0.34
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD12	1	0.34
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD13	1	0.34
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HB3	27	0.34
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD12	1:227:A:CYS:HB3	27	0.34
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD13	1:227:A:CYS:HB3	27	0.34
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD11	1	0.34
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD12	1	0.34
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD13	1	0.34
(1,2124)	1:187:A:LYS:HD3	1:187:A:LYS:H	31	0.34
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE3	10	0.34
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE3	10	0.34
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE3	10	0.34
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE3	12	0.34
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE3	12	0.34
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE3	12	0.34
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE3	26	0.34
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE3	26	0.34
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE3	26	0.34
(1,2110)	1:226:A:LYS:HG3	1:334:A:GLU:HG3	1	0.34
(1,1635)	1:246:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	4	0.34
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	14	0.34
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD11	6	0.34
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD12	6	0.34
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD13	6	0.34
(1,1397)	1:375:A:GLN:HE22	1:222:A:LYS:HD2	29	0.34
(1,1287)	1:293:A:ARG:H	1:299:A:LYS:HE2	4	0.34
(1,1287)	1:293:A:ARG:H	1:299:A:LYS:HE2	30	0.34
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD21	4	0.34
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD22	4	0.34
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD23	4	0.34
(1,924)	1:351:A:GLN:HE22	1:272:A:ARG:HD2	33	0.34
(1,801)	1:222:A:LYS:H	1:219:A:TYR:HB2	35	0.34
(1,685)	1:370:A:ASN:H	1:368:A:PHE:HA	6	0.34
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	23	0.34
(1,340)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HB3	7	0.34
(1,340)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HB3	23	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,340)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HB3	29	0.34
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	23	0.34
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	13	0.34
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	15	0.34
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	6	0.33
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	29	0.33
(2,43)	1:355:A:ARG:HD2	1:356:A:VAL:H	8	0.33
(2,43)	1:355:A:ARG:HD2	1:356:A:VAL:H	9	0.33
(2,38)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:H	21	0.33
(2,38)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:H	21	0.33
(2,38)	1:443:A:LEU:HD23	1:399:A:LYS:H	21	0.33
(1,6871)	1:198:A:VAL:HG23	1:209:A:LEU:HA	7	0.33
(1,6853)	1:239:A:LYS:HD3	1:262:A:THR:HG23	10	0.33
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD21	1:309:A:GLU:HG3	35	0.33
(1,6816)	1:219:A:TYR:HE2	1:230:A:ILE:HD13	27	0.33
(1,6773)	1:262:A:THR:HG23	1:265:A:SER:H	16	0.33
(1,6766)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HA	12	0.33
(1,6714)	1:391:A:LEU:HD22	1:439:A:LEU:HD21	29	0.33
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HE2	23	0.33
(1,6660)	1:210:A:PRO:HB3	1:274:A:LEU:HD21	25	0.33
(1,6654)	1:300:A:VAL:HG13	1:299:A:LYS:H	21	0.33
(1,6650)	1:240:A:VAL:HG22	1:237:A:LYS:HG3	6	0.33
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:H	14	0.33
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG2	3	0.33
(1,6537)	1:194:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HA	5	0.33
(1,6515)	1:325:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HA	30	0.33
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:HG23	23	0.33
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG21	1:189:A:ILE:HB	16	0.33
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	12	0.33
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD21	1:426:A:GLU:HG2	6	0.33
(1,6393)	1:278:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HD13	30	0.33
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD11	1:210:A:PRO:HA	20	0.33
(1,6330)	1:228:A:GLU:HB2	1:227:A:CYS:HB3	5	0.33
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	9	0.33
(1,6297)	1:297:A:THR:HG21	1:298:A:GLU:HG2	33	0.33
(1,6238)	1:364:A:VAL:HG22	1:324:A:HIS:H	9	0.33
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG21	1:244:A:LYS:H	13	0.33
(1,6214)	1:281:A:LYS:HG2	1:276:A:GLU:HG3	14	0.33
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG3	1:272:A:ARG:H	34	0.33
(1,6141)	1:409:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG22	12	0.33
(1,6104)	1:220:A:VAL:HB	1:217:A:ILE:HG13	7	0.33
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE2	11	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:H	16	0.33
(1,6054)	1:283:A:LEU:HD22	1:310:A:LEU:HD22	23	0.33
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	3	0.33
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	23	0.33
(1,6019)	1:335:A:THR:HG22	1:227:A:CYS:HB3	28	0.33
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD11	1:371:A:VAL:HB	10	0.33
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	10	0.33
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	14	0.33
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD11	1:284:A:MET:HE2	8	0.33
(1,5966)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HG	17	0.33
(1,5945)	1:203:A:MET:HE1	1:247:A:TYR:HE2	1	0.33
(1,5915)	1:352:A:ILE:HD13	1:357:A:LEU:HA	29	0.33
(1,5909)	1:443:A:LEU:HD11	1:444:A:ARG:H	23	0.33
(1,5909)	1:443:A:LEU:HD12	1:444:A:ARG:H	27	0.33
(1,5880)	1:254:A:ASN:HB3	1:253:A:THR:HG22	23	0.33
(1,5848)	1:377:A:MET:HG3	1:405:A:GLN:HA	24	0.33
(1,5847)	1:320:A:TRP:HE3	1:209:A:LEU:HG	18	0.33
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG22	1:341:A:ASN:HB3	7	0.33
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB2	1:329:A:ILE:HG23	2	0.33
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB2	1:329:A:ILE:HG21	6	0.33
(1,5814)	1:371:A:VAL:HG23	1:370:A:ASN:HD21	6	0.33
(1,5779)	1:438:A:ALA:HB3	1:441:A:ARG:HD3	3	0.33
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	30	0.33
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	26	0.33
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD13	1:193:A:PRO:HA	3	0.33
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG21	29	0.33
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG22	1:325:A:MET:H	14	0.33
(1,5660)	1:284:A:MET:HE1	1:280:A:THR:HA	8	0.33
(1,5660)	1:284:A:MET:HE3	1:280:A:THR:HA	32	0.33
(1,5590)	1:436:A:LEU:HD22	1:405:A:GLN:H	15	0.33
(1,5590)	1:436:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:H	28	0.33
(1,5443)	1:225:A:MET:H	1:227:A:CYS:HB2	11	0.33
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:266:A:LEU:HD11	21	0.33
(1,5370)	1:224:A:GLY:H	1:221:A:GLU:HB3	9	0.33
(1,5346)	1:370:A:ASN:H	1:371:A:VAL:HG11	7	0.33
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	8	0.33
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	16	0.33
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG23	9	0.33
(1,5314)	1:254:A:ASN:HD21	1:256:A:GLU:HA	35	0.33
(1,5268)	1:241:A:ASP:H	1:236:A:ILE:HG22	22	0.33
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	4	0.33
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	35	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5211)	1:428:A:ARG:H	1:425:A:LYS:HD3	32	0.33
(1,5187)	1:257:A:ASP:H	1:254:A:ASN:HB3	11	0.33
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB1	23	0.33
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB1	31	0.33
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB3	33	0.33
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:236:A:ILE:HB	31	0.33
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	17	0.33
(1,5056)	1:372:A:VAL:H	1:370:A:ASN:HB2	2	0.33
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG21	35	0.33
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	30	0.33
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE2	9	0.33
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE1	16	0.33
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE2	26	0.33
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	8	0.33
(1,4934)	1:316:A:LEU:H	1:209:A:LEU:HD13	11	0.33
(1,4894)	1:253:A:THR:H	1:246:A:ALA:HB3	15	0.33
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:278:A:LEU:HD12	15	0.33
(1,4849)	1:359:A:VAL:H	1:356:A:VAL:HG21	14	0.33
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	24	0.33
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	28	0.33
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG22	19	0.33
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	10	0.33
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	27	0.33
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	32	0.33
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG22	2	0.33
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG23	19	0.33
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	12	0.33
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	4	0.33
(1,4682)	1:328:A:VAL:H	1:231:A:TYR:HE2	6	0.33
(1,4682)	1:328:A:VAL:H	1:231:A:TYR:HE2	33	0.33
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:337:A:MET:HB3	17	0.33
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB1	1:331:A:LYS:HE3	1	0.33
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB2	1:331:A:LYS:HE3	1	0.33
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB3	1:331:A:LYS:HE3	1	0.33
(1,4476)	1:442:A:LYS:HE3	1:398:A:ILE:HD11	34	0.33
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB1	1:251:A:GLU:HG2	18	0.33
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB2	1:251:A:GLU:HG2	18	0.33
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB3	1:251:A:GLU:HG2	18	0.33
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	15	0.33
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	15	0.33
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	15	0.33
(1,4217)	1:226:A:LYS:HG2	1:334:A:GLU:HG3	21	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG11	1:231:A:TYR:HB3	13	0.33
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG12	1:231:A:TYR:HB3	13	0.33
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG13	1:231:A:TYR:HB3	13	0.33
(1,3772)	1:332:A:GLU:HG2	1:329:A:ILE:HA	10	0.33
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD21	1:318:A:ILE:H	3	0.33
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:H	3	0.33
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:H	3	0.33
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD11	15	0.33
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD12	15	0.33
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD13	15	0.33
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD11	26	0.33
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD12	26	0.33
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD13	26	0.33
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD3	32	0.33
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD3	32	0.33
(1,2982)	1:225:A:MET:HE1	1:327:A:HIS:HB3	18	0.33
(1,2982)	1:225:A:MET:HE2	1:327:A:HIS:HB3	18	0.33
(1,2982)	1:225:A:MET:HE3	1:327:A:HIS:HB3	18	0.33
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE1	1:340:A:GLN:HG3	13	0.33
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE2	1:340:A:GLN:HG3	13	0.33
(1,2729)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HG	13	0.33
(1,2729)	1:284:A:MET:HE3	1:279:A:LEU:HG	28	0.33
(1,2714)	1:348:A:PRO:HD2	1:346:A:LEU:HB3	6	0.33
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD21	1:361:A:PHE:HZ	28	0.33
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD22	1:361:A:PHE:HZ	28	0.33
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD23	1:361:A:PHE:HZ	28	0.33
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	17	0.33
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	17	0.33
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	17	0.33
(1,2450)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:H	14	0.33
(1,2284)	1:223:A:TYR:HE1	1:256:A:GLU:HG3	33	0.33
(1,2284)	1:223:A:TYR:HE2	1:256:A:GLU:HG3	33	0.33
(1,2245)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:HE3	8	0.33
(1,2245)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:HE3	32	0.33
(1,2216)	1:203:A:MET:HE2	1:204:A:TYR:HD1	11	0.33
(1,2163)	1:307:A:LEU:HD11	1:306:A:LEU:H	6	0.33
(1,2163)	1:307:A:LEU:HD12	1:306:A:LEU:H	6	0.33
(1,2163)	1:307:A:LEU:HD13	1:306:A:LEU:H	6	0.33
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE3	20	0.33
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE3	20	0.33
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE3	20	0.33
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	11	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	16	0.33
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG21	21	0.33
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG22	21	0.33
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG23	21	0.33
(1,1661)	1:372:A:VAL:H	1:373:A:LEU:HD11	4	0.33
(1,1661)	1:372:A:VAL:H	1:373:A:LEU:HD12	4	0.33
(1,1661)	1:372:A:VAL:H	1:373:A:LEU:HD13	4	0.33
(1,1661)	1:372:A:VAL:H	1:373:A:LEU:HD11	30	0.33
(1,1661)	1:372:A:VAL:H	1:373:A:LEU:HD12	30	0.33
(1,1661)	1:372:A:VAL:H	1:373:A:LEU:HD13	30	0.33
(1,1635)	1:246:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	14	0.33
(1,1478)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HB2	17	0.33
(1,1348)	1:249:A:ARG:H	1:251:A:GLU:HG3	7	0.33
(1,1298)	1:200:A:ARG:H	1:202:A:MET:HG3	32	0.33
(1,1280)	1:395:A:GLN:HE21	1:444:A:ARG:HD3	5	0.33
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	1	0.33
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	12	0.33
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD21	33	0.33
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD22	33	0.33
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD23	33	0.33
(1,804)	1:224:A:GLY:H	1:225:A:MET:HG3	4	0.33
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	16	0.33
(1,357)	1:396:A:ALA:H	1:398:A:ILE:HD12	14	0.33
(1,357)	1:396:A:ALA:H	1:398:A:ILE:HD12	26	0.33
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	6	0.33
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	11	0.33
(1,148)	1:248:A:ASP:H	1:249:A:ARG:HB2	5	0.33
(1,148)	1:248:A:ASP:H	1:249:A:ARG:HB2	16	0.33
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	6	0.33
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	25	0.32
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	35	0.32
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	5	0.32
(1,6875)	1:423:A:LEU:HD21	1:430:A:TRP:HH2	32	0.32
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG21	1:416:A:LEU:H	34	0.32
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG21	1:344:A:ILE:H	18	0.32
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD23	1:309:A:GLU:HG3	30	0.32
(1,6792)	1:258:A:TYR:HD1	1:240:A:VAL:HG23	31	0.32
(1,6766)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HA	28	0.32
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE1	1:307:A:LEU:HD23	13	0.32
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD12	1:230:A:ILE:H	27	0.32
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD21	1:363:A:HIS:H	30	0.32
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	31	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6591)	1:438:A:ALA:HB3	1:435:A:ILE:HG21	15	0.32
(1,6591)	1:438:A:ALA:HB2	1:435:A:ILE:HG21	24	0.32
(1,6560)	1:278:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HE1	32	0.32
(1,6525)	1:203:A:MET:HE1	1:207:A:ILE:HG12	23	0.32
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:255:A:LEU:HD11	31	0.32
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HG21	21	0.32
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HG21	27	0.32
(1,6406)	1:243:A:LEU:HD13	1:266:A:LEU:HD21	16	0.32
(1,6365)	1:359:A:VAL:HG13	1:360:A:PHE:HB3	2	0.32
(1,6360)	1:278:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HD22	15	0.32
(1,6332)	1:267:A:LEU:HD21	1:213:A:PHE:HZ	17	0.32
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	23	0.32
(1,6324)	1:371:A:VAL:HG11	1:323:A:VAL:HB	7	0.32
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD13	1:438:A:ALA:H	28	0.32
(1,6221)	1:225:A:MET:HE2	1:331:A:LYS:HG2	33	0.32
(1,6161)	1:274:A:LEU:HD23	1:212:A:VAL:HG21	15	0.32
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:263:A:VAL:HG23	26	0.32
(1,6141)	1:409:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG22	32	0.32
(1,6132)	1:342:A:ILE:HD11	1:335:A:THR:HG1	8	0.32
(1,6085)	1:374:A:LYS:HE3	1:207:A:ILE:HD12	22	0.32
(1,6079)	1:208:A:ARG:HG2	1:312:A:GLU:HA	31	0.32
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	17	0.32
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	20	0.32
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	26	0.32
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	28	0.32
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	34	0.32
(1,6040)	1:274:A:LEU:HD11	1:192:A:ILE:HG13	32	0.32
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD23	1:255:A:LEU:HD23	4	0.32
(1,6000)	1:225:A:MET:HE3	1:326:A:ASP:H	33	0.32
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	13	0.32
(1,5978)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HB	24	0.32
(1,5951)	1:274:A:LEU:HD12	1:192:A:ILE:H	13	0.32
(1,5948)	1:189:A:ILE:HD12	1:196:A:ASP:HB3	29	0.32
(1,5944)	1:255:A:LEU:HD11	1:255:A:LEU:H	15	0.32
(1,5944)	1:255:A:LEU:HD12	1:255:A:LEU:H	32	0.32
(1,5885)	1:300:A:VAL:HG11	1:296:A:GLU:HB2	6	0.32
(1,5853)	1:393:A:GLU:HG3	1:394:A:THR:HG21	32	0.32
(1,5847)	1:320:A:TRP:HE3	1:209:A:LEU:HG	2	0.32
(1,5844)	1:346:A:LEU:HD23	1:349:A:THR:H	24	0.32
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG23	1:341:A:ASN:HB3	18	0.32
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG21	1:341:A:ASN:HB3	34	0.32
(1,5819)	1:284:A:MET:HE3	1:351:A:GLN:HA	13	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB3	1:329:A:ILE:HG22	22	0.32
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD2	1:306:A:LEU:H	31	0.32
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	11	0.32
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG23	1:325:A:MET:H	25	0.32
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB1	1:255:A:LEU:HD22	12	0.32
(1,5647)	1:202:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:H	28	0.32
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD21	1:439:A:LEU:HB2	22	0.32
(1,5591)	1:272:A:ARG:HD2	1:349:A:THR:HB	27	0.32
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	10	0.32
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HD12	13	0.32
(1,5462)	1:417:A:GLN:HE22	1:416:A:LEU:HD13	35	0.32
(1,5408)	1:265:A:SER:H	1:261:A:ASN:HB3	33	0.32
(1,5386)	1:269:A:GLN:HE21	1:244:A:LYS:HD2	14	0.32
(1,5343)	1:332:A:GLU:H	1:331:A:LYS:HE2	10	0.32
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD2	35	0.32
(1,5263)	1:419:A:GLY:H	1:416:A:LEU:HG	27	0.32
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	7	0.32
(1,5200)	1:269:A:GLN:HE22	1:244:A:LYS:HD2	23	0.32
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD21	30	0.32
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB3	24	0.32
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG23	27	0.32
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG23	28	0.32
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:322:A:ILE:HD12	1	0.32
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:322:A:ILE:HD11	15	0.32
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG21	2	0.32
(1,5043)	1:198:A:VAL:H	1:196:A:ASP:HB2	33	0.32
(1,5026)	1:395:A:GLN:HE21	1:396:A:ALA:H	11	0.32
(1,4993)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB3	12	0.32
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	16	0.32
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	19	0.32
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	26	0.32
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	34	0.32
(1,4977)	1:253:A:THR:H	1:251:A:GLU:HB2	22	0.32
(1,4958)	1:230:A:ILE:H	1:231:A:TYR:HA	3	0.32
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:279:A:LEU:HD21	23	0.32
(1,4929)	1:317:A:LEU:H	1:315:A:TYR:HD2	27	0.32
(1,4917)	1:255:A:LEU:H	1:219:A:TYR:HE1	6	0.32
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HG12	15	0.32
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:278:A:LEU:HD13	9	0.32
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:278:A:LEU:HD11	29	0.32
(1,4860)	1:261:A:ASN:HD21	1:233:A:VAL:HA	24	0.32
(1,4786)	1:213:A:PHE:H	1:194:A:LEU:HD11	13	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	34	0.32
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:242:A:GLU:HA	16	0.32
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:265:A:SER:HB3	23	0.32
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:242:A:GLU:HA	26	0.32
(1,4695)	1:372:A:VAL:H	1:319:A:SER:HB2	14	0.32
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	30	0.32
(1,4473)	1:194:A:LEU:HD21	1:313:A:CYS:HB3	28	0.32
(1,4473)	1:194:A:LEU:HD22	1:313:A:CYS:HB3	28	0.32
(1,4473)	1:194:A:LEU:HD23	1:313:A:CYS:HB3	28	0.32
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG11	25	0.32
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG12	25	0.32
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG13	25	0.32
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG11	27	0.32
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG12	27	0.32
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG13	27	0.32
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	14	0.32
(1,4329)	1:377:A:MET:HG3	1:204:A:TYR:HE2	26	0.32
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD11	17	0.32
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD12	17	0.32
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD13	17	0.32
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG11	1:231:A:TYR:HB3	19	0.32
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG12	1:231:A:TYR:HB3	19	0.32
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG13	1:231:A:TYR:HB3	19	0.32
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG11	1:231:A:TYR:HB3	21	0.32
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG12	1:231:A:TYR:HB3	21	0.32
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG13	1:231:A:TYR:HB3	21	0.32
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD12	24	0.32
(1,3882)	1:409:A:LEU:HD21	1:433:A:GLN:HG2	20	0.32
(1,3823)	1:377:A:MET:HG2	1:204:A:TYR:HE1	10	0.32
(1,3650)	1:409:A:LEU:HD11	1:433:A:GLN:HE21	12	0.32
(1,3650)	1:409:A:LEU:HD12	1:433:A:GLN:HE21	12	0.32
(1,3650)	1:409:A:LEU:HD13	1:433:A:GLN:HE21	12	0.32
(1,3571)	1:439:A:LEU:HD21	1:439:A:LEU:HA	15	0.32
(1,3571)	1:439:A:LEU:HD22	1:439:A:LEU:HA	15	0.32
(1,3571)	1:439:A:LEU:HD23	1:439:A:LEU:HA	15	0.32
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG2	21	0.32
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD11	10	0.32
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD12	10	0.32
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD13	10	0.32
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD11	13	0.32
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD12	13	0.32
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD13	13	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD11	27	0.32
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD12	27	0.32
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD13	27	0.32
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HG	13	0.32
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HG	13	0.32
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HG	13	0.32
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD3	23	0.32
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD3	23	0.32
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD3	34	0.32
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD3	34	0.32
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD11	1:279:A:LEU:HD11	19	0.32
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD11	1:279:A:LEU:HD12	19	0.32
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD11	1:279:A:LEU:HD13	19	0.32
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD12	1:279:A:LEU:HD11	19	0.32
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD12	1:279:A:LEU:HD12	19	0.32
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD12	1:279:A:LEU:HD13	19	0.32
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD13	1:279:A:LEU:HD11	19	0.32
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD13	1:279:A:LEU:HD12	19	0.32
(1,3055)	1:352:A:ILE:HD13	1:279:A:LEU:HD13	19	0.32
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE1	1:340:A:GLN:HG3	35	0.32
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE2	1:340:A:GLN:HG3	35	0.32
(1,2788)	1:256:A:GLU:HG2	1:254:A:ASN:HB3	26	0.32
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	24	0.32
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	30	0.32
(1,2729)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HB3	2	0.32
(1,2729)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HG	17	0.32
(1,2714)	1:348:A:PRO:HD2	1:346:A:LEU:HB3	17	0.32
(1,2565)	1:243:A:LEU:HD11	1:240:A:VAL:HA	19	0.32
(1,2565)	1:243:A:LEU:HD12	1:240:A:VAL:HA	19	0.32
(1,2565)	1:243:A:LEU:HD13	1:240:A:VAL:HA	19	0.32
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD21	1:361:A:PHE:HZ	11	0.32
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD22	1:361:A:PHE:HZ	11	0.32
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD23	1:361:A:PHE:HZ	11	0.32
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	19	0.32
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	19	0.32
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	19	0.32
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	29	0.32
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	29	0.32
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	29	0.32
(1,2415)	1:336:A:LYS:HE3	1:337:A:MET:H	14	0.32
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HB3	12	0.32
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD12	1:227:A:CYS:HB3	12	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD13	1:227:A:CYS:HB3	12	0.32
(1,2245)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:HE3	27	0.32
(1,2245)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:HE3	29	0.32
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:HE2	12	0.32
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:HE2	12	0.32
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD23	1:399:A:LYS:HE2	12	0.32
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:HE2	29	0.32
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:HE2	29	0.32
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD23	1:399:A:LYS:HE2	29	0.32
(1,2149)	1:222:A:LYS:HE2	1:223:A:TYR:HE1	28	0.32
(1,2149)	1:222:A:LYS:HE2	1:223:A:TYR:HE2	28	0.32
(1,2124)	1:187:A:LYS:HD2	1:187:A:LYS:H	1	0.32
(1,2110)	1:226:A:LYS:HG3	1:334:A:GLU:HG3	10	0.32
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG11	21	0.32
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG12	21	0.32
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG13	21	0.32
(1,1618)	1:357:A:LEU:H	1:346:A:LEU:HB3	17	0.32
(1,1618)	1:357:A:LEU:H	1:346:A:LEU:HB3	29	0.32
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG11	3	0.32
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG12	3	0.32
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG13	3	0.32
(1,804)	1:224:A:GLY:H	1:225:A:MET:HG3	29	0.32
(1,751)	1:430:A:TRP:HE1	1:423:A:LEU:HD21	2	0.32
(1,751)	1:430:A:TRP:HE1	1:423:A:LEU:HD22	2	0.32
(1,751)	1:430:A:TRP:HE1	1:423:A:LEU:HD23	2	0.32
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG2	8	0.32
(1,340)	1:369:A:GLY:H	1:365:A:GLN:HB3	25	0.32
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	19	0.31
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	24	0.31
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG21	1:416:A:LEU:H	28	0.31
(1,6850)	1:323:A:VAL:HG13	1:368:A:PHE:HD2	22	0.31
(1,6850)	1:323:A:VAL:HG12	1:324:A:HIS:HD2	31	0.31
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD11	1:345:A:VAL:HG23	22	0.31
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD12	1:230:A:ILE:HG21	35	0.31
(1,6703)	1:329:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:H	3	0.31
(1,6660)	1:210:A:PRO:HB3	1:274:A:LEU:HD21	33	0.31
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD21	1:363:A:HIS:H	8	0.31
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:420:A:ILE:HG23	6	0.31
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD13	1:324:A:HIS:H	32	0.31
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	8	0.31
(1,6591)	1:438:A:ALA:HB2	1:435:A:ILE:HG21	32	0.31
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	4	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG2	10	0.31
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG2	28	0.31
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG22	1:210:A:PRO:HB3	28	0.31
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG12	1:231:A:TYR:HD1	3	0.31
(1,6372)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:H	14	0.31
(1,6317)	1:225:A:MET:HE2	1:325:A:MET:H	11	0.31
(1,6284)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HB3	26	0.31
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD13	1:438:A:ALA:H	32	0.31
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG23	1:407:A:PHE:H	2	0.31
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG22	1:407:A:PHE:H	10	0.31
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG22	1:407:A:PHE:H	15	0.31
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG22	1:407:A:PHE:H	30	0.31
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG21	1:244:A:LYS:H	4	0.31
(1,6160)	1:303:A:PHE:HE1	1:359:A:VAL:HG11	6	0.31
(1,6155)	1:300:A:VAL:HG21	1:363:A:HIS:HB3	34	0.31
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD13	1:322:A:ILE:HG22	15	0.31
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD12	1:267:A:LEU:HD22	10	0.31
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD13	1:267:A:LEU:HD23	21	0.31
(1,6005)	1:388:A:MET:HE1	1:388:A:MET:H	20	0.31
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	17	0.31
(1,5951)	1:274:A:LEU:HD13	1:192:A:ILE:H	11	0.31
(1,5944)	1:255:A:LEU:HD11	1:255:A:LEU:H	13	0.31
(1,5943)	1:278:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HD13	1	0.31
(1,5915)	1:352:A:ILE:HD11	1:357:A:LEU:HA	23	0.31
(1,5915)	1:352:A:ILE:HD13	1:357:A:LEU:HA	34	0.31
(1,5847)	1:320:A:TRP:HE3	1:209:A:LEU:HG	13	0.31
(1,5819)	1:284:A:MET:HE3	1:351:A:GLN:HA	20	0.31
(1,5762)	1:324:A:HIS:HD2	1:217:A:ILE:HB	26	0.31
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG22	1:316:A:LEU:HD22	7	0.31
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HD22	1	0.31
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG23	9	0.31
(1,5701)	1:302:A:GLU:HG2	1:286:A:ARG:HD3	19	0.31
(1,5692)	1:429:A:LEU:HD21	1:426:A:GLU:HA	34	0.31
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG23	1:325:A:MET:H	17	0.31
(1,5660)	1:284:A:MET:HE2	1:280:A:THR:HA	5	0.31
(1,5655)	1:346:A:LEU:HD21	1:343:A:SER:HA	25	0.31
(1,5647)	1:202:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:H	2	0.31
(1,5642)	1:225:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG23	22	0.31
(1,5642)	1:225:A:MET:HE2	1:230:A:ILE:HG13	28	0.31
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD22	1:439:A:LEU:HB2	3	0.31
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD23	1:439:A:LEU:HB2	4	0.31
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD22	1:439:A:LEU:HB2	5	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD21	1:439:A:LEU:HB2	7	0.31
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD21	1:439:A:LEU:HB2	10	0.31
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD23	1:439:A:LEU:HB2	17	0.31
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD22	1:439:A:LEU:HB2	18	0.31
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD21	1:439:A:LEU:HB2	19	0.31
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD22	1:439:A:LEU:HB2	20	0.31
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD23	1:439:A:LEU:HB2	21	0.31
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD21	1:439:A:LEU:HB2	25	0.31
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD22	1:439:A:LEU:HB2	26	0.31
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD22	1:439:A:LEU:HB2	29	0.31
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD21	1:439:A:LEU:HB2	33	0.31
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD22	1:439:A:LEU:HB2	35	0.31
(1,5604)	1:412:A:LEU:HD23	1:409:A:LEU:H	30	0.31
(1,5590)	1:436:A:LEU:HD22	1:405:A:GLN:H	9	0.31
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	13	0.31
(1,5346)	1:370:A:ASN:H	1:323:A:VAL:HG21	29	0.31
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD13	9	0.31
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	4	0.31
(1,5328)	1:185:A:ASN:HD21	1:189:A:ILE:HG12	3	0.31
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG22	31	0.31
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	19	0.31
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	2	0.31
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD21	8	0.31
(1,5186)	1:329:A:ILE:H	1:332:A:GLU:HG2	21	0.31
(1,5186)	1:329:A:ILE:H	1:332:A:GLU:HG2	25	0.31
(1,5165)	1:280:A:THR:H	1:276:A:GLU:HB3	32	0.31
(1,5119)	1:442:A:LYS:H	1:441:A:ARG:HD3	8	0.31
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:373:A:LEU:HD11	8	0.31
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:322:A:ILE:HD12	21	0.31
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	4	0.31
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	7	0.31
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	21	0.31
(1,4989)	1:320:A:TRP:HE1	1:323:A:VAL:HB	29	0.31
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE2	3	0.31
(1,4911)	1:269:A:GLN:HE21	1:268:A:LYS:HG3	7	0.31
(1,4876)	1:327:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HD21	14	0.31
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG12	23	0.31
(1,4857)	1:297:A:THR:H	1:293:A:ARG:HB2	28	0.31
(1,4856)	1:425:A:LYS:H	1:416:A:LEU:HD11	35	0.31
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:285:A:PRO:HB3	18	0.31
(1,4783)	1:288:A:GLU:H	1:284:A:MET:HG3	25	0.31
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG22	10	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG22	29	0.31
(1,4735)	1:219:A:TYR:H	1:223:A:TYR:HD2	6	0.31
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD23	5	0.31
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:265:A:SER:HB3	33	0.31
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG11	11	0.31
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG12	11	0.31
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG13	11	0.31
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG11	16	0.31
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG12	16	0.31
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG13	16	0.31
(1,4322)	1:183:A:MET:HB3	1:184:A:PRO:HD2	19	0.31
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD11	3	0.31
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD12	3	0.31
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD13	3	0.31
(1,4177)	1:362:A:THR:HG21	1:362:A:THR:H	4	0.31
(1,4177)	1:362:A:THR:HG22	1:362:A:THR:H	4	0.31
(1,4177)	1:362:A:THR:HG23	1:362:A:THR:H	4	0.31
(1,3571)	1:439:A:LEU:HD21	1:439:A:LEU:HA	34	0.31
(1,3571)	1:439:A:LEU:HD22	1:439:A:LEU:HA	34	0.31
(1,3571)	1:439:A:LEU:HD23	1:439:A:LEU:HA	34	0.31
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG2	25	0.31
(1,3506)	1:391:A:LEU:HD21	1:391:A:LEU:HA	27	0.31
(1,3506)	1:391:A:LEU:HD22	1:391:A:LEU:HA	27	0.31
(1,3506)	1:391:A:LEU:HD23	1:391:A:LEU:HA	27	0.31
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HB3	7	0.31
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HB3	7	0.31
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HB3	7	0.31
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HG	7	0.31
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HG	7	0.31
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HG	7	0.31
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG11	1:232:A:ARG:HD3	33	0.31
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG12	1:232:A:ARG:HD3	33	0.31
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG13	1:232:A:ARG:HD3	33	0.31
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD3	22	0.31
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD3	22	0.31
(1,3152)	1:334:A:GLU:HG2	1:331:A:LYS:HE3	31	0.31
(1,3104)	1:345:A:VAL:HG11	1:232:A:ARG:HD2	14	0.31
(1,3104)	1:345:A:VAL:HG12	1:232:A:ARG:HD2	14	0.31
(1,3104)	1:345:A:VAL:HG13	1:232:A:ARG:HD2	14	0.31
(1,2927)	1:391:A:LEU:HD21	1:442:A:LYS:HE3	20	0.31
(1,2927)	1:391:A:LEU:HD22	1:442:A:LYS:HE3	20	0.31
(1,2927)	1:391:A:LEU:HD23	1:442:A:LYS:HE3	20	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2714)	1:348:A:PRO:HD2	1:346:A:LEU:HB3	35	0.31
(1,2708)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HA	21	0.31
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	6	0.31
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	6	0.31
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	6	0.31
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	13	0.31
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	13	0.31
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	13	0.31
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	16	0.31
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	16	0.31
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	16	0.31
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	20	0.31
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	20	0.31
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	20	0.31
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	19	0.31
(1,2415)	1:336:A:LYS:HE3	1:337:A:MET:H	26	0.31
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD21	17	0.31
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD22	17	0.31
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD23	17	0.31
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD11	1:212:A:VAL:HG11	8	0.31
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD11	1:212:A:VAL:HG12	8	0.31
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD11	1:212:A:VAL:HG13	8	0.31
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD12	1:212:A:VAL:HG11	8	0.31
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD12	1:212:A:VAL:HG12	8	0.31
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD12	1:212:A:VAL:HG13	8	0.31
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD13	1:212:A:VAL:HG11	8	0.31
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD13	1:212:A:VAL:HG12	8	0.31
(1,2402)	1:189:A:ILE:HD13	1:212:A:VAL:HG13	8	0.31
(1,2385)	1:222:A:LYS:HE3	1:223:A:TYR:H	23	0.31
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD11	35	0.31
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD12	35	0.31
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD13	35	0.31
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG11	9	0.31
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG12	9	0.31
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG13	9	0.31
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG11	9	0.31
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG12	9	0.31
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG13	9	0.31
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG11	9	0.31
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG12	9	0.31
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG13	9	0.31
(1,2216)	1:203:A:MET:HE1	1:204:A:TYR:HD1	30	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2213)	1:199:A:GLU:HG2	1:199:A:GLU:HA	30	0.31
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD11	30	0.31
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD12	30	0.31
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD13	30	0.31
(1,2124)	1:187:A:LYS:HD2	1:187:A:LYS:H	17	0.31
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	15	0.31
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	23	0.31
(1,1478)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HB2	25	0.31
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD11	7	0.31
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD12	7	0.31
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD13	7	0.31
(1,1397)	1:375:A:GLN:HE22	1:222:A:LYS:HD2	18	0.31
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG3	27	0.31
(1,1158)	1:248:A:ASP:H	1:249:A:ARG:HG2	11	0.31
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG11	33	0.31
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG12	33	0.31
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG13	33	0.31
(1,936)	1:295:A:THR:H	1:298:A:GLU:HB2	15	0.31
(1,804)	1:224:A:GLY:H	1:225:A:MET:HG3	18	0.31
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG2	5	0.31
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	34	0.31
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG2	35	0.31
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	8	0.31
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	21	0.31
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	35	0.31
(1,282)	1:313:A:CYS:H	1:312:A:GLU:HB3	34	0.31
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	28	0.31
(1,70)	1:297:A:THR:H	1:296:A:GLU:HB3	19	0.31
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	8	0.3
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	11	0.3
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	3	0.3
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	15	0.3
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	22	0.3
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	4	0.3
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	11	0.3
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	27	0.3
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG21	1:416:A:LEU:H	9	0.3
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG21	1:344:A:ILE:H	12	0.3
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG23	1:344:A:ILE:H	17	0.3
(1,6853)	1:239:A:LYS:HD3	1:262:A:THR:HG23	6	0.3
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD23	1:309:A:GLU:HG3	7	0.3
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD22	1:309:A:GLU:HG3	22	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:394:A:THR:HG23	23	0.3
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:H	17	0.3
(1,6742)	1:364:A:VAL:HG11	1:326:A:ASP:HB3	33	0.3
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD12	1:345:A:VAL:HG21	2	0.3
(1,6703)	1:329:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:H	9	0.3
(1,6691)	1:266:A:LEU:HD12	1:190:A:PHE:HD2	12	0.3
(1,6655)	1:244:A:LYS:HD2	1:240:A:VAL:HB	15	0.3
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD13	1:230:A:ILE:H	21	0.3
(1,6610)	1:272:A:ARG:HD2	1:349:A:THR:HA	6	0.3
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD21	1:432:A:VAL:HG22	25	0.3
(1,6541)	1:352:A:ILE:HD11	1:350:A:VAL:HA	35	0.3
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG21	1:401:A:GLU:HG2	21	0.3
(1,6467)	1:318:A:ILE:HG22	1:315:A:TYR:HD1	24	0.3
(1,6467)	1:318:A:ILE:HG23	1:315:A:TYR:HD1	29	0.3
(1,6443)	1:315:A:TYR:HD1	1:307:A:LEU:HG	7	0.3
(1,6429)	1:304:A:GLN:HG3	1:300:A:VAL:HG12	8	0.3
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG23	1:393:A:GLU:HA	21	0.3
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG23	1:393:A:GLU:HA	32	0.3
(1,6374)	1:243:A:LEU:HD23	1:253:A:THR:HG23	35	0.3
(1,6372)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:H	21	0.3
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD13	1:337:A:MET:H	21	0.3
(1,6354)	1:225:A:MET:HE1	1:221:A:GLU:HA	15	0.3
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	16	0.3
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	31	0.3
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG23	1:284:A:MET:HG3	17	0.3
(1,6315)	1:283:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HD22	23	0.3
(1,6298)	1:208:A:ARG:HG3	1:198:A:VAL:HB	31	0.3
(1,6297)	1:297:A:THR:HG21	1:298:A:GLU:HG2	15	0.3
(1,6285)	1:230:A:ILE:HD11	1:224:A:GLY:HA2	27	0.3
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	13	0.3
(1,6241)	1:217:A:ILE:HG21	1:375:A:GLN:H	23	0.3
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG2	1:270:A:TYR:H	2	0.3
(1,6199)	1:416:A:LEU:HD13	1:415:A:ASP:HB3	33	0.3
(1,6194)	1:374:A:LYS:HG2	1:375:A:GLN:H	18	0.3
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:263:A:VAL:HG23	21	0.3
(1,6142)	1:367:A:LEU:HD23	1:366:A:GLU:H	16	0.3
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	3	0.3
(1,6074)	1:306:A:LEU:HD13	1:309:A:GLU:H	5	0.3
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	1	0.3
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	12	0.3
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	13	0.3
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	31	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG2	1:282:A:GLU:HG2	9	0.3
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD11	1:371:A:VAL:HB	18	0.3
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	34	0.3
(1,5944)	1:255:A:LEU:HD13	1:255:A:LEU:H	7	0.3
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD12	1:407:A:PHE:H	6	0.3
(1,5909)	1:443:A:LEU:HD12	1:444:A:ARG:H	11	0.3
(1,5847)	1:320:A:TRP:HE3	1:209:A:LEU:HG	19	0.3
(1,5813)	1:420:A:ILE:HG23	1:425:A:LYS:HE3	30	0.3
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD11	1:271:A:LEU:HB3	18	0.3
(1,5790)	1:207:A:ILE:HG23	1:209:A:LEU:HD23	6	0.3
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG21	1:350:A:VAL:HG12	10	0.3
(1,5741)	1:351:A:GLN:HG3	1:272:A:ARG:HG2	34	0.3
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD22	1:440:A:LYS:HA	29	0.3
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HD22	7	0.3
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD11	1:357:A:LEU:HD13	29	0.3
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD12	1:193:A:PRO:HA	21	0.3
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB2	1:266:A:LEU:HD21	5	0.3
(1,5655)	1:346:A:LEU:HD21	1:343:A:SER:HA	1	0.3
(1,5655)	1:346:A:LEU:HD23	1:343:A:SER:HA	14	0.3
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:283:A:LEU:HB3	26	0.3
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD22	1:439:A:LEU:HB2	1	0.3
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD23	1:439:A:LEU:HB2	2	0.3
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD23	1:439:A:LEU:HB2	8	0.3
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD22	1:439:A:LEU:HB2	9	0.3
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD23	1:439:A:LEU:HB2	14	0.3
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD21	1:439:A:LEU:HB2	16	0.3
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD22	1:439:A:LEU:HB2	23	0.3
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD23	1:439:A:LEU:HB2	27	0.3
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD23	1:439:A:LEU:HB2	32	0.3
(1,5604)	1:412:A:LEU:HD21	1:409:A:LEU:H	9	0.3
(1,5604)	1:412:A:LEU:HD23	1:409:A:LEU:H	13	0.3
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD21	1:407:A:PHE:H	1	0.3
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD23	1:407:A:PHE:H	3	0.3
(1,5569)	1:284:A:MET:HE3	1:352:A:ILE:HG23	7	0.3
(1,5482)	1:398:A:ILE:H	1:395:A:GLN:HG2	23	0.3
(1,5452)	1:256:A:GLU:H	1:258:A:TYR:HE1	22	0.3
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:220:A:VAL:HB	27	0.3
(1,5394)	1:366:A:GLU:H	1:367:A:LEU:HB3	21	0.3
(1,5363)	1:277:A:ASN:HD21	1:278:A:LEU:HD22	10	0.3
(1,5269)	1:320:A:TRP:HE1	1:374:A:LYS:HB2	29	0.3
(1,5268)	1:241:A:ASP:H	1:236:A:ILE:HG23	5	0.3
(1,5263)	1:419:A:GLY:H	1:416:A:LEU:HG	22	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5215)	1:364:A:VAL:H	1:367:A:LEU:HD22	25	0.3
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	18	0.3
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	25	0.3
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:310:A:LEU:HD11	9	0.3
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB2	10	0.3
(1,5131)	1:314:A:ASN:HD21	1:314:A:ASN:HA	16	0.3
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG3	18	0.3
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:373:A:LEU:HD12	20	0.3
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	16	0.3
(1,4993)	1:265:A:SER:H	1:268:A:LYS:HB3	18	0.3
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE2	11	0.3
(1,4944)	1:395:A:GLN:HE21	1:398:A:ILE:HB	4	0.3
(1,4911)	1:269:A:GLN:HE21	1:268:A:LYS:HG3	2	0.3
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HG12	7	0.3
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG12	7	0.3
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG12	13	0.3
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:352:A:ILE:HG12	21	0.3
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG22	7	0.3
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	31	0.3
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD21	1	0.3
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:337:A:MET:HB3	15	0.3
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:339:A:ILE:HB	25	0.3
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HA	21	0.3
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HA	21	0.3
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HA	21	0.3
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	1	0.3
(1,4394)	1:393:A:GLU:HB2	1:442:A:LYS:HE2	28	0.3
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	8	0.3
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	8	0.3
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	8	0.3
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	24	0.3
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	24	0.3
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	24	0.3
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	27	0.3
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	27	0.3
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	27	0.3
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	33	0.3
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	33	0.3
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	33	0.3
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG11	1:231:A:TYR:HB3	7	0.3
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG12	1:231:A:TYR:HB3	7	0.3
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG13	1:231:A:TYR:HB3	7	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG11	1:231:A:TYR:HB3	30	0.3
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG12	1:231:A:TYR:HB3	30	0.3
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG13	1:231:A:TYR:HB3	30	0.3
(1,4111)	1:296:A:GLU:HA	1:300:A:VAL:HG11	21	0.3
(1,4111)	1:296:A:GLU:HA	1:300:A:VAL:HG12	21	0.3
(1,4111)	1:296:A:GLU:HA	1:300:A:VAL:HG13	21	0.3
(1,3860)	1:308:A:LYS:HD3	1:304:A:GLN:HB2	20	0.3
(1,3772)	1:332:A:GLU:HG2	1:329:A:ILE:HA	15	0.3
(1,3730)	1:222:A:LYS:HD3	1:219:A:TYR:HA	27	0.3
(1,3656)	1:226:A:LYS:HB2	1:334:A:GLU:HG3	19	0.3
(1,3571)	1:439:A:LEU:HD21	1:439:A:LEU:HA	24	0.3
(1,3571)	1:439:A:LEU:HD22	1:439:A:LEU:HA	24	0.3
(1,3571)	1:439:A:LEU:HD23	1:439:A:LEU:HA	24	0.3
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD11	1	0.3
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD12	1	0.3
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD13	1	0.3
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE1	21	0.3
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE2	21	0.3
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE1	21	0.3
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE2	21	0.3
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE1	21	0.3
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE2	21	0.3
(1,2982)	1:225:A:MET:HE1	1:327:A:HIS:HB3	6	0.3
(1,2982)	1:225:A:MET:HE2	1:327:A:HIS:HB3	6	0.3
(1,2982)	1:225:A:MET:HE3	1:327:A:HIS:HB3	6	0.3
(1,2788)	1:256:A:GLU:HG2	1:254:A:ASN:HB3	35	0.3
(1,2729)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HG	35	0.3
(1,2693)	1:281:A:LYS:HE3	1:277:A:ASN:H	10	0.3
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD11	1:412:A:LEU:HA	17	0.3
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD12	1:412:A:LEU:HA	17	0.3
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD13	1:412:A:LEU:HA	17	0.3
(1,2415)	1:336:A:LYS:HE3	1:337:A:MET:H	9	0.3
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:H	21	0.3
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:H	21	0.3
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:H	21	0.3
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:H	31	0.3
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:H	31	0.3
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:H	31	0.3
(1,2245)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:HE3	4	0.3
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD11	9	0.3
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD12	9	0.3
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD13	9	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2106)	1:377:A:MET:HB2	1:204:A:TYR:HD1	27	0.3
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD21	21	0.3
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD22	21	0.3
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD23	21	0.3
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	14	0.3
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	23	0.3
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	8	0.3
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	9	0.3
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG11	28	0.3
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG12	28	0.3
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG13	28	0.3
(1,841)	1:350:A:VAL:H	1:351:A:GLN:HB2	12	0.3
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	11	0.3
(1,530)	1:185:A:ASN:HD22	1:188:A:PRO:HB2	3	0.3
(1,387)	1:336:A:LYS:H	1:332:A:GLU:HB3	15	0.3
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	18	0.3
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	30	0.3
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	33	0.3
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	32	0.29
(1,6859)	1:409:A:LEU:HD23	1:433:A:GLN:H	3	0.29
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG22	1:344:A:ILE:H	33	0.29
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD22	1:309:A:GLU:HG3	34	0.29
(1,6842)	1:212:A:VAL:HA	1:255:A:LEU:HD22	29	0.29
(1,6790)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HD23	3	0.29
(1,6766)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HA	25	0.29
(1,6766)	1:225:A:MET:HE2	1:324:A:HIS:HB3	26	0.29
(1,6661)	1:362:A:THR:HG21	1:358:A:TYR:HD2	9	0.29
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	5	0.29
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG23	1:210:A:PRO:HB3	3	0.29
(1,6541)	1:352:A:ILE:HD12	1:350:A:VAL:HA	15	0.29
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG22	1:358:A:TYR:HE2	5	0.29
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HD21	14	0.29
(1,6509)	1:320:A:TRP:HE3	1:207:A:ILE:HD13	10	0.29
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HB3	13	0.29
(1,6467)	1:318:A:ILE:HG23	1:315:A:TYR:HD1	12	0.29
(1,6443)	1:315:A:TYR:HD1	1:307:A:LEU:HG	22	0.29
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HG21	34	0.29
(1,6416)	1:345:A:VAL:HB	1:342:A:ILE:HD13	13	0.29
(1,6414)	1:279:A:LEU:HD13	1:278:A:LEU:HD21	25	0.29
(1,6406)	1:243:A:LEU:HD11	1:266:A:LEU:HD21	15	0.29
(1,6376)	1:377:A:MET:HE1	1:408:A:LEU:HD23	30	0.29
(1,6363)	1:266:A:LEU:HD11	1:244:A:LYS:HA	7	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6363)	1:266:A:LEU:HD11	1:244:A:LYS:HA	18	0.29
(1,6316)	1:421:A:LYS:HE3	1:419:A:GLY:H	12	0.29
(1,6314)	1:334:A:GLU:HG2	1:333:A:LEU:HB2	12	0.29
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD11	1:438:A:ALA:H	33	0.29
(1,6242)	1:243:A:LEU:HD12	1:242:A:GLU:HB3	4	0.29
(1,6238)	1:364:A:VAL:HG21	1:324:A:HIS:H	29	0.29
(1,6224)	1:439:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	3	0.29
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG21	1:244:A:LYS:H	10	0.29
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG2	1:270:A:TYR:H	14	0.29
(1,6172)	1:409:A:LEU:HD21	1:433:A:GLN:HA	28	0.29
(1,6160)	1:303:A:PHE:HE1	1:359:A:VAL:HG12	35	0.29
(1,6155)	1:300:A:VAL:HG23	1:363:A:HIS:HB3	1	0.29
(1,6142)	1:367:A:LEU:HD21	1:366:A:GLU:H	30	0.29
(1,6142)	1:367:A:LEU:HD21	1:366:A:GLU:H	33	0.29
(1,6139)	1:317:A:LEU:HD11	1:210:A:PRO:HG3	34	0.29
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD11	1:314:A:ASN:HD21	28	0.29
(1,6085)	1:374:A:LYS:HE3	1:207:A:ILE:HD12	21	0.29
(1,6074)	1:306:A:LEU:HD13	1:305:A:ARG:H	27	0.29
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	15	0.29
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	27	0.29
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	6	0.29
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	28	0.29
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD12	1:407:A:PHE:H	35	0.29
(1,5924)	1:230:A:ILE:HD13	1:225:A:MET:H	11	0.29
(1,5914)	1:197:A:ALA:HB1	1:189:A:ILE:HD11	6	0.29
(1,5844)	1:346:A:LEU:HD22	1:349:A:THR:H	34	0.29
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG23	1:341:A:ASN:HB3	12	0.29
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD12	1:395:A:GLN:HG2	1	0.29
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD13	1:395:A:GLN:HG2	33	0.29
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HD22	19	0.29
(1,5701)	1:302:A:GLU:HG2	1:305:A:ARG:HD3	8	0.29
(1,5699)	1:367:A:LEU:HD11	1:303:A:PHE:HB3	16	0.29
(1,5660)	1:284:A:MET:HE1	1:280:A:THR:HA	2	0.29
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD21	1:439:A:LEU:HB2	11	0.29
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD21	1:439:A:LEU:HB2	13	0.29
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD22	1:439:A:LEU:HB2	31	0.29
(1,5580)	1:207:A:ILE:HD11	1:214:A:ARG:HB3	25	0.29
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	23	0.29
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	32	0.29
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	9	0.29
(1,5370)	1:224:A:GLY:H	1:221:A:GLU:HB3	27	0.29
(1,5346)	1:370:A:ASN:H	1:323:A:VAL:HG23	20	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5346)	1:370:A:ASN:H	1:323:A:VAL:HG23	23	0.29
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	21	0.29
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	31	0.29
(1,5328)	1:185:A:ASN:HD21	1:189:A:ILE:HG12	27	0.29
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG22	12	0.29
(1,5295)	1:202:A:MET:H	1:202:A:MET:HE1	20	0.29
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	15	0.29
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	31	0.29
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	30	0.29
(1,5163)	1:327:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HG	28	0.29
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB2	16	0.29
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HD21	33	0.29
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:322:A:ILE:HD13	16	0.29
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG23	19	0.29
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG21	34	0.29
(1,4987)	1:341:A:ASN:HD22	1:344:A:ILE:HD12	23	0.29
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE2	23	0.29
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:401:A:GLU:HG2	29	0.29
(1,4944)	1:395:A:GLN:HE21	1:398:A:ILE:HB	1	0.29
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:429:A:LEU:HD23	26	0.29
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG12	4	0.29
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG12	34	0.29
(1,4859)	1:299:A:LYS:H	1:293:A:ARG:HG2	27	0.29
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	13	0.29
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG22	11	0.29
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG22	12	0.29
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG21	26	0.29
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG22	29	0.29
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	2	0.29
(1,4735)	1:219:A:TYR:H	1:223:A:TYR:HD2	12	0.29
(1,4735)	1:219:A:TYR:H	1:223:A:TYR:HD2	17	0.29
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	27	0.29
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD21	23	0.29
(1,4697)	1:440:A:LYS:H	1:443:A:LEU:HD12	20	0.29
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	20	0.29
(1,4544)	1:253:A:THR:HG21	1:254:A:ASN:HB2	13	0.29
(1,4544)	1:253:A:THR:HG22	1:254:A:ASN:HB2	13	0.29
(1,4544)	1:253:A:THR:HG23	1:254:A:ASN:HB2	13	0.29
(1,4496)	1:400:A:GLU:HG3	1:401:A:GLU:H	2	0.29
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HE1	30	0.29
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HE2	30	0.29
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HE1	30	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HE2	30	0.29
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HE1	30	0.29
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HE2	30	0.29
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB1	1:251:A:GLU:HG2	27	0.29
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB2	1:251:A:GLU:HG2	27	0.29
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB3	1:251:A:GLU:HG2	27	0.29
(1,4394)	1:393:A:GLU:HB2	1:442:A:LYS:HE3	35	0.29
(1,4389)	1:416:A:LEU:HD11	1:426:A:GLU:HG3	19	0.29
(1,4389)	1:416:A:LEU:HD12	1:426:A:GLU:HG3	19	0.29
(1,4389)	1:416:A:LEU:HD13	1:426:A:GLU:HG3	19	0.29
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD11	1:430:A:TRP:HZ2	6	0.29
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HZ2	6	0.29
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD13	1:430:A:TRP:HZ2	6	0.29
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD11	1:430:A:TRP:HZ2	10	0.29
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HZ2	10	0.29
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD13	1:430:A:TRP:HZ2	10	0.29
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD11	1:200:A:ARG:HD3	7	0.29
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD12	1:200:A:ARG:HD3	7	0.29
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD13	1:200:A:ARG:HD3	7	0.29
(1,4217)	1:226:A:LYS:HG2	1:334:A:GLU:HG3	10	0.29
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG11	1:231:A:TYR:HB3	11	0.29
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG12	1:231:A:TYR:HB3	11	0.29
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG13	1:231:A:TYR:HB3	11	0.29
(1,4056)	1:227:A:CYS:HB3	1:230:A:ILE:HB	3	0.29
(1,4035)	1:348:A:PRO:HD3	1:346:A:LEU:HB3	28	0.29
(1,3860)	1:308:A:LYS:HD3	1:304:A:GLN:HB2	19	0.29
(1,3836)	1:187:A:LYS:HD2	1:188:A:PRO:HD2	23	0.29
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:H	10	0.29
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:H	10	0.29
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:H	10	0.29
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD21	1:318:A:ILE:H	15	0.29
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:H	15	0.29
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:H	15	0.29
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG21	1:346:A:LEU:HB3	2	0.29
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HB3	2	0.29
(1,3620)	1:345:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HB3	2	0.29
(1,3571)	1:439:A:LEU:HD21	1:439:A:LEU:HA	6	0.29
(1,3571)	1:439:A:LEU:HD22	1:439:A:LEU:HA	6	0.29
(1,3571)	1:439:A:LEU:HD23	1:439:A:LEU:HA	6	0.29
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE1	18	0.29
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE2	18	0.29
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE1	18	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE2	18	0.29
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE1	18	0.29
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE2	18	0.29
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD2	18	0.29
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD2	18	0.29
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	6	0.29
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	6	0.29
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	6	0.29
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	18	0.29
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	18	0.29
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	18	0.29
(1,3094)	1:199:A:GLU:HG2	1:196:A:ASP:HA	21	0.29
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE1	1:340:A:GLN:HG3	2	0.29
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE2	1:340:A:GLN:HG3	2	0.29
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE1	1:340:A:GLN:HG3	16	0.29
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE2	1:340:A:GLN:HG3	16	0.29
(1,2450)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:H	34	0.29
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	23	0.29
(1,2216)	1:203:A:MET:HE3	1:204:A:TYR:HD1	16	0.29
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:HE2	24	0.29
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:HE2	24	0.29
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD23	1:399:A:LYS:HE2	24	0.29
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:HE2	25	0.29
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:HE2	25	0.29
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD23	1:399:A:LYS:HE2	25	0.29
(1,2152)	1:208:A:ARG:HG2	1:312:A:GLU:HG2	3	0.29
(1,2149)	1:222:A:LYS:HE3	1:223:A:TYR:HE1	29	0.29
(1,2149)	1:222:A:LYS:HE3	1:223:A:TYR:HE2	29	0.29
(1,2124)	1:187:A:LYS:HD2	1:187:A:LYS:H	20	0.29
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE3	16	0.29
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE3	16	0.29
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE3	16	0.29
(1,2110)	1:226:A:LYS:HG3	1:334:A:GLU:HG3	7	0.29
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG11	4	0.29
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG12	4	0.29
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG13	4	0.29
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	8	0.29
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD11	32	0.29
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD12	32	0.29
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD13	32	0.29
(1,1348)	1:249:A:ARG:H	1:251:A:GLU:HG3	14	0.29
(1,1019)	1:428:A:ARG:H	1:423:A:LEU:HD21	33	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1019)	1:428:A:ARG:H	1:423:A:LEU:HD22	33	0.29
(1,1019)	1:428:A:ARG:H	1:423:A:LEU:HD23	33	0.29
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	22	0.29
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG11	1	0.29
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG12	1	0.29
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG13	1	0.29
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	18	0.29
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD11	22	0.29
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD12	22	0.29
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD13	22	0.29
(1,357)	1:396:A:ALA:H	1:398:A:ILE:HD13	19	0.29
(1,357)	1:396:A:ALA:H	1:398:A:ILE:HD13	33	0.29
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG11	35	0.29
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG12	35	0.29
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG13	35	0.29
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	9	0.29
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	22	0.29
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	16	0.29
(1,148)	1:248:A:ASP:H	1:249:A:ARG:HB2	30	0.29
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	7	0.29
(1,60)	1:375:A:GLN:HE22	1:378:A:LYS:HB2	4	0.29
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	4	0.28
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	35	0.28
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	1	0.28
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	7	0.28
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	9	0.28
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	6	0.28
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	13	0.28
(2,38)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:H	22	0.28
(2,38)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:H	22	0.28
(2,38)	1:443:A:LEU:HD23	1:399:A:LYS:H	22	0.28
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG22	1:344:A:ILE:H	15	0.28
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD13	1:351:A:GLN:HE22	35	0.28
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG23	1:307:A:LEU:HD11	17	0.28
(1,6671)	1:279:A:LEU:HD23	1:350:A:VAL:HB	20	0.28
(1,6669)	1:279:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:H	15	0.28
(1,6669)	1:279:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:H	25	0.28
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:420:A:ILE:HG21	10	0.28
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:416:A:LEU:HD13	14	0.28
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	23	0.28
(1,6556)	1:263:A:VAL:HG11	1:255:A:LEU:HB3	34	0.28
(1,6541)	1:352:A:ILE:HD12	1:350:A:VAL:HA	24	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6540)	1:337:A:MET:HE3	1:232:A:ARG:HD3	18	0.28
(1,6443)	1:315:A:TYR:HD1	1:307:A:LEU:HG	28	0.28
(1,6423)	1:266:A:LEU:HD22	1:244:A:LYS:HA	12	0.28
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD23	1:409:A:LEU:H	32	0.28
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HD13	17	0.28
(1,6358)	1:240:A:VAL:HG23	1:266:A:LEU:HB2	26	0.28
(1,6334)	1:194:A:LEU:HD22	1:198:A:VAL:H	4	0.28
(1,6334)	1:194:A:LEU:HD22	1:198:A:VAL:H	27	0.28
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	6	0.28
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	8	0.28
(1,6301)	1:317:A:LEU:HD22	1:194:A:LEU:HD11	20	0.28
(1,6297)	1:297:A:THR:HG21	1:298:A:GLU:HG2	1	0.28
(1,6284)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HB3	3	0.28
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG21	1:407:A:PHE:H	9	0.28
(1,6223)	1:305:A:ARG:HB2	1:305:A:ARG:HD2	31	0.28
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG23	1:244:A:LYS:H	8	0.28
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG21	1:244:A:LYS:H	27	0.28
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG2	1:270:A:TYR:H	17	0.28
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG3	1:270:A:TYR:H	25	0.28
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG3	1:270:A:TYR:H	33	0.28
(1,6199)	1:416:A:LEU:HD13	1:415:A:ASP:HB3	3	0.28
(1,6194)	1:374:A:LYS:HG2	1:375:A:GLN:H	11	0.28
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HD2	8	0.28
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG23	1:266:A:LEU:HD22	18	0.28
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:H	27	0.28
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG22	1:367:A:LEU:HD21	19	0.28
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HD22	28	0.28
(1,6054)	1:283:A:LEU:HD22	1:310:A:LEU:HD23	20	0.28
(1,6054)	1:283:A:LEU:HD23	1:310:A:LEU:HD23	22	0.28
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	11	0.28
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG3	1:282:A:GLU:HG2	7	0.28
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	21	0.28
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD12	1:364:A:VAL:HB	21	0.28
(1,5992)	1:318:A:ILE:HD13	1:364:A:VAL:HB	28	0.28
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HA	16	0.28
(1,5915)	1:352:A:ILE:HD13	1:357:A:LEU:HA	14	0.28
(1,5873)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HG3	11	0.28
(1,5832)	1:283:A:LEU:HD21	1:279:A:LEU:HD12	16	0.28
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG21	1:341:A:ASN:HB3	30	0.28
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG23	1:341:A:ASN:HB3	32	0.28
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD12	1:271:A:LEU:HB3	34	0.28
(1,5741)	1:351:A:GLN:HG3	1:272:A:ARG:HG2	35	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	15	0.28
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HG23	19	0.28
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD13	1:193:A:PRO:HA	30	0.28
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG12	1:342:A:ILE:HD12	26	0.28
(1,5692)	1:429:A:LEU:HD23	1:426:A:GLU:HA	19	0.28
(1,5591)	1:272:A:ARG:HD2	1:349:A:THR:HB	34	0.28
(1,5590)	1:436:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:H	13	0.28
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG23	22	0.28
(1,5408)	1:265:A:SER:H	1:261:A:ASN:HB3	30	0.28
(1,5303)	1:277:A:ASN:HD21	1:351:A:GLN:HA	28	0.28
(1,5223)	1:225:A:MET:H	1:226:A:LYS:HD2	32	0.28
(1,5211)	1:428:A:ARG:H	1:425:A:LYS:HD2	25	0.28
(1,5211)	1:428:A:ARG:H	1:425:A:LYS:HD3	33	0.28
(1,5165)	1:280:A:THR:H	1:276:A:GLU:HB3	26	0.28
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB2	7	0.28
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB2	14	0.28
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	34	0.28
(1,5121)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HD13	34	0.28
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:322:A:ILE:HD12	9	0.28
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG21	33	0.28
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD13	26	0.28
(1,4999)	1:304:A:GLN:H	1:367:A:LEU:HB2	4	0.28
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	30	0.28
(1,4992)	1:283:A:LEU:H	1:286:A:ARG:HG2	21	0.28
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE2	33	0.28
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	25	0.28
(1,4867)	1:235:A:GLY:H	1:240:A:VAL:HG13	31	0.28
(1,4860)	1:261:A:ASN:HD21	1:233:A:VAL:HA	23	0.28
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:230:A:ILE:HG21	9	0.28
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	2	0.28
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	22	0.28
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG23	34	0.28
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG21	16	0.28
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE3	35	0.28
(1,4736)	1:351:A:GLN:HE21	1:272:A:ARG:HB2	2	0.28
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD21	14	0.28
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:337:A:MET:HB3	35	0.28
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB1	1:251:A:GLU:HG3	24	0.28
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB2	1:251:A:GLU:HG3	24	0.28
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB3	1:251:A:GLU:HG3	24	0.28
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG11	33	0.28
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG12	33	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG13	33	0.28
(1,4394)	1:393:A:GLU:HB2	1:442:A:LYS:HE3	6	0.28
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD11	11	0.28
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD12	11	0.28
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD13	11	0.28
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG11	1:231:A:TYR:HB3	24	0.28
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG12	1:231:A:TYR:HB3	24	0.28
(1,4178)	1:345:A:VAL:HG13	1:231:A:TYR:HB3	24	0.28
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD13	22	0.28
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD11	1:409:A:LEU:HA	18	0.28
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD12	1:409:A:LEU:HA	18	0.28
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD13	1:409:A:LEU:HA	18	0.28
(1,4079)	1:438:A:ALA:HA	1:441:A:ARG:HD3	12	0.28
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD11	1:209:A:LEU:HD21	9	0.28
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD11	1:209:A:LEU:HD22	9	0.28
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD11	1:209:A:LEU:HD23	9	0.28
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD12	1:209:A:LEU:HD21	9	0.28
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD12	1:209:A:LEU:HD22	9	0.28
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD12	1:209:A:LEU:HD23	9	0.28
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD13	1:209:A:LEU:HD21	9	0.28
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD13	1:209:A:LEU:HD22	9	0.28
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD13	1:209:A:LEU:HD23	9	0.28
(1,3929)	1:267:A:LEU:HD21	1:231:A:TYR:HE1	5	0.28
(1,3860)	1:308:A:LYS:HD3	1:304:A:GLN:HB2	27	0.28
(1,3823)	1:377:A:MET:HG2	1:204:A:TYR:HD1	11	0.28
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:H	4	0.28
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:H	4	0.28
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:H	4	0.28
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:H	11	0.28
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:H	11	0.28
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:H	11	0.28
(1,3758)	1:305:A:ARG:HB2	1:308:A:LYS:HE3	10	0.28
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG21	15	0.28
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG22	15	0.28
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG23	15	0.28
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD21	1:334:A:GLU:HG2	33	0.28
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD22	1:334:A:GLU:HG2	33	0.28
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD23	1:334:A:GLU:HG2	33	0.28
(1,3656)	1:226:A:LYS:HB2	1:334:A:GLU:HG3	22	0.28
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG2	13	0.28
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD11	21	0.28
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD12	21	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD13	21	0.28
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE1	1	0.28
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE2	1	0.28
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE1	1	0.28
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE2	1	0.28
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE1	1	0.28
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE2	1	0.28
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HG	24	0.28
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HG	24	0.28
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HG	24	0.28
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD11	1:304:A:GLN:HG3	13	0.28
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD12	1:304:A:GLN:HG3	13	0.28
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD13	1:304:A:GLN:HG3	13	0.28
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD11	1:304:A:GLN:HG3	23	0.28
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD12	1:304:A:GLN:HG3	23	0.28
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD13	1:304:A:GLN:HG3	23	0.28
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG11	1:232:A:ARG:HD3	2	0.28
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG12	1:232:A:ARG:HD3	2	0.28
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG13	1:232:A:ARG:HD3	2	0.28
(1,3198)	1:351:A:GLN:HG3	1:351:A:GLN:HA	34	0.28
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD11	21	0.28
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD12	21	0.28
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD13	21	0.28
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD11	21	0.28
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD12	21	0.28
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD13	21	0.28
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD11	21	0.28
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD12	21	0.28
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD13	21	0.28
(1,2982)	1:225:A:MET:HE1	1:327:A:HIS:HB3	4	0.28
(1,2982)	1:225:A:MET:HE2	1:327:A:HIS:HB3	4	0.28
(1,2982)	1:225:A:MET:HE3	1:327:A:HIS:HB3	4	0.28
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD11	12	0.28
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	12	0.28
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	12	0.28
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	12	0.28
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	12	0.28
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	12	0.28
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	12	0.28
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	12	0.28
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	12	0.28
(1,2789)	1:187:A:LYS:HD3	1:188:A:PRO:HD2	1	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2729)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HG	16	0.28
(1,2714)	1:348:A:PRO:HD2	1:346:A:LEU:HB3	9	0.28
(1,2714)	1:348:A:PRO:HD2	1:346:A:LEU:HB3	18	0.28
(1,2708)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HA	3	0.28
(1,2708)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HA	26	0.28
(1,2554)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG2	29	0.28
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD21	1:361:A:PHE:HZ	13	0.28
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD22	1:361:A:PHE:HZ	13	0.28
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD23	1:361:A:PHE:HZ	13	0.28
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD21	1:361:A:PHE:HZ	34	0.28
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD22	1:361:A:PHE:HZ	34	0.28
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD23	1:361:A:PHE:HZ	34	0.28
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	2	0.28
(1,2410)	1:296:A:GLU:HB3	1:300:A:VAL:HG11	21	0.28
(1,2410)	1:296:A:GLU:HB3	1:300:A:VAL:HG12	21	0.28
(1,2410)	1:296:A:GLU:HB3	1:300:A:VAL:HG13	21	0.28
(1,2389)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:H	15	0.28
(1,2389)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:H	15	0.28
(1,2389)	1:194:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:H	15	0.28
(1,2124)	1:187:A:LYS:HD2	1:187:A:LYS:H	29	0.28
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE3	18	0.28
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE3	18	0.28
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE3	18	0.28
(1,2110)	1:226:A:LYS:HG3	1:334:A:GLU:HG3	34	0.28
(1,1923)	1:369:A:GLY:H	1:372:A:VAL:H	35	0.28
(1,1805)	1:301:A:GLN:HE22	1:300:A:VAL:HG11	33	0.28
(1,1805)	1:301:A:GLN:HE22	1:300:A:VAL:HG12	33	0.28
(1,1805)	1:301:A:GLN:HE22	1:300:A:VAL:HG13	33	0.28
(1,1635)	1:246:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	20	0.28
(1,1635)	1:246:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	29	0.28
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	2	0.28
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	4	0.28
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	17	0.28
(1,1475)	1:313:A:CYS:H	1:198:A:VAL:HG11	7	0.28
(1,1475)	1:313:A:CYS:H	1:198:A:VAL:HG12	7	0.28
(1,1475)	1:313:A:CYS:H	1:198:A:VAL:HG13	7	0.28
(1,1348)	1:249:A:ARG:H	1:251:A:GLU:HG2	16	0.28
(1,1348)	1:249:A:ARG:H	1:251:A:GLU:HG3	30	0.28
(1,1348)	1:249:A:ARG:H	1:251:A:GLU:HG2	32	0.28
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG11	9	0.28
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG12	9	0.28
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG13	9	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG21	24	0.28
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG22	24	0.28
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG23	24	0.28
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	30	0.28
(1,329)	1:304:A:GLN:HE21	1:300:A:VAL:HG21	21	0.28
(1,329)	1:304:A:GLN:HE21	1:300:A:VAL:HG22	21	0.28
(1,329)	1:304:A:GLN:HE21	1:300:A:VAL:HG23	21	0.28
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	12	0.28
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	31	0.28
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	34	0.28
(1,282)	1:313:A:CYS:H	1:312:A:GLU:HB3	23	0.28
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	21	0.28
(1,70)	1:297:A:THR:H	1:296:A:GLU:HB3	24	0.28
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	15	0.27
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	22	0.27
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	25	0.27
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	17	0.27
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	18	0.27
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	21	0.27
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	29	0.27
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	8	0.27
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	16	0.27
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	33	0.27
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	35	0.27
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD11	1:405:A:GLN:HA	28	0.27
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HD12	3	0.27
(1,6792)	1:258:A:TYR:HD2	1:240:A:VAL:HG21	7	0.27
(1,6704)	1:284:A:MET:HE1	1:277:A:ASN:HD21	5	0.27
(1,6649)	1:217:A:ILE:HG22	1:221:A:GLU:HB3	22	0.27
(1,6603)	1:430:A:TRP:HZ2	1:423:A:LEU:HG	11	0.27
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG2	13	0.27
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG23	1:210:A:PRO:HB3	25	0.27
(1,6564)	1:203:A:MET:HE1	1:378:A:LYS:HG2	21	0.27
(1,6554)	1:318:A:ILE:HD11	1:350:A:VAL:HB	13	0.27
(1,6549)	1:337:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG22	29	0.27
(1,6491)	1:189:A:ILE:HD12	1:200:A:ARG:HA	32	0.27
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG22	1:401:A:GLU:HG2	29	0.27
(1,6456)	1:197:A:ALA:HB3	1:274:A:LEU:HB3	10	0.27
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:HG23	29	0.27
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HG23	33	0.27
(1,6368)	1:334:A:GLU:HG3	1:331:A:LYS:HD3	12	0.27
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HD11	25	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HD11	30	0.27
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG22	1:322:A:ILE:HD11	31	0.27
(1,6330)	1:228:A:GLU:HB2	1:227:A:CYS:HB3	9	0.27
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	18	0.27
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	32	0.27
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG21	1:284:A:MET:HG3	7	0.27
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG21	1:284:A:MET:HG3	24	0.27
(1,6317)	1:225:A:MET:HE3	1:325:A:MET:H	33	0.27
(1,6314)	1:334:A:GLU:HG2	1:331:A:LYS:HD3	33	0.27
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG23	1:407:A:PHE:H	26	0.27
(1,6268)	1:283:A:LEU:HD11	1:309:A:GLU:HG3	8	0.27
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD13	1:335:A:THR:HG23	6	0.27
(1,6241)	1:217:A:ILE:HG22	1:324:A:HIS:H	34	0.27
(1,6241)	1:217:A:ILE:HG23	1:375:A:GLN:H	35	0.27
(1,6224)	1:439:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	18	0.27
(1,6221)	1:225:A:MET:HE1	1:331:A:LYS:HG2	14	0.27
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG23	1:244:A:LYS:H	2	0.27
(1,6161)	1:255:A:LEU:HD22	1:212:A:VAL:HG22	14	0.27
(1,6161)	1:274:A:LEU:HD23	1:212:A:VAL:HG21	35	0.27
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:263:A:VAL:HG23	13	0.27
(1,6138)	1:225:A:MET:HE2	1:331:A:LYS:HG3	2	0.27
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG22	1:266:A:LEU:HD21	13	0.27
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HE2	35	0.27
(1,6000)	1:225:A:MET:HE1	1:326:A:ASP:H	16	0.27
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HA	31	0.27
(1,5968)	1:315:A:TYR:HE2	1:316:A:LEU:H	29	0.27
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD21	1:402:A:ILE:H	8	0.27
(1,5915)	1:352:A:ILE:HD11	1:357:A:LEU:HA	35	0.27
(1,5881)	1:202:A:MET:HE2	1:208:A:ARG:HD3	7	0.27
(1,5847)	1:320:A:TRP:HE3	1:209:A:LEU:HG	27	0.27
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG21	1:341:A:ASN:HB3	33	0.27
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB2	1:329:A:ILE:HG21	26	0.27
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD11	1:271:A:LEU:HB3	31	0.27
(1,5796)	1:210:A:PRO:HD2	1:209:A:LEU:HG	25	0.27
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	28	0.27
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	35	0.27
(1,5741)	1:351:A:GLN:HG3	1:272:A:ARG:HG2	12	0.27
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HD21	11	0.27
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD13	1:191:A:GLY:HA2	26	0.27
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD13	1:193:A:PRO:HA	31	0.27
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB1	1:255:A:LEU:HD23	7	0.27
(1,5660)	1:284:A:MET:HE3	1:280:A:THR:HA	21	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5647)	1:202:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:H	10	0.27
(1,5635)	1:306:A:LEU:HD11	1:302:A:GLU:HA	13	0.27
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD22	1:439:A:LEU:HB2	12	0.27
(1,5629)	1:439:A:LEU:HD22	1:439:A:LEU:HB2	30	0.27
(1,5622)	1:318:A:ILE:HG23	1:279:A:LEU:HA	17	0.27
(1,5620)	1:300:A:VAL:HG11	1:303:A:PHE:H	32	0.27
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	17	0.27
(1,5569)	1:284:A:MET:HE2	1:352:A:ILE:HG23	8	0.27
(1,5482)	1:398:A:ILE:H	1:395:A:GLN:HG2	12	0.27
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG23	19	0.27
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG22	33	0.27
(1,5314)	1:254:A:ASN:HD21	1:256:A:GLU:HA	25	0.27
(1,5311)	1:331:A:LYS:H	1:335:A:THR:HG23	7	0.27
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	12	0.27
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	30	0.27
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	26	0.27
(1,5211)	1:428:A:ARG:H	1:425:A:LYS:HD3	18	0.27
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB3	29	0.27
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	3	0.27
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	12	0.27
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	3	0.27
(1,5106)	1:395:A:GLN:HE22	1:443:A:LEU:HG	5	0.27
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:322:A:ILE:HD11	5	0.27
(1,5056)	1:372:A:VAL:H	1:370:A:ASN:HB2	22	0.27
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG23	18	0.27
(1,5038)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HD11	9	0.27
(1,5026)	1:395:A:GLN:HE21	1:396:A:ALA:H	6	0.27
(1,4999)	1:304:A:GLN:H	1:367:A:LEU:HB2	7	0.27
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	33	0.27
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:401:A:GLU:HG3	9	0.27
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:279:A:LEU:HD22	6	0.27
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:279:A:LEU:HD21	30	0.27
(1,4871)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HD13	21	0.27
(1,4856)	1:425:A:LYS:H	1:423:A:LEU:HD22	9	0.27
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	30	0.27
(1,4768)	1:351:A:GLN:HE21	1:349:A:THR:HG23	21	0.27
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD23	22	0.27
(1,4654)	1:318:A:ILE:HD13	1:360:A:PHE:HE1	19	0.27
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB1	1:251:A:GLU:HG2	9	0.27
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB2	1:251:A:GLU:HG2	9	0.27
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB3	1:251:A:GLU:HG2	9	0.27
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG11	5	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG12	5	0.27
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG13	5	0.27
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG11	8	0.27
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG12	8	0.27
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG13	8	0.27
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG11	19	0.27
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG12	19	0.27
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG13	19	0.27
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	27	0.27
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD21	1	0.27
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD22	1	0.27
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD23	1	0.27
(1,3860)	1:308:A:LYS:HD3	1:304:A:GLN:HB2	18	0.27
(1,3823)	1:377:A:MET:HG2	1:204:A:TYR:HE1	20	0.27
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD21	1:334:A:GLU:HG2	24	0.27
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD22	1:334:A:GLU:HG2	24	0.27
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD23	1:334:A:GLU:HG2	24	0.27
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG11	1:232:A:ARG:HD3	4	0.27
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG12	1:232:A:ARG:HD3	4	0.27
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG13	1:232:A:ARG:HD3	4	0.27
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD2	5	0.27
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD2	5	0.27
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HB2	10	0.27
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HB2	10	0.27
(1,3185)	1:266:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HB2	10	0.27
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD21	17	0.27
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD22	17	0.27
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD23	17	0.27
(1,3048)	1:418:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HG12	5	0.27
(1,2954)	1:212:A:VAL:HG21	1:247:A:TYR:HE1	19	0.27
(1,2954)	1:212:A:VAL:HG21	1:247:A:TYR:HE2	19	0.27
(1,2954)	1:212:A:VAL:HG22	1:247:A:TYR:HE1	19	0.27
(1,2954)	1:212:A:VAL:HG22	1:247:A:TYR:HE2	19	0.27
(1,2954)	1:212:A:VAL:HG23	1:247:A:TYR:HE1	19	0.27
(1,2954)	1:212:A:VAL:HG23	1:247:A:TYR:HE2	19	0.27
(1,2929)	1:189:A:ILE:HD11	1:200:A:ARG:HB2	22	0.27
(1,2929)	1:189:A:ILE:HD12	1:200:A:ARG:HB2	22	0.27
(1,2929)	1:189:A:ILE:HD13	1:200:A:ARG:HB2	22	0.27
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD11	17	0.27
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	17	0.27
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	17	0.27
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	17	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	17	0.27
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	17	0.27
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	17	0.27
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	17	0.27
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	17	0.27
(1,2841)	1:356:A:VAL:HA	1:359:A:VAL:HG11	7	0.27
(1,2841)	1:356:A:VAL:HA	1:359:A:VAL:HG12	7	0.27
(1,2841)	1:356:A:VAL:HA	1:359:A:VAL:HG13	7	0.27
(1,2755)	1:374:A:LYS:HE3	1:372:A:VAL:HG11	20	0.27
(1,2755)	1:374:A:LYS:HE3	1:372:A:VAL:HG12	20	0.27
(1,2755)	1:374:A:LYS:HE3	1:372:A:VAL:HG13	20	0.27
(1,2729)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HG	8	0.27
(1,2714)	1:348:A:PRO:HD2	1:346:A:LEU:HB3	29	0.27
(1,2693)	1:281:A:LYS:HE3	1:277:A:ASN:H	32	0.27
(1,2543)	1:393:A:GLU:HG2	1:442:A:LYS:HE2	11	0.27
(1,2543)	1:393:A:GLU:HG2	1:442:A:LYS:HE3	18	0.27
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HB2	14	0.27
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HB2	14	0.27
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HB2	14	0.27
(1,2245)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:HE3	20	0.27
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:HE2	34	0.27
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:HE2	34	0.27
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD23	1:399:A:LYS:HE2	34	0.27
(1,2124)	1:187:A:LYS:HD2	1:187:A:LYS:H	27	0.27
(1,2110)	1:226:A:LYS:HG3	1:334:A:GLU:HG3	6	0.27
(1,1803)	1:424:A:SER:H	1:423:A:LEU:HB3	24	0.27
(1,1720)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HA	18	0.27
(1,1618)	1:357:A:LEU:H	1:346:A:LEU:HB3	12	0.27
(1,1478)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HB2	22	0.27
(1,1280)	1:395:A:GLN:HE21	1:444:A:ARG:HD3	2	0.27
(1,1280)	1:395:A:GLN:HE21	1:444:A:ARG:HD3	30	0.27
(1,1200)	1:356:A:VAL:H	1:360:A:PHE:HD2	14	0.27
(1,868)	1:394:A:THR:H	1:442:A:LYS:HE3	14	0.27
(1,801)	1:222:A:LYS:H	1:219:A:TYR:HB2	26	0.27
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	6	0.27
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	22	0.27
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD11	9	0.27
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD12	9	0.27
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD13	9	0.27
(1,387)	1:336:A:LYS:H	1:332:A:GLU:HB3	13	0.27
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG11	15	0.27
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG12	15	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG13	15	0.27
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	2	0.27
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	28	0.27
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	32	0.27
(1,282)	1:313:A:CYS:H	1:312:A:GLU:HB3	3	0.27
(1,77)	1:370:A:ASN:HD22	1:371:A:VAL:HG21	6	0.27
(1,77)	1:370:A:ASN:HD22	1:371:A:VAL:HG22	6	0.27
(1,77)	1:370:A:ASN:HD22	1:371:A:VAL:HG23	6	0.27
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	18	0.26
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	10	0.26
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	33	0.26
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	10	0.26
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	15	0.26
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	18	0.26
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	22	0.26
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	31	0.26
(2,69)	1:342:A:ILE:HD11	1:329:A:ILE:HG13	33	0.26
(2,69)	1:342:A:ILE:HD12	1:329:A:ILE:HG13	33	0.26
(2,69)	1:342:A:ILE:HD13	1:329:A:ILE:HG13	33	0.26
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	21	0.26
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG23	1:416:A:LEU:H	1	0.26
(1,6859)	1:409:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:H	35	0.26
(1,6851)	1:371:A:VAL:HG12	1:323:A:VAL:HG12	4	0.26
(1,6845)	1:310:A:LEU:HD22	1:309:A:GLU:H	17	0.26
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD11	1:405:A:GLN:HA	20	0.26
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD13	1:405:A:GLN:HA	21	0.26
(1,6788)	1:430:A:TRP:HD1	1:433:A:GLN:HB3	19	0.26
(1,6773)	1:262:A:THR:HG22	1:265:A:SER:H	17	0.26
(1,6740)	1:377:A:MET:HE3	1:402:A:ILE:HD11	8	0.26
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD11	1:345:A:VAL:HG21	31	0.26
(1,6721)	1:189:A:ILE:HD13	1:197:A:ALA:HB1	4	0.26
(1,6695)	1:359:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HB3	19	0.26
(1,6682)	1:352:A:ILE:HD11	1:279:A:LEU:HG	19	0.26
(1,6669)	1:279:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:H	30	0.26
(1,6639)	1:194:A:LEU:HD21	1:311:A:PRO:HB2	4	0.26
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:416:A:LEU:HD13	17	0.26
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG3	32	0.26
(1,6564)	1:203:A:MET:HE1	1:210:A:PRO:HB2	26	0.26
(1,6556)	1:263:A:VAL:HG12	1:255:A:LEU:HB3	11	0.26
(1,6556)	1:263:A:VAL:HG13	1:255:A:LEU:HB3	32	0.26
(1,6544)	1:194:A:LEU:HD12	1:313:A:CYS:HB2	30	0.26
(1,6541)	1:352:A:ILE:HD12	1:350:A:VAL:HA	17	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6541)	1:352:A:ILE:HD12	1:350:A:VAL:HA	22	0.26
(1,6537)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HA	2	0.26
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG23	29	0.26
(1,6443)	1:315:A:TYR:HD1	1:307:A:LEU:HG	21	0.26
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:HG21	8	0.26
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	4	0.26
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD22	1:409:A:LEU:H	21	0.26
(1,6386)	1:398:A:ILE:HD11	1:392:A:PRO:HD2	5	0.26
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HD11	3	0.26
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG22	1:322:A:ILE:HD11	35	0.26
(1,6330)	1:228:A:GLU:HB2	1:227:A:CYS:HB3	1	0.26
(1,6297)	1:297:A:THR:HG23	1:298:A:GLU:HG2	20	0.26
(1,6296)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HE2	12	0.26
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	12	0.26
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	20	0.26
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG21	1:407:A:PHE:H	5	0.26
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG23	1:407:A:PHE:H	20	0.26
(1,6241)	1:217:A:ILE:HG23	1:375:A:GLN:H	21	0.26
(1,6223)	1:305:A:ARG:HB2	1:305:A:ARG:HD2	2	0.26
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG21	1:264:A:ALA:H	31	0.26
(1,6214)	1:281:A:LYS:HG2	1:276:A:GLU:HG3	33	0.26
(1,6208)	1:189:A:ILE:HG23	1:201:A:THR:HG23	16	0.26
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG3	1:270:A:TYR:H	35	0.26
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD21	1:253:A:THR:H	6	0.26
(1,6155)	1:300:A:VAL:HG21	1:363:A:HIS:HB3	26	0.26
(1,6147)	1:225:A:MET:HE1	1:328:A:VAL:H	30	0.26
(1,6125)	1:295:A:THR:HG21	1:296:A:GLU:HB3	11	0.26
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD21	1:364:A:VAL:H	35	0.26
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD13	1:322:A:ILE:HG21	8	0.26
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD12	1:322:A:ILE:HG23	23	0.26
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HE2	12	0.26
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:HD11	25	0.26
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HD22	27	0.26
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HD22	35	0.26
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	2	0.26
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	14	0.26
(1,6027)	1:416:A:LEU:HD13	1:422:A:ASP:H	34	0.26
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD12	1:371:A:VAL:HB	13	0.26
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD12	1:371:A:VAL:HB	15	0.26
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	9	0.26
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	33	0.26
(1,5978)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HB	31	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5953)	1:239:A:LYS:HD2	1:262:A:THR:HG23	23	0.26
(1,5948)	1:189:A:ILE:HD12	1:196:A:ASP:HB3	3	0.26
(1,5942)	1:358:A:TYR:HB2	1:357:A:LEU:HD23	3	0.26
(1,5908)	1:380:A:LEU:HD11	1:382:A:TRP:HB2	6	0.26
(1,5903)	1:337:A:MET:HE1	1:343:A:SER:H	30	0.26
(1,5796)	1:210:A:PRO:HD2	1:209:A:LEU:HG	29	0.26
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	10	0.26
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	32	0.26
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	18	0.26
(1,5702)	1:222:A:LYS:HG3	1:223:A:TYR:HD2	13	0.26
(1,5673)	1:319:A:SER:HA	1:323:A:VAL:HG13	3	0.26
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:283:A:LEU:HB3	13	0.26
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:283:A:LEU:HB3	31	0.26
(1,5590)	1:436:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:H	27	0.26
(1,5569)	1:284:A:MET:HE1	1:352:A:ILE:HG21	4	0.26
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	14	0.26
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	2	0.26
(1,5387)	1:230:A:ILE:H	1:335:A:THR:HG22	27	0.26
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD12	24	0.26
(1,5303)	1:277:A:ASN:HD21	1:351:A:GLN:HA	23	0.26
(1,5263)	1:419:A:GLY:H	1:421:A:LYS:HD3	5	0.26
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	13	0.26
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	25	0.26
(1,5215)	1:364:A:VAL:H	1:367:A:LEU:HD21	35	0.26
(1,5163)	1:327:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HG	3	0.26
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	16	0.26
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG3	16	0.26
(1,5102)	1:185:A:ASN:HD22	1:187:A:LYS:HB2	15	0.26
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HD21	9	0.26
(1,5074)	1:202:A:MET:H	1:200:A:ARG:HG3	30	0.26
(1,4948)	1:338:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HA	22	0.26
(1,4911)	1:269:A:GLN:HE21	1:268:A:LYS:HG3	9	0.26
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:278:A:LEU:HG	4	0.26
(1,4871)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HD11	3	0.26
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG12	15	0.26
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:278:A:LEU:HD11	32	0.26
(1,4849)	1:359:A:VAL:H	1:356:A:VAL:HG22	8	0.26
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:352:A:ILE:HG12	14	0.26
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG23	35	0.26
(1,4756)	1:243:A:LEU:H	1:240:A:VAL:HG23	17	0.26
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD21	35	0.26
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG21	25	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG22	25	0.26
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG23	25	0.26
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG21	25	0.26
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG22	25	0.26
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG23	25	0.26
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG21	25	0.26
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG22	25	0.26
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG23	25	0.26
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG11	24	0.26
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG12	24	0.26
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG13	24	0.26
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	7	0.26
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	16	0.26
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	18	0.26
(1,4394)	1:393:A:GLU:HB2	1:442:A:LYS:HE3	29	0.26
(1,4394)	1:393:A:GLU:HB2	1:442:A:LYS:HE3	30	0.26
(1,4217)	1:226:A:LYS:HG2	1:334:A:GLU:HG3	14	0.26
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD11	1:209:A:LEU:HD21	10	0.26
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD11	1:209:A:LEU:HD22	10	0.26
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD11	1:209:A:LEU:HD23	10	0.26
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD12	1:209:A:LEU:HD21	10	0.26
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD12	1:209:A:LEU:HD22	10	0.26
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD12	1:209:A:LEU:HD23	10	0.26
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD13	1:209:A:LEU:HD21	10	0.26
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD13	1:209:A:LEU:HD22	10	0.26
(1,3970)	1:207:A:ILE:HD13	1:209:A:LEU:HD23	10	0.26
(1,3860)	1:308:A:LYS:HD3	1:304:A:GLN:HB2	25	0.26
(1,3650)	1:409:A:LEU:HD11	1:433:A:GLN:HE21	32	0.26
(1,3650)	1:409:A:LEU:HD12	1:433:A:GLN:HE21	32	0.26
(1,3650)	1:409:A:LEU:HD13	1:433:A:GLN:HE21	32	0.26
(1,3566)	1:207:A:ILE:HD11	1:205:A:ASP:HB2	34	0.26
(1,3566)	1:207:A:ILE:HD12	1:205:A:ASP:HB2	34	0.26
(1,3566)	1:207:A:ILE:HD13	1:205:A:ASP:HB2	34	0.26
(1,3353)	1:359:A:VAL:HG11	1:358:A:TYR:H	2	0.26
(1,3353)	1:359:A:VAL:HG12	1:358:A:TYR:H	2	0.26
(1,3353)	1:359:A:VAL:HG13	1:358:A:TYR:H	2	0.26
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD2	20	0.26
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD2	20	0.26
(1,3176)	1:369:A:GLY:HA3	1:365:A:GLN:HG3	32	0.26
(1,2982)	1:225:A:MET:HE1	1:327:A:HIS:HB2	17	0.26
(1,2982)	1:225:A:MET:HE2	1:327:A:HIS:HB2	17	0.26
(1,2982)	1:225:A:MET:HE3	1:327:A:HIS:HB2	17	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2714)	1:348:A:PRO:HD2	1:346:A:LEU:HB3	12	0.26
(1,2714)	1:348:A:PRO:HD2	1:346:A:LEU:HB3	24	0.26
(1,2693)	1:281:A:LYS:HE3	1:277:A:ASN:H	18	0.26
(1,2662)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG3	8	0.26
(1,2554)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG2	10	0.26
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HB2	9	0.26
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HB2	9	0.26
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HB2	9	0.26
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	33	0.26
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	33	0.26
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	33	0.26
(1,2450)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:H	4	0.26
(1,2436)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HE22	32	0.26
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD21	1:325:A:MET:HG2	13	0.26
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD22	1:325:A:MET:HG2	13	0.26
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD23	1:325:A:MET:HG2	13	0.26
(1,2245)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:HE3	21	0.26
(1,2203)	1:279:A:LEU:HD11	1:284:A:MET:HG3	29	0.26
(1,2203)	1:279:A:LEU:HD12	1:284:A:MET:HG3	29	0.26
(1,2203)	1:279:A:LEU:HD13	1:284:A:MET:HG3	29	0.26
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:HE2	32	0.26
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:HE2	32	0.26
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD23	1:399:A:LYS:HE2	32	0.26
(1,2124)	1:187:A:LYS:HD2	1:187:A:LYS:H	4	0.26
(1,1788)	1:422:A:ASP:H	1:421:A:LYS:HE2	5	0.26
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD21	3	0.26
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD22	3	0.26
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD23	3	0.26
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG11	8	0.26
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG12	8	0.26
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG13	8	0.26
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG21	11	0.26
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG22	11	0.26
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG23	11	0.26
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	33	0.26
(1,335)	1:223:A:TYR:H	1:221:A:GLU:HB2	33	0.26
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	1	0.26
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	3	0.26
(1,77)	1:370:A:ASN:HD22	1:371:A:VAL:HG21	33	0.26
(1,77)	1:370:A:ASN:HD22	1:371:A:VAL:HG22	33	0.26
(1,77)	1:370:A:ASN:HD22	1:371:A:VAL:HG23	33	0.26
(1,70)	1:297:A:THR:H	1:296:A:GLU:HB3	13	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	2	0.25
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	3	0.25
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	6	0.25
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	9	0.25
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	1	0.25
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	2	0.25
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	17	0.25
(2,69)	1:342:A:ILE:HD11	1:329:A:ILE:HG13	1	0.25
(2,69)	1:342:A:ILE:HD12	1:329:A:ILE:HG13	1	0.25
(2,69)	1:342:A:ILE:HD13	1:329:A:ILE:HG13	1	0.25
(2,69)	1:342:A:ILE:HD11	1:329:A:ILE:HG13	16	0.25
(2,69)	1:342:A:ILE:HD12	1:329:A:ILE:HG13	16	0.25
(2,69)	1:342:A:ILE:HD13	1:329:A:ILE:HG13	16	0.25
(2,43)	1:355:A:ARG:HD2	1:356:A:VAL:H	33	0.25
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG22	1:416:A:LEU:H	7	0.25
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG23	1:344:A:ILE:H	34	0.25
(1,6851)	1:371:A:VAL:HG11	1:323:A:VAL:HG13	25	0.25
(1,6851)	1:371:A:VAL:HG13	1:323:A:VAL:HG12	33	0.25
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD21	1:309:A:GLU:HG3	20	0.25
(1,6836)	1:225:A:MET:HE2	1:221:A:GLU:H	23	0.25
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD12	1:405:A:GLN:HA	15	0.25
(1,6831)	1:217:A:ILE:HD13	1:373:A:LEU:HB3	26	0.25
(1,6825)	1:267:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HD13	4	0.25
(1,6795)	1:306:A:LEU:HD13	1:286:A:ARG:HG2	28	0.25
(1,6766)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HA	8	0.25
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD13	1:230:A:ILE:HG23	7	0.25
(1,6703)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:H	2	0.25
(1,6703)	1:329:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:H	4	0.25
(1,6666)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HB3	4	0.25
(1,6655)	1:244:A:LYS:HD2	1:269:A:GLN:HB2	16	0.25
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HA	32	0.25
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	27	0.25
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG21	1:210:A:PRO:HB3	5	0.25
(1,6488)	1:409:A:LEU:HD22	1:413:A:HIS:H	5	0.25
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG11	1:231:A:TYR:HD1	25	0.25
(1,6474)	1:210:A:PRO:HD3	1:209:A:LEU:HD13	31	0.25
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:HG23	16	0.25
(1,6374)	1:243:A:LEU:HD21	1:253:A:THR:HG23	28	0.25
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HD11	18	0.25
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG22	1:322:A:ILE:HD13	23	0.25
(1,6330)	1:228:A:GLU:HB2	1:227:A:CYS:HB3	31	0.25
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	12	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	25	0.25
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG23	1:284:A:MET:HG3	6	0.25
(1,6306)	1:253:A:THR:HG23	1:251:A:GLU:HB2	6	0.25
(1,6283)	1:323:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HG21	25	0.25
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG22	1:407:A:PHE:H	4	0.25
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG21	1:407:A:PHE:H	17	0.25
(1,6223)	1:305:A:ARG:HB2	1:305:A:ARG:HD2	1	0.25
(1,6223)	1:305:A:ARG:HB2	1:305:A:ARG:HD2	24	0.25
(1,6214)	1:281:A:LYS:HG2	1:276:A:GLU:HG3	15	0.25
(1,6199)	1:416:A:LEU:HD11	1:422:A:ASP:HB3	9	0.25
(1,6164)	1:303:A:PHE:HE2	1:367:A:LEU:HD11	28	0.25
(1,6155)	1:300:A:VAL:HG22	1:363:A:HIS:HB3	12	0.25
(1,6155)	1:300:A:VAL:HG21	1:363:A:HIS:HB3	18	0.25
(1,6155)	1:300:A:VAL:HG21	1:363:A:HIS:HB3	23	0.25
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:263:A:VAL:HG23	27	0.25
(1,6134)	1:323:A:VAL:HG21	1:368:A:PHE:HD1	6	0.25
(1,6042)	1:308:A:LYS:HD2	1:310:A:LEU:HG	24	0.25
(1,6017)	1:189:A:ILE:HD12	1:198:A:VAL:HA	17	0.25
(1,6010)	1:351:A:GLN:HG3	1:272:A:ARG:HB3	5	0.25
(1,6010)	1:351:A:GLN:HG3	1:272:A:ARG:HB3	33	0.25
(1,6008)	1:316:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HD11	6	0.25
(1,6008)	1:316:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HD13	17	0.25
(1,6006)	1:307:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HD1	28	0.25
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD13	1:371:A:VAL:HB	1	0.25
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD13	1:371:A:VAL:HB	20	0.25
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD12	1:371:A:VAL:HB	24	0.25
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	4	0.25
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	15	0.25
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HA	24	0.25
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HA	30	0.25
(1,5923)	1:274:A:LEU:HD21	1:197:A:ALA:H	17	0.25
(1,5915)	1:352:A:ILE:HD12	1:357:A:LEU:HA	22	0.25
(1,5885)	1:263:A:VAL:HG13	1:259:A:GLU:HB2	12	0.25
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD22	17	0.25
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG23	1:316:A:LEU:HD21	22	0.25
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD11	1:193:A:PRO:HA	17	0.25
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG21	1:325:A:MET:H	20	0.25
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB1	1:255:A:LEU:HD22	21	0.25
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB2	1:266:A:LEU:HD21	27	0.25
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB1	1:266:A:LEU:HD23	33	0.25
(1,5660)	1:284:A:MET:HE1	1:281:A:LYS:HA	23	0.25
(1,5660)	1:284:A:MET:HE2	1:281:A:LYS:HA	24	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5653)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HG3	10	0.25
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:283:A:LEU:HB3	1	0.25
(1,5647)	1:202:A:MET:HE3	1:198:A:VAL:H	30	0.25
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	34	0.25
(1,5591)	1:268:A:LYS:HE2	1:349:A:THR:HB	19	0.25
(1,5569)	1:284:A:MET:HE2	1:352:A:ILE:HG23	13	0.25
(1,5429)	1:269:A:GLN:HE21	1:190:A:PHE:HE2	25	0.25
(1,5387)	1:230:A:ILE:H	1:335:A:THR:HG22	28	0.25
(1,5384)	1:269:A:GLN:H	1:190:A:PHE:HE2	9	0.25
(1,5384)	1:269:A:GLN:H	1:270:A:TYR:HD2	25	0.25
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:271:A:LEU:HD23	30	0.25
(1,5326)	1:374:A:LYS:H	1:374:A:LYS:HG3	29	0.25
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG21	18	0.25
(1,5302)	1:365:A:GLN:HE21	1:365:A:GLN:HA	8	0.25
(1,5290)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HB2	21	0.25
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	33	0.25
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	8	0.25
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:255:A:LEU:HD12	2	0.25
(1,5202)	1:254:A:ASN:HD21	1:255:A:LEU:HD13	16	0.25
(1,5186)	1:431:A:GLU:H	1:432:A:VAL:HB	33	0.25
(1,5146)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HG23	16	0.25
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	5	0.25
(1,5119)	1:442:A:LYS:H	1:441:A:ARG:HD3	22	0.25
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	4	0.25
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HD22	34	0.25
(1,5026)	1:395:A:GLN:HE21	1:396:A:ALA:H	4	0.25
(1,5026)	1:395:A:GLN:HE21	1:396:A:ALA:H	22	0.25
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	24	0.25
(1,4993)	1:265:A:SER:H	1:268:A:LYS:HB3	20	0.25
(1,4993)	1:265:A:SER:H	1:268:A:LYS:HB3	27	0.25
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	18	0.25
(1,4944)	1:395:A:GLN:HE21	1:398:A:ILE:HB	15	0.25
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG21	1	0.25
(1,4849)	1:359:A:VAL:H	1:356:A:VAL:HG23	11	0.25
(1,4843)	1:351:A:GLN:H	1:351:A:GLN:HB3	1	0.25
(1,4843)	1:351:A:GLN:H	1:351:A:GLN:HB3	34	0.25
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	11	0.25
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	18	0.25
(1,4735)	1:219:A:TYR:H	1:223:A:TYR:HD2	9	0.25
(1,4735)	1:219:A:TYR:H	1:223:A:TYR:HD2	15	0.25
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:337:A:MET:HB3	29	0.25
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB1	1:331:A:LYS:HE3	23	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB2	1:331:A:LYS:HE3	23	0.25
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB3	1:331:A:LYS:HE3	23	0.25
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	28	0.25
(1,4544)	1:253:A:THR:HG21	1:254:A:ASN:HB2	35	0.25
(1,4544)	1:253:A:THR:HG22	1:254:A:ASN:HB2	35	0.25
(1,4544)	1:253:A:THR:HG23	1:254:A:ASN:HB2	35	0.25
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD2	1:308:A:LYS:HE3	27	0.25
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	12	0.25
(1,4221)	1:283:A:LEU:HD21	1:306:A:LEU:HD11	11	0.25
(1,4221)	1:283:A:LEU:HD21	1:306:A:LEU:HD12	11	0.25
(1,4221)	1:283:A:LEU:HD21	1:306:A:LEU:HD13	11	0.25
(1,4221)	1:283:A:LEU:HD22	1:306:A:LEU:HD11	11	0.25
(1,4221)	1:283:A:LEU:HD22	1:306:A:LEU:HD12	11	0.25
(1,4221)	1:283:A:LEU:HD22	1:306:A:LEU:HD13	11	0.25
(1,4221)	1:283:A:LEU:HD23	1:306:A:LEU:HD11	11	0.25
(1,4221)	1:283:A:LEU:HD23	1:306:A:LEU:HD12	11	0.25
(1,4221)	1:283:A:LEU:HD23	1:306:A:LEU:HD13	11	0.25
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD11	2	0.25
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD12	2	0.25
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD13	2	0.25
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	19	0.25
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	19	0.25
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	19	0.25
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	19	0.25
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	19	0.25
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	19	0.25
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	19	0.25
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	19	0.25
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	19	0.25
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG11	8	0.25
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG12	8	0.25
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG13	8	0.25
(1,3860)	1:308:A:LYS:HD3	1:304:A:GLN:HB2	22	0.25
(1,3860)	1:308:A:LYS:HD3	1:304:A:GLN:HB2	24	0.25
(1,3842)	1:358:A:TYR:HE1	1:339:A:ILE:HD12	20	0.25
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB1	24	0.25
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB2	24	0.25
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB3	24	0.25
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG3	23	0.25
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HE1	27	0.25
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HE2	27	0.25
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HE1	27	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HE2	27	0.25
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE1	27	0.25
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE2	27	0.25
(1,3335)	1:335:A:THR:HG21	1:331:A:LYS:HB3	31	0.25
(1,3335)	1:335:A:THR:HG22	1:331:A:LYS:HB3	31	0.25
(1,3335)	1:335:A:THR:HG23	1:331:A:LYS:HB3	31	0.25
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HG	31	0.25
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HG	31	0.25
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HG	31	0.25
(1,2988)	1:399:A:LYS:HA	1:399:A:LYS:HD3	12	0.25
(1,2729)	1:284:A:MET:HE1	1:279:A:LEU:HG	33	0.25
(1,2714)	1:348:A:PRO:HD2	1:346:A:LEU:HB3	30	0.25
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG3	1:281:A:LYS:HD2	2	0.25
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD11	1:412:A:LEU:HA	29	0.25
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD12	1:412:A:LEU:HA	29	0.25
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD13	1:412:A:LEU:HA	29	0.25
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HD2	27	0.25
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	9	0.25
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	9	0.25
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	9	0.25
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	2	0.25
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	2	0.25
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	2	0.25
(1,2373)	1:243:A:LEU:HD21	1:243:A:LEU:HA	19	0.25
(1,2373)	1:243:A:LEU:HD22	1:243:A:LEU:HA	19	0.25
(1,2373)	1:243:A:LEU:HD23	1:243:A:LEU:HA	19	0.25
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD3	1:189:A:ILE:HD11	26	0.25
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD3	1:189:A:ILE:HD12	26	0.25
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD3	1:189:A:ILE:HD13	26	0.25
(1,2352)	1:373:A:LEU:HD21	1:373:A:LEU:H	30	0.25
(1,2352)	1:373:A:LEU:HD22	1:373:A:LEU:H	30	0.25
(1,2352)	1:373:A:LEU:HD23	1:373:A:LEU:H	30	0.25
(1,2124)	1:187:A:LYS:HD2	1:187:A:LYS:H	10	0.25
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE3	33	0.25
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE3	33	0.25
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE3	33	0.25
(1,2110)	1:226:A:LYS:HG3	1:334:A:GLU:HG3	24	0.25
(1,2106)	1:377:A:MET:HB2	1:204:A:TYR:HD1	9	0.25
(1,1805)	1:301:A:GLN:HE22	1:300:A:VAL:HG11	5	0.25
(1,1805)	1:301:A:GLN:HE22	1:300:A:VAL:HG12	5	0.25
(1,1805)	1:301:A:GLN:HE22	1:300:A:VAL:HG13	5	0.25
(1,1720)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HA	21	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1720)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HA	22	0.25
(1,1618)	1:357:A:LEU:H	1:346:A:LEU:HB3	9	0.25
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	33	0.25
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	33	0.25
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	33	0.25
(1,1355)	1:251:A:GLU:H	1:252:A:SER:HA	27	0.25
(1,1280)	1:395:A:GLN:HE21	1:444:A:ARG:HD3	12	0.25
(1,1280)	1:395:A:GLN:HE21	1:444:A:ARG:HD3	27	0.25
(1,1172)	1:219:A:TYR:H	1:255:A:LEU:HB2	19	0.25
(1,1144)	1:410:A:ASN:H	1:432:A:VAL:HG21	30	0.25
(1,1144)	1:410:A:ASN:H	1:432:A:VAL:HG22	30	0.25
(1,1144)	1:410:A:ASN:H	1:432:A:VAL:HG23	30	0.25
(1,1033)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HD11	6	0.25
(1,1033)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HD12	6	0.25
(1,1033)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HD13	6	0.25
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG11	15	0.25
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG12	15	0.25
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG13	15	0.25
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG21	19	0.25
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG22	19	0.25
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG23	19	0.25
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	20	0.25
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	27	0.25
(1,428)	1:419:A:GLY:H	1:420:A:ILE:HD11	3	0.25
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	19	0.25
(1,282)	1:313:A:CYS:H	1:312:A:GLU:HB3	21	0.25
(1,60)	1:375:A:GLN:HE22	1:378:A:LYS:HB2	24	0.25
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	20	0.25
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	32	0.25
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	5	0.24
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	10	0.24
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	12	0.24
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	14	0.24
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	30	0.24
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	11	0.24
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	13	0.24
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	16	0.24
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	20	0.24
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	23	0.24
(2,69)	1:342:A:ILE:HD11	1:329:A:ILE:HG13	14	0.24
(2,69)	1:342:A:ILE:HD12	1:329:A:ILE:HG13	14	0.24
(2,69)	1:342:A:ILE:HD13	1:329:A:ILE:HG13	14	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,19)	1:245:A:ALA:H	1:244:A:LYS:HD2	7	0.24
(1,6875)	1:423:A:LEU:HD23	1:430:A:TRP:HH2	27	0.24
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG22	1:344:A:ILE:H	9	0.24
(1,6851)	1:371:A:VAL:HG11	1:323:A:VAL:HG11	19	0.24
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD23	1:282:A:GLU:HG3	8	0.24
(1,6805)	1:201:A:THR:HG22	1:189:A:ILE:HB	22	0.24
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	26	0.24
(1,6731)	1:239:A:LYS:HD3	1:243:A:LEU:HD11	8	0.24
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG21	1:307:A:LEU:HD11	9	0.24
(1,6664)	1:398:A:ILE:HB	1:398:A:ILE:HG22	7	0.24
(1,6664)	1:398:A:ILE:HB	1:398:A:ILE:HG21	9	0.24
(1,6664)	1:398:A:ILE:HB	1:398:A:ILE:HG21	11	0.24
(1,6664)	1:420:A:ILE:HB	1:420:A:ILE:HG23	18	0.24
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:H	32	0.24
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD23	1:363:A:HIS:H	5	0.24
(1,6591)	1:438:A:ALA:HB1	1:439:A:LEU:HD22	5	0.24
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	5	0.24
(1,6556)	1:263:A:VAL:HG12	1:255:A:LEU:HB3	35	0.24
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG22	1:358:A:TYR:HE1	9	0.24
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD21	1:426:A:GLU:HG2	3	0.24
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD21	1:409:A:LEU:H	30	0.24
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG22	1:322:A:ILE:HD11	27	0.24
(1,6354)	1:225:A:MET:HE3	1:221:A:GLU:HA	11	0.24
(1,6330)	1:228:A:GLU:HB2	1:227:A:CYS:HB3	34	0.24
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	3	0.24
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	17	0.24
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG22	1:284:A:MET:HG3	14	0.24
(1,6316)	1:425:A:LYS:HE3	1:426:A:GLU:H	27	0.24
(1,6297)	1:297:A:THR:HG21	1:298:A:GLU:HG2	6	0.24
(1,6259)	1:443:A:LEU:HD12	1:399:A:LYS:HA	34	0.24
(1,6257)	1:337:A:MET:HE3	1:328:A:VAL:HB	28	0.24
(1,6255)	1:284:A:MET:HE3	1:283:A:LEU:H	10	0.24
(1,6241)	1:217:A:ILE:HG22	1:375:A:GLN:H	33	0.24
(1,6224)	1:439:A:LEU:HD13	1:438:A:ALA:H	5	0.24
(1,6223)	1:305:A:ARG:HB2	1:305:A:ARG:HD2	13	0.24
(1,6221)	1:225:A:MET:HE1	1:331:A:LYS:HG2	27	0.24
(1,6221)	1:225:A:MET:HE2	1:331:A:LYS:HG2	28	0.24
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG2	1:270:A:TYR:H	13	0.24
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:263:A:VAL:HG22	7	0.24
(1,6147)	1:225:A:MET:HE2	1:328:A:VAL:H	32	0.24
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	27	0.24
(1,6126)	1:318:A:ILE:HD13	1:314:A:ASN:HD21	21	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6043)	1:308:A:LYS:HD2	1:309:A:GLU:H	10	0.24
(1,6027)	1:416:A:LEU:HD12	1:422:A:ASP:H	9	0.24
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	8	0.24
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	29	0.24
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	35	0.24
(1,5978)	1:272:A:ARG:HG2	1:273:A:ASP:HA	25	0.24
(1,5948)	1:189:A:ILE:HD13	1:196:A:ASP:HB3	32	0.24
(1,5894)	1:207:A:ILE:HD13	1:373:A:LEU:HA	27	0.24
(1,5848)	1:183:A:MET:HG3	1:182:A:HIS:HA	34	0.24
(1,5753)	1:318:A:ILE:HD13	1:278:A:LEU:HB2	16	0.24
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HD21	4	0.24
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG12	1:342:A:ILE:HD12	18	0.24
(1,5701)	1:302:A:GLU:HG2	1:286:A:ARG:HD3	23	0.24
(1,5701)	1:302:A:GLU:HG2	1:286:A:ARG:HD3	30	0.24
(1,5697)	1:362:A:THR:HG21	1:359:A:VAL:HG23	6	0.24
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG23	1:325:A:MET:H	19	0.24
(1,5673)	1:319:A:SER:HA	1:323:A:VAL:HG12	29	0.24
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB3	1:255:A:LEU:HD23	6	0.24
(1,5648)	1:281:A:LYS:HE3	1:281:A:LYS:HG2	21	0.24
(1,5642)	1:225:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG22	5	0.24
(1,5615)	1:422:A:ASP:HB3	1:420:A:ILE:HG22	6	0.24
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	22	0.24
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD21	1:283:A:LEU:HG	8	0.24
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD22	1:283:A:LEU:HG	10	0.24
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD21	1:283:A:LEU:HG	11	0.24
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD22	1:283:A:LEU:HG	20	0.24
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD23	1:283:A:LEU:HG	22	0.24
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD21	1:283:A:LEU:HG	32	0.24
(1,5569)	1:284:A:MET:HE2	1:352:A:ILE:HG23	2	0.24
(1,5569)	1:284:A:MET:HE2	1:352:A:ILE:HG21	26	0.24
(1,5569)	1:284:A:MET:HE3	1:352:A:ILE:HG23	28	0.24
(1,5450)	1:338:A:ASN:H	1:337:A:MET:HB3	7	0.24
(1,5352)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:HA	13	0.24
(1,5346)	1:370:A:ASN:H	1:323:A:VAL:HG23	13	0.24
(1,5346)	1:370:A:ASN:H	1:323:A:VAL:HG23	34	0.24
(1,5343)	1:332:A:GLU:H	1:331:A:LYS:HE2	22	0.24
(1,5288)	1:269:A:GLN:HE22	1:268:A:LYS:HG3	27	0.24
(1,5277)	1:195:A:ALA:H	1:193:A:PRO:HG3	5	0.24
(1,5263)	1:419:A:GLY:H	1:416:A:LEU:HG	26	0.24
(1,5258)	1:351:A:GLN:HE22	1:272:A:ARG:HB2	33	0.24
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	3	0.24
(1,5215)	1:364:A:VAL:H	1:367:A:LEU:HD22	24	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	5	0.24
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD23	5	0.24
(1,5146)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HG21	11	0.24
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	19	0.24
(1,5131)	1:314:A:ASN:HD21	1:314:A:ASN:HA	21	0.24
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	20	0.24
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:322:A:ILE:HD13	6	0.24
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:322:A:ILE:HD12	24	0.24
(1,5053)	1:209:A:LEU:H	1:202:A:MET:HG3	21	0.24
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG21	3	0.24
(1,5028)	1:382:A:TRP:HE1	1:388:A:MET:HG3	2	0.24
(1,4992)	1:283:A:LEU:H	1:286:A:ARG:HG3	31	0.24
(1,4990)	1:245:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	25	0.24
(1,4977)	1:253:A:THR:H	1:251:A:GLU:HB2	1	0.24
(1,4977)	1:253:A:THR:H	1:251:A:GLU:HB2	25	0.24
(1,4934)	1:316:A:LEU:H	1:209:A:LEU:HD11	25	0.24
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG12	5	0.24
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG12	10	0.24
(1,4849)	1:359:A:VAL:H	1:356:A:VAL:HG23	5	0.24
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:285:A:PRO:HB3	6	0.24
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	33	0.24
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	25	0.24
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:265:A:SER:HB3	32	0.24
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:337:A:MET:HB3	3	0.24
(1,4544)	1:253:A:THR:HG21	1:254:A:ASN:HB2	26	0.24
(1,4544)	1:253:A:THR:HG22	1:254:A:ASN:HB2	26	0.24
(1,4544)	1:253:A:THR:HG23	1:254:A:ASN:HB2	26	0.24
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD3	1:308:A:LYS:HE2	7	0.24
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD3	1:308:A:LYS:HE2	11	0.24
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD2	1:308:A:LYS:HE3	12	0.24
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD3	1:308:A:LYS:HE2	18	0.24
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD2	1:308:A:LYS:HE3	30	0.24
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD2	1:308:A:LYS:HE3	33	0.24
(1,4454)	1:373:A:LEU:HD11	1:323:A:VAL:HB	7	0.24
(1,4454)	1:373:A:LEU:HD12	1:323:A:VAL:HB	7	0.24
(1,4454)	1:373:A:LEU:HD13	1:323:A:VAL:HB	7	0.24
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG11	18	0.24
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG12	18	0.24
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG13	18	0.24
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	20	0.24
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	20	0.24
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	20	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD11	21	0.24
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD12	21	0.24
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD13	21	0.24
(1,4179)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HA	23	0.24
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD2	1:444:A:ARG:HG3	10	0.24
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD2	1:444:A:ARG:HG3	32	0.24
(1,4042)	1:239:A:LYS:HD3	1:242:A:GLU:HB3	10	0.24
(1,4035)	1:348:A:PRO:HD3	1:346:A:LEU:HB3	34	0.24
(1,3979)	1:236:A:ILE:HD11	1:239:A:LYS:HE3	3	0.24
(1,3979)	1:236:A:ILE:HD12	1:239:A:LYS:HE3	3	0.24
(1,3979)	1:236:A:ILE:HD13	1:239:A:LYS:HE3	3	0.24
(1,3836)	1:187:A:LYS:HD2	1:188:A:PRO:HD2	27	0.24
(1,3786)	1:202:A:MET:HE1	1:202:A:MET:HA	25	0.24
(1,3786)	1:202:A:MET:HE2	1:202:A:MET:HA	25	0.24
(1,3786)	1:202:A:MET:HE3	1:202:A:MET:HA	25	0.24
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD3	1:437:A:THR:HG21	6	0.24
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD3	1:437:A:THR:HG22	6	0.24
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD3	1:437:A:THR:HG23	6	0.24
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	32	0.24
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB1	27	0.24
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB2	27	0.24
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB3	27	0.24
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD21	1:334:A:GLU:HG2	21	0.24
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD22	1:334:A:GLU:HG2	21	0.24
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD23	1:334:A:GLU:HG2	21	0.24
(1,3656)	1:226:A:LYS:HB2	1:334:A:GLU:HG3	31	0.24
(1,3650)	1:409:A:LEU:HD11	1:433:A:GLN:HE21	23	0.24
(1,3650)	1:409:A:LEU:HD12	1:433:A:GLN:HE21	23	0.24
(1,3650)	1:409:A:LEU:HD13	1:433:A:GLN:HE21	23	0.24
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HD21	27	0.24
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HD22	27	0.24
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HD23	27	0.24
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HD21	27	0.24
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HD22	27	0.24
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HD23	27	0.24
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HD21	27	0.24
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HD22	27	0.24
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HD23	27	0.24
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HB3	24	0.24
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HB3	24	0.24
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HB3	24	0.24
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD21	29	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD22	29	0.24
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD23	29	0.24
(1,2927)	1:391:A:LEU:HD21	1:442:A:LYS:HE2	28	0.24
(1,2927)	1:391:A:LEU:HD22	1:442:A:LYS:HE2	28	0.24
(1,2927)	1:391:A:LEU:HD23	1:442:A:LYS:HE2	28	0.24
(1,2857)	1:202:A:MET:HE1	1:206:A:GLY:HA3	20	0.24
(1,2857)	1:202:A:MET:HE2	1:206:A:GLY:HA3	20	0.24
(1,2857)	1:202:A:MET:HE3	1:206:A:GLY:HA3	20	0.24
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB1	1:243:A:LEU:HD21	19	0.24
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB1	1:243:A:LEU:HD22	19	0.24
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB1	1:243:A:LEU:HD23	19	0.24
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB2	1:243:A:LEU:HD21	19	0.24
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB2	1:243:A:LEU:HD22	19	0.24
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB2	1:243:A:LEU:HD23	19	0.24
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB3	1:243:A:LEU:HD21	19	0.24
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB3	1:243:A:LEU:HD22	19	0.24
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB3	1:243:A:LEU:HD23	19	0.24
(1,2729)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HG	20	0.24
(1,2714)	1:348:A:PRO:HD2	1:346:A:LEU:HB3	11	0.24
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD12	5	0.24
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	1	0.24
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	11	0.24
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	14	0.24
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG3	1:281:A:LYS:HD2	16	0.24
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG3	1:281:A:LYS:HD2	31	0.24
(1,2554)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG2	28	0.24
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD11	1:412:A:LEU:HA	3	0.24
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD12	1:412:A:LEU:HA	3	0.24
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD13	1:412:A:LEU:HA	3	0.24
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HD3	7	0.24
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HD3	11	0.24
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HD2	12	0.24
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HD3	18	0.24
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HD2	30	0.24
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HD2	33	0.24
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HD11	16	0.24
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HD12	16	0.24
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HD13	16	0.24
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HD11	16	0.24
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HD12	16	0.24
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HD13	16	0.24
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HD11	16	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HD12	16	0.24
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HD13	16	0.24
(1,2450)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:H	24	0.24
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	7	0.24
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	32	0.24
(1,2124)	1:187:A:LYS:HD2	1:187:A:LYS:H	23	0.24
(1,1919)	1:282:A:GLU:H	1:280:A:THR:HG1	11	0.24
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	20	0.24
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	22	0.24
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	8	0.24
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	8	0.24
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	8	0.24
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	12	0.24
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	12	0.24
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	12	0.24
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG3	25	0.24
(1,1355)	1:251:A:GLU:H	1:252:A:SER:HA	32	0.24
(1,1280)	1:395:A:GLN:HE21	1:444:A:ARG:HD3	7	0.24
(1,1019)	1:428:A:ARG:H	1:423:A:LEU:HD21	9	0.24
(1,1019)	1:428:A:ARG:H	1:423:A:LEU:HD22	9	0.24
(1,1019)	1:428:A:ARG:H	1:423:A:LEU:HD23	9	0.24
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG21	12	0.24
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG22	12	0.24
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG23	12	0.24
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG21	26	0.24
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG22	26	0.24
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG23	26	0.24
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG11	35	0.24
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG12	35	0.24
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG13	35	0.24
(1,854)	1:201:A:THR:H	1:202:A:MET:HG3	20	0.24
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	23	0.24
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	23	0.24
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	23	0.24
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	28	0.24
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	28	0.24
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	28	0.24
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG11	22	0.24
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG12	22	0.24
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG13	22	0.24
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	13	0.24
(1,297)	1:430:A:TRP:HE1	1:431:A:GLU:H	16	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	12	0.24
(1,70)	1:297:A:THR:H	1:296:A:GLU:HB3	25	0.24
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG11	15	0.24
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG12	15	0.24
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG13	15	0.24
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	17	0.23
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	24	0.23
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	28	0.23
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	31	0.23
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	4	0.23
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	12	0.23
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	9	0.23
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	27	0.23
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	34	0.23
(3,6)	1:196:A:ASP:O	1:200:A:ARG:H	15	0.23
(1,6850)	1:323:A:VAL:HG12	1:324:A:HIS:HD2	3	0.23
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD23	1:282:A:GLU:HG3	2	0.23
(1,6842)	1:212:A:VAL:HA	1:255:A:LEU:HD23	6	0.23
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD11	1:405:A:GLN:HA	24	0.23
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HB	5	0.23
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HB	12	0.23
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HB	15	0.23
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HB	18	0.23
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HB	21	0.23
(1,6792)	1:258:A:TYR:HD2	1:240:A:VAL:HG23	17	0.23
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	4	0.23
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	8	0.23
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	27	0.23
(1,6769)	1:223:A:TYR:HD2	1:222:A:LYS:HA	33	0.23
(1,6766)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HA	34	0.23
(1,6736)	1:337:A:MET:HE3	1:233:A:VAL:H	18	0.23
(1,6684)	1:227:A:CYS:HB2	1:230:A:ILE:HB	25	0.23
(1,6664)	1:398:A:ILE:HB	1:398:A:ILE:HG21	1	0.23
(1,6664)	1:420:A:ILE:HB	1:420:A:ILE:HG22	5	0.23
(1,6664)	1:398:A:ILE:HB	1:398:A:ILE:HG21	13	0.23
(1,6664)	1:398:A:ILE:HB	1:398:A:ILE:HG22	19	0.23
(1,6664)	1:398:A:ILE:HB	1:398:A:ILE:HG21	20	0.23
(1,6664)	1:398:A:ILE:HB	1:398:A:ILE:HG23	24	0.23
(1,6664)	1:420:A:ILE:HB	1:420:A:ILE:HG21	25	0.23
(1,6664)	1:398:A:ILE:HB	1:398:A:ILE:HG23	28	0.23
(1,6664)	1:398:A:ILE:HB	1:398:A:ILE:HG22	33	0.23
(1,6634)	1:253:A:THR:HG21	1:244:A:LYS:HA	29	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD13	29	0.23
(1,6593)	1:323:A:VAL:HG12	1:371:A:VAL:HB	30	0.23
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	10	0.23
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG23	1:210:A:PRO:HB3	30	0.23
(1,6560)	1:278:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HE1	25	0.23
(1,6556)	1:263:A:VAL:HG13	1:255:A:LEU:HB3	10	0.23
(1,6546)	1:367:A:LEU:HD21	1:363:A:HIS:HB3	3	0.23
(1,6540)	1:337:A:MET:HE2	1:232:A:ARG:HD3	34	0.23
(1,6536)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HB3	23	0.23
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG23	1:358:A:TYR:HE2	1	0.23
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HD21	10	0.23
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:255:A:LEU:HD13	29	0.23
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG21	1:401:A:GLU:HG2	10	0.23
(1,6468)	1:267:A:LEU:HD23	1:217:A:ILE:HA	7	0.23
(1,6429)	1:304:A:GLN:HG3	1:300:A:VAL:HG11	22	0.23
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD22	1:409:A:LEU:H	12	0.23
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD22	1:409:A:LEU:H	17	0.23
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HD13	1	0.23
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG22	1:322:A:ILE:HD11	2	0.23
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG22	1:322:A:ILE:HD13	4	0.23
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	7	0.23
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	14	0.23
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	27	0.23
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG23	1:284:A:MET:HG3	19	0.23
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG22	1:284:A:MET:HG3	28	0.23
(1,6297)	1:297:A:THR:HG23	1:298:A:GLU:HG2	26	0.23
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG23	1:407:A:PHE:H	22	0.23
(1,6238)	1:364:A:VAL:HG23	1:324:A:HIS:H	10	0.23
(1,6238)	1:364:A:VAL:HG22	1:324:A:HIS:H	15	0.23
(1,6223)	1:305:A:ARG:HB2	1:305:A:ARG:HD2	15	0.23
(1,6223)	1:305:A:ARG:HB2	1:305:A:ARG:HD2	19	0.23
(1,6223)	1:305:A:ARG:HB2	1:305:A:ARG:HD2	20	0.23
(1,6223)	1:305:A:ARG:HB2	1:305:A:ARG:HD2	26	0.23
(1,6223)	1:305:A:ARG:HB2	1:305:A:ARG:HD2	27	0.23
(1,6223)	1:305:A:ARG:HB2	1:305:A:ARG:HD2	34	0.23
(1,6221)	1:225:A:MET:HE2	1:331:A:LYS:HG2	25	0.23
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG23	1:244:A:LYS:H	5	0.23
(1,6214)	1:281:A:LYS:HG2	1:276:A:GLU:HG3	19	0.23
(1,6199)	1:416:A:LEU:HD12	1:415:A:ASP:HB3	24	0.23
(1,6161)	1:255:A:LEU:HD21	1:212:A:VAL:HG23	32	0.23
(1,6142)	1:367:A:LEU:HD23	1:366:A:GLU:H	31	0.23
(1,6127)	1:439:A:LEU:HD21	1:398:A:ILE:HA	8	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD11	1:255:A:LEU:HD13	28	0.23
(1,6079)	1:208:A:ARG:HG3	1:312:A:GLU:HA	20	0.23
(1,6074)	1:306:A:LEU:HD13	1:309:A:GLU:H	32	0.23
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD13	1:318:A:ILE:HG13	8	0.23
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD11	1:318:A:ILE:HG13	32	0.23
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HD22	11	0.23
(1,6054)	1:283:A:LEU:HD21	1:310:A:LEU:HD23	7	0.23
(1,6054)	1:283:A:LEU:HD21	1:310:A:LEU:HD23	16	0.23
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD11	1:267:A:LEU:HD23	28	0.23
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	19	0.23
(1,5978)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HB	12	0.23
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB2	1:329:A:ILE:HG21	5	0.23
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB2	1:329:A:ILE:HG23	10	0.23
(1,5796)	1:210:A:PRO:HD2	1:194:A:LEU:HD11	33	0.23
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD21	23	0.23
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD13	1:395:A:GLN:HG2	4	0.23
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD13	1:395:A:GLN:HG2	5	0.23
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	26	0.23
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HG23	21	0.23
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD12	1:193:A:PRO:HA	12	0.23
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG11	1:342:A:ILE:HD11	28	0.23
(1,5699)	1:367:A:LEU:HD12	1:363:A:HIS:HB3	3	0.23
(1,5673)	1:319:A:SER:HA	1:323:A:VAL:HG12	32	0.23
(1,5660)	1:284:A:MET:HE1	1:280:A:THR:HA	13	0.23
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:283:A:LEU:HB3	28	0.23
(1,5648)	1:281:A:LYS:HE3	1:281:A:LYS:HG2	1	0.23
(1,5604)	1:412:A:LEU:HD22	1:409:A:LEU:H	17	0.23
(1,5604)	1:412:A:LEU:HD21	1:409:A:LEU:H	29	0.23
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	1	0.23
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD22	1:283:A:LEU:HG	1	0.23
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD22	1:283:A:LEU:HG	2	0.23
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD22	1:283:A:LEU:HG	6	0.23
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD23	1:283:A:LEU:HG	12	0.23
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD22	1:283:A:LEU:HG	15	0.23
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD22	1:283:A:LEU:HG	17	0.23
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD23	1:283:A:LEU:HG	18	0.23
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD21	1:283:A:LEU:HG	19	0.23
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD23	1:283:A:LEU:HG	21	0.23
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD21	1:283:A:LEU:HG	23	0.23
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD23	1:283:A:LEU:HG	24	0.23
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD22	1:283:A:LEU:HG	28	0.23
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD21	1:283:A:LEU:HG	29	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5591)	1:272:A:ARG:HD2	1:349:A:THR:HB	7	0.23
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD21	1:407:A:PHE:H	20	0.23
(1,5580)	1:207:A:ILE:HD11	1:214:A:ARG:HB3	29	0.23
(1,5569)	1:284:A:MET:HE3	1:352:A:ILE:HG21	3	0.23
(1,5443)	1:225:A:MET:H	1:227:A:CYS:HB2	20	0.23
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG23	14	0.23
(1,5370)	1:224:A:GLY:H	1:221:A:GLU:HB3	4	0.23
(1,5351)	1:307:A:LEU:H	1:310:A:LEU:HB2	10	0.23
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD11	28	0.23
(1,5311)	1:331:A:LYS:H	1:335:A:THR:HG21	35	0.23
(1,5263)	1:419:A:GLY:H	1:416:A:LEU:HG	20	0.23
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	14	0.23
(1,5211)	1:428:A:ARG:H	1:425:A:LYS:HD3	10	0.23
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB1	8	0.23
(1,5146)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HG23	8	0.23
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG2	13	0.23
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:322:A:ILE:HD13	34	0.23
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	29	0.23
(1,4971)	1:324:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HA	2	0.23
(1,4958)	1:230:A:ILE:H	1:231:A:TYR:HA	28	0.23
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	5	0.23
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:272:A:ARG:HG2	31	0.23
(1,4871)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HD13	11	0.23
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG12	31	0.23
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	8	0.23
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:352:A:ILE:HG12	11	0.23
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:285:A:PRO:HB3	28	0.23
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	17	0.23
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG22	25	0.23
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:337:A:MET:HB3	11	0.23
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HA	7	0.23
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HA	7	0.23
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HA	7	0.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD21	19	0.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD22	19	0.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD11	1:243:A:LEU:HD23	19	0.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD21	19	0.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD22	19	0.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD12	1:243:A:LEU:HD23	19	0.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD21	19	0.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD22	19	0.23
(1,4555)	1:255:A:LEU:HD13	1:243:A:LEU:HD23	19	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4544)	1:253:A:THR:HG21	1:254:A:ASN:HB2	14	0.23
(1,4544)	1:253:A:THR:HG22	1:254:A:ASN:HB2	14	0.23
(1,4544)	1:253:A:THR:HG23	1:254:A:ASN:HB2	14	0.23
(1,4508)	1:336:A:LYS:HD2	1:335:A:THR:H	1	0.23
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD3	1:308:A:LYS:HE2	14	0.23
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD2	1:308:A:LYS:HE3	25	0.23
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD2	1:308:A:LYS:HE3	35	0.23
(1,4451)	1:284:A:MET:HG3	1:279:A:LEU:H	35	0.23
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	2	0.23
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB1	1:243:A:LEU:HD21	11	0.23
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB1	1:243:A:LEU:HD22	11	0.23
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB1	1:243:A:LEU:HD23	11	0.23
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB2	1:243:A:LEU:HD21	11	0.23
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB2	1:243:A:LEU:HD22	11	0.23
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB2	1:243:A:LEU:HD23	11	0.23
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB3	1:243:A:LEU:HD21	11	0.23
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB3	1:243:A:LEU:HD22	11	0.23
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB3	1:243:A:LEU:HD23	11	0.23
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD11	1:430:A:TRP:HZ2	4	0.23
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD12	1:430:A:TRP:HZ2	4	0.23
(1,4376)	1:423:A:LEU:HD13	1:430:A:TRP:HZ2	4	0.23
(1,4199)	1:418:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HD12	3	0.23
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD11	7	0.23
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD12	7	0.23
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD13	7	0.23
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD11	1:409:A:LEU:HA	31	0.23
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD12	1:409:A:LEU:HA	31	0.23
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD13	1:409:A:LEU:HA	31	0.23
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	3	0.23
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	4	0.23
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD2	1:444:A:ARG:HG3	6	0.23
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	8	0.23
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD2	1:444:A:ARG:HG3	9	0.23
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD2	1:444:A:ARG:HG3	18	0.23
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD2	1:444:A:ARG:HG3	25	0.23
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	26	0.23
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	28	0.23
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD2	1:444:A:ARG:HG3	29	0.23
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	33	0.23
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	34	0.23
(1,4042)	1:239:A:LYS:HD3	1:242:A:GLU:HB3	1	0.23
(1,3923)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HG21	3	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3923)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HG22	3	0.23
(1,3923)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HG23	3	0.23
(1,3923)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HG21	3	0.23
(1,3923)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HG22	3	0.23
(1,3923)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HG23	3	0.23
(1,3923)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HG21	3	0.23
(1,3923)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HG22	3	0.23
(1,3923)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HG23	3	0.23
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD11	1:186:A:LEU:HG	7	0.23
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD12	1:186:A:LEU:HG	9	0.23
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD13	1:186:A:LEU:HG	13	0.23
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD12	1:186:A:LEU:HG	18	0.23
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD12	1:186:A:LEU:HG	23	0.23
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD13	1:186:A:LEU:HG	24	0.23
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD11	1:186:A:LEU:HG	25	0.23
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD13	1:186:A:LEU:HG	26	0.23
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD11	1:186:A:LEU:HG	32	0.23
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:HD21	31	0.23
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:HD21	31	0.23
(1,3792)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:HD21	31	0.23
(1,3772)	1:332:A:GLU:HG2	1:329:A:ILE:HA	17	0.23
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG2	17	0.23
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE1	15	0.23
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE2	15	0.23
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE1	15	0.23
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE2	15	0.23
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE1	15	0.23
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE2	15	0.23
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HE1	15	0.23
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HE2	15	0.23
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HE1	15	0.23
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HE2	15	0.23
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE1	15	0.23
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE2	15	0.23
(1,3376)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HE3	8	0.23
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HG	4	0.23
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HG	4	0.23
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HG	4	0.23
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HG	5	0.23
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HG	5	0.23
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HG	5	0.23
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD11	1:304:A:GLN:HG3	27	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD12	1:304:A:GLN:HG3	27	0.23
(1,3267)	1:367:A:LEU:HD13	1:304:A:GLN:HG3	27	0.23
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD2	6	0.23
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD2	6	0.23
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	5	0.23
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	5	0.23
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	5	0.23
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD21	16	0.23
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD22	16	0.23
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD23	16	0.23
(1,3011)	1:226:A:LYS:HG3	1:226:A:LYS:H	4	0.23
(1,2993)	1:222:A:LYS:HB3	1:222:A:LYS:HE3	19	0.23
(1,2889)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HG2	9	0.23
(1,2729)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HG	15	0.23
(1,2719)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:HD21	34	0.23
(1,2719)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:HD22	34	0.23
(1,2719)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:HD23	34	0.23
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD12	2	0.23
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD11	11	0.23
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD13	13	0.23
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD11	15	0.23
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD11	17	0.23
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD12	20	0.23
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD11	22	0.23
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD13	24	0.23
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD11	25	0.23
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD11	27	0.23
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	7	0.23
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	21	0.23
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	22	0.23
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	24	0.23
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	25	0.23
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	26	0.23
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	34	0.23
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HD3	14	0.23
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HD2	25	0.23
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HD2	35	0.23
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	11	0.23
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	11	0.23
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	11	0.23
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	12	0.23
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	12	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	12	0.23
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	30	0.23
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	30	0.23
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	30	0.23
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	3	0.23
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	31	0.23
(1,2423)	1:203:A:MET:HE1	1:218:A:ASP:H	6	0.23
(1,2423)	1:203:A:MET:HE2	1:218:A:ASP:H	6	0.23
(1,2423)	1:203:A:MET:HE3	1:218:A:ASP:H	6	0.23
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD21	1:325:A:MET:HG2	24	0.23
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD22	1:325:A:MET:HG2	24	0.23
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD23	1:325:A:MET:HG2	24	0.23
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD3	1:189:A:ILE:HD11	25	0.23
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD3	1:189:A:ILE:HD12	25	0.23
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD3	1:189:A:ILE:HD13	25	0.23
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HB3	32	0.23
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD12	1:227:A:CYS:HB3	32	0.23
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD13	1:227:A:CYS:HB3	32	0.23
(1,2238)	1:226:A:LYS:HG3	1:226:A:LYS:HE3	5	0.23
(1,2149)	1:222:A:LYS:HE2	1:223:A:TYR:HE1	23	0.23
(1,2149)	1:222:A:LYS:HE2	1:223:A:TYR:HE2	23	0.23
(1,2124)	1:187:A:LYS:HD2	1:187:A:LYS:H	30	0.23
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	6	0.23
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG11	13	0.23
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG12	13	0.23
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG13	13	0.23
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	10	0.23
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	10	0.23
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	10	0.23
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	11	0.23
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	29	0.23
(1,1355)	1:251:A:GLU:H	1:252:A:SER:HA	15	0.23
(1,1216)	1:236:A:ILE:H	1:239:A:LYS:HG2	26	0.23
(1,1200)	1:356:A:VAL:H	1:360:A:PHE:HD2	19	0.23
(1,1144)	1:410:A:ASN:H	1:432:A:VAL:HG21	29	0.23
(1,1144)	1:410:A:ASN:H	1:432:A:VAL:HG22	29	0.23
(1,1144)	1:410:A:ASN:H	1:432:A:VAL:HG23	29	0.23
(1,1019)	1:428:A:ARG:H	1:423:A:LEU:HD21	18	0.23
(1,1019)	1:428:A:ARG:H	1:423:A:LEU:HD22	18	0.23
(1,1019)	1:428:A:ARG:H	1:423:A:LEU:HD23	18	0.23
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG21	4	0.23
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG22	4	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG23	4	0.23
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG21	16	0.23
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG22	16	0.23
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG23	16	0.23
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG21	27	0.23
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG22	27	0.23
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG23	27	0.23
(1,530)	1:185:A:ASN:HD22	1:188:A:PRO:HB2	31	0.23
(1,428)	1:419:A:GLY:H	1:420:A:ILE:HD12	19	0.23
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	9	0.23
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	29	0.23
(1,60)	1:375:A:GLN:HE22	1:378:A:LYS:HB2	30	0.23
(1,36)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HG	32	0.23
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	21	0.23
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	7	0.22
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	19	0.22
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	21	0.22
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	23	0.22
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	32	0.22
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	3	0.22
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	27	0.22
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	28	0.22
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	31	0.22
(2,69)	1:342:A:ILE:HD11	1:329:A:ILE:HG13	28	0.22
(2,69)	1:342:A:ILE:HD12	1:329:A:ILE:HG13	28	0.22
(2,69)	1:342:A:ILE:HD13	1:329:A:ILE:HG13	28	0.22
(2,69)	1:342:A:ILE:HD11	1:329:A:ILE:HG13	29	0.22
(2,69)	1:342:A:ILE:HD12	1:329:A:ILE:HG13	29	0.22
(2,69)	1:342:A:ILE:HD13	1:329:A:ILE:HG13	29	0.22
(1,6866)	1:217:A:ILE:HG12	1:213:A:PHE:HB3	6	0.22
(1,6828)	1:345:A:VAL:HG21	1:345:A:VAL:HB	1	0.22
(1,6828)	1:345:A:VAL:HG22	1:345:A:VAL:HB	2	0.22
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HB	6	0.22
(1,6828)	1:345:A:VAL:HG22	1:345:A:VAL:HB	8	0.22
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HB	13	0.22
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HB	19	0.22
(1,6828)	1:345:A:VAL:HG21	1:345:A:VAL:HB	20	0.22
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HB	23	0.22
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HB	27	0.22
(1,6828)	1:345:A:VAL:HG23	1:345:A:VAL:HB	29	0.22
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HB	30	0.22
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HB	31	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HB	33	0.22
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HB	35	0.22
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	14	0.22
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	29	0.22
(1,6766)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HA	22	0.22
(1,6664)	1:398:A:ILE:HB	1:398:A:ILE:HG21	2	0.22
(1,6664)	1:420:A:ILE:HB	1:420:A:ILE:HG22	6	0.22
(1,6664)	1:398:A:ILE:HB	1:398:A:ILE:HG22	16	0.22
(1,6664)	1:398:A:ILE:HB	1:398:A:ILE:HG21	31	0.22
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD13	1:230:A:ILE:H	22	0.22
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD13	1:324:A:HIS:H	30	0.22
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG23	1:210:A:PRO:HB3	23	0.22
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG22	1:210:A:PRO:HB3	33	0.22
(1,6541)	1:352:A:ILE:HD13	1:350:A:VAL:HA	26	0.22
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG23	1:401:A:GLU:HG2	1	0.22
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG12	1:231:A:TYR:HD1	31	0.22
(1,6406)	1:243:A:LEU:HD11	1:240:A:VAL:HG22	33	0.22
(1,6385)	1:217:A:ILE:HA	1:267:A:LEU:HD11	35	0.22
(1,6376)	1:377:A:MET:HE2	1:439:A:LEU:HD22	24	0.22
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HD11	29	0.22
(1,6330)	1:228:A:GLU:HB2	1:227:A:CYS:HB3	13	0.22
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	13	0.22
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	29	0.22
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG21	1:284:A:MET:HG3	11	0.22
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG22	1:284:A:MET:HG3	16	0.22
(1,6293)	1:372:A:VAL:HG13	1:371:A:VAL:H	4	0.22
(1,6259)	1:443:A:LEU:HD12	1:399:A:LYS:HA	22	0.22
(1,6241)	1:217:A:ILE:HG21	1:375:A:GLN:H	13	0.22
(1,6238)	1:364:A:VAL:HG21	1:324:A:HIS:H	25	0.22
(1,6224)	1:439:A:LEU:HD13	1:438:A:ALA:H	4	0.22
(1,6224)	1:439:A:LEU:HD13	1:438:A:ALA:H	20	0.22
(1,6224)	1:439:A:LEU:HD12	1:403:A:ARG:H	21	0.22
(1,6223)	1:305:A:ARG:HB2	1:305:A:ARG:HD2	14	0.22
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG23	1:244:A:LYS:H	28	0.22
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG23	1:264:A:ALA:H	34	0.22
(1,6174)	1:253:A:THR:HB	1:255:A:LEU:HG	29	0.22
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG23	1:303:A:PHE:HD2	1	0.22
(1,6142)	1:367:A:LEU:HD21	1:366:A:GLU:H	3	0.22
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD21	1:305:A:ARG:H	25	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD13	1:318:A:ILE:HG13	1	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD13	1:318:A:ILE:HG13	2	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD12	1:318:A:ILE:HG13	3	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD13	1:318:A:ILE:HG13	4	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD12	1:318:A:ILE:HG13	5	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD11	1:318:A:ILE:HG13	6	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD13	1:318:A:ILE:HG13	9	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD13	1:318:A:ILE:HG13	11	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD11	1:318:A:ILE:HG13	16	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD12	1:318:A:ILE:HG13	17	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD13	1:318:A:ILE:HG13	18	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD13	1:318:A:ILE:HG13	19	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD11	1:318:A:ILE:HG13	20	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD12	1:318:A:ILE:HG13	21	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD12	1:318:A:ILE:HG13	22	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD13	1:318:A:ILE:HG13	24	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD11	1:318:A:ILE:HG13	26	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD11	1:318:A:ILE:HG13	27	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD12	1:318:A:ILE:HG13	30	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD13	1:318:A:ILE:HG13	31	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD11	1:318:A:ILE:HG13	33	0.22
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD11	1:318:A:ILE:HG13	35	0.22
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD12	1:267:A:LEU:HD21	12	0.22
(1,5978)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HB	8	0.22
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HA	34	0.22
(1,5940)	1:373:A:LEU:HD13	1:325:A:MET:HE2	18	0.22
(1,5915)	1:352:A:ILE:HD12	1:357:A:LEU:HA	31	0.22
(1,5881)	1:202:A:MET:HE3	1:208:A:ARG:HD3	29	0.22
(1,5832)	1:283:A:LEU:HD22	1:279:A:LEU:HD11	23	0.22
(1,5819)	1:284:A:MET:HE2	1:351:A:GLN:HA	4	0.22
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB2	1:329:A:ILE:HG21	11	0.22
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB3	1:329:A:ILE:HG23	16	0.22
(1,5815)	1:207:A:ILE:HD11	1:214:A:ARG:HD2	29	0.22
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG23	1:323:A:VAL:HG12	12	0.22
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG21	1:323:A:VAL:HG13	29	0.22
(1,5762)	1:324:A:HIS:HD2	1:217:A:ILE:HB	23	0.22
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG21	1:316:A:LEU:HD23	24	0.22
(1,5754)	1:204:A:TYR:HE1	1:377:A:MET:HB3	23	0.22
(1,5733)	1:297:A:THR:HB	1:293:A:ARG:HB3	9	0.22
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD13	1:193:A:PRO:HA	28	0.22
(1,5673)	1:319:A:SER:HA	1:316:A:LEU:HD11	35	0.22
(1,5660)	1:284:A:MET:HE3	1:281:A:LYS:HA	10	0.22
(1,5620)	1:300:A:VAL:HG11	1:303:A:PHE:H	22	0.22
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD21	1:283:A:LEU:HG	3	0.22
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD23	1:283:A:LEU:HG	4	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD23	1:283:A:LEU:HG	5	0.22
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD23	1:283:A:LEU:HG	7	0.22
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD23	1:283:A:LEU:HG	9	0.22
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD21	1:283:A:LEU:HG	13	0.22
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD23	1:283:A:LEU:HG	14	0.22
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD23	1:283:A:LEU:HG	16	0.22
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD23	1:283:A:LEU:HG	25	0.22
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD23	1:283:A:LEU:HG	26	0.22
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD23	1:283:A:LEU:HG	27	0.22
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD23	1:283:A:LEU:HG	30	0.22
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD21	1:283:A:LEU:HG	33	0.22
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD23	1:283:A:LEU:HG	34	0.22
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD22	1:283:A:LEU:HG	35	0.22
(1,5591)	1:268:A:LYS:HE2	1:349:A:THR:HB	18	0.22
(1,5452)	1:256:A:GLU:H	1:258:A:TYR:HE1	24	0.22
(1,5446)	1:272:A:ARG:H	1:349:A:THR:HA	16	0.22
(1,5408)	1:265:A:SER:H	1:261:A:ASN:HB3	32	0.22
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:220:A:VAL:HB	3	0.22
(1,5393)	1:202:A:MET:H	1:189:A:ILE:HD12	9	0.22
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD12	14	0.22
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD11	19	0.22
(1,5311)	1:331:A:LYS:H	1:335:A:THR:HG23	14	0.22
(1,5311)	1:331:A:LYS:H	1:335:A:THR:HG21	21	0.22
(1,5268)	1:339:A:ILE:H	1:333:A:LEU:HD13	3	0.22
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	7	0.22
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	12	0.22
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB3	18	0.22
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	24	0.22
(1,5121)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HD13	20	0.22
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	11	0.22
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	14	0.22
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	35	0.22
(1,5083)	1:367:A:LEU:H	1:363:A:HIS:HB3	10	0.22
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:322:A:ILE:HD13	2	0.22
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:373:A:LEU:HD12	12	0.22
(1,5053)	1:209:A:LEU:H	1:213:A:PHE:HB3	13	0.22
(1,5026)	1:395:A:GLN:HE21	1:396:A:ALA:H	15	0.22
(1,5026)	1:395:A:GLN:HE21	1:396:A:ALA:H	33	0.22
(1,4987)	1:341:A:ASN:HD22	1:344:A:ILE:HD13	9	0.22
(1,4977)	1:253:A:THR:H	1:251:A:GLU:HB2	6	0.22
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:278:A:LEU:HG	2	0.22
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:272:A:ARG:HG2	22	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:281:A:LYS:HB2	23	0.22
(1,4867)	1:235:A:GLY:H	1:262:A:THR:HG22	1	0.22
(1,4849)	1:359:A:VAL:H	1:356:A:VAL:HG21	18	0.22
(1,4844)	1:417:A:GLN:HE22	1:413:A:HIS:HB2	33	0.22
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:285:A:PRO:HB3	3	0.22
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	27	0.22
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	33	0.22
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HG	23	0.22
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	5	0.22
(1,4752)	1:274:A:LEU:H	1:271:A:LEU:HG	1	0.22
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE3	19	0.22
(1,4735)	1:219:A:TYR:H	1:223:A:TYR:HD2	34	0.22
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD21	16	0.22
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD21	21	0.22
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:265:A:SER:HB2	6	0.22
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD21	6	0.22
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD22	6	0.22
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD23	6	0.22
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	34	0.22
(1,4544)	1:253:A:THR:HG21	1:254:A:ASN:HB2	8	0.22
(1,4544)	1:253:A:THR:HG22	1:254:A:ASN:HB2	8	0.22
(1,4544)	1:253:A:THR:HG23	1:254:A:ASN:HB2	8	0.22
(1,4508)	1:336:A:LYS:HD2	1:335:A:THR:H	11	0.22
(1,4508)	1:336:A:LYS:HD2	1:335:A:THR:H	13	0.22
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD3	1:308:A:LYS:HE2	19	0.22
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD3	1:308:A:LYS:HE2	28	0.22
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	30	0.22
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	30	0.22
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	30	0.22
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD11	1:217:A:ILE:HG13	4	0.22
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD12	1:217:A:ILE:HG12	6	0.22
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD13	1:217:A:ILE:HG12	10	0.22
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD12	1:217:A:ILE:HG12	11	0.22
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD12	1:217:A:ILE:HG12	12	0.22
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD13	1:217:A:ILE:HG12	14	0.22
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD12	1:217:A:ILE:HG13	18	0.22
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD13	1:217:A:ILE:HG13	27	0.22
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD11	1:217:A:ILE:HG12	28	0.22
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD11	1:217:A:ILE:HG13	29	0.22
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD13	1:217:A:ILE:HG12	30	0.22
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD13	1:217:A:ILE:HG13	35	0.22
(1,4138)	1:305:A:ARG:HG2	1:306:A:LEU:HD21	30	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4138)	1:305:A:ARG:HG2	1:306:A:LEU:HD22	30	0.22
(1,4138)	1:305:A:ARG:HG2	1:306:A:LEU:HD23	30	0.22
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	5	0.22
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD2	1:444:A:ARG:HG3	22	0.22
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	27	0.22
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD11	1:186:A:LEU:HG	1	0.22
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD12	1:186:A:LEU:HG	2	0.22
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD11	1:186:A:LEU:HG	3	0.22
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD12	1:186:A:LEU:HG	4	0.22
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD13	1:186:A:LEU:HG	6	0.22
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD11	1:186:A:LEU:HG	8	0.22
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD12	1:186:A:LEU:HG	10	0.22
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD11	1:186:A:LEU:HG	12	0.22
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD11	1:186:A:LEU:HG	15	0.22
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD11	1:186:A:LEU:HG	17	0.22
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD11	1:186:A:LEU:HG	19	0.22
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD13	1:186:A:LEU:HG	20	0.22
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD13	1:186:A:LEU:HG	21	0.22
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD11	1:186:A:LEU:HG	28	0.22
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD11	1:186:A:LEU:HG	29	0.22
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD11	1:186:A:LEU:HG	34	0.22
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD11	1:186:A:LEU:HG	35	0.22
(1,3670)	1:425:A:LYS:HD2	1:425:A:LYS:HA	34	0.22
(1,3435)	1:305:A:ARG:HD3	1:305:A:ARG:HB2	5	0.22
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	16	0.22
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	16	0.22
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	16	0.22
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	16	0.22
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	16	0.22
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	16	0.22
(1,3353)	1:359:A:VAL:HG11	1:358:A:TYR:H	20	0.22
(1,3353)	1:359:A:VAL:HG12	1:358:A:TYR:H	20	0.22
(1,3353)	1:359:A:VAL:HG13	1:358:A:TYR:H	20	0.22
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HB3	1	0.22
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HB3	1	0.22
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HB3	1	0.22
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD12	3	0.22
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD13	4	0.22
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD13	6	0.22
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD11	7	0.22
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD12	8	0.22
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD12	9	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD13	12	0.22
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD11	14	0.22
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD11	26	0.22
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD13	28	0.22
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD12	29	0.22
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD13	32	0.22
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD13	33	0.22
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD12	34	0.22
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	13	0.22
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	18	0.22
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	29	0.22
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	30	0.22
(1,2554)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG2	4	0.22
(1,2554)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG2	33	0.22
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD11	1:412:A:LEU:HA	28	0.22
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD12	1:412:A:LEU:HA	28	0.22
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD13	1:412:A:LEU:HA	28	0.22
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HD3	19	0.22
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HD3	28	0.22
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	34	0.22
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	34	0.22
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	34	0.22
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	20	0.22
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG11	19	0.22
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG12	19	0.22
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG13	19	0.22
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG11	19	0.22
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG12	19	0.22
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG13	19	0.22
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG11	19	0.22
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG12	19	0.22
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG13	19	0.22
(1,2229)	1:377:A:MET:HE1	1:204:A:TYR:HE1	1	0.22
(1,2226)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HB2	18	0.22
(1,2226)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HB2	30	0.22
(1,2213)	1:199:A:GLU:HG2	1:199:A:GLU:HA	29	0.22
(1,2110)	1:226:A:LYS:HG3	1:334:A:GLU:HG3	29	0.22
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	9	0.22
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	13	0.22
(1,1720)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HA	25	0.22
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	10	0.22
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	25	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	26	0.22
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	15	0.22
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	15	0.22
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	15	0.22
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	27	0.22
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	27	0.22
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	27	0.22
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	23	0.22
(1,1427)	1:333:A:LEU:H	1:332:A:GLU:HB2	22	0.22
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	24	0.22
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	28	0.22
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	35	0.22
(1,1144)	1:410:A:ASN:H	1:432:A:VAL:HG11	5	0.22
(1,1144)	1:410:A:ASN:H	1:432:A:VAL:HG12	5	0.22
(1,1144)	1:410:A:ASN:H	1:432:A:VAL:HG13	5	0.22
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG21	29	0.22
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG22	29	0.22
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG23	29	0.22
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG21	30	0.22
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG22	30	0.22
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG23	30	0.22
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD21	13	0.22
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD22	13	0.22
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD23	13	0.22
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD21	18	0.22
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD22	18	0.22
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD23	18	0.22
(1,917)	1:357:A:LEU:H	1:360:A:PHE:HB3	7	0.22
(1,804)	1:224:A:GLY:H	1:225:A:MET:HG3	20	0.22
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	14	0.22
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	6	0.22
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	6	0.22
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	6	0.22
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	17	0.22
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	17	0.22
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	17	0.22
(1,404)	1:370:A:ASN:HD21	1:369:A:GLY:HA3	25	0.22
(1,357)	1:396:A:ALA:H	1:398:A:ILE:HD13	15	0.22
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG11	20	0.22
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG12	20	0.22
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG13	20	0.22
(1,258)	1:361:A:PHE:H	1:359:A:VAL:HB	25	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,91)	1:256:A:GLU:H	1:256:A:GLU:HB2	18	0.22
(1,60)	1:375:A:GLN:HE22	1:378:A:LYS:HD3	35	0.22
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	16	0.22
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	1	0.21
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	27	0.21
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	18	0.21
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	24	0.21
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	26	0.21
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	30	0.21
(2,19)	1:245:A:ALA:H	1:244:A:LYS:HD2	12	0.21
(1,6859)	1:409:A:LEU:HD21	1:433:A:GLN:H	10	0.21
(1,6842)	1:212:A:VAL:HA	1:255:A:LEU:HD21	28	0.21
(1,6836)	1:225:A:MET:HE2	1:221:A:GLU:H	15	0.21
(1,6828)	1:345:A:VAL:HG23	1:345:A:VAL:HB	3	0.21
(1,6828)	1:345:A:VAL:HG21	1:345:A:VAL:HB	4	0.21
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HB	7	0.21
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HB	9	0.21
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HB	14	0.21
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HB	16	0.21
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HB	17	0.21
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HB	22	0.21
(1,6828)	1:345:A:VAL:HG23	1:345:A:VAL:HB	24	0.21
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HB	34	0.21
(1,6805)	1:201:A:THR:HG23	1:189:A:ILE:HB	17	0.21
(1,6794)	1:284:A:MET:HE3	1:352:A:ILE:HD11	5	0.21
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	28	0.21
(1,6703)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:H	33	0.21
(1,6702)	1:342:A:ILE:HG23	1:332:A:GLU:HG3	27	0.21
(1,6699)	1:279:A:LEU:HD21	1:351:A:GLN:HE21	10	0.21
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE1	1:307:A:LEU:HD21	14	0.21
(1,6664)	1:398:A:ILE:HB	1:398:A:ILE:HG22	10	0.21
(1,6664)	1:398:A:ILE:HB	1:398:A:ILE:HG23	34	0.21
(1,6634)	1:253:A:THR:HG23	1:244:A:LYS:HA	25	0.21
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	23	0.21
(1,6593)	1:323:A:VAL:HG13	1:371:A:VAL:HB	25	0.21
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	15	0.21
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG21	1:210:A:PRO:HB3	34	0.21
(1,6549)	1:337:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG23	20	0.21
(1,6537)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HA	31	0.21
(1,6532)	1:228:A:GLU:HG3	1:227:A:CYS:HB3	12	0.21
(1,6515)	1:325:A:MET:HE1	1:217:A:ILE:HA	22	0.21
(1,6509)	1:320:A:TRP:HE3	1:207:A:ILE:HD11	35	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:253:A:THR:HG23	16	0.21
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:253:A:THR:HG22	18	0.21
(1,6468)	1:283:A:LEU:HD21	1:305:A:ARG:HD3	35	0.21
(1,6443)	1:315:A:TYR:HD1	1:307:A:LEU:HG	4	0.21
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD23	1:409:A:LEU:H	13	0.21
(1,6385)	1:217:A:ILE:HA	1:325:A:MET:HE1	22	0.21
(1,6374)	1:243:A:LEU:HD21	1:253:A:THR:HG23	14	0.21
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HD13	21	0.21
(1,6317)	1:225:A:MET:HE1	1:325:A:MET:H	9	0.21
(1,6283)	1:323:A:VAL:HG21	1:371:A:VAL:HG22	9	0.21
(1,6283)	1:323:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HG22	10	0.21
(1,6283)	1:323:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HG23	30	0.21
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	26	0.21
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD23	1:257:A:ASP:HB3	23	0.21
(1,6248)	1:317:A:LEU:HD22	1:320:A:TRP:HB3	25	0.21
(1,6224)	1:439:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	2	0.21
(1,6209)	1:329:A:ILE:HD12	1:343:A:SER:H	13	0.21
(1,6199)	1:416:A:LEU:HD11	1:415:A:ASP:HB3	21	0.21
(1,6177)	1:364:A:VAL:HG22	1:323:A:VAL:H	8	0.21
(1,6161)	1:274:A:LEU:HD22	1:212:A:VAL:HG21	1	0.21
(1,6157)	1:380:A:LEU:HD21	1:381:A:ARG:H	9	0.21
(1,6157)	1:380:A:LEU:HD21	1:381:A:ARG:H	16	0.21
(1,6139)	1:317:A:LEU:HD11	1:210:A:PRO:HG3	15	0.21
(1,6113)	1:350:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HE2	33	0.21
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD23	1:364:A:VAL:H	9	0.21
(1,6108)	1:321:A:LEU:HA	1:317:A:LEU:HD21	8	0.21
(1,6105)	1:337:A:MET:HE2	1:231:A:TYR:HB2	18	0.21
(1,6088)	1:317:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HE2	24	0.21
(1,6074)	1:306:A:LEU:HD13	1:305:A:ARG:H	31	0.21
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD12	1:318:A:ILE:HG13	12	0.21
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD12	1:318:A:ILE:HG13	13	0.21
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD13	1:278:A:LEU:HD13	14	0.21
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD13	1:318:A:ILE:HG13	15	0.21
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD13	1:318:A:ILE:HG13	23	0.21
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD13	1:318:A:ILE:HG13	25	0.21
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD11	1:318:A:ILE:HG13	29	0.21
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD13	1:267:A:LEU:HD23	1	0.21
(1,6027)	1:416:A:LEU:HD13	1:422:A:ASP:H	28	0.21
(1,6026)	1:342:A:ILE:HD11	1:337:A:MET:HB3	32	0.21
(1,6011)	1:284:A:MET:HE3	1:277:A:ASN:H	10	0.21
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	24	0.21
(1,5978)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HB	6	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5968)	1:315:A:TYR:HE2	1:316:A:LEU:H	27	0.21
(1,5953)	1:239:A:LYS:HD2	1:262:A:THR:HG22	2	0.21
(1,5914)	1:197:A:ALA:HB3	1:189:A:ILE:HD12	33	0.21
(1,5890)	1:439:A:LEU:HD12	1:401:A:GLU:H	34	0.21
(1,5882)	1:372:A:VAL:HG13	1:320:A:TRP:HH2	33	0.21
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB2	1:329:A:ILE:HG23	30	0.21
(1,5792)	1:194:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:H	16	0.21
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG22	1:209:A:LEU:HD23	1	0.21
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG23	1:323:A:VAL:HG13	18	0.21
(1,5756)	1:203:A:MET:HE1	1:198:A:VAL:HG23	13	0.21
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HD21	17	0.21
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG23	1:325:A:MET:H	12	0.21
(1,5673)	1:319:A:SER:HA	1:323:A:VAL:HG12	1	0.21
(1,5648)	1:374:A:LYS:HE2	1:374:A:LYS:HG3	34	0.21
(1,5647)	1:202:A:MET:HE1	1:198:A:VAL:H	24	0.21
(1,5622)	1:318:A:ILE:HG21	1:279:A:LEU:HA	9	0.21
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	28	0.21
(1,5599)	1:283:A:LEU:HD23	1:283:A:LEU:HG	31	0.21
(1,5591)	1:268:A:LYS:HE2	1:349:A:THR:HB	14	0.21
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD22	1:407:A:PHE:H	14	0.21
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD21	1:407:A:PHE:H	31	0.21
(1,5580)	1:207:A:ILE:HD12	1:214:A:ARG:HB3	12	0.21
(1,5482)	1:398:A:ILE:H	1:400:A:GLU:HG2	2	0.21
(1,5360)	1:431:A:GLU:H	1:433:A:GLN:HE21	21	0.21
(1,5352)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:HA	9	0.21
(1,5346)	1:370:A:ASN:H	1:323:A:VAL:HG23	15	0.21
(1,5346)	1:370:A:ASN:H	1:323:A:VAL:HG21	35	0.21
(1,5343)	1:332:A:GLU:H	1:331:A:LYS:HE2	6	0.21
(1,5274)	1:257:A:ASP:H	1:263:A:VAL:HG11	24	0.21
(1,5268)	1:241:A:ASP:H	1:236:A:ILE:HG21	4	0.21
(1,5263)	1:419:A:GLY:H	1:416:A:LEU:HB3	24	0.21
(1,5215)	1:364:A:VAL:H	1:367:A:LEU:HD23	9	0.21
(1,5215)	1:364:A:VAL:H	1:367:A:LEU:HD22	29	0.21
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	20	0.21
(1,5146)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HG21	32	0.21
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	14	0.21
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	33	0.21
(1,5132)	1:351:A:GLN:HE22	1:349:A:THR:HG21	20	0.21
(1,5119)	1:442:A:LYS:H	1:441:A:ARG:HD3	9	0.21
(1,5119)	1:442:A:LYS:H	1:441:A:ARG:HD3	11	0.21
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	9	0.21
(1,5026)	1:395:A:GLN:HE21	1:396:A:ALA:H	21	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	34	0.21
(1,4987)	1:341:A:ASN:HD22	1:344:A:ILE:HD13	18	0.21
(1,4987)	1:341:A:ASN:HD22	1:344:A:ILE:HD11	26	0.21
(1,4916)	1:428:A:ARG:H	1:429:A:LEU:HD21	23	0.21
(1,4911)	1:269:A:GLN:HE21	1:268:A:LYS:HG3	33	0.21
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HG12	30	0.21
(1,4859)	1:299:A:LYS:H	1:293:A:ARG:HG2	29	0.21
(1,4857)	1:297:A:THR:H	1:293:A:ARG:HB3	34	0.21
(1,4849)	1:359:A:VAL:H	1:356:A:VAL:HG21	21	0.21
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	21	0.21
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:285:A:PRO:HB3	16	0.21
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	28	0.21
(1,4779)	1:314:A:ASN:H	1:318:A:ILE:HG22	15	0.21
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	8	0.21
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	24	0.21
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE1	20	0.21
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	33	0.21
(1,4697)	1:440:A:LYS:H	1:443:A:LEU:HD11	5	0.21
(1,4697)	1:440:A:LYS:H	1:398:A:ILE:HG22	9	0.21
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:194:A:LEU:HA	24	0.21
(1,4682)	1:359:A:VAL:H	1:303:A:PHE:HE2	9	0.21
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD11	1:361:A:PHE:HB3	8	0.21
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD12	1:361:A:PHE:HB3	8	0.21
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD13	1:361:A:PHE:HB3	8	0.21
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD2	1:308:A:LYS:HE3	5	0.21
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD3	1:308:A:LYS:HE2	6	0.21
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD3	1:308:A:LYS:HE2	23	0.21
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD3	1:308:A:LYS:HE2	32	0.21
(1,4329)	1:377:A:MET:HG3	1:204:A:TYR:HE1	17	0.21
(1,4217)	1:226:A:LYS:HG2	1:334:A:GLU:HG3	28	0.21
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD12	1:217:A:ILE:HG13	1	0.21
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD12	1:217:A:ILE:HG12	2	0.21
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD12	1:217:A:ILE:HG12	5	0.21
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD11	1:217:A:ILE:HG13	7	0.21
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD12	1:217:A:ILE:HG13	9	0.21
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD11	1:217:A:ILE:HG12	13	0.21
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD11	1:217:A:ILE:HG12	16	0.21
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD11	1:217:A:ILE:HG13	17	0.21
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD11	1:217:A:ILE:HG12	19	0.21
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD13	1:217:A:ILE:HG12	22	0.21
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD11	1:217:A:ILE:HG12	23	0.21
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD11	1:217:A:ILE:HG12	25	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD12	1:217:A:ILE:HG13	31	0.21
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD12	1:217:A:ILE:HG13	33	0.21
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD13	1:217:A:ILE:HG13	34	0.21
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	7	0.21
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	11	0.21
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	13	0.21
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	15	0.21
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	17	0.21
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	21	0.21
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD2	1:444:A:ARG:HG3	24	0.21
(1,4057)	1:302:A:GLU:HA	1:305:A:ARG:HB3	1	0.21
(1,4056)	1:227:A:CYS:HB3	1:230:A:ILE:HB	4	0.21
(1,4028)	1:436:A:LEU:HD11	1:406:A:GLU:HG2	31	0.21
(1,4028)	1:436:A:LEU:HD12	1:406:A:GLU:HG2	31	0.21
(1,4028)	1:436:A:LEU:HD13	1:406:A:GLU:HG2	31	0.21
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG11	13	0.21
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG12	13	0.21
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG13	13	0.21
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD11	1:186:A:LEU:HG	5	0.21
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD13	1:186:A:LEU:HG	11	0.21
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD12	1:186:A:LEU:HG	14	0.21
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD11	1:186:A:LEU:HG	16	0.21
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD13	1:186:A:LEU:HG	27	0.21
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD12	1:186:A:LEU:HG	30	0.21
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD13	1:186:A:LEU:HG	31	0.21
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG21	18	0.21
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG22	18	0.21
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG23	18	0.21
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG21	30	0.21
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG22	30	0.21
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG23	30	0.21
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	21	0.21
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD21	1:334:A:GLU:HG2	22	0.21
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD22	1:334:A:GLU:HG2	22	0.21
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD23	1:334:A:GLU:HG2	22	0.21
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD21	1:334:A:GLU:HG2	25	0.21
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD22	1:334:A:GLU:HG2	25	0.21
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD23	1:334:A:GLU:HG2	25	0.21
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	12	0.21
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	12	0.21
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	12	0.21
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	12	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	12	0.21
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	12	0.21
(1,3422)	1:299:A:LYS:HE2	1:299:A:LYS:H	4	0.21
(1,3354)	1:285:A:PRO:HG2	1:286:A:ARG:H	14	0.21
(1,3353)	1:359:A:VAL:HG11	1:358:A:TYR:H	7	0.21
(1,3353)	1:359:A:VAL:HG12	1:358:A:TYR:H	7	0.21
(1,3353)	1:359:A:VAL:HG13	1:358:A:TYR:H	7	0.21
(1,2789)	1:187:A:LYS:HD3	1:188:A:PRO:HD2	7	0.21
(1,2789)	1:187:A:LYS:HD3	1:188:A:PRO:HD2	25	0.21
(1,2719)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:HD21	1	0.21
(1,2719)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:HD22	1	0.21
(1,2719)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:HD23	1	0.21
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD12	1	0.21
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD13	10	0.21
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD12	18	0.21
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD13	19	0.21
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD11	21	0.21
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD11	23	0.21
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD13	30	0.21
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG3	1:281:A:LYS:HD2	5	0.21
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG3	1:281:A:LYS:HD2	6	0.21
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	15	0.21
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	27	0.21
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD11	1:412:A:LEU:HA	25	0.21
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD12	1:412:A:LEU:HA	25	0.21
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD13	1:412:A:LEU:HA	25	0.21
(1,2498)	1:293:A:ARG:HD3	1:293:A:ARG:HG2	27	0.21
(1,2498)	1:293:A:ARG:HD3	1:293:A:ARG:HG2	28	0.21
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HD2	5	0.21
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HD3	6	0.21
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HD3	23	0.21
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HD3	32	0.21
(1,2450)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:H	26	0.21
(1,2404)	1:356:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HD2	19	0.21
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD11	25	0.21
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD12	25	0.21
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD13	25	0.21
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG11	2	0.21
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG12	2	0.21
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG13	2	0.21
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG11	2	0.21
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG12	2	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG13	2	0.21
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG11	2	0.21
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG12	2	0.21
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG13	2	0.21
(1,2226)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HB2	1	0.21
(1,2226)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HB2	6	0.21
(1,2226)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HB2	7	0.21
(1,2226)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HB2	8	0.21
(1,2226)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HB2	9	0.21
(1,2226)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HB2	10	0.21
(1,2226)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HB2	11	0.21
(1,2226)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HB2	13	0.21
(1,2226)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HB2	17	0.21
(1,2226)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HB2	21	0.21
(1,2226)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HB2	22	0.21
(1,2226)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HB2	24	0.21
(1,2226)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HB2	25	0.21
(1,2226)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HB2	26	0.21
(1,2226)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HB2	29	0.21
(1,2149)	1:222:A:LYS:HE2	1:223:A:TYR:HE1	6	0.21
(1,2149)	1:222:A:LYS:HE2	1:223:A:TYR:HE2	6	0.21
(1,2128)	1:278:A:LEU:HD21	1:278:A:LEU:HA	35	0.21
(1,2128)	1:278:A:LEU:HD22	1:278:A:LEU:HA	35	0.21
(1,2128)	1:278:A:LEU:HD23	1:278:A:LEU:HA	35	0.21
(1,2124)	1:187:A:LYS:HD2	1:187:A:LYS:H	12	0.21
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE3	9	0.21
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE3	9	0.21
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE3	9	0.21
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG11	23	0.21
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG12	23	0.21
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG13	23	0.21
(1,1720)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HA	5	0.21
(1,1635)	1:246:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	3	0.21
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	17	0.21
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	16	0.21
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	16	0.21
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	16	0.21
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	31	0.21
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	31	0.21
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	31	0.21
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	7	0.21
(1,1475)	1:313:A:CYS:H	1:198:A:VAL:HG11	13	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1475)	1:313:A:CYS:H	1:198:A:VAL:HG12	13	0.21
(1,1475)	1:313:A:CYS:H	1:198:A:VAL:HG13	13	0.21
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD11	21	0.21
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD12	21	0.21
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD13	21	0.21
(1,1427)	1:333:A:LEU:H	1:332:A:GLU:HB2	8	0.21
(1,1427)	1:333:A:LEU:H	1:332:A:GLU:HB2	15	0.21
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	6	0.21
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	5	0.21
(1,1355)	1:251:A:GLU:H	1:252:A:SER:HA	24	0.21
(1,1172)	1:219:A:TYR:H	1:255:A:LEU:HG	26	0.21
(1,1019)	1:428:A:ARG:H	1:423:A:LEU:HD21	13	0.21
(1,1019)	1:428:A:ARG:H	1:423:A:LEU:HD22	13	0.21
(1,1019)	1:428:A:ARG:H	1:423:A:LEU:HD23	13	0.21
(1,1019)	1:428:A:ARG:H	1:423:A:LEU:HD21	24	0.21
(1,1019)	1:428:A:ARG:H	1:423:A:LEU:HD22	24	0.21
(1,1019)	1:428:A:ARG:H	1:423:A:LEU:HD23	24	0.21
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD1	18	0.21
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD2	18	0.21
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG21	6	0.21
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG22	6	0.21
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG23	6	0.21
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG21	23	0.21
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG22	23	0.21
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG23	23	0.21
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	12	0.21
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	12	0.21
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	12	0.21
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	35	0.21
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	35	0.21
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	35	0.21
(1,483)	1:375:A:GLN:HE21	1:377:A:MET:HE1	2	0.21
(1,483)	1:375:A:GLN:HE21	1:377:A:MET:HE2	2	0.21
(1,483)	1:375:A:GLN:HE21	1:377:A:MET:HE3	2	0.21
(1,404)	1:370:A:ASN:HD21	1:369:A:GLY:HA3	16	0.21
(1,404)	1:370:A:ASN:HD21	1:369:A:GLY:HA3	26	0.21
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD11	10	0.21
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD12	10	0.21
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD13	10	0.21
(1,316)	1:198:A:VAL:H	1:198:A:VAL:HB	4	0.21
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	31	0.21
(3,176)	1:407:A:PHE:O	1:411:A:CYS:H	18	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	20	0.2
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	26	0.2
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	29	0.2
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	34	0.2
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	6	0.2
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	8	0.2
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	28	0.2
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	20	0.2
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	23	0.2
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	22	0.2
(3,6)	1:196:A:ASP:O	1:200:A:ARG:H	23	0.2
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	24	0.2
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG21	1:416:A:LEU:H	18	0.2
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG23	1:344:A:ILE:H	30	0.2
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD22	1:282:A:GLU:HG3	3	0.2
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD11	1:408:A:LEU:H	5	0.2
(1,6832)	1:409:A:LEU:HD11	1:405:A:GLN:HA	27	0.2
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HB	11	0.2
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HB	25	0.2
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HB	26	0.2
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG23	1:364:A:VAL:HB	28	0.2
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HB	32	0.2
(1,6794)	1:284:A:MET:HE1	1:352:A:ILE:HD13	10	0.2
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	16	0.2
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	23	0.2
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	25	0.2
(1,6751)	1:209:A:LEU:HD21	1:217:A:ILE:HG12	21	0.2
(1,6664)	1:398:A:ILE:HB	1:398:A:ILE:HG22	12	0.2
(1,6618)	1:415:A:ASP:HB2	1:420:A:ILE:HG21	27	0.2
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG2	8	0.2
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG2	22	0.2
(1,6570)	1:194:A:LEU:HD22	1:313:A:CYS:HA	20	0.2
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD11	1:444:A:ARG:H	21	0.2
(1,6467)	1:318:A:ILE:HG21	1:315:A:TYR:HD1	35	0.2
(1,6456)	1:197:A:ALA:HB1	1:274:A:LEU:HB3	3	0.2
(1,6456)	1:197:A:ALA:HB2	1:274:A:LEU:HB3	12	0.2
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HG23	28	0.2
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD21	1:426:A:GLU:HG2	8	0.2
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD22	1:409:A:LEU:H	29	0.2
(1,6363)	1:266:A:LEU:HD11	1:244:A:LYS:HA	11	0.2
(1,6356)	1:342:A:ILE:HD13	1:337:A:MET:H	7	0.2
(1,6354)	1:225:A:MET:HE3	1:221:A:GLU:HA	14	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6345)	1:284:A:MET:HG2	1:285:A:PRO:HG3	12	0.2
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	22	0.2
(1,6316)	1:425:A:LYS:HE3	1:426:A:GLU:H	30	0.2
(1,6314)	1:334:A:GLU:HG2	1:331:A:LYS:HD2	31	0.2
(1,6283)	1:323:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HG21	15	0.2
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD13	1:438:A:ALA:H	19	0.2
(1,6213)	1:322:A:ILE:HA	1:346:A:LEU:HD21	35	0.2
(1,6161)	1:255:A:LEU:HD23	1:212:A:VAL:HG22	2	0.2
(1,6157)	1:323:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:H	4	0.2
(1,6142)	1:367:A:LEU:HD23	1:366:A:GLU:H	4	0.2
(1,6139)	1:317:A:LEU:HD11	1:210:A:PRO:HG3	30	0.2
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD13	1:255:A:LEU:HD11	29	0.2
(1,6086)	1:209:A:LEU:HD22	1:213:A:PHE:HE2	8	0.2
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD12	1:318:A:ILE:HG13	7	0.2
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD13	1:318:A:ILE:HG13	28	0.2
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD12	1:318:A:ILE:HG13	34	0.2
(1,6057)	1:364:A:VAL:HG23	1:367:A:LEU:HD23	5	0.2
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HD22	26	0.2
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HD22	32	0.2
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD13	1:267:A:LEU:HD21	23	0.2
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG2	1:282:A:GLU:HG2	24	0.2
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG2	1:282:A:GLU:HG2	29	0.2
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD21	1:255:A:LEU:HD21	27	0.2
(1,6010)	1:351:A:GLN:HG3	1:272:A:ARG:HB3	35	0.2
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD13	1:371:A:VAL:HB	2	0.2
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	7	0.2
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	22	0.2
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD21	1:305:A:ARG:HG2	1	0.2
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD21	1:305:A:ARG:HG2	15	0.2
(1,5978)	1:272:A:ARG:HG2	1:349:A:THR:HB	22	0.2
(1,5969)	1:258:A:TYR:HD1	1:255:A:LEU:HD13	13	0.2
(1,5968)	1:315:A:TYR:HE2	1:316:A:LEU:H	23	0.2
(1,5967)	1:217:A:ILE:HB	1:267:A:LEU:HD23	22	0.2
(1,5945)	1:203:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	14	0.2
(1,5923)	1:274:A:LEU:HD21	1:197:A:ALA:H	3	0.2
(1,5923)	1:274:A:LEU:HD21	1:197:A:ALA:H	9	0.2
(1,5885)	1:263:A:VAL:HG12	1:259:A:GLU:HB2	7	0.2
(1,5885)	1:300:A:VAL:HG12	1:296:A:GLU:HB2	27	0.2
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG22	1:341:A:ASN:HB3	22	0.2
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG21	1:341:A:ASN:HB3	35	0.2
(1,5816)	1:334:A:GLU:HG3	1:331:A:LYS:HE3	31	0.2
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD12	1:271:A:LEU:HB3	6	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD13	1:395:A:GLN:HG2	34	0.2
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HD21	24	0.2
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD11	1:350:A:VAL:HG13	32	0.2
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD13	1:193:A:PRO:HA	10	0.2
(1,5710)	1:243:A:LEU:HD11	1:266:A:LEU:HB2	19	0.2
(1,5660)	1:284:A:MET:HE3	1:281:A:LYS:HA	34	0.2
(1,5648)	1:281:A:LYS:HE3	1:281:A:LYS:HG3	6	0.2
(1,5620)	1:300:A:VAL:HG11	1:303:A:PHE:H	3	0.2
(1,5620)	1:300:A:VAL:HG12	1:303:A:PHE:H	28	0.2
(1,5580)	1:207:A:ILE:HD13	1:214:A:ARG:HB3	8	0.2
(1,5580)	1:207:A:ILE:HD12	1:214:A:ARG:HB3	16	0.2
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	4	0.2
(1,5443)	1:225:A:MET:H	1:227:A:CYS:HB2	29	0.2
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	17	0.2
(1,5370)	1:224:A:GLY:H	1:221:A:GLU:HB3	14	0.2
(1,5352)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:HA	1	0.2
(1,5351)	1:307:A:LEU:H	1:308:A:LYS:HG3	31	0.2
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	2	0.2
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	9	0.2
(1,5311)	1:331:A:LYS:H	1:335:A:THR:HG21	33	0.2
(1,5215)	1:364:A:VAL:H	1:367:A:LEU:HD23	6	0.2
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	4	0.2
(1,5178)	1:313:A:CYS:H	1:310:A:LEU:HD11	13	0.2
(1,5157)	1:352:A:ILE:H	1:350:A:VAL:HG21	12	0.2
(1,5146)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HG23	21	0.2
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	23	0.2
(1,5121)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HD13	13	0.2
(1,5121)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HD13	24	0.2
(1,5119)	1:442:A:LYS:H	1:441:A:ARG:HD3	14	0.2
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	12	0.2
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	23	0.2
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:189:A:ILE:HD12	4	0.2
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:322:A:ILE:HD12	17	0.2
(1,5074)	1:202:A:MET:H	1:200:A:ARG:HG3	20	0.2
(1,5056)	1:372:A:VAL:H	1:370:A:ASN:HB2	19	0.2
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG22	24	0.2
(1,4993)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB3	8	0.2
(1,4993)	1:265:A:SER:H	1:268:A:LYS:HB3	9	0.2
(1,4993)	1:265:A:SER:H	1:268:A:LYS:HB3	21	0.2
(1,4993)	1:265:A:SER:H	1:268:A:LYS:HB3	33	0.2
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HG12	18	0.2
(1,4871)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HD12	33	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG21	28	0.2
(1,4849)	1:359:A:VAL:H	1:356:A:VAL:HG22	19	0.2
(1,4844)	1:417:A:GLN:HE22	1:413:A:HIS:HB2	29	0.2
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	4	0.2
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	22	0.2
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:285:A:PRO:HB3	23	0.2
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	15	0.2
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	21	0.2
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE3	4	0.2
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD21	24	0.2
(1,4697)	1:247:A:TYR:H	1:266:A:LEU:HD12	17	0.2
(1,4654)	1:318:A:ILE:HD13	1:360:A:PHE:HE1	8	0.2
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB1	1:331:A:LYS:HE3	35	0.2
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB2	1:331:A:LYS:HE3	35	0.2
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB3	1:331:A:LYS:HE3	35	0.2
(1,4508)	1:336:A:LYS:HD2	1:335:A:THR:H	3	0.2
(1,4508)	1:336:A:LYS:HD2	1:335:A:THR:H	20	0.2
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD3	1:308:A:LYS:HE2	1	0.2
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD2	1:308:A:LYS:HE3	2	0.2
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD3	1:308:A:LYS:HE2	8	0.2
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD2	1:308:A:LYS:HE3	9	0.2
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD3	1:308:A:LYS:HE2	16	0.2
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD2	1:308:A:LYS:HE3	20	0.2
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD3	1:308:A:LYS:HE2	21	0.2
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD2	1:308:A:LYS:HE3	24	0.2
(1,4454)	1:373:A:LEU:HD11	1:323:A:VAL:HB	14	0.2
(1,4454)	1:373:A:LEU:HD12	1:323:A:VAL:HB	14	0.2
(1,4454)	1:373:A:LEU:HD13	1:323:A:VAL:HB	14	0.2
(1,4451)	1:284:A:MET:HG3	1:279:A:LEU:H	33	0.2
(1,4394)	1:393:A:GLU:HB2	1:442:A:LYS:HE2	20	0.2
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	3	0.2
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	33	0.2
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD11	1:200:A:ARG:HD2	26	0.2
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD12	1:200:A:ARG:HD2	26	0.2
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD13	1:200:A:ARG:HD2	26	0.2
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD13	1:217:A:ILE:HG13	8	0.2
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD12	1:217:A:ILE:HG13	15	0.2
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD11	1:217:A:ILE:HG12	20	0.2
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD12	1:217:A:ILE:HG12	21	0.2
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD12	1:217:A:ILE:HG12	24	0.2
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD12	1:217:A:ILE:HG13	26	0.2
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD11	18	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	15	0.2
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	15	0.2
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	15	0.2
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	21	0.2
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	21	0.2
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	21	0.2
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	14	0.2
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	9	0.2
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	9	0.2
(1,4030)	1:372:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD11	14	0.2
(1,4030)	1:372:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD12	14	0.2
(1,4030)	1:372:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HD13	14	0.2
(1,4030)	1:372:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD11	14	0.2
(1,4030)	1:372:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD12	14	0.2
(1,4030)	1:372:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HD13	14	0.2
(1,4030)	1:372:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD11	14	0.2
(1,4030)	1:372:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD12	14	0.2
(1,4030)	1:372:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HD13	14	0.2
(1,4028)	1:436:A:LEU:HD11	1:406:A:GLU:HG2	2	0.2
(1,4028)	1:436:A:LEU:HD12	1:406:A:GLU:HG2	2	0.2
(1,4028)	1:436:A:LEU:HD13	1:406:A:GLU:HG2	2	0.2
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	18	0.2
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	18	0.2
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	18	0.2
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	18	0.2
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	18	0.2
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	18	0.2
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	18	0.2
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	18	0.2
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	18	0.2
(1,3929)	1:267:A:LEU:HD23	1:231:A:TYR:HE1	32	0.2
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD12	1:186:A:LEU:HG	22	0.2
(1,3886)	1:186:A:LEU:HD13	1:186:A:LEU:HG	33	0.2
(1,3860)	1:308:A:LYS:HD3	1:304:A:GLN:HB2	2	0.2
(1,3860)	1:308:A:LYS:HD3	1:304:A:GLN:HB2	16	0.2
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD2	1:437:A:THR:HG21	32	0.2
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD2	1:437:A:THR:HG22	32	0.2
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD2	1:437:A:THR:HG23	32	0.2
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	13	0.2
(1,3670)	1:425:A:LYS:HD3	1:425:A:LYS:HA	6	0.2
(1,3529)	1:393:A:GLU:HG3	1:442:A:LYS:HE2	20	0.2
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD11	13	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD12	13	0.2
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD13	13	0.2
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD11	13	0.2
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD12	13	0.2
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD13	13	0.2
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD11	13	0.2
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD12	13	0.2
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD13	13	0.2
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD11	31	0.2
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD12	31	0.2
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD13	31	0.2
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD11	31	0.2
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD12	31	0.2
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD13	31	0.2
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD11	31	0.2
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD12	31	0.2
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD13	31	0.2
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD11	18	0.2
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD12	18	0.2
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD13	18	0.2
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HB3	20	0.2
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HB3	20	0.2
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HB3	20	0.2
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HB3	21	0.2
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HB3	21	0.2
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HB3	21	0.2
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD21	28	0.2
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD22	28	0.2
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD23	28	0.2
(1,2982)	1:225:A:MET:HE1	1:327:A:HIS:HB3	10	0.2
(1,2982)	1:225:A:MET:HE2	1:327:A:HIS:HB3	10	0.2
(1,2982)	1:225:A:MET:HE3	1:327:A:HIS:HB3	10	0.2
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE1	1:340:A:GLN:HG3	23	0.2
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE2	1:340:A:GLN:HG3	23	0.2
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB1	1:243:A:LEU:HD21	11	0.2
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB1	1:243:A:LEU:HD22	11	0.2
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB1	1:243:A:LEU:HD23	11	0.2
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB2	1:243:A:LEU:HD21	11	0.2
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB2	1:243:A:LEU:HD22	11	0.2
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB2	1:243:A:LEU:HD23	11	0.2
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB3	1:243:A:LEU:HD21	11	0.2
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB3	1:243:A:LEU:HD22	11	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2856)	1:245:A:ALA:HB3	1:243:A:LEU:HD23	11	0.2
(1,2789)	1:187:A:LYS:HD3	1:188:A:PRO:HD2	30	0.2
(1,2785)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HG2	14	0.2
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	18	0.2
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD13	16	0.2
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD11	31	0.2
(1,2662)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG3	35	0.2
(1,2642)	1:373:A:LEU:HD21	1:327:A:HIS:HE1	14	0.2
(1,2642)	1:373:A:LEU:HD22	1:327:A:HIS:HE1	14	0.2
(1,2642)	1:373:A:LEU:HD23	1:327:A:HIS:HE1	14	0.2
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD11	1:340:A:GLN:HG2	2	0.2
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD12	1:340:A:GLN:HG2	2	0.2
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD13	1:340:A:GLN:HG2	2	0.2
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD11	1:340:A:GLN:HG2	9	0.2
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD12	1:340:A:GLN:HG2	9	0.2
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD13	1:340:A:GLN:HG2	9	0.2
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG3	1:281:A:LYS:HD2	4	0.2
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	19	0.2
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	20	0.2
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	35	0.2
(1,2550)	1:323:A:VAL:HG21	1:323:A:VAL:HA	7	0.2
(1,2550)	1:323:A:VAL:HG22	1:323:A:VAL:HA	7	0.2
(1,2550)	1:323:A:VAL:HG23	1:323:A:VAL:HA	7	0.2
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD11	1:412:A:LEU:HA	35	0.2
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD12	1:412:A:LEU:HA	35	0.2
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD13	1:412:A:LEU:HA	35	0.2
(1,2498)	1:293:A:ARG:HD3	1:293:A:ARG:HG2	3	0.2
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HD3	1	0.2
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HD2	2	0.2
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HD3	8	0.2
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HD2	9	0.2
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HD3	16	0.2
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HD2	20	0.2
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HD3	21	0.2
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HD2	24	0.2
(1,2450)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:H	27	0.2
(1,2423)	1:203:A:MET:HE1	1:218:A:ASP:H	14	0.2
(1,2423)	1:203:A:MET:HE2	1:218:A:ASP:H	14	0.2
(1,2423)	1:203:A:MET:HE3	1:218:A:ASP:H	14	0.2
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD21	1:325:A:MET:HG2	28	0.2
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD22	1:325:A:MET:HG2	28	0.2
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD23	1:325:A:MET:HG2	28	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2379)	1:413:A:HIS:HB3	1:409:A:LEU:HD21	5	0.2
(1,2379)	1:413:A:HIS:HB3	1:409:A:LEU:HD22	5	0.2
(1,2379)	1:413:A:HIS:HB3	1:409:A:LEU:HD23	5	0.2
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG11	18	0.2
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG12	18	0.2
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG13	18	0.2
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG11	18	0.2
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG12	18	0.2
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG13	18	0.2
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG11	18	0.2
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG12	18	0.2
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG13	18	0.2
(1,2238)	1:226:A:LYS:HG3	1:226:A:LYS:HE2	9	0.2
(1,2226)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HB2	34	0.2
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:HE2	7	0.2
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:HE2	7	0.2
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD23	1:399:A:LYS:HE2	7	0.2
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:HE2	14	0.2
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:HE2	14	0.2
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD23	1:399:A:LYS:HE2	14	0.2
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:HE2	22	0.2
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:HE2	22	0.2
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD23	1:399:A:LYS:HE2	22	0.2
(1,2149)	1:222:A:LYS:HE2	1:223:A:TYR:HE1	18	0.2
(1,2149)	1:222:A:LYS:HE2	1:223:A:TYR:HE2	18	0.2
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	24	0.2
(1,1720)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HA	24	0.2
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG11	29	0.2
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG12	29	0.2
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG13	29	0.2
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG21	1	0.2
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG22	1	0.2
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG23	1	0.2
(1,1619)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HG	8	0.2
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	7	0.2
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	21	0.2
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	29	0.2
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	13	0.2
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	13	0.2
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	13	0.2
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	17	0.2
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	17	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	17	0.2
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	26	0.2
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	26	0.2
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	26	0.2
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	35	0.2
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	35	0.2
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	35	0.2
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD11	23	0.2
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD12	23	0.2
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD13	23	0.2
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	18	0.2
(1,1280)	1:395:A:GLN:HE21	1:444:A:ARG:HD3	8	0.2
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD1	5	0.2
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD2	5	0.2
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG11	17	0.2
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG12	17	0.2
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG13	17	0.2
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG21	21	0.2
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG22	21	0.2
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG23	21	0.2
(1,973)	1:395:A:GLN:HE21	1:395:A:GLN:HG2	2	0.2
(1,973)	1:395:A:GLN:HE21	1:395:A:GLN:HG2	10	0.2
(1,973)	1:395:A:GLN:HE21	1:395:A:GLN:HG2	17	0.2
(1,973)	1:395:A:GLN:HE21	1:395:A:GLN:HG2	30	0.2
(1,924)	1:351:A:GLN:HE22	1:272:A:ARG:HD3	2	0.2
(1,819)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HG	19	0.2
(1,804)	1:224:A:GLY:H	1:225:A:MET:HG3	32	0.2
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	4	0.2
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	4	0.2
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	4	0.2
(1,586)	1:227:A:CYS:H	1:227:A:CYS:HB3	30	0.2
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	4	0.2
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	4	0.2
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	4	0.2
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	26	0.2
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	26	0.2
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	26	0.2
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	29	0.2
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	29	0.2
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	29	0.2
(1,404)	1:370:A:ASN:HD21	1:369:A:GLY:HA3	11	0.2
(1,404)	1:370:A:ASN:HD21	1:369:A:GLY:HA3	27	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,387)	1:336:A:LYS:H	1:332:A:GLU:HB3	22	0.2
(1,91)	1:256:A:GLU:H	1:256:A:GLU:HB2	32	0.2
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	13	0.19
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	2	0.19
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	12	0.19
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	35	0.19
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	14	0.19
(3,114)	1:326:A:ASP:O	1:330:A:ALA:H	5	0.19
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	10	0.19
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	33	0.19
(3,6)	1:196:A:ASP:O	1:200:A:ARG:H	2	0.19
(3,6)	1:196:A:ASP:O	1:200:A:ARG:H	13	0.19
(3,6)	1:196:A:ASP:O	1:200:A:ARG:H	35	0.19
(2,19)	1:245:A:ALA:H	1:244:A:LYS:HD2	5	0.19
(2,6)	1:338:A:ASN:H	1:332:A:GLU:HA	20	0.19
(1,6867)	1:312:A:GLU:HG3	1:208:A:ARG:HG2	24	0.19
(1,6866)	1:217:A:ILE:HG12	1:213:A:PHE:HB3	1	0.19
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG23	1:426:A:GLU:H	3	0.19
(1,6842)	1:212:A:VAL:HA	1:255:A:LEU:HD23	1	0.19
(1,6828)	1:364:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HB	10	0.19
(1,6816)	1:219:A:TYR:HE2	1:230:A:ILE:HD11	23	0.19
(1,6805)	1:201:A:THR:HG22	1:189:A:ILE:HB	33	0.19
(1,6790)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HD21	33	0.19
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	6	0.19
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	7	0.19
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	35	0.19
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD13	1:230:A:ILE:HG23	21	0.19
(1,6603)	1:430:A:TRP:HZ2	1:423:A:LEU:HB3	18	0.19
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG3	27	0.19
(1,6584)	1:252:A:SER:HB2	1:251:A:GLU:HG2	31	0.19
(1,6536)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HB3	17	0.19
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:255:A:LEU:HD12	11	0.19
(1,6467)	1:318:A:ILE:HG22	1:315:A:TYR:HD1	28	0.19
(1,6372)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:H	7	0.19
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	10	0.19
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	30	0.19
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG22	1:284:A:MET:HG3	18	0.19
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG22	1:284:A:MET:HG3	22	0.19
(1,6316)	1:425:A:LYS:HE3	1:426:A:GLU:H	5	0.19
(1,6255)	1:284:A:MET:HE3	1:283:A:LEU:H	21	0.19
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG21	1:264:A:ALA:H	14	0.19
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG3	1:270:A:TYR:H	9	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG2	1:270:A:TYR:H	19	0.19
(1,6199)	1:416:A:LEU:HD11	1:415:A:ASP:HB3	11	0.19
(1,6192)	1:243:A:LEU:HD23	1:253:A:THR:H	9	0.19
(1,6172)	1:409:A:LEU:HD23	1:433:A:GLN:HA	1	0.19
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	32	0.19
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD22	1:364:A:VAL:H	10	0.19
(1,6105)	1:337:A:MET:HE2	1:341:A:ASN:HB2	11	0.19
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:HD11	7	0.19
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:H	13	0.19
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD13	1:267:A:LEU:HD21	34	0.19
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG2	1:282:A:GLU:HG2	26	0.19
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD22	1:305:A:ARG:HG2	14	0.19
(1,5978)	1:272:A:ARG:HG2	1:349:A:THR:HB	23	0.19
(1,5969)	1:258:A:TYR:HD1	1:253:A:THR:HG22	1	0.19
(1,5943)	1:278:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HD23	16	0.19
(1,5935)	1:429:A:LEU:HD22	1:430:A:TRP:H	26	0.19
(1,5923)	1:274:A:LEU:HD23	1:197:A:ALA:H	22	0.19
(1,5853)	1:393:A:GLU:HG3	1:394:A:THR:HG22	24	0.19
(1,5848)	1:377:A:MET:HG3	1:405:A:GLN:HA	19	0.19
(1,5844)	1:346:A:LEU:HD21	1:349:A:THR:H	11	0.19
(1,5819)	1:284:A:MET:HE1	1:351:A:GLN:HA	25	0.19
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB1	1:329:A:ILE:HG21	12	0.19
(1,5790)	1:217:A:ILE:HG21	1:209:A:LEU:HD23	7	0.19
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD13	1:395:A:GLN:HG2	15	0.19
(1,5741)	1:351:A:GLN:HG3	1:272:A:ARG:HG2	1	0.19
(1,5740)	1:225:A:MET:HE3	1:225:A:MET:HA	31	0.19
(1,5731)	1:350:A:VAL:HG23	1:346:A:LEU:HB3	23	0.19
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD13	1:357:A:LEU:HD13	8	0.19
(1,5709)	1:212:A:VAL:HG23	1:216:A:CYS:HG	1	0.19
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG21	1:325:A:MET:H	10	0.19
(1,5660)	1:284:A:MET:HE2	1:281:A:LYS:HA	3	0.19
(1,5660)	1:284:A:MET:HE2	1:280:A:THR:HA	19	0.19
(1,5648)	1:281:A:LYS:HE3	1:281:A:LYS:HG3	26	0.19
(1,5635)	1:306:A:LEU:HD11	1:302:A:GLU:HA	3	0.19
(1,5620)	1:300:A:VAL:HG13	1:304:A:GLN:H	12	0.19
(1,5620)	1:300:A:VAL:HG12	1:303:A:PHE:H	16	0.19
(1,5590)	1:436:A:LEU:HD21	1:405:A:GLN:H	23	0.19
(1,5569)	1:284:A:MET:HE3	1:352:A:ILE:HG21	22	0.19
(1,5569)	1:284:A:MET:HE1	1:352:A:ILE:HG21	27	0.19
(1,5452)	1:256:A:GLU:H	1:258:A:TYR:HE2	4	0.19
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	6	0.19
(1,5370)	1:224:A:GLY:H	1:221:A:GLU:HB3	15	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5352)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:HA	11	0.19
(1,5341)	1:302:A:GLU:H	1:303:A:PHE:HE2	3	0.19
(1,5341)	1:302:A:GLU:H	1:303:A:PHE:HE1	19	0.19
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD12	4	0.19
(1,5336)	1:314:A:ASN:H	1:317:A:LEU:HD13	15	0.19
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	6	0.19
(1,5326)	1:374:A:LYS:H	1:374:A:LYS:HG3	26	0.19
(1,5290)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HB2	24	0.19
(1,5223)	1:225:A:MET:H	1:226:A:LYS:HD2	1	0.19
(1,5215)	1:364:A:VAL:H	1:367:A:LEU:HD22	10	0.19
(1,5209)	1:395:A:GLN:HE22	1:398:A:ILE:H	3	0.19
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB1	17	0.19
(1,5146)	1:212:A:VAL:H	1:267:A:LEU:HD21	22	0.19
(1,5119)	1:442:A:LYS:H	1:441:A:ARG:HD3	17	0.19
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	1	0.19
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	16	0.19
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	18	0.19
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:189:A:ILE:HD11	17	0.19
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:322:A:ILE:HD12	11	0.19
(1,5074)	1:202:A:MET:H	1:200:A:ARG:HG3	15	0.19
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG23	8	0.19
(1,4999)	1:304:A:GLN:H	1:367:A:LEU:HB2	5	0.19
(1,4993)	1:265:A:SER:H	1:268:A:LYS:HB3	3	0.19
(1,4993)	1:265:A:SER:H	1:268:A:LYS:HB3	22	0.19
(1,4993)	1:265:A:SER:H	1:268:A:LYS:HB3	28	0.19
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:279:A:LEU:HD21	26	0.19
(1,4911)	1:269:A:GLN:HE21	1:268:A:LYS:HG3	22	0.19
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HG12	21	0.19
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	9	0.19
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	10	0.19
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	12	0.19
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	30	0.19
(1,4756)	1:243:A:LEU:H	1:240:A:VAL:HG23	26	0.19
(1,4752)	1:274:A:LEU:H	1:271:A:LEU:HG	24	0.19
(1,4752)	1:274:A:LEU:H	1:271:A:LEU:HG	35	0.19
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE3	33	0.19
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	16	0.19
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	26	0.19
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:265:A:SER:HB2	27	0.19
(1,4682)	1:328:A:VAL:H	1:231:A:TYR:HE2	4	0.19
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD11	26	0.19
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	26	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	26	0.19
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	26	0.19
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	26	0.19
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	26	0.19
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	26	0.19
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	26	0.19
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	26	0.19
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD11	1:361:A:PHE:HB3	7	0.19
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD12	1:361:A:PHE:HB3	7	0.19
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD13	1:361:A:PHE:HB3	7	0.19
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD11	1:361:A:PHE:HB3	18	0.19
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD12	1:361:A:PHE:HB3	18	0.19
(1,4571)	1:339:A:ILE:HD13	1:361:A:PHE:HB3	18	0.19
(1,4544)	1:253:A:THR:HG21	1:254:A:ASN:HB2	10	0.19
(1,4544)	1:253:A:THR:HG22	1:254:A:ASN:HB2	10	0.19
(1,4544)	1:253:A:THR:HG23	1:254:A:ASN:HB2	10	0.19
(1,4544)	1:253:A:THR:HG21	1:254:A:ASN:HB2	28	0.19
(1,4544)	1:253:A:THR:HG22	1:254:A:ASN:HB2	28	0.19
(1,4544)	1:253:A:THR:HG23	1:254:A:ASN:HB2	28	0.19
(1,4544)	1:253:A:THR:HG21	1:254:A:ASN:HB2	31	0.19
(1,4544)	1:253:A:THR:HG22	1:254:A:ASN:HB2	31	0.19
(1,4544)	1:253:A:THR:HG23	1:254:A:ASN:HB2	31	0.19
(1,4508)	1:336:A:LYS:HD2	1:335:A:THR:H	24	0.19
(1,4508)	1:336:A:LYS:HD2	1:335:A:THR:H	28	0.19
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD3	1:308:A:LYS:HE2	13	0.19
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD2	1:308:A:LYS:HE3	17	0.19
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD2	1:308:A:LYS:HE3	22	0.19
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD2	1:308:A:LYS:HE3	29	0.19
(1,4476)	1:442:A:LYS:HE3	1:398:A:ILE:HD11	17	0.19
(1,4463)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:H	30	0.19
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	26	0.19
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	35	0.19
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	35	0.19
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	35	0.19
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	28	0.19
(1,4179)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HA	34	0.19
(1,4175)	1:217:A:ILE:HD13	1:217:A:ILE:HG13	32	0.19
(1,4139)	1:419:A:GLY:HA3	1:420:A:ILE:HD11	1	0.19
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD11	1:409:A:LEU:HA	9	0.19
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD12	1:409:A:LEU:HA	9	0.19
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD13	1:409:A:LEU:HA	9	0.19
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	22	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	22	0.19
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	22	0.19
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD2	1:444:A:ARG:HG3	19	0.19
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	31	0.19
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD2	1:444:A:ARG:HG3	35	0.19
(1,4082)	1:333:A:LEU:HD11	1:333:A:LEU:H	17	0.19
(1,4082)	1:333:A:LEU:HD12	1:333:A:LEU:H	17	0.19
(1,4082)	1:333:A:LEU:HD13	1:333:A:LEU:H	17	0.19
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	1	0.19
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	1	0.19
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	7	0.19
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	7	0.19
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	27	0.19
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	27	0.19
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	28	0.19
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	28	0.19
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG21	2	0.19
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG22	2	0.19
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG23	2	0.19
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG21	8	0.19
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG22	8	0.19
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG23	8	0.19
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG21	14	0.19
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG22	14	0.19
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG23	14	0.19
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG21	17	0.19
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG22	17	0.19
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG23	17	0.19
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD3	1:437:A:THR:HG21	12	0.19
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD3	1:437:A:THR:HG22	12	0.19
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD3	1:437:A:THR:HG23	12	0.19
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD21	1:318:A:ILE:H	32	0.19
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:H	32	0.19
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:H	32	0.19
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	12	0.19
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	19	0.19
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB1	9	0.19
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB2	9	0.19
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB3	9	0.19
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD21	1:334:A:GLU:HG2	8	0.19
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD22	1:334:A:GLU:HG2	8	0.19
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD23	1:334:A:GLU:HG2	8	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD21	1:334:A:GLU:HG2	14	0.19
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD22	1:334:A:GLU:HG2	14	0.19
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD23	1:334:A:GLU:HG2	14	0.19
(1,3656)	1:226:A:LYS:HB2	1:334:A:GLU:HG3	1	0.19
(1,3650)	1:409:A:LEU:HD11	1:433:A:GLN:HE21	19	0.19
(1,3650)	1:409:A:LEU:HD12	1:433:A:GLN:HE21	19	0.19
(1,3650)	1:409:A:LEU:HD13	1:433:A:GLN:HE21	19	0.19
(1,3585)	1:390:A:THR:HA	1:391:A:LEU:HD21	27	0.19
(1,3585)	1:390:A:THR:HA	1:391:A:LEU:HD22	27	0.19
(1,3585)	1:390:A:THR:HA	1:391:A:LEU:HD23	27	0.19
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD11	1	0.19
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD12	1	0.19
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD13	1	0.19
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD11	1	0.19
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD12	1	0.19
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD13	1	0.19
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD11	1	0.19
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD12	1	0.19
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD13	1	0.19
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD11	17	0.19
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD12	17	0.19
(1,3460)	1:367:A:LEU:HA	1:367:A:LEU:HD13	17	0.19
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	32	0.19
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	32	0.19
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	32	0.19
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	32	0.19
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	32	0.19
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	32	0.19
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE1	1:403:A:ARG:HD2	19	0.19
(1,3227)	1:204:A:TYR:HE2	1:403:A:ARG:HD2	19	0.19
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD21	24	0.19
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD22	24	0.19
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD23	24	0.19
(1,2857)	1:202:A:MET:HE1	1:206:A:GLY:HA3	26	0.19
(1,2857)	1:202:A:MET:HE2	1:206:A:GLY:HA3	26	0.19
(1,2857)	1:202:A:MET:HE3	1:206:A:GLY:HA3	26	0.19
(1,2716)	1:222:A:LYS:HD2	1:223:A:TYR:H	15	0.19
(1,2705)	1:303:A:PHE:HD1	1:359:A:VAL:HG21	3	0.19
(1,2705)	1:303:A:PHE:HD1	1:359:A:VAL:HG22	3	0.19
(1,2705)	1:303:A:PHE:HD1	1:359:A:VAL:HG23	3	0.19
(1,2705)	1:303:A:PHE:HD2	1:359:A:VAL:HG21	3	0.19
(1,2705)	1:303:A:PHE:HD2	1:359:A:VAL:HG22	3	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2705)	1:303:A:PHE:HD2	1:359:A:VAL:HG23	3	0.19
(1,2698)	1:420:A:ILE:HG12	1:420:A:ILE:HD12	35	0.19
(1,2693)	1:281:A:LYS:HE3	1:277:A:ASN:H	12	0.19
(1,2662)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG3	6	0.19
(1,2662)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG3	33	0.19
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	3	0.19
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	12	0.19
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	17	0.19
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	28	0.19
(1,2554)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG2	19	0.19
(1,2554)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG2	35	0.19
(1,2498)	1:293:A:ARG:HD3	1:293:A:ARG:HG2	2	0.19
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HD3	13	0.19
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HD2	17	0.19
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HD2	22	0.19
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HD2	29	0.19
(1,2450)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:H	9	0.19
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE3	23	0.19
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE3	23	0.19
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE3	23	0.19
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD21	1:325:A:MET:HG2	11	0.19
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD22	1:325:A:MET:HG2	11	0.19
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD23	1:325:A:MET:HG2	11	0.19
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD21	1:325:A:MET:HG2	35	0.19
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD22	1:325:A:MET:HG2	35	0.19
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD23	1:325:A:MET:HG2	35	0.19
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD3	1:189:A:ILE:HD11	21	0.19
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD3	1:189:A:ILE:HD12	21	0.19
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD3	1:189:A:ILE:HD13	21	0.19
(1,2366)	1:336:A:LYS:HD3	1:335:A:THR:H	21	0.19
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD21	19	0.19
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD22	19	0.19
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD23	19	0.19
(1,2284)	1:223:A:TYR:HE1	1:256:A:GLU:HG3	22	0.19
(1,2284)	1:223:A:TYR:HE2	1:256:A:GLU:HG3	22	0.19
(1,2238)	1:226:A:LYS:HG3	1:226:A:LYS:HE2	29	0.19
(1,2213)	1:199:A:GLU:HG2	1:199:A:GLU:HA	6	0.19
(1,2213)	1:199:A:GLU:HG2	1:199:A:GLU:HA	25	0.19
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD11	16	0.19
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD12	16	0.19
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD13	16	0.19
(1,2106)	1:377:A:MET:HB2	1:204:A:TYR:HE1	12	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2106)	1:377:A:MET:HB2	1:204:A:TYR:HE2	35	0.19
(1,2004)	1:283:A:LEU:H	1:280:A:THR:HG1	6	0.19
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	20	0.19
(1,1820)	1:360:A:PHE:H	1:359:A:VAL:HG11	3	0.19
(1,1820)	1:360:A:PHE:H	1:359:A:VAL:HG12	3	0.19
(1,1820)	1:360:A:PHE:H	1:359:A:VAL:HG13	3	0.19
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD21	1	0.19
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD22	1	0.19
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD23	1	0.19
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG21	6	0.19
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG22	6	0.19
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG23	6	0.19
(1,1658)	1:375:A:GLN:HE21	1:378:A:LYS:HD2	19	0.19
(1,1631)	1:273:A:ASP:H	1:191:A:GLY:H	6	0.19
(1,1631)	1:273:A:ASP:H	1:191:A:GLY:H	12	0.19
(1,1631)	1:273:A:ASP:H	1:191:A:GLY:H	26	0.19
(1,1618)	1:357:A:LEU:H	1:346:A:LEU:HB3	6	0.19
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	3	0.19
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	4	0.19
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	4	0.19
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	4	0.19
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	14	0.19
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	14	0.19
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	14	0.19
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	20	0.19
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	20	0.19
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	20	0.19
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	21	0.19
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	21	0.19
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	21	0.19
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	34	0.19
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	34	0.19
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	34	0.19
(1,1501)	1:341:A:ASN:HD22	1:337:A:MET:HG3	31	0.19
(1,1478)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HB2	30	0.19
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD11	1	0.19
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD12	1	0.19
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD13	1	0.19
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	1	0.19
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	7	0.19
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	11	0.19
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	13	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	31	0.19
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	26	0.19
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	27	0.19
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	33	0.19
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG3	9	0.19
(1,1287)	1:293:A:ARG:H	1:299:A:LYS:HE2	18	0.19
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG21	22	0.19
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG22	22	0.19
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG23	22	0.19
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG21	25	0.19
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG22	25	0.19
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG23	25	0.19
(1,973)	1:395:A:GLN:HE21	1:395:A:GLN:HG2	3	0.19
(1,973)	1:395:A:GLN:HE21	1:395:A:GLN:HG2	8	0.19
(1,973)	1:395:A:GLN:HE21	1:395:A:GLN:HG2	13	0.19
(1,973)	1:395:A:GLN:HE21	1:395:A:GLN:HG2	25	0.19
(1,973)	1:395:A:GLN:HE21	1:395:A:GLN:HG2	27	0.19
(1,973)	1:395:A:GLN:HE21	1:395:A:GLN:HG2	29	0.19
(1,973)	1:395:A:GLN:HE21	1:395:A:GLN:HG2	32	0.19
(1,973)	1:395:A:GLN:HE21	1:395:A:GLN:HG2	34	0.19
(1,924)	1:351:A:GLN:HE22	1:272:A:ARG:HD2	13	0.19
(1,868)	1:394:A:THR:H	1:442:A:LYS:HE3	31	0.19
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	22	0.19
(1,652)	1:341:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HG13	1	0.19
(1,586)	1:227:A:CYS:H	1:227:A:CYS:HB3	24	0.19
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	4	0.19
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	4	0.19
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	4	0.19
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	1	0.19
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	1	0.19
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	1	0.19
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	7	0.19
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	7	0.19
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	7	0.19
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	13	0.19
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	13	0.19
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	13	0.19
(1,404)	1:370:A:ASN:HD21	1:369:A:GLY:HA3	17	0.19
(1,404)	1:370:A:ASN:HD21	1:369:A:GLY:HA3	20	0.19
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	6	0.19
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	14	0.19
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	18	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,77)	1:370:A:ASN:HD22	1:371:A:VAL:HG21	14	0.19
(1,77)	1:370:A:ASN:HD22	1:371:A:VAL:HG22	14	0.19
(1,77)	1:370:A:ASN:HD22	1:371:A:VAL:HG23	14	0.19
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	16	0.18
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	9	0.18
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	10	0.18
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	15	0.18
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	22	0.18
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	25	0.18
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	30	0.18
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	31	0.18
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	34	0.18
(3,121)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:N	5	0.18
(3,121)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:N	12	0.18
(3,121)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:N	29	0.18
(3,114)	1:326:A:ASP:O	1:330:A:ALA:H	1	0.18
(3,114)	1:326:A:ASP:O	1:330:A:ALA:H	4	0.18
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	14	0.18
(2,68)	1:352:A:ILE:HD11	1:277:A:ASN:HD22	23	0.18
(2,68)	1:352:A:ILE:HD12	1:277:A:ASN:HD22	23	0.18
(2,68)	1:352:A:ILE:HD13	1:277:A:ASN:HD22	23	0.18
(2,68)	1:352:A:ILE:HD11	1:277:A:ASN:HD22	28	0.18
(2,68)	1:352:A:ILE:HD12	1:277:A:ASN:HD22	28	0.18
(2,68)	1:352:A:ILE:HD13	1:277:A:ASN:HD22	28	0.18
(1,6864)	1:420:A:ILE:HG21	1:416:A:LEU:H	19	0.18
(1,6859)	1:409:A:LEU:HD23	1:433:A:GLN:H	7	0.18
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG22	1:344:A:ILE:H	3	0.18
(1,6851)	1:371:A:VAL:HG11	1:323:A:VAL:HG13	23	0.18
(1,6816)	1:219:A:TYR:HE2	1:230:A:ILE:HD11	17	0.18
(1,6790)	1:413:A:HIS:HE1	1:429:A:LEU:HD23	2	0.18
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	1	0.18
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	5	0.18
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	19	0.18
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	31	0.18
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	32	0.18
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	33	0.18
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:HG23	26	0.18
(1,6669)	1:279:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:H	14	0.18
(1,6634)	1:253:A:THR:HG23	1:244:A:LYS:HA	34	0.18
(1,6633)	1:432:A:VAL:HG23	1:408:A:LEU:HD23	1	0.18
(1,6609)	1:217:A:ILE:HD11	1:324:A:HIS:H	19	0.18
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	4	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	24	0.18
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	33	0.18
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG21	1:210:A:PRO:HB3	2	0.18
(1,6536)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HB3	4	0.18
(1,6502)	1:399:A:LYS:HB3	1:443:A:LEU:HD13	29	0.18
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:253:A:THR:HG21	12	0.18
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG21	1:401:A:GLU:HG3	33	0.18
(1,6443)	1:315:A:TYR:HD1	1:307:A:LEU:HG	10	0.18
(1,6430)	1:217:A:ILE:HD11	1:213:A:PHE:HE1	10	0.18
(1,6416)	1:345:A:VAL:HB	1:342:A:ILE:HD11	15	0.18
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	31	0.18
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD21	1:426:A:GLU:HG2	7	0.18
(1,6404)	1:209:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HG	27	0.18
(1,6368)	1:334:A:GLU:HG3	1:331:A:LYS:HD3	27	0.18
(1,6352)	1:209:A:LEU:HD21	1:320:A:TRP:HA	23	0.18
(1,6332)	1:267:A:LEU:HD21	1:213:A:PHE:HZ	18	0.18
(1,6332)	1:267:A:LEU:HD22	1:213:A:PHE:HZ	33	0.18
(1,6297)	1:297:A:THR:HG23	1:298:A:GLU:HG2	17	0.18
(1,6297)	1:297:A:THR:HG22	1:298:A:GLU:HG2	27	0.18
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD13	1:438:A:ALA:H	29	0.18
(1,6268)	1:283:A:LEU:HD11	1:309:A:GLU:HG3	4	0.18
(1,6268)	1:283:A:LEU:HD11	1:309:A:GLU:HG3	13	0.18
(1,6238)	1:364:A:VAL:HG22	1:324:A:HIS:H	2	0.18
(1,6224)	1:439:A:LEU:HD13	1:403:A:ARG:H	1	0.18
(1,6224)	1:439:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	9	0.18
(1,6224)	1:439:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	25	0.18
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG22	1:244:A:LYS:H	3	0.18
(1,6205)	1:329:A:ILE:HD12	1:230:A:ILE:HG23	5	0.18
(1,6205)	1:329:A:ILE:HD13	1:345:A:VAL:HG21	32	0.18
(1,6160)	1:303:A:PHE:HE1	1:359:A:VAL:HG12	4	0.18
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:263:A:VAL:HG23	5	0.18
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG22	1:358:A:TYR:HD1	27	0.18
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD22	1:364:A:VAL:H	22	0.18
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:HD13	10	0.18
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:HD13	26	0.18
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:H	30	0.18
(1,6070)	1:318:A:ILE:HD11	1:318:A:ILE:HG13	10	0.18
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HD22	24	0.18
(1,6008)	1:316:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HD11	5	0.18
(1,5978)	1:272:A:ARG:HG2	1:349:A:THR:HB	34	0.18
(1,5945)	1:203:A:MET:HE1	1:247:A:TYR:HE2	11	0.18
(1,5885)	1:300:A:VAL:HG12	1:296:A:GLU:HB2	33	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5880)	1:254:A:ASN:HB3	1:253:A:THR:HG21	9	0.18
(1,5853)	1:393:A:GLU:HG3	1:394:A:THR:HG21	6	0.18
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG23	1:341:A:ASN:HB3	11	0.18
(1,5813)	1:420:A:ILE:HG21	1:425:A:LYS:HE2	21	0.18
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD12	1:271:A:LEU:HB3	3	0.18
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD11	1:271:A:LEU:HB3	22	0.18
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG23	1:323:A:VAL:HG13	33	0.18
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	21	0.18
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG23	1:316:A:LEU:HD21	17	0.18
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD21	1:440:A:LYS:HA	26	0.18
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD12	1:193:A:PRO:HA	5	0.18
(1,5709)	1:212:A:VAL:HG23	1:216:A:CYS:HG	16	0.18
(1,5692)	1:429:A:LEU:HD22	1:426:A:GLU:HA	5	0.18
(1,5649)	1:303:A:PHE:HD1	1:283:A:LEU:HB3	27	0.18
(1,5611)	1:339:A:ILE:HD12	1:358:A:TYR:HA	25	0.18
(1,5605)	1:337:A:MET:HE1	1:342:A:ILE:HA	30	0.18
(1,5605)	1:337:A:MET:HE3	1:342:A:ILE:HA	31	0.18
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	10	0.18
(1,5572)	1:278:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:HA	26	0.18
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	30	0.18
(1,5569)	1:284:A:MET:HE1	1:352:A:ILE:HG21	1	0.18
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:266:A:LEU:HD12	27	0.18
(1,5341)	1:302:A:GLU:H	1:303:A:PHE:HE1	18	0.18
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG11	3	0.18
(1,5314)	1:254:A:ASN:HD21	1:256:A:GLU:HA	10	0.18
(1,5311)	1:331:A:LYS:H	1:335:A:THR:HG22	3	0.18
(1,5215)	1:364:A:VAL:H	1:367:A:LEU:HD22	22	0.18
(1,5214)	1:375:A:GLN:HE22	1:218:A:ASP:HA	23	0.18
(1,5186)	1:431:A:GLU:H	1:432:A:VAL:HB	3	0.18
(1,5157)	1:352:A:ILE:H	1:350:A:VAL:HG11	17	0.18
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	1	0.18
(1,5119)	1:442:A:LYS:H	1:441:A:ARG:HD3	32	0.18
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	29	0.18
(1,5083)	1:367:A:LEU:H	1:368:A:PHE:HB3	34	0.18
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:373:A:LEU:HD13	10	0.18
(1,5064)	1:351:A:GLN:HE21	1:350:A:VAL:HA	33	0.18
(1,5056)	1:372:A:VAL:H	1:370:A:ASN:HB3	33	0.18
(1,5015)	1:288:A:GLU:H	1:356:A:VAL:HG23	30	0.18
(1,4993)	1:265:A:SER:H	1:268:A:LYS:HB3	11	0.18
(1,4987)	1:341:A:ASN:HD22	1:344:A:ILE:HD11	32	0.18
(1,4977)	1:253:A:THR:H	1:251:A:GLU:HB2	11	0.18
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	29	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG12	22	0.18
(1,4849)	1:359:A:VAL:H	1:356:A:VAL:HG23	29	0.18
(1,4844)	1:417:A:GLN:HE22	1:413:A:HIS:HB2	24	0.18
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	4	0.18
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	6	0.18
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	13	0.18
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	19	0.18
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	21	0.18
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	25	0.18
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	29	0.18
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	14	0.18
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE2	7	0.18
(1,4735)	1:219:A:TYR:H	1:223:A:TYR:HD2	22	0.18
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	5	0.18
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	24	0.18
(1,4697)	1:440:A:LYS:H	1:436:A:LEU:HD23	14	0.18
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD21	1:278:A:LEU:H	8	0.18
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD22	1:278:A:LEU:H	8	0.18
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD23	1:278:A:LEU:H	8	0.18
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD21	1:278:A:LEU:H	32	0.18
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD22	1:278:A:LEU:H	32	0.18
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD23	1:278:A:LEU:H	32	0.18
(1,4544)	1:253:A:THR:HG21	1:254:A:ASN:HB2	25	0.18
(1,4544)	1:253:A:THR:HG22	1:254:A:ASN:HB2	25	0.18
(1,4544)	1:253:A:THR:HG23	1:254:A:ASN:HB2	25	0.18
(1,4496)	1:400:A:GLU:HG3	1:401:A:GLU:H	16	0.18
(1,4496)	1:400:A:GLU:HG3	1:401:A:GLU:H	27	0.18
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD3	1:308:A:LYS:HE2	4	0.18
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD3	1:308:A:LYS:HE2	10	0.18
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD3	1:308:A:LYS:HE2	31	0.18
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD2	1:308:A:LYS:HE3	34	0.18
(1,4476)	1:442:A:LYS:HE3	1:398:A:ILE:HD11	3	0.18
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HE1	13	0.18
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD11	1:258:A:TYR:HE2	13	0.18
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HE1	13	0.18
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HE2	13	0.18
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HE1	13	0.18
(1,4443)	1:255:A:LEU:HD13	1:258:A:TYR:HE2	13	0.18
(1,4424)	1:374:A:LYS:HE2	1:374:A:LYS:H	6	0.18
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG11	9	0.18
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG12	9	0.18
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG13	9	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	24	0.18
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	34	0.18
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	8	0.18
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	18	0.18
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	21	0.18
(1,4329)	1:377:A:MET:HG3	1:204:A:TYR:HD1	3	0.18
(1,4327)	1:308:A:LYS:HD2	1:308:A:LYS:H	11	0.18
(1,4293)	1:226:A:LYS:HA	1:226:A:LYS:HE2	24	0.18
(1,4266)	1:443:A:LEU:HD11	1:399:A:LYS:HE2	20	0.18
(1,4266)	1:443:A:LEU:HD12	1:399:A:LYS:HE2	20	0.18
(1,4266)	1:443:A:LEU:HD13	1:399:A:LYS:HE2	20	0.18
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	18	0.18
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	18	0.18
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	18	0.18
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	2	0.18
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	12	0.18
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	16	0.18
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	14	0.18
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	14	0.18
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	23	0.18
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	23	0.18
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	25	0.18
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	25	0.18
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	26	0.18
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	26	0.18
(1,4035)	1:348:A:PRO:HD3	1:346:A:LEU:HB3	33	0.18
(1,4028)	1:436:A:LEU:HD11	1:406:A:GLU:HG2	14	0.18
(1,4028)	1:436:A:LEU:HD12	1:406:A:GLU:HG2	14	0.18
(1,4028)	1:436:A:LEU:HD13	1:406:A:GLU:HG2	14	0.18
(1,3921)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HH2	23	0.18
(1,3860)	1:308:A:LYS:HD3	1:304:A:GLN:HB2	26	0.18
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:H	31	0.18
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:H	31	0.18
(1,3791)	1:209:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:H	31	0.18
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG21	35	0.18
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG22	35	0.18
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG23	35	0.18
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG21	19	0.18
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG22	19	0.18
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG23	19	0.18
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG21	11	0.18
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG22	11	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG23	11	0.18
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD21	1:318:A:ILE:H	25	0.18
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD22	1:318:A:ILE:H	25	0.18
(1,3708)	1:278:A:LEU:HD23	1:318:A:ILE:H	25	0.18
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	6	0.18
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	9	0.18
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	14	0.18
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	17	0.18
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	24	0.18
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	26	0.18
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	30	0.18
(1,3648)	1:184:A:PRO:HB3	1:184:A:PRO:HD2	14	0.18
(1,3623)	1:305:A:ARG:HD3	1:283:A:LEU:HA	26	0.18
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD11	21	0.18
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD12	21	0.18
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD13	21	0.18
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD11	21	0.18
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD12	21	0.18
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD13	21	0.18
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD11	21	0.18
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD12	21	0.18
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD13	21	0.18
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG2	22	0.18
(1,3529)	1:393:A:GLU:HG3	1:442:A:LYS:HE2	18	0.18
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD11	21	0.18
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD12	21	0.18
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD13	21	0.18
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD11	21	0.18
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD12	21	0.18
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD13	21	0.18
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD11	21	0.18
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD12	21	0.18
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD13	21	0.18
(1,3354)	1:285:A:PRO:HG2	1:286:A:ARG:H	21	0.18
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HG	1	0.18
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HG	1	0.18
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HG	1	0.18
(1,2930)	1:400:A:GLU:HG3	1:400:A:GLU:HA	32	0.18
(1,2798)	1:245:A:ALA:HB1	1:248:A:ASP:HB2	13	0.18
(1,2798)	1:245:A:ALA:HB2	1:248:A:ASP:HB2	13	0.18
(1,2798)	1:245:A:ALA:HB3	1:248:A:ASP:HB2	13	0.18
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	31	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2716)	1:222:A:LYS:HD2	1:223:A:TYR:H	1	0.18
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD11	1:412:A:LEU:HA	9	0.18
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD12	1:412:A:LEU:HA	9	0.18
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD13	1:412:A:LEU:HA	9	0.18
(1,2498)	1:293:A:ARG:HD3	1:293:A:ARG:HG2	1	0.18
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HD3	4	0.18
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HD3	10	0.18
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HD3	31	0.18
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HD2	34	0.18
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	10	0.18
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	10	0.18
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	10	0.18
(1,2450)	1:336:A:LYS:HE2	1:336:A:LYS:H	28	0.18
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	18	0.18
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	18	0.18
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	18	0.18
(1,2436)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HE22	10	0.18
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	26	0.18
(1,2423)	1:203:A:MET:HE1	1:218:A:ASP:H	15	0.18
(1,2423)	1:203:A:MET:HE2	1:218:A:ASP:H	15	0.18
(1,2423)	1:203:A:MET:HE3	1:218:A:ASP:H	15	0.18
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG21	1:320:A:TRP:HE1	32	0.18
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG22	1:320:A:TRP:HE1	32	0.18
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG23	1:320:A:TRP:HE1	32	0.18
(1,2389)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:H	33	0.18
(1,2389)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:H	33	0.18
(1,2389)	1:194:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:H	33	0.18
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD21	1:325:A:MET:HG2	29	0.18
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD22	1:325:A:MET:HG2	29	0.18
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD23	1:325:A:MET:HG2	29	0.18
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD21	1:325:A:MET:HG2	33	0.18
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD22	1:325:A:MET:HG2	33	0.18
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD23	1:325:A:MET:HG2	33	0.18
(1,2373)	1:243:A:LEU:HD21	1:243:A:LEU:HA	11	0.18
(1,2373)	1:243:A:LEU:HD22	1:243:A:LEU:HA	11	0.18
(1,2373)	1:243:A:LEU:HD23	1:243:A:LEU:HA	11	0.18
(1,2352)	1:373:A:LEU:HD21	1:373:A:LEU:H	19	0.18
(1,2352)	1:373:A:LEU:HD22	1:373:A:LEU:H	19	0.18
(1,2352)	1:373:A:LEU:HD23	1:373:A:LEU:H	19	0.18
(1,2303)	1:366:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG21	22	0.18
(1,2303)	1:366:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG22	22	0.18
(1,2303)	1:366:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG23	22	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HB	30	0.18
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HB	30	0.18
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG23	1:335:A:THR:HB	30	0.18
(1,2238)	1:226:A:LYS:HG3	1:226:A:LYS:HE3	25	0.18
(1,2213)	1:199:A:GLU:HG2	1:199:A:GLU:HA	23	0.18
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD11	28	0.18
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD12	28	0.18
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD13	28	0.18
(1,2124)	1:187:A:LYS:HD2	1:187:A:LYS:H	21	0.18
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE3	5	0.18
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE3	5	0.18
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE3	5	0.18
(1,2110)	1:226:A:LYS:HG3	1:334:A:GLU:HG3	28	0.18
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	2	0.18
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	7	0.18
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	31	0.18
(1,1914)	1:369:A:GLY:H	1:368:A:PHE:H	11	0.18
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	5	0.18
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	13	0.18
(1,1720)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HA	31	0.18
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG21	24	0.18
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG22	24	0.18
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG23	24	0.18
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG21	5	0.18
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG22	5	0.18
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG23	5	0.18
(1,1678)	1:187:A:LYS:H	1:188:A:PRO:HB3	31	0.18
(1,1635)	1:246:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	30	0.18
(1,1549)	1:315:A:TYR:H	1:314:A:ASN:HB2	28	0.18
(1,1427)	1:333:A:LEU:H	1:332:A:GLU:HB2	31	0.18
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	17	0.18
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	19	0.18
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	27	0.18
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	34	0.18
(1,1216)	1:236:A:ILE:H	1:239:A:LYS:HG2	17	0.18
(1,1207)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HB	4	0.18
(1,1207)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HB	14	0.18
(1,1207)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HB	30	0.18
(1,1158)	1:248:A:ASP:H	1:249:A:ARG:HG2	7	0.18
(1,1017)	1:388:A:MET:H	1:382:A:TRP:HH2	22	0.18
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	31	0.18
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD1	28	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD2	28	0.18
(1,973)	1:395:A:GLN:HE21	1:395:A:GLN:HG2	7	0.18
(1,973)	1:395:A:GLN:HE21	1:395:A:GLN:HG2	26	0.18
(1,854)	1:201:A:THR:H	1:202:A:MET:HG3	22	0.18
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	7	0.18
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	7	0.18
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	7	0.18
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	31	0.18
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	31	0.18
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	31	0.18
(1,705)	1:259:A:GLU:H	1:261:A:ASN:HD22	26	0.18
(1,586)	1:227:A:CYS:H	1:227:A:CYS:HB3	28	0.18
(1,577)	1:387:A:THR:H	1:387:A:THR:HB	10	0.18
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	16	0.18
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	16	0.18
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	16	0.18
(1,386)	1:268:A:LYS:H	1:267:A:LEU:HB3	17	0.18
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	10	0.18
(1,70)	1:297:A:THR:H	1:296:A:GLU:HB3	5	0.18
(1,70)	1:297:A:THR:H	1:296:A:GLU:HB3	9	0.18
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	17	0.18
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	30	0.18
(3,176)	1:407:A:PHE:O	1:411:A:CYS:H	9	0.17
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	5	0.17
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	14	0.17
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	17	0.17
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	32	0.17
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	3	0.17
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	32	0.17
(3,121)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:N	8	0.17
(3,114)	1:326:A:ASP:O	1:330:A:ALA:H	29	0.17
(2,111)	1:209:A:LEU:H	1:411:A:CYS:HG	30	0.17
(2,89)	1:244:A:LYS:HD3	1:245:A:ALA:H	25	0.17
(2,54)	1:435:A:ILE:HD11	1:382:A:TRP:H	29	0.17
(2,54)	1:435:A:ILE:HD12	1:382:A:TRP:H	29	0.17
(2,54)	1:435:A:ILE:HD13	1:382:A:TRP:H	29	0.17
(2,23)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HB3	25	0.17
(2,17)	1:325:A:MET:H	1:213:A:PHE:HZ	12	0.17
(1,6859)	1:409:A:LEU:HD21	1:433:A:GLN:H	5	0.17
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG21	1:344:A:ILE:H	8	0.17
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG23	1:344:A:ILE:H	11	0.17
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG21	1:344:A:ILE:H	19	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6853)	1:239:A:LYS:HD3	1:262:A:THR:HG23	7	0.17
(1,6842)	1:212:A:VAL:HA	1:255:A:LEU:HD23	15	0.17
(1,6825)	1:267:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HD11	12	0.17
(1,6804)	1:267:A:LEU:HD21	1:212:A:VAL:HG12	26	0.17
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	2	0.17
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	9	0.17
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	12	0.17
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	18	0.17
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	30	0.17
(1,6664)	1:420:A:ILE:HB	1:416:A:LEU:HD13	26	0.17
(1,6655)	1:244:A:LYS:HD2	1:240:A:VAL:HB	30	0.17
(1,6629)	1:367:A:LEU:HD23	1:363:A:HIS:H	20	0.17
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	21	0.17
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	22	0.17
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HA	26	0.17
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	18	0.17
(1,6536)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HB3	29	0.17
(1,6487)	1:225:A:MET:HE2	1:225:A:MET:H	12	0.17
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD12	1:395:A:GLN:HE21	13	0.17
(1,6467)	1:318:A:ILE:HG23	1:315:A:TYR:HD1	33	0.17
(1,6461)	1:318:A:ILE:HG22	1:278:A:LEU:HB3	19	0.17
(1,6437)	1:307:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:HG23	25	0.17
(1,6414)	1:279:A:LEU:HD11	1:350:A:VAL:HG22	15	0.17
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD22	1:409:A:LEU:H	9	0.17
(1,6372)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:H	6	0.17
(1,6363)	1:266:A:LEU:HD11	1:244:A:LYS:HA	21	0.17
(1,6363)	1:266:A:LEU:HD11	1:244:A:LYS:HA	35	0.17
(1,6352)	1:209:A:LEU:HD22	1:211:A:ALA:HA	24	0.17
(1,6345)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HB2	9	0.17
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	4	0.17
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	5	0.17
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG21	1:407:A:PHE:H	27	0.17
(1,6259)	1:443:A:LEU:HD12	1:440:A:LYS:HA	35	0.17
(1,6255)	1:284:A:MET:HE2	1:283:A:LEU:H	28	0.17
(1,6213)	1:322:A:ILE:HA	1:346:A:LEU:HD21	13	0.17
(1,6205)	1:329:A:ILE:HD12	1:230:A:ILE:HG23	1	0.17
(1,6177)	1:364:A:VAL:HG21	1:323:A:VAL:H	19	0.17
(1,6172)	1:409:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:HA	34	0.17
(1,6161)	1:255:A:LEU:HD22	1:212:A:VAL:HG22	5	0.17
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HD2	4	0.17
(1,6141)	1:409:A:LEU:HD23	1:432:A:VAL:HG13	15	0.17
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	14	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	19	0.17
(1,6108)	1:321:A:LEU:HA	1:317:A:LEU:HD21	31	0.17
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD11	1:322:A:ILE:HG23	1	0.17
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:H	8	0.17
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HD22	21	0.17
(1,6055)	1:339:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HD22	23	0.17
(1,6027)	1:416:A:LEU:HD13	1:422:A:ASP:H	24	0.17
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG2	1:282:A:GLU:HG2	22	0.17
(1,6006)	1:307:A:LEU:HD12	1:360:A:PHE:HE1	31	0.17
(1,6000)	1:225:A:MET:HE2	1:326:A:ASP:H	26	0.17
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	1	0.17
(1,5989)	1:212:A:VAL:HG21	1:255:A:LEU:HD13	21	0.17
(1,5951)	1:274:A:LEU:HD13	1:192:A:ILE:H	18	0.17
(1,5915)	1:352:A:ILE:HD13	1:357:A:LEU:HA	2	0.17
(1,5915)	1:352:A:ILE:HD12	1:357:A:LEU:HA	4	0.17
(1,5915)	1:352:A:ILE:HD11	1:357:A:LEU:HA	6	0.17
(1,5881)	1:202:A:MET:HE2	1:208:A:ARG:HD3	12	0.17
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG22	1:341:A:ASN:HB3	10	0.17
(1,5819)	1:284:A:MET:HE1	1:351:A:GLN:HA	11	0.17
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB1	1:329:A:ILE:HG21	9	0.17
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB2	1:329:A:ILE:HG21	24	0.17
(1,5784)	1:240:A:VAL:HG22	1:266:A:LEU:HA	18	0.17
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	3	0.17
(1,5740)	1:225:A:MET:HE3	1:225:A:MET:HA	20	0.17
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HG22	8	0.17
(1,5727)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HG23	22	0.17
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD12	1:350:A:VAL:HG12	34	0.17
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD12	1:193:A:PRO:HA	19	0.17
(1,5703)	1:194:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HD13	25	0.17
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB2	1:255:A:LEU:HD23	1	0.17
(1,5661)	1:415:A:ASP:HB2	1:416:A:LEU:HB3	3	0.17
(1,5648)	1:374:A:LYS:HE2	1:374:A:LYS:HG2	4	0.17
(1,5648)	1:374:A:LYS:HE2	1:374:A:LYS:HG3	16	0.17
(1,5647)	1:202:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:H	27	0.17
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	12	0.17
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD23	1:407:A:PHE:H	35	0.17
(1,5580)	1:207:A:ILE:HD11	1:214:A:ARG:HB3	21	0.17
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	28	0.17
(1,5569)	1:284:A:MET:HE2	1:352:A:ILE:HG22	29	0.17
(1,5450)	1:338:A:ASN:H	1:337:A:MET:HB3	27	0.17
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	23	0.17
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG21	29	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5311)	1:331:A:LYS:H	1:335:A:THR:HG23	17	0.17
(1,5266)	1:289:A:GLU:H	1:289:A:GLU:HB2	15	0.17
(1,5198)	1:363:A:HIS:H	1:367:A:LEU:HD23	20	0.17
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB3	30	0.17
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	8	0.17
(1,5113)	1:218:A:ASP:H	1:220:A:VAL:HG22	33	0.17
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	10	0.17
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:373:A:LEU:HD12	14	0.17
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:373:A:LEU:HD13	18	0.17
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:373:A:LEU:HD13	31	0.17
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	1	0.17
(1,4993)	1:265:A:SER:H	1:268:A:LYS:HB3	15	0.17
(1,4884)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HB3	20	0.17
(1,4856)	1:425:A:LYS:H	1:423:A:LEU:HD22	24	0.17
(1,4850)	1:341:A:ASN:HD21	1:230:A:ILE:HG23	31	0.17
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	25	0.17
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:285:A:PRO:HB3	13	0.17
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	8	0.17
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	20	0.17
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	23	0.17
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	26	0.17
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	32	0.17
(1,4752)	1:274:A:LEU:H	1:271:A:LEU:HG	12	0.17
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	29	0.17
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:265:A:SER:HB3	7	0.17
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:265:A:SER:HB2	10	0.17
(1,4697)	1:440:A:LYS:H	1:436:A:LEU:HD22	6	0.17
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:337:A:MET:HB3	26	0.17
(1,4662)	1:187:A:LYS:HG2	1:187:A:LYS:H	25	0.17
(1,4544)	1:253:A:THR:HG21	1:254:A:ASN:HB2	4	0.17
(1,4544)	1:253:A:THR:HG22	1:254:A:ASN:HB2	4	0.17
(1,4544)	1:253:A:THR:HG23	1:254:A:ASN:HB2	4	0.17
(1,4544)	1:253:A:THR:HG21	1:254:A:ASN:HB2	19	0.17
(1,4544)	1:253:A:THR:HG22	1:254:A:ASN:HB2	19	0.17
(1,4544)	1:253:A:THR:HG23	1:254:A:ASN:HB2	19	0.17
(1,4508)	1:336:A:LYS:HD2	1:335:A:THR:H	32	0.17
(1,4496)	1:400:A:GLU:HG3	1:401:A:GLU:H	5	0.17
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD2	1:308:A:LYS:HE3	15	0.17
(1,4476)	1:442:A:LYS:HE3	1:398:A:ILE:HD11	13	0.17
(1,4463)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:H	10	0.17
(1,4451)	1:284:A:MET:HG3	1:279:A:LEU:H	10	0.17
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB1	1:251:A:GLU:HG2	15	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB2	1:251:A:GLU:HG2	15	0.17
(1,4425)	1:246:A:ALA:HB3	1:251:A:GLU:HG2	15	0.17
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG11	22	0.17
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG12	22	0.17
(1,4417)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG13	22	0.17
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	29	0.17
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	35	0.17
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	2	0.17
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	2	0.17
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	2	0.17
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	11	0.17
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	11	0.17
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	13	0.17
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	13	0.17
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	16	0.17
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	16	0.17
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	19	0.17
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	19	0.17
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	21	0.17
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	21	0.17
(1,3962)	1:244:A:LYS:HE2	1:244:A:LYS:HA	34	0.17
(1,3836)	1:187:A:LYS:HD2	1:188:A:PRO:HD2	26	0.17
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG21	9	0.17
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG22	9	0.17
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG23	9	0.17
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG21	4	0.17
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG22	4	0.17
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG23	4	0.17
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG21	5	0.17
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG22	5	0.17
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG23	5	0.17
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG21	31	0.17
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG22	31	0.17
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG23	31	0.17
(1,3751)	1:359:A:VAL:HG11	1:303:A:PHE:HE1	8	0.17
(1,3751)	1:359:A:VAL:HG11	1:303:A:PHE:HE2	8	0.17
(1,3751)	1:359:A:VAL:HG12	1:303:A:PHE:HE1	8	0.17
(1,3751)	1:359:A:VAL:HG12	1:303:A:PHE:HE2	8	0.17
(1,3751)	1:359:A:VAL:HG13	1:303:A:PHE:HE1	8	0.17
(1,3751)	1:359:A:VAL:HG13	1:303:A:PHE:HE2	8	0.17
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	5	0.17
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	7	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	23	0.17
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	28	0.17
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	35	0.17
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB1	2	0.17
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB2	2	0.17
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB3	2	0.17
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG2	26	0.17
(1,3422)	1:299:A:LYS:HE2	1:299:A:LYS:H	32	0.17
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG11	1:232:A:ARG:HD3	8	0.17
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG12	1:232:A:ARG:HD3	8	0.17
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG13	1:232:A:ARG:HD3	8	0.17
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG11	1:232:A:ARG:HD3	13	0.17
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG12	1:232:A:ARG:HD3	13	0.17
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG13	1:232:A:ARG:HD3	13	0.17
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG21	29	0.17
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG22	29	0.17
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG23	29	0.17
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG21	29	0.17
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG22	29	0.17
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG23	29	0.17
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG21	29	0.17
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG22	29	0.17
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG23	29	0.17
(1,2934)	1:383:A:SER:HB2	1:386:A:ALA:HB1	3	0.17
(1,2934)	1:383:A:SER:HB2	1:386:A:ALA:HB2	3	0.17
(1,2934)	1:383:A:SER:HB2	1:386:A:ALA:HB3	3	0.17
(1,2857)	1:202:A:MET:HE1	1:206:A:GLY:HA3	5	0.17
(1,2857)	1:202:A:MET:HE2	1:206:A:GLY:HA3	5	0.17
(1,2857)	1:202:A:MET:HE3	1:206:A:GLY:HA3	5	0.17
(1,2813)	1:385:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HD1	2	0.17
(1,2813)	1:385:A:MET:HE2	1:382:A:TRP:HD1	2	0.17
(1,2813)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HD1	2	0.17
(1,2813)	1:385:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HD1	4	0.17
(1,2813)	1:385:A:MET:HE2	1:382:A:TRP:HD1	4	0.17
(1,2813)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HD1	4	0.17
(1,2798)	1:245:A:ALA:HB1	1:248:A:ASP:HB2	28	0.17
(1,2798)	1:245:A:ALA:HB2	1:248:A:ASP:HB2	28	0.17
(1,2798)	1:245:A:ALA:HB3	1:248:A:ASP:HB2	28	0.17
(1,2739)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HG	33	0.17
(1,2739)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HG	33	0.17
(1,2739)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HG	33	0.17
(1,2729)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HB3	3	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2716)	1:222:A:LYS:HD2	1:223:A:TYR:H	2	0.17
(1,2716)	1:222:A:LYS:HD2	1:223:A:TYR:H	16	0.17
(1,2716)	1:222:A:LYS:HD2	1:223:A:TYR:H	17	0.17
(1,2716)	1:222:A:LYS:HD2	1:223:A:TYR:H	26	0.17
(1,2714)	1:348:A:PRO:HD2	1:346:A:LEU:HB3	28	0.17
(1,2617)	1:388:A:MET:HE1	1:391:A:LEU:HD21	22	0.17
(1,2617)	1:388:A:MET:HE1	1:391:A:LEU:HD22	22	0.17
(1,2617)	1:388:A:MET:HE1	1:391:A:LEU:HD23	22	0.17
(1,2617)	1:388:A:MET:HE2	1:391:A:LEU:HD21	22	0.17
(1,2617)	1:388:A:MET:HE2	1:391:A:LEU:HD22	22	0.17
(1,2617)	1:388:A:MET:HE2	1:391:A:LEU:HD23	22	0.17
(1,2617)	1:388:A:MET:HE3	1:391:A:LEU:HD21	22	0.17
(1,2617)	1:388:A:MET:HE3	1:391:A:LEU:HD22	22	0.17
(1,2617)	1:388:A:MET:HE3	1:391:A:LEU:HD23	22	0.17
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG11	29	0.17
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG12	29	0.17
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG13	29	0.17
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG11	29	0.17
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG12	29	0.17
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG13	29	0.17
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG11	29	0.17
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG12	29	0.17
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG13	29	0.17
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG11	35	0.17
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG12	35	0.17
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG13	35	0.17
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG11	35	0.17
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG12	35	0.17
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG13	35	0.17
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG11	35	0.17
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG12	35	0.17
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG13	35	0.17
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD11	1:340:A:GLN:HG2	28	0.17
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD12	1:340:A:GLN:HG2	28	0.17
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD13	1:340:A:GLN:HG2	28	0.17
(1,2566)	1:222:A:LYS:HB2	1:219:A:TYR:HA	29	0.17
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HB2	15	0.17
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HB2	15	0.17
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HB2	15	0.17
(1,2498)	1:293:A:ARG:HD3	1:293:A:ARG:HG2	34	0.17
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE3	1:308:A:LYS:HD2	15	0.17
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HD11	28	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HD12	28	0.17
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HD13	28	0.17
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HD11	28	0.17
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HD12	28	0.17
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HD13	28	0.17
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HD11	28	0.17
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HD12	28	0.17
(1,2467)	1:279:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HD13	28	0.17
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	21	0.17
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	21	0.17
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	21	0.17
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	21	0.17
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	21	0.17
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	21	0.17
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	17	0.17
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	24	0.17
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG21	9	0.17
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG22	9	0.17
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG23	9	0.17
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG21	9	0.17
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG22	9	0.17
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG23	9	0.17
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG21	9	0.17
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG22	9	0.17
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG23	9	0.17
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG21	32	0.17
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG22	32	0.17
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG23	32	0.17
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG21	32	0.17
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG22	32	0.17
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG23	32	0.17
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG21	32	0.17
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG22	32	0.17
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG23	32	0.17
(1,2423)	1:203:A:MET:HE1	1:218:A:ASP:H	32	0.17
(1,2423)	1:203:A:MET:HE2	1:218:A:ASP:H	32	0.17
(1,2423)	1:203:A:MET:HE3	1:218:A:ASP:H	32	0.17
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG21	1:320:A:TRP:HE1	27	0.17
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG22	1:320:A:TRP:HE1	27	0.17
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG23	1:320:A:TRP:HE1	27	0.17
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD21	13	0.17
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD22	13	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD23	13	0.17
(1,2303)	1:366:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG21	9	0.17
(1,2303)	1:366:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG22	9	0.17
(1,2303)	1:366:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG23	9	0.17
(1,2245)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:HE2	9	0.17
(1,2216)	1:203:A:MET:HE1	1:204:A:TYR:HD1	3	0.17
(1,2213)	1:199:A:GLU:HG2	1:199:A:GLU:HA	11	0.17
(1,2124)	1:187:A:LYS:HD2	1:187:A:LYS:H	8	0.17
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE3	17	0.17
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE3	17	0.17
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE3	17	0.17
(1,2110)	1:226:A:LYS:HG3	1:334:A:GLU:HG3	25	0.17
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	4	0.17
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	14	0.17
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	26	0.17
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	19	0.17
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	23	0.17
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	24	0.17
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	26	0.17
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	31	0.17
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD21	2	0.17
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD22	2	0.17
(1,1777)	1:314:A:ASN:HD21	1:194:A:LEU:HD23	2	0.17
(1,1720)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HA	1	0.17
(1,1720)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HA	34	0.17
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG11	8	0.17
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG12	8	0.17
(1,1698)	1:375:A:GLN:HE22	1:376:A:VAL:HG13	8	0.17
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG21	11	0.17
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG22	11	0.17
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG23	11	0.17
(1,1631)	1:273:A:ASP:H	1:191:A:GLY:H	11	0.17
(1,1618)	1:357:A:LEU:H	1:346:A:LEU:HB3	11	0.17
(1,1618)	1:357:A:LEU:H	1:346:A:LEU:HB3	18	0.17
(1,1618)	1:357:A:LEU:H	1:346:A:LEU:HB3	30	0.17
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	16	0.17
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	28	0.17
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	5	0.17
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	5	0.17
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	5	0.17
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	18	0.17
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	18	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	18	0.17
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	22	0.17
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	22	0.17
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	22	0.17
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	24	0.17
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	24	0.17
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	24	0.17
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	25	0.17
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	25	0.17
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	25	0.17
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	28	0.17
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	28	0.17
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	28	0.17
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	32	0.17
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	32	0.17
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	32	0.17
(1,1478)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HB2	13	0.17
(1,1427)	1:333:A:LEU:H	1:332:A:GLU:HB2	14	0.17
(1,1427)	1:333:A:LEU:H	1:332:A:GLU:HB2	32	0.17
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	2	0.17
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	31	0.17
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG3	21	0.17
(1,1355)	1:251:A:GLU:H	1:252:A:SER:HA	12	0.17
(1,1207)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HB	8	0.17
(1,1207)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HB	24	0.17
(1,1207)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HB	35	0.17
(1,1079)	1:301:A:GLN:H	1:300:A:VAL:HG21	10	0.17
(1,1079)	1:301:A:GLN:H	1:300:A:VAL:HG22	10	0.17
(1,1079)	1:301:A:GLN:H	1:300:A:VAL:HG23	10	0.17
(1,1062)	1:369:A:GLY:H	1:371:A:VAL:HA	19	0.17
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD1	11	0.17
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD2	11	0.17
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD1	25	0.17
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD2	25	0.17
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD1	30	0.17
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD2	30	0.17
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD1	31	0.17
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD2	31	0.17
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG11	2	0.17
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG12	2	0.17
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG13	2	0.17
(1,875)	1:417:A:GLN:HE22	1:414:A:ARG:HA	5	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG21	8	0.17
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG22	8	0.17
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG23	8	0.17
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG21	15	0.17
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG22	15	0.17
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG23	15	0.17
(1,444)	1:294:A:THR:H	1:293:A:ARG:HB3	2	0.17
(1,404)	1:370:A:ASN:HD21	1:369:A:GLY:HA3	9	0.17
(1,404)	1:370:A:ASN:HD21	1:369:A:GLY:HA3	13	0.17
(1,404)	1:370:A:ASN:HD21	1:369:A:GLY:HA3	30	0.17
(1,394)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HG12	8	0.17
(1,394)	1:397:A:GLY:H	1:398:A:ILE:HD12	21	0.17
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD11	26	0.17
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD12	26	0.17
(1,392)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HD13	26	0.17
(1,388)	1:226:A:LYS:H	1:226:A:LYS:HB2	11	0.17
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG11	8	0.17
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG12	8	0.17
(1,313)	1:258:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG13	8	0.17
(1,258)	1:361:A:PHE:H	1:359:A:VAL:HB	19	0.17
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	4	0.17
(1,79)	1:362:A:THR:H	1:359:A:VAL:HG21	2	0.17
(1,79)	1:362:A:THR:H	1:359:A:VAL:HG22	2	0.17
(1,79)	1:362:A:THR:H	1:359:A:VAL:HG23	2	0.17
(1,36)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HG	19	0.17
(1,36)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HG	34	0.17
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	5	0.17
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	24	0.17
(3,176)	1:407:A:PHE:O	1:411:A:CYS:H	15	0.16
(3,168)	1:403:A:ARG:O	1:407:A:PHE:H	13	0.16
(3,121)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:N	11	0.16
(3,114)	1:326:A:ASP:O	1:330:A:ALA:H	12	0.16
(3,114)	1:326:A:ASP:O	1:330:A:ALA:H	35	0.16
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	3	0.16
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	32	0.16
(2,134)	1:259:A:GLU:H	1:411:A:CYS:HG	23	0.16
(2,111)	1:209:A:LEU:H	1:411:A:CYS:HG	6	0.16
(2,69)	1:342:A:ILE:HD11	1:329:A:ILE:HG13	32	0.16
(2,69)	1:342:A:ILE:HD12	1:329:A:ILE:HG13	32	0.16
(2,69)	1:342:A:ILE:HD13	1:329:A:ILE:HG13	32	0.16
(2,54)	1:435:A:ILE:HD11	1:382:A:TRP:H	7	0.16
(2,54)	1:435:A:ILE:HD12	1:382:A:TRP:H	7	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,54)	1:435:A:ILE:HD13	1:382:A:TRP:H	7	0.16
(2,38)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:H	6	0.16
(2,38)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:H	6	0.16
(2,38)	1:443:A:LEU:HD23	1:399:A:LYS:H	6	0.16
(2,19)	1:245:A:ALA:H	1:244:A:LYS:HD2	27	0.16
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	10	0.16
(1,6866)	1:217:A:ILE:HG12	1:213:A:PHE:HB3	10	0.16
(1,6866)	1:217:A:ILE:HG12	1:213:A:PHE:HB3	23	0.16
(1,6857)	1:402:A:ILE:HD11	1:440:A:LYS:HA	32	0.16
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD21	1:309:A:GLU:HG3	6	0.16
(1,6845)	1:310:A:LEU:HD22	1:309:A:GLU:H	9	0.16
(1,6841)	1:409:A:LEU:HD13	1:408:A:LEU:H	26	0.16
(1,6805)	1:201:A:THR:HG23	1:189:A:ILE:HB	7	0.16
(1,6784)	1:284:A:MET:HG3	1:356:A:VAL:HG13	10	0.16
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	10	0.16
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	32	0.16
(1,6765)	1:364:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HG23	21	0.16
(1,6751)	1:209:A:LEU:HD23	1:217:A:ILE:HG12	5	0.16
(1,6730)	1:315:A:TYR:HE1	1:310:A:LEU:HG	28	0.16
(1,6703)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:H	16	0.16
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG23	1:307:A:LEU:HD13	6	0.16
(1,6660)	1:210:A:PRO:HB3	1:274:A:LEU:HD22	9	0.16
(1,6655)	1:244:A:LYS:HD2	1:240:A:VAL:HB	9	0.16
(1,6655)	1:244:A:LYS:HD2	1:240:A:VAL:HB	31	0.16
(1,6591)	1:438:A:ALA:HB1	1:435:A:ILE:HG21	11	0.16
(1,6591)	1:438:A:ALA:HB2	1:435:A:ILE:HG22	17	0.16
(1,6591)	1:438:A:ALA:HB1	1:435:A:ILE:HG22	25	0.16
(1,6560)	1:278:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HE1	2	0.16
(1,6544)	1:194:A:LEU:HD13	1:313:A:CYS:HB2	9	0.16
(1,6541)	1:352:A:ILE:HD11	1:350:A:VAL:HA	7	0.16
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:255:A:LEU:HD12	8	0.16
(1,6482)	1:398:A:ILE:HG22	1:401:A:GLU:HG2	5	0.16
(1,6474)	1:210:A:PRO:HD3	1:209:A:LEU:HD13	33	0.16
(1,6404)	1:209:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HG	19	0.16
(1,6376)	1:377:A:MET:HE1	1:435:A:ILE:HG21	16	0.16
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HD13	7	0.16
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HD13	33	0.16
(1,6363)	1:266:A:LEU:HD12	1:244:A:LYS:HA	13	0.16
(1,6352)	1:209:A:LEU:HD22	1:211:A:ALA:HA	34	0.16
(1,6332)	1:267:A:LEU:HD22	1:213:A:PHE:HZ	31	0.16
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	21	0.16
(1,6313)	1:304:A:GLN:HB2	1:300:A:VAL:HA	13	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD22	1:257:A:ASP:HB3	13	0.16
(1,6224)	1:439:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	8	0.16
(1,6222)	1:278:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:H	12	0.16
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG22	1:244:A:LYS:H	18	0.16
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG23	1:244:A:LYS:H	29	0.16
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG3	1:270:A:TYR:H	22	0.16
(1,6172)	1:409:A:LEU:HD23	1:433:A:GLN:HA	9	0.16
(1,6142)	1:367:A:LEU:HD21	1:366:A:GLU:H	28	0.16
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	15	0.16
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG21	1:266:A:LEU:HD21	5	0.16
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG22	1:266:A:LEU:HD23	27	0.16
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG22	1:266:A:LEU:HD22	30	0.16
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD13	1:322:A:ILE:HG21	10	0.16
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:376:A:VAL:HG21	1	0.16
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD12	1:267:A:LEU:HD23	6	0.16
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD23	1:255:A:LEU:HD21	18	0.16
(1,5987)	1:306:A:LEU:HD23	1:305:A:ARG:HG2	19	0.16
(1,5978)	1:272:A:ARG:HG2	1:273:A:ASP:HA	14	0.16
(1,5978)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HB	21	0.16
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HA	22	0.16
(1,5945)	1:203:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	30	0.16
(1,5945)	1:203:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	32	0.16
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD13	1:407:A:PHE:H	22	0.16
(1,5915)	1:352:A:ILE:HD11	1:357:A:LEU:HA	21	0.16
(1,5877)	1:318:A:ILE:HD13	1:322:A:ILE:HG13	25	0.16
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG22	1:341:A:ASN:HB3	29	0.16
(1,5767)	1:308:A:LYS:HD3	1:306:A:LEU:H	12	0.16
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG23	1:316:A:LEU:HD21	6	0.16
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD12	1:321:A:LEU:HD22	16	0.16
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD11	1:193:A:PRO:HA	9	0.16
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG13	1:342:A:ILE:HD13	12	0.16
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG21	1:325:A:MET:H	9	0.16
(1,5686)	1:345:A:VAL:HG12	1:232:A:ARG:HB2	1	0.16
(1,5648)	1:374:A:LYS:HE3	1:374:A:LYS:HG2	19	0.16
(1,5642)	1:225:A:MET:HE2	1:230:A:ILE:HG22	1	0.16
(1,5622)	1:318:A:ILE:HG23	1:279:A:LEU:HA	16	0.16
(1,5620)	1:300:A:VAL:HG13	1:303:A:PHE:H	19	0.16
(1,5620)	1:300:A:VAL:HG12	1:303:A:PHE:H	31	0.16
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	29	0.16
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	9	0.16
(1,5351)	1:307:A:LEU:H	1:308:A:LYS:HG3	2	0.16
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG11	16	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG22	17	0.16
(1,5247)	1:301:A:GLN:HE22	1:297:A:THR:HA	32	0.16
(1,5217)	1:351:A:GLN:HE22	1:350:A:VAL:HA	23	0.16
(1,5211)	1:428:A:ARG:H	1:425:A:LYS:HD3	27	0.16
(1,5195)	1:271:A:LEU:H	1:271:A:LEU:HG	11	0.16
(1,5171)	1:219:A:TYR:H	1:263:A:VAL:HG21	18	0.16
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB1	20	0.16
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	30	0.16
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG3	34	0.16
(1,5119)	1:442:A:LYS:H	1:441:A:ARG:HD3	7	0.16
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	6	0.16
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	31	0.16
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	34	0.16
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:189:A:ILE:HD11	12	0.16
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:322:A:ILE:HD12	32	0.16
(1,5001)	1:313:A:CYS:H	1:315:A:TYR:HB2	22	0.16
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	26	0.16
(1,4990)	1:245:A:ALA:H	1:241:A:ASP:HB3	31	0.16
(1,4958)	1:230:A:ILE:H	1:335:A:THR:HG1	24	0.16
(1,4944)	1:395:A:GLN:HE21	1:398:A:ILE:HB	22	0.16
(1,4929)	1:317:A:LEU:H	1:315:A:TYR:HD2	23	0.16
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:278:A:LEU:HG	6	0.16
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:272:A:ARG:HG2	27	0.16
(1,4876)	1:327:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HD23	25	0.16
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG12	11	0.16
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG12	33	0.16
(1,4862)	1:319:A:SER:H	1:278:A:LEU:HD12	1	0.16
(1,4857)	1:297:A:THR:H	1:293:A:ARG:HB2	14	0.16
(1,4849)	1:359:A:VAL:H	1:356:A:VAL:HG21	31	0.16
(1,4843)	1:251:A:GLU:H	1:251:A:GLU:HG3	23	0.16
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	2	0.16
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	3	0.16
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	7	0.16
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	29	0.16
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	32	0.16
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:285:A:PRO:HB3	9	0.16
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	5	0.16
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	11	0.16
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	31	0.16
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	3	0.16
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE2	1	0.16
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	1	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	20	0.16
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	23	0.16
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:265:A:SER:HB2	25	0.16
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD21	1:278:A:LEU:H	3	0.16
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD22	1:278:A:LEU:H	3	0.16
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD23	1:278:A:LEU:H	3	0.16
(1,4544)	1:253:A:THR:HG21	1:254:A:ASN:HB2	3	0.16
(1,4544)	1:253:A:THR:HG22	1:254:A:ASN:HB2	3	0.16
(1,4544)	1:253:A:THR:HG23	1:254:A:ASN:HB2	3	0.16
(1,4515)	1:203:A:MET:HE1	1:375:A:GLN:HA	7	0.16
(1,4515)	1:203:A:MET:HE2	1:375:A:GLN:HA	7	0.16
(1,4515)	1:203:A:MET:HE3	1:375:A:GLN:HA	7	0.16
(1,4515)	1:203:A:MET:HE1	1:375:A:GLN:HA	21	0.16
(1,4515)	1:203:A:MET:HE2	1:375:A:GLN:HA	21	0.16
(1,4515)	1:203:A:MET:HE3	1:375:A:GLN:HA	21	0.16
(1,4515)	1:203:A:MET:HE1	1:375:A:GLN:HA	27	0.16
(1,4515)	1:203:A:MET:HE2	1:375:A:GLN:HA	27	0.16
(1,4515)	1:203:A:MET:HE3	1:375:A:GLN:HA	27	0.16
(1,4515)	1:203:A:MET:HE1	1:375:A:GLN:HA	30	0.16
(1,4515)	1:203:A:MET:HE2	1:375:A:GLN:HA	30	0.16
(1,4515)	1:203:A:MET:HE3	1:375:A:GLN:HA	30	0.16
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	26	0.16
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	26	0.16
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	26	0.16
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	7	0.16
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	9	0.16
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	11	0.16
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	32	0.16
(1,4318)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HB	9	0.16
(1,4318)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HB	9	0.16
(1,4318)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HB	9	0.16
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD11	1:200:A:ARG:HD2	9	0.16
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD12	1:200:A:ARG:HD2	9	0.16
(1,4278)	1:192:A:ILE:HD13	1:200:A:ARG:HD2	9	0.16
(1,4199)	1:418:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HD13	4	0.16
(1,4199)	1:418:A:GLY:HA2	1:420:A:ILE:HD12	19	0.16
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD11	1:409:A:LEU:HA	2	0.16
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD12	1:409:A:LEU:HA	2	0.16
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD13	1:409:A:LEU:HA	2	0.16
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD11	1:409:A:LEU:HA	23	0.16
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD12	1:409:A:LEU:HA	23	0.16
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD13	1:409:A:LEU:HA	23	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4133)	1:198:A:VAL:HG11	1:198:A:VAL:H	32	0.16
(1,4133)	1:198:A:VAL:HG12	1:198:A:VAL:H	32	0.16
(1,4133)	1:198:A:VAL:HG13	1:198:A:VAL:H	32	0.16
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD2	1:444:A:ARG:HG3	20	0.16
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD2	1:444:A:ARG:HG3	30	0.16
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	4	0.16
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	4	0.16
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	12	0.16
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	12	0.16
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	17	0.16
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	17	0.16
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	18	0.16
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	18	0.16
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	22	0.16
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	22	0.16
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	24	0.16
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	24	0.16
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	29	0.16
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	29	0.16
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD11	26	0.16
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD12	26	0.16
(1,3976)	1:377:A:MET:HE1	1:409:A:LEU:HD13	26	0.16
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD11	26	0.16
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD12	26	0.16
(1,3976)	1:377:A:MET:HE2	1:409:A:LEU:HD13	26	0.16
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD11	26	0.16
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD12	26	0.16
(1,3976)	1:377:A:MET:HE3	1:409:A:LEU:HD13	26	0.16
(1,3923)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HG21	28	0.16
(1,3923)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HG22	28	0.16
(1,3923)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HG23	28	0.16
(1,3923)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HG21	28	0.16
(1,3923)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HG22	28	0.16
(1,3923)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HG23	28	0.16
(1,3923)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HG21	28	0.16
(1,3923)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HG22	28	0.16
(1,3923)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HG23	28	0.16
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG11	9	0.16
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG12	9	0.16
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG13	9	0.16
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG11	29	0.16
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG12	29	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG13	29	0.16
(1,3785)	1:371:A:VAL:HB	1:373:A:LEU:HD11	4	0.16
(1,3785)	1:371:A:VAL:HB	1:373:A:LEU:HD12	4	0.16
(1,3785)	1:371:A:VAL:HB	1:373:A:LEU:HD13	4	0.16
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	2	0.16
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	18	0.16
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	29	0.16
(1,3648)	1:184:A:PRO:HB3	1:184:A:PRO:HD2	30	0.16
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD11	8	0.16
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD12	8	0.16
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG21	1:267:A:LEU:HD13	8	0.16
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD11	8	0.16
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD12	8	0.16
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG22	1:267:A:LEU:HD13	8	0.16
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD11	8	0.16
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD12	8	0.16
(1,3608)	1:212:A:VAL:HG23	1:267:A:LEU:HD13	8	0.16
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB1	1:383:A:SER:HB2	21	0.16
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB2	1:383:A:SER:HB2	21	0.16
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB3	1:383:A:SER:HB2	21	0.16
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD11	10	0.16
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD12	10	0.16
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD13	10	0.16
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD11	10	0.16
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD12	10	0.16
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD13	10	0.16
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD11	10	0.16
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD12	10	0.16
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD13	10	0.16
(1,3422)	1:299:A:LYS:HE2	1:299:A:LYS:H	18	0.16
(1,3422)	1:299:A:LYS:HE2	1:299:A:LYS:H	30	0.16
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HE1	11	0.16
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD11	1:270:A:TYR:HE2	11	0.16
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HE1	11	0.16
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD12	1:270:A:TYR:HE2	11	0.16
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE1	11	0.16
(1,3412)	1:271:A:LEU:HD13	1:270:A:TYR:HE2	11	0.16
(1,3409)	1:331:A:LYS:HE2	1:331:A:LYS:HA	5	0.16
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HG	21	0.16
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HG	21	0.16
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HG	21	0.16
(1,3094)	1:199:A:GLU:HG3	1:196:A:ASP:HA	34	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD21	8	0.16
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD22	8	0.16
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD23	8	0.16
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD21	31	0.16
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD22	31	0.16
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD23	31	0.16
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD11	6	0.16
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD12	6	0.16
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD13	6	0.16
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD11	6	0.16
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD12	6	0.16
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD13	6	0.16
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD11	6	0.16
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD12	6	0.16
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD13	6	0.16
(1,2871)	1:208:A:ARG:HD2	1:198:A:VAL:HG11	5	0.16
(1,2871)	1:208:A:ARG:HD2	1:198:A:VAL:HG12	5	0.16
(1,2871)	1:208:A:ARG:HD2	1:198:A:VAL:HG13	5	0.16
(1,2729)	1:284:A:MET:HE3	1:279:A:LEU:HB3	32	0.16
(1,2716)	1:222:A:LYS:HD2	1:223:A:TYR:H	24	0.16
(1,2662)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG3	11	0.16
(1,2581)	1:433:A:GLN:HG3	1:433:A:GLN:H	31	0.16
(1,2521)	1:365:A:GLN:HG2	1:365:A:GLN:H	10	0.16
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD11	1:412:A:LEU:HA	30	0.16
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD12	1:412:A:LEU:HA	30	0.16
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD13	1:412:A:LEU:HA	30	0.16
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD11	1:412:A:LEU:HA	34	0.16
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD12	1:412:A:LEU:HA	34	0.16
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD13	1:412:A:LEU:HA	34	0.16
(1,2478)	1:333:A:LEU:HB3	1:334:A:GLU:HG2	27	0.16
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	26	0.16
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	26	0.16
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	26	0.16
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG21	1:239:A:LYS:HE2	3	0.16
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG22	1:239:A:LYS:HE2	3	0.16
(1,2444)	1:240:A:VAL:HG23	1:239:A:LYS:HE2	3	0.16
(1,2436)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HE22	1	0.16
(1,2436)	1:272:A:ARG:HD2	1:269:A:GLN:HE22	2	0.16
(1,2425)	1:225:A:MET:HE1	1:373:A:LEU:HD11	10	0.16
(1,2425)	1:225:A:MET:HE1	1:373:A:LEU:HD12	10	0.16
(1,2425)	1:225:A:MET:HE1	1:373:A:LEU:HD13	10	0.16
(1,2425)	1:225:A:MET:HE2	1:373:A:LEU:HD11	10	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2425)	1:225:A:MET:HE2	1:373:A:LEU:HD12	10	0.16
(1,2425)	1:225:A:MET:HE2	1:373:A:LEU:HD13	10	0.16
(1,2425)	1:225:A:MET:HE3	1:373:A:LEU:HD11	10	0.16
(1,2425)	1:225:A:MET:HE3	1:373:A:LEU:HD12	10	0.16
(1,2425)	1:225:A:MET:HE3	1:373:A:LEU:HD13	10	0.16
(1,2381)	1:184:A:PRO:HB2	1:184:A:PRO:HA	14	0.16
(1,2381)	1:184:A:PRO:HB2	1:184:A:PRO:HA	17	0.16
(1,2381)	1:184:A:PRO:HB2	1:184:A:PRO:HA	32	0.16
(1,2366)	1:336:A:LYS:HD3	1:335:A:THR:H	30	0.16
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD11	25	0.16
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD12	25	0.16
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD13	25	0.16
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD11	34	0.16
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD12	34	0.16
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD13	34	0.16
(1,2110)	1:226:A:LYS:HG3	1:334:A:GLU:HG3	3	0.16
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD11	33	0.16
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD12	33	0.16
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB2	1:186:A:LEU:HD13	33	0.16
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	25	0.16
(1,2004)	1:283:A:LEU:H	1:280:A:THR:HG1	1	0.16
(1,2004)	1:283:A:LEU:H	1:280:A:THR:HG1	13	0.16
(1,1977)	1:380:A:LEU:H	1:384:A:ASN:HD21	16	0.16
(1,1919)	1:282:A:GLU:H	1:280:A:THR:HG1	10	0.16
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	2	0.16
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	3	0.16
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	9	0.16
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	16	0.16
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	22	0.16
(1,1720)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HA	15	0.16
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG21	12	0.16
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG22	12	0.16
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG23	12	0.16
(1,1647)	1:254:A:ASN:HD21	1:254:A:ASN:HA	25	0.16
(1,1635)	1:246:A:ALA:H	1:248:A:ASP:HB2	27	0.16
(1,1631)	1:273:A:ASP:H	1:191:A:GLY:H	30	0.16
(1,1619)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HG	27	0.16
(1,1619)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HG	28	0.16
(1,1549)	1:315:A:TYR:H	1:314:A:ASN:HB2	16	0.16
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	3	0.16
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	3	0.16
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	3	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	30	0.16
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	30	0.16
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	30	0.16
(1,1473)	1:232:A:ARG:H	1:232:A:ARG:HD2	12	0.16
(1,1466)	1:421:A:LYS:H	1:421:A:LYS:HE3	13	0.16
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	14	0.16
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	20	0.16
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	23	0.16
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	30	0.16
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	8	0.16
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	24	0.16
(1,1207)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HB	29	0.16
(1,1189)	1:216:A:CYS:H	1:247:A:TYR:HE1	16	0.16
(1,1189)	1:216:A:CYS:H	1:247:A:TYR:HE2	16	0.16
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG11	18	0.16
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG12	18	0.16
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG13	18	0.16
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG11	29	0.16
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG12	29	0.16
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG13	29	0.16
(1,1033)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HD11	24	0.16
(1,1033)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HD12	24	0.16
(1,1033)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HD13	24	0.16
(1,1033)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HD11	35	0.16
(1,1033)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HD12	35	0.16
(1,1033)	1:304:A:GLN:HE22	1:367:A:LEU:HD13	35	0.16
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG21	18	0.16
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG22	18	0.16
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG23	18	0.16
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG21	32	0.16
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG22	32	0.16
(1,997)	1:433:A:GLN:HE22	1:432:A:VAL:HG23	32	0.16
(1,917)	1:357:A:LEU:H	1:360:A:PHE:HB3	2	0.16
(1,917)	1:357:A:LEU:H	1:360:A:PHE:HB3	3	0.16
(1,853)	1:369:A:GLY:H	1:369:A:GLY:HA2	9	0.16
(1,853)	1:369:A:GLY:H	1:369:A:GLY:HA2	11	0.16
(1,853)	1:369:A:GLY:H	1:369:A:GLY:HA2	29	0.16
(1,801)	1:222:A:LYS:H	1:219:A:TYR:HB2	33	0.16
(1,751)	1:430:A:TRP:HE1	1:423:A:LEU:HD21	13	0.16
(1,751)	1:430:A:TRP:HE1	1:423:A:LEU:HD22	13	0.16
(1,751)	1:430:A:TRP:HE1	1:423:A:LEU:HD23	13	0.16
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE1	33	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE2	33	0.16
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE3	33	0.16
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE1	34	0.16
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE2	34	0.16
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE3	34	0.16
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	5	0.16
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	5	0.16
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	5	0.16
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	11	0.16
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	11	0.16
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	11	0.16
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	25	0.16
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	25	0.16
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	25	0.16
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG21	7	0.16
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG22	7	0.16
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG23	7	0.16
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG21	16	0.16
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG22	16	0.16
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG23	16	0.16
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG21	29	0.16
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG22	29	0.16
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG23	29	0.16
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG21	33	0.16
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG22	33	0.16
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG23	33	0.16
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG21	35	0.16
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG22	35	0.16
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG23	35	0.16
(1,483)	1:375:A:GLN:HE21	1:377:A:MET:HE1	20	0.16
(1,483)	1:375:A:GLN:HE21	1:377:A:MET:HE2	20	0.16
(1,483)	1:375:A:GLN:HE21	1:377:A:MET:HE3	20	0.16
(1,444)	1:294:A:THR:H	1:293:A:ARG:HB3	30	0.16
(1,404)	1:370:A:ASN:HD21	1:369:A:GLY:HA3	34	0.16
(1,388)	1:226:A:LYS:H	1:226:A:LYS:HB2	17	0.16
(1,388)	1:226:A:LYS:H	1:226:A:LYS:HB2	24	0.16
(1,335)	1:223:A:TYR:H	1:221:A:GLU:HB2	32	0.16
(1,242)	1:438:A:ALA:H	1:441:A:ARG:HD3	6	0.16
(1,193)	1:375:A:GLN:HE22	1:375:A:GLN:H	22	0.16
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	2	0.16
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	35	0.16
(1,36)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HG	12	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	14	0.16
(3,176)	1:407:A:PHE:O	1:411:A:CYS:H	1	0.15
(3,176)	1:407:A:PHE:O	1:411:A:CYS:H	13	0.15
(3,176)	1:407:A:PHE:O	1:411:A:CYS:H	21	0.15
(3,168)	1:403:A:ARG:O	1:407:A:PHE:H	6	0.15
(3,148)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:H	33	0.15
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	21	0.15
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	24	0.15
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	27	0.15
(3,140)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:H	26	0.15
(3,130)	1:341:A:ASN:O	1:345:A:VAL:H	20	0.15
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	21	0.15
(3,114)	1:326:A:ASP:O	1:330:A:ALA:H	6	0.15
(3,76)	1:301:A:GLN:O	1:305:A:ARG:H	13	0.15
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	6	0.15
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	18	0.15
(3,6)	1:196:A:ASP:O	1:200:A:ARG:H	20	0.15
(2,93)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:H	27	0.15
(2,93)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:H	27	0.15
(2,93)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:H	27	0.15
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG21	11	0.15
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG22	11	0.15
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG23	11	0.15
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG21	11	0.15
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG22	11	0.15
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG23	11	0.15
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG21	11	0.15
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG22	11	0.15
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG23	11	0.15
(2,69)	1:342:A:ILE:HD11	1:329:A:ILE:HG13	19	0.15
(2,69)	1:342:A:ILE:HD12	1:329:A:ILE:HG13	19	0.15
(2,69)	1:342:A:ILE:HD13	1:329:A:ILE:HG13	19	0.15
(2,41)	1:225:A:MET:HE1	1:224:A:GLY:H	35	0.15
(2,41)	1:225:A:MET:HE2	1:224:A:GLY:H	35	0.15
(2,41)	1:225:A:MET:HE3	1:224:A:GLY:H	35	0.15
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	16	0.15
(1,6866)	1:217:A:ILE:HG12	1:213:A:PHE:HB3	17	0.15
(1,6866)	1:217:A:ILE:HG12	1:213:A:PHE:HB3	34	0.15
(1,6853)	1:239:A:LYS:HD3	1:262:A:THR:HG23	23	0.15
(1,6853)	1:239:A:LYS:HD3	1:262:A:THR:HG21	33	0.15
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD21	1:282:A:GLU:HG3	27	0.15
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:446:A:ALA:HB3	10	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:394:A:THR:HG23	27	0.15
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	3	0.15
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	13	0.15
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	21	0.15
(1,6731)	1:239:A:LYS:HD3	1:243:A:LEU:HD12	7	0.15
(1,6679)	1:426:A:GLU:HG2	1:416:A:LEU:HD21	18	0.15
(1,6669)	1:279:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:H	35	0.15
(1,6664)	1:420:A:ILE:HB	1:416:A:LEU:HD12	21	0.15
(1,6664)	1:420:A:ILE:HB	1:416:A:LEU:HD11	27	0.15
(1,6655)	1:244:A:LYS:HD2	1:240:A:VAL:HB	12	0.15
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	20	0.15
(1,6605)	1:413:A:HIS:HE1	1:409:A:LEU:HD12	30	0.15
(1,6593)	1:323:A:VAL:HG11	1:371:A:VAL:HB	19	0.15
(1,6593)	1:323:A:VAL:HG12	1:371:A:VAL:HB	20	0.15
(1,6591)	1:438:A:ALA:HB1	1:439:A:LEU:HD22	9	0.15
(1,6591)	1:438:A:ALA:HB2	1:439:A:LEU:HD22	14	0.15
(1,6541)	1:352:A:ILE:HD13	1:350:A:VAL:HA	2	0.15
(1,6541)	1:352:A:ILE:HD12	1:350:A:VAL:HA	4	0.15
(1,6541)	1:352:A:ILE:HD13	1:350:A:VAL:HA	13	0.15
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:255:A:LEU:HD11	3	0.15
(1,6456)	1:197:A:ALA:HB2	1:274:A:LEU:HB3	29	0.15
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	7	0.15
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD21	1:426:A:GLU:HG2	22	0.15
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD21	1:409:A:LEU:H	20	0.15
(1,6394)	1:398:A:ILE:HG22	1:393:A:GLU:HA	13	0.15
(1,6386)	1:398:A:ILE:HD11	1:392:A:PRO:HD2	23	0.15
(1,6377)	1:387:A:THR:HG23	1:387:A:THR:HB	18	0.15
(1,6377)	1:387:A:THR:HG23	1:387:A:THR:HB	23	0.15
(1,6374)	1:243:A:LEU:HD23	1:253:A:THR:HG23	32	0.15
(1,6368)	1:334:A:GLU:HG3	1:331:A:LYS:HD3	17	0.15
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HD11	13	0.15
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG22	1:322:A:ILE:HD11	28	0.15
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD13	1:374:A:LYS:HA	14	0.15
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD13	1:374:A:LYS:HA	23	0.15
(1,6342)	1:388:A:MET:HE3	1:387:A:THR:H	27	0.15
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	24	0.15
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	35	0.15
(1,6296)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HE2	7	0.15
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	16	0.15
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD12	1:438:A:ALA:H	21	0.15
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG23	1:407:A:PHE:H	1	0.15
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD12	1:335:A:THR:HG22	17	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD11	1:335:A:THR:HG23	35	0.15
(1,6241)	1:217:A:ILE:HG23	1:324:A:HIS:H	25	0.15
(1,6238)	1:364:A:VAL:HG22	1:324:A:HIS:H	20	0.15
(1,6224)	1:439:A:LEU:HD11	1:438:A:ALA:H	23	0.15
(1,6222)	1:278:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:H	19	0.15
(1,6214)	1:281:A:LYS:HG2	1:276:A:GLU:HG3	3	0.15
(1,6208)	1:189:A:ILE:HG23	1:201:A:THR:HG22	10	0.15
(1,6142)	1:367:A:LEU:HD23	1:366:A:GLU:H	20	0.15
(1,6132)	1:342:A:ILE:HD13	1:231:A:TYR:HA	2	0.15
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD11	1:267:A:LEU:HD23	9	0.15
(1,6032)	1:217:A:ILE:HD13	1:267:A:LEU:HD23	25	0.15
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG2	1:282:A:GLU:HG2	21	0.15
(1,6021)	1:243:A:LEU:HD23	1:255:A:LEU:HD23	3	0.15
(1,5995)	1:373:A:LEU:HD11	1:371:A:VAL:HB	27	0.15
(1,5993)	1:276:A:GLU:HG3	1:281:A:LYS:HG2	3	0.15
(1,5978)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HB	5	0.15
(1,5965)	1:279:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:HG12	28	0.15
(1,5959)	1:300:A:VAL:HG12	1:366:A:GLU:H	22	0.15
(1,5958)	1:198:A:VAL:HG12	1:202:A:MET:HE2	32	0.15
(1,5948)	1:189:A:ILE:HD11	1:196:A:ASP:HB3	22	0.15
(1,5945)	1:203:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	16	0.15
(1,5924)	1:230:A:ILE:HD12	1:225:A:MET:H	14	0.15
(1,5862)	1:307:A:LEU:HD22	1:304:A:GLN:HA	34	0.15
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG22	1:341:A:ASN:HB3	4	0.15
(1,5819)	1:284:A:MET:HE1	1:351:A:GLN:HA	3	0.15
(1,5817)	1:330:A:ALA:HB2	1:329:A:ILE:HG22	17	0.15
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD13	1:271:A:LEU:HB3	21	0.15
(1,5783)	1:322:A:ILE:HG22	1:323:A:VAL:HG12	6	0.15
(1,5731)	1:350:A:VAL:HG21	1:279:A:LEU:HG	13	0.15
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD13	1:321:A:LEU:HD21	12	0.15
(1,5686)	1:345:A:VAL:HG12	1:232:A:ARG:HB2	10	0.15
(1,5673)	1:319:A:SER:HA	1:323:A:VAL:HG13	23	0.15
(1,5673)	1:319:A:SER:HA	1:316:A:LEU:HD12	33	0.15
(1,5660)	1:284:A:MET:HE3	1:281:A:LYS:HA	27	0.15
(1,5648)	1:281:A:LYS:HE3	1:281:A:LYS:HG3	29	0.15
(1,5622)	1:318:A:ILE:HG21	1:279:A:LEU:HA	1	0.15
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	9	0.15
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	34	0.15
(1,5569)	1:284:A:MET:HE2	1:352:A:ILE:HG21	15	0.15
(1,5408)	1:265:A:SER:H	1:261:A:ASN:HB3	17	0.15
(1,5394)	1:366:A:GLU:H	1:300:A:VAL:HG12	22	0.15
(1,5387)	1:230:A:ILE:H	1:335:A:THR:HG21	32	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5373)	1:243:A:LEU:H	1:244:A:LYS:HD2	30	0.15
(1,5370)	1:224:A:GLY:H	1:221:A:GLU:HB3	11	0.15
(1,5351)	1:307:A:LEU:H	1:308:A:LYS:HG3	3	0.15
(1,5351)	1:307:A:LEU:H	1:308:A:LYS:HG3	27	0.15
(1,5343)	1:332:A:GLU:H	1:331:A:LYS:HE3	20	0.15
(1,5341)	1:302:A:GLU:H	1:303:A:PHE:HE1	23	0.15
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	1	0.15
(1,5311)	1:331:A:LYS:H	1:335:A:THR:HG23	27	0.15
(1,5263)	1:419:A:GLY:H	1:416:A:LEU:HG	17	0.15
(1,5211)	1:428:A:ARG:H	1:425:A:LYS:HD3	12	0.15
(1,5177)	1:185:A:ASN:HD22	1:187:A:LYS:H	34	0.15
(1,5157)	1:352:A:ILE:H	1:350:A:VAL:HG22	23	0.15
(1,5157)	1:352:A:ILE:H	1:350:A:VAL:HG12	26	0.15
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB3	13	0.15
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB3	22	0.15
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB1	32	0.15
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB3	34	0.15
(1,5146)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HG21	14	0.15
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	2	0.15
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	29	0.15
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	3	0.15
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	26	0.15
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	28	0.15
(1,5102)	1:185:A:ASN:HD22	1:187:A:LYS:HB2	16	0.15
(1,5083)	1:367:A:LEU:H	1:363:A:HIS:HB3	16	0.15
(1,5083)	1:367:A:LEU:H	1:363:A:HIS:HB3	21	0.15
(1,5083)	1:367:A:LEU:H	1:363:A:HIS:HB3	32	0.15
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:322:A:ILE:HD13	27	0.15
(1,5060)	1:225:A:MET:H	1:225:A:MET:HG2	18	0.15
(1,5037)	1:294:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	19	0.15
(1,5026)	1:395:A:GLN:HE21	1:396:A:ALA:H	1	0.15
(1,4992)	1:283:A:LEU:H	1:286:A:ARG:HG3	25	0.15
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE1	19	0.15
(1,4911)	1:269:A:GLN:HE21	1:268:A:LYS:HG3	19	0.15
(1,4911)	1:269:A:GLN:HE21	1:268:A:LYS:HG3	30	0.15
(1,4911)	1:269:A:GLN:HE21	1:268:A:LYS:HG3	31	0.15
(1,4871)	1:341:A:ASN:HD21	1:344:A:ILE:HD11	26	0.15
(1,4867)	1:235:A:GLY:H	1:262:A:THR:HG21	13	0.15
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG12	12	0.15
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG12	29	0.15
(1,4860)	1:261:A:ASN:HD21	1:233:A:VAL:HA	31	0.15
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	6	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	30	0.15
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	33	0.15
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:285:A:PRO:HB3	12	0.15
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:285:A:PRO:HB3	27	0.15
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:285:A:PRO:HB3	31	0.15
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	1	0.15
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	7	0.15
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	34	0.15
(1,4783)	1:288:A:GLU:H	1:284:A:MET:HG3	11	0.15
(1,4753)	1:254:A:ASN:HD22	1:257:A:ASP:HA	32	0.15
(1,4752)	1:274:A:LEU:H	1:271:A:LEU:HG	19	0.15
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE1	11	0.15
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE3	27	0.15
(1,4736)	1:351:A:GLN:HE21	1:272:A:ARG:HB2	10	0.15
(1,4697)	1:247:A:TYR:H	1:266:A:LEU:HD12	12	0.15
(1,4686)	1:276:A:GLU:H	1:194:A:LEU:HA	4	0.15
(1,4682)	1:359:A:VAL:H	1:303:A:PHE:HE2	10	0.15
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:337:A:MET:HB3	19	0.15
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD21	31	0.15
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD22	31	0.15
(1,4653)	1:377:A:MET:HG3	1:408:A:LEU:HD23	31	0.15
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD21	1:278:A:LEU:H	5	0.15
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD22	1:278:A:LEU:H	5	0.15
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD23	1:278:A:LEU:H	5	0.15
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HA	26	0.15
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HA	26	0.15
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HA	26	0.15
(1,4544)	1:253:A:THR:HG21	1:254:A:ASN:HB2	33	0.15
(1,4544)	1:253:A:THR:HG22	1:254:A:ASN:HB2	33	0.15
(1,4544)	1:253:A:THR:HG23	1:254:A:ASN:HB2	33	0.15
(1,4515)	1:203:A:MET:HE1	1:375:A:GLN:HA	29	0.15
(1,4515)	1:203:A:MET:HE2	1:375:A:GLN:HA	29	0.15
(1,4515)	1:203:A:MET:HE3	1:375:A:GLN:HA	29	0.15
(1,4508)	1:336:A:LYS:HD2	1:335:A:THR:H	6	0.15
(1,4508)	1:336:A:LYS:HD2	1:335:A:THR:H	7	0.15
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD3	1:308:A:LYS:HE2	26	0.15
(1,4431)	1:236:A:ILE:HD11	1:258:A:TYR:HE1	34	0.15
(1,4431)	1:236:A:ILE:HD11	1:258:A:TYR:HE2	34	0.15
(1,4431)	1:236:A:ILE:HD12	1:258:A:TYR:HE1	34	0.15
(1,4431)	1:236:A:ILE:HD12	1:258:A:TYR:HE2	34	0.15
(1,4431)	1:236:A:ILE:HD13	1:258:A:TYR:HE1	34	0.15
(1,4431)	1:236:A:ILE:HD13	1:258:A:TYR:HE2	34	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4401)	1:202:A:MET:HE1	1:209:A:LEU:H	13	0.15
(1,4401)	1:202:A:MET:HE2	1:209:A:LEU:H	13	0.15
(1,4401)	1:202:A:MET:HE3	1:209:A:LEU:H	13	0.15
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	16	0.15
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	27	0.15
(1,4293)	1:226:A:LYS:HA	1:226:A:LYS:HE3	21	0.15
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD11	1:409:A:LEU:HA	19	0.15
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD12	1:409:A:LEU:HA	19	0.15
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD13	1:409:A:LEU:HA	19	0.15
(1,4131)	1:333:A:LEU:HB2	1:334:A:GLU:HG2	30	0.15
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	29	0.15
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	29	0.15
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	29	0.15
(1,4095)	1:222:A:LYS:HE2	1:222:A:LYS:HD3	27	0.15
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD11	1:368:A:PHE:HZ	15	0.15
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD12	1:368:A:PHE:HZ	15	0.15
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD13	1:368:A:PHE:HZ	15	0.15
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	2	0.15
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	2	0.15
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	6	0.15
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	6	0.15
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	31	0.15
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	31	0.15
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	34	0.15
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	34	0.15
(1,3921)	1:385:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HH2	26	0.15
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG11	1	0.15
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG12	1	0.15
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG13	1	0.15
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG11	7	0.15
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG12	7	0.15
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG13	7	0.15
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG11	24	0.15
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG12	24	0.15
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG13	24	0.15
(1,3860)	1:308:A:LYS:HD3	1:304:A:GLN:HB2	31	0.15
(1,3786)	1:202:A:MET:HE1	1:202:A:MET:HA	8	0.15
(1,3786)	1:202:A:MET:HE2	1:202:A:MET:HA	8	0.15
(1,3786)	1:202:A:MET:HE3	1:202:A:MET:HA	8	0.15
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG21	26	0.15
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG22	26	0.15
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG23	26	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG21	12	0.15
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG22	12	0.15
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG23	12	0.15
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG21	8	0.15
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG22	8	0.15
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG23	8	0.15
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD2	1:437:A:THR:HG21	9	0.15
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD2	1:437:A:THR:HG22	9	0.15
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD2	1:437:A:THR:HG23	9	0.15
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD2	1:437:A:THR:HG21	34	0.15
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD2	1:437:A:THR:HG22	34	0.15
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD2	1:437:A:THR:HG23	34	0.15
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	1	0.15
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	3	0.15
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	4	0.15
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	8	0.15
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	10	0.15
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	16	0.15
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	20	0.15
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	22	0.15
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	25	0.15
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	27	0.15
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	31	0.15
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB1	15	0.15
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB2	15	0.15
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB3	15	0.15
(1,3648)	1:184:A:PRO:HB3	1:184:A:PRO:HD2	11	0.15
(1,3648)	1:184:A:PRO:HB3	1:184:A:PRO:HD2	17	0.15
(1,3648)	1:184:A:PRO:HB3	1:184:A:PRO:HD2	23	0.15
(1,3648)	1:184:A:PRO:HB3	1:184:A:PRO:HD2	28	0.15
(1,3648)	1:184:A:PRO:HB3	1:184:A:PRO:HD2	29	0.15
(1,3546)	1:252:A:SER:HB3	1:251:A:GLU:HG2	11	0.15
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB1	1:383:A:SER:HB3	22	0.15
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB2	1:383:A:SER:HB3	22	0.15
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB3	1:383:A:SER:HB3	22	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD11	2	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD12	2	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD13	2	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD11	2	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD12	2	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD13	2	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD11	2	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD12	2	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD13	2	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD11	4	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD12	4	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD13	4	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD11	4	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD12	4	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD13	4	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD11	4	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD12	4	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD13	4	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD11	5	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD12	5	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD13	5	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD11	5	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD12	5	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD13	5	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD11	5	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD12	5	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD13	5	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD11	7	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD12	7	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD13	7	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD11	7	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD12	7	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD13	7	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD11	7	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD12	7	0.15
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD13	7	0.15
(1,3463)	1:251:A:GLU:HB3	1:246:A:ALA:HA	24	0.15
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE1	23	0.15
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE2	23	0.15
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE1	23	0.15
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE2	23	0.15
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE1	23	0.15
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE2	23	0.15
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HG	10	0.15
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HG	10	0.15
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HG	10	0.15
(1,3151)	1:242:A:GLU:HG3	1:243:A:LEU:HD11	3	0.15
(1,3151)	1:242:A:GLU:HG3	1:243:A:LEU:HD12	3	0.15
(1,3151)	1:242:A:GLU:HG3	1:243:A:LEU:HD13	3	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG21	30	0.15
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG22	30	0.15
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG23	30	0.15
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG21	30	0.15
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG22	30	0.15
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG23	30	0.15
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG21	30	0.15
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG22	30	0.15
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG23	30	0.15
(1,3094)	1:199:A:GLU:HG3	1:196:A:ASP:HA	14	0.15
(1,3067)	1:203:A:MET:HE1	1:213:A:PHE:HD1	7	0.15
(1,3067)	1:203:A:MET:HE1	1:213:A:PHE:HD2	7	0.15
(1,3067)	1:203:A:MET:HE2	1:213:A:PHE:HD1	7	0.15
(1,3067)	1:203:A:MET:HE2	1:213:A:PHE:HD2	7	0.15
(1,3067)	1:203:A:MET:HE3	1:213:A:PHE:HD1	7	0.15
(1,3067)	1:203:A:MET:HE3	1:213:A:PHE:HD2	7	0.15
(1,3067)	1:203:A:MET:HE1	1:213:A:PHE:HD1	12	0.15
(1,3067)	1:203:A:MET:HE1	1:213:A:PHE:HD2	12	0.15
(1,3067)	1:203:A:MET:HE2	1:213:A:PHE:HD1	12	0.15
(1,3067)	1:203:A:MET:HE2	1:213:A:PHE:HD2	12	0.15
(1,3067)	1:203:A:MET:HE3	1:213:A:PHE:HD1	12	0.15
(1,3067)	1:203:A:MET:HE3	1:213:A:PHE:HD2	12	0.15
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD11	13	0.15
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD12	13	0.15
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD13	13	0.15
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD11	13	0.15
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD12	13	0.15
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD13	13	0.15
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD11	13	0.15
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD12	13	0.15
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD13	13	0.15
(1,2988)	1:399:A:LYS:HA	1:399:A:LYS:HD3	25	0.15
(1,2930)	1:400:A:GLU:HG3	1:400:A:GLU:HA	1	0.15
(1,2907)	1:331:A:LYS:HE3	1:334:A:GLU:H	14	0.15
(1,2889)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HG2	13	0.15
(1,2869)	1:374:A:LYS:HB2	1:207:A:ILE:HD11	11	0.15
(1,2869)	1:374:A:LYS:HB2	1:207:A:ILE:HD12	11	0.15
(1,2869)	1:374:A:LYS:HB2	1:207:A:ILE:HD13	11	0.15
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE1	1:340:A:GLN:HG3	6	0.15
(1,2859)	1:358:A:TYR:HE2	1:340:A:GLN:HG3	6	0.15
(1,2813)	1:385:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HD1	28	0.15
(1,2813)	1:385:A:MET:HE2	1:382:A:TRP:HD1	28	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2813)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HD1	28	0.15
(1,2739)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HG	17	0.15
(1,2739)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HG	17	0.15
(1,2739)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HG	17	0.15
(1,2730)	1:239:A:LYS:HD2	1:236:A:ILE:HD11	16	0.15
(1,2730)	1:239:A:LYS:HD2	1:236:A:ILE:HD12	16	0.15
(1,2730)	1:239:A:LYS:HD2	1:236:A:ILE:HD13	16	0.15
(1,2719)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:HD21	19	0.15
(1,2719)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:HD22	19	0.15
(1,2719)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:HD23	19	0.15
(1,2716)	1:222:A:LYS:HD2	1:223:A:TYR:H	3	0.15
(1,2716)	1:222:A:LYS:HD2	1:223:A:TYR:H	11	0.15
(1,2716)	1:222:A:LYS:HD2	1:223:A:TYR:H	25	0.15
(1,2716)	1:222:A:LYS:HD2	1:223:A:TYR:H	32	0.15
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG11	15	0.15
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG12	15	0.15
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG13	15	0.15
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG11	15	0.15
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG12	15	0.15
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG13	15	0.15
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG11	15	0.15
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG12	15	0.15
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG13	15	0.15
(1,2575)	1:377:A:MET:HE1	1:407:A:PHE:HD1	16	0.15
(1,2575)	1:377:A:MET:HE1	1:407:A:PHE:HD2	16	0.15
(1,2575)	1:377:A:MET:HE2	1:407:A:PHE:HD1	16	0.15
(1,2575)	1:377:A:MET:HE2	1:407:A:PHE:HD2	16	0.15
(1,2575)	1:377:A:MET:HE3	1:407:A:PHE:HD1	16	0.15
(1,2575)	1:377:A:MET:HE3	1:407:A:PHE:HD2	16	0.15
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	23	0.15
(1,2521)	1:365:A:GLN:HG2	1:365:A:GLN:H	24	0.15
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD11	1:412:A:LEU:HA	12	0.15
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD12	1:412:A:LEU:HA	12	0.15
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD13	1:412:A:LEU:HA	12	0.15
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HB2	17	0.15
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HB2	17	0.15
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HB2	17	0.15
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HD3	26	0.15
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	7	0.15
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	7	0.15
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	7	0.15
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	24	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	24	0.15
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	24	0.15
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG21	1:340:A:GLN:HG2	35	0.15
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG22	1:340:A:GLN:HG2	35	0.15
(1,2464)	1:339:A:ILE:HG23	1:340:A:GLN:HG2	35	0.15
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG21	1:320:A:TRP:HE1	30	0.15
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG22	1:320:A:TRP:HE1	30	0.15
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG23	1:320:A:TRP:HE1	30	0.15
(1,2381)	1:184:A:PRO:HB2	1:184:A:PRO:HA	23	0.15
(1,2381)	1:184:A:PRO:HB2	1:184:A:PRO:HA	29	0.15
(1,2381)	1:184:A:PRO:HB2	1:184:A:PRO:HA	30	0.15
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD2	1:189:A:ILE:HD11	33	0.15
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD2	1:189:A:ILE:HD12	33	0.15
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD2	1:189:A:ILE:HD13	33	0.15
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD11	29	0.15
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD12	29	0.15
(1,2361)	1:390:A:THR:HB	1:380:A:LEU:HD13	29	0.15
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD11	1:227:A:CYS:HB3	4	0.15
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD12	1:227:A:CYS:HB3	4	0.15
(1,2267)	1:230:A:ILE:HD13	1:227:A:CYS:HB3	4	0.15
(1,2245)	1:187:A:LYS:HG3	1:187:A:LYS:HE3	1	0.15
(1,2052)	1:207:A:ILE:H	1:206:A:GLY:H	20	0.15
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	17	0.15
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	35	0.15
(1,2023)	1:233:A:VAL:H	1:232:A:ARG:H	6	0.15
(1,2004)	1:283:A:LEU:H	1:280:A:THR:HG1	26	0.15
(1,2004)	1:283:A:LEU:H	1:280:A:THR:HG1	34	0.15
(1,1977)	1:380:A:LEU:H	1:384:A:ASN:HD21	14	0.15
(1,1977)	1:380:A:LEU:H	1:384:A:ASN:HD21	26	0.15
(1,1919)	1:282:A:GLU:H	1:280:A:THR:HG1	18	0.15
(1,1919)	1:282:A:GLU:H	1:280:A:THR:HG1	20	0.15
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	4	0.15
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	10	0.15
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	12	0.15
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	17	0.15
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	21	0.15
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	25	0.15
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	29	0.15
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	30	0.15
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	33	0.15
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	35	0.15
(1,1720)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HA	27	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1711)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HD3	23	0.15
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG21	24	0.15
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG22	24	0.15
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG23	24	0.15
(1,1658)	1:375:A:GLN:HE21	1:378:A:LYS:HD3	11	0.15
(1,1631)	1:273:A:ASP:H	1:191:A:GLY:H	7	0.15
(1,1631)	1:273:A:ASP:H	1:191:A:GLY:H	35	0.15
(1,1619)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HG	16	0.15
(1,1619)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HG	31	0.15
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	9	0.15
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	9	0.15
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	9	0.15
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	23	0.15
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	23	0.15
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	23	0.15
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	29	0.15
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	29	0.15
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	29	0.15
(1,1473)	1:232:A:ARG:H	1:232:A:ARG:HD2	24	0.15
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	4	0.15
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	16	0.15
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	21	0.15
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	25	0.15
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	4	0.15
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	19	0.15
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	22	0.15
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	28	0.15
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG3	20	0.15
(1,1355)	1:251:A:GLU:H	1:252:A:SER:HA	18	0.15
(1,1348)	1:249:A:ARG:H	1:251:A:GLU:HG3	15	0.15
(1,1207)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HB	6	0.15
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG11	8	0.15
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG12	8	0.15
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG13	8	0.15
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG11	15	0.15
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG12	15	0.15
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG13	15	0.15
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG11	19	0.15
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG12	19	0.15
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG13	19	0.15
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG11	22	0.15
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG12	22	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG13	22	0.15
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG11	33	0.15
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG12	33	0.15
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG13	33	0.15
(1,1114)	1:407:A:PHE:H	1:204:A:TYR:HD1	8	0.15
(1,1114)	1:407:A:PHE:H	1:204:A:TYR:HD2	8	0.15
(1,1034)	1:365:A:GLN:HE22	1:364:A:VAL:HA	8	0.15
(1,863)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB2	9	0.15
(1,853)	1:369:A:GLY:H	1:369:A:GLY:HA2	15	0.15
(1,853)	1:369:A:GLY:H	1:369:A:GLY:HA2	25	0.15
(1,853)	1:369:A:GLY:H	1:369:A:GLY:HA2	34	0.15
(1,853)	1:369:A:GLY:H	1:369:A:GLY:HA2	35	0.15
(1,819)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HG	1	0.15
(1,772)	1:370:A:ASN:HD21	1:370:A:ASN:HA	15	0.15
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE1	35	0.15
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE2	35	0.15
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE3	35	0.15
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	9	0.15
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	9	0.15
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	9	0.15
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	21	0.15
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	21	0.15
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	21	0.15
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	24	0.15
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	24	0.15
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	24	0.15
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG21	1	0.15
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG22	1	0.15
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG23	1	0.15
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG21	25	0.15
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG22	25	0.15
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG23	25	0.15
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG21	28	0.15
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG22	28	0.15
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG23	28	0.15
(1,649)	1:256:A:GLU:H	1:256:A:GLU:HG3	11	0.15
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE1	19	0.15
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE2	19	0.15
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE1	27	0.15
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE2	27	0.15
(1,586)	1:227:A:CYS:H	1:227:A:CYS:HB3	12	0.15
(1,561)	1:298:A:GLU:H	1:295:A:THR:HB	8	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	8	0.15
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	8	0.15
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	8	0.15
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	14	0.15
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	14	0.15
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	14	0.15
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	27	0.15
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	27	0.15
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	27	0.15
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	3	0.15
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	3	0.15
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	3	0.15
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	9	0.15
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	9	0.15
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	9	0.15
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	15	0.15
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	15	0.15
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	15	0.15
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	34	0.15
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	34	0.15
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	34	0.15
(1,444)	1:294:A:THR:H	1:293:A:ARG:HB3	20	0.15
(1,404)	1:370:A:ASN:HD21	1:369:A:GLY:HA3	24	0.15
(1,404)	1:370:A:ASN:HD21	1:369:A:GLY:HA3	35	0.15
(1,388)	1:226:A:LYS:H	1:226:A:LYS:HB2	3	0.15
(1,388)	1:226:A:LYS:H	1:226:A:LYS:HB2	21	0.15
(1,387)	1:336:A:LYS:H	1:332:A:GLU:HB3	10	0.15
(1,193)	1:375:A:GLN:HE22	1:375:A:GLN:H	32	0.15
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	34	0.15
(1,36)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HG	23	0.15
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	7	0.15
(3,210)	1:434:A:ARG:O	1:438:A:ALA:H	25	0.14
(3,184)	1:411:A:CYS:O	1:415:A:ASP:H	2	0.14
(3,176)	1:407:A:PHE:O	1:411:A:CYS:H	3	0.14
(3,176)	1:407:A:PHE:O	1:411:A:CYS:H	5	0.14
(3,176)	1:407:A:PHE:O	1:411:A:CYS:H	12	0.14
(3,176)	1:407:A:PHE:O	1:411:A:CYS:H	19	0.14
(3,176)	1:407:A:PHE:O	1:411:A:CYS:H	20	0.14
(3,176)	1:407:A:PHE:O	1:411:A:CYS:H	28	0.14
(3,176)	1:407:A:PHE:O	1:411:A:CYS:H	30	0.14
(3,176)	1:407:A:PHE:O	1:411:A:CYS:H	34	0.14
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	7	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	19	0.14
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	20	0.14
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	23	0.14
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	29	0.14
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	25	0.14
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	28	0.14
(3,121)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:N	4	0.14
(3,121)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:N	6	0.14
(3,114)	1:326:A:ASP:O	1:330:A:ALA:H	10	0.14
(3,114)	1:326:A:ASP:O	1:330:A:ALA:H	11	0.14
(3,114)	1:326:A:ASP:O	1:330:A:ALA:H	22	0.14
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	2	0.14
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	5	0.14
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	24	0.14
(3,38)	1:244:A:LYS:O	1:248:A:ASP:H	16	0.14
(3,6)	1:196:A:ASP:O	1:200:A:ARG:H	10	0.14
(3,6)	1:196:A:ASP:O	1:200:A:ARG:H	32	0.14
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG21	17	0.14
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG22	17	0.14
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG23	17	0.14
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG21	17	0.14
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG22	17	0.14
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG23	17	0.14
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG21	17	0.14
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG22	17	0.14
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG23	17	0.14
(2,43)	1:355:A:ARG:HD2	1:356:A:VAL:H	2	0.14
(2,41)	1:225:A:MET:HE1	1:224:A:GLY:H	23	0.14
(2,41)	1:225:A:MET:HE2	1:224:A:GLY:H	23	0.14
(2,41)	1:225:A:MET:HE3	1:224:A:GLY:H	23	0.14
(2,23)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HB3	2	0.14
(2,19)	1:245:A:ALA:H	1:244:A:LYS:HD2	2	0.14
(2,17)	1:325:A:MET:H	1:213:A:PHE:HZ	31	0.14
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG21	1:344:A:ILE:H	4	0.14
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG23	1:344:A:ILE:H	20	0.14
(1,6843)	1:357:A:LEU:HD23	1:343:A:SER:HA	26	0.14
(1,6805)	1:201:A:THR:HG21	1:189:A:ILE:HB	19	0.14
(1,6805)	1:201:A:THR:HG21	1:189:A:ILE:HB	35	0.14
(1,6804)	1:267:A:LEU:HD22	1:212:A:VAL:HG11	28	0.14
(1,6788)	1:430:A:TRP:HD1	1:433:A:GLN:HB3	23	0.14
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	17	0.14
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	24	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	34	0.14
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD13	1:345:A:VAL:HG22	29	0.14
(1,6724)	1:342:A:ILE:HD13	1:332:A:GLU:HB3	19	0.14
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG23	1:307:A:LEU:HD13	31	0.14
(1,6664)	1:420:A:ILE:HB	1:416:A:LEU:HD13	8	0.14
(1,6661)	1:362:A:THR:HG21	1:358:A:TYR:HD1	14	0.14
(1,6638)	1:342:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:H	2	0.14
(1,6607)	1:317:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HA	2	0.14
(1,6602)	1:318:A:ILE:HB	1:360:A:PHE:HE1	22	0.14
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG23	1:210:A:PRO:HB3	14	0.14
(1,6537)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HA	1	0.14
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HD21	33	0.14
(1,6491)	1:189:A:ILE:HD12	1:200:A:ARG:HA	15	0.14
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG13	1:231:A:TYR:HD1	29	0.14
(1,6456)	1:197:A:ALA:HB1	1:274:A:LEU:HB3	22	0.14
(1,6430)	1:217:A:ILE:HD13	1:213:A:PHE:HE1	32	0.14
(1,6429)	1:304:A:GLN:HG3	1:300:A:VAL:HG13	2	0.14
(1,6423)	1:266:A:LEU:HD22	1:244:A:LYS:HA	17	0.14
(1,6416)	1:345:A:VAL:HB	1:342:A:ILE:HD11	21	0.14
(1,6408)	1:429:A:LEU:HD22	1:426:A:GLU:HG2	29	0.14
(1,6406)	1:243:A:LEU:HD11	1:240:A:VAL:HG21	12	0.14
(1,6380)	1:360:A:PHE:HZ	1:307:A:LEU:HD11	20	0.14
(1,6377)	1:297:A:THR:HG21	1:297:A:THR:HB	1	0.14
(1,6377)	1:297:A:THR:HG23	1:297:A:THR:HB	2	0.14
(1,6377)	1:297:A:THR:HG23	1:297:A:THR:HB	9	0.14
(1,6377)	1:387:A:THR:HG23	1:387:A:THR:HB	11	0.14
(1,6377)	1:387:A:THR:HG23	1:387:A:THR:HB	12	0.14
(1,6377)	1:297:A:THR:HG22	1:297:A:THR:HB	14	0.14
(1,6377)	1:387:A:THR:HG22	1:387:A:THR:HB	15	0.14
(1,6377)	1:297:A:THR:HG21	1:297:A:THR:HB	16	0.14
(1,6377)	1:297:A:THR:HG23	1:297:A:THR:HB	17	0.14
(1,6377)	1:387:A:THR:HG22	1:387:A:THR:HB	19	0.14
(1,6377)	1:297:A:THR:HG21	1:297:A:THR:HB	20	0.14
(1,6377)	1:387:A:THR:HG21	1:387:A:THR:HB	24	0.14
(1,6377)	1:387:A:THR:HG22	1:387:A:THR:HB	26	0.14
(1,6377)	1:297:A:THR:HG22	1:297:A:THR:HB	27	0.14
(1,6377)	1:297:A:THR:HG22	1:297:A:THR:HB	28	0.14
(1,6377)	1:387:A:THR:HG21	1:387:A:THR:HB	33	0.14
(1,6371)	1:284:A:MET:HE3	1:284:A:MET:HA	21	0.14
(1,6330)	1:228:A:GLU:HB2	1:227:A:CYS:HB3	17	0.14
(1,6330)	1:228:A:GLU:HB2	1:227:A:CYS:HB3	35	0.14
(1,6328)	1:212:A:VAL:HG22	1:210:A:PRO:HG3	16	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	1	0.14
(1,6316)	1:425:A:LYS:HE3	1:426:A:GLU:H	22	0.14
(1,6297)	1:297:A:THR:HG22	1:298:A:GLU:HG2	5	0.14
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD13	1:438:A:ALA:H	30	0.14
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG22	1:407:A:PHE:H	34	0.14
(1,6255)	1:284:A:MET:HE1	1:283:A:LEU:H	8	0.14
(1,6241)	1:217:A:ILE:HG22	1:375:A:GLN:H	29	0.14
(1,6238)	1:364:A:VAL:HG23	1:324:A:HIS:H	24	0.14
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG22	1:264:A:ALA:H	1	0.14
(1,6204)	1:268:A:LYS:HG3	1:270:A:TYR:H	1	0.14
(1,6143)	1:209:A:LEU:HD13	1:210:A:PRO:HD2	15	0.14
(1,6143)	1:209:A:LEU:HD12	1:320:A:TRP:HB3	25	0.14
(1,6142)	1:367:A:LEU:HD21	1:366:A:GLU:H	8	0.14
(1,6105)	1:337:A:MET:HE1	1:341:A:ASN:HB2	5	0.14
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG22	1:266:A:LEU:HD23	20	0.14
(1,6100)	1:212:A:VAL:HG22	1:266:A:LEU:HD23	23	0.14
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD11	1:322:A:ILE:HG21	2	0.14
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:H	33	0.14
(1,6054)	1:283:A:LEU:HD23	1:310:A:LEU:HD23	21	0.14
(1,6020)	1:317:A:LEU:HD12	1:278:A:LEU:HD23	7	0.14
(1,6006)	1:307:A:LEU:HD12	1:360:A:PHE:HE1	4	0.14
(1,5978)	1:272:A:ARG:HG2	1:273:A:ASP:HA	28	0.14
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HA	14	0.14
(1,5964)	1:289:A:GLU:HB3	1:306:A:LEU:HD23	27	0.14
(1,5943)	1:278:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:HD13	29	0.14
(1,5930)	1:363:A:HIS:HD2	1:300:A:VAL:HG23	18	0.14
(1,5880)	1:254:A:ASN:HB3	1:253:A:THR:HG22	14	0.14
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG22	1:341:A:ASN:HB3	15	0.14
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG23	1:341:A:ASN:HB3	25	0.14
(1,5815)	1:207:A:ILE:HD11	1:214:A:ARG:HD2	24	0.14
(1,5755)	1:207:A:ILE:HG22	1:316:A:LEU:HD22	26	0.14
(1,5717)	1:192:A:ILE:HD12	1:193:A:PRO:HA	23	0.14
(1,5701)	1:302:A:GLU:HG2	1:286:A:ARG:HD3	22	0.14
(1,5692)	1:429:A:LEU:HD23	1:426:A:GLU:HA	28	0.14
(1,5689)	1:342:A:ILE:HG21	1:325:A:MET:H	30	0.14
(1,5648)	1:374:A:LYS:HE2	1:374:A:LYS:HG2	2	0.14
(1,5648)	1:281:A:LYS:HE2	1:281:A:LYS:HG3	3	0.14
(1,5648)	1:374:A:LYS:HE2	1:374:A:LYS:HG3	7	0.14
(1,5622)	1:318:A:ILE:HG23	1:279:A:LEU:HA	13	0.14
(1,5615)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HB3	18	0.14
(1,5603)	1:305:A:ARG:HD2	1:302:A:GLU:HG2	4	0.14
(1,5590)	1:436:A:LEU:HD22	1:433:A:GLN:H	19	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5573)	1:284:A:MET:HG2	1:286:A:ARG:H	26	0.14
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	26	0.14
(1,5569)	1:284:A:MET:HE2	1:352:A:ILE:HG21	31	0.14
(1,5413)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG23	6	0.14
(1,5384)	1:269:A:GLN:H	1:190:A:PHE:HE1	30	0.14
(1,5346)	1:370:A:ASN:H	1:323:A:VAL:HG21	9	0.14
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG21	2	0.14
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD23	11	0.14
(1,5311)	1:331:A:LYS:H	1:335:A:THR:HG22	23	0.14
(1,5290)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HB2	1	0.14
(1,5269)	1:320:A:TRP:HE1	1:374:A:LYS:HB2	21	0.14
(1,5255)	1:336:A:LYS:H	1:332:A:GLU:HB2	29	0.14
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	1	0.14
(1,5211)	1:428:A:ARG:H	1:425:A:LYS:HD3	13	0.14
(1,5211)	1:428:A:ARG:H	1:425:A:LYS:HD3	23	0.14
(1,5211)	1:428:A:ARG:H	1:425:A:LYS:HD2	29	0.14
(1,5199)	1:229:A:GLY:H	1:335:A:THR:HB	28	0.14
(1,5195)	1:271:A:LEU:H	1:271:A:LEU:HG	15	0.14
(1,5195)	1:271:A:LEU:H	1:271:A:LEU:HG	16	0.14
(1,5186)	1:431:A:GLU:H	1:432:A:VAL:HB	28	0.14
(1,5156)	1:358:A:TYR:H	1:354:A:ASN:HA	14	0.14
(1,5119)	1:442:A:LYS:H	1:441:A:ARG:HD3	19	0.14
(1,5119)	1:442:A:LYS:H	1:441:A:ARG:HD3	34	0.14
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	30	0.14
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:322:A:ILE:HD12	7	0.14
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	17	0.14
(1,4993)	1:265:A:SER:H	1:268:A:LYS:HB3	24	0.14
(1,4993)	1:265:A:SER:H	1:268:A:LYS:HB3	29	0.14
(1,4977)	1:253:A:THR:H	1:251:A:GLU:HB2	29	0.14
(1,4977)	1:253:A:THR:H	1:251:A:GLU:HB2	35	0.14
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	1	0.14
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	19	0.14
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	30	0.14
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	35	0.14
(1,4954)	1:225:A:MET:H	1:230:A:ILE:HG12	35	0.14
(1,4949)	1:363:A:HIS:H	1:363:A:HIS:HD2	16	0.14
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:279:A:LEU:HD23	22	0.14
(1,4936)	1:370:A:ASN:HD21	1:323:A:VAL:HG11	8	0.14
(1,4934)	1:316:A:LEU:H	1:209:A:LEU:HD13	13	0.14
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG12	14	0.14
(1,4849)	1:359:A:VAL:H	1:356:A:VAL:HG22	6	0.14
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	27	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	35	0.14
(1,4801)	1:209:A:LEU:H	1:202:A:MET:HG2	8	0.14
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	3	0.14
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	24	0.14
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	35	0.14
(1,4753)	1:254:A:ASN:HD22	1:257:A:ASP:HA	27	0.14
(1,4748)	1:216:A:CYS:H	1:203:A:MET:HE2	16	0.14
(1,4723)	1:352:A:ILE:H	1:279:A:LEU:HD21	28	0.14
(1,4697)	1:247:A:TYR:H	1:266:A:LEU:HD21	35	0.14
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:337:A:MET:HB3	6	0.14
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD21	1:278:A:LEU:H	7	0.14
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD22	1:278:A:LEU:H	7	0.14
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD23	1:278:A:LEU:H	7	0.14
(1,4589)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HB3	7	0.14
(1,4544)	1:253:A:THR:HG21	1:254:A:ASN:HB2	1	0.14
(1,4544)	1:253:A:THR:HG22	1:254:A:ASN:HB2	1	0.14
(1,4544)	1:253:A:THR:HG23	1:254:A:ASN:HB2	1	0.14
(1,4522)	1:209:A:LEU:HD21	1:209:A:LEU:HA	10	0.14
(1,4522)	1:209:A:LEU:HD22	1:209:A:LEU:HA	10	0.14
(1,4522)	1:209:A:LEU:HD23	1:209:A:LEU:HA	10	0.14
(1,4508)	1:336:A:LYS:HD2	1:335:A:THR:H	19	0.14
(1,4508)	1:336:A:LYS:HD2	1:335:A:THR:H	25	0.14
(1,4508)	1:336:A:LYS:HD2	1:335:A:THR:H	34	0.14
(1,4504)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HA	4	0.14
(1,4445)	1:306:A:LEU:HD21	1:306:A:LEU:H	34	0.14
(1,4445)	1:306:A:LEU:HD22	1:306:A:LEU:H	34	0.14
(1,4445)	1:306:A:LEU:HD23	1:306:A:LEU:H	34	0.14
(1,4431)	1:236:A:ILE:HD11	1:258:A:TYR:HE1	27	0.14
(1,4431)	1:236:A:ILE:HD11	1:258:A:TYR:HE2	27	0.14
(1,4431)	1:236:A:ILE:HD12	1:258:A:TYR:HE1	27	0.14
(1,4431)	1:236:A:ILE:HD12	1:258:A:TYR:HE2	27	0.14
(1,4431)	1:236:A:ILE:HD13	1:258:A:TYR:HE1	27	0.14
(1,4431)	1:236:A:ILE:HD13	1:258:A:TYR:HE2	27	0.14
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	6	0.14
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:HB3	21	0.14
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:HB3	21	0.14
(1,4374)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:HB3	21	0.14
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	4	0.14
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	15	0.14
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	17	0.14
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	22	0.14
(1,4318)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HB	18	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4318)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HB	18	0.14
(1,4318)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HB	18	0.14
(1,4266)	1:443:A:LEU:HD11	1:399:A:LYS:HE2	11	0.14
(1,4266)	1:443:A:LEU:HD12	1:399:A:LYS:HE2	11	0.14
(1,4266)	1:443:A:LEU:HD13	1:399:A:LYS:HE2	11	0.14
(1,4179)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HA	20	0.14
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD11	1:409:A:LEU:HA	1	0.14
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD12	1:409:A:LEU:HA	1	0.14
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD13	1:409:A:LEU:HA	1	0.14
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	9	0.14
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	9	0.14
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	9	0.14
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	1	0.14
(1,4095)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HD2	10	0.14
(1,4095)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HD2	14	0.14
(1,4095)	1:222:A:LYS:HE2	1:222:A:LYS:HD3	16	0.14
(1,4095)	1:222:A:LYS:HE2	1:222:A:LYS:HD3	35	0.14
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	32	0.14
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	32	0.14
(1,3923)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HG21	7	0.14
(1,3923)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HG22	7	0.14
(1,3923)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HG23	7	0.14
(1,3923)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HG21	7	0.14
(1,3923)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HG22	7	0.14
(1,3923)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HG23	7	0.14
(1,3923)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HG21	7	0.14
(1,3923)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HG22	7	0.14
(1,3923)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HG23	7	0.14
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG11	5	0.14
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG12	5	0.14
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG13	5	0.14
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG11	21	0.14
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG12	21	0.14
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG13	21	0.14
(1,3869)	1:436:A:LEU:HD21	1:402:A:ILE:HA	31	0.14
(1,3869)	1:436:A:LEU:HD22	1:402:A:ILE:HA	31	0.14
(1,3869)	1:436:A:LEU:HD23	1:402:A:ILE:HA	31	0.14
(1,3860)	1:308:A:LYS:HD3	1:304:A:GLN:HB2	7	0.14
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG21	15	0.14
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG22	15	0.14
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG23	15	0.14
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG21	32	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG22	32	0.14
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG23	32	0.14
(1,3756)	1:345:A:VAL:HB	1:344:A:ILE:H	26	0.14
(1,3755)	1:412:A:LEU:HD21	1:412:A:LEU:H	15	0.14
(1,3755)	1:412:A:LEU:HD22	1:412:A:LEU:H	15	0.14
(1,3755)	1:412:A:LEU:HD23	1:412:A:LEU:H	15	0.14
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG21	25	0.14
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG22	25	0.14
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG23	25	0.14
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB1	32	0.14
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB2	32	0.14
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB3	32	0.14
(1,3660)	1:336:A:LYS:HD2	1:336:A:LYS:HB2	24	0.14
(1,3648)	1:184:A:PRO:HB3	1:184:A:PRO:HD2	2	0.14
(1,3648)	1:184:A:PRO:HB3	1:184:A:PRO:HD2	32	0.14
(1,3623)	1:305:A:ARG:HD3	1:283:A:LEU:HA	24	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD11	8	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD12	8	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD13	8	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD11	8	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD12	8	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD13	8	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD11	8	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD12	8	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD13	8	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD11	18	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD12	18	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD13	18	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD11	18	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD12	18	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD13	18	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD11	18	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD12	18	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD13	18	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD11	25	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD12	25	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD13	25	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD11	25	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD12	25	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD13	25	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD11	25	0.14
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD12	25	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD13	25	0.14
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HD21	35	0.14
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HD22	35	0.14
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HD23	35	0.14
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HD21	35	0.14
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HD22	35	0.14
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HD23	35	0.14
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HD21	35	0.14
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HD22	35	0.14
(1,3472)	1:194:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HD23	35	0.14
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE1	17	0.14
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE2	17	0.14
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE1	17	0.14
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE2	17	0.14
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE1	17	0.14
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE2	17	0.14
(1,3409)	1:331:A:LYS:HE2	1:331:A:LYS:HA	14	0.14
(1,3356)	1:217:A:ILE:HD11	1:213:A:PHE:HB2	3	0.14
(1,3356)	1:217:A:ILE:HD12	1:213:A:PHE:HB2	3	0.14
(1,3356)	1:217:A:ILE:HD13	1:213:A:PHE:HB2	3	0.14
(1,3335)	1:335:A:THR:HG21	1:331:A:LYS:HB3	18	0.14
(1,3335)	1:335:A:THR:HG22	1:331:A:LYS:HB3	18	0.14
(1,3335)	1:335:A:THR:HG23	1:331:A:LYS:HB3	18	0.14
(1,3312)	1:380:A:LEU:HD21	1:380:A:LEU:HA	17	0.14
(1,3312)	1:380:A:LEU:HD22	1:380:A:LEU:HA	17	0.14
(1,3312)	1:380:A:LEU:HD23	1:380:A:LEU:HA	17	0.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG21	14	0.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG22	14	0.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG23	14	0.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG21	14	0.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG22	14	0.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG23	14	0.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG21	14	0.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG22	14	0.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG23	14	0.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG21	33	0.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG22	33	0.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG23	33	0.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG21	33	0.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG22	33	0.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG23	33	0.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG21	33	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG22	33	0.14
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG23	33	0.14
(1,3138)	1:438:A:ALA:HB1	1:382:A:TRP:HH2	35	0.14
(1,3138)	1:438:A:ALA:HB2	1:382:A:TRP:HH2	35	0.14
(1,3138)	1:438:A:ALA:HB3	1:382:A:TRP:HH2	35	0.14
(1,3094)	1:199:A:GLU:HG3	1:196:A:ASP:HA	35	0.14
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD11	1	0.14
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD12	1	0.14
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD13	1	0.14
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD11	1	0.14
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD12	1	0.14
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD13	1	0.14
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD11	1	0.14
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD12	1	0.14
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD13	1	0.14
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD11	5	0.14
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD12	5	0.14
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD11	1:279:A:LEU:HD13	5	0.14
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD11	5	0.14
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD12	5	0.14
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD12	1:279:A:LEU:HD13	5	0.14
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD11	5	0.14
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD12	5	0.14
(1,3035)	1:307:A:LEU:HD13	1:279:A:LEU:HD13	5	0.14
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD11	33	0.14
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	33	0.14
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	33	0.14
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	33	0.14
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	33	0.14
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	33	0.14
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	33	0.14
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	33	0.14
(1,2925)	1:346:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	33	0.14
(1,2874)	1:267:A:LEU:HD11	1:216:A:CYS:H	17	0.14
(1,2874)	1:267:A:LEU:HD12	1:216:A:CYS:H	17	0.14
(1,2874)	1:267:A:LEU:HD13	1:216:A:CYS:H	17	0.14
(1,2813)	1:385:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HD1	9	0.14
(1,2813)	1:385:A:MET:HE2	1:382:A:TRP:HD1	9	0.14
(1,2813)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HD1	9	0.14
(1,2783)	1:360:A:PHE:HE1	1:368:A:PHE:HZ	22	0.14
(1,2737)	1:385:A:MET:HE1	1:383:A:SER:HB3	13	0.14
(1,2737)	1:385:A:MET:HE2	1:383:A:SER:HB3	13	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2737)	1:385:A:MET:HE3	1:383:A:SER:HB3	13	0.14
(1,2737)	1:385:A:MET:HE1	1:383:A:SER:HB3	17	0.14
(1,2737)	1:385:A:MET:HE2	1:383:A:SER:HB3	17	0.14
(1,2737)	1:385:A:MET:HE3	1:383:A:SER:HB3	17	0.14
(1,2737)	1:385:A:MET:HE1	1:383:A:SER:HB3	23	0.14
(1,2737)	1:385:A:MET:HE2	1:383:A:SER:HB3	23	0.14
(1,2737)	1:385:A:MET:HE3	1:383:A:SER:HB3	23	0.14
(1,2716)	1:222:A:LYS:HD2	1:223:A:TYR:H	30	0.14
(1,2662)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG3	1	0.14
(1,2662)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG3	4	0.14
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG11	33	0.14
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG12	33	0.14
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG13	33	0.14
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG11	33	0.14
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG12	33	0.14
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG13	33	0.14
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG11	33	0.14
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG12	33	0.14
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG13	33	0.14
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD11	1:340:A:GLN:HG2	7	0.14
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD12	1:340:A:GLN:HG2	7	0.14
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD13	1:340:A:GLN:HG2	7	0.14
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	33	0.14
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD21	1:361:A:PHE:HZ	7	0.14
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD22	1:361:A:PHE:HZ	7	0.14
(1,2546)	1:346:A:LEU:HD23	1:361:A:PHE:HZ	7	0.14
(1,2521)	1:365:A:GLN:HG2	1:365:A:GLN:H	20	0.14
(1,2521)	1:365:A:GLN:HG2	1:365:A:GLN:H	21	0.14
(1,2521)	1:365:A:GLN:HG2	1:365:A:GLN:H	27	0.14
(1,2521)	1:365:A:GLN:HG2	1:365:A:GLN:H	32	0.14
(1,2520)	1:429:A:LEU:HD21	1:430:A:TRP:HA	10	0.14
(1,2520)	1:429:A:LEU:HD22	1:430:A:TRP:HA	10	0.14
(1,2520)	1:429:A:LEU:HD23	1:430:A:TRP:HA	10	0.14
(1,2498)	1:293:A:ARG:HD3	1:293:A:ARG:HG2	29	0.14
(1,2436)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HE22	17	0.14
(1,2436)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HE22	18	0.14
(1,2436)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HE22	19	0.14
(1,2436)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HE22	25	0.14
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	27	0.14
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	29	0.14
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG21	12	0.14
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG22	12	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG23	12	0.14
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG21	12	0.14
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG22	12	0.14
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG23	12	0.14
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG21	12	0.14
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG22	12	0.14
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG23	12	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE1	1:373:A:LEU:HD11	1	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE1	1:373:A:LEU:HD12	1	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE1	1:373:A:LEU:HD13	1	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE2	1:373:A:LEU:HD11	1	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE2	1:373:A:LEU:HD12	1	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE2	1:373:A:LEU:HD13	1	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE3	1:373:A:LEU:HD11	1	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE3	1:373:A:LEU:HD12	1	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE3	1:373:A:LEU:HD13	1	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE1	1:373:A:LEU:HD11	8	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE1	1:373:A:LEU:HD12	8	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE1	1:373:A:LEU:HD13	8	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE2	1:373:A:LEU:HD11	8	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE2	1:373:A:LEU:HD12	8	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE2	1:373:A:LEU:HD13	8	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE3	1:373:A:LEU:HD11	8	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE3	1:373:A:LEU:HD12	8	0.14
(1,2425)	1:225:A:MET:HE3	1:373:A:LEU:HD13	8	0.14
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG21	1:320:A:TRP:HE1	31	0.14
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG22	1:320:A:TRP:HE1	31	0.14
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG23	1:320:A:TRP:HE1	31	0.14
(1,2381)	1:184:A:PRO:HB2	1:184:A:PRO:HA	2	0.14
(1,2381)	1:184:A:PRO:HB2	1:184:A:PRO:HA	11	0.14
(1,2379)	1:413:A:HIS:HB3	1:409:A:LEU:HD11	30	0.14
(1,2379)	1:413:A:HIS:HB3	1:409:A:LEU:HD12	30	0.14
(1,2379)	1:413:A:HIS:HB3	1:409:A:LEU:HD13	30	0.14
(1,2368)	1:335:A:THR:HG21	1:227:A:CYS:H	23	0.14
(1,2368)	1:335:A:THR:HG22	1:227:A:CYS:H	23	0.14
(1,2368)	1:335:A:THR:HG23	1:227:A:CYS:H	23	0.14
(1,2303)	1:366:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG21	2	0.14
(1,2303)	1:366:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG22	2	0.14
(1,2303)	1:366:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG23	2	0.14
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HB	7	0.14
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HB	7	0.14
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG23	1:335:A:THR:HB	7	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HB	23	0.14
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HB	23	0.14
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG23	1:335:A:THR:HB	23	0.14
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD11	1:319:A:SER:HG	27	0.14
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD12	1:319:A:SER:HG	27	0.14
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD13	1:319:A:SER:HG	27	0.14
(1,2124)	1:187:A:LYS:HD2	1:187:A:LYS:H	3	0.14
(1,2110)	1:226:A:LYS:HG3	1:334:A:GLU:HG3	5	0.14
(1,2105)	1:272:A:ARG:HG3	1:272:A:ARG:HD2	2	0.14
(1,2105)	1:272:A:ARG:HG2	1:272:A:ARG:HD2	12	0.14
(1,2105)	1:272:A:ARG:HG3	1:272:A:ARG:HD2	14	0.14
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	1	0.14
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	22	0.14
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	30	0.14
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	34	0.14
(1,2023)	1:233:A:VAL:H	1:232:A:ARG:H	34	0.14
(1,2004)	1:283:A:LEU:H	1:280:A:THR:HG1	9	0.14
(1,2004)	1:283:A:LEU:H	1:280:A:THR:HG1	29	0.14
(1,1977)	1:380:A:LEU:H	1:384:A:ASN:HD21	8	0.14
(1,1977)	1:380:A:LEU:H	1:384:A:ASN:HD21	28	0.14
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	1	0.14
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	7	0.14
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	18	0.14
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	34	0.14
(1,1873)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HD11	20	0.14
(1,1873)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HD12	20	0.14
(1,1873)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HD13	20	0.14
(1,1803)	1:424:A:SER:H	1:423:A:LEU:HB3	35	0.14
(1,1700)	1:186:A:LEU:H	1:185:A:ASN:HA	7	0.14
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG21	6	0.14
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG22	6	0.14
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG23	6	0.14
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG21	16	0.14
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG22	16	0.14
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG23	16	0.14
(1,1631)	1:273:A:ASP:H	1:191:A:GLY:H	2	0.14
(1,1619)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HG	5	0.14
(1,1619)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HG	24	0.14
(1,1619)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HG	30	0.14
(1,1619)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HG	32	0.14
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	7	0.14
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	7	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	7	0.14
(1,1473)	1:232:A:ARG:H	1:232:A:ARG:HD2	31	0.14
(1,1469)	1:375:A:GLN:HE22	1:222:A:LYS:HG2	35	0.14
(1,1427)	1:333:A:LEU:H	1:332:A:GLU:HB2	10	0.14
(1,1427)	1:333:A:LEU:H	1:332:A:GLU:HB2	13	0.14
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	10	0.14
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	15	0.14
(1,1348)	1:249:A:ARG:H	1:251:A:GLU:HG2	12	0.14
(1,1280)	1:395:A:GLN:HE21	1:444:A:ARG:HD3	29	0.14
(1,1207)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HB	11	0.14
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG11	2	0.14
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG12	2	0.14
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG13	2	0.14
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG11	6	0.14
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG12	6	0.14
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG13	6	0.14
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG11	9	0.14
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG12	9	0.14
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG13	9	0.14
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG11	11	0.14
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG12	11	0.14
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG13	11	0.14
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG11	23	0.14
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG12	23	0.14
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG13	23	0.14
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG11	35	0.14
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG12	35	0.14
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG13	35	0.14
(1,1110)	1:332:A:GLU:H	1:336:A:LYS:H	10	0.14
(1,1110)	1:332:A:GLU:H	1:336:A:LYS:H	29	0.14
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD1	21	0.14
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD2	21	0.14
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD1	23	0.14
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD2	23	0.14
(1,1001)	1:227:A:CYS:H	1:226:A:LYS:H	35	0.14
(1,928)	1:243:A:LEU:H	1:258:A:TYR:HD1	20	0.14
(1,928)	1:243:A:LEU:H	1:258:A:TYR:HD2	20	0.14
(1,853)	1:369:A:GLY:H	1:369:A:GLY:HA2	13	0.14
(1,835)	1:374:A:LYS:H	1:372:A:VAL:H	26	0.14
(1,819)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HG	12	0.14
(1,819)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HG	24	0.14
(1,772)	1:370:A:ASN:HD21	1:370:A:ASN:HA	34	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,733)	1:250:A:GLU:H	1:247:A:TYR:HB3	16	0.14
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	7	0.14
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	6	0.14
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	6	0.14
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	6	0.14
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	27	0.14
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	27	0.14
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	27	0.14
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	35	0.14
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	35	0.14
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	35	0.14
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE1	32	0.14
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE2	32	0.14
(1,586)	1:227:A:CYS:H	1:227:A:CYS:HB3	3	0.14
(1,586)	1:227:A:CYS:H	1:227:A:CYS:HB3	32	0.14
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	7	0.14
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	7	0.14
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	7	0.14
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	33	0.14
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	33	0.14
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	33	0.14
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	24	0.14
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	24	0.14
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	24	0.14
(1,428)	1:419:A:GLY:H	1:420:A:ILE:HD13	7	0.14
(1,258)	1:361:A:PHE:H	1:359:A:VAL:HB	28	0.14
(1,258)	1:361:A:PHE:H	1:359:A:VAL:HB	32	0.14
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	1	0.14
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	8	0.14
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	24	0.14
(1,103)	1:231:A:TYR:H	1:230:A:ILE:HG13	28	0.14
(1,91)	1:256:A:GLU:H	1:256:A:GLU:HB2	16	0.14
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	1	0.14
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	33	0.14
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG11	18	0.14
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG12	18	0.14
(1,13)	1:259:A:GLU:H	1:263:A:VAL:HG13	18	0.14
(3,204)	1:431:A:GLU:O	1:435:A:ILE:H	30	0.13
(3,176)	1:407:A:PHE:O	1:411:A:CYS:H	31	0.13
(3,168)	1:403:A:ARG:O	1:407:A:PHE:H	18	0.13
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	1	0.13
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	26	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	7	0.13
(3,121)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:N	2	0.13
(3,121)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:N	13	0.13
(3,121)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:N	18	0.13
(3,121)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:N	22	0.13
(3,114)	1:326:A:ASP:O	1:330:A:ALA:H	15	0.13
(3,114)	1:326:A:ASP:O	1:330:A:ALA:H	16	0.13
(3,114)	1:326:A:ASP:O	1:330:A:ALA:H	33	0.13
(3,104)	1:321:A:LEU:O	1:325:A:MET:H	29	0.13
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	4	0.13
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	9	0.13
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	17	0.13
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	20	0.13
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	31	0.13
(3,6)	1:196:A:ASP:O	1:200:A:ARG:H	6	0.13
(3,6)	1:196:A:ASP:O	1:200:A:ARG:H	31	0.13
(2,197)	1:380:A:LEU:H	1:411:A:CYS:HG	6	0.13
(2,93)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:H	7	0.13
(2,93)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:H	7	0.13
(2,93)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:H	7	0.13
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG21	22	0.13
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG22	22	0.13
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG23	22	0.13
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG21	22	0.13
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG22	22	0.13
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG23	22	0.13
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG21	22	0.13
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG22	22	0.13
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG23	22	0.13
(2,69)	1:342:A:ILE:HD11	1:329:A:ILE:HG13	9	0.13
(2,69)	1:342:A:ILE:HD12	1:329:A:ILE:HG13	9	0.13
(2,69)	1:342:A:ILE:HD13	1:329:A:ILE:HG13	9	0.13
(2,54)	1:435:A:ILE:HD11	1:382:A:TRP:H	20	0.13
(2,54)	1:435:A:ILE:HD12	1:382:A:TRP:H	20	0.13
(2,54)	1:435:A:ILE:HD13	1:382:A:TRP:H	20	0.13
(2,53)	1:267:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:H	35	0.13
(2,53)	1:267:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:H	35	0.13
(2,53)	1:267:A:LEU:HD13	1:213:A:PHE:H	35	0.13
(2,43)	1:355:A:ARG:HD2	1:356:A:VAL:H	13	0.13
(2,25)	1:196:A:ASP:H	1:192:A:ILE:HG21	8	0.13
(2,25)	1:196:A:ASP:H	1:192:A:ILE:HG22	8	0.13
(2,25)	1:196:A:ASP:H	1:192:A:ILE:HG23	8	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,17)	1:325:A:MET:H	1:213:A:PHE:HZ	6	0.13
(2,17)	1:325:A:MET:H	1:213:A:PHE:HZ	11	0.13
(2,17)	1:325:A:MET:H	1:213:A:PHE:HZ	30	0.13
(2,6)	1:338:A:ASN:H	1:332:A:GLU:HA	21	0.13
(2,6)	1:338:A:ASN:H	1:332:A:GLU:HA	23	0.13
(2,6)	1:338:A:ASN:H	1:332:A:GLU:HA	27	0.13
(1,6871)	1:198:A:VAL:HG23	1:209:A:LEU:HA	32	0.13
(1,6859)	1:278:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HD22	9	0.13
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG23	1:344:A:ILE:H	26	0.13
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG21	1:344:A:ILE:H	27	0.13
(1,6853)	1:239:A:LYS:HD3	1:262:A:THR:HG23	18	0.13
(1,6845)	1:310:A:LEU:HD22	1:309:A:GLU:H	13	0.13
(1,6829)	1:300:A:VAL:HG12	1:363:A:HIS:HD2	8	0.13
(1,6820)	1:194:A:LEU:HD22	1:209:A:LEU:HD11	1	0.13
(1,6816)	1:219:A:TYR:HE2	1:230:A:ILE:HD13	25	0.13
(1,6816)	1:219:A:TYR:HE1	1:255:A:LEU:HD13	30	0.13
(1,6800)	1:393:A:GLU:HG2	1:446:A:ALA:HB1	28	0.13
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	15	0.13
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	24	0.13
(1,6766)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HA	17	0.13
(1,6742)	1:364:A:VAL:HG13	1:326:A:ASP:HB3	29	0.13
(1,6730)	1:315:A:TYR:HE1	1:310:A:LEU:HG	35	0.13
(1,6716)	1:239:A:LYS:HD2	1:242:A:GLU:HB2	23	0.13
(1,6703)	1:329:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:H	12	0.13
(1,6698)	1:318:A:ILE:HG22	1:307:A:LEU:HD13	4	0.13
(1,6669)	1:279:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:H	22	0.13
(1,6669)	1:279:A:LEU:HD11	1:318:A:ILE:H	32	0.13
(1,6592)	1:357:A:LEU:HD22	1:356:A:VAL:HG23	1	0.13
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	17	0.13
(1,6570)	1:194:A:LEU:HD21	1:276:A:GLU:HA	27	0.13
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG21	1:210:A:PRO:HB3	29	0.13
(1,6564)	1:203:A:MET:HE1	1:378:A:LYS:HG2	9	0.13
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD12	1:444:A:ARG:H	1	0.13
(1,6443)	1:315:A:TYR:HD1	1:307:A:LEU:HG	31	0.13
(1,6430)	1:217:A:ILE:HD12	1:213:A:PHE:HE1	33	0.13
(1,6420)	1:212:A:VAL:HG23	1:189:A:ILE:HB	6	0.13
(1,6414)	1:279:A:LEU:HD12	1:278:A:LEU:HD23	8	0.13
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	3	0.13
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:272:A:ARG:HD2	19	0.13
(1,6377)	1:297:A:THR:HG21	1:297:A:THR:HB	4	0.13
(1,6377)	1:297:A:THR:HG23	1:297:A:THR:HB	7	0.13
(1,6377)	1:387:A:THR:HG22	1:387:A:THR:HB	13	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6377)	1:297:A:THR:HG21	1:297:A:THR:HB	29	0.13
(1,6377)	1:297:A:THR:HG23	1:297:A:THR:HB	32	0.13
(1,6377)	1:387:A:THR:HG21	1:387:A:THR:HB	35	0.13
(1,6368)	1:334:A:GLU:HG3	1:331:A:LYS:HD3	33	0.13
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HD13	24	0.13
(1,6298)	1:208:A:ARG:HG3	1:198:A:VAL:HB	5	0.13
(1,6293)	1:372:A:VAL:HG11	1:371:A:VAL:H	19	0.13
(1,6279)	1:337:A:MET:HE3	1:231:A:TYR:HA	19	0.13
(1,6268)	1:283:A:LEU:HD11	1:309:A:GLU:HG3	21	0.13
(1,6266)	1:230:A:ILE:HD12	1:335:A:THR:HG22	14	0.13
(1,6259)	1:443:A:LEU:HD11	1:399:A:LYS:HA	12	0.13
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD22	1:257:A:ASP:HB3	17	0.13
(1,6241)	1:217:A:ILE:HG21	1:375:A:GLN:H	30	0.13
(1,6213)	1:322:A:ILE:HA	1:346:A:LEU:HD22	11	0.13
(1,6157)	1:323:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:H	17	0.13
(1,6147)	1:225:A:MET:HE2	1:328:A:VAL:H	29	0.13
(1,6145)	1:359:A:VAL:HG23	1:303:A:PHE:HD2	21	0.13
(1,6143)	1:209:A:LEU:HD12	1:210:A:PRO:HD2	20	0.13
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	31	0.13
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	33	0.13
(1,6107)	1:345:A:VAL:HG11	1:349:A:THR:HG23	14	0.13
(1,6101)	1:360:A:PHE:HD2	1:357:A:LEU:HD11	14	0.13
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD12	1:322:A:ILE:HG22	22	0.13
(1,6095)	1:357:A:LEU:HD13	1:322:A:ILE:HG23	35	0.13
(1,6074)	1:306:A:LEU:HD11	1:309:A:GLU:H	3	0.13
(1,6068)	1:342:A:ILE:HG23	1:346:A:LEU:HB3	2	0.13
(1,6010)	1:351:A:GLN:HG3	1:272:A:ARG:HB3	3	0.13
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	1	0.13
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	2	0.13
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	4	0.13
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	5	0.13
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	6	0.13
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	7	0.13
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	8	0.13
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	11	0.13
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	12	0.13
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	14	0.13
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	20	0.13
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	24	0.13
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	28	0.13
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	30	0.13
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	32	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	35	0.13
(1,5968)	1:315:A:TYR:HE2	1:316:A:LEU:H	11	0.13
(1,5948)	1:189:A:ILE:HD12	1:196:A:ASP:HB3	5	0.13
(1,5948)	1:189:A:ILE:HD12	1:196:A:ASP:HB3	31	0.13
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD22	1:402:A:ILE:H	7	0.13
(1,5930)	1:363:A:HIS:HD2	1:300:A:VAL:HG23	8	0.13
(1,5890)	1:439:A:LEU:HD12	1:401:A:GLU:H	14	0.13
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD13	1:271:A:LEU:HB3	2	0.13
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD12	1:271:A:LEU:HB3	32	0.13
(1,5796)	1:210:A:PRO:HD2	1:209:A:LEU:HG	8	0.13
(1,5788)	1:255:A:LEU:HD12	1:258:A:TYR:HB2	23	0.13
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD11	1:321:A:LEU:HD23	9	0.13
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD11	1:350:A:VAL:HG13	21	0.13
(1,5692)	1:429:A:LEU:HD21	1:426:A:GLU:HA	3	0.13
(1,5661)	1:415:A:ASP:HB2	1:416:A:LEU:HB3	22	0.13
(1,5648)	1:374:A:LYS:HE2	1:374:A:LYS:HG2	10	0.13
(1,5648)	1:374:A:LYS:HE3	1:374:A:LYS:HG2	20	0.13
(1,5622)	1:318:A:ILE:HG21	1:279:A:LEU:HA	5	0.13
(1,5620)	1:300:A:VAL:HG11	1:303:A:PHE:H	5	0.13
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD21	1:407:A:PHE:H	23	0.13
(1,5433)	1:412:A:LEU:H	1:409:A:LEU:HG	10	0.13
(1,5404)	1:261:A:ASN:HD22	1:260:A:PRO:HD3	26	0.13
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	4	0.13
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	31	0.13
(1,5351)	1:307:A:LEU:H	1:308:A:LYS:HG3	14	0.13
(1,5351)	1:307:A:LEU:H	1:308:A:LYS:HG3	24	0.13
(1,5346)	1:370:A:ASN:H	1:323:A:VAL:HG22	21	0.13
(1,5309)	1:276:A:GLU:H	1:274:A:LEU:HD13	28	0.13
(1,5268)	1:241:A:ASP:H	1:236:A:ILE:HG23	24	0.13
(1,5163)	1:327:A:HIS:H	1:364:A:VAL:HG13	4	0.13
(1,5163)	1:327:A:HIS:H	1:364:A:VAL:HG11	35	0.13
(1,5157)	1:352:A:ILE:H	1:350:A:VAL:HG13	13	0.13
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB2	4	0.13
(1,5148)	1:219:A:TYR:H	1:256:A:GLU:HG2	27	0.13
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	18	0.13
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG3	33	0.13
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	8	0.13
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	13	0.13
(1,5074)	1:202:A:MET:H	1:200:A:ARG:HG3	28	0.13
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG21	22	0.13
(1,5015)	1:288:A:GLU:H	1:356:A:VAL:HG23	3	0.13
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	3	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	8	0.13
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	9	0.13
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	14	0.13
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	15	0.13
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	16	0.13
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	17	0.13
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	20	0.13
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	23	0.13
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	24	0.13
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	26	0.13
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	33	0.13
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	13	0.13
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:279:A:LEU:HD21	21	0.13
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HG12	24	0.13
(1,4901)	1:277:A:ASN:HD22	1:352:A:ILE:HG12	29	0.13
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG21	17	0.13
(1,4860)	1:261:A:ASN:HD21	1:233:A:VAL:HA	21	0.13
(1,4857)	1:297:A:THR:H	1:293:A:ARG:HB3	12	0.13
(1,4849)	1:359:A:VAL:H	1:356:A:VAL:HG21	4	0.13
(1,4849)	1:359:A:VAL:H	1:356:A:VAL:HG21	16	0.13
(1,4843)	1:251:A:GLU:H	1:251:A:GLU:HG3	29	0.13
(1,4841)	1:224:A:GLY:H	1:230:A:ILE:HG12	19	0.13
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	15	0.13
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	16	0.13
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	18	0.13
(1,4752)	1:274:A:LEU:H	1:271:A:LEU:HG	16	0.13
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	14	0.13
(1,4697)	1:440:A:LYS:H	1:443:A:LEU:HD13	3	0.13
(1,4697)	1:247:A:TYR:H	1:266:A:LEU:HD21	34	0.13
(1,4662)	1:187:A:LYS:HG2	1:187:A:LYS:H	5	0.13
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD21	1:278:A:LEU:H	15	0.13
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD22	1:278:A:LEU:H	15	0.13
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD23	1:278:A:LEU:H	15	0.13
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD21	1:278:A:LEU:H	20	0.13
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD22	1:278:A:LEU:H	20	0.13
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD23	1:278:A:LEU:H	20	0.13
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD21	1:278:A:LEU:H	21	0.13
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD22	1:278:A:LEU:H	21	0.13
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD23	1:278:A:LEU:H	21	0.13
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD11	15	0.13
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD12	15	0.13
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD21	1:322:A:ILE:HD13	15	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD11	15	0.13
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD12	15	0.13
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD22	1:322:A:ILE:HD13	15	0.13
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD11	15	0.13
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD12	15	0.13
(1,4619)	1:321:A:LEU:HD23	1:322:A:ILE:HD13	15	0.13
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB1	1:331:A:LYS:HE3	29	0.13
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB2	1:331:A:LYS:HE3	29	0.13
(1,4615)	1:330:A:ALA:HB3	1:331:A:LYS:HE3	29	0.13
(1,4544)	1:253:A:THR:HG21	1:254:A:ASN:HB2	23	0.13
(1,4544)	1:253:A:THR:HG22	1:254:A:ASN:HB2	23	0.13
(1,4544)	1:253:A:THR:HG23	1:254:A:ASN:HB2	23	0.13
(1,4515)	1:203:A:MET:HE1	1:375:A:GLN:HA	19	0.13
(1,4515)	1:203:A:MET:HE2	1:375:A:GLN:HA	19	0.13
(1,4515)	1:203:A:MET:HE3	1:375:A:GLN:HA	19	0.13
(1,4508)	1:336:A:LYS:HD2	1:335:A:THR:H	8	0.13
(1,4508)	1:336:A:LYS:HD2	1:335:A:THR:H	22	0.13
(1,4504)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HA	28	0.13
(1,4500)	1:256:A:GLU:HG3	1:254:A:ASN:HD22	27	0.13
(1,4485)	1:308:A:LYS:HD3	1:308:A:LYS:HE2	3	0.13
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG21	29	0.13
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG22	29	0.13
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD11	1:212:A:VAL:HG23	29	0.13
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG21	29	0.13
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG22	29	0.13
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD12	1:212:A:VAL:HG23	29	0.13
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG21	29	0.13
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG22	29	0.13
(1,4457)	1:267:A:LEU:HD13	1:212:A:VAL:HG23	29	0.13
(1,4451)	1:284:A:MET:HG3	1:279:A:LEU:H	11	0.13
(1,4389)	1:416:A:LEU:HD11	1:426:A:GLU:HG3	33	0.13
(1,4389)	1:416:A:LEU:HD12	1:426:A:GLU:HG3	33	0.13
(1,4389)	1:416:A:LEU:HD13	1:426:A:GLU:HG3	33	0.13
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	25	0.13
(1,4318)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HB	4	0.13
(1,4318)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HB	4	0.13
(1,4318)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HB	4	0.13
(1,4318)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HB	15	0.13
(1,4318)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HB	15	0.13
(1,4318)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HB	15	0.13
(1,4318)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HB	32	0.13
(1,4318)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HB	32	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4318)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HB	32	0.13
(1,4270)	1:336:A:LYS:HD2	1:336:A:LYS:HA	16	0.13
(1,4244)	1:293:A:ARG:HD2	1:298:A:GLU:HG3	27	0.13
(1,4217)	1:226:A:LYS:HG2	1:334:A:GLU:HG3	30	0.13
(1,4217)	1:226:A:LYS:HG2	1:334:A:GLU:HG3	34	0.13
(1,4167)	1:239:A:LYS:HD3	1:239:A:LYS:HA	26	0.13
(1,4138)	1:305:A:ARG:HG2	1:306:A:LEU:HD21	6	0.13
(1,4138)	1:305:A:ARG:HG2	1:306:A:LEU:HD22	6	0.13
(1,4138)	1:305:A:ARG:HG2	1:306:A:LEU:HD23	6	0.13
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD11	1:409:A:LEU:HA	12	0.13
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD12	1:409:A:LEU:HA	12	0.13
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD13	1:409:A:LEU:HA	12	0.13
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD11	1:409:A:LEU:HA	28	0.13
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD12	1:409:A:LEU:HA	28	0.13
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD13	1:409:A:LEU:HA	28	0.13
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD11	1:409:A:LEU:HA	32	0.13
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD12	1:409:A:LEU:HA	32	0.13
(1,4137)	1:409:A:LEU:HD13	1:409:A:LEU:HA	32	0.13
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	13	0.13
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	13	0.13
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	13	0.13
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	23	0.13
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	23	0.13
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	23	0.13
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	24	0.13
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	24	0.13
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	24	0.13
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	26	0.13
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	26	0.13
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	26	0.13
(1,4095)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HD2	26	0.13
(1,4095)	1:222:A:LYS:HE2	1:222:A:LYS:HD3	30	0.13
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD11	1:368:A:PHE:HZ	14	0.13
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD12	1:368:A:PHE:HZ	14	0.13
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD13	1:368:A:PHE:HZ	14	0.13
(1,4056)	1:227:A:CYS:HB3	1:230:A:ILE:HB	22	0.13
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	3	0.13
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	3	0.13
(1,3923)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HG21	10	0.13
(1,3923)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HG22	10	0.13
(1,3923)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HG23	10	0.13
(1,3923)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HG21	10	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3923)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HG22	10	0.13
(1,3923)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HG23	10	0.13
(1,3923)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HG21	10	0.13
(1,3923)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HG22	10	0.13
(1,3923)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HG23	10	0.13
(1,3923)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HG21	17	0.13
(1,3923)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HG22	17	0.13
(1,3923)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HG23	17	0.13
(1,3923)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HG21	17	0.13
(1,3923)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HG22	17	0.13
(1,3923)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HG23	17	0.13
(1,3923)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HG21	17	0.13
(1,3923)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HG22	17	0.13
(1,3923)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HG23	17	0.13
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG11	2	0.13
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG12	2	0.13
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG13	2	0.13
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG11	10	0.13
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG12	10	0.13
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG13	10	0.13
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG11	22	0.13
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG12	22	0.13
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG13	22	0.13
(1,3890)	1:336:A:LYS:HD3	1:337:A:MET:H	5	0.13
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG21	7	0.13
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG22	7	0.13
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG23	7	0.13
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG21	3	0.13
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG22	3	0.13
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG23	3	0.13
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG21	9	0.13
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG22	9	0.13
(1,3752)	1:296:A:GLU:HG3	1:300:A:VAL:HG23	9	0.13
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	11	0.13
(1,3660)	1:336:A:LYS:HD2	1:336:A:LYS:HB2	3	0.13
(1,3660)	1:336:A:LYS:HD2	1:336:A:LYS:HB2	28	0.13
(1,3660)	1:336:A:LYS:HD2	1:336:A:LYS:HB2	32	0.13
(1,3582)	1:228:A:GLU:HG2	1:229:A:GLY:H	34	0.13
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD11	3	0.13
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD12	3	0.13
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD13	3	0.13
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD11	3	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD12	3	0.13
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD13	3	0.13
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD11	3	0.13
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD12	3	0.13
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD13	3	0.13
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD11	19	0.13
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD12	19	0.13
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD13	19	0.13
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD11	19	0.13
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD12	19	0.13
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD13	19	0.13
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD11	19	0.13
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD12	19	0.13
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD13	19	0.13
(1,3471)	1:325:A:MET:HE1	1:325:A:MET:HA	33	0.13
(1,3471)	1:325:A:MET:HE2	1:325:A:MET:HA	33	0.13
(1,3471)	1:325:A:MET:HE3	1:325:A:MET:HA	33	0.13
(1,3463)	1:251:A:GLU:HB3	1:246:A:ALA:HA	2	0.13
(1,3422)	1:299:A:LYS:HE2	1:299:A:LYS:H	1	0.13
(1,3297)	1:267:A:LEU:HD22	1:216:A:CYS:HG	28	0.13
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD11	1:310:A:LEU:HG	28	0.13
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD12	1:310:A:LEU:HG	28	0.13
(1,3284)	1:307:A:LEU:HD13	1:310:A:LEU:HG	28	0.13
(1,3247)	1:256:A:GLU:HG2	1:256:A:GLU:HA	11	0.13
(1,3189)	1:391:A:LEU:HD11	1:442:A:LYS:HE2	28	0.13
(1,3189)	1:391:A:LEU:HD12	1:442:A:LYS:HE2	28	0.13
(1,3189)	1:391:A:LEU:HD13	1:442:A:LYS:HE2	28	0.13
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB1	1:440:A:LYS:HG2	11	0.13
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB2	1:440:A:LYS:HG2	11	0.13
(1,3178)	1:438:A:ALA:HB3	1:440:A:LYS:HG2	11	0.13
(1,3121)	1:189:A:ILE:HB	1:248:A:ASP:HA	26	0.13
(1,3078)	1:317:A:LEU:HD21	1:209:A:LEU:HD21	18	0.13
(1,3078)	1:317:A:LEU:HD21	1:209:A:LEU:HD22	18	0.13
(1,3078)	1:317:A:LEU:HD21	1:209:A:LEU:HD23	18	0.13
(1,3078)	1:317:A:LEU:HD22	1:209:A:LEU:HD21	18	0.13
(1,3078)	1:317:A:LEU:HD22	1:209:A:LEU:HD22	18	0.13
(1,3078)	1:317:A:LEU:HD22	1:209:A:LEU:HD23	18	0.13
(1,3078)	1:317:A:LEU:HD23	1:209:A:LEU:HD21	18	0.13
(1,3078)	1:317:A:LEU:HD23	1:209:A:LEU:HD22	18	0.13
(1,3078)	1:317:A:LEU:HD23	1:209:A:LEU:HD23	18	0.13
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD13	8	0.13
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD11	32	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3002)	1:409:A:LEU:HD11	1:406:A:GLU:H	27	0.13
(1,3002)	1:409:A:LEU:HD12	1:406:A:GLU:H	27	0.13
(1,3002)	1:409:A:LEU:HD13	1:406:A:GLU:H	27	0.13
(1,2889)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HG2	7	0.13
(1,2889)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HG2	17	0.13
(1,2889)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HG2	34	0.13
(1,2813)	1:385:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HD1	14	0.13
(1,2813)	1:385:A:MET:HE2	1:382:A:TRP:HD1	14	0.13
(1,2813)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HD1	14	0.13
(1,2798)	1:245:A:ALA:HB1	1:248:A:ASP:HB2	16	0.13
(1,2798)	1:245:A:ALA:HB2	1:248:A:ASP:HB2	16	0.13
(1,2798)	1:245:A:ALA:HB3	1:248:A:ASP:HB2	16	0.13
(1,2716)	1:222:A:LYS:HD2	1:223:A:TYR:H	12	0.13
(1,2716)	1:222:A:LYS:HD2	1:223:A:TYR:H	13	0.13
(1,2716)	1:222:A:LYS:HD2	1:223:A:TYR:H	22	0.13
(1,2716)	1:222:A:LYS:HD2	1:223:A:TYR:H	31	0.13
(1,2662)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG3	10	0.13
(1,2662)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HG3	16	0.13
(1,2617)	1:388:A:MET:HE1	1:391:A:LEU:HD21	26	0.13
(1,2617)	1:388:A:MET:HE1	1:391:A:LEU:HD22	26	0.13
(1,2617)	1:388:A:MET:HE1	1:391:A:LEU:HD23	26	0.13
(1,2617)	1:388:A:MET:HE2	1:391:A:LEU:HD21	26	0.13
(1,2617)	1:388:A:MET:HE2	1:391:A:LEU:HD22	26	0.13
(1,2617)	1:388:A:MET:HE2	1:391:A:LEU:HD23	26	0.13
(1,2617)	1:388:A:MET:HE3	1:391:A:LEU:HD21	26	0.13
(1,2617)	1:388:A:MET:HE3	1:391:A:LEU:HD22	26	0.13
(1,2617)	1:388:A:MET:HE3	1:391:A:LEU:HD23	26	0.13
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD11	1:340:A:GLN:HG2	23	0.13
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD12	1:340:A:GLN:HG2	23	0.13
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD13	1:340:A:GLN:HG2	23	0.13
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD11	1:340:A:GLN:HG2	35	0.13
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD12	1:340:A:GLN:HG2	35	0.13
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD13	1:340:A:GLN:HG2	35	0.13
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	8	0.13
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG3	1:281:A:LYS:HD2	9	0.13
(1,2543)	1:393:A:GLU:HG2	1:442:A:LYS:HE2	27	0.13
(1,2521)	1:365:A:GLN:HG2	1:365:A:GLN:H	17	0.13
(1,2521)	1:365:A:GLN:HG2	1:365:A:GLN:H	19	0.13
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD11	1:412:A:LEU:HA	18	0.13
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD12	1:412:A:LEU:HA	18	0.13
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD13	1:412:A:LEU:HA	18	0.13
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD11	1:412:A:LEU:HA	20	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD12	1:412:A:LEU:HA	20	0.13
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD13	1:412:A:LEU:HA	20	0.13
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HB2	8	0.13
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HB2	8	0.13
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HB2	8	0.13
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HB2	13	0.13
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HB2	13	0.13
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HB2	13	0.13
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HB2	25	0.13
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HB2	25	0.13
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HB2	25	0.13
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HB2	31	0.13
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HB2	31	0.13
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HB2	31	0.13
(1,2487)	1:308:A:LYS:HE2	1:308:A:LYS:HD3	3	0.13
(1,2436)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HE22	9	0.13
(1,2436)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HE22	28	0.13
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG21	20	0.13
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG22	20	0.13
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG23	20	0.13
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG21	20	0.13
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG22	20	0.13
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG23	20	0.13
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG21	20	0.13
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG22	20	0.13
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG23	20	0.13
(1,2425)	1:225:A:MET:HE1	1:373:A:LEU:HD11	18	0.13
(1,2425)	1:225:A:MET:HE1	1:373:A:LEU:HD12	18	0.13
(1,2425)	1:225:A:MET:HE1	1:373:A:LEU:HD13	18	0.13
(1,2425)	1:225:A:MET:HE2	1:373:A:LEU:HD11	18	0.13
(1,2425)	1:225:A:MET:HE2	1:373:A:LEU:HD12	18	0.13
(1,2425)	1:225:A:MET:HE2	1:373:A:LEU:HD13	18	0.13
(1,2425)	1:225:A:MET:HE3	1:373:A:LEU:HD11	18	0.13
(1,2425)	1:225:A:MET:HE3	1:373:A:LEU:HD12	18	0.13
(1,2425)	1:225:A:MET:HE3	1:373:A:LEU:HD13	18	0.13
(1,2425)	1:225:A:MET:HE1	1:373:A:LEU:HD11	32	0.13
(1,2425)	1:225:A:MET:HE1	1:373:A:LEU:HD12	32	0.13
(1,2425)	1:225:A:MET:HE1	1:373:A:LEU:HD13	32	0.13
(1,2425)	1:225:A:MET:HE2	1:373:A:LEU:HD11	32	0.13
(1,2425)	1:225:A:MET:HE2	1:373:A:LEU:HD12	32	0.13
(1,2425)	1:225:A:MET:HE2	1:373:A:LEU:HD13	32	0.13
(1,2425)	1:225:A:MET:HE3	1:373:A:LEU:HD11	32	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2425)	1:225:A:MET:HE3	1:373:A:LEU:HD12	32	0.13
(1,2425)	1:225:A:MET:HE3	1:373:A:LEU:HD13	32	0.13
(1,2423)	1:203:A:MET:HE1	1:218:A:ASP:H	9	0.13
(1,2423)	1:203:A:MET:HE2	1:218:A:ASP:H	9	0.13
(1,2423)	1:203:A:MET:HE3	1:218:A:ASP:H	9	0.13
(1,2381)	1:184:A:PRO:HB2	1:184:A:PRO:HA	9	0.13
(1,2381)	1:184:A:PRO:HB2	1:184:A:PRO:HA	28	0.13
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD3	1:189:A:ILE:HD11	11	0.13
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD3	1:189:A:ILE:HD12	11	0.13
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD3	1:189:A:ILE:HD13	11	0.13
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD3	1:189:A:ILE:HD11	16	0.13
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD3	1:189:A:ILE:HD12	16	0.13
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD3	1:189:A:ILE:HD13	16	0.13
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD2	1:189:A:ILE:HD11	27	0.13
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD2	1:189:A:ILE:HD12	27	0.13
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD2	1:189:A:ILE:HD13	27	0.13
(1,2352)	1:373:A:LEU:HD21	1:373:A:LEU:H	4	0.13
(1,2352)	1:373:A:LEU:HD22	1:373:A:LEU:H	4	0.13
(1,2352)	1:373:A:LEU:HD23	1:373:A:LEU:H	4	0.13
(1,2329)	1:230:A:ILE:HB	1:227:A:CYS:HB2	25	0.13
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HB2	8	0.13
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HB2	8	0.13
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HB2	8	0.13
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HB	19	0.13
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HB	19	0.13
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG23	1:335:A:THR:HB	19	0.13
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HB	24	0.13
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HB	24	0.13
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG23	1:335:A:THR:HB	24	0.13
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HB	25	0.13
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HB	25	0.13
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG23	1:335:A:THR:HB	25	0.13
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HB	32	0.13
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HB	32	0.13
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG23	1:335:A:THR:HB	32	0.13
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD11	1:319:A:SER:HG	8	0.13
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD12	1:319:A:SER:HG	8	0.13
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD13	1:319:A:SER:HG	8	0.13
(1,2213)	1:199:A:GLU:HG2	1:199:A:GLU:HA	13	0.13
(1,2203)	1:279:A:LEU:HD11	1:284:A:MET:HG3	4	0.13
(1,2203)	1:279:A:LEU:HD12	1:284:A:MET:HG3	4	0.13
(1,2203)	1:279:A:LEU:HD13	1:284:A:MET:HG3	4	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2105)	1:272:A:ARG:HG3	1:272:A:ARG:HD3	10	0.13
(1,2105)	1:272:A:ARG:HG3	1:272:A:ARG:HD2	16	0.13
(1,2105)	1:272:A:ARG:HG3	1:272:A:ARG:HD2	33	0.13
(1,2105)	1:272:A:ARG:HG3	1:272:A:ARG:HD2	34	0.13
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	8	0.13
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	12	0.13
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	15	0.13
(1,2004)	1:283:A:LEU:H	1:280:A:THR:HG1	7	0.13
(1,2004)	1:283:A:LEU:H	1:280:A:THR:HG1	17	0.13
(1,2004)	1:283:A:LEU:H	1:280:A:THR:HG1	19	0.13
(1,1977)	1:380:A:LEU:H	1:384:A:ASN:HD21	35	0.13
(1,1919)	1:282:A:GLU:H	1:280:A:THR:HG1	27	0.13
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	27	0.13
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	28	0.13
(1,1851)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HA	22	0.13
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG11	26	0.13
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG12	26	0.13
(1,1785)	1:433:A:GLN:HE21	1:432:A:VAL:HG13	26	0.13
(1,1720)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HA	2	0.13
(1,1720)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HA	30	0.13
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG21	28	0.13
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG22	28	0.13
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG23	28	0.13
(1,1658)	1:375:A:GLN:HE21	1:378:A:LYS:HB3	28	0.13
(1,1647)	1:254:A:ASN:HD21	1:254:A:ASN:HA	35	0.13
(1,1631)	1:273:A:ASP:H	1:191:A:GLY:H	15	0.13
(1,1619)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HG	6	0.13
(1,1619)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HG	12	0.13
(1,1619)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HG	15	0.13
(1,1619)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HG	20	0.13
(1,1619)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HG	25	0.13
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	1	0.13
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	1	0.13
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	1	0.13
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD11	6	0.13
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD12	6	0.13
(1,1536)	1:245:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD13	6	0.13
(1,1533)	1:363:A:HIS:H	1:300:A:VAL:HG11	10	0.13
(1,1533)	1:363:A:HIS:H	1:300:A:VAL:HG12	10	0.13
(1,1533)	1:363:A:HIS:H	1:300:A:VAL:HG13	10	0.13
(1,1478)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HB2	12	0.13
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD11	13	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD12	13	0.13
(1,1448)	1:257:A:ASP:H	1:255:A:LEU:HD13	13	0.13
(1,1427)	1:333:A:LEU:H	1:332:A:GLU:HB2	17	0.13
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	2	0.13
(1,1416)	1:265:A:SER:H	1:269:A:GLN:HB2	18	0.13
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG3	6	0.13
(1,1362)	1:246:A:ALA:H	1:247:A:TYR:HE1	13	0.13
(1,1362)	1:246:A:ALA:H	1:247:A:TYR:HE2	13	0.13
(1,1207)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HB	5	0.13
(1,1189)	1:216:A:CYS:H	1:247:A:TYR:HE1	8	0.13
(1,1189)	1:216:A:CYS:H	1:247:A:TYR:HE2	8	0.13
(1,1189)	1:216:A:CYS:H	1:247:A:TYR:HE1	25	0.13
(1,1189)	1:216:A:CYS:H	1:247:A:TYR:HE2	25	0.13
(1,1189)	1:216:A:CYS:H	1:247:A:TYR:HE1	27	0.13
(1,1189)	1:216:A:CYS:H	1:247:A:TYR:HE2	27	0.13
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG11	16	0.13
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG12	16	0.13
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG13	16	0.13
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG11	20	0.13
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG12	20	0.13
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG13	20	0.13
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG11	32	0.13
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG12	32	0.13
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG13	32	0.13
(1,1144)	1:410:A:ASN:H	1:432:A:VAL:HG21	24	0.13
(1,1144)	1:410:A:ASN:H	1:432:A:VAL:HG22	24	0.13
(1,1144)	1:410:A:ASN:H	1:432:A:VAL:HG23	24	0.13
(1,1017)	1:388:A:MET:H	1:382:A:TRP:HH2	35	0.13
(1,1011)	1:226:A:LYS:H	1:334:A:GLU:HG3	10	0.13
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD1	8	0.13
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD2	8	0.13
(1,1004)	1:371:A:VAL:H	1:371:A:VAL:HB	14	0.13
(1,987)	1:230:A:ILE:H	1:231:A:TYR:HD2	30	0.13
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD21	11	0.13
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD22	11	0.13
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD23	11	0.13
(1,854)	1:201:A:THR:H	1:202:A:MET:HG3	4	0.13
(1,853)	1:369:A:GLY:H	1:369:A:GLY:HA2	16	0.13
(1,853)	1:369:A:GLY:H	1:369:A:GLY:HA2	23	0.13
(1,835)	1:374:A:LYS:H	1:372:A:VAL:H	11	0.13
(1,819)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HG	33	0.13
(1,819)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HG	35	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,804)	1:224:A:GLY:H	1:225:A:MET:HG3	6	0.13
(1,772)	1:370:A:ASN:HD21	1:370:A:ASN:HA	11	0.13
(1,772)	1:370:A:ASN:HD21	1:370:A:ASN:HA	23	0.13
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE1	29	0.13
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE2	29	0.13
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE3	29	0.13
(1,726)	1:185:A:ASN:HD21	1:186:A:LEU:HB2	4	0.13
(1,711)	1:417:A:GLN:HE21	1:420:A:ILE:HB	2	0.13
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	1	0.13
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	1	0.13
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	1	0.13
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	3	0.13
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	3	0.13
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	3	0.13
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	13	0.13
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	13	0.13
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	13	0.13
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	18	0.13
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	18	0.13
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	18	0.13
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	22	0.13
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	22	0.13
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	22	0.13
(1,705)	1:259:A:GLU:H	1:261:A:ASN:HD22	7	0.13
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG21	4	0.13
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG22	4	0.13
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG23	4	0.13
(1,652)	1:341:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HG13	26	0.13
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE1	2	0.13
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE2	2	0.13
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE1	21	0.13
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE2	21	0.13
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE1	22	0.13
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE2	22	0.13
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE1	31	0.13
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE2	31	0.13
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE1	33	0.13
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE2	33	0.13
(1,586)	1:227:A:CYS:H	1:227:A:CYS:HB3	4	0.13
(1,586)	1:227:A:CYS:H	1:227:A:CYS:HB3	14	0.13
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	6	0.13
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	6	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	6	0.13
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	24	0.13
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	24	0.13
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	24	0.13
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	11	0.13
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	11	0.13
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	11	0.13
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	21	0.13
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	21	0.13
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	21	0.13
(1,483)	1:375:A:GLN:HE21	1:377:A:MET:HE1	30	0.13
(1,483)	1:375:A:GLN:HE21	1:377:A:MET:HE2	30	0.13
(1,483)	1:375:A:GLN:HE21	1:377:A:MET:HE3	30	0.13
(1,472)	1:246:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD21	11	0.13
(1,472)	1:246:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD22	11	0.13
(1,472)	1:246:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD23	11	0.13
(1,388)	1:226:A:LYS:H	1:226:A:LYS:HB2	14	0.13
(1,388)	1:226:A:LYS:H	1:226:A:LYS:HB2	28	0.13
(1,357)	1:396:A:ALA:H	1:398:A:ILE:HD13	8	0.13
(1,258)	1:361:A:PHE:H	1:359:A:VAL:HB	21	0.13
(1,198)	1:292:A:GLY:H	1:303:A:PHE:HE1	26	0.13
(1,198)	1:292:A:GLY:H	1:303:A:PHE:HE2	26	0.13
(1,193)	1:375:A:GLN:HE22	1:375:A:GLN:H	7	0.13
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	28	0.13
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	32	0.13
(1,146)	1:382:A:TRP:HE1	1:385:A:MET:HG3	16	0.13
(1,139)	1:243:A:LEU:H	1:243:A:LEU:HB3	11	0.13
(1,139)	1:243:A:LEU:H	1:243:A:LEU:HB3	19	0.13
(1,36)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HG	2	0.13
(1,36)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HG	31	0.13
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	2	0.13
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	3	0.13
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	8	0.13
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	12	0.13
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	23	0.13
(3,210)	1:434:A:ARG:O	1:438:A:ALA:H	21	0.12
(3,210)	1:434:A:ARG:O	1:438:A:ALA:H	30	0.12
(3,209)	1:434:A:ARG:O	1:438:A:ALA:N	25	0.12
(3,204)	1:431:A:GLU:O	1:435:A:ILE:H	25	0.12
(3,176)	1:407:A:PHE:O	1:411:A:CYS:H	2	0.12
(3,176)	1:407:A:PHE:O	1:411:A:CYS:H	4	0.12
(3,176)	1:407:A:PHE:O	1:411:A:CYS:H	27	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(3,176)	1:407:A:PHE:O	1:411:A:CYS:H	29	0.12
(3,168)	1:403:A:ARG:O	1:407:A:PHE:H	9	0.12
(3,168)	1:403:A:ARG:O	1:407:A:PHE:H	16	0.12
(3,168)	1:403:A:ARG:O	1:407:A:PHE:H	31	0.12
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	34	0.12
(3,122)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:H	19	0.12
(3,121)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:N	31	0.12
(3,121)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:N	33	0.12
(3,114)	1:326:A:ASP:O	1:330:A:ALA:H	8	0.12
(3,114)	1:326:A:ASP:O	1:330:A:ALA:H	9	0.12
(3,114)	1:326:A:ASP:O	1:330:A:ALA:H	17	0.12
(3,110)	1:324:A:HIS:O	1:328:A:VAL:H	14	0.12
(3,110)	1:324:A:HIS:O	1:328:A:VAL:H	32	0.12
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	8	0.12
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	11	0.12
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	21	0.12
(3,6)	1:196:A:ASP:O	1:200:A:ARG:H	7	0.12
(3,6)	1:196:A:ASP:O	1:200:A:ARG:H	12	0.12
(2,163)	1:312:A:GLU:H	1:411:A:CYS:HG	24	0.12
(2,93)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:H	12	0.12
(2,93)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:H	12	0.12
(2,93)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:H	12	0.12
(2,93)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:H	26	0.12
(2,93)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:H	26	0.12
(2,93)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:H	26	0.12
(2,83)	1:446:A:ALA:HB1	1:444:A:ARG:HD3	20	0.12
(2,83)	1:446:A:ALA:HB2	1:444:A:ARG:HD3	20	0.12
(2,83)	1:446:A:ALA:HB3	1:444:A:ARG:HD3	20	0.12
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG21	18	0.12
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG22	18	0.12
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG23	18	0.12
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG21	18	0.12
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG22	18	0.12
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG23	18	0.12
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG21	18	0.12
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG22	18	0.12
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG23	18	0.12
(2,68)	1:352:A:ILE:HD11	1:277:A:ASN:HD22	21	0.12
(2,68)	1:352:A:ILE:HD12	1:277:A:ASN:HD22	21	0.12
(2,68)	1:352:A:ILE:HD13	1:277:A:ASN:HD22	21	0.12
(2,68)	1:352:A:ILE:HD11	1:277:A:ASN:HD22	27	0.12
(2,68)	1:352:A:ILE:HD12	1:277:A:ASN:HD22	27	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,68)	1:352:A:ILE:HD13	1:277:A:ASN:HD22	27	0.12
(2,41)	1:225:A:MET:HE1	1:224:A:GLY:H	26	0.12
(2,41)	1:225:A:MET:HE2	1:224:A:GLY:H	26	0.12
(2,41)	1:225:A:MET:HE3	1:224:A:GLY:H	26	0.12
(2,23)	1:387:A:THR:H	1:385:A:MET:HB3	14	0.12
(2,17)	1:325:A:MET:H	1:213:A:PHE:HZ	3	0.12
(2,17)	1:325:A:MET:H	1:213:A:PHE:HZ	5	0.12
(2,17)	1:325:A:MET:H	1:213:A:PHE:HZ	7	0.12
(2,17)	1:325:A:MET:H	1:213:A:PHE:HZ	9	0.12
(2,17)	1:325:A:MET:H	1:213:A:PHE:HZ	13	0.12
(2,17)	1:325:A:MET:H	1:213:A:PHE:HZ	22	0.12
(2,17)	1:325:A:MET:H	1:213:A:PHE:HZ	29	0.12
(2,17)	1:325:A:MET:H	1:213:A:PHE:HZ	34	0.12
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	4	0.12
(2,10)	1:417:A:GLN:HE22	1:414:A:ARG:HG3	31	0.12
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG23	1:344:A:ILE:H	31	0.12
(1,6851)	1:371:A:VAL:HG13	1:323:A:VAL:HG12	32	0.12
(1,6850)	1:323:A:VAL:HG11	1:324:A:HIS:HD2	18	0.12
(1,6805)	1:201:A:THR:HG22	1:189:A:ILE:HB	10	0.12
(1,6788)	1:430:A:TRP:HD1	1:433:A:GLN:HB3	11	0.12
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	20	0.12
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	22	0.12
(1,6781)	1:194:A:LEU:HD22	1:210:A:PRO:HG2	9	0.12
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	19	0.12
(1,6776)	1:336:A:LYS:HG2	1:337:A:MET:HG2	28	0.12
(1,6769)	1:223:A:TYR:HD2	1:222:A:LYS:HA	24	0.12
(1,6766)	1:225:A:MET:HE1	1:324:A:HIS:HB3	23	0.12
(1,6766)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HA	32	0.12
(1,6765)	1:364:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HG21	25	0.12
(1,6731)	1:239:A:LYS:HD3	1:243:A:LEU:HD12	15	0.12
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD11	1:230:A:ILE:HG21	11	0.12
(1,6724)	1:342:A:ILE:HD13	1:332:A:GLU:HB3	1	0.12
(1,6669)	1:279:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:H	9	0.12
(1,6669)	1:279:A:LEU:HD13	1:318:A:ILE:H	17	0.12
(1,6664)	1:420:A:ILE:HB	1:416:A:LEU:HD11	22	0.12
(1,6655)	1:244:A:LYS:HD2	1:240:A:VAL:HB	24	0.12
(1,6634)	1:253:A:THR:HG22	1:244:A:LYS:HA	6	0.12
(1,6614)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD21	4	0.12
(1,6588)	1:276:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	28	0.12
(1,6558)	1:412:A:LEU:HD22	1:432:A:VAL:HG11	23	0.12
(1,6549)	1:337:A:MET:HE1	1:230:A:ILE:HG23	33	0.12
(1,6537)	1:194:A:LEU:HD23	1:275:A:PRO:HD3	20	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6515)	1:325:A:MET:HE3	1:217:A:ILE:HA	8	0.12
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:255:A:LEU:HD12	5	0.12
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:255:A:LEU:HD11	26	0.12
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD11	1:444:A:ARG:H	28	0.12
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD13	1:444:A:ARG:H	31	0.12
(1,6469)	1:317:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HB3	16	0.12
(1,6399)	1:436:A:LEU:HD21	1:439:A:LEU:H	4	0.12
(1,6386)	1:398:A:ILE:HD11	1:392:A:PRO:HD2	32	0.12
(1,6377)	1:387:A:THR:HG22	1:387:A:THR:HB	5	0.12
(1,6377)	1:297:A:THR:HG22	1:297:A:THR:HB	6	0.12
(1,6377)	1:387:A:THR:HG23	1:387:A:THR:HB	8	0.12
(1,6377)	1:387:A:THR:HG22	1:387:A:THR:HB	21	0.12
(1,6377)	1:297:A:THR:HG23	1:297:A:THR:HB	22	0.12
(1,6377)	1:387:A:THR:HG22	1:387:A:THR:HB	30	0.12
(1,6371)	1:284:A:MET:HE1	1:284:A:MET:HA	12	0.12
(1,6368)	1:334:A:GLU:HG3	1:331:A:LYS:HD3	32	0.12
(1,6352)	1:209:A:LEU:HD22	1:211:A:ALA:HA	30	0.12
(1,6332)	1:267:A:LEU:HD21	1:213:A:PHE:HZ	24	0.12
(1,6322)	1:356:A:VAL:HG22	1:284:A:MET:HG3	21	0.12
(1,6314)	1:334:A:GLU:HG2	1:331:A:LYS:HD3	17	0.12
(1,6297)	1:297:A:THR:HG23	1:298:A:GLU:HG2	35	0.12
(1,6283)	1:323:A:VAL:HG21	1:364:A:VAL:HG22	16	0.12
(1,6239)	1:355:A:ARG:HG2	1:291:A:CYS:HB2	1	0.12
(1,6216)	1:240:A:VAL:HG21	1:244:A:LYS:H	9	0.12
(1,6160)	1:303:A:PHE:HE1	1:359:A:VAL:HG12	33	0.12
(1,6155)	1:300:A:VAL:HG22	1:363:A:HIS:HB3	6	0.12
(1,6154)	1:217:A:ILE:HA	1:263:A:VAL:HG21	25	0.12
(1,6147)	1:225:A:MET:HE1	1:324:A:HIS:HE1	35	0.12
(1,6125)	1:295:A:THR:HG23	1:296:A:GLU:HB3	15	0.12
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD23	1:364:A:VAL:H	11	0.12
(1,6109)	1:367:A:LEU:HD21	1:305:A:ARG:H	24	0.12
(1,6104)	1:220:A:VAL:HB	1:217:A:ILE:HG13	28	0.12
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:H	19	0.12
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD21	1:410:A:ASN:H	20	0.12
(1,6068)	1:342:A:ILE:HG23	1:346:A:LEU:HB3	10	0.12
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG2	1:282:A:GLU:HG2	11	0.12
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG2	1:282:A:GLU:HG2	25	0.12
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	10	0.12
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	13	0.12
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	16	0.12
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	17	0.12
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	18	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	21	0.12
(1,6002)	1:444:A:ARG:HG2	1:444:A:ARG:HD3	23	0.12
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	25	0.12
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	26	0.12
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	27	0.12
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	33	0.12
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	34	0.12
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD12	1:213:A:PHE:HA	15	0.12
(1,5968)	1:315:A:TYR:HE2	1:316:A:LEU:H	21	0.12
(1,5960)	1:285:A:PRO:HD3	1:285:A:PRO:HG3	9	0.12
(1,5948)	1:189:A:ILE:HD11	1:196:A:ASP:HB3	27	0.12
(1,5946)	1:443:A:LEU:HD21	1:402:A:ILE:H	10	0.12
(1,5927)	1:436:A:LEU:HD13	1:407:A:PHE:H	10	0.12
(1,5923)	1:274:A:LEU:HD22	1:197:A:ALA:H	2	0.12
(1,5915)	1:352:A:ILE:HD13	1:357:A:LEU:HA	33	0.12
(1,5910)	1:210:A:PRO:HB2	1:209:A:LEU:HG	35	0.12
(1,5908)	1:380:A:LEU:HD11	1:381:A:ARG:HD2	22	0.12
(1,5885)	1:300:A:VAL:HG11	1:296:A:GLU:HB2	9	0.12
(1,5885)	1:263:A:VAL:HG11	1:259:A:GLU:HB2	25	0.12
(1,5819)	1:284:A:MET:HE1	1:351:A:GLN:HA	19	0.12
(1,5799)	1:317:A:LEU:HD12	1:271:A:LEU:HB3	29	0.12
(1,5762)	1:324:A:HIS:HD2	1:217:A:ILE:HB	5	0.12
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD22	1:440:A:LYS:HA	12	0.12
(1,5718)	1:322:A:ILE:HD13	1:357:A:LEU:HD11	33	0.12
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB1	1:255:A:LEU:HD23	15	0.12
(1,5658)	1:337:A:MET:HE3	1:341:A:ASN:HA	18	0.12
(1,5648)	1:281:A:LYS:HE2	1:281:A:LYS:HG3	33	0.12
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD22	1:407:A:PHE:H	5	0.12
(1,5583)	1:436:A:LEU:HD22	1:407:A:PHE:H	9	0.12
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	21	0.12
(1,5431)	1:365:A:GLN:HE22	1:323:A:VAL:HG23	7	0.12
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	8	0.12
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	10	0.12
(1,5381)	1:255:A:LEU:H	1:257:A:ASP:HB3	16	0.12
(1,5370)	1:224:A:GLY:H	1:225:A:MET:HE2	12	0.12
(1,5368)	1:351:A:GLN:HE21	1:271:A:LEU:HD21	34	0.12
(1,5346)	1:370:A:ASN:H	1:323:A:VAL:HG21	18	0.12
(1,5324)	1:211:A:ALA:H	1:198:A:VAL:HG12	34	0.12
(1,5311)	1:331:A:LYS:H	1:335:A:THR:HG21	19	0.12
(1,5309)	1:276:A:GLU:H	1:274:A:LEU:HD13	26	0.12
(1,5223)	1:225:A:MET:H	1:331:A:LYS:HD3	3	0.12
(1,5215)	1:364:A:VAL:H	1:367:A:LEU:HD23	11	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5177)	1:185:A:ASN:HD22	1:185:A:ASN:H	25	0.12
(1,5163)	1:327:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HG	1	0.12
(1,5163)	1:327:A:HIS:H	1:373:A:LEU:HG	13	0.12
(1,5151)	1:301:A:GLN:H	1:290:A:ALA:HB2	25	0.12
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	17	0.12
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	21	0.12
(1,5121)	1:212:A:VAL:H	1:189:A:ILE:HD13	5	0.12
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	7	0.12
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	22	0.12
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	25	0.12
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	27	0.12
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	33	0.12
(1,5083)	1:367:A:LEU:H	1:363:A:HIS:HB3	23	0.12
(1,5074)	1:202:A:MET:H	1:200:A:ARG:HG3	2	0.12
(1,5074)	1:202:A:MET:H	1:200:A:ARG:HG3	25	0.12
(1,5005)	1:199:A:GLU:H	1:199:A:GLU:HB3	7	0.12
(1,4993)	1:265:A:SER:H	1:268:A:LYS:HB3	35	0.12
(1,4992)	1:283:A:LEU:H	1:286:A:ARG:HG2	32	0.12
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	2	0.12
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	4	0.12
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	5	0.12
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	10	0.12
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	18	0.12
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	22	0.12
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	25	0.12
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	29	0.12
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	31	0.12
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	34	0.12
(1,4947)	1:397:A:GLY:H	1:401:A:GLU:HG3	22	0.12
(1,4911)	1:269:A:GLN:HE21	1:268:A:LYS:HG3	21	0.12
(1,4884)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HB3	11	0.12
(1,4884)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HB3	16	0.12
(1,4869)	1:345:A:VAL:H	1:231:A:TYR:HB3	31	0.12
(1,4857)	1:297:A:THR:H	1:293:A:ARG:HB3	22	0.12
(1,4849)	1:359:A:VAL:H	1:356:A:VAL:HG23	25	0.12
(1,4849)	1:359:A:VAL:H	1:356:A:VAL:HG22	32	0.12
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	5	0.12
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	14	0.12
(1,4822)	1:446:A:ALA:H	1:444:A:ARG:HG2	17	0.12
(1,4797)	1:322:A:ILE:H	1:320:A:TRP:HD1	14	0.12
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	22	0.12
(1,4702)	1:238:A:SER:H	1:239:A:LYS:HG3	3	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4682)	1:328:A:VAL:H	1:231:A:TYR:HE2	16	0.12
(1,4652)	1:253:A:THR:HG21	1:246:A:ALA:HB1	32	0.12
(1,4652)	1:253:A:THR:HG21	1:246:A:ALA:HB2	32	0.12
(1,4652)	1:253:A:THR:HG21	1:246:A:ALA:HB3	32	0.12
(1,4652)	1:253:A:THR:HG22	1:246:A:ALA:HB1	32	0.12
(1,4652)	1:253:A:THR:HG22	1:246:A:ALA:HB2	32	0.12
(1,4652)	1:253:A:THR:HG22	1:246:A:ALA:HB3	32	0.12
(1,4652)	1:253:A:THR:HG23	1:246:A:ALA:HB1	32	0.12
(1,4652)	1:253:A:THR:HG23	1:246:A:ALA:HB2	32	0.12
(1,4652)	1:253:A:THR:HG23	1:246:A:ALA:HB3	32	0.12
(1,4650)	1:252:A:SER:HB2	1:253:A:THR:HG21	30	0.12
(1,4650)	1:252:A:SER:HB2	1:253:A:THR:HG22	30	0.12
(1,4650)	1:252:A:SER:HB2	1:253:A:THR:HG23	30	0.12
(1,4564)	1:426:A:GLU:HA	1:429:A:LEU:HD21	11	0.12
(1,4564)	1:426:A:GLU:HA	1:429:A:LEU:HD22	11	0.12
(1,4564)	1:426:A:GLU:HA	1:429:A:LEU:HD23	11	0.12
(1,4557)	1:246:A:ALA:HB1	1:251:A:GLU:HB3	34	0.12
(1,4557)	1:246:A:ALA:HB2	1:251:A:GLU:HB3	34	0.12
(1,4557)	1:246:A:ALA:HB3	1:251:A:GLU:HB3	34	0.12
(1,4550)	1:222:A:LYS:HD3	1:223:A:TYR:H	27	0.12
(1,4522)	1:209:A:LEU:HD21	1:209:A:LEU:HA	9	0.12
(1,4522)	1:209:A:LEU:HD22	1:209:A:LEU:HA	9	0.12
(1,4522)	1:209:A:LEU:HD23	1:209:A:LEU:HA	9	0.12
(1,4520)	1:293:A:ARG:HD2	1:294:A:THR:HG21	28	0.12
(1,4520)	1:293:A:ARG:HD2	1:294:A:THR:HG22	28	0.12
(1,4520)	1:293:A:ARG:HD2	1:294:A:THR:HG23	28	0.12
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	21	0.12
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	28	0.12
(1,4401)	1:202:A:MET:HE1	1:209:A:LEU:H	20	0.12
(1,4401)	1:202:A:MET:HE2	1:209:A:LEU:H	20	0.12
(1,4401)	1:202:A:MET:HE3	1:209:A:LEU:H	20	0.12
(1,4394)	1:393:A:GLU:HB2	1:442:A:LYS:HE2	27	0.12
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	6	0.12
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	14	0.12
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	23	0.12
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	26	0.12
(1,4339)	1:437:A:THR:HA	1:440:A:LYS:HD2	19	0.12
(1,4206)	1:339:A:ILE:HG21	1:361:A:PHE:HA	22	0.12
(1,4206)	1:339:A:ILE:HG22	1:361:A:PHE:HA	22	0.12
(1,4206)	1:339:A:ILE:HG23	1:361:A:PHE:HA	22	0.12
(1,4190)	1:225:A:MET:HE1	1:332:A:GLU:H	2	0.12
(1,4190)	1:225:A:MET:HE2	1:332:A:GLU:H	2	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4190)	1:225:A:MET:HE3	1:332:A:GLU:H	2	0.12
(1,4179)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HA	24	0.12
(1,4167)	1:239:A:LYS:HD3	1:239:A:LYS:HA	17	0.12
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	5	0.12
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	5	0.12
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	5	0.12
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	14	0.12
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	14	0.12
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	14	0.12
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	16	0.12
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	16	0.12
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	16	0.12
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	19	0.12
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	19	0.12
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	19	0.12
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	27	0.12
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	27	0.12
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	27	0.12
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	31	0.12
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	31	0.12
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	31	0.12
(1,4104)	1:444:A:ARG:HD3	1:444:A:ARG:HG2	23	0.12
(1,4095)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HD2	1	0.12
(1,4095)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HD2	2	0.12
(1,4095)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HD2	22	0.12
(1,4095)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HD2	31	0.12
(1,4095)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HD2	32	0.12
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD11	1:368:A:PHE:HZ	7	0.12
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD12	1:368:A:PHE:HZ	7	0.12
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD13	1:368:A:PHE:HZ	7	0.12
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD11	1:368:A:PHE:HZ	11	0.12
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD12	1:368:A:PHE:HZ	11	0.12
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD13	1:368:A:PHE:HZ	11	0.12
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD11	1:368:A:PHE:HZ	12	0.12
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD12	1:368:A:PHE:HZ	12	0.12
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD13	1:368:A:PHE:HZ	12	0.12
(1,4056)	1:227:A:CYS:HB3	1:230:A:ILE:HB	27	0.12
(1,4055)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HD11	35	0.12
(1,4055)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HD12	35	0.12
(1,4055)	1:415:A:ASP:HB3	1:416:A:LEU:HD13	35	0.12
(1,3962)	1:244:A:LYS:HE2	1:244:A:LYS:HA	22	0.12
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG11	30	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG12	30	0.12
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG13	30	0.12
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG11	32	0.12
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG12	32	0.12
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG13	32	0.12
(1,3890)	1:336:A:LYS:HD3	1:337:A:MET:H	31	0.12
(1,3871)	1:430:A:TRP:HZ2	1:427:A:GLU:HB3	4	0.12
(1,3860)	1:308:A:LYS:HD3	1:304:A:GLN:HB2	9	0.12
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG21	3	0.12
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG22	3	0.12
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG23	3	0.12
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG21	5	0.12
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG22	5	0.12
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG23	5	0.12
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG21	20	0.12
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG22	20	0.12
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG23	20	0.12
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG21	28	0.12
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG22	28	0.12
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG23	28	0.12
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG21	33	0.12
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG22	33	0.12
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG23	33	0.12
(1,3756)	1:345:A:VAL:HB	1:344:A:ILE:H	13	0.12
(1,3756)	1:345:A:VAL:HB	1:344:A:ILE:H	15	0.12
(1,3756)	1:345:A:VAL:HB	1:344:A:ILE:H	16	0.12
(1,3756)	1:345:A:VAL:HB	1:344:A:ILE:H	19	0.12
(1,3756)	1:345:A:VAL:HB	1:344:A:ILE:H	27	0.12
(1,3756)	1:345:A:VAL:HB	1:344:A:ILE:H	28	0.12
(1,3756)	1:345:A:VAL:HB	1:344:A:ILE:H	31	0.12
(1,3756)	1:345:A:VAL:HB	1:344:A:ILE:H	34	0.12
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD2	1:437:A:THR:HG21	17	0.12
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD2	1:437:A:THR:HG22	17	0.12
(1,3721)	1:441:A:ARG:HD2	1:437:A:THR:HG23	17	0.12
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	34	0.12
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD21	1:334:A:GLU:HG2	4	0.12
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD22	1:334:A:GLU:HG2	4	0.12
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD23	1:334:A:GLU:HG2	4	0.12
(1,3661)	1:289:A:GLU:HG3	1:306:A:LEU:HD21	12	0.12
(1,3661)	1:289:A:GLU:HG3	1:306:A:LEU:HD22	12	0.12
(1,3661)	1:289:A:GLU:HG3	1:306:A:LEU:HD23	12	0.12
(1,3660)	1:336:A:LYS:HD2	1:336:A:LYS:HB2	34	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3623)	1:305:A:ARG:HD3	1:283:A:LEU:HA	31	0.12
(1,3582)	1:228:A:GLU:HG2	1:229:A:GLY:H	3	0.12
(1,3574)	1:407:A:PHE:HD1	1:410:A:ASN:HB2	18	0.12
(1,3574)	1:407:A:PHE:HD2	1:410:A:ASN:HB2	18	0.12
(1,3505)	1:385:A:MET:HE1	1:383:A:SER:HB2	17	0.12
(1,3505)	1:385:A:MET:HE2	1:383:A:SER:HB2	17	0.12
(1,3505)	1:385:A:MET:HE3	1:383:A:SER:HB2	17	0.12
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB1	1:383:A:SER:HB2	6	0.12
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB2	1:383:A:SER:HB2	6	0.12
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB3	1:383:A:SER:HB2	6	0.12
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB1	1:383:A:SER:HB2	15	0.12
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB2	1:383:A:SER:HB2	15	0.12
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB3	1:383:A:SER:HB2	15	0.12
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB1	1:383:A:SER:HB2	24	0.12
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB2	1:383:A:SER:HB2	24	0.12
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB3	1:383:A:SER:HB2	24	0.12
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD11	28	0.12
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD12	28	0.12
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD13	28	0.12
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD11	28	0.12
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD12	28	0.12
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD13	28	0.12
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD11	28	0.12
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD12	28	0.12
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD13	28	0.12
(1,3458)	1:309:A:GLU:HG2	1:306:A:LEU:HA	8	0.12
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE1	9	0.12
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE2	9	0.12
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE1	9	0.12
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE2	9	0.12
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE1	9	0.12
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE2	9	0.12
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE1	35	0.12
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE2	35	0.12
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE1	35	0.12
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE2	35	0.12
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE1	35	0.12
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE2	35	0.12
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	31	0.12
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	31	0.12
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	31	0.12
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	31	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	31	0.12
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	31	0.12
(1,3426)	1:251:A:GLU:HG3	1:251:A:GLU:H	15	0.12
(1,3386)	1:253:A:THR:HG21	1:253:A:THR:HA	9	0.12
(1,3386)	1:253:A:THR:HG22	1:253:A:THR:HA	9	0.12
(1,3386)	1:253:A:THR:HG23	1:253:A:THR:HA	9	0.12
(1,3386)	1:253:A:THR:HG21	1:253:A:THR:HA	12	0.12
(1,3386)	1:253:A:THR:HG22	1:253:A:THR:HA	12	0.12
(1,3386)	1:253:A:THR:HG23	1:253:A:THR:HA	12	0.12
(1,3386)	1:253:A:THR:HG21	1:253:A:THR:HA	18	0.12
(1,3386)	1:253:A:THR:HG22	1:253:A:THR:HA	18	0.12
(1,3386)	1:253:A:THR:HG23	1:253:A:THR:HA	18	0.12
(1,3386)	1:253:A:THR:HG21	1:253:A:THR:HA	24	0.12
(1,3386)	1:253:A:THR:HG22	1:253:A:THR:HA	24	0.12
(1,3386)	1:253:A:THR:HG23	1:253:A:THR:HA	24	0.12
(1,3354)	1:285:A:PRO:HG2	1:286:A:ARG:H	24	0.12
(1,3354)	1:285:A:PRO:HG2	1:286:A:ARG:H	25	0.12
(1,3316)	1:376:A:VAL:HG11	1:376:A:VAL:H	4	0.12
(1,3316)	1:376:A:VAL:HG12	1:376:A:VAL:H	4	0.12
(1,3316)	1:376:A:VAL:HG13	1:376:A:VAL:H	4	0.12
(1,3260)	1:203:A:MET:HE1	1:214:A:ARG:HD2	27	0.12
(1,3260)	1:203:A:MET:HE2	1:214:A:ARG:HD2	27	0.12
(1,3260)	1:203:A:MET:HE3	1:214:A:ARG:HD2	27	0.12
(1,3151)	1:242:A:GLU:HG3	1:243:A:LEU:HD11	9	0.12
(1,3151)	1:242:A:GLU:HG3	1:243:A:LEU:HD12	9	0.12
(1,3151)	1:242:A:GLU:HG3	1:243:A:LEU:HD13	9	0.12
(1,3121)	1:189:A:ILE:HB	1:248:A:ASP:HA	11	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE1	1:213:A:PHE:HD1	10	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE1	1:213:A:PHE:HD2	10	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE2	1:213:A:PHE:HD1	10	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE2	1:213:A:PHE:HD2	10	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE3	1:213:A:PHE:HD1	10	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE3	1:213:A:PHE:HD2	10	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE1	1:213:A:PHE:HD1	20	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE1	1:213:A:PHE:HD2	20	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE2	1:213:A:PHE:HD1	20	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE2	1:213:A:PHE:HD2	20	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE3	1:213:A:PHE:HD1	20	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE3	1:213:A:PHE:HD2	20	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE1	1:213:A:PHE:HD1	27	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE1	1:213:A:PHE:HD2	27	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE2	1:213:A:PHE:HD1	27	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3067)	1:203:A:MET:HE2	1:213:A:PHE:HD2	27	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE3	1:213:A:PHE:HD1	27	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE3	1:213:A:PHE:HD2	27	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE1	1:213:A:PHE:HD1	34	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE1	1:213:A:PHE:HD2	34	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE2	1:213:A:PHE:HD1	34	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE2	1:213:A:PHE:HD2	34	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE3	1:213:A:PHE:HD1	34	0.12
(1,3067)	1:203:A:MET:HE3	1:213:A:PHE:HD2	34	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD13	1	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD13	2	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD12	3	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD13	4	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD12	5	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD11	6	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD13	9	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD13	11	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD11	16	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD12	17	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD13	18	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD13	19	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD11	20	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD12	21	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD12	22	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD13	24	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD11	26	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD11	27	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD12	30	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD13	31	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD11	33	0.12
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD11	35	0.12
(1,2961)	1:363:A:HIS:HD2	1:359:A:VAL:HG21	7	0.12
(1,2961)	1:363:A:HIS:HD2	1:359:A:VAL:HG22	7	0.12
(1,2961)	1:363:A:HIS:HD2	1:359:A:VAL:HG23	7	0.12
(1,2930)	1:400:A:GLU:HG3	1:400:A:GLU:HA	5	0.12
(1,2889)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HG2	22	0.12
(1,2865)	1:217:A:ILE:HD11	1:217:A:ILE:HB	3	0.12
(1,2865)	1:217:A:ILE:HD12	1:217:A:ILE:HB	3	0.12
(1,2865)	1:217:A:ILE:HD13	1:217:A:ILE:HB	3	0.12
(1,2813)	1:385:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HD1	5	0.12
(1,2813)	1:385:A:MET:HE2	1:382:A:TRP:HD1	5	0.12
(1,2813)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HD1	5	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2813)	1:385:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HD1	32	0.12
(1,2813)	1:385:A:MET:HE2	1:382:A:TRP:HD1	32	0.12
(1,2813)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HD1	32	0.12
(1,2739)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HG	2	0.12
(1,2739)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HG	2	0.12
(1,2739)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HG	2	0.12
(1,2737)	1:385:A:MET:HE1	1:383:A:SER:HB3	20	0.12
(1,2737)	1:385:A:MET:HE2	1:383:A:SER:HB3	20	0.12
(1,2737)	1:385:A:MET:HE3	1:383:A:SER:HB3	20	0.12
(1,2716)	1:222:A:LYS:HD2	1:223:A:TYR:H	10	0.12
(1,2716)	1:222:A:LYS:HD2	1:223:A:TYR:H	34	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG11	1	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG12	1	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG13	1	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG11	1	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG12	1	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG13	1	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG11	1	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG12	1	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG13	1	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG11	4	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG12	4	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG13	4	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG11	4	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG12	4	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG13	4	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG11	4	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG12	4	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG13	4	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG11	28	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG12	28	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG13	28	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG11	28	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG12	28	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG13	28	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG11	28	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG12	28	0.12
(1,2595)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG13	28	0.12
(1,2575)	1:377:A:MET:HE1	1:407:A:PHE:HD1	19	0.12
(1,2575)	1:377:A:MET:HE1	1:407:A:PHE:HD2	19	0.12
(1,2575)	1:377:A:MET:HE2	1:407:A:PHE:HD1	19	0.12
(1,2575)	1:377:A:MET:HE2	1:407:A:PHE:HD2	19	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2575)	1:377:A:MET:HE3	1:407:A:PHE:HD1	19	0.12
(1,2575)	1:377:A:MET:HE3	1:407:A:PHE:HD2	19	0.12
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD11	1:340:A:GLN:HG2	10	0.12
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD12	1:340:A:GLN:HG2	10	0.12
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD13	1:340:A:GLN:HG2	10	0.12
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD11	1:340:A:GLN:HG2	22	0.12
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD12	1:340:A:GLN:HG2	22	0.12
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD13	1:340:A:GLN:HG2	22	0.12
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	32	0.12
(1,2521)	1:365:A:GLN:HG2	1:365:A:GLN:H	4	0.12
(1,2521)	1:365:A:GLN:HG2	1:365:A:GLN:H	6	0.12
(1,2521)	1:365:A:GLN:HG2	1:365:A:GLN:H	28	0.12
(1,2521)	1:365:A:GLN:HG2	1:365:A:GLN:H	33	0.12
(1,2520)	1:429:A:LEU:HD21	1:430:A:TRP:HA	2	0.12
(1,2520)	1:429:A:LEU:HD22	1:430:A:TRP:HA	2	0.12
(1,2520)	1:429:A:LEU:HD23	1:430:A:TRP:HA	2	0.12
(1,2520)	1:429:A:LEU:HD21	1:430:A:TRP:HA	32	0.12
(1,2520)	1:429:A:LEU:HD22	1:430:A:TRP:HA	32	0.12
(1,2520)	1:429:A:LEU:HD23	1:430:A:TRP:HA	32	0.12
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD11	1:412:A:LEU:HA	16	0.12
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD12	1:412:A:LEU:HA	16	0.12
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD13	1:412:A:LEU:HA	16	0.12
(1,2514)	1:440:A:LYS:HE3	1:402:A:ILE:HG21	21	0.12
(1,2514)	1:440:A:LYS:HE3	1:402:A:ILE:HG22	21	0.12
(1,2514)	1:440:A:LYS:HE3	1:402:A:ILE:HG23	21	0.12
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HB2	22	0.12
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HB2	22	0.12
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HB2	22	0.12
(1,2505)	1:328:A:VAL:HA	1:335:A:THR:HG21	20	0.12
(1,2505)	1:328:A:VAL:HA	1:335:A:THR:HG22	20	0.12
(1,2505)	1:328:A:VAL:HA	1:335:A:THR:HG23	20	0.12
(1,2436)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HE22	12	0.12
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	35	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG21	14	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG22	14	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG23	14	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG21	14	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG22	14	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG23	14	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG21	14	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG22	14	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG23	14	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG21	17	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG22	17	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG23	17	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG21	17	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG22	17	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG23	17	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG21	17	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG22	17	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG23	17	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG21	23	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG22	23	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG23	23	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG21	23	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG22	23	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG23	23	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG21	23	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG22	23	0.12
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG23	23	0.12
(1,2423)	1:203:A:MET:HE1	1:218:A:ASP:H	23	0.12
(1,2423)	1:203:A:MET:HE2	1:218:A:ASP:H	23	0.12
(1,2423)	1:203:A:MET:HE3	1:218:A:ASP:H	23	0.12
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG21	1:320:A:TRP:HE1	24	0.12
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG22	1:320:A:TRP:HE1	24	0.12
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG23	1:320:A:TRP:HE1	24	0.12
(1,2415)	1:336:A:LYS:HE2	1:337:A:MET:H	17	0.12
(1,2284)	1:223:A:TYR:HE1	1:256:A:GLU:HG3	25	0.12
(1,2284)	1:223:A:TYR:HE2	1:256:A:GLU:HG3	25	0.12
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG11	8	0.12
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG12	8	0.12
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD11	1:263:A:VAL:HG13	8	0.12
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG11	8	0.12
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG12	8	0.12
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD12	1:263:A:VAL:HG13	8	0.12
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG11	8	0.12
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG12	8	0.12
(1,2279)	1:255:A:LEU:HD13	1:263:A:VAL:HG13	8	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HB2	1	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HB2	1	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HB2	1	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HB2	2	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HB2	2	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HB2	2	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HB2	3	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HB2	3	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HB2	3	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HB2	6	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HB2	6	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HB2	6	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HB2	7	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HB2	7	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HB2	7	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HB2	10	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HB2	10	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HB2	10	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HB2	13	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HB2	13	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HB2	13	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HB2	17	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HB2	17	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HB2	17	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HB2	18	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HB2	18	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HB2	18	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HB2	20	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HB2	20	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HB2	20	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HB2	21	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HB2	21	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HB2	21	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HB2	29	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HB2	29	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HB2	29	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HB2	33	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HB2	33	0.12
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HB2	33	0.12
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HB	26	0.12
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HB	26	0.12
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG23	1:335:A:THR:HB	26	0.12
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HB	27	0.12
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HB	27	0.12
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG23	1:335:A:THR:HB	27	0.12
(1,2232)	1:228:A:GLU:HG2	1:336:A:LYS:HG3	18	0.12
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD11	1:319:A:SER:HG	2	0.12
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD12	1:319:A:SER:HG	2	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD13	1:319:A:SER:HG	2	0.12
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD11	1:319:A:SER:HG	17	0.12
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD12	1:319:A:SER:HG	17	0.12
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD13	1:319:A:SER:HG	17	0.12
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD11	1:319:A:SER:HG	24	0.12
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD12	1:319:A:SER:HG	24	0.12
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD13	1:319:A:SER:HG	24	0.12
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD11	1:319:A:SER:HG	31	0.12
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD12	1:319:A:SER:HG	31	0.12
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD13	1:319:A:SER:HG	31	0.12
(1,2213)	1:199:A:GLU:HG2	1:199:A:GLU:HA	19	0.12
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD21	1:399:A:LYS:HE2	28	0.12
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD22	1:399:A:LYS:HE2	28	0.12
(1,2199)	1:443:A:LEU:HD23	1:399:A:LYS:HE2	28	0.12
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD11	12	0.12
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD12	12	0.12
(1,2132)	1:411:A:CYS:HB2	1:412:A:LEU:HD13	12	0.12
(1,2124)	1:187:A:LYS:HD2	1:187:A:LYS:H	22	0.12
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE3	28	0.12
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE3	28	0.12
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE3	28	0.12
(1,2105)	1:272:A:ARG:HG3	1:272:A:ARG:HD2	4	0.12
(1,2105)	1:272:A:ARG:HG2	1:272:A:ARG:HD2	6	0.12
(1,2105)	1:272:A:ARG:HG2	1:272:A:ARG:HD2	7	0.12
(1,2105)	1:272:A:ARG:HG3	1:272:A:ARG:HD2	21	0.12
(1,2105)	1:272:A:ARG:HG3	1:272:A:ARG:HD2	22	0.12
(1,2105)	1:272:A:ARG:HG3	1:272:A:ARG:HD3	25	0.12
(1,2105)	1:272:A:ARG:HG3	1:272:A:ARG:HD3	26	0.12
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD11	7	0.12
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD12	7	0.12
(1,2090)	1:182:A:HIS:HB3	1:186:A:LEU:HD13	7	0.12
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	11	0.12
(1,2004)	1:283:A:LEU:H	1:280:A:THR:HG1	12	0.12
(1,1977)	1:380:A:LEU:H	1:384:A:ASN:HD21	18	0.12
(1,1945)	1:239:A:LYS:H	1:240:A:VAL:H	22	0.12
(1,1944)	1:310:A:LEU:H	1:309:A:GLU:H	19	0.12
(1,1919)	1:282:A:GLU:H	1:280:A:THR:HG1	24	0.12
(1,1919)	1:282:A:GLU:H	1:280:A:THR:HG1	33	0.12
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	14	0.12
(1,1873)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HD11	8	0.12
(1,1873)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HD12	8	0.12
(1,1873)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HD13	8	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1873)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HD11	16	0.12
(1,1873)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HD12	16	0.12
(1,1873)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HD13	16	0.12
(1,1803)	1:424:A:SER:H	1:423:A:LEU:HB3	5	0.12
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG21	7	0.12
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG22	7	0.12
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG23	7	0.12
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG21	21	0.12
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG22	21	0.12
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG23	21	0.12
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG21	26	0.12
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG22	26	0.12
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG23	26	0.12
(1,1631)	1:273:A:ASP:H	1:191:A:GLY:H	13	0.12
(1,1619)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HG	4	0.12
(1,1619)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HG	19	0.12
(1,1619)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HG	33	0.12
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	11	0.12
(1,1207)	1:359:A:VAL:H	1:359:A:VAL:HB	33	0.12
(1,1189)	1:216:A:CYS:H	1:247:A:TYR:HE1	22	0.12
(1,1189)	1:216:A:CYS:H	1:247:A:TYR:HE2	22	0.12
(1,1158)	1:248:A:ASP:H	1:249:A:ARG:HG2	1	0.12
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG11	10	0.12
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG12	10	0.12
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG13	10	0.12
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG11	34	0.12
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG12	34	0.12
(1,1149)	1:263:A:VAL:H	1:263:A:VAL:HG13	34	0.12
(1,1110)	1:332:A:GLU:H	1:336:A:LYS:H	1	0.12
(1,1110)	1:332:A:GLU:H	1:336:A:LYS:H	15	0.12
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD1	4	0.12
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD2	4	0.12
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD1	14	0.12
(1,1008)	1:204:A:TYR:H	1:204:A:TYR:HD2	14	0.12
(1,1004)	1:371:A:VAL:H	1:371:A:VAL:HB	33	0.12
(1,928)	1:243:A:LEU:H	1:258:A:TYR:HD1	21	0.12
(1,928)	1:243:A:LEU:H	1:258:A:TYR:HD2	21	0.12
(1,917)	1:357:A:LEU:H	1:360:A:PHE:HB3	28	0.12
(1,875)	1:417:A:GLN:HE22	1:414:A:ARG:HA	13	0.12
(1,853)	1:369:A:GLY:H	1:369:A:GLY:HA2	1	0.12
(1,853)	1:369:A:GLY:H	1:369:A:GLY:HA2	26	0.12
(1,819)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HG	6	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,819)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HG	13	0.12
(1,819)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HG	21	0.12
(1,772)	1:370:A:ASN:HD21	1:370:A:ASN:HA	16	0.12
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE1	12	0.12
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE2	12	0.12
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE3	12	0.12
(1,725)	1:388:A:MET:H	1:387:A:THR:HG21	25	0.12
(1,725)	1:388:A:MET:H	1:387:A:THR:HG22	25	0.12
(1,725)	1:388:A:MET:H	1:387:A:THR:HG23	25	0.12
(1,711)	1:417:A:GLN:HE21	1:420:A:ILE:HB	29	0.12
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	16	0.12
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	16	0.12
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	16	0.12
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	20	0.12
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	20	0.12
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	20	0.12
(1,705)	1:259:A:GLU:H	1:261:A:ASN:HD22	1	0.12
(1,666)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	7	0.12
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE1	5	0.12
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE2	5	0.12
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE1	12	0.12
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE2	12	0.12
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE1	20	0.12
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE2	20	0.12
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE1	34	0.12
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE2	34	0.12
(1,605)	1:388:A:MET:H	1:388:A:MET:HB3	1	0.12
(1,605)	1:388:A:MET:H	1:388:A:MET:HB3	3	0.12
(1,605)	1:388:A:MET:H	1:388:A:MET:HB3	21	0.12
(1,605)	1:388:A:MET:H	1:388:A:MET:HB3	29	0.12
(1,605)	1:388:A:MET:H	1:388:A:MET:HB3	31	0.12
(1,586)	1:227:A:CYS:H	1:227:A:CYS:HB3	25	0.12
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD21	32	0.12
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD22	32	0.12
(1,508)	1:283:A:LEU:H	1:279:A:LEU:HD23	32	0.12
(1,444)	1:294:A:THR:H	1:293:A:ARG:HB3	4	0.12
(1,444)	1:294:A:THR:H	1:293:A:ARG:HB3	19	0.12
(1,444)	1:294:A:THR:H	1:293:A:ARG:HB3	34	0.12
(1,404)	1:370:A:ASN:HD21	1:369:A:GLY:HA3	22	0.12
(1,404)	1:370:A:ASN:HD21	1:369:A:GLY:HA3	23	0.12
(1,387)	1:336:A:LYS:H	1:332:A:GLU:HB3	14	0.12
(1,357)	1:396:A:ALA:H	1:398:A:ILE:HD11	10	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,357)	1:396:A:ALA:H	1:398:A:ILE:HD13	25	0.12
(1,335)	1:223:A:TYR:H	1:221:A:GLU:HB2	12	0.12
(1,258)	1:361:A:PHE:H	1:359:A:VAL:HB	1	0.12
(1,258)	1:361:A:PHE:H	1:359:A:VAL:HB	15	0.12
(1,258)	1:361:A:PHE:H	1:359:A:VAL:HB	27	0.12
(1,193)	1:375:A:GLN:HE22	1:375:A:GLN:H	6	0.12
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	17	0.12
(1,70)	1:297:A:THR:H	1:296:A:GLU:HB3	16	0.12
(1,60)	1:375:A:GLN:HE22	1:378:A:LYS:HB2	6	0.12
(1,36)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HG	18	0.12
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	27	0.12
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	31	0.12
(3,210)	1:434:A:ARG:O	1:438:A:ALA:H	28	0.11
(3,204)	1:431:A:GLU:O	1:435:A:ILE:H	22	0.11
(3,190)	1:424:A:SER:O	1:428:A:ARG:H	13	0.11
(3,176)	1:407:A:PHE:O	1:411:A:CYS:H	6	0.11
(3,168)	1:403:A:ARG:O	1:407:A:PHE:H	20	0.11
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	13	0.11
(3,147)	1:362:A:THR:O	1:366:A:GLU:N	16	0.11
(3,139)	1:358:A:TYR:O	1:362:A:THR:N	6	0.11
(3,130)	1:341:A:ASN:O	1:345:A:VAL:H	7	0.11
(3,121)	1:330:A:ALA:O	1:334:A:GLU:N	16	0.11
(3,114)	1:326:A:ASP:O	1:330:A:ALA:H	13	0.11
(3,114)	1:326:A:ASP:O	1:330:A:ALA:H	31	0.11
(3,110)	1:324:A:HIS:O	1:328:A:VAL:H	3	0.11
(3,110)	1:324:A:HIS:O	1:328:A:VAL:H	21	0.11
(3,104)	1:321:A:LEU:O	1:325:A:MET:H	6	0.11
(3,84)	1:305:A:ARG:O	1:309:A:GLU:H	3	0.11
(3,84)	1:305:A:ARG:O	1:309:A:GLU:H	10	0.11
(3,84)	1:305:A:ARG:O	1:309:A:GLU:H	28	0.11
(3,76)	1:301:A:GLN:O	1:305:A:ARG:H	27	0.11
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	7	0.11
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	12	0.11
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	13	0.11
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	26	0.11
(3,6)	1:196:A:ASP:O	1:200:A:ARG:H	9	0.11
(3,6)	1:196:A:ASP:O	1:200:A:ARG:H	11	0.11
(3,6)	1:196:A:ASP:O	1:200:A:ARG:H	14	0.11
(3,6)	1:196:A:ASP:O	1:200:A:ARG:H	30	0.11
(3,6)	1:196:A:ASP:O	1:200:A:ARG:H	34	0.11
(2,197)	1:380:A:LEU:H	1:411:A:CYS:HG	14	0.11
(2,197)	1:380:A:LEU:H	1:411:A:CYS:HG	18	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,197)	1:380:A:LEU:H	1:411:A:CYS:HG	28	0.11
(2,134)	1:259:A:GLU:H	1:411:A:CYS:HG	28	0.11
(2,134)	1:259:A:GLU:H	1:411:A:CYS:HG	30	0.11
(2,111)	1:209:A:LEU:H	1:411:A:CYS:HG	16	0.11
(2,111)	1:209:A:LEU:H	1:411:A:CYS:HG	22	0.11
(2,88)	1:388:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HE1	16	0.11
(2,88)	1:388:A:MET:HE2	1:382:A:TRP:HE1	16	0.11
(2,88)	1:388:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HE1	16	0.11
(2,83)	1:446:A:ALA:HB1	1:444:A:ARG:HD3	11	0.11
(2,83)	1:446:A:ALA:HB2	1:444:A:ARG:HD3	11	0.11
(2,83)	1:446:A:ALA:HB3	1:444:A:ARG:HD3	11	0.11
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG21	6	0.11
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG22	6	0.11
(2,81)	1:367:A:LEU:HD21	1:359:A:VAL:HG23	6	0.11
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG21	6	0.11
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG22	6	0.11
(2,81)	1:367:A:LEU:HD22	1:359:A:VAL:HG23	6	0.11
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG21	6	0.11
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG22	6	0.11
(2,81)	1:367:A:LEU:HD23	1:359:A:VAL:HG23	6	0.11
(2,69)	1:342:A:ILE:HD11	1:329:A:ILE:HG13	11	0.11
(2,69)	1:342:A:ILE:HD12	1:329:A:ILE:HG13	11	0.11
(2,69)	1:342:A:ILE:HD13	1:329:A:ILE:HG13	11	0.11
(2,68)	1:352:A:ILE:HD11	1:277:A:ASN:HD22	3	0.11
(2,68)	1:352:A:ILE:HD12	1:277:A:ASN:HD22	3	0.11
(2,68)	1:352:A:ILE:HD13	1:277:A:ASN:HD22	3	0.11
(2,54)	1:435:A:ILE:HD11	1:382:A:TRP:H	22	0.11
(2,54)	1:435:A:ILE:HD12	1:382:A:TRP:H	22	0.11
(2,54)	1:435:A:ILE:HD13	1:382:A:TRP:H	22	0.11
(2,31)	1:254:A:ASN:H	1:252:A:SER:HA	20	0.11
(2,25)	1:196:A:ASP:H	1:192:A:ILE:HG21	31	0.11
(2,25)	1:196:A:ASP:H	1:192:A:ILE:HG22	31	0.11
(2,25)	1:196:A:ASP:H	1:192:A:ILE:HG23	31	0.11
(2,19)	1:245:A:ALA:H	1:244:A:LYS:HD2	9	0.11
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	3	0.11
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	8	0.11
(2,15)	1:369:A:GLY:H	1:367:A:LEU:HB3	31	0.11
(2,10)	1:417:A:GLN:HE22	1:414:A:ARG:HG3	10	0.11
(1,6866)	1:217:A:ILE:HG12	1:213:A:PHE:HB3	7	0.11
(1,6859)	1:409:A:LEU:HD21	1:433:A:GLN:H	26	0.11
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD23	1:282:A:GLU:HG3	15	0.11
(1,6843)	1:357:A:LEU:HD22	1:343:A:SER:HA	20	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6842)	1:212:A:VAL:HA	1:255:A:LEU:HD23	16	0.11
(1,6805)	1:201:A:THR:HG23	1:189:A:ILE:HB	11	0.11
(1,6797)	1:278:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:H	20	0.11
(1,6792)	1:258:A:TYR:HD2	1:240:A:VAL:HG21	1	0.11
(1,6792)	1:258:A:TYR:HD1	1:240:A:VAL:HG23	14	0.11
(1,6726)	1:342:A:ILE:HD12	1:345:A:VAL:HG21	23	0.11
(1,6704)	1:284:A:MET:HE3	1:277:A:ASN:HD21	35	0.11
(1,6703)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:H	32	0.11
(1,6685)	1:315:A:TYR:HE1	1:307:A:LEU:HD23	2	0.11
(1,6646)	1:198:A:VAL:HG11	1:198:A:VAL:HA	7	0.11
(1,6646)	1:198:A:VAL:HG13	1:198:A:VAL:HA	15	0.11
(1,6567)	1:198:A:VAL:HG22	1:194:A:LEU:HG	8	0.11
(1,6549)	1:337:A:MET:HE3	1:230:A:ILE:HG22	22	0.11
(1,6521)	1:374:A:LYS:HG3	1:207:A:ILE:HG21	19	0.11
(1,6516)	1:368:A:PHE:HB3	1:364:A:VAL:HG13	32	0.11
(1,6496)	1:262:A:THR:HG21	1:243:A:LEU:HD13	25	0.11
(1,6485)	1:254:A:ASN:HB2	1:255:A:LEU:HD12	20	0.11
(1,6481)	1:345:A:VAL:HG13	1:231:A:TYR:HD1	35	0.11
(1,6470)	1:402:A:ILE:HD11	1:444:A:ARG:H	22	0.11
(1,6429)	1:304:A:GLN:HG3	1:300:A:VAL:HG11	35	0.11
(1,6414)	1:279:A:LEU:HD13	1:278:A:LEU:HD21	21	0.11
(1,6414)	1:279:A:LEU:HD12	1:350:A:VAL:HG21	24	0.11
(1,6411)	1:348:A:PRO:HG3	1:268:A:LYS:HE2	14	0.11
(1,6377)	1:387:A:THR:HG23	1:387:A:THR:HB	3	0.11
(1,6377)	1:387:A:THR:HG22	1:387:A:THR:HB	31	0.11
(1,6368)	1:334:A:GLU:HG3	1:331:A:LYS:HD3	21	0.11
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HD12	12	0.11
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG21	1:322:A:ILE:HD13	32	0.11
(1,6361)	1:207:A:ILE:HD12	1:374:A:LYS:HA	19	0.11
(1,6352)	1:209:A:LEU:HD21	1:320:A:TRP:HA	22	0.11
(1,6345)	1:284:A:MET:HG3	1:351:A:GLN:HB2	15	0.11
(1,6342)	1:388:A:MET:HE1	1:386:A:ALA:H	10	0.11
(1,6342)	1:388:A:MET:HE1	1:387:A:THR:H	24	0.11
(1,6332)	1:267:A:LEU:HD22	1:213:A:PHE:HZ	8	0.11
(1,6326)	1:207:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	15	0.11
(1,6316)	1:425:A:LYS:HE3	1:426:A:GLU:H	15	0.11
(1,6316)	1:425:A:LYS:HE2	1:426:A:GLU:H	33	0.11
(1,6297)	1:297:A:THR:HG23	1:298:A:GLU:HG2	10	0.11
(1,6285)	1:230:A:ILE:HD13	1:261:A:ASN:HA	23	0.11
(1,6283)	1:323:A:VAL:HG22	1:364:A:VAL:HG21	2	0.11
(1,6281)	1:436:A:LEU:HD11	1:438:A:ALA:H	25	0.11
(1,6270)	1:402:A:ILE:HG21	1:407:A:PHE:H	25	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6259)	1:443:A:LEU:HD11	1:399:A:LYS:HA	32	0.11
(1,6255)	1:284:A:MET:HE2	1:283:A:LEU:H	19	0.11
(1,6222)	1:278:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:H	16	0.11
(1,6221)	1:225:A:MET:HE3	1:331:A:LYS:HG2	30	0.11
(1,6213)	1:322:A:ILE:HA	1:346:A:LEU:HD22	2	0.11
(1,6155)	1:300:A:VAL:HG22	1:363:A:HIS:HB3	3	0.11
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	5	0.11
(1,6133)	1:282:A:GLU:HG2	1:281:A:LYS:HG2	16	0.11
(1,6125)	1:295:A:THR:HG23	1:296:A:GLU:HB3	19	0.11
(1,6089)	1:243:A:LEU:HD13	1:255:A:LEU:HD13	33	0.11
(1,6085)	1:214:A:ARG:HD2	1:207:A:ILE:HD12	3	0.11
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD22	1:410:A:ASN:H	21	0.11
(1,6023)	1:281:A:LYS:HG2	1:282:A:GLU:HG2	8	0.11
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	9	0.11
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	15	0.11
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	19	0.11
(1,6002)	1:389:A:PRO:HG2	1:389:A:PRO:HD2	29	0.11
(1,5978)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HB	30	0.11
(1,5975)	1:317:A:LEU:HD11	1:213:A:PHE:HA	25	0.11
(1,5967)	1:217:A:ILE:HB	1:267:A:LEU:HD22	2	0.11
(1,5960)	1:184:A:PRO:HD2	1:184:A:PRO:HG2	11	0.11
(1,5960)	1:184:A:PRO:HD2	1:184:A:PRO:HG2	16	0.11
(1,5945)	1:203:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	23	0.11
(1,5915)	1:352:A:ILE:HD13	1:357:A:LEU:HA	13	0.11
(1,5871)	1:305:A:ARG:HD2	1:305:A:ARG:HB3	11	0.11
(1,5865)	1:327:A:HIS:HD2	1:323:A:VAL:HG11	4	0.11
(1,5853)	1:393:A:GLU:HG3	1:394:A:THR:HG22	11	0.11
(1,5832)	1:283:A:LEU:HD22	1:279:A:LEU:HD12	28	0.11
(1,5819)	1:284:A:MET:HE3	1:351:A:GLN:HA	35	0.11
(1,5816)	1:334:A:GLU:HG3	1:331:A:LYS:HE2	19	0.11
(1,5803)	1:189:A:ILE:HG21	1:197:A:ALA:HB1	4	0.11
(1,5796)	1:210:A:PRO:HD2	1:209:A:LEU:HG	19	0.11
(1,5785)	1:398:A:ILE:HD12	1:395:A:GLN:HG2	21	0.11
(1,5763)	1:227:A:CYS:HB3	1:230:A:ILE:HD11	27	0.11
(1,5762)	1:324:A:HIS:HD2	1:217:A:ILE:HB	1	0.11
(1,5762)	1:324:A:HIS:HD2	1:217:A:ILE:HB	27	0.11
(1,5746)	1:271:A:LEU:HD12	1:351:A:GLN:HE21	15	0.11
(1,5731)	1:350:A:VAL:HG22	1:346:A:LEU:HB3	20	0.11
(1,5721)	1:443:A:LEU:HD23	1:399:A:LYS:HA	9	0.11
(1,5713)	1:272:A:ARG:HG3	1:349:A:THR:HG21	26	0.11
(1,5692)	1:429:A:LEU:HD22	1:426:A:GLU:HA	29	0.11
(1,5660)	1:284:A:MET:HE2	1:280:A:THR:HA	25	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5655)	1:346:A:LEU:HD21	1:343:A:SER:HA	22	0.11
(1,5648)	1:374:A:LYS:HE2	1:374:A:LYS:HG3	15	0.11
(1,5648)	1:374:A:LYS:HE2	1:374:A:LYS:HG3	17	0.11
(1,5647)	1:202:A:MET:HE2	1:198:A:VAL:H	22	0.11
(1,5609)	1:300:A:VAL:HG11	1:366:A:GLU:HG3	2	0.11
(1,5605)	1:337:A:MET:HE2	1:342:A:ILE:HA	22	0.11
(1,5571)	1:360:A:PHE:HZ	1:318:A:ILE:HB	1	0.11
(1,5569)	1:284:A:MET:HE3	1:352:A:ILE:HG22	6	0.11
(1,5569)	1:284:A:MET:HE3	1:352:A:ILE:HG23	11	0.11
(1,5402)	1:227:A:CYS:H	1:334:A:GLU:HG3	1	0.11
(1,5360)	1:431:A:GLU:H	1:433:A:GLN:HE21	35	0.11
(1,5351)	1:307:A:LEU:H	1:308:A:LYS:HG3	15	0.11
(1,5351)	1:307:A:LEU:H	1:308:A:LYS:HG3	34	0.11
(1,5346)	1:370:A:ASN:H	1:371:A:VAL:HG11	14	0.11
(1,5341)	1:289:A:GLU:H	1:303:A:PHE:HE1	1	0.11
(1,5341)	1:302:A:GLU:H	1:303:A:PHE:HE1	24	0.11
(1,5341)	1:302:A:GLU:H	1:303:A:PHE:HE2	28	0.11
(1,5318)	1:215:A:GLU:H	1:255:A:LEU:HD22	35	0.11
(1,5303)	1:277:A:ASN:HD21	1:351:A:GLN:HA	4	0.11
(1,5290)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HB2	6	0.11
(1,5290)	1:304:A:GLN:HE21	1:367:A:LEU:HB2	17	0.11
(1,5268)	1:241:A:ASP:H	1:236:A:ILE:HG23	31	0.11
(1,5263)	1:419:A:GLY:H	1:416:A:LEU:HB3	19	0.11
(1,5247)	1:301:A:GLN:HE22	1:297:A:THR:HA	28	0.11
(1,5221)	1:192:A:ILE:H	1:273:A:ASP:HA	24	0.11
(1,5217)	1:351:A:GLN:HE22	1:350:A:VAL:HA	6	0.11
(1,5200)	1:269:A:GLN:HE22	1:244:A:LYS:HD2	11	0.11
(1,5138)	1:261:A:ASN:HD22	1:233:A:VAL:HB	21	0.11
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	19	0.11
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	21	0.11
(1,5103)	1:442:A:LYS:H	1:445:A:GLU:HG3	24	0.11
(1,5075)	1:326:A:ASP:H	1:322:A:ILE:HD13	35	0.11
(1,5074)	1:202:A:MET:H	1:200:A:ARG:HG3	4	0.11
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG21	6	0.11
(1,5044)	1:337:A:MET:H	1:335:A:THR:HG23	9	0.11
(1,5043)	1:198:A:VAL:H	1:196:A:ASP:HB2	17	0.11
(1,5005)	1:199:A:GLU:H	1:199:A:GLU:HB3	13	0.11
(1,5005)	1:199:A:GLU:H	1:199:A:GLU:HB3	15	0.11
(1,5001)	1:313:A:CYS:H	1:315:A:TYR:HB2	34	0.11
(1,4994)	1:312:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	14	0.11
(1,4992)	1:283:A:LEU:H	1:286:A:ARG:HG3	12	0.11
(1,4987)	1:341:A:ASN:HD22	1:344:A:ILE:HD11	22	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE2	1	0.11
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	6	0.11
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	13	0.11
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	21	0.11
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	27	0.11
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	28	0.11
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	32	0.11
(1,4943)	1:417:A:GLN:HE22	1:420:A:ILE:HB	24	0.11
(1,4939)	1:277:A:ASN:HD22	1:279:A:LEU:HD21	24	0.11
(1,4929)	1:317:A:LEU:H	1:315:A:TYR:HD2	13	0.11
(1,4929)	1:317:A:LEU:H	1:315:A:TYR:HD2	29	0.11
(1,4884)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HB3	28	0.11
(1,4866)	1:214:A:ARG:H	1:217:A:ILE:HG12	9	0.11
(1,4857)	1:297:A:THR:H	1:293:A:ARG:HB3	23	0.11
(1,4857)	1:297:A:THR:H	1:293:A:ARG:HB3	29	0.11
(1,4849)	1:359:A:VAL:H	1:356:A:VAL:HG22	13	0.11
(1,4844)	1:417:A:GLN:HE22	1:413:A:HIS:HB2	11	0.11
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	18	0.11
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	19	0.11
(1,4835)	1:310:A:LEU:H	1:315:A:TYR:H	26	0.11
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:285:A:PRO:HB3	1	0.11
(1,4813)	1:284:A:MET:H	1:285:A:PRO:HB3	2	0.11
(1,4771)	1:282:A:GLU:H	1:279:A:LEU:HB2	25	0.11
(1,4753)	1:254:A:ASN:HD22	1:257:A:ASP:HA	10	0.11
(1,4735)	1:219:A:TYR:H	1:223:A:TYR:HD2	32	0.11
(1,4731)	1:424:A:SER:H	1:427:A:GLU:HG2	15	0.11
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	35	0.11
(1,4662)	1:187:A:LYS:HG2	1:187:A:LYS:H	14	0.11
(1,4662)	1:187:A:LYS:HG2	1:187:A:LYS:H	15	0.11
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD21	1:278:A:LEU:H	9	0.11
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD22	1:278:A:LEU:H	9	0.11
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD23	1:278:A:LEU:H	9	0.11
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD21	1:278:A:LEU:H	25	0.11
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD22	1:278:A:LEU:H	25	0.11
(1,4634)	1:278:A:LEU:HD23	1:278:A:LEU:H	25	0.11
(1,4625)	1:444:A:ARG:HG2	1:444:A:ARG:H	13	0.11
(1,4544)	1:253:A:THR:HG21	1:254:A:ASN:HB2	20	0.11
(1,4544)	1:253:A:THR:HG22	1:254:A:ASN:HB2	20	0.11
(1,4544)	1:253:A:THR:HG23	1:254:A:ASN:HB2	20	0.11
(1,4544)	1:253:A:THR:HG21	1:254:A:ASN:HB2	22	0.11
(1,4544)	1:253:A:THR:HG22	1:254:A:ASN:HB2	22	0.11
(1,4544)	1:253:A:THR:HG23	1:254:A:ASN:HB2	22	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4533)	1:359:A:VAL:HG21	1:359:A:VAL:H	3	0.11
(1,4533)	1:359:A:VAL:HG22	1:359:A:VAL:H	3	0.11
(1,4533)	1:359:A:VAL:HG23	1:359:A:VAL:H	3	0.11
(1,4522)	1:209:A:LEU:HD21	1:209:A:LEU:HA	29	0.11
(1,4522)	1:209:A:LEU:HD22	1:209:A:LEU:HA	29	0.11
(1,4522)	1:209:A:LEU:HD23	1:209:A:LEU:HA	29	0.11
(1,4515)	1:203:A:MET:HE1	1:375:A:GLN:HA	12	0.11
(1,4515)	1:203:A:MET:HE2	1:375:A:GLN:HA	12	0.11
(1,4515)	1:203:A:MET:HE3	1:375:A:GLN:HA	12	0.11
(1,4508)	1:336:A:LYS:HD2	1:335:A:THR:H	18	0.11
(1,4504)	1:282:A:GLU:HG2	1:282:A:GLU:HA	35	0.11
(1,4496)	1:400:A:GLU:HG3	1:401:A:GLU:H	3	0.11
(1,4445)	1:306:A:LEU:HD21	1:306:A:LEU:H	14	0.11
(1,4445)	1:306:A:LEU:HD22	1:306:A:LEU:H	14	0.11
(1,4445)	1:306:A:LEU:HD23	1:306:A:LEU:H	14	0.11
(1,4418)	1:226:A:LYS:HG2	1:226:A:LYS:H	7	0.11
(1,4409)	1:284:A:MET:HG3	1:277:A:ASN:HD22	30	0.11
(1,4394)	1:393:A:GLU:HB2	1:442:A:LYS:HE2	25	0.11
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	24	0.11
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	34	0.11
(1,4318)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HB	1	0.11
(1,4318)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HB	1	0.11
(1,4318)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HB	1	0.11
(1,4318)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HB	27	0.11
(1,4318)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HB	27	0.11
(1,4318)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HB	27	0.11
(1,4318)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HB	30	0.11
(1,4318)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HB	30	0.11
(1,4318)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HB	30	0.11
(1,4318)	1:225:A:MET:HE1	1:220:A:VAL:HB	34	0.11
(1,4318)	1:225:A:MET:HE2	1:220:A:VAL:HB	34	0.11
(1,4318)	1:225:A:MET:HE3	1:220:A:VAL:HB	34	0.11
(1,4293)	1:226:A:LYS:HA	1:226:A:LYS:HE2	11	0.11
(1,4293)	1:226:A:LYS:HA	1:226:A:LYS:HE2	23	0.11
(1,4222)	1:294:A:THR:HG21	1:294:A:THR:HA	1	0.11
(1,4222)	1:294:A:THR:HG22	1:294:A:THR:HA	1	0.11
(1,4222)	1:294:A:THR:HG23	1:294:A:THR:HA	1	0.11
(1,4222)	1:294:A:THR:HG21	1:294:A:THR:HA	19	0.11
(1,4222)	1:294:A:THR:HG22	1:294:A:THR:HA	19	0.11
(1,4222)	1:294:A:THR:HG23	1:294:A:THR:HA	19	0.11
(1,4222)	1:294:A:THR:HG21	1:294:A:THR:HA	21	0.11
(1,4222)	1:294:A:THR:HG22	1:294:A:THR:HA	21	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4222)	1:294:A:THR:HG23	1:294:A:THR:HA	21	0.11
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD11	35	0.11
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD12	35	0.11
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD13	35	0.11
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	1	0.11
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	1	0.11
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	1	0.11
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	4	0.11
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	4	0.11
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	4	0.11
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	11	0.11
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	11	0.11
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	11	0.11
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	17	0.11
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	17	0.11
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	17	0.11
(1,4126)	1:202:A:MET:HE1	1:205:A:ASP:H	30	0.11
(1,4126)	1:202:A:MET:HE2	1:205:A:ASP:H	30	0.11
(1,4126)	1:202:A:MET:HE3	1:205:A:ASP:H	30	0.11
(1,4095)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HD2	3	0.11
(1,4095)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HD2	11	0.11
(1,4095)	1:222:A:LYS:HE2	1:222:A:LYS:HD3	18	0.11
(1,4095)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HD2	24	0.11
(1,4095)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HD2	25	0.11
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD11	1:368:A:PHE:HZ	18	0.11
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD12	1:368:A:PHE:HZ	18	0.11
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD13	1:368:A:PHE:HZ	18	0.11
(1,4057)	1:302:A:GLU:HA	1:305:A:ARG:HB3	27	0.11
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	15	0.11
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	15	0.11
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE1	1:358:A:TYR:H	35	0.11
(1,4036)	1:358:A:TYR:HE2	1:358:A:TYR:H	35	0.11
(1,4035)	1:348:A:PRO:HD3	1:346:A:LEU:HB3	10	0.11
(1,4035)	1:348:A:PRO:HD3	1:346:A:LEU:HB3	22	0.11
(1,3922)	1:289:A:GLU:HG2	1:306:A:LEU:HD21	32	0.11
(1,3922)	1:289:A:GLU:HG2	1:306:A:LEU:HD22	32	0.11
(1,3922)	1:289:A:GLU:HG2	1:306:A:LEU:HD23	32	0.11
(1,3901)	1:184:A:PRO:HD3	1:183:A:MET:HA	22	0.11
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG11	19	0.11
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG12	19	0.11
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG13	19	0.11
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG11	35	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG12	35	0.11
(1,3899)	1:368:A:PHE:HA	1:371:A:VAL:HG13	35	0.11
(1,3890)	1:336:A:LYS:HD3	1:337:A:MET:H	7	0.11
(1,3823)	1:377:A:MET:HG2	1:204:A:TYR:HD1	21	0.11
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG21	22	0.11
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG22	22	0.11
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG23	22	0.11
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG21	27	0.11
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG22	27	0.11
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG23	27	0.11
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG21	28	0.11
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG22	28	0.11
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG23	28	0.11
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG21	31	0.11
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG22	31	0.11
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG23	31	0.11
(1,3756)	1:345:A:VAL:HB	1:344:A:ILE:H	6	0.11
(1,3756)	1:345:A:VAL:HB	1:344:A:ILE:H	12	0.11
(1,3756)	1:345:A:VAL:HB	1:344:A:ILE:H	24	0.11
(1,3756)	1:345:A:VAL:HB	1:344:A:ILE:H	25	0.11
(1,3756)	1:345:A:VAL:HB	1:344:A:ILE:H	33	0.11
(1,3750)	1:209:A:LEU:HD21	1:317:A:LEU:HA	11	0.11
(1,3750)	1:209:A:LEU:HD22	1:317:A:LEU:HA	11	0.11
(1,3750)	1:209:A:LEU:HD23	1:317:A:LEU:HA	11	0.11
(1,3730)	1:222:A:LYS:HD3	1:219:A:TYR:HA	5	0.11
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	33	0.11
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG21	1:360:A:PHE:HZ	9	0.11
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HZ	9	0.11
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HZ	9	0.11
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG21	1:360:A:PHE:HZ	16	0.11
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HZ	16	0.11
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HZ	16	0.11
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG21	1:360:A:PHE:HZ	27	0.11
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HZ	27	0.11
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HZ	27	0.11
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG21	1:360:A:PHE:HZ	28	0.11
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HZ	28	0.11
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HZ	28	0.11
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG21	1:360:A:PHE:HZ	35	0.11
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HZ	35	0.11
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HZ	35	0.11
(1,3623)	1:305:A:ARG:HD3	1:283:A:LEU:HA	3	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3623)	1:305:A:ARG:HD3	1:283:A:LEU:HA	18	0.11
(1,3570)	1:184:A:PRO:HG3	1:184:A:PRO:HD3	9	0.11
(1,3570)	1:184:A:PRO:HG2	1:184:A:PRO:HD2	16	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD11	12	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD12	12	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD13	12	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD11	12	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD12	12	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD13	12	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD11	12	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD12	12	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD13	12	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD11	24	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD12	24	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD13	24	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD11	24	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD12	24	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD13	24	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD11	24	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD12	24	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD13	24	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD11	27	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD12	27	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD13	27	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD11	27	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD12	27	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD13	27	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD11	27	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD12	27	0.11
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD13	27	0.11
(1,3483)	1:299:A:LYS:HB3	1:300:A:VAL:HG11	10	0.11
(1,3483)	1:299:A:LYS:HB3	1:300:A:VAL:HG12	10	0.11
(1,3483)	1:299:A:LYS:HB3	1:300:A:VAL:HG13	10	0.11
(1,3458)	1:309:A:GLU:HG2	1:306:A:LEU:HA	4	0.11
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD1	28	0.11
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD21	1:303:A:PHE:HD2	28	0.11
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD1	28	0.11
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD22	1:303:A:PHE:HD2	28	0.11
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD1	28	0.11
(1,3427)	1:367:A:LEU:HD23	1:303:A:PHE:HD2	28	0.11
(1,3394)	1:305:A:ARG:HD3	1:306:A:LEU:H	5	0.11
(1,3386)	1:253:A:THR:HG21	1:253:A:THR:HA	2	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3386)	1:253:A:THR:HG22	1:253:A:THR:HA	2	0.11
(1,3386)	1:253:A:THR:HG23	1:253:A:THR:HA	2	0.11
(1,3386)	1:253:A:THR:HG21	1:253:A:THR:HA	16	0.11
(1,3386)	1:253:A:THR:HG22	1:253:A:THR:HA	16	0.11
(1,3386)	1:253:A:THR:HG23	1:253:A:THR:HA	16	0.11
(1,3386)	1:253:A:THR:HG21	1:253:A:THR:HA	27	0.11
(1,3386)	1:253:A:THR:HG22	1:253:A:THR:HA	27	0.11
(1,3386)	1:253:A:THR:HG23	1:253:A:THR:HA	27	0.11
(1,3354)	1:285:A:PRO:HG2	1:286:A:ARG:H	7	0.11
(1,3354)	1:285:A:PRO:HG2	1:286:A:ARG:H	8	0.11
(1,3316)	1:376:A:VAL:HG11	1:376:A:VAL:H	27	0.11
(1,3316)	1:376:A:VAL:HG12	1:376:A:VAL:H	27	0.11
(1,3316)	1:376:A:VAL:HG13	1:376:A:VAL:H	27	0.11
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG11	1:232:A:ARG:HD3	30	0.11
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG12	1:232:A:ARG:HD3	30	0.11
(1,3265)	1:345:A:VAL:HG13	1:232:A:ARG:HD3	30	0.11
(1,3247)	1:256:A:GLU:HG2	1:256:A:GLU:HA	18	0.11
(1,3207)	1:385:A:MET:HE1	1:387:A:THR:HB	34	0.11
(1,3207)	1:385:A:MET:HE2	1:387:A:THR:HB	34	0.11
(1,3207)	1:385:A:MET:HE3	1:387:A:THR:HB	34	0.11
(1,3187)	1:366:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG21	15	0.11
(1,3187)	1:366:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG22	15	0.11
(1,3187)	1:366:A:GLU:HG2	1:300:A:VAL:HG23	15	0.11
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG21	4	0.11
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG22	4	0.11
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG11	1:359:A:VAL:HG23	4	0.11
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG21	4	0.11
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG22	4	0.11
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG12	1:359:A:VAL:HG23	4	0.11
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG21	4	0.11
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG22	4	0.11
(1,3149)	1:300:A:VAL:HG13	1:359:A:VAL:HG23	4	0.11
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD21	15	0.11
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD22	15	0.11
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD23	15	0.11
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD12	12	0.11
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD12	13	0.11
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD11	14	0.11
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD13	15	0.11
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD13	23	0.11
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD13	25	0.11
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD11	29	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3002)	1:409:A:LEU:HD11	1:406:A:GLU:H	15	0.11
(1,3002)	1:409:A:LEU:HD12	1:406:A:GLU:H	15	0.11
(1,3002)	1:409:A:LEU:HD13	1:406:A:GLU:H	15	0.11
(1,3002)	1:409:A:LEU:HD11	1:406:A:GLU:H	33	0.11
(1,3002)	1:409:A:LEU:HD12	1:406:A:GLU:H	33	0.11
(1,3002)	1:409:A:LEU:HD13	1:406:A:GLU:H	33	0.11
(1,2815)	1:306:A:LEU:HD11	1:290:A:ALA:HB1	10	0.11
(1,2815)	1:306:A:LEU:HD11	1:290:A:ALA:HB2	10	0.11
(1,2815)	1:306:A:LEU:HD11	1:290:A:ALA:HB3	10	0.11
(1,2815)	1:306:A:LEU:HD12	1:290:A:ALA:HB1	10	0.11
(1,2815)	1:306:A:LEU:HD12	1:290:A:ALA:HB2	10	0.11
(1,2815)	1:306:A:LEU:HD12	1:290:A:ALA:HB3	10	0.11
(1,2815)	1:306:A:LEU:HD13	1:290:A:ALA:HB1	10	0.11
(1,2815)	1:306:A:LEU:HD13	1:290:A:ALA:HB2	10	0.11
(1,2815)	1:306:A:LEU:HD13	1:290:A:ALA:HB3	10	0.11
(1,2813)	1:385:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HD1	12	0.11
(1,2813)	1:385:A:MET:HE2	1:382:A:TRP:HD1	12	0.11
(1,2813)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HD1	12	0.11
(1,2813)	1:385:A:MET:HE1	1:382:A:TRP:HD1	26	0.11
(1,2813)	1:385:A:MET:HE2	1:382:A:TRP:HD1	26	0.11
(1,2813)	1:385:A:MET:HE3	1:382:A:TRP:HD1	26	0.11
(1,2808)	1:202:A:MET:HE1	1:208:A:ARG:HD2	27	0.11
(1,2808)	1:202:A:MET:HE2	1:208:A:ARG:HD2	27	0.11
(1,2808)	1:202:A:MET:HE3	1:208:A:ARG:HD2	27	0.11
(1,2756)	1:278:A:LEU:HD21	1:314:A:ASN:HD21	8	0.11
(1,2756)	1:278:A:LEU:HD22	1:314:A:ASN:HD21	8	0.11
(1,2756)	1:278:A:LEU:HD23	1:314:A:ASN:HD21	8	0.11
(1,2737)	1:385:A:MET:HE1	1:383:A:SER:HB3	16	0.11
(1,2737)	1:385:A:MET:HE2	1:383:A:SER:HB3	16	0.11
(1,2737)	1:385:A:MET:HE3	1:383:A:SER:HB3	16	0.11
(1,2719)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:HD21	14	0.11
(1,2719)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:HD22	14	0.11
(1,2719)	1:305:A:ARG:HB3	1:306:A:LEU:HD23	14	0.11
(1,2716)	1:222:A:LYS:HD2	1:223:A:TYR:H	8	0.11
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD11	1:340:A:GLN:HG2	17	0.11
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD12	1:340:A:GLN:HG2	17	0.11
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD13	1:340:A:GLN:HG2	17	0.11
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD11	1:340:A:GLN:HG2	18	0.11
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD12	1:340:A:GLN:HG2	18	0.11
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD13	1:340:A:GLN:HG2	18	0.11
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD11	1:340:A:GLN:HG2	25	0.11
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD12	1:340:A:GLN:HG2	25	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD13	1:340:A:GLN:HG2	25	0.11
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD11	1:340:A:GLN:HG2	33	0.11
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD12	1:340:A:GLN:HG2	33	0.11
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD13	1:340:A:GLN:HG2	33	0.11
(1,2521)	1:365:A:GLN:HG2	1:365:A:GLN:H	3	0.11
(1,2521)	1:365:A:GLN:HG2	1:365:A:GLN:H	14	0.11
(1,2521)	1:365:A:GLN:HG2	1:365:A:GLN:H	30	0.11
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD11	1:412:A:LEU:HA	1	0.11
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD12	1:412:A:LEU:HA	1	0.11
(1,2515)	1:412:A:LEU:HD13	1:412:A:LEU:HA	1	0.11
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG21	1:338:A:ASN:HB2	18	0.11
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HB2	18	0.11
(1,2510)	1:329:A:ILE:HG23	1:338:A:ASN:HB2	18	0.11
(1,2505)	1:328:A:VAL:HA	1:335:A:THR:HG21	23	0.11
(1,2505)	1:328:A:VAL:HA	1:335:A:THR:HG22	23	0.11
(1,2505)	1:328:A:VAL:HA	1:335:A:THR:HG23	23	0.11
(1,2505)	1:328:A:VAL:HA	1:335:A:THR:HG21	25	0.11
(1,2505)	1:328:A:VAL:HA	1:335:A:THR:HG22	25	0.11
(1,2505)	1:328:A:VAL:HA	1:335:A:THR:HG23	25	0.11
(1,2436)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HE22	21	0.11
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	30	0.11
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG21	34	0.11
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG22	34	0.11
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG23	34	0.11
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG21	34	0.11
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG22	34	0.11
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG23	34	0.11
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG21	34	0.11
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG22	34	0.11
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG23	34	0.11
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG21	1:320:A:TRP:HE1	10	0.11
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG22	1:320:A:TRP:HE1	10	0.11
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG23	1:320:A:TRP:HE1	10	0.11
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG21	1:320:A:TRP:HE1	20	0.11
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG22	1:320:A:TRP:HE1	20	0.11
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG23	1:320:A:TRP:HE1	20	0.11
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD21	1	0.11
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD22	1	0.11
(1,2408)	1:368:A:PHE:HZ	1:367:A:LEU:HD23	1	0.11
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HE1	14	0.11
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HE2	14	0.11
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HE1	14	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HE2	14	0.11
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HE1	14	0.11
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HE2	14	0.11
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HE1	24	0.11
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD11	1:315:A:TYR:HE2	24	0.11
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HE1	24	0.11
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD12	1:315:A:TYR:HE2	24	0.11
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HE1	24	0.11
(1,2392)	1:316:A:LEU:HD13	1:315:A:TYR:HE2	24	0.11
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD21	1:325:A:MET:HG2	12	0.11
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD22	1:325:A:MET:HG2	12	0.11
(1,2380)	1:346:A:LEU:HD23	1:325:A:MET:HG2	12	0.11
(1,2379)	1:413:A:HIS:HB3	1:409:A:LEU:HD21	26	0.11
(1,2379)	1:413:A:HIS:HB3	1:409:A:LEU:HD22	26	0.11
(1,2379)	1:413:A:HIS:HB3	1:409:A:LEU:HD23	26	0.11
(1,2366)	1:336:A:LYS:HD3	1:335:A:THR:H	4	0.11
(1,2366)	1:336:A:LYS:HD3	1:335:A:THR:H	26	0.11
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HB2	5	0.11
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HB2	5	0.11
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HB2	5	0.11
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HB2	25	0.11
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HB2	25	0.11
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HB2	25	0.11
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HB2	26	0.11
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HB2	26	0.11
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HB2	26	0.11
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HB2	31	0.11
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HB2	31	0.11
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HB2	31	0.11
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HB2	32	0.11
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HB2	32	0.11
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HB2	32	0.11
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HB	2	0.11
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HB	2	0.11
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG23	1:335:A:THR:HB	2	0.11
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HB	21	0.11
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HB	21	0.11
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG23	1:335:A:THR:HB	21	0.11
(1,2224)	1:297:A:THR:HB	1:300:A:VAL:H	11	0.11
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD11	1:319:A:SER:HG	22	0.11
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD12	1:319:A:SER:HG	22	0.11
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD13	1:319:A:SER:HG	22	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD11	1:319:A:SER:HG	32	0.11
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD12	1:319:A:SER:HG	32	0.11
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD13	1:319:A:SER:HG	32	0.11
(1,2149)	1:222:A:LYS:HE2	1:223:A:TYR:HE1	19	0.11
(1,2149)	1:222:A:LYS:HE2	1:223:A:TYR:HE2	19	0.11
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB1	1:399:A:LYS:HE2	34	0.11
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB2	1:399:A:LYS:HE2	34	0.11
(1,2114)	1:446:A:ALA:HB3	1:399:A:LYS:HE2	34	0.11
(1,2105)	1:272:A:ARG:HG3	1:272:A:ARG:HD3	17	0.11
(1,2105)	1:272:A:ARG:HG3	1:272:A:ARG:HD2	18	0.11
(1,2105)	1:272:A:ARG:HG2	1:272:A:ARG:HD2	29	0.11
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	18	0.11
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	21	0.11
(1,2007)	1:189:A:ILE:H	1:190:A:PHE:H	4	0.11
(1,2004)	1:283:A:LEU:H	1:280:A:THR:HG1	35	0.11
(1,1977)	1:380:A:LEU:H	1:384:A:ASN:HD21	33	0.11
(1,1944)	1:310:A:LEU:H	1:309:A:GLU:H	7	0.11
(1,1919)	1:282:A:GLU:H	1:280:A:THR:HG1	5	0.11
(1,1919)	1:282:A:GLU:H	1:280:A:THR:HG1	25	0.11
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	11	0.11
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	15	0.11
(1,1892)	1:274:A:LEU:H	1:273:A:ASP:H	32	0.11
(1,1850)	1:388:A:MET:H	1:387:A:THR:HB	34	0.11
(1,1827)	1:362:A:THR:H	1:361:A:PHE:HB2	19	0.11
(1,1790)	1:341:A:ASN:HD21	1:337:A:MET:HA	20	0.11
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG21	19	0.11
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG22	19	0.11
(1,1695)	1:338:A:ASN:HD21	1:329:A:ILE:HG23	19	0.11
(1,1678)	1:187:A:LYS:H	1:188:A:PRO:HB3	19	0.11
(1,1619)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HG	3	0.11
(1,1619)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HG	10	0.11
(1,1619)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HG	21	0.11
(1,1619)	1:320:A:TRP:HE1	1:319:A:SER:HG	26	0.11
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	5	0.11
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	15	0.11
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	33	0.11
(1,1473)	1:232:A:ARG:H	1:232:A:ARG:HD2	13	0.11
(1,1473)	1:232:A:ARG:H	1:232:A:ARG:HD2	27	0.11
(1,1469)	1:375:A:GLN:HE22	1:222:A:LYS:HG2	30	0.11
(1,1399)	1:265:A:SER:H	1:216:A:CYS:HB2	14	0.11
(1,1391)	1:378:A:LYS:H	1:379:A:PRO:HG3	28	0.11
(1,1366)	1:253:A:THR:H	1:243:A:LEU:HD21	15	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1366)	1:253:A:THR:H	1:243:A:LEU:HD22	15	0.11
(1,1366)	1:253:A:THR:H	1:243:A:LEU:HD23	15	0.11
(1,1110)	1:332:A:GLU:H	1:336:A:LYS:H	31	0.11
(1,987)	1:230:A:ILE:H	1:231:A:TYR:HD2	24	0.11
(1,987)	1:230:A:ILE:H	1:231:A:TYR:HD2	26	0.11
(1,977)	1:283:A:LEU:H	1:283:A:LEU:HD21	11	0.11
(1,977)	1:283:A:LEU:H	1:283:A:LEU:HD22	11	0.11
(1,977)	1:283:A:LEU:H	1:283:A:LEU:HD23	11	0.11
(1,928)	1:243:A:LEU:H	1:258:A:TYR:HD1	12	0.11
(1,928)	1:243:A:LEU:H	1:258:A:TYR:HD2	12	0.11
(1,853)	1:369:A:GLY:H	1:369:A:GLY:HA2	7	0.11
(1,835)	1:374:A:LYS:H	1:372:A:VAL:H	23	0.11
(1,819)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HG	17	0.11
(1,732)	1:227:A:CYS:H	1:230:A:ILE:HA	31	0.11
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE1	15	0.11
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE2	15	0.11
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE3	15	0.11
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE1	22	0.11
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE2	22	0.11
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE3	22	0.11
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE1	25	0.11
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE2	25	0.11
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE3	25	0.11
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	17	0.11
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	17	0.11
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	17	0.11
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	23	0.11
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	23	0.11
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	23	0.11
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	26	0.11
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	26	0.11
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	26	0.11
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	33	0.11
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	33	0.11
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	33	0.11
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG21	21	0.11
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG22	21	0.11
(1,665)	1:212:A:VAL:H	1:212:A:VAL:HG23	21	0.11
(1,652)	1:341:A:ASN:H	1:342:A:ILE:HG13	16	0.11
(1,616)	1:363:A:HIS:H	1:364:A:VAL:HB	22	0.11
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE1	4	0.11
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE2	4	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE1	7	0.11
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE2	7	0.11
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE1	9	0.11
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE2	9	0.11
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE1	25	0.11
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE2	25	0.11
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE1	35	0.11
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE2	35	0.11
(1,586)	1:227:A:CYS:H	1:227:A:CYS:HB3	22	0.11
(1,563)	1:446:A:ALA:H	1:446:A:ALA:HA	1	0.11
(1,563)	1:446:A:ALA:H	1:446:A:ALA:HA	4	0.11
(1,563)	1:446:A:ALA:H	1:446:A:ALA:HA	5	0.11
(1,563)	1:446:A:ALA:H	1:446:A:ALA:HA	11	0.11
(1,563)	1:446:A:ALA:H	1:446:A:ALA:HA	18	0.11
(1,563)	1:446:A:ALA:H	1:446:A:ALA:HA	28	0.11
(1,563)	1:446:A:ALA:H	1:446:A:ALA:HA	31	0.11
(1,563)	1:446:A:ALA:H	1:446:A:ALA:HA	33	0.11
(1,541)	1:370:A:ASN:HD21	1:370:A:ASN:H	32	0.11
(1,518)	1:290:A:ALA:H	1:291:A:CYS:HB2	18	0.11
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	11	0.11
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	11	0.11
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	11	0.11
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	31	0.11
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	31	0.11
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	31	0.11
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	32	0.11
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	32	0.11
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	32	0.11
(1,504)	1:441:A:ARG:H	1:438:A:ALA:HA	6	0.11
(1,444)	1:294:A:THR:H	1:293:A:ARG:HB3	1	0.11
(1,444)	1:294:A:THR:H	1:293:A:ARG:HB3	18	0.11
(1,388)	1:226:A:LYS:H	1:226:A:LYS:HB2	10	0.11
(1,388)	1:226:A:LYS:H	1:226:A:LYS:HB2	33	0.11
(1,258)	1:361:A:PHE:H	1:359:A:VAL:HB	17	0.11
(1,258)	1:361:A:PHE:H	1:359:A:VAL:HB	22	0.11
(1,242)	1:438:A:ALA:H	1:441:A:ARG:HD3	35	0.11
(1,204)	1:301:A:GLN:HE22	1:300:A:VAL:HG21	10	0.11
(1,204)	1:301:A:GLN:HE22	1:300:A:VAL:HG22	10	0.11
(1,204)	1:301:A:GLN:HE22	1:300:A:VAL:HG23	10	0.11
(1,193)	1:375:A:GLN:HE22	1:375:A:GLN:H	8	0.11
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	3	0.11
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	25	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,70)	1:297:A:THR:H	1:296:A:GLU:HB3	27	0.11
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	4	0.11
(1,24)	1:253:A:THR:H	1:254:A:ASN:HB3	10	0.11
(3,176)	1:407:A:PHE:O	1:411:A:CYS:H	23	0.1
(3,168)	1:403:A:ARG:O	1:407:A:PHE:H	32	0.1
(3,114)	1:326:A:ASP:O	1:330:A:ALA:H	14	0.1
(3,112)	1:325:A:MET:O	1:329:A:ILE:H	5	0.1
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	25	0.1
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	28	0.1
(3,60)	1:280:A:THR:O	1:284:A:MET:H	29	0.1
(3,42)	1:261:A:ASN:O	1:265:A:SER:H	6	0.1
(3,6)	1:196:A:ASP:O	1:200:A:ARG:H	28	0.1
(2,197)	1:380:A:LEU:H	1:411:A:CYS:HG	15	0.1
(2,195)	1:373:A:LEU:H	1:411:A:CYS:HG	10	0.1
(2,123)	1:244:A:LYS:H	1:411:A:CYS:HG	1	0.1
(2,69)	1:342:A:ILE:HD11	1:329:A:ILE:HG13	18	0.1
(2,69)	1:342:A:ILE:HD12	1:329:A:ILE:HG13	18	0.1
(2,69)	1:342:A:ILE:HD13	1:329:A:ILE:HG13	18	0.1
(2,68)	1:352:A:ILE:HD11	1:277:A:ASN:HD22	16	0.1
(2,68)	1:352:A:ILE:HD12	1:277:A:ASN:HD22	16	0.1
(2,68)	1:352:A:ILE:HD13	1:277:A:ASN:HD22	16	0.1
(2,68)	1:352:A:ILE:HD11	1:277:A:ASN:HD22	20	0.1
(2,68)	1:352:A:ILE:HD12	1:277:A:ASN:HD22	20	0.1
(2,68)	1:352:A:ILE:HD13	1:277:A:ASN:HD22	20	0.1
(2,54)	1:435:A:ILE:HD11	1:382:A:TRP:H	1	0.1
(2,54)	1:435:A:ILE:HD12	1:382:A:TRP:H	1	0.1
(2,54)	1:435:A:ILE:HD13	1:382:A:TRP:H	1	0.1
(2,19)	1:245:A:ALA:H	1:244:A:LYS:HD2	24	0.1
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG21	1:344:A:ILE:H	5	0.1
(1,6858)	1:339:A:ILE:HG23	1:344:A:ILE:H	6	0.1
(1,6850)	1:323:A:VAL:HG11	1:324:A:HIS:HD2	29	0.1
(1,6846)	1:283:A:LEU:HD22	1:309:A:GLU:HG3	10	0.1
(1,6805)	1:201:A:THR:HG21	1:189:A:ILE:HB	1	0.1
(1,6782)	1:320:A:TRP:HZ3	1:217:A:ILE:H	11	0.1
(1,6714)	1:391:A:LEU:HD21	1:439:A:LEU:HD23	16	0.1
(1,6669)	1:279:A:LEU:HD12	1:318:A:ILE:H	8	0.1
(1,6593)	1:323:A:VAL:HG13	1:371:A:VAL:HB	23	0.1
(1,6558)	1:429:A:LEU:HD23	1:432:A:VAL:HG12	17	0.1
(1,6532)	1:228:A:GLU:HG3	1:336:A:LYS:HE2	1	0.1
(1,6530)	1:329:A:ILE:HG22	1:338:A:ASN:HD21	2	0.1
(1,6461)	1:318:A:ILE:HG23	1:278:A:LEU:HB3	13	0.1
(1,6443)	1:315:A:TYR:HD2	1:307:A:LEU:HG	6	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6377)	1:387:A:THR:HG22	1:387:A:THR:HB	10	0.1
(1,6371)	1:284:A:MET:HE3	1:284:A:MET:HA	14	0.1
(1,6371)	1:284:A:MET:HE2	1:284:A:MET:HA	28	0.1
(1,6366)	1:364:A:VAL:HG23	1:322:A:ILE:HD11	16	0.1
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD23	1:257:A:ASP:HB3	21	0.1
(1,6250)	1:255:A:LEU:HD22	1:257:A:ASP:HB3	30	0.1
(1,6160)	1:303:A:PHE:HE1	1:359:A:VAL:HG13	30	0.1
(1,6142)	1:367:A:LEU:HD21	1:366:A:GLU:H	19	0.1
(1,6113)	1:350:A:VAL:HG21	1:352:A:ILE:H	12	0.1
(1,6073)	1:436:A:LEU:HD23	1:410:A:ASN:H	26	0.1
(1,5960)	1:184:A:PRO:HD2	1:184:A:PRO:HG2	2	0.1
(1,5960)	1:184:A:PRO:HD2	1:184:A:PRO:HG2	15	0.1
(1,5960)	1:184:A:PRO:HD2	1:184:A:PRO:HG2	18	0.1
(1,5960)	1:184:A:PRO:HD2	1:184:A:PRO:HG2	22	0.1
(1,5960)	1:285:A:PRO:HD3	1:285:A:PRO:HG3	28	0.1
(1,5960)	1:184:A:PRO:HD2	1:184:A:PRO:HG2	29	0.1
(1,5923)	1:274:A:LEU:HD22	1:197:A:ALA:H	31	0.1
(1,5915)	1:352:A:ILE:HD12	1:357:A:LEU:HA	3	0.1
(1,5915)	1:352:A:ILE:HD12	1:357:A:LEU:HA	17	0.1
(1,5826)	1:344:A:ILE:HG22	1:341:A:ASN:HB3	6	0.1
(1,5762)	1:324:A:HIS:HD2	1:217:A:ILE:HB	15	0.1
(1,5740)	1:225:A:MET:HE3	1:225:A:MET:HA	14	0.1
(1,5716)	1:345:A:VAL:HG11	1:342:A:ILE:HD13	34	0.1
(1,5665)	1:246:A:ALA:HB2	1:255:A:LEU:HD23	2	0.1
(1,5360)	1:431:A:GLU:H	1:433:A:GLN:HE21	1	0.1
(1,5351)	1:307:A:LEU:H	1:308:A:LYS:HG3	19	0.1
(1,5351)	1:307:A:LEU:H	1:308:A:LYS:HG3	23	0.1
(1,5341)	1:302:A:GLU:H	1:303:A:PHE:HE1	4	0.1
(1,5341)	1:302:A:GLU:H	1:303:A:PHE:HE1	29	0.1
(1,5333)	1:318:A:ILE:H	1:315:A:TYR:HD1	26	0.1
(1,5263)	1:419:A:GLY:H	1:416:A:LEU:HB3	12	0.1
(1,5217)	1:351:A:GLN:HE22	1:350:A:VAL:HA	8	0.1
(1,5154)	1:325:A:MET:H	1:217:A:ILE:HG13	23	0.1
(1,5130)	1:295:A:THR:H	1:293:A:ARG:HE	2	0.1
(1,5123)	1:263:A:VAL:H	1:259:A:GLU:HG3	11	0.1
(1,5089)	1:185:A:ASN:HD22	1:186:A:LEU:HD23	6	0.1
(1,5005)	1:199:A:GLU:H	1:199:A:GLU:HB3	22	0.1
(1,5005)	1:199:A:GLU:H	1:199:A:GLU:HB3	32	0.1
(1,4999)	1:304:A:GLN:H	1:367:A:LEU:HB2	28	0.1
(1,4979)	1:307:A:LEU:H	1:315:A:TYR:HE1	28	0.1
(1,4975)	1:269:A:GLN:HE22	1:190:A:PHE:HE2	17	0.1
(1,4959)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HA	7	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4884)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HB3	1	0.1
(1,4884)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HB3	14	0.1
(1,4884)	1:445:A:GLU:H	1:445:A:GLU:HB3	35	0.1
(1,4849)	1:359:A:VAL:H	1:356:A:VAL:HG22	30	0.1
(1,4798)	1:408:A:LEU:H	1:411:A:CYS:HB2	16	0.1
(1,4726)	1:340:A:GLN:HE22	1:232:A:ARG:HD3	9	0.1
(1,4714)	1:240:A:VAL:H	1:265:A:SER:HB3	28	0.1
(1,4697)	1:247:A:TYR:H	1:266:A:LEU:HD23	15	0.1
(1,4675)	1:340:A:GLN:HE21	1:337:A:MET:HB3	5	0.1
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD11	1:209:A:LEU:HA	6	0.1
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD12	1:209:A:LEU:HA	6	0.1
(1,4587)	1:317:A:LEU:HD13	1:209:A:LEU:HA	6	0.1
(1,4544)	1:253:A:THR:HG21	1:254:A:ASN:HB2	5	0.1
(1,4544)	1:253:A:THR:HG22	1:254:A:ASN:HB2	5	0.1
(1,4544)	1:253:A:THR:HG23	1:254:A:ASN:HB2	5	0.1
(1,4533)	1:359:A:VAL:HG21	1:359:A:VAL:H	2	0.1
(1,4533)	1:359:A:VAL:HG22	1:359:A:VAL:H	2	0.1
(1,4533)	1:359:A:VAL:HG23	1:359:A:VAL:H	2	0.1
(1,4522)	1:209:A:LEU:HD21	1:209:A:LEU:HA	2	0.1
(1,4522)	1:209:A:LEU:HD22	1:209:A:LEU:HA	2	0.1
(1,4522)	1:209:A:LEU:HD23	1:209:A:LEU:HA	2	0.1
(1,4445)	1:306:A:LEU:HD21	1:306:A:LEU:H	19	0.1
(1,4445)	1:306:A:LEU:HD22	1:306:A:LEU:H	19	0.1
(1,4445)	1:306:A:LEU:HD23	1:306:A:LEU:H	19	0.1
(1,4438)	1:272:A:ARG:HG3	1:274:A:LEU:H	17	0.1
(1,4438)	1:272:A:ARG:HG3	1:274:A:LEU:H	28	0.1
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB1	1:243:A:LEU:HD21	19	0.1
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB1	1:243:A:LEU:HD22	19	0.1
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB1	1:243:A:LEU:HD23	19	0.1
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB2	1:243:A:LEU:HD21	19	0.1
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB2	1:243:A:LEU:HD22	19	0.1
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB2	1:243:A:LEU:HD23	19	0.1
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB3	1:243:A:LEU:HD21	19	0.1
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB3	1:243:A:LEU:HD22	19	0.1
(1,4379)	1:246:A:ALA:HB3	1:243:A:LEU:HD23	19	0.1
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD21	1:315:A:TYR:H	4	0.1
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD22	1:315:A:TYR:H	4	0.1
(1,4358)	1:194:A:LEU:HD23	1:315:A:TYR:H	4	0.1
(1,4351)	1:305:A:ARG:HD2	1:283:A:LEU:HA	30	0.1
(1,4343)	1:186:A:LEU:HD21	1:185:A:ASN:H	15	0.1
(1,4343)	1:186:A:LEU:HD22	1:185:A:ASN:H	15	0.1
(1,4343)	1:186:A:LEU:HD23	1:185:A:ASN:H	15	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4269)	1:346:A:LEU:HD11	1:325:A:MET:HG3	33	0.1
(1,4269)	1:346:A:LEU:HD12	1:325:A:MET:HG3	33	0.1
(1,4269)	1:346:A:LEU:HD13	1:325:A:MET:HG3	33	0.1
(1,4222)	1:294:A:THR:HG21	1:294:A:THR:HA	30	0.1
(1,4222)	1:294:A:THR:HG22	1:294:A:THR:HA	30	0.1
(1,4222)	1:294:A:THR:HG23	1:294:A:THR:HA	30	0.1
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD11	34	0.1
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD12	34	0.1
(1,4182)	1:182:A:HIS:HD2	1:186:A:LEU:HD13	34	0.1
(1,4138)	1:305:A:ARG:HG2	1:306:A:LEU:HD21	23	0.1
(1,4138)	1:305:A:ARG:HG2	1:306:A:LEU:HD22	23	0.1
(1,4138)	1:305:A:ARG:HG2	1:306:A:LEU:HD23	23	0.1
(1,4095)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HD2	12	0.1
(1,4095)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HD2	13	0.1
(1,4095)	1:222:A:LYS:HE3	1:222:A:LYS:HD2	34	0.1
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD11	1:368:A:PHE:HZ	4	0.1
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD12	1:368:A:PHE:HZ	4	0.1
(1,4084)	1:318:A:ILE:HD13	1:368:A:PHE:HZ	4	0.1
(1,3962)	1:244:A:LYS:HE2	1:244:A:LYS:HA	28	0.1
(1,3922)	1:289:A:GLU:HG2	1:306:A:LEU:HD21	33	0.1
(1,3922)	1:289:A:GLU:HG2	1:306:A:LEU:HD22	33	0.1
(1,3922)	1:289:A:GLU:HG2	1:306:A:LEU:HD23	33	0.1
(1,3890)	1:336:A:LYS:HD3	1:337:A:MET:H	16	0.1
(1,3851)	1:446:A:ALA:HA	1:445:A:GLU:HG2	20	0.1
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG21	14	0.1
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG22	14	0.1
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG23	14	0.1
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG21	24	0.1
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG22	24	0.1
(1,3770)	1:351:A:GLN:HG2	1:350:A:VAL:HG23	24	0.1
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG21	10	0.1
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG22	10	0.1
(1,3768)	1:365:A:GLN:HG2	1:364:A:VAL:HG23	10	0.1
(1,3756)	1:345:A:VAL:HB	1:344:A:ILE:H	3	0.1
(1,3756)	1:345:A:VAL:HB	1:344:A:ILE:H	4	0.1
(1,3756)	1:345:A:VAL:HB	1:344:A:ILE:H	9	0.1
(1,3756)	1:345:A:VAL:HB	1:344:A:ILE:H	29	0.1
(1,3756)	1:345:A:VAL:HB	1:344:A:ILE:H	30	0.1
(1,3756)	1:345:A:VAL:HB	1:344:A:ILE:H	35	0.1
(1,3699)	1:186:A:LEU:HA	1:186:A:LEU:HB3	15	0.1
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB1	18	0.1
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB2	18	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3677)	1:251:A:GLU:HB2	1:246:A:ALA:HB3	18	0.1
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD21	1:334:A:GLU:HG2	23	0.1
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD22	1:334:A:GLU:HG2	23	0.1
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD23	1:334:A:GLU:HG2	23	0.1
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD21	1:334:A:GLU:HG2	26	0.1
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD22	1:334:A:GLU:HG2	26	0.1
(1,3664)	1:333:A:LEU:HD23	1:334:A:GLU:HG2	26	0.1
(1,3648)	1:184:A:PRO:HB3	1:184:A:PRO:HD2	9	0.1
(1,3642)	1:252:A:SER:HB3	1:253:A:THR:HG21	15	0.1
(1,3642)	1:252:A:SER:HB3	1:253:A:THR:HG22	15	0.1
(1,3642)	1:252:A:SER:HB3	1:253:A:THR:HG23	15	0.1
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG21	1:360:A:PHE:HZ	7	0.1
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG22	1:360:A:PHE:HZ	7	0.1
(1,3636)	1:356:A:VAL:HG23	1:360:A:PHE:HZ	7	0.1
(1,3623)	1:305:A:ARG:HD3	1:283:A:LEU:HA	6	0.1
(1,3623)	1:305:A:ARG:HD3	1:283:A:LEU:HA	20	0.1
(1,3574)	1:407:A:PHE:HD1	1:410:A:ASN:HB2	31	0.1
(1,3574)	1:407:A:PHE:HD2	1:410:A:ASN:HB2	31	0.1
(1,3570)	1:184:A:PRO:HG2	1:184:A:PRO:HD2	18	0.1
(1,3570)	1:184:A:PRO:HG2	1:184:A:PRO:HD2	22	0.1
(1,3508)	1:390:A:THR:HG21	1:391:A:LEU:H	18	0.1
(1,3508)	1:390:A:THR:HG22	1:391:A:LEU:H	18	0.1
(1,3508)	1:390:A:THR:HG23	1:391:A:LEU:H	18	0.1
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB1	1:383:A:SER:HB3	20	0.1
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB2	1:383:A:SER:HB3	20	0.1
(1,3490)	1:386:A:ALA:HB3	1:383:A:SER:HB3	20	0.1
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD11	6	0.1
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD12	6	0.1
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD13	6	0.1
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD11	6	0.1
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD12	6	0.1
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD13	6	0.1
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD11	6	0.1
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD12	6	0.1
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD13	6	0.1
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD11	9	0.1
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD12	9	0.1
(1,3484)	1:225:A:MET:HE1	1:329:A:ILE:HD13	9	0.1
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD11	9	0.1
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD12	9	0.1
(1,3484)	1:225:A:MET:HE2	1:329:A:ILE:HD13	9	0.1
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD11	9	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD12	9	0.1
(1,3484)	1:225:A:MET:HE3	1:329:A:ILE:HD13	9	0.1
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE1	29	0.1
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD21	1:368:A:PHE:HE2	29	0.1
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE1	29	0.1
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD22	1:368:A:PHE:HE2	29	0.1
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE1	29	0.1
(1,3439)	1:367:A:LEU:HD23	1:368:A:PHE:HE2	29	0.1
(1,3384)	1:184:A:PRO:HD2	1:183:A:MET:HA	11	0.1
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD21	1:367:A:LEU:HB3	31	0.1
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD22	1:367:A:LEU:HB3	31	0.1
(1,3333)	1:307:A:LEU:HD23	1:367:A:LEU:HB3	31	0.1
(1,3316)	1:376:A:VAL:HG11	1:376:A:VAL:H	28	0.1
(1,3316)	1:376:A:VAL:HG12	1:376:A:VAL:H	28	0.1
(1,3316)	1:376:A:VAL:HG13	1:376:A:VAL:H	28	0.1
(1,3247)	1:256:A:GLU:HG2	1:256:A:GLU:HA	16	0.1
(1,3175)	1:223:A:TYR:HE1	1:256:A:GLU:HB2	28	0.1
(1,3175)	1:223:A:TYR:HE2	1:256:A:GLU:HB2	28	0.1
(1,3175)	1:223:A:TYR:HE1	1:256:A:GLU:HB2	30	0.1
(1,3175)	1:223:A:TYR:HE2	1:256:A:GLU:HB2	30	0.1
(1,3159)	1:279:A:LEU:HD11	1:303:A:PHE:HE1	13	0.1
(1,3159)	1:279:A:LEU:HD11	1:303:A:PHE:HE2	13	0.1
(1,3159)	1:279:A:LEU:HD12	1:303:A:PHE:HE1	13	0.1
(1,3159)	1:279:A:LEU:HD12	1:303:A:PHE:HE2	13	0.1
(1,3159)	1:279:A:LEU:HD13	1:303:A:PHE:HE1	13	0.1
(1,3159)	1:279:A:LEU:HD13	1:303:A:PHE:HE2	13	0.1
(1,3094)	1:199:A:GLU:HG3	1:196:A:ASP:HA	27	0.1
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD21	9	0.1
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD22	9	0.1
(1,3082)	1:289:A:GLU:HB2	1:306:A:LEU:HD23	9	0.1
(1,3067)	1:203:A:MET:HE1	1:213:A:PHE:HD1	33	0.1
(1,3067)	1:203:A:MET:HE1	1:213:A:PHE:HD2	33	0.1
(1,3067)	1:203:A:MET:HE2	1:213:A:PHE:HD1	33	0.1
(1,3067)	1:203:A:MET:HE2	1:213:A:PHE:HD2	33	0.1
(1,3067)	1:203:A:MET:HE3	1:213:A:PHE:HD1	33	0.1
(1,3067)	1:203:A:MET:HE3	1:213:A:PHE:HD2	33	0.1
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD13	28	0.1
(1,3021)	1:318:A:ILE:HG13	1:318:A:ILE:HD12	34	0.1
(1,3002)	1:409:A:LEU:HD11	1:406:A:GLU:H	24	0.1
(1,3002)	1:409:A:LEU:HD12	1:406:A:GLU:H	24	0.1
(1,3002)	1:409:A:LEU:HD13	1:406:A:GLU:H	24	0.1
(1,3002)	1:409:A:LEU:HD11	1:406:A:GLU:H	25	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3002)	1:409:A:LEU:HD12	1:406:A:GLU:H	25	0.1
(1,3002)	1:409:A:LEU:HD13	1:406:A:GLU:H	25	0.1
(1,2934)	1:383:A:SER:HB2	1:386:A:ALA:HB1	17	0.1
(1,2934)	1:383:A:SER:HB2	1:386:A:ALA:HB2	17	0.1
(1,2934)	1:383:A:SER:HB2	1:386:A:ALA:HB3	17	0.1
(1,2823)	1:293:A:ARG:HD3	1:294:A:THR:HG21	14	0.1
(1,2823)	1:293:A:ARG:HD3	1:294:A:THR:HG22	14	0.1
(1,2823)	1:293:A:ARG:HD3	1:294:A:THR:HG23	14	0.1
(1,2739)	1:371:A:VAL:HG11	1:373:A:LEU:HG	24	0.1
(1,2739)	1:371:A:VAL:HG12	1:373:A:LEU:HG	24	0.1
(1,2739)	1:371:A:VAL:HG13	1:373:A:LEU:HG	24	0.1
(1,2729)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HG	26	0.1
(1,2729)	1:284:A:MET:HE2	1:279:A:LEU:HB3	30	0.1
(1,2716)	1:222:A:LYS:HD2	1:223:A:TYR:H	14	0.1
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD11	1:340:A:GLN:HG2	8	0.1
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD12	1:340:A:GLN:HG2	8	0.1
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD13	1:340:A:GLN:HG2	8	0.1
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD11	1:340:A:GLN:HG2	19	0.1
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD12	1:340:A:GLN:HG2	19	0.1
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD13	1:340:A:GLN:HG2	19	0.1
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD11	1:340:A:GLN:HG2	31	0.1
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD12	1:340:A:GLN:HG2	31	0.1
(1,2573)	1:344:A:ILE:HD13	1:340:A:GLN:HG2	31	0.1
(1,2563)	1:281:A:LYS:HG2	1:281:A:LYS:HD3	10	0.1
(1,2527)	1:377:A:MET:HG2	1:377:A:MET:H	19	0.1
(1,2478)	1:333:A:LEU:HB3	1:334:A:GLU:HG2	32	0.1
(1,2436)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HE22	5	0.1
(1,2436)	1:272:A:ARG:HD3	1:269:A:GLN:HE22	14	0.1
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	8	0.1
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	25	0.1
(1,2433)	1:185:A:ASN:HB3	1:186:A:LEU:HB2	28	0.1
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG21	27	0.1
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG22	27	0.1
(1,2428)	1:203:A:MET:HE1	1:212:A:VAL:HG23	27	0.1
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG21	27	0.1
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG22	27	0.1
(1,2428)	1:203:A:MET:HE2	1:212:A:VAL:HG23	27	0.1
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG21	27	0.1
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG22	27	0.1
(1,2428)	1:203:A:MET:HE3	1:212:A:VAL:HG23	27	0.1
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG21	1:320:A:TRP:HE1	15	0.1
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG22	1:320:A:TRP:HE1	15	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG23	1:320:A:TRP:HE1	15	0.1
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG21	1:320:A:TRP:HE1	23	0.1
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG22	1:320:A:TRP:HE1	23	0.1
(1,2419)	1:372:A:VAL:HG23	1:320:A:TRP:HE1	23	0.1
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD2	1:189:A:ILE:HD11	29	0.1
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD2	1:189:A:ILE:HD12	29	0.1
(1,2372)	1:200:A:ARG:HD2	1:189:A:ILE:HD13	29	0.1
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:H	5	0.1
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:H	5	0.1
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:H	5	0.1
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG11	1:261:A:ASN:H	16	0.1
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG12	1:261:A:ASN:H	16	0.1
(1,2344)	1:233:A:VAL:HG13	1:261:A:ASN:H	16	0.1
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD11	1:317:A:LEU:HB2	23	0.1
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD12	1:317:A:LEU:HB2	23	0.1
(1,2254)	1:317:A:LEU:HD13	1:317:A:LEU:HB2	23	0.1
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG21	1:335:A:THR:HB	3	0.1
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG22	1:335:A:THR:HB	3	0.1
(1,2241)	1:230:A:ILE:HG23	1:335:A:THR:HB	3	0.1
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD11	1:319:A:SER:HG	20	0.1
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD12	1:319:A:SER:HG	20	0.1
(1,2222)	1:318:A:ILE:HD13	1:319:A:SER:HG	20	0.1
(1,2105)	1:272:A:ARG:HG2	1:272:A:ARG:HD2	5	0.1
(1,2105)	1:272:A:ARG:HG3	1:272:A:ARG:HD2	31	0.1
(1,2050)	1:280:A:THR:H	1:277:A:ASN:HD22	32	0.1
(1,1977)	1:380:A:LEU:H	1:384:A:ASN:HD21	21	0.1
(1,1944)	1:310:A:LEU:H	1:309:A:GLU:H	28	0.1
(1,1919)	1:282:A:GLU:H	1:280:A:THR:HG1	2	0.1
(1,1919)	1:282:A:GLU:H	1:280:A:THR:HG1	3	0.1
(1,1919)	1:282:A:GLU:H	1:280:A:THR:HG1	21	0.1
(1,1919)	1:282:A:GLU:H	1:280:A:THR:HG1	30	0.1
(1,1919)	1:282:A:GLU:H	1:280:A:THR:HG1	31	0.1
(1,1897)	1:334:A:GLU:H	1:337:A:MET:H	23	0.1
(1,1873)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HD11	11	0.1
(1,1873)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HD12	11	0.1
(1,1873)	1:410:A:ASN:HD21	1:409:A:LEU:HD13	11	0.1
(1,1790)	1:341:A:ASN:HD21	1:337:A:MET:HA	34	0.1
(1,1720)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HA	14	0.1
(1,1720)	1:205:A:ASP:H	1:203:A:MET:HA	16	0.1
(1,1700)	1:186:A:LEU:H	1:185:A:ASN:HA	22	0.1
(1,1658)	1:375:A:GLN:HE21	1:378:A:LYS:HB2	16	0.1
(1,1655)	1:421:A:LYS:H	1:422:A:ASP:HB3	14	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1611)	1:273:A:ASP:H	1:271:A:LEU:HB2	27	0.1
(1,1473)	1:232:A:ARG:H	1:232:A:ARG:HD2	18	0.1
(1,1469)	1:375:A:GLN:HE22	1:222:A:LYS:HG2	27	0.1
(1,1200)	1:356:A:VAL:H	1:360:A:PHE:HD2	8	0.1
(1,1114)	1:407:A:PHE:H	1:204:A:TYR:HD1	5	0.1
(1,1114)	1:407:A:PHE:H	1:204:A:TYR:HD2	5	0.1
(1,1110)	1:332:A:GLU:H	1:336:A:LYS:H	5	0.1
(1,1110)	1:332:A:GLU:H	1:336:A:LYS:H	33	0.1
(1,1034)	1:365:A:GLN:HE22	1:364:A:VAL:HA	3	0.1
(1,1017)	1:388:A:MET:H	1:382:A:TRP:HH2	16	0.1
(1,1017)	1:388:A:MET:H	1:382:A:TRP:HH2	18	0.1
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD21	19	0.1
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD22	19	0.1
(1,951)	1:320:A:TRP:HE1	1:209:A:LEU:HD23	19	0.1
(1,948)	1:221:A:GLU:H	1:220:A:VAL:HB	3	0.1
(1,881)	1:365:A:GLN:HE22	1:365:A:GLN:HG2	1	0.1
(1,881)	1:365:A:GLN:HE22	1:365:A:GLN:HG2	29	0.1
(1,835)	1:374:A:LYS:H	1:372:A:VAL:H	25	0.1
(1,772)	1:370:A:ASN:HD21	1:370:A:ASN:HA	35	0.1
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE1	7	0.1
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE2	7	0.1
(1,731)	1:375:A:GLN:HE22	1:377:A:MET:HE3	7	0.1
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	10	0.1
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	10	0.1
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	10	0.1
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG21	12	0.1
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG22	12	0.1
(1,706)	1:435:A:ILE:H	1:437:A:THR:HG23	12	0.1
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE1	8	0.1
(1,608)	1:403:A:ARG:H	1:407:A:PHE:HE2	8	0.1
(1,563)	1:446:A:ALA:H	1:446:A:ALA:HA	8	0.1
(1,563)	1:446:A:ALA:H	1:446:A:ALA:HA	21	0.1
(1,563)	1:446:A:ALA:H	1:446:A:ALA:HA	24	0.1
(1,563)	1:446:A:ALA:H	1:446:A:ALA:HA	29	0.1
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD11	10	0.1
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD12	10	0.1
(1,514)	1:410:A:ASN:HD22	1:412:A:LEU:HD13	10	0.1
(1,511)	1:295:A:THR:H	1:299:A:LYS:HE2	30	0.1
(1,483)	1:375:A:GLN:HE21	1:377:A:MET:HE1	17	0.1
(1,483)	1:375:A:GLN:HE21	1:377:A:MET:HE2	17	0.1
(1,483)	1:375:A:GLN:HE21	1:377:A:MET:HE3	17	0.1
(1,472)	1:246:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD21	2	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,472)	1:246:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD22	2	0.1
(1,472)	1:246:A:ALA:H	1:243:A:LEU:HD23	2	0.1
(1,444)	1:294:A:THR:H	1:293:A:ARG:HB3	16	0.1
(1,388)	1:226:A:LYS:H	1:226:A:LYS:HB2	29	0.1
(1,332)	1:375:A:GLN:HE21	1:218:A:ASP:HA	33	0.1
(1,258)	1:361:A:PHE:H	1:359:A:VAL:HB	9	0.1
(1,198)	1:292:A:GLY:H	1:303:A:PHE:HE1	25	0.1
(1,198)	1:292:A:GLY:H	1:303:A:PHE:HE2	25	0.1
(1,184)	1:438:A:ALA:H	1:442:A:LYS:HG3	15	0.1

10 Dihedral-angle violation analysis

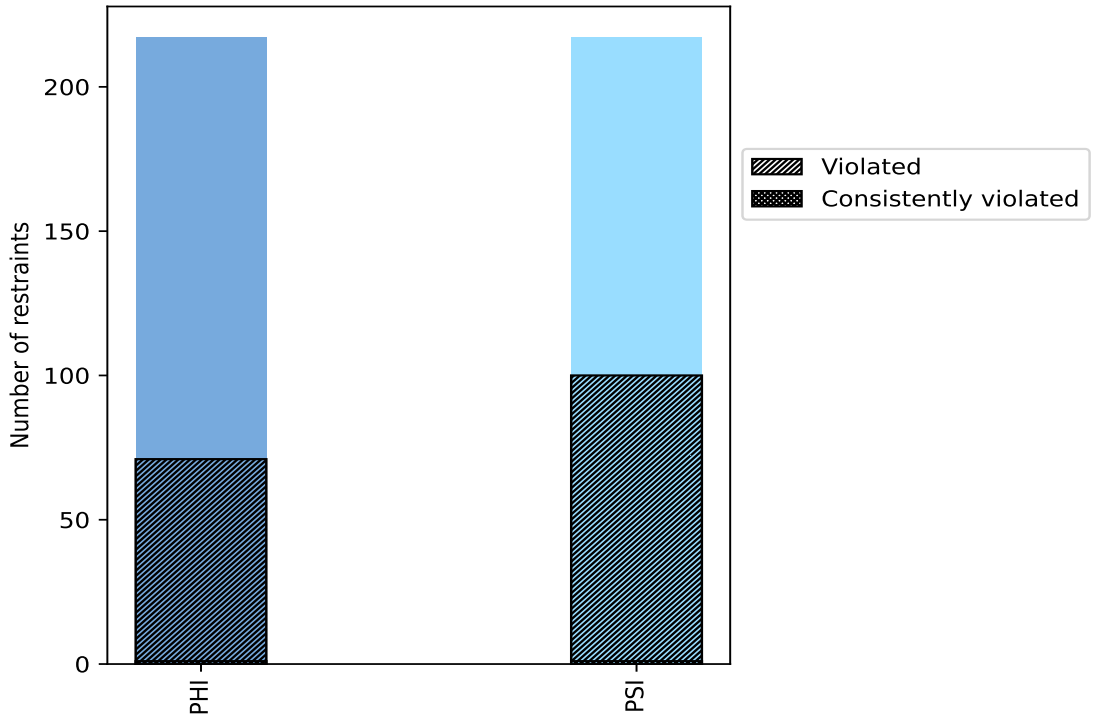
10.1 Summary of dihedral-angle violations

The following table provides the summary of dihedral-angle violations in different dihedral-angle types. Violations less than 1° are not included in the calculation.

Angle type	Count	%[1]	Violated[3]			Consistently Violated[4]		
			Count	%[2]	%[1]	Count	%[2]	%[1]
PHI	217	50.0	71	32.7	16.4	1	0.5	0.2
PSI	217	50.0	100	46.1	23.0	1	0.5	0.2
Total	434	100.0	171	39.4	39.4	2	0.5	0.5

[1] percentage calculated with respect to total number of dihedral-angle restraints, [2] percentage calculated with respect to number of restraints in a particular dihedral-angle type, [3] violated in at least one model, [4] violated in all the models

10.1.1 Bar chart : Distribution of dihedral-angles and violations



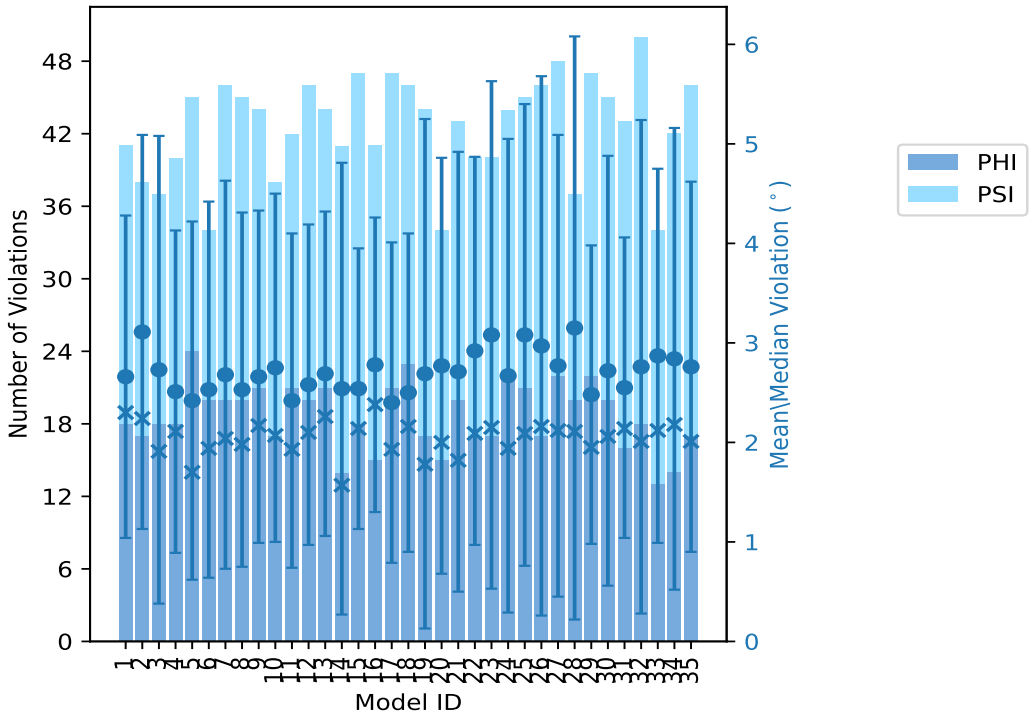
Violated and consistently violated restraints are shown using different hatch patterns in their respective categories

10.2 Dihedral-angle violation statistics for each model (i)

The following table provides the dihedral-angle violation statistics for each model in the ensemble. Violations less than 1° are not included in the statistics.

Model ID	Number of violations			Mean (°)	Max (°)	SD (°)	Median (°)
	PHI	PSI	Total				
1	18	23	41	2.66	9.47	1.62	2.3
2	17	21	38	3.11	8.68	1.98	2.24
3	18	19	37	2.73	12.29	2.35	1.91
4	18	22	40	2.51	10.09	1.62	2.11
5	24	21	45	2.42	10.68	1.8	1.7
6	20	14	34	2.53	10.41	1.89	1.94
7	20	26	46	2.68	12.39	1.95	2.04
8	20	25	45	2.53	9.73	1.78	1.98
9	21	23	44	2.66	8.4	1.67	2.17
10	17	21	38	2.75	9.57	1.75	2.07
11	21	21	42	2.42	9.88	1.68	1.93
12	20	26	46	2.58	8.65	1.61	2.1
13	21	23	44	2.69	9.63	1.63	2.26
14	14	27	41	2.54	11.11	2.27	1.57
15	18	29	47	2.54	8.48	1.41	2.14
16	15	26	41	2.78	7.68	1.48	2.38
17	21	26	47	2.4	10.59	1.61	1.93
18	23	23	46	2.5	9.81	1.6	2.16
19	17	27	44	2.69	14.43	2.56	1.78
20	15	19	34	2.77	11.85	2.09	2.0
21	20	23	43	2.71	11.19	2.21	1.82
22	17	23	40	2.92	8.65	1.95	2.09
23	17	23	40	3.08	13.99	2.55	2.15
24	22	22	44	2.67	14.26	2.38	1.94
25	21	24	45	3.08	11.98	2.32	2.09
26	17	29	46	2.97	17.97	2.71	2.16
27	22	26	48	2.77	12.0	2.32	2.12
28	20	17	37	3.15	17.0	2.93	2.11
29	22	25	47	2.48	8.2	1.5	1.95
30	20	25	45	2.72	12.83	2.16	2.06
31	16	27	43	2.55	9.31	1.51	2.14
32	18	32	50	2.76	14.8	2.48	2.01
33	13	21	34	2.87	8.39	1.88	2.12
34	14	28	42	2.84	14.18	2.32	2.18
35	17	29	46	2.76	9.49	1.86	2.01

10.2.1 Bar graph : Dihedral violation statistics for each model



The mean(dot),median(x) and the standard deviation are shown in blue with respect to the y axis on the right

10.3 Dihedral-angle violation statistics for the ensemble

Violation analysis may find that some restraints are violated in very few models and some are violated in most of models. The following table provides this information as number of violated restraints for a given fraction of ensemble.

Number of violated restraints			Fraction of the ensemble	
PHI	PSI	Total	Count[1]	%
19	22	41	1	2.9
7	14	21	2	5.7
8	10	18	3	8.6
4	2	6	4	11.4
1	5	6	5	14.3
1	4	5	6	17.1
5	4	9	7	20.0
1	4	5	8	22.9
2	5	7	9	25.7
0	1	1	10	28.6
1	4	5	11	31.4

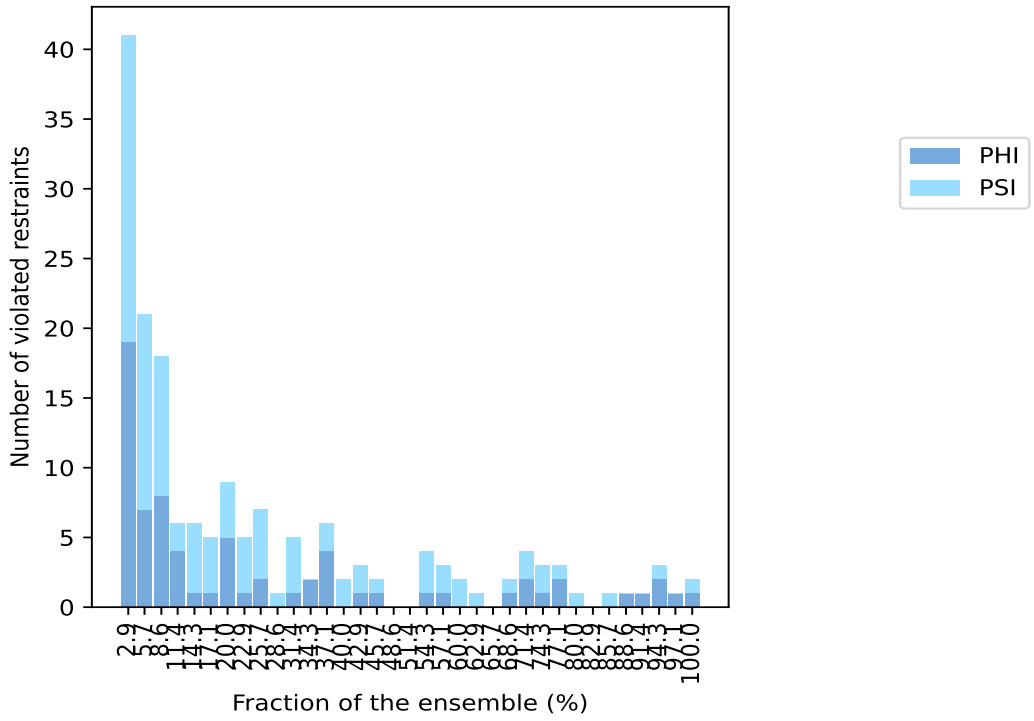
Continued on next page...

Continued from previous page...

Number of violated restraints			Fraction of the ensemble	
PHI	PSI	Total	Count[1]	%
2	0	2	12	34.3
4	2	6	13	37.1
0	2	2	14	40.0
1	2	3	15	42.9
1	1	2	16	45.7
0	0	0	17	48.6
0	0	0	18	51.4
1	3	4	19	54.3
1	2	3	20	57.1
0	2	2	21	60.0
0	1	1	22	62.9
0	0	0	23	65.7
1	1	2	24	68.6
2	2	4	25	71.4
1	2	3	26	74.3
2	1	3	27	77.1
0	1	1	28	80.0
0	0	0	29	82.9
0	1	1	30	85.7
1	0	1	31	88.6
1	0	1	32	91.4
2	1	3	33	94.3
1	0	1	34	97.1
1	1	2	35	100.0

[1] Number of models with violations

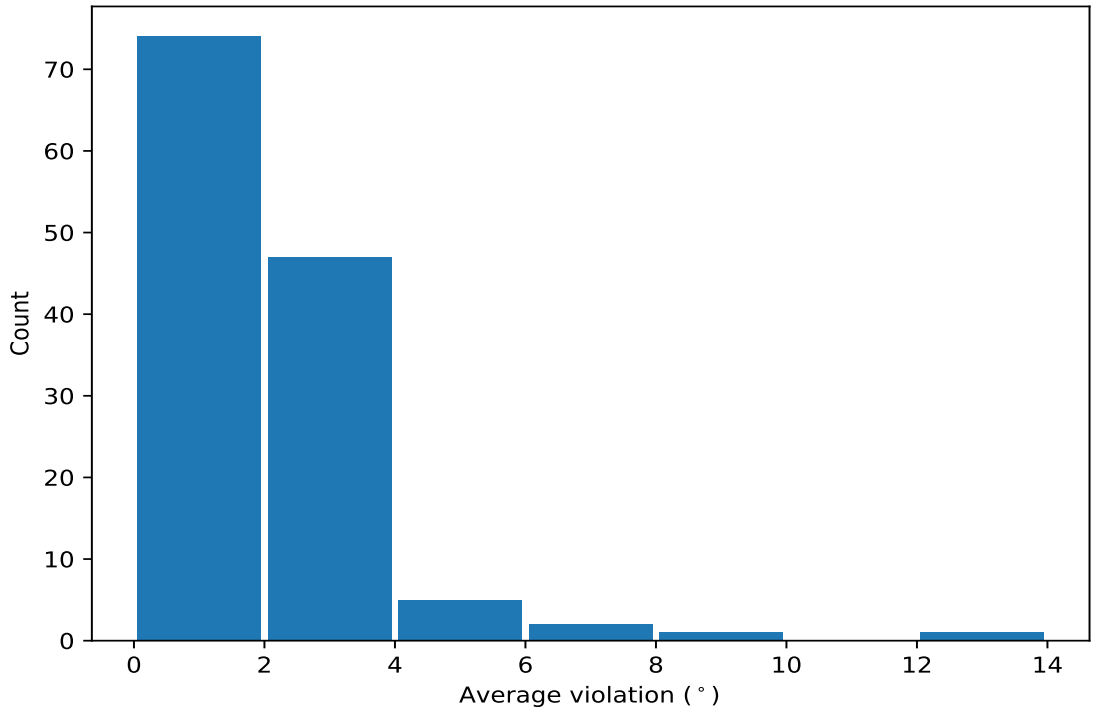
10.3.1 Bar graph : Dihedral-angle Violation statistics for the ensemble



10.4 Most violated dihedral-angle restraints in the ensemble

10.4.1 Histogram : Distribution of mean dihedral-angle violations

The following histogram shows the distribution of the average value of the violation. The average is calculated for each restraint that is violated in more than one model over all the violated models in the ensemble



10.4.2 Table: Most violated dihedral-angle restraints

The following table provides the mean and the standard deviation of the violation for each restraint sorted by number of violated models and the mean value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models[1]	Mean	SD[2]	Median
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	35	9.19	1.11	9.33
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	35	5.07	1.28	5.21
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	34	3.85	1.14	3.76
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	33	5.42	1.13	5.47
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	33	3.7	1.15	3.55
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	33	2.74	0.94	2.46
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	32	1.96	0.6	1.87
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	31	3.33	1.08	3.2
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	30	2.15	0.7	2.14
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	28	2.39	0.7	2.53
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	27	4.08	1.93	3.73
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	27	2.06	0.71	2.04
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	27	1.74	0.43	1.69
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	26	3.05	1.82	2.47
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	26	1.98	0.64	1.9
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	26	1.76	0.82	1.58
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	25	2.67	0.87	2.65
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	25	2.34	0.73	2.18
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	25	1.98	0.71	1.84
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	25	1.87	0.62	1.83
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	24	3.92	1.19	3.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models[1]	Mean	SD[2]	Median
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	24	2.08	0.88	1.96
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	22	2.34	1.04	2.5
(1,22)	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	1:202:A:MET:N	21	3.2	2.17	2.08
(1,368)	1:409:A:LEU:N	1:409:A:LEU:CA	1:409:A:LEU:C	1:410:A:ASN:N	21	1.58	0.5	1.33
(1,193)	1:303:A:PHE:C	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	20	2.25	0.78	2.09
(1,116)	1:260:A:PRO:N	1:260:A:PRO:CA	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	20	1.63	0.42	1.58
(1,200)	1:307:A:LEU:N	1:307:A:LEU:CA	1:307:A:LEU:C	1:308:A:LYS:N	20	1.53	0.4	1.4
(1,108)	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	19	2.35	0.96	2.21
(1,324)	1:375:A:GLN:N	1:375:A:GLN:CA	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	19	2.21	0.85	2.01
(1,46)	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	1:219:A:TYR:N	19	1.87	0.84	1.75
(1,151)	1:280:A:THR:C	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	19	1.63	0.38	1.62
(1,287)	1:352:A:ILE:C	1:353:A:SER:N	1:353:A:SER:CA	1:353:A:SER:C	16	2.07	0.68	2.09
(1,356)	1:403:A:ARG:N	1:403:A:ARG:CA	1:403:A:ARG:C	1:404:A:ARG:N	16	1.84	0.47	1.94
(1,256)	1:335:A:THR:N	1:335:A:THR:CA	1:335:A:THR:C	1:336:A:LYS:N	15	13.15	2.66	12.83
(1,280)	1:349:A:THR:N	1:349:A:THR:CA	1:349:A:THR:C	1:350:A:VAL:N	15	2.38	0.81	2.22
(1,191)	1:302:A:GLU:C	1:303:A:PHE:N	1:303:A:PHE:CA	1:303:A:PHE:C	15	1.48	0.46	1.32
(1,64)	1:228:A:GLU:N	1:228:A:GLU:CA	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	14	4.78	2.59	5.75
(1,384)	1:417:A:GLN:N	1:417:A:GLN:CA	1:417:A:GLN:C	1:418:A:GLY:N	14	1.44	0.34	1.4
(1,310)	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	1:366:A:GLU:N	13	3.92	0.59	3.88
(1,325)	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	13	2.78	1.11	2.74
(1,309)	1:364:A:VAL:C	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	13	2.76	0.66	2.59
(1,141)	1:272:A:ARG:C	1:273:A:ASP:N	1:273:A:ASP:CA	1:273:A:ASP:C	13	2.53	0.79	2.77
(1,338)	1:394:A:THR:N	1:394:A:THR:CA	1:394:A:THR:C	1:395:A:GLN:N	13	2.13	0.95	1.98
(1,65)	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	1:229:A:GLY:CA	1:229:A:GLY:C	13	2.09	0.6	1.97
(1,85)	1:241:A:ASP:C	1:242:A:GLU:N	1:242:A:GLU:CA	1:242:A:GLU:C	12	1.55	0.28	1.54
(1,415)	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	1:435:A:ILE:CA	1:435:A:ILE:C	12	1.45	0.35	1.33
(1,377)	1:413:A:HIS:C	1:414:A:ARG:N	1:414:A:ARG:CA	1:414:A:ARG:C	11	1.85	0.52	1.89
(1,312)	1:366:A:GLU:N	1:366:A:GLU:CA	1:366:A:GLU:C	1:367:A:LEU:N	11	1.66	0.3	1.72
(1,132)	1:268:A:LYS:N	1:268:A:LYS:CA	1:268:A:LYS:C	1:269:A:GLN:N	11	1.65	0.27	1.59
(1,146)	1:276:A:GLU:N	1:276:A:GLU:CA	1:276:A:GLU:C	1:277:A:ASN:N	11	1.59	0.38	1.62
(1,130)	1:267:A:LEU:N	1:267:A:LEU:CA	1:267:A:LEU:C	1:268:A:LYS:N	11	1.28	0.23	1.18
(1,372)	1:411:A:CYS:N	1:411:A:CYS:CA	1:411:A:CYS:C	1:412:A:LEU:N	10	1.88	0.84	1.62
(1,100)	1:249:A:ARG:N	1:249:A:ARG:CA	1:249:A:ARG:C	1:250:A:GLU:N	9	3.53	1.77	2.54
(1,94)	1:246:A:ALA:N	1:246:A:ALA:CA	1:246:A:ALA:C	1:247:A:TYR:N	9	3.0	1.41	3.46
(1,134)	1:269:A:GLN:N	1:269:A:GLN:CA	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	9	2.22	1.03	1.91
(1,69)	1:231:A:TYR:C	1:232:A:ARG:N	1:232:A:ARG:CA	1:232:A:ARG:C	9	2.04	0.59	1.96
(1,31)	1:210:A:PRO:C	1:211:A:ALA:N	1:211:A:ALA:CA	1:211:A:ALA:C	9	1.73	0.48	1.53
(1,414)	1:434:A:ARG:N	1:434:A:ARG:CA	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	9	1.59	0.46	1.53
(1,194)	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	1:305:A:ARG:N	9	1.52	0.41	1.37
(1,56)	1:223:A:TYR:N	1:223:A:TYR:CA	1:223:A:TYR:C	1:224:A:GLY:N	8	2.77	1.52	2.54
(1,2)	1:188:A:PRO:N	1:188:A:PRO:CA	1:188:A:PRO:C	1:189:A:ILE:N	8	2.49	0.96	2.37
(1,278)	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	1:349:A:THR:N	8	2.4	0.86	2.28
(1,45)	1:217:A:ILE:C	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	8	1.89	0.98	1.6
(1,376)	1:413:A:HIS:N	1:413:A:HIS:CA	1:413:A:HIS:C	1:414:A:ARG:N	8	1.51	0.22	1.5
(1,58)	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	1:226:A:LYS:N	7	3.64	1.07	3.37
(1,67)	1:230:A:ILE:C	1:231:A:TYR:N	1:231:A:TYR:CA	1:231:A:TYR:C	7	3.17	1.1	3.55
(1,329)	1:377:A:MET:C	1:378:A:LYS:N	1:378:A:LYS:CA	1:378:A:LYS:C	7	1.98	0.84	1.73
(1,107)	1:254:A:ASN:C	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	7	1.95	0.51	2.0
(1,303)	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	1:362:A:THR:CA	1:362:A:THR:C	7	1.75	0.75	1.39
(1,6)	1:193:A:PRO:N	1:193:A:PRO:CA	1:193:A:PRO:C	1:194:A:LEU:N	7	1.65	0.55	1.56
(1,292)	1:356:A:VAL:N	1:356:A:VAL:CA	1:356:A:VAL:C	1:357:A:LEU:N	7	1.64	0.48	1.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models[1]	Mean	SD[2]	Median
(1,168)	1:290:A:ALA:N	1:290:A:ALA:CA	1:290:A:ALA:C	1:291:A:CYS:N	7	1.61	0.53	1.39
(1,217)	1:315:A:TYR:C	1:316:A:LEU:N	1:316:A:LEU:CA	1:316:A:LEU:C	7	1.53	0.26	1.57
(1,393)	1:423:A:LEU:C	1:424:A:SER:N	1:424:A:SER:CA	1:424:A:SER:C	6	2.5	0.73	2.56
(1,398)	1:426:A:GLU:N	1:426:A:GLU:CA	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	6	1.83	0.26	1.78
(1,408)	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	1:432:A:VAL:N	6	1.45	0.24	1.4
(1,52)	1:221:A:GLU:N	1:221:A:GLU:CA	1:221:A:GLU:C	1:222:A:LYS:N	6	1.45	0.23	1.35
(1,176)	1:295:A:THR:N	1:295:A:THR:CA	1:295:A:THR:C	1:296:A:GLU:N	6	1.38	0.32	1.28
(1,60)	1:226:A:LYS:N	1:226:A:LYS:CA	1:226:A:LYS:C	1:227:A:CYS:N	5	4.01	1.31	4.04
(1,102)	1:252:A:SER:N	1:252:A:SER:CA	1:252:A:SER:C	1:253:A:THR:N	5	2.32	1.41	1.52
(1,117)	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	1:261:A:ASN:CA	1:261:A:ASN:C	5	1.88	0.64	1.8
(1,388)	1:421:A:LYS:N	1:421:A:LYS:CA	1:421:A:LYS:C	1:422:A:ASP:N	5	1.57	0.31	1.5
(1,208)	1:311:A:PRO:N	1:311:A:PRO:CA	1:311:A:PRO:C	1:312:A:GLU:N	5	1.51	0.32	1.54
(1,252)	1:333:A:LEU:N	1:333:A:LEU:CA	1:333:A:LEU:C	1:334:A:GLU:N	5	1.46	0.48	1.17
(1,380)	1:415:A:ASP:N	1:415:A:ASP:CA	1:415:A:ASP:C	1:416:A:LEU:N	4	1.7	0.32	1.79
(1,97)	1:247:A:TYR:C	1:248:A:ASP:N	1:248:A:ASP:CA	1:248:A:ASP:C	4	1.61	0.36	1.72
(1,18)	1:199:A:GLU:N	1:199:A:GLU:CA	1:199:A:GLU:C	1:200:A:ARG:N	4	1.38	0.48	1.18
(1,95)	1:246:A:ALA:C	1:247:A:TYR:N	1:247:A:TYR:CA	1:247:A:TYR:C	4	1.37	0.13	1.38
(1,23)	1:204:A:TYR:C	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	4	1.18	0.09	1.22
(1,395)	1:424:A:SER:C	1:425:A:LYS:N	1:425:A:LYS:CA	1:425:A:LYS:C	4	1.13	0.1	1.1
(1,59)	1:225:A:MET:C	1:226:A:LYS:N	1:226:A:LYS:CA	1:226:A:LYS:C	3	7.51	0.07	7.52
(1,203)	1:308:A:LYS:C	1:309:A:GLU:N	1:309:A:GLU:CA	1:309:A:GLU:C	3	3.96	0.77	3.74
(1,109)	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	1:256:A:GLU:CA	1:256:A:GLU:C	3	3.09	1.0	3.16
(1,80)	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	1:240:A:VAL:N	3	2.8	1.36	3.09
(1,30)	1:210:A:PRO:N	1:210:A:PRO:CA	1:210:A:PRO:C	1:211:A:ALA:N	3	2.69	0.94	2.85
(1,332)	1:379:A:PRO:N	1:379:A:PRO:CA	1:379:A:PRO:C	1:380:A:LEU:N	3	2.67	1.0	2.49
(1,349)	1:399:A:LYS:C	1:400:A:GLU:N	1:400:A:GLU:CA	1:400:A:GLU:C	3	2.29	0.76	2.29
(1,358)	1:404:A:ARG:N	1:404:A:ARG:CA	1:404:A:ARG:C	1:405:A:GLN:N	3	2.05	0.42	2.13
(1,336)	1:393:A:GLU:N	1:393:A:GLU:CA	1:393:A:GLU:C	1:394:A:THR:N	3	1.96	0.83	1.67
(1,348)	1:399:A:LYS:N	1:399:A:LYS:CA	1:399:A:LYS:C	1:400:A:GLU:N	3	1.94	0.52	2.06
(1,402)	1:428:A:ARG:N	1:428:A:ARG:CA	1:428:A:ARG:C	1:429:A:LEU:N	3	1.77	0.28	1.6
(1,373)	1:411:A:CYS:C	1:412:A:LEU:N	1:412:A:LEU:CA	1:412:A:LEU:C	3	1.75	0.83	1.32
(1,396)	1:425:A:LYS:N	1:425:A:LYS:CA	1:425:A:LYS:C	1:426:A:GLU:N	3	1.4	0.12	1.45
(1,91)	1:244:A:LYS:C	1:245:A:ALA:N	1:245:A:ALA:CA	1:245:A:ALA:C	3	1.39	0.27	1.37
(1,26)	1:206:A:GLY:N	1:206:A:GLY:CA	1:206:A:GLY:C	1:207:A:ILE:N	3	1.37	0.31	1.25
(1,218)	1:316:A:LEU:N	1:316:A:LEU:CA	1:316:A:LEU:C	1:317:A:LEU:N	3	1.37	0.34	1.27
(1,375)	1:412:A:LEU:C	1:413:A:HIS:N	1:413:A:HIS:CA	1:413:A:HIS:C	3	1.32	0.16	1.33
(1,41)	1:215:A:GLU:C	1:216:A:CYS:N	1:216:A:CYS:CA	1:216:A:CYS:C	3	1.26	0.16	1.32
(1,282)	1:350:A:VAL:N	1:350:A:VAL:CA	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	2	6.12	0.84	6.12
(1,21)	1:200:A:ARG:C	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	2	2.46	0.29	2.46
(1,98)	1:248:A:ASP:N	1:248:A:ASP:CA	1:248:A:ASP:C	1:249:A:ARG:N	2	2.13	0.55	2.13
(1,186)	1:300:A:VAL:N	1:300:A:VAL:CA	1:300:A:VAL:C	1:301:A:GLN:N	2	2.1	0.24	2.1
(1,54)	1:222:A:LYS:N	1:222:A:LYS:CA	1:222:A:LYS:C	1:223:A:TYR:N	2	2.08	0.59	2.08
(1,140)	1:272:A:ARG:N	1:272:A:ARG:CA	1:272:A:ARG:C	1:273:A:ASP:N	2	1.91	0.23	1.91
(1,84)	1:241:A:ASP:N	1:241:A:ASP:CA	1:241:A:ASP:C	1:242:A:GLU:N	2	1.73	0.62	1.73
(1,250)	1:332:A:GLU:N	1:332:A:GLU:CA	1:332:A:GLU:C	1:333:A:LEU:N	2	1.66	0.08	1.66
(1,66)	1:229:A:GLY:N	1:229:A:GLY:CA	1:229:A:GLY:C	1:230:A:ILE:N	2	1.6	0.31	1.6
(1,16)	1:198:A:VAL:N	1:198:A:VAL:CA	1:198:A:VAL:C	1:199:A:GLU:N	2	1.59	0.11	1.59
(1,242)	1:328:A:VAL:N	1:328:A:VAL:CA	1:328:A:VAL:C	1:329:A:ILE:N	2	1.58	0.05	1.58
(1,273)	1:345:A:VAL:C	1:346:A:LEU:N	1:346:A:LEU:CA	1:346:A:LEU:C	2	1.56	0.1	1.56
(1,236)	1:325:A:MET:N	1:325:A:MET:CA	1:325:A:MET:C	1:326:A:ASP:N	2	1.54	0.52	1.54
(1,10)	1:195:A:ALA:N	1:195:A:ALA:CA	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	2	1.49	0.49	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

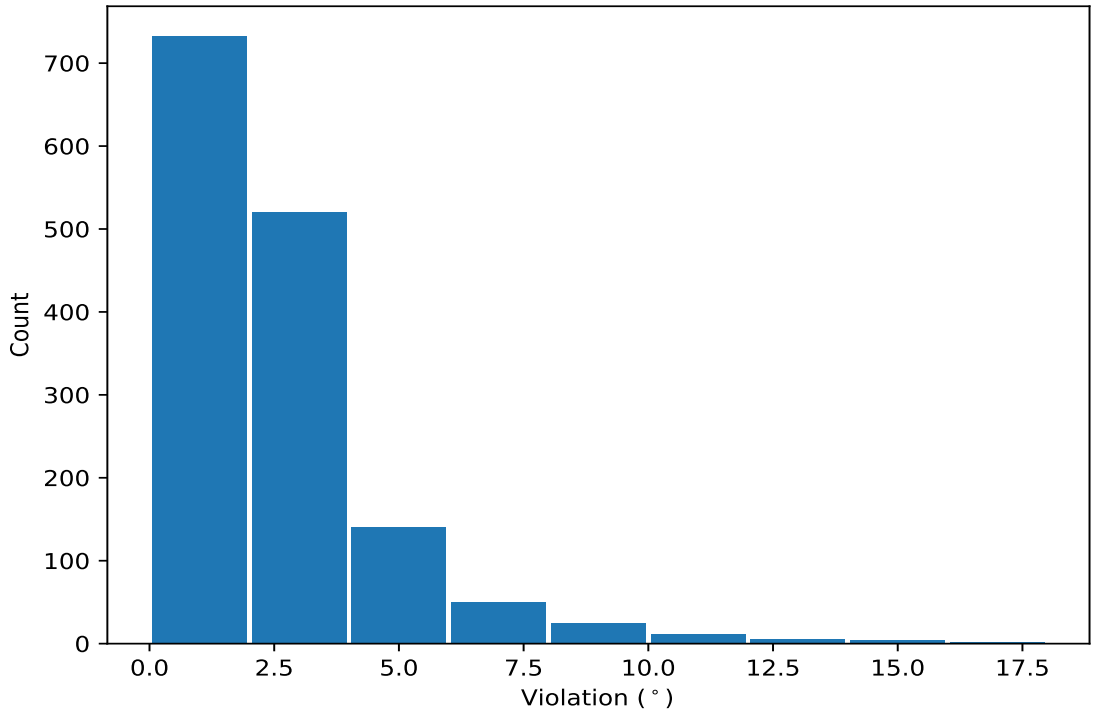
Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models[1]	Mean	SD[2]	Median
(1,343)	1:396:A:ALA:C	1:397:A:GLY:N	1:397:A:GLY:CA	1:397:A:GLY:C	2	1.44	0.08	1.44
(1,152)	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	1:282:A:GLU:N	2	1.38	0.28	1.38
(1,181)	1:297:A:THR:C	1:298:A:GLU:N	1:298:A:GLU:CA	1:298:A:GLU:C	2	1.34	0.11	1.34
(1,190)	1:302:A:GLU:N	1:302:A:GLU:CA	1:302:A:GLU:C	1:303:A:PHE:N	2	1.25	0.1	1.25
(1,197)	1:305:A:ARG:C	1:306:A:LEU:N	1:306:A:LEU:CA	1:306:A:LEU:C	2	1.24	0.09	1.24
(1,371)	1:410:A:ASN:C	1:411:A:CYS:N	1:411:A:CYS:CA	1:411:A:CYS:C	2	1.2	0.12	1.2
(1,157)	1:284:A:MET:C	1:285:A:PRO:N	1:285:A:PRO:CA	1:285:A:PRO:C	2	1.06	0.05	1.06

[1] Number of violated models, [2]Standard deviation, All angle values are in degree (°)

10.5 All violated dihedral-angle restraints

10.5.1 Histogram : Distribution of violations

The following histogram shows the distribution of the absolute value of the violation for all violated restraints in the ensemble.



10.5.2 Table: All violated dihedral-angle restraints

The following table lists the absolute value of the violation for each restraint in the ensemble sorted by its value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,256)	1:335:A:THR:N	1:335:A:THR:CA	1:335:A:THR:C	1:336:A:LYS:N	26	17.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,256)	1:335:A:THR:N	1:335:A:THR:CA	1:335:A:THR:C	1:336:A:LYS:N	28	17.0
(1,256)	1:335:A:THR:N	1:335:A:THR:CA	1:335:A:THR:C	1:336:A:LYS:N	32	14.8
(1,256)	1:335:A:THR:N	1:335:A:THR:CA	1:335:A:THR:C	1:336:A:LYS:N	19	14.43
(1,256)	1:335:A:THR:N	1:335:A:THR:CA	1:335:A:THR:C	1:336:A:LYS:N	24	14.26
(1,256)	1:335:A:THR:N	1:335:A:THR:CA	1:335:A:THR:C	1:336:A:LYS:N	34	14.18
(1,256)	1:335:A:THR:N	1:335:A:THR:CA	1:335:A:THR:C	1:336:A:LYS:N	23	13.99
(1,256)	1:335:A:THR:N	1:335:A:THR:CA	1:335:A:THR:C	1:336:A:LYS:N	30	12.83
(1,256)	1:335:A:THR:N	1:335:A:THR:CA	1:335:A:THR:C	1:336:A:LYS:N	7	12.39
(1,256)	1:335:A:THR:N	1:335:A:THR:CA	1:335:A:THR:C	1:336:A:LYS:N	3	12.29
(1,256)	1:335:A:THR:N	1:335:A:THR:CA	1:335:A:THR:C	1:336:A:LYS:N	27	12.0
(1,256)	1:335:A:THR:N	1:335:A:THR:CA	1:335:A:THR:C	1:336:A:LYS:N	25	11.98
(1,256)	1:335:A:THR:N	1:335:A:THR:CA	1:335:A:THR:C	1:336:A:LYS:N	20	11.85
(1,256)	1:335:A:THR:N	1:335:A:THR:CA	1:335:A:THR:C	1:336:A:LYS:N	21	11.19
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	14	11.11
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	32	10.79
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	5	10.68
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	17	10.59
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	21	10.56
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	3	10.52
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	27	10.46
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	6	10.41
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	4	10.09
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	11	9.88
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	18	9.81
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	8	9.73
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	28	9.68
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	13	9.63
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	10	9.57
(1,64)	1:228:A:GLU:N	1:228:A:GLU:CA	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	14	9.51
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	35	9.49
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	1	9.47
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	30	9.33
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	31	9.31
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	2	8.68
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	12	8.65
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	22	8.65
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	24	8.64
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	25	8.59
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	15	8.48
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	34	8.44
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	9	8.4
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	33	8.39
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	19	8.28
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	27	8.24
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	29	8.2
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	23	8.03
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	14	8.02
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	7	7.83
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	16	7.68
(1,22)	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	1:202:A:MET:N	25	7.66
(1,59)	1:225:A:MET:C	1:226:A:LYS:N	1:226:A:LYS:CA	1:226:A:LYS:C	26	7.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,64)	1:228:A:GLU:N	1:228:A:GLU:CA	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	2	7.57
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	25	7.57
(1,59)	1:225:A:MET:C	1:226:A:LYS:N	1:226:A:LYS:CA	1:226:A:LYS:C	23	7.52
(1,22)	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	1:202:A:MET:N	8	7.44
(1,59)	1:225:A:MET:C	1:226:A:LYS:N	1:226:A:LYS:CA	1:226:A:LYS:C	35	7.43
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	26	7.36
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	23	7.26
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	19	7.1
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	28	6.99
(1,282)	1:350:A:VAL:N	1:350:A:VAL:CA	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	33	6.96
(1,64)	1:228:A:GLU:N	1:228:A:GLU:CA	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	19	6.96
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	23	6.94
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	13	6.85
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	19	6.77
(1,64)	1:228:A:GLU:N	1:228:A:GLU:CA	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	8	6.7
(1,64)	1:228:A:GLU:N	1:228:A:GLU:CA	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	22	6.68
(1,100)	1:249:A:ARG:N	1:249:A:ARG:CA	1:249:A:ARG:C	1:250:A:GLU:N	9	6.67
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	24	6.6
(1,22)	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	1:202:A:MET:N	21	6.6
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	2	6.57
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	12	6.57
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	22	6.55
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	27	6.49
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	34	6.43
(1,100)	1:249:A:ARG:N	1:249:A:ARG:CA	1:249:A:ARG:C	1:250:A:GLU:N	32	6.41
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	32	6.38
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	11	6.37
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	9	6.36
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	14	6.34
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	22	6.33
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	33	6.29
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	13	6.27
(1,295)	1:357:A:LEU:C	1:358:A:TYR:N	1:358:A:TYR:CA	1:358:A:TYR:C	20	6.24
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	22	6.23
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	2	6.22
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	35	6.2
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	8	6.19
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	19	6.19
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	29	6.17
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	17	6.14
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	30	6.13
(1,64)	1:228:A:GLU:N	1:228:A:GLU:CA	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	18	6.1
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	12	6.08
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	20	6.07
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	24	6.07
(1,256)	1:335:A:THR:N	1:335:A:THR:CA	1:335:A:THR:C	1:336:A:LYS:N	2	6.02
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	10	5.99
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	33	5.97
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	4	5.96
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	6	5.94
(1,56)	1:223:A:TYR:N	1:223:A:TYR:CA	1:223:A:TYR:C	1:224:A:GLY:N	28	5.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,64)	1:228:A:GLU:N	1:228:A:GLU:CA	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	25	5.9
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	16	5.85
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	18	5.8
(1,22)	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	1:202:A:MET:N	22	5.78
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	25	5.74
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	5	5.7
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	7	5.62
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	16	5.61
(1,64)	1:228:A:GLU:N	1:228:A:GLU:CA	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	6	5.6
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	25	5.59
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	5	5.59
(1,60)	1:226:A:LYS:N	1:226:A:LYS:CA	1:226:A:LYS:C	1:227:A:CYS:N	35	5.58
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	12	5.56
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	25	5.56
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	2	5.55
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	35	5.51
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	15	5.51
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	10	5.51
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	21	5.51
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	28	5.51
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	4	5.47
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	32	5.44
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	20	5.44
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	15	5.44
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	22	5.43
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	5	5.36
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	3	5.36
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	35	5.34
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	16	5.34
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	8	5.33
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	31	5.33
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	22	5.32
(1,382)	1:416:A:LEU:N	1:416:A:LEU:CA	1:416:A:LEU:C	1:417:A:GLN:N	5	5.29
(1,282)	1:350:A:VAL:N	1:350:A:VAL:CA	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	10	5.28
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	26	5.27
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	33	5.26
(1,60)	1:226:A:LYS:N	1:226:A:LYS:CA	1:226:A:LYS:C	1:227:A:CYS:N	26	5.26
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	29	5.26
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	30	5.25
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	1	5.24
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	23	5.23
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	9	5.21
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	7	5.2
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	17	5.2
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	28	5.18
(1,22)	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	1:202:A:MET:N	3	5.14
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	10	5.1
(1,22)	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	1:202:A:MET:N	34	5.08
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	11	5.07
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	20	5.07
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	35	5.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	2	5.02
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	31	5.02
(1,203)	1:308:A:LYS:C	1:309:A:GLU:N	1:309:A:GLU:CA	1:309:A:GLU:C	1	5.0
(1,108)	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	27	4.96
(1,58)	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	1:226:A:LYS:N	35	4.95
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	9	4.94
(1,102)	1:252:A:SER:N	1:252:A:SER:CA	1:252:A:SER:C	1:253:A:THR:N	2	4.92
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	21	4.9
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	29	4.86
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	1	4.85
(1,338)	1:394:A:THR:N	1:394:A:THR:CA	1:394:A:THR:C	1:395:A:GLN:N	21	4.83
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	3	4.83
(1,310)	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	1:366:A:GLU:N	11	4.82
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	2	4.79
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	18	4.78
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	25	4.77
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	12	4.76
(1,325)	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	30	4.74
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	9	4.74
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	2	4.74
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	21	4.73
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	29	4.72
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	14	4.71
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	9	4.69
(1,94)	1:246:A:ALA:N	1:246:A:ALA:CA	1:246:A:ALA:C	1:247:A:TYR:N	2	4.69
(1,46)	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	1:219:A:TYR:N	27	4.69
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	1	4.67
(1,67)	1:230:A:ILE:C	1:231:A:TYR:N	1:231:A:TYR:CA	1:231:A:TYR:C	26	4.67
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	5	4.67
(1,58)	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	1:226:A:LYS:N	33	4.66
(1,94)	1:246:A:ALA:N	1:246:A:ALA:CA	1:246:A:ALA:C	1:247:A:TYR:N	24	4.63
(1,58)	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	1:226:A:LYS:N	29	4.63
(1,310)	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	1:366:A:GLU:N	34	4.6
(1,22)	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	1:202:A:MET:N	32	4.6
(1,310)	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	1:366:A:GLU:N	35	4.58
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	28	4.56
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	6	4.55
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	6	4.54
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	35	4.51
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	10	4.51
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	23	4.48
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	24	4.47
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	29	4.45
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	26	4.45
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	13	4.44
(1,310)	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	1:366:A:GLU:N	16	4.43
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	22	4.42
(1,100)	1:249:A:ARG:N	1:249:A:ARG:CA	1:249:A:ARG:C	1:250:A:GLU:N	12	4.42
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	12	4.42
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	1	4.4
(1,310)	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	1:366:A:GLU:N	23	4.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,94)	1:246:A:ALA:N	1:246:A:ALA:CA	1:246:A:ALA:C	1:247:A:TYR:N	27	4.39
(1,45)	1:217:A:ILE:C	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	33	4.39
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	31	4.38
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	5	4.37
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	34	4.36
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	33	4.34
(1,134)	1:269:A:GLN:N	1:269:A:GLN:CA	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	16	4.31
(1,80)	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	1:240:A:VAL:N	31	4.31
(1,109)	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	1:256:A:GLU:CA	1:256:A:GLU:C	32	4.28
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	4	4.27
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	24	4.26
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	25	4.22
(1,372)	1:411:A:CYS:N	1:411:A:CYS:CA	1:411:A:CYS:C	1:412:A:LEU:N	15	4.21
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	13	4.18
(1,310)	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	1:366:A:GLU:N	25	4.16
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	27	4.16
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	15	4.14
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	26	4.14
(1,278)	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	1:349:A:THR:N	1	4.14
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	16	4.12
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	23	4.11
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	1	4.1
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	4	4.1
(1,56)	1:223:A:TYR:N	1:223:A:TYR:CA	1:223:A:TYR:C	1:224:A:GLY:N	6	4.1
(1,325)	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	27	4.07
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	1	4.06
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	15	4.06
(1,60)	1:226:A:LYS:N	1:226:A:LYS:CA	1:226:A:LYS:C	1:227:A:CYS:N	17	4.04
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	17	4.03
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	34	4.03
(1,324)	1:375:A:GLN:N	1:375:A:GLN:CA	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	22	4.01
(1,108)	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	10	4.01
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	31	4.0
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	18	3.97
(1,332)	1:379:A:PRO:N	1:379:A:PRO:CA	1:379:A:PRO:C	1:380:A:LEU:N	22	3.97
(1,325)	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	26	3.97
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	11	3.97
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	18	3.95
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	10	3.94
(1,2)	1:188:A:PRO:N	1:188:A:PRO:CA	1:188:A:PRO:C	1:189:A:ILE:N	10	3.94
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	10	3.92
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	13	3.91
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	12	3.9
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	19	3.9
(1,325)	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	2	3.88
(1,310)	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	1:366:A:GLU:N	9	3.88
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	12	3.85
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	17	3.85
(1,309)	1:364:A:VAL:C	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	1	3.83
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	7	3.81
(1,280)	1:349:A:THR:N	1:349:A:THR:CA	1:349:A:THR:C	1:350:A:VAL:N	26	3.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	14	3.8
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	7	3.8
(1,2)	1:188:A:PRO:N	1:188:A:PRO:CA	1:188:A:PRO:C	1:189:A:ILE:N	16	3.8
(1,324)	1:375:A:GLN:N	1:375:A:GLN:CA	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	34	3.78
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	33	3.78
(1,193)	1:303:A:PHE:C	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	3	3.77
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	11	3.77
(1,30)	1:210:A:PRO:N	1:210:A:PRO:CA	1:210:A:PRO:C	1:211:A:ALA:N	20	3.76
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	28	3.76
(1,67)	1:230:A:ILE:C	1:231:A:TYR:N	1:231:A:TYR:CA	1:231:A:TYR:C	34	3.75
(1,203)	1:308:A:LYS:C	1:309:A:GLU:N	1:309:A:GLU:CA	1:309:A:GLU:C	16	3.74
(1,94)	1:246:A:ALA:N	1:246:A:ALA:CA	1:246:A:ALA:C	1:247:A:TYR:N	9	3.74
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	34	3.73
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	18	3.73
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	30	3.72
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	33	3.72
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	25	3.72
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	30	3.7
(1,67)	1:230:A:ILE:C	1:231:A:TYR:N	1:231:A:TYR:CA	1:231:A:TYR:C	17	3.7
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	32	3.7
(1,329)	1:377:A:MET:C	1:378:A:LYS:N	1:378:A:LYS:CA	1:378:A:LYS:C	27	3.69
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	7	3.69
(1,310)	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	1:366:A:GLU:N	13	3.68
(1,309)	1:364:A:VAL:C	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	7	3.68
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	23	3.68
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	30	3.66
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	31	3.66
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	32	3.65
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	13	3.65
(1,101)	1:251:A:GLU:C	1:252:A:SER:N	1:252:A:SER:CA	1:252:A:SER:C	15	3.65
(1,310)	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	1:366:A:GLU:N	29	3.64
(1,280)	1:349:A:THR:N	1:349:A:THR:CA	1:349:A:THR:C	1:350:A:VAL:N	19	3.64
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	30	3.64
(1,134)	1:269:A:GLN:N	1:269:A:GLN:CA	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	15	3.62
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	31	3.61
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	7	3.61
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	10	3.6
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	15	3.6
(1,309)	1:364:A:VAL:C	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	13	3.59
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	31	3.59
(1,393)	1:423:A:LEU:C	1:424:A:SER:N	1:424:A:SER:CA	1:424:A:SER:C	33	3.58
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	9	3.58
(1,193)	1:303:A:PHE:C	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	32	3.57
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	16	3.56
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	21	3.56
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	4	3.55
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	7	3.55
(1,67)	1:230:A:ILE:C	1:231:A:TYR:N	1:231:A:TYR:CA	1:231:A:TYR:C	32	3.55
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	7	3.54
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	29	3.54
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	3	3.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,280)	1:349:A:THR:N	1:349:A:THR:CA	1:349:A:THR:C	1:350:A:VAL:N	11	3.53
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	11	3.52
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	16	3.51
(1,310)	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	1:366:A:GLU:N	26	3.49
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	22	3.49
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	15	3.48
(1,324)	1:375:A:GLN:N	1:375:A:GLN:CA	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	32	3.47
(1,94)	1:246:A:ALA:N	1:246:A:ALA:CA	1:246:A:ALA:C	1:247:A:TYR:N	16	3.46
(1,99)	1:248:A:ASP:C	1:249:A:ARG:N	1:249:A:ARG:CA	1:249:A:ARG:C	16	3.45
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	15	3.45
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	29	3.44
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	27	3.44
(1,67)	1:230:A:ILE:C	1:231:A:TYR:N	1:231:A:TYR:CA	1:231:A:TYR:C	16	3.43
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	9	3.42
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	21	3.42
(1,193)	1:303:A:PHE:C	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	11	3.42
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	27	3.42
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	24	3.42
(1,141)	1:272:A:ARG:C	1:273:A:ASP:N	1:273:A:ASP:CA	1:273:A:ASP:C	24	3.41
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	18	3.38
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	15	3.38
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	13	3.37
(1,58)	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	1:226:A:LYS:N	14	3.37
(1,309)	1:364:A:VAL:C	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	35	3.35
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	9	3.35
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	11	3.34
(1,325)	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	9	3.34
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	21	3.34
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	14	3.34
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	30	3.33
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	32	3.32
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	26	3.31
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	5	3.31
(1,287)	1:352:A:ILE:C	1:353:A:SER:N	1:353:A:SER:CA	1:353:A:SER:C	21	3.31
(1,141)	1:272:A:ARG:C	1:273:A:ASP:N	1:273:A:ASP:CA	1:273:A:ASP:C	13	3.31
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	14	3.31
(1,193)	1:303:A:PHE:C	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	28	3.3
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	23	3.29
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	20	3.28
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	31	3.25
(1,141)	1:272:A:ARG:C	1:273:A:ASP:N	1:273:A:ASP:CA	1:273:A:ASP:C	5	3.25
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	34	3.25
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	1	3.25
(1,280)	1:349:A:THR:N	1:349:A:THR:CA	1:349:A:THR:C	1:350:A:VAL:N	25	3.24
(1,141)	1:272:A:ARG:C	1:273:A:ASP:N	1:273:A:ASP:CA	1:273:A:ASP:C	7	3.24
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	18	3.23
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	20	3.23
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	17	3.23
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	6	3.22
(1,349)	1:399:A:LYS:C	1:400:A:GLU:N	1:400:A:GLU:CA	1:400:A:GLU:C	30	3.21
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	19	3.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	28	3.21
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	26	3.2
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	13	3.19
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	12	3.18
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	22	3.18
(1,310)	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	1:366:A:GLU:N	15	3.17
(1,309)	1:364:A:VAL:C	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	16	3.17
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	32	3.17
(1,22)	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	1:202:A:MET:N	29	3.17
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	24	3.16
(1,109)	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	1:256:A:GLU:CA	1:256:A:GLU:C	18	3.16
(1,58)	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	1:226:A:LYS:N	26	3.16
(1,203)	1:308:A:LYS:C	1:309:A:GLU:N	1:309:A:GLU:CA	1:309:A:GLU:C	17	3.15
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	19	3.15
(1,108)	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	15	3.15
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	8	3.15
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	6	3.14
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	31	3.13
(1,141)	1:272:A:ARG:C	1:273:A:ASP:N	1:273:A:ASP:CA	1:273:A:ASP:C	35	3.13
(1,60)	1:226:A:LYS:N	1:226:A:LYS:CA	1:226:A:LYS:C	1:227:A:CYS:N	23	3.13
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	30	3.13
(1,100)	1:249:A:ARG:N	1:249:A:ARG:CA	1:249:A:ARG:C	1:250:A:GLU:N	27	3.12
(1,336)	1:393:A:GLU:N	1:393:A:GLU:CA	1:393:A:GLU:C	1:394:A:THR:N	16	3.1
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	27	3.1
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	32	3.1
(1,193)	1:303:A:PHE:C	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	5	3.1
(1,80)	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	1:240:A:VAL:N	16	3.09
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	2	3.08
(1,310)	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	1:366:A:GLU:N	1	3.08
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	3	3.08
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	26	3.08
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	30	3.08
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	8	3.07
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	25	3.07
(1,310)	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	1:366:A:GLU:N	7	3.06
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	13	3.06
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	8	3.06
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	20	3.06
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	26	3.06
(1,278)	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	1:349:A:THR:N	23	3.05
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	7	3.05
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	26	3.05
(1,2)	1:188:A:PRO:N	1:188:A:PRO:CA	1:188:A:PRO:C	1:189:A:ILE:N	18	3.05
(1,393)	1:423:A:LEU:C	1:424:A:SER:N	1:424:A:SER:CA	1:424:A:SER:C	31	3.04
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	11	3.04
(1,324)	1:375:A:GLN:N	1:375:A:GLN:CA	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	4	3.03
(1,303)	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	1:362:A:THR:CA	1:362:A:THR:C	28	3.03
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	4	3.03
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	29	3.03
(1,56)	1:223:A:TYR:N	1:223:A:TYR:CA	1:223:A:TYR:C	1:224:A:GLY:N	29	3.03
(1,324)	1:375:A:GLN:N	1:375:A:GLN:CA	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	25	3.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	8	3.02
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	31	3.01
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	35	3.0
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	32	2.99
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	6	2.99
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	14	2.96
(1,65)	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	1:229:A:GLY:CA	1:229:A:GLY:C	1	2.95
(1,58)	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	1:226:A:LYS:N	23	2.94
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	2	2.93
(1,141)	1:272:A:ARG:C	1:273:A:ASP:N	1:273:A:ASP:CA	1:273:A:ASP:C	12	2.92
(1,108)	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	31	2.92
(1,373)	1:411:A:CYS:C	1:412:A:LEU:N	1:412:A:LEU:CA	1:412:A:LEU:C	20	2.91
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	3	2.9
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	6	2.9
(1,287)	1:352:A:ILE:C	1:353:A:SER:N	1:353:A:SER:CA	1:353:A:SER:C	33	2.89
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	2	2.89
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	18	2.88
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	8	2.87
(1,117)	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	1:261:A:ASN:CA	1:261:A:ASN:C	8	2.87
(1,64)	1:228:A:GLU:N	1:228:A:GLU:CA	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	16	2.87
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	7	2.86
(1,65)	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	1:229:A:GLY:CA	1:229:A:GLY:C	13	2.86
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	28	2.85
(1,30)	1:210:A:PRO:N	1:210:A:PRO:CA	1:210:A:PRO:C	1:211:A:ALA:N	15	2.85
(1,338)	1:394:A:THR:N	1:394:A:THR:CA	1:394:A:THR:C	1:395:A:GLN:N	4	2.84
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	20	2.84
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	24	2.84
(1,287)	1:352:A:ILE:C	1:353:A:SER:N	1:353:A:SER:CA	1:353:A:SER:C	5	2.83
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	3	2.83
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	20	2.82
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	21	2.82
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	29	2.82
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	35	2.82
(1,108)	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	9	2.82
(1,368)	1:409:A:LEU:N	1:409:A:LEU:CA	1:409:A:LEU:C	1:410:A:ASN:N	35	2.81
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	23	2.81
(1,69)	1:231:A:TYR:C	1:232:A:ARG:N	1:232:A:ARG:CA	1:232:A:ARG:C	18	2.81
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	7	2.81
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	26	2.81
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	35	2.8
(1,108)	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	32	2.8
(1,325)	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	29	2.79
(1,287)	1:352:A:ILE:C	1:353:A:SER:N	1:353:A:SER:CA	1:353:A:SER:C	13	2.79
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	31	2.79
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	24	2.78
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	27	2.77
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	18	2.77
(1,141)	1:272:A:ARG:C	1:273:A:ASP:N	1:273:A:ASP:CA	1:273:A:ASP:C	30	2.77
(1,65)	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	1:229:A:GLY:CA	1:229:A:GLY:C	31	2.77
(1,22)	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	1:202:A:MET:N	33	2.77
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	26	2.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,56)	1:223:A:TYR:N	1:223:A:TYR:CA	1:223:A:TYR:C	1:224:A:GLY:N	10	2.76
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	10	2.75
(1,107)	1:254:A:ASN:C	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	25	2.75
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	19	2.74
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	27	2.74
(1,377)	1:413:A:HIS:C	1:414:A:ARG:N	1:414:A:ARG:CA	1:414:A:ARG:C	17	2.74
(1,325)	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	25	2.74
(1,108)	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	12	2.74
(1,46)	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	1:219:A:TYR:N	20	2.74
(1,46)	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	1:219:A:TYR:N	33	2.74
(1,21)	1:200:A:ARG:C	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	25	2.74
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	17	2.73
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	3	2.73
(1,309)	1:364:A:VAL:C	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	9	2.72
(1,292)	1:356:A:VAL:N	1:356:A:VAL:CA	1:356:A:VAL:C	1:357:A:LEU:N	19	2.72
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	6	2.72
(1,65)	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	1:229:A:GLY:CA	1:229:A:GLY:C	12	2.72
(1,303)	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	1:362:A:THR:CA	1:362:A:THR:C	27	2.71
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	4	2.71
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	13	2.71
(1,280)	1:349:A:THR:N	1:349:A:THR:CA	1:349:A:THR:C	1:350:A:VAL:N	30	2.7
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	24	2.7
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	1	2.7
(1,414)	1:434:A:ARG:N	1:434:A:ARG:CA	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	15	2.69
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	1	2.69
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	32	2.69
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	18	2.69
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	34	2.69
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	3	2.69
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	12	2.69
(1,69)	1:231:A:TYR:C	1:232:A:ARG:N	1:232:A:ARG:CA	1:232:A:ARG:C	15	2.69
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	30	2.69
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	28	2.68
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	27	2.68
(1,102)	1:252:A:SER:N	1:252:A:SER:CA	1:252:A:SER:C	1:253:A:THR:N	15	2.68
(1,98)	1:248:A:ASP:N	1:248:A:ASP:CA	1:248:A:ASP:C	1:249:A:ARG:N	14	2.68
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	2	2.68
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	25	2.67
(1,168)	1:290:A:ALA:N	1:290:A:ALA:CA	1:290:A:ALA:C	1:291:A:CYS:N	34	2.67
(1,54)	1:222:A:LYS:N	1:222:A:LYS:CA	1:222:A:LYS:C	1:223:A:TYR:N	27	2.67
(1,31)	1:210:A:PRO:C	1:211:A:ALA:N	1:211:A:ALA:CA	1:211:A:ALA:C	17	2.67
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	8	2.66
(1,393)	1:423:A:LEU:C	1:424:A:SER:N	1:424:A:SER:CA	1:424:A:SER:C	15	2.66
(1,329)	1:377:A:MET:C	1:378:A:LYS:N	1:378:A:LYS:CA	1:378:A:LYS:C	4	2.66
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	13	2.65
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	24	2.65
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	13	2.65
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	19	2.65
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	21	2.63
(1,368)	1:409:A:LEU:N	1:409:A:LEU:CA	1:409:A:LEU:C	1:410:A:ASN:N	20	2.63
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	17	2.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	24	2.63
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	31	2.62
(1,134)	1:269:A:GLN:N	1:269:A:GLN:CA	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	18	2.62
(1,338)	1:394:A:THR:N	1:394:A:THR:CA	1:394:A:THR:C	1:395:A:GLN:N	8	2.61
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	25	2.61
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	17	2.61
(1,116)	1:260:A:PRO:N	1:260:A:PRO:CA	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	13	2.61
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	33	2.6
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	35	2.6
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	17	2.6
(1,141)	1:272:A:ARG:C	1:273:A:ASP:N	1:273:A:ASP:CA	1:273:A:ASP:C	9	2.6
(1,309)	1:364:A:VAL:C	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	34	2.59
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	34	2.59
(1,193)	1:303:A:PHE:C	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	31	2.59
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	5	2.59
(1,69)	1:231:A:TYR:C	1:232:A:ARG:N	1:232:A:ARG:CA	1:232:A:ARG:C	12	2.59
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	9	2.58
(1,108)	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	11	2.58
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	27	2.57
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	13	2.57
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	13	2.57
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	16	2.56
(1,191)	1:302:A:GLU:C	1:303:A:PHE:N	1:303:A:PHE:CA	1:303:A:PHE:C	11	2.56
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	8	2.56
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	5	2.56
(1,141)	1:272:A:ARG:C	1:273:A:ASP:N	1:273:A:ASP:CA	1:273:A:ASP:C	2	2.56
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	24	2.55
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	35	2.55
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	6	2.55
(1,309)	1:364:A:VAL:C	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	23	2.54
(1,280)	1:349:A:THR:N	1:349:A:THR:CA	1:349:A:THR:C	1:350:A:VAL:N	12	2.54
(1,278)	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	1:349:A:THR:N	34	2.54
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	11	2.54
(1,100)	1:249:A:ARG:N	1:249:A:ARG:CA	1:249:A:ARG:C	1:250:A:GLU:N	16	2.54
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	26	2.53
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	19	2.53
(1,358)	1:404:A:ARG:N	1:404:A:ARG:CA	1:404:A:ARG:C	1:405:A:GLN:N	12	2.52
(1,348)	1:399:A:LYS:N	1:399:A:LYS:CA	1:399:A:LYS:C	1:400:A:GLU:N	30	2.52
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	1	2.52
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	8	2.52
(1,100)	1:249:A:ARG:N	1:249:A:ARG:CA	1:249:A:ARG:C	1:250:A:GLU:N	18	2.51
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	28	2.51
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	30	2.5
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	27	2.5
(1,69)	1:231:A:TYR:C	1:232:A:ARG:N	1:232:A:ARG:CA	1:232:A:ARG:C	10	2.5
(1,356)	1:403:A:ARG:N	1:403:A:ARG:CA	1:403:A:ARG:C	1:404:A:ARG:N	9	2.49
(1,332)	1:379:A:PRO:N	1:379:A:PRO:CA	1:379:A:PRO:C	1:380:A:LEU:N	23	2.49
(1,324)	1:375:A:GLN:N	1:375:A:GLN:CA	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	18	2.49
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	18	2.49
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	7	2.49
(1,2)	1:188:A:PRO:N	1:188:A:PRO:CA	1:188:A:PRO:C	1:189:A:ILE:N	8	2.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	1	2.48
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	34	2.48
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	35	2.47
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	9	2.47
(1,151)	1:280:A:THR:C	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	3	2.47
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	18	2.46
(1,406)	1:430:A:TRP:N	1:430:A:TRP:CA	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	31	2.46
(1,393)	1:423:A:LEU:C	1:424:A:SER:N	1:424:A:SER:CA	1:424:A:SER:C	4	2.46
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	23	2.46
(1,287)	1:352:A:ILE:C	1:353:A:SER:N	1:353:A:SER:CA	1:353:A:SER:C	11	2.46
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	19	2.46
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	25	2.45
(1,356)	1:403:A:ARG:N	1:403:A:ARG:CA	1:403:A:ARG:C	1:404:A:ARG:N	22	2.44
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	5	2.44
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	4	2.44
(1,65)	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	1:229:A:GLY:CA	1:229:A:GLY:C	9	2.44
(1,338)	1:394:A:THR:N	1:394:A:THR:CA	1:394:A:THR:C	1:395:A:GLN:N	30	2.43
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	28	2.43
(1,287)	1:352:A:ILE:C	1:353:A:SER:N	1:353:A:SER:CA	1:353:A:SER:C	9	2.43
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	8	2.42
(1,46)	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	1:219:A:TYR:N	22	2.42
(1,356)	1:403:A:ARG:N	1:403:A:ARG:CA	1:403:A:ARG:C	1:404:A:ARG:N	34	2.41
(1,6)	1:193:A:PRO:N	1:193:A:PRO:CA	1:193:A:PRO:C	1:194:A:LEU:N	25	2.41
(1,280)	1:349:A:THR:N	1:349:A:THR:CA	1:349:A:THR:C	1:350:A:VAL:N	1	2.4
(1,193)	1:303:A:PHE:C	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	12	2.4
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	1	2.4
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	5	2.4
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	22	2.4
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	2	2.39
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	1	2.39
(1,116)	1:260:A:PRO:N	1:260:A:PRO:CA	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	33	2.39
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	4	2.38
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	28	2.38
(1,108)	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	16	2.38
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	10	2.37
(1,377)	1:413:A:HIS:C	1:414:A:ARG:N	1:414:A:ARG:CA	1:414:A:ARG:C	29	2.37
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	34	2.37
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	28	2.37
(1,132)	1:268:A:LYS:N	1:268:A:LYS:CA	1:268:A:LYS:C	1:269:A:GLN:N	32	2.37
(1,415)	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	1:435:A:ILE:CA	1:435:A:ILE:C	22	2.36
(1,309)	1:364:A:VAL:C	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	15	2.36
(1,191)	1:302:A:GLU:C	1:303:A:PHE:N	1:303:A:PHE:CA	1:303:A:PHE:C	5	2.36
(1,107)	1:254:A:ASN:C	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	34	2.36
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	12	2.35
(1,84)	1:241:A:ASP:N	1:241:A:ASP:CA	1:241:A:ASP:C	1:242:A:GLU:N	26	2.35
(1,338)	1:394:A:THR:N	1:394:A:THR:CA	1:394:A:THR:C	1:395:A:GLN:N	9	2.34
(1,278)	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	1:349:A:THR:N	29	2.34
(1,194)	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	1:305:A:ARG:N	15	2.34
(1,186)	1:300:A:VAL:N	1:300:A:VAL:CA	1:300:A:VAL:C	1:301:A:GLN:N	10	2.34
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	12	2.34
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	18	2.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,398)	1:426:A:GLU:N	1:426:A:GLU:CA	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	14	2.33
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	17	2.33
(1,56)	1:223:A:TYR:N	1:223:A:TYR:CA	1:223:A:TYR:C	1:224:A:GLY:N	35	2.33
(1,377)	1:413:A:HIS:C	1:414:A:ARG:N	1:414:A:ARG:CA	1:414:A:ARG:C	15	2.32
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	6	2.31
(1,193)	1:303:A:PHE:C	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	10	2.31
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	29	2.31
(1,65)	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	1:229:A:GLY:CA	1:229:A:GLY:C	27	2.31
(1,356)	1:403:A:ARG:N	1:403:A:ARG:CA	1:403:A:ARG:C	1:404:A:ARG:N	1	2.3
(1,252)	1:333:A:LEU:N	1:333:A:LEU:CA	1:333:A:LEU:C	1:334:A:GLU:N	35	2.3
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	7	2.3
(1,6)	1:193:A:PRO:N	1:193:A:PRO:CA	1:193:A:PRO:C	1:194:A:LEU:N	4	2.3
(1,349)	1:399:A:LYS:C	1:400:A:GLU:N	1:400:A:GLU:CA	1:400:A:GLU:C	13	2.29
(1,200)	1:307:A:LEU:N	1:307:A:LEU:CA	1:307:A:LEU:C	1:308:A:LYS:N	22	2.29
(1,151)	1:280:A:THR:C	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	18	2.29
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	31	2.29
(1,312)	1:366:A:GLU:N	1:366:A:GLU:CA	1:366:A:GLU:C	1:367:A:LEU:N	4	2.28
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	26	2.28
(1,193)	1:303:A:PHE:C	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	6	2.28
(1,100)	1:249:A:ARG:N	1:249:A:ARG:CA	1:249:A:ARG:C	1:250:A:GLU:N	24	2.28
(1,325)	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	3	2.27
(1,287)	1:352:A:ILE:C	1:353:A:SER:N	1:353:A:SER:CA	1:353:A:SER:C	12	2.27
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	17	2.27
(1,31)	1:210:A:PRO:C	1:211:A:ALA:N	1:211:A:ALA:CA	1:211:A:ALA:C	12	2.27
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	28	2.26
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	24	2.26
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	2	2.25
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	16	2.25
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	3	2.25
(1,117)	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	1:261:A:ASN:CA	1:261:A:ASN:C	10	2.25
(1,2)	1:188:A:PRO:N	1:188:A:PRO:CA	1:188:A:PRO:C	1:189:A:ILE:N	14	2.25
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	30	2.24
(1,325)	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	16	2.24
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	7	2.24
(1,100)	1:249:A:ARG:N	1:249:A:ARG:CA	1:249:A:ARG:C	1:250:A:GLU:N	2	2.24
(1,94)	1:246:A:ALA:N	1:246:A:ALA:CA	1:246:A:ALA:C	1:247:A:TYR:N	18	2.24
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	4	2.23
(1,116)	1:260:A:PRO:N	1:260:A:PRO:CA	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	6	2.23
(1,64)	1:228:A:GLU:N	1:228:A:GLU:CA	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	17	2.23
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	4	2.23
(1,377)	1:413:A:HIS:C	1:414:A:ARG:N	1:414:A:ARG:CA	1:414:A:ARG:C	33	2.22
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	21	2.22
(1,325)	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	19	2.22
(1,324)	1:375:A:GLN:N	1:375:A:GLN:CA	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	29	2.22
(1,280)	1:349:A:THR:N	1:349:A:THR:CA	1:349:A:THR:C	1:350:A:VAL:N	13	2.22
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	17	2.22
(1,278)	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	1:349:A:THR:N	6	2.21
(1,278)	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	1:349:A:THR:N	32	2.21
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	3	2.21
(1,108)	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	29	2.21
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	27	2.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	27	2.2
(1,368)	1:409:A:LEU:N	1:409:A:LEU:CA	1:409:A:LEU:C	1:410:A:ASN:N	11	2.2
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	20	2.2
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	22	2.2
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	1	2.2
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	23	2.19
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	34	2.19
(1,18)	1:199:A:GLU:N	1:199:A:GLU:CA	1:199:A:GLU:C	1:200:A:ARG:N	15	2.19
(1,309)	1:364:A:VAL:C	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	26	2.18
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	34	2.18
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	22	2.18
(1,421)	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	1:438:A:ALA:CA	1:438:A:ALA:C	6	2.17
(1,402)	1:428:A:ARG:N	1:428:A:ARG:CA	1:428:A:ARG:C	1:429:A:LEU:N	1	2.17
(1,368)	1:409:A:LEU:N	1:409:A:LEU:CA	1:409:A:LEU:C	1:410:A:ASN:N	16	2.17
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	17	2.17
(1,254)	1:334:A:GLU:N	1:334:A:GLU:CA	1:334:A:GLU:C	1:335:A:THR:N	7	2.17
(1,21)	1:200:A:ARG:C	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	8	2.17
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	32	2.16
(1,46)	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	1:219:A:TYR:N	13	2.16
(1,372)	1:411:A:CYS:N	1:411:A:CYS:CA	1:411:A:CYS:C	1:412:A:LEU:N	23	2.15
(1,356)	1:403:A:ARG:N	1:403:A:ARG:CA	1:403:A:ARG:C	1:404:A:ARG:N	31	2.15
(1,328)	1:377:A:MET:N	1:377:A:MET:CA	1:377:A:MET:C	1:378:A:LYS:N	30	2.15
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	23	2.15
(1,287)	1:352:A:ILE:C	1:353:A:SER:N	1:353:A:SER:CA	1:353:A:SER:C	4	2.15
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	8	2.14
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	15	2.14
(1,388)	1:421:A:LYS:N	1:421:A:LYS:CA	1:421:A:LYS:C	1:422:A:ASP:N	31	2.14
(1,356)	1:403:A:ARG:N	1:403:A:ARG:CA	1:403:A:ARG:C	1:404:A:ARG:N	4	2.14
(1,200)	1:307:A:LEU:N	1:307:A:LEU:CA	1:307:A:LEU:C	1:308:A:LYS:N	7	2.14
(1,140)	1:272:A:ARG:N	1:272:A:ARG:CA	1:272:A:ARG:C	1:273:A:ASP:N	32	2.14
(1,358)	1:404:A:ARG:N	1:404:A:ARG:CA	1:404:A:ARG:C	1:405:A:GLN:N	35	2.13
(1,193)	1:303:A:PHE:C	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	8	2.13
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	26	2.13
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	30	2.12
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	34	2.12
(1,107)	1:254:A:ASN:C	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	11	2.12
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	28	2.11
(1,377)	1:413:A:HIS:C	1:414:A:ARG:N	1:414:A:ARG:CA	1:414:A:ARG:C	12	2.11
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	2	2.11
(1,324)	1:375:A:GLN:N	1:375:A:GLN:CA	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	5	2.1
(1,194)	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	1:305:A:ARG:N	1	2.1
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	19	2.1
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	20	2.1
(1,46)	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	1:219:A:TYR:N	12	2.1
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	32	2.09
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	17	2.09
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	31	2.09
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	25	2.09
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	18	2.08
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	15	2.08
(1,146)	1:276:A:GLU:N	1:276:A:GLU:CA	1:276:A:GLU:C	1:277:A:ASN:N	3	2.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,22)	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	1:202:A:MET:N	4	2.08
(1,22)	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	1:202:A:MET:N	10	2.08
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	12	2.07
(1,146)	1:276:A:GLU:N	1:276:A:GLU:CA	1:276:A:GLU:C	1:277:A:ASN:N	5	2.07
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	7	2.07
(1,348)	1:399:A:LYS:N	1:399:A:LYS:CA	1:399:A:LYS:C	1:400:A:GLU:N	13	2.06
(1,236)	1:325:A:MET:N	1:325:A:MET:CA	1:325:A:MET:C	1:326:A:ASP:N	10	2.06
(1,193)	1:303:A:PHE:C	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	18	2.06
(1,85)	1:241:A:ASP:C	1:242:A:GLU:N	1:242:A:GLU:CA	1:242:A:GLU:C	24	2.06
(1,60)	1:226:A:LYS:N	1:226:A:LYS:CA	1:226:A:LYS:C	1:227:A:CYS:N	30	2.06
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	35	2.05
(1,200)	1:307:A:LEU:N	1:307:A:LEU:CA	1:307:A:LEU:C	1:308:A:LYS:N	21	2.05
(1,146)	1:276:A:GLU:N	1:276:A:GLU:CA	1:276:A:GLU:C	1:277:A:ASN:N	4	2.05
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	27	2.05
(1,384)	1:417:A:GLN:N	1:417:A:GLN:CA	1:417:A:GLN:C	1:418:A:GLY:N	24	2.04
(1,372)	1:411:A:CYS:N	1:411:A:CYS:CA	1:411:A:CYS:C	1:412:A:LEU:N	20	2.04
(1,356)	1:403:A:ARG:N	1:403:A:ARG:CA	1:403:A:ARG:C	1:404:A:ARG:N	13	2.04
(1,356)	1:403:A:ARG:N	1:403:A:ARG:CA	1:403:A:ARG:C	1:404:A:ARG:N	18	2.04
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	4	2.04
(1,324)	1:375:A:GLN:N	1:375:A:GLN:CA	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	7	2.04
(1,287)	1:352:A:ILE:C	1:353:A:SER:N	1:353:A:SER:CA	1:353:A:SER:C	32	2.04
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	15	2.04
(1,280)	1:349:A:THR:N	1:349:A:THR:CA	1:349:A:THR:C	1:350:A:VAL:N	7	2.04
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	8	2.03
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	30	2.03
(1,191)	1:302:A:GLU:C	1:303:A:PHE:N	1:303:A:PHE:CA	1:303:A:PHE:C	32	2.03
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	23	2.03
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	12	2.03
(1,64)	1:228:A:GLU:N	1:228:A:GLU:CA	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	30	2.03
(1,287)	1:352:A:ILE:C	1:353:A:SER:N	1:353:A:SER:CA	1:353:A:SER:C	23	2.02
(1,259)	1:338:A:ASN:C	1:339:A:ILE:N	1:339:A:ILE:CA	1:339:A:ILE:C	1	2.02
(1,6)	1:193:A:PRO:N	1:193:A:PRO:CA	1:193:A:PRO:C	1:194:A:LEU:N	29	2.02
(1,324)	1:375:A:GLN:N	1:375:A:GLN:CA	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	11	2.01
(1,200)	1:307:A:LEU:N	1:307:A:LEU:CA	1:307:A:LEU:C	1:308:A:LYS:N	5	2.01
(1,108)	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	4	2.01
(1,31)	1:210:A:PRO:C	1:211:A:ALA:N	1:211:A:ALA:CA	1:211:A:ALA:C	33	2.01
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	9	2.0
(1,380)	1:415:A:ASP:N	1:415:A:ASP:CA	1:415:A:ASP:C	1:416:A:LEU:N	17	2.0
(1,312)	1:366:A:GLU:N	1:366:A:GLU:CA	1:366:A:GLU:C	1:367:A:LEU:N	11	2.0
(1,116)	1:260:A:PRO:N	1:260:A:PRO:CA	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	32	2.0
(1,107)	1:254:A:ASN:C	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	28	2.0
(1,46)	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	1:219:A:TYR:N	8	2.0
(1,45)	1:217:A:ILE:C	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	22	2.0
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	24	1.99
(1,338)	1:394:A:THR:N	1:394:A:THR:CA	1:394:A:THR:C	1:395:A:GLN:N	14	1.99
(1,309)	1:364:A:VAL:C	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	11	1.99
(1,309)	1:364:A:VAL:C	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	29	1.99
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	30	1.99
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	21	1.99
(1,108)	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	14	1.99
(1,338)	1:394:A:THR:N	1:394:A:THR:CA	1:394:A:THR:C	1:395:A:GLN:N	15	1.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	28	1.98
(1,324)	1:375:A:GLN:N	1:375:A:GLN:CA	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	8	1.98
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	32	1.98
(1,146)	1:276:A:GLU:N	1:276:A:GLU:CA	1:276:A:GLU:C	1:277:A:ASN:N	21	1.98
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	11	1.98
(1,10)	1:195:A:ALA:N	1:195:A:ALA:CA	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	35	1.98
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	22	1.97
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	20	1.97
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	26	1.97
(1,208)	1:311:A:PRO:N	1:311:A:PRO:CA	1:311:A:PRO:C	1:312:A:GLU:N	19	1.97
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	35	1.97
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	24	1.97
(1,65)	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	1:229:A:GLY:CA	1:229:A:GLY:C	4	1.97
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	2	1.96
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	16	1.96
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	29	1.96
(1,338)	1:394:A:THR:N	1:394:A:THR:CA	1:394:A:THR:C	1:395:A:GLN:N	32	1.96
(1,193)	1:303:A:PHE:C	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	4	1.96
(1,151)	1:280:A:THR:C	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	2	1.96
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	21	1.96
(1,69)	1:231:A:TYR:C	1:232:A:ARG:N	1:232:A:ARG:CA	1:232:A:ARG:C	14	1.96
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	29	1.95
(1,368)	1:409:A:LEU:N	1:409:A:LEU:CA	1:409:A:LEU:C	1:410:A:ASN:N	33	1.95
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	10	1.95
(1,168)	1:290:A:ALA:N	1:290:A:ALA:CA	1:290:A:ALA:C	1:291:A:CYS:N	29	1.95
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	2	1.95
(1,22)	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	1:202:A:MET:N	35	1.95
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	10	1.94
(1,401)	1:427:A:GLU:C	1:428:A:ARG:N	1:428:A:ARG:CA	1:428:A:ARG:C	21	1.94
(1,393)	1:423:A:LEU:C	1:424:A:SER:N	1:424:A:SER:CA	1:424:A:SER:C	23	1.94
(1,380)	1:415:A:ASP:N	1:415:A:ASP:CA	1:415:A:ASP:C	1:416:A:LEU:N	23	1.94
(1,376)	1:413:A:HIS:N	1:413:A:HIS:CA	1:413:A:HIS:C	1:414:A:ARG:N	17	1.94
(1,165)	1:288:A:GLU:C	1:289:A:GLU:N	1:289:A:GLU:CA	1:289:A:GLU:C	18	1.94
(1,151)	1:280:A:THR:C	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	25	1.94
(1,97)	1:247:A:TYR:C	1:248:A:ASP:N	1:248:A:ASP:CA	1:248:A:ASP:C	29	1.94
(1,85)	1:241:A:ASP:C	1:242:A:GLU:N	1:242:A:GLU:CA	1:242:A:GLU:C	9	1.94
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	26	1.93
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	17	1.93
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	9	1.93
(1,134)	1:269:A:GLN:N	1:269:A:GLN:CA	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	10	1.93
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	34	1.93
(1,97)	1:247:A:TYR:C	1:248:A:ASP:N	1:248:A:ASP:CA	1:248:A:ASP:C	8	1.93
(1,414)	1:434:A:ARG:N	1:434:A:ARG:CA	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	2	1.92
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	3	1.92
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	15	1.92
(1,107)	1:254:A:ASN:C	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	19	1.92
(1,66)	1:229:A:GLY:N	1:229:A:GLY:CA	1:229:A:GLY:C	1:230:A:ILE:N	22	1.92
(1,398)	1:426:A:GLU:N	1:426:A:GLU:CA	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	2	1.91
(1,398)	1:426:A:GLU:N	1:426:A:GLU:CA	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	24	1.91
(1,372)	1:411:A:CYS:N	1:411:A:CYS:CA	1:411:A:CYS:C	1:412:A:LEU:N	3	1.91
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	12	1.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,134)	1:269:A:GLN:N	1:269:A:GLN:CA	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	28	1.91
(1,151)	1:280:A:THR:C	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	24	1.9
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	24	1.9
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	32	1.89
(1,377)	1:413:A:HIS:C	1:414:A:ARG:N	1:414:A:ARG:CA	1:414:A:ARG:C	20	1.89
(1,309)	1:364:A:VAL:C	1:365:A:GLN:N	1:365:A:GLN:CA	1:365:A:GLN:C	25	1.89
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	5	1.89
(1,384)	1:417:A:GLN:N	1:417:A:GLN:CA	1:417:A:GLN:C	1:418:A:GLY:N	33	1.88
(1,368)	1:409:A:LEU:N	1:409:A:LEU:CA	1:409:A:LEU:C	1:410:A:ASN:N	25	1.88
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	11	1.88
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	13	1.88
(1,151)	1:280:A:THR:C	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	20	1.88
(1,408)	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	1:432:A:VAL:N	4	1.87
(1,193)	1:303:A:PHE:C	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	13	1.87
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	3	1.87
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	25	1.86
(1,384)	1:417:A:GLN:N	1:417:A:GLN:CA	1:417:A:GLN:C	1:418:A:GLY:N	15	1.86
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	23	1.86
(1,186)	1:300:A:VAL:N	1:300:A:VAL:CA	1:300:A:VAL:C	1:301:A:GLN:N	11	1.86
(1,31)	1:210:A:PRO:C	1:211:A:ALA:N	1:211:A:ALA:CA	1:211:A:ALA:C	21	1.86
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	23	1.86
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	26	1.85
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	34	1.85
(1,415)	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	1:435:A:ILE:CA	1:435:A:ILE:C	33	1.85
(1,356)	1:403:A:ARG:N	1:403:A:ARG:CA	1:403:A:ARG:C	1:404:A:ARG:N	8	1.85
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	8	1.85
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	19	1.85
(1,292)	1:356:A:VAL:N	1:356:A:VAL:CA	1:356:A:VAL:C	1:357:A:LEU:N	12	1.85
(1,46)	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	1:219:A:TYR:N	7	1.85
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	10	1.84
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	13	1.84
(1,217)	1:315:A:TYR:C	1:316:A:LEU:N	1:316:A:LEU:CA	1:316:A:LEU:C	29	1.84
(1,200)	1:307:A:LEU:N	1:307:A:LEU:CA	1:307:A:LEU:C	1:308:A:LYS:N	13	1.84
(1,176)	1:295:A:THR:N	1:295:A:THR:CA	1:295:A:THR:C	1:296:A:GLU:N	5	1.84
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	34	1.84
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	28	1.83
(1,384)	1:417:A:GLN:N	1:417:A:GLN:CA	1:417:A:GLN:C	1:418:A:GLY:N	29	1.83
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	3	1.83
(1,193)	1:303:A:PHE:C	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	22	1.83
(1,151)	1:280:A:THR:C	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	8	1.83
(1,141)	1:272:A:ARG:C	1:273:A:ASP:N	1:273:A:ASP:CA	1:273:A:ASP:C	19	1.83
(1,132)	1:268:A:LYS:N	1:268:A:LYS:CA	1:268:A:LYS:C	1:269:A:GLN:N	21	1.83
(1,109)	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	1:256:A:GLU:CA	1:256:A:GLU:C	20	1.83
(1,85)	1:241:A:ASP:C	1:242:A:GLU:N	1:242:A:GLU:CA	1:242:A:GLU:C	7	1.83
(1,218)	1:316:A:LEU:N	1:316:A:LEU:CA	1:316:A:LEU:C	1:317:A:LEU:N	20	1.82
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	23	1.82
(1,65)	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	1:229:A:GLY:CA	1:229:A:GLY:C	21	1.82
(1,56)	1:223:A:TYR:N	1:223:A:TYR:CA	1:223:A:TYR:C	1:224:A:GLY:N	14	1.82
(1,280)	1:349:A:THR:N	1:349:A:THR:CA	1:349:A:THR:C	1:350:A:VAL:N	17	1.81
(1,280)	1:349:A:THR:N	1:349:A:THR:CA	1:349:A:THR:C	1:350:A:VAL:N	21	1.81
(1,200)	1:307:A:LEU:N	1:307:A:LEU:CA	1:307:A:LEU:C	1:308:A:LYS:N	17	1.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,116)	1:260:A:PRO:N	1:260:A:PRO:CA	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	7	1.81
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	3	1.8
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	22	1.8
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	12	1.8
(1,324)	1:375:A:GLN:N	1:375:A:GLN:CA	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	13	1.8
(1,324)	1:375:A:GLN:N	1:375:A:GLN:CA	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	19	1.8
(1,303)	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	1:362:A:THR:CA	1:362:A:THR:C	4	1.8
(1,302)	1:361:A:PHE:N	1:361:A:PHE:CA	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	27	1.8
(1,200)	1:307:A:LEU:N	1:307:A:LEU:CA	1:307:A:LEU:C	1:308:A:LYS:N	9	1.8
(1,168)	1:290:A:ALA:N	1:290:A:ALA:CA	1:290:A:ALA:C	1:291:A:CYS:N	23	1.8
(1,117)	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	1:261:A:ASN:CA	1:261:A:ASN:C	7	1.8
(1,116)	1:260:A:PRO:N	1:260:A:PRO:CA	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	17	1.8
(1,46)	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	1:219:A:TYR:N	16	1.8
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	22	1.79
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	30	1.79
(1,108)	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	21	1.79
(1,79)	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	13	1.79
(1,58)	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	1:226:A:LYS:N	34	1.79
(1,45)	1:217:A:ILE:C	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	29	1.79
(1,26)	1:206:A:GLY:N	1:206:A:GLY:CA	1:206:A:GLY:C	1:207:A:ILE:N	7	1.79
(1,12)	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	1:197:A:ALA:N	35	1.79
(1,368)	1:409:A:LEU:N	1:409:A:LEU:CA	1:409:A:LEU:C	1:410:A:ASN:N	14	1.78
(1,151)	1:280:A:THR:C	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	26	1.78
(1,116)	1:260:A:PRO:N	1:260:A:PRO:CA	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	34	1.78
(1,65)	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	1:229:A:GLY:CA	1:229:A:GLY:C	10	1.78
(1,52)	1:221:A:GLU:N	1:221:A:GLU:CA	1:221:A:GLU:C	1:222:A:LYS:N	20	1.78
(1,22)	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	1:202:A:MET:N	7	1.78
(1,329)	1:377:A:MET:C	1:378:A:LYS:N	1:378:A:LYS:CA	1:378:A:LYS:C	26	1.77
(1,312)	1:366:A:GLU:N	1:366:A:GLU:CA	1:366:A:GLU:C	1:367:A:LEU:N	28	1.77
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	28	1.77
(1,217)	1:315:A:TYR:C	1:316:A:LEU:N	1:316:A:LEU:CA	1:316:A:LEU:C	15	1.77
(1,176)	1:295:A:THR:N	1:295:A:THR:CA	1:295:A:THR:C	1:296:A:GLU:N	35	1.77
(1,116)	1:260:A:PRO:N	1:260:A:PRO:CA	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	1	1.77
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	30	1.76
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	3	1.76
(1,312)	1:366:A:GLU:N	1:366:A:GLU:CA	1:366:A:GLU:C	1:367:A:LEU:N	15	1.76
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	28	1.76
(1,200)	1:307:A:LEU:N	1:307:A:LEU:CA	1:307:A:LEU:C	1:308:A:LYS:N	11	1.76
(1,193)	1:303:A:PHE:C	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	21	1.76
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	2	1.76
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	30	1.76
(1,52)	1:221:A:GLU:N	1:221:A:GLU:CA	1:221:A:GLU:C	1:222:A:LYS:N	4	1.76
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	3	1.76
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	19	1.75
(1,287)	1:352:A:ILE:C	1:353:A:SER:N	1:353:A:SER:CA	1:353:A:SER:C	25	1.75
(1,135)	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	1:270:A:TYR:CA	1:270:A:TYR:C	18	1.75
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	16	1.75
(1,46)	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	1:219:A:TYR:N	34	1.75
(1,14)	1:197:A:ALA:N	1:197:A:ALA:CA	1:197:A:ALA:C	1:198:A:VAL:N	32	1.75
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	16	1.74
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	5	1.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	22	1.74
(1,250)	1:332:A:GLU:N	1:332:A:GLU:CA	1:332:A:GLU:C	1:333:A:LEU:N	31	1.74
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	16	1.74
(1,132)	1:268:A:LYS:N	1:268:A:LYS:CA	1:268:A:LYS:C	1:269:A:GLN:N	7	1.74
(1,91)	1:244:A:LYS:C	1:245:A:ALA:N	1:245:A:ALA:CA	1:245:A:ALA:C	35	1.74
(1,329)	1:377:A:MET:C	1:378:A:LYS:N	1:378:A:LYS:CA	1:378:A:LYS:C	35	1.73
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	21	1.73
(1,208)	1:311:A:PRO:N	1:311:A:PRO:CA	1:311:A:PRO:C	1:312:A:GLU:N	17	1.73
(1,200)	1:307:A:LEU:N	1:307:A:LEU:CA	1:307:A:LEU:C	1:308:A:LYS:N	33	1.73
(1,67)	1:230:A:ILE:C	1:231:A:TYR:N	1:231:A:TYR:CA	1:231:A:TYR:C	2	1.73
(1,64)	1:228:A:GLU:N	1:228:A:GLU:CA	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	15	1.73
(1,64)	1:228:A:GLU:N	1:228:A:GLU:CA	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	31	1.73
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	7	1.72
(1,312)	1:366:A:GLU:N	1:366:A:GLU:CA	1:366:A:GLU:C	1:367:A:LEU:N	29	1.72
(1,312)	1:366:A:GLU:N	1:366:A:GLU:CA	1:366:A:GLU:C	1:367:A:LEU:N	32	1.72
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	17	1.71
(1,377)	1:413:A:HIS:C	1:414:A:ARG:N	1:414:A:ARG:CA	1:414:A:ARG:C	3	1.71
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	1	1.71
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	4	1.71
(1,191)	1:302:A:GLU:C	1:303:A:PHE:N	1:303:A:PHE:CA	1:303:A:PHE:C	8	1.71
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	8	1.71
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	15	1.71
(1,356)	1:403:A:ARG:N	1:403:A:ARG:CA	1:403:A:ARG:C	1:404:A:ARG:N	21	1.7
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	6	1.7
(1,151)	1:280:A:THR:C	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	32	1.7
(1,132)	1:268:A:LYS:N	1:268:A:LYS:CA	1:268:A:LYS:C	1:269:A:GLN:N	10	1.7
(1,65)	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	1:229:A:GLY:CA	1:229:A:GLY:C	5	1.7
(1,16)	1:198:A:VAL:N	1:198:A:VAL:CA	1:198:A:VAL:C	1:199:A:GLU:N	25	1.7
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	13	1.69
(1,280)	1:349:A:THR:N	1:349:A:THR:CA	1:349:A:THR:C	1:350:A:VAL:N	16	1.69
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	28	1.69
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	31	1.69
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	17	1.68
(1,140)	1:272:A:ARG:N	1:272:A:ARG:CA	1:272:A:ARG:C	1:273:A:ASP:N	17	1.68
(1,69)	1:231:A:TYR:C	1:232:A:ARG:N	1:232:A:ARG:CA	1:232:A:ARG:C	8	1.68
(1,11)	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	1:196:A:ASP:CA	1:196:A:ASP:C	18	1.68
(1,372)	1:411:A:CYS:N	1:411:A:CYS:CA	1:411:A:CYS:C	1:412:A:LEU:N	7	1.67
(1,336)	1:393:A:GLU:N	1:393:A:GLU:CA	1:393:A:GLU:C	1:394:A:THR:N	9	1.67
(1,325)	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	21	1.67
(1,217)	1:315:A:TYR:C	1:316:A:LEU:N	1:316:A:LEU:CA	1:316:A:LEU:C	25	1.67
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	18	1.67
(1,152)	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	1:282:A:GLU:N	3	1.67
(1,398)	1:426:A:GLU:N	1:426:A:GLU:CA	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	7	1.66
(1,273)	1:345:A:VAL:C	1:346:A:LEU:N	1:346:A:LEU:CA	1:346:A:LEU:C	28	1.66
(1,252)	1:333:A:LEU:N	1:333:A:LEU:CA	1:333:A:LEU:C	1:334:A:GLU:N	34	1.66
(1,194)	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	1:305:A:ARG:N	12	1.66
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	14	1.66
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	10	1.66
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	31	1.65
(1,414)	1:434:A:ARG:N	1:434:A:ARG:CA	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	26	1.65
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	21	1.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	20	1.65
(1,146)	1:276:A:GLU:N	1:276:A:GLU:CA	1:276:A:GLU:C	1:277:A:ASN:N	29	1.65
(1,130)	1:267:A:LEU:N	1:267:A:LEU:CA	1:267:A:LEU:C	1:268:A:LYS:N	12	1.65
(1,130)	1:267:A:LEU:N	1:267:A:LEU:CA	1:267:A:LEU:C	1:268:A:LYS:N	31	1.65
(1,414)	1:434:A:ARG:N	1:434:A:ARG:CA	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	34	1.64
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	25	1.64
(1,380)	1:415:A:ASP:N	1:415:A:ASP:CA	1:415:A:ASP:C	1:416:A:LEU:N	27	1.64
(1,69)	1:231:A:TYR:C	1:232:A:ARG:N	1:232:A:ARG:CA	1:232:A:ARG:C	5	1.64
(1,22)	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	1:202:A:MET:N	12	1.64
(1,408)	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	1:432:A:VAL:N	32	1.63
(1,376)	1:413:A:HIS:N	1:413:A:HIS:CA	1:413:A:HIS:C	1:414:A:ARG:N	28	1.63
(1,338)	1:394:A:THR:N	1:394:A:THR:CA	1:394:A:THR:C	1:395:A:GLN:N	1	1.63
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	33	1.63
(1,278)	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	1:349:A:THR:N	8	1.63
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	15	1.63
(1,116)	1:260:A:PRO:N	1:260:A:PRO:CA	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	27	1.63
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	21	1.63
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	3	1.62
(1,398)	1:426:A:GLU:N	1:426:A:GLU:CA	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	5	1.62
(1,324)	1:375:A:GLN:N	1:375:A:GLN:CA	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	2	1.62
(1,242)	1:328:A:VAL:N	1:328:A:VAL:CA	1:328:A:VAL:C	1:329:A:ILE:N	13	1.62
(1,151)	1:280:A:THR:C	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	30	1.62
(1,146)	1:276:A:GLU:N	1:276:A:GLU:CA	1:276:A:GLU:C	1:277:A:ASN:N	11	1.62
(1,45)	1:217:A:ILE:C	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	5	1.62
(1,22)	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	1:202:A:MET:N	1	1.62
(1,415)	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	1:435:A:ILE:CA	1:435:A:ILE:C	18	1.61
(1,368)	1:409:A:LEU:N	1:409:A:LEU:CA	1:409:A:LEU:C	1:410:A:ASN:N	22	1.61
(1,338)	1:394:A:THR:N	1:394:A:THR:CA	1:394:A:THR:C	1:395:A:GLN:N	34	1.61
(1,324)	1:375:A:GLN:N	1:375:A:GLN:CA	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	28	1.61
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	22	1.61
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	17	1.61
(1,132)	1:268:A:LYS:N	1:268:A:LYS:CA	1:268:A:LYS:C	1:269:A:GLN:N	25	1.61
(1,85)	1:241:A:ASP:C	1:242:A:GLU:N	1:242:A:GLU:CA	1:242:A:GLU:C	5	1.61
(1,402)	1:428:A:ARG:N	1:428:A:ARG:CA	1:428:A:ARG:C	1:429:A:LEU:N	35	1.6
(1,376)	1:413:A:HIS:N	1:413:A:HIS:CA	1:413:A:HIS:C	1:414:A:ARG:N	26	1.6
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	16	1.6
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	10	1.59
(1,132)	1:268:A:LYS:N	1:268:A:LYS:CA	1:268:A:LYS:C	1:269:A:GLN:N	3	1.59
(1,116)	1:260:A:PRO:N	1:260:A:PRO:CA	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	35	1.59
(1,100)	1:249:A:ARG:N	1:249:A:ARG:CA	1:249:A:ARG:C	1:250:A:GLU:N	15	1.59
(1,2)	1:188:A:PRO:N	1:188:A:PRO:CA	1:188:A:PRO:C	1:189:A:ILE:N	25	1.59
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	14	1.58
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	19	1.58
(1,356)	1:403:A:ARG:N	1:403:A:ARG:CA	1:403:A:ARG:C	1:404:A:ARG:N	16	1.58
(1,329)	1:377:A:MET:C	1:378:A:LYS:N	1:378:A:LYS:CA	1:378:A:LYS:C	6	1.58
(1,312)	1:366:A:GLU:N	1:366:A:GLU:CA	1:366:A:GLU:C	1:367:A:LEU:N	9	1.58
(1,132)	1:268:A:LYS:N	1:268:A:LYS:CA	1:268:A:LYS:C	1:269:A:GLN:N	5	1.58
(1,132)	1:268:A:LYS:N	1:268:A:LYS:CA	1:268:A:LYS:C	1:269:A:GLN:N	31	1.58
(1,130)	1:267:A:LEU:N	1:267:A:LEU:CA	1:267:A:LEU:C	1:268:A:LYS:N	29	1.58
(1,108)	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	7	1.58
(1,98)	1:248:A:ASP:N	1:248:A:ASP:CA	1:248:A:ASP:C	1:249:A:ARG:N	7	1.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,85)	1:241:A:ASP:C	1:242:A:GLU:N	1:242:A:GLU:CA	1:242:A:GLU:C	29	1.58
(1,55)	1:222:A:LYS:C	1:223:A:TYR:N	1:223:A:TYR:CA	1:223:A:TYR:C	27	1.58
(1,46)	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	1:219:A:TYR:N	32	1.58
(1,45)	1:217:A:ILE:C	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	10	1.58
(1,314)	1:367:A:LEU:N	1:367:A:LEU:CA	1:367:A:LEU:C	1:368:A:PHE:N	14	1.57
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	19	1.57
(1,250)	1:332:A:GLU:N	1:332:A:GLU:CA	1:332:A:GLU:C	1:333:A:LEU:N	17	1.57
(1,217)	1:315:A:TYR:C	1:316:A:LEU:N	1:316:A:LEU:CA	1:316:A:LEU:C	21	1.57
(1,132)	1:268:A:LYS:N	1:268:A:LYS:CA	1:268:A:LYS:C	1:269:A:GLN:N	20	1.57
(1,116)	1:260:A:PRO:N	1:260:A:PRO:CA	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	29	1.57
(1,85)	1:241:A:ASP:C	1:242:A:GLU:N	1:242:A:GLU:CA	1:242:A:GLU:C	19	1.57
(1,415)	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	1:435:A:ILE:CA	1:435:A:ILE:C	35	1.56
(1,384)	1:417:A:GLN:N	1:417:A:GLN:CA	1:417:A:GLN:C	1:418:A:GLY:N	14	1.56
(1,372)	1:411:A:CYS:N	1:411:A:CYS:CA	1:411:A:CYS:C	1:412:A:LEU:N	17	1.56
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	4	1.56
(1,134)	1:269:A:GLN:N	1:269:A:GLN:CA	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	11	1.56
(1,22)	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	1:202:A:MET:N	17	1.56
(1,6)	1:193:A:PRO:N	1:193:A:PRO:CA	1:193:A:PRO:C	1:194:A:LEU:N	27	1.56
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	26	1.55
(1,388)	1:421:A:LYS:N	1:421:A:LYS:CA	1:421:A:LYS:C	1:422:A:ASP:N	26	1.55
(1,372)	1:411:A:CYS:N	1:411:A:CYS:CA	1:411:A:CYS:C	1:412:A:LEU:N	14	1.55
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	8	1.55
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	26	1.55
(1,217)	1:315:A:TYR:C	1:316:A:LEU:N	1:316:A:LEU:CA	1:316:A:LEU:C	18	1.55
(1,95)	1:246:A:ALA:C	1:247:A:TYR:N	1:247:A:TYR:CA	1:247:A:TYR:C	17	1.55
(1,402)	1:428:A:ARG:N	1:428:A:ARG:CA	1:428:A:ARG:C	1:429:A:LEU:N	31	1.54
(1,398)	1:426:A:GLU:N	1:426:A:GLU:CA	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	20	1.54
(1,332)	1:379:A:PRO:N	1:379:A:PRO:CA	1:379:A:PRO:C	1:380:A:LEU:N	16	1.54
(1,324)	1:375:A:GLN:N	1:375:A:GLN:CA	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	31	1.54
(1,287)	1:352:A:ILE:C	1:353:A:SER:N	1:353:A:SER:CA	1:353:A:SER:C	6	1.54
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	34	1.54
(1,208)	1:311:A:PRO:N	1:311:A:PRO:CA	1:311:A:PRO:C	1:312:A:GLU:N	9	1.54
(1,200)	1:307:A:LEU:N	1:307:A:LEU:CA	1:307:A:LEU:C	1:308:A:LYS:N	30	1.54
(1,185)	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	1:300:A:VAL:CA	1:300:A:VAL:C	21	1.54
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	7	1.54
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	15	1.54
(1,134)	1:269:A:GLN:N	1:269:A:GLN:CA	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	14	1.54
(1,414)	1:434:A:ARG:N	1:434:A:ARG:CA	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	8	1.53
(1,356)	1:403:A:ARG:N	1:403:A:ARG:CA	1:403:A:ARG:C	1:404:A:ARG:N	26	1.53
(1,312)	1:366:A:GLU:N	1:366:A:GLU:CA	1:366:A:GLU:C	1:367:A:LEU:N	16	1.53
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	29	1.53
(1,242)	1:328:A:VAL:N	1:328:A:VAL:CA	1:328:A:VAL:C	1:329:A:ILE:N	8	1.53
(1,108)	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	35	1.53
(1,65)	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	1:229:A:GLY:CA	1:229:A:GLY:C	6	1.53
(1,31)	1:210:A:PRO:C	1:211:A:ALA:N	1:211:A:ALA:CA	1:211:A:ALA:C	7	1.53
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	11	1.52
(1,415)	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	1:435:A:ILE:CA	1:435:A:ILE:C	10	1.52
(1,343)	1:396:A:ALA:C	1:397:A:GLY:N	1:397:A:GLY:CA	1:397:A:GLY:C	19	1.52
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	9	1.52
(1,102)	1:252:A:SER:N	1:252:A:SER:CA	1:252:A:SER:C	1:253:A:THR:N	12	1.52
(1,396)	1:425:A:LYS:N	1:425:A:LYS:CA	1:425:A:LYS:C	1:426:A:GLU:N	21	1.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,376)	1:413:A:HIS:N	1:413:A:HIS:CA	1:413:A:HIS:C	1:414:A:ARG:N	22	1.51
(1,375)	1:412:A:LEU:C	1:413:A:HIS:N	1:413:A:HIS:CA	1:413:A:HIS:C	18	1.51
(1,292)	1:356:A:VAL:N	1:356:A:VAL:CA	1:356:A:VAL:C	1:357:A:LEU:N	17	1.51
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	29	1.51
(1,116)	1:260:A:PRO:N	1:260:A:PRO:CA	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	22	1.51
(1,97)	1:247:A:TYR:C	1:248:A:ASP:N	1:248:A:ASP:CA	1:248:A:ASP:C	14	1.51
(1,428)	1:441:A:ARG:N	1:441:A:ARG:CA	1:441:A:ARG:C	1:442:A:LYS:N	21	1.5
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	35	1.5
(1,388)	1:421:A:LYS:N	1:421:A:LYS:CA	1:421:A:LYS:C	1:422:A:ASP:N	30	1.5
(1,384)	1:417:A:GLN:N	1:417:A:GLN:CA	1:417:A:GLN:C	1:418:A:GLY:N	8	1.5
(1,358)	1:404:A:ARG:N	1:404:A:ARG:CA	1:404:A:ARG:C	1:405:A:GLN:N	31	1.5
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	30	1.5
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	12	1.5
(1,85)	1:241:A:ASP:C	1:242:A:GLU:N	1:242:A:GLU:CA	1:242:A:GLU:C	27	1.5
(1,47)	1:218:A:ASP:C	1:219:A:TYR:N	1:219:A:TYR:CA	1:219:A:TYR:C	28	1.5
(1,408)	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	1:432:A:VAL:N	26	1.49
(1,384)	1:417:A:GLN:N	1:417:A:GLN:CA	1:417:A:GLN:C	1:418:A:GLY:N	21	1.49
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	5	1.49
(1,54)	1:222:A:LYS:N	1:222:A:LYS:CA	1:222:A:LYS:C	1:223:A:TYR:N	19	1.49
(1,376)	1:413:A:HIS:N	1:413:A:HIS:CA	1:413:A:HIS:C	1:414:A:ARG:N	33	1.48
(1,292)	1:356:A:VAL:N	1:356:A:VAL:CA	1:356:A:VAL:C	1:357:A:LEU:N	13	1.48
(1,108)	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	25	1.48
(1,16)	1:198:A:VAL:N	1:198:A:VAL:CA	1:198:A:VAL:C	1:199:A:GLU:N	21	1.48
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	12	1.47
(1,280)	1:349:A:THR:N	1:349:A:THR:CA	1:349:A:THR:C	1:350:A:VAL:N	2	1.47
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	18	1.47
(1,85)	1:241:A:ASP:C	1:242:A:GLU:N	1:242:A:GLU:CA	1:242:A:GLU:C	2	1.47
(1,30)	1:210:A:PRO:N	1:210:A:PRO:CA	1:210:A:PRO:C	1:211:A:ALA:N	13	1.47
(1,388)	1:421:A:LYS:N	1:421:A:LYS:CA	1:421:A:LYS:C	1:422:A:ASP:N	4	1.46
(1,376)	1:413:A:HIS:N	1:413:A:HIS:CA	1:413:A:HIS:C	1:414:A:ARG:N	15	1.46
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	12	1.46
(1,2)	1:188:A:PRO:N	1:188:A:PRO:CA	1:188:A:PRO:C	1:189:A:ILE:N	30	1.46
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	16	1.45
(1,396)	1:425:A:LYS:N	1:425:A:LYS:CA	1:425:A:LYS:C	1:426:A:GLU:N	2	1.45
(1,338)	1:394:A:THR:N	1:394:A:THR:CA	1:394:A:THR:C	1:395:A:GLN:N	33	1.45
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	6	1.45
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	25	1.45
(1,273)	1:345:A:VAL:C	1:346:A:LEU:N	1:346:A:LEU:CA	1:346:A:LEU:C	1	1.45
(1,193)	1:303:A:PHE:C	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	24	1.45
(1,191)	1:302:A:GLU:C	1:303:A:PHE:N	1:303:A:PHE:CA	1:303:A:PHE:C	12	1.45
(1,181)	1:297:A:THR:C	1:298:A:GLU:N	1:298:A:GLU:CA	1:298:A:GLU:C	29	1.45
(1,151)	1:280:A:THR:C	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	22	1.45
(1,151)	1:280:A:THR:C	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	27	1.45
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	26	1.45
(1,344)	1:397:A:GLY:N	1:397:A:GLY:CA	1:397:A:GLY:C	1:398:A:ILE:N	9	1.44
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	24	1.44
(1,154)	1:282:A:GLU:N	1:282:A:GLU:CA	1:282:A:GLU:C	1:283:A:LEU:N	19	1.44
(1,107)	1:254:A:ASN:C	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	6	1.44
(1,85)	1:241:A:ASP:C	1:242:A:GLU:N	1:242:A:GLU:CA	1:242:A:GLU:C	23	1.44
(1,31)	1:210:A:PRO:C	1:211:A:ALA:N	1:211:A:ALA:CA	1:211:A:ALA:C	1	1.44
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	32	1.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	10	1.43
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	26	1.43
(1,280)	1:349:A:THR:N	1:349:A:THR:CA	1:349:A:THR:C	1:350:A:VAL:N	18	1.43
(1,193)	1:303:A:PHE:C	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	27	1.43
(1,141)	1:272:A:ARG:C	1:273:A:ASP:N	1:273:A:ASP:CA	1:273:A:ASP:C	20	1.43
(1,124)	1:264:A:ALA:N	1:264:A:ALA:CA	1:264:A:ALA:C	1:265:A:SER:N	21	1.43
(1,94)	1:246:A:ALA:N	1:246:A:ALA:CA	1:246:A:ALA:C	1:247:A:TYR:N	28	1.43
(1,41)	1:215:A:GLU:C	1:216:A:CYS:N	1:216:A:CYS:CA	1:216:A:CYS:C	28	1.43
(1,22)	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	1:202:A:MET:N	26	1.43
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	11	1.42
(1,292)	1:356:A:VAL:N	1:356:A:VAL:CA	1:356:A:VAL:C	1:357:A:LEU:N	25	1.42
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	20	1.42
(1,151)	1:280:A:THR:C	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	31	1.42
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	9	1.41
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	25	1.41
(1,117)	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	1:261:A:ASN:CA	1:261:A:ASN:C	9	1.41
(1,94)	1:246:A:ALA:N	1:246:A:ALA:CA	1:246:A:ALA:C	1:247:A:TYR:N	5	1.41
(1,85)	1:241:A:ASP:C	1:242:A:GLU:N	1:242:A:GLU:CA	1:242:A:GLU:C	1	1.41
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	5	1.4
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	7	1.4
(1,329)	1:377:A:MET:C	1:378:A:LYS:N	1:378:A:LYS:CA	1:378:A:LYS:C	25	1.4
(1,312)	1:366:A:GLU:N	1:366:A:GLU:CA	1:366:A:GLU:C	1:367:A:LEU:N	10	1.4
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	30	1.4
(1,108)	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	19	1.4
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	16	1.4
(1,377)	1:413:A:HIS:C	1:414:A:ARG:N	1:414:A:ARG:CA	1:414:A:ARG:C	22	1.39
(1,303)	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	1:362:A:THR:CA	1:362:A:THR:C	10	1.39
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	14	1.39
(1,191)	1:302:A:GLU:C	1:303:A:PHE:N	1:303:A:PHE:CA	1:303:A:PHE:C	4	1.39
(1,191)	1:302:A:GLU:C	1:303:A:PHE:N	1:303:A:PHE:CA	1:303:A:PHE:C	7	1.39
(1,168)	1:290:A:ALA:N	1:290:A:ALA:CA	1:290:A:ALA:C	1:291:A:CYS:N	11	1.39
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	10	1.39
(1,130)	1:267:A:LEU:N	1:267:A:LEU:CA	1:267:A:LEU:C	1:268:A:LYS:N	24	1.39
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	35	1.39
(1,116)	1:260:A:PRO:N	1:260:A:PRO:CA	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	31	1.39
(1,95)	1:246:A:ALA:C	1:247:A:TYR:N	1:247:A:TYR:CA	1:247:A:TYR:C	16	1.39
(1,45)	1:217:A:ILE:C	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	13	1.39
(1,31)	1:210:A:PRO:C	1:211:A:ALA:N	1:211:A:ALA:CA	1:211:A:ALA:C	6	1.39
(1,377)	1:413:A:HIS:C	1:414:A:ARG:N	1:414:A:ARG:CA	1:414:A:ARG:C	24	1.38
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	35	1.38
(1,193)	1:303:A:PHE:C	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	7	1.38
(1,176)	1:295:A:THR:N	1:295:A:THR:CA	1:295:A:THR:C	1:296:A:GLU:N	19	1.38
(1,102)	1:252:A:SER:N	1:252:A:SER:CA	1:252:A:SER:C	1:253:A:THR:N	27	1.38
(1,69)	1:231:A:TYR:C	1:232:A:ARG:N	1:232:A:ARG:CA	1:232:A:ARG:C	24	1.38
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	7	1.37
(1,378)	1:414:A:ARG:N	1:414:A:ARG:CA	1:414:A:ARG:C	1:415:A:ASP:N	29	1.37
(1,284)	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	1:352:A:ILE:N	12	1.37
(1,194)	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	1:305:A:ARG:N	29	1.37
(1,194)	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	1:305:A:ARG:N	34	1.37
(1,95)	1:246:A:ALA:C	1:247:A:TYR:N	1:247:A:TYR:CA	1:247:A:TYR:C	11	1.37
(1,91)	1:244:A:LYS:C	1:245:A:ALA:N	1:245:A:ALA:CA	1:245:A:ALA:C	24	1.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,414)	1:434:A:ARG:N	1:434:A:ARG:CA	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	14	1.36
(1,349)	1:399:A:LYS:C	1:400:A:GLU:N	1:400:A:GLU:CA	1:400:A:GLU:C	31	1.36
(1,343)	1:396:A:ALA:C	1:397:A:GLY:N	1:397:A:GLY:CA	1:397:A:GLY:C	25	1.36
(1,257)	1:337:A:MET:C	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	31	1.36
(1,52)	1:221:A:GLU:N	1:221:A:GLU:CA	1:221:A:GLU:C	1:222:A:LYS:N	8	1.36
(1,22)	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	1:202:A:MET:N	14	1.36
(1,326)	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	1:377:A:MET:N	9	1.35
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	34	1.35
(1,190)	1:302:A:GLU:N	1:302:A:GLU:CA	1:302:A:GLU:C	1:303:A:PHE:N	31	1.35
(1,151)	1:280:A:THR:C	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	9	1.35
(1,67)	1:230:A:ILE:C	1:231:A:TYR:N	1:231:A:TYR:CA	1:231:A:TYR:C	11	1.35
(1,33)	1:211:A:ALA:C	1:212:A:VAL:N	1:212:A:VAL:CA	1:212:A:VAL:C	33	1.35
(1,415)	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	1:435:A:ILE:CA	1:435:A:ILE:C	13	1.34
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	25	1.34
(1,372)	1:411:A:CYS:N	1:411:A:CYS:CA	1:411:A:CYS:C	1:412:A:LEU:N	19	1.34
(1,368)	1:409:A:LEU:N	1:409:A:LEU:CA	1:409:A:LEU:C	1:410:A:ASN:N	21	1.34
(1,368)	1:409:A:LEU:N	1:409:A:LEU:CA	1:409:A:LEU:C	1:410:A:ASN:N	26	1.34
(1,312)	1:366:A:GLU:N	1:366:A:GLU:CA	1:366:A:GLU:C	1:367:A:LEU:N	5	1.34
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	6	1.34
(1,52)	1:221:A:GLU:N	1:221:A:GLU:CA	1:221:A:GLU:C	1:222:A:LYS:N	27	1.34
(1,46)	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	1:219:A:TYR:N	3	1.34
(1,375)	1:412:A:LEU:C	1:413:A:HIS:N	1:413:A:HIS:CA	1:413:A:HIS:C	6	1.33
(1,368)	1:409:A:LEU:N	1:409:A:LEU:CA	1:409:A:LEU:C	1:410:A:ASN:N	6	1.33
(1,368)	1:409:A:LEU:N	1:409:A:LEU:CA	1:409:A:LEU:C	1:410:A:ASN:N	10	1.33
(1,356)	1:403:A:ARG:N	1:403:A:ARG:CA	1:403:A:ARG:C	1:404:A:ARG:N	14	1.33
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	9	1.33
(1,292)	1:356:A:VAL:N	1:356:A:VAL:CA	1:356:A:VAL:C	1:357:A:LEU:N	30	1.33
(1,280)	1:349:A:THR:N	1:349:A:THR:CA	1:349:A:THR:C	1:350:A:VAL:N	34	1.33
(1,197)	1:305:A:ARG:C	1:306:A:LEU:N	1:306:A:LEU:CA	1:306:A:LEU:C	5	1.33
(1,194)	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	1:305:A:ARG:N	35	1.33
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	35	1.33
(1,108)	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	30	1.33
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	1	1.32
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	5	1.32
(1,415)	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	1:435:A:ILE:CA	1:435:A:ILE:C	4	1.32
(1,393)	1:423:A:LEU:C	1:424:A:SER:N	1:424:A:SER:CA	1:424:A:SER:C	21	1.32
(1,373)	1:411:A:CYS:C	1:412:A:LEU:N	1:412:A:LEU:CA	1:412:A:LEU:C	35	1.32
(1,191)	1:302:A:GLU:C	1:303:A:PHE:N	1:303:A:PHE:CA	1:303:A:PHE:C	24	1.32
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	31	1.32
(1,134)	1:269:A:GLN:N	1:269:A:GLN:CA	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	31	1.32
(1,116)	1:260:A:PRO:N	1:260:A:PRO:CA	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	2	1.32
(1,46)	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	1:219:A:TYR:N	17	1.32
(1,45)	1:217:A:ILE:C	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	8	1.32
(1,41)	1:215:A:GLU:C	1:216:A:CYS:N	1:216:A:CYS:CA	1:216:A:CYS:C	24	1.32
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	14	1.32
(1,2)	1:188:A:PRO:N	1:188:A:PRO:CA	1:188:A:PRO:C	1:189:A:ILE:N	9	1.32
(1,384)	1:417:A:GLN:N	1:417:A:GLN:CA	1:417:A:GLN:C	1:418:A:GLY:N	4	1.31
(1,371)	1:410:A:ASN:C	1:411:A:CYS:N	1:411:A:CYS:CA	1:411:A:CYS:C	13	1.31
(1,368)	1:409:A:LEU:N	1:409:A:LEU:CA	1:409:A:LEU:C	1:410:A:ASN:N	17	1.31
(1,368)	1:409:A:LEU:N	1:409:A:LEU:CA	1:409:A:LEU:C	1:410:A:ASN:N	18	1.31
(1,158)	1:285:A:PRO:N	1:285:A:PRO:CA	1:285:A:PRO:C	1:286:A:ARG:N	15	1.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,132)	1:268:A:LYS:N	1:268:A:LYS:CA	1:268:A:LYS:C	1:269:A:GLN:N	34	1.31
(1,64)	1:228:A:GLU:N	1:228:A:GLU:CA	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	4	1.31
(1,15)	1:197:A:ALA:C	1:198:A:VAL:N	1:198:A:VAL:CA	1:198:A:VAL:C	15	1.31
(1,408)	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	1:432:A:VAL:N	31	1.3
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	23	1.3
(1,324)	1:375:A:GLN:N	1:375:A:GLN:CA	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	9	1.3
(1,146)	1:276:A:GLU:N	1:276:A:GLU:CA	1:276:A:GLU:C	1:277:A:ASN:N	23	1.3
(1,127)	1:265:A:SER:C	1:266:A:LEU:N	1:266:A:LEU:CA	1:266:A:LEU:C	26	1.3
(1,395)	1:424:A:SER:C	1:425:A:LYS:N	1:425:A:LYS:CA	1:425:A:LYS:C	14	1.29
(1,368)	1:409:A:LEU:N	1:409:A:LEU:CA	1:409:A:LEU:C	1:410:A:ASN:N	3	1.29
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	8	1.29
(1,193)	1:303:A:PHE:C	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	17	1.29
(1,146)	1:276:A:GLU:N	1:276:A:GLU:CA	1:276:A:GLU:C	1:277:A:ASN:N	8	1.29
(1,132)	1:268:A:LYS:N	1:268:A:LYS:CA	1:268:A:LYS:C	1:269:A:GLN:N	26	1.29
(1,66)	1:229:A:GLY:N	1:229:A:GLY:CA	1:229:A:GLY:C	1:230:A:ILE:N	25	1.29
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	8	1.29
(1,384)	1:417:A:GLN:N	1:417:A:GLN:CA	1:417:A:GLN:C	1:418:A:GLY:N	6	1.28
(1,376)	1:413:A:HIS:N	1:413:A:HIS:CA	1:413:A:HIS:C	1:414:A:ARG:N	29	1.28
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	33	1.28
(1,57)	1:224:A:GLY:C	1:225:A:MET:N	1:225:A:MET:CA	1:225:A:MET:C	14	1.28
(1,31)	1:210:A:PRO:C	1:211:A:ALA:N	1:211:A:ALA:CA	1:211:A:ALA:C	23	1.28
(1,18)	1:199:A:GLU:N	1:199:A:GLU:CA	1:199:A:GLU:C	1:200:A:ARG:N	20	1.28
(1,415)	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	1:435:A:ILE:CA	1:435:A:ILE:C	20	1.27
(1,413)	1:433:A:GLN:C	1:434:A:ARG:N	1:434:A:ARG:CA	1:434:A:ARG:C	18	1.27
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	5	1.27
(1,218)	1:316:A:LEU:N	1:316:A:LEU:CA	1:316:A:LEU:C	1:317:A:LEU:N	13	1.27
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	18	1.27
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	31	1.27
(1,128)	1:266:A:LEU:N	1:266:A:LEU:CA	1:266:A:LEU:C	1:267:A:LEU:N	12	1.27
(1,46)	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	1:219:A:TYR:N	31	1.27
(1,414)	1:434:A:ARG:N	1:434:A:ARG:CA	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	32	1.26
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	11	1.26
(1,200)	1:307:A:LEU:N	1:307:A:LEU:CA	1:307:A:LEU:C	1:308:A:LYS:N	1	1.26
(1,200)	1:307:A:LEU:N	1:307:A:LEU:CA	1:307:A:LEU:C	1:308:A:LYS:N	32	1.26
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	2	1.26
(1,116)	1:260:A:PRO:N	1:260:A:PRO:CA	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	8	1.26
(1,116)	1:260:A:PRO:N	1:260:A:PRO:CA	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	30	1.26
(1,52)	1:221:A:GLU:N	1:221:A:GLU:CA	1:221:A:GLU:C	1:222:A:LYS:N	33	1.26
(1,415)	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	1:435:A:ILE:CA	1:435:A:ILE:C	12	1.25
(1,356)	1:403:A:ARG:N	1:403:A:ARG:CA	1:403:A:ARG:C	1:404:A:ARG:N	5	1.25
(1,348)	1:399:A:LYS:N	1:399:A:LYS:CA	1:399:A:LYS:C	1:400:A:GLU:N	14	1.25
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	27	1.25
(1,191)	1:302:A:GLU:C	1:303:A:PHE:N	1:303:A:PHE:CA	1:303:A:PHE:C	22	1.25
(1,151)	1:280:A:THR:C	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	5	1.25
(1,151)	1:280:A:THR:C	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	17	1.25
(1,151)	1:280:A:THR:C	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	28	1.25
(1,26)	1:206:A:GLY:N	1:206:A:GLY:CA	1:206:A:GLY:C	1:207:A:ILE:N	12	1.25
(1,23)	1:204:A:TYR:C	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	28	1.25
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	9	1.24
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	17	1.24
(1,342)	1:396:A:ALA:N	1:396:A:ALA:CA	1:396:A:ALA:C	1:397:A:GLY:N	24	1.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,217)	1:315:A:TYR:C	1:316:A:LEU:N	1:316:A:LEU:CA	1:316:A:LEU:C	13	1.24
(1,200)	1:307:A:LEU:N	1:307:A:LEU:CA	1:307:A:LEU:C	1:308:A:LYS:N	3	1.24
(1,200)	1:307:A:LEU:N	1:307:A:LEU:CA	1:307:A:LEU:C	1:308:A:LYS:N	25	1.24
(1,141)	1:272:A:ARG:C	1:273:A:ASP:N	1:273:A:ASP:CA	1:273:A:ASP:C	27	1.24
(1,116)	1:260:A:PRO:N	1:260:A:PRO:CA	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	20	1.24
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	33	1.23
(1,408)	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	1:432:A:VAL:N	1	1.23
(1,396)	1:425:A:LYS:N	1:425:A:LYS:CA	1:425:A:LYS:C	1:426:A:GLU:N	34	1.23
(1,287)	1:352:A:ILE:C	1:353:A:SER:N	1:353:A:SER:CA	1:353:A:SER:C	35	1.23
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	14	1.23
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	24	1.23
(1,191)	1:302:A:GLU:C	1:303:A:PHE:N	1:303:A:PHE:CA	1:303:A:PHE:C	30	1.23
(1,181)	1:297:A:THR:C	1:298:A:GLU:N	1:298:A:GLU:CA	1:298:A:GLU:C	14	1.23
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	33	1.23
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	24	1.23
(1,141)	1:272:A:ARG:C	1:273:A:ASP:N	1:273:A:ASP:CA	1:273:A:ASP:C	18	1.23
(1,116)	1:260:A:PRO:N	1:260:A:PRO:CA	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	15	1.23
(1,23)	1:204:A:TYR:C	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	11	1.23
(1,372)	1:411:A:CYS:N	1:411:A:CYS:CA	1:411:A:CYS:C	1:412:A:LEU:N	22	1.22
(1,325)	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	24	1.22
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	24	1.22
(1,194)	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	1:305:A:ARG:N	24	1.22
(1,46)	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	1:219:A:TYR:N	2	1.22
(1,46)	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	1:219:A:TYR:N	5	1.22
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	4	1.21
(1,368)	1:409:A:LEU:N	1:409:A:LEU:CA	1:409:A:LEU:C	1:410:A:ASN:N	31	1.21
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	1	1.21
(1,65)	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	1:229:A:GLY:CA	1:229:A:GLY:C	11	1.21
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	12	1.21
(1,23)	1:204:A:TYR:C	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	30	1.21
(1,412)	1:433:A:GLN:N	1:433:A:GLN:CA	1:433:A:GLN:C	1:434:A:ARG:N	34	1.2
(1,408)	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	1:432:A:VAL:N	23	1.2
(1,380)	1:415:A:ASP:N	1:415:A:ASP:CA	1:415:A:ASP:C	1:416:A:LEU:N	9	1.2
(1,372)	1:411:A:CYS:N	1:411:A:CYS:CA	1:411:A:CYS:C	1:412:A:LEU:N	28	1.2
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	13	1.2
(1,208)	1:311:A:PRO:N	1:311:A:PRO:CA	1:311:A:PRO:C	1:312:A:GLU:N	1	1.2
(1,194)	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	1:305:A:ARG:N	14	1.2
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	19	1.2
(1,52)	1:221:A:GLU:N	1:221:A:GLU:CA	1:221:A:GLU:C	1:222:A:LYS:N	22	1.2
(1,28)	1:209:A:LEU:N	1:209:A:LEU:CA	1:209:A:LEU:C	1:210:A:PRO:N	7	1.2
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	28	1.2
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	6	1.19
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	18	1.19
(1,388)	1:421:A:LYS:N	1:421:A:LYS:CA	1:421:A:LYS:C	1:422:A:ASP:N	1	1.19
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	5	1.19
(1,168)	1:290:A:ALA:N	1:290:A:ALA:CA	1:290:A:ALA:C	1:291:A:CYS:N	8	1.19
(1,46)	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	1:219:A:TYR:N	4	1.19
(1,368)	1:409:A:LEU:N	1:409:A:LEU:CA	1:409:A:LEU:C	1:410:A:ASN:N	32	1.18
(1,331)	1:378:A:LYS:C	1:379:A:PRO:N	1:379:A:PRO:CA	1:379:A:PRO:C	17	1.18
(1,200)	1:307:A:LEU:N	1:307:A:LEU:CA	1:307:A:LEU:C	1:308:A:LYS:N	15	1.18
(1,193)	1:303:A:PHE:C	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	30	1.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	14	1.18
(1,176)	1:295:A:THR:N	1:295:A:THR:CA	1:295:A:THR:C	1:296:A:GLU:N	22	1.18
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	5	1.18
(1,137)	1:270:A:TYR:C	1:271:A:LEU:N	1:271:A:LEU:CA	1:271:A:LEU:C	15	1.18
(1,134)	1:269:A:GLN:N	1:269:A:GLN:CA	1:269:A:GLN:C	1:270:A:TYR:N	12	1.18
(1,130)	1:267:A:LEU:N	1:267:A:LEU:CA	1:267:A:LEU:C	1:268:A:LYS:N	23	1.18
(1,130)	1:267:A:LEU:N	1:267:A:LEU:CA	1:267:A:LEU:C	1:268:A:LYS:N	33	1.18
(1,95)	1:246:A:ALA:C	1:247:A:TYR:N	1:247:A:TYR:CA	1:247:A:TYR:C	15	1.18
(1,85)	1:241:A:ASP:C	1:242:A:GLU:N	1:242:A:GLU:CA	1:242:A:GLU:C	20	1.18
(1,46)	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	1:219:A:TYR:N	11	1.18
(1,376)	1:413:A:HIS:N	1:413:A:HIS:CA	1:413:A:HIS:C	1:414:A:ARG:N	34	1.17
(1,252)	1:333:A:LEU:N	1:333:A:LEU:CA	1:333:A:LEU:C	1:334:A:GLU:N	1	1.17
(1,200)	1:307:A:LEU:N	1:307:A:LEU:CA	1:307:A:LEU:C	1:308:A:LYS:N	8	1.17
(1,191)	1:302:A:GLU:C	1:303:A:PHE:N	1:303:A:PHE:CA	1:303:A:PHE:C	25	1.17
(1,146)	1:276:A:GLU:N	1:276:A:GLU:CA	1:276:A:GLU:C	1:277:A:ASN:N	15	1.17
(1,130)	1:267:A:LEU:N	1:267:A:LEU:CA	1:267:A:LEU:C	1:268:A:LYS:N	3	1.17
(1,130)	1:267:A:LEU:N	1:267:A:LEU:CA	1:267:A:LEU:C	1:268:A:LYS:N	15	1.17
(1,78)	1:238:A:SER:N	1:238:A:SER:CA	1:238:A:SER:C	1:239:A:LYS:N	32	1.17
(1,22)	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	1:202:A:MET:N	11	1.17
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	30	1.16
(1,384)	1:417:A:GLN:N	1:417:A:GLN:CA	1:417:A:GLN:C	1:418:A:GLY:N	1	1.16
(1,377)	1:413:A:HIS:C	1:414:A:ARG:N	1:414:A:ARG:CA	1:414:A:ARG:C	7	1.16
(1,303)	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	1:362:A:THR:CA	1:362:A:THR:C	22	1.16
(1,292)	1:356:A:VAL:N	1:356:A:VAL:CA	1:356:A:VAL:C	1:357:A:LEU:N	21	1.16
(1,191)	1:302:A:GLU:C	1:303:A:PHE:N	1:303:A:PHE:CA	1:303:A:PHE:C	3	1.16
(1,151)	1:280:A:THR:C	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	11	1.16
(1,146)	1:276:A:GLU:N	1:276:A:GLU:CA	1:276:A:GLU:C	1:277:A:ASN:N	32	1.16
(1,31)	1:210:A:PRO:C	1:211:A:ALA:N	1:211:A:ALA:CA	1:211:A:ALA:C	16	1.16
(1,420)	1:437:A:THR:N	1:437:A:THR:CA	1:437:A:THR:C	1:438:A:ALA:N	35	1.15
(1,384)	1:417:A:GLN:N	1:417:A:GLN:CA	1:417:A:GLN:C	1:418:A:GLY:N	32	1.15
(1,368)	1:409:A:LEU:N	1:409:A:LEU:CA	1:409:A:LEU:C	1:410:A:ASN:N	7	1.15
(1,307)	1:363:A:HIS:C	1:364:A:VAL:N	1:364:A:VAL:CA	1:364:A:VAL:C	11	1.15
(1,287)	1:352:A:ILE:C	1:353:A:SER:N	1:353:A:SER:CA	1:353:A:SER:C	24	1.15
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	11	1.15
(1,197)	1:305:A:ARG:C	1:306:A:LEU:N	1:306:A:LEU:CA	1:306:A:LEU:C	29	1.15
(1,190)	1:302:A:GLU:N	1:302:A:GLU:CA	1:302:A:GLU:C	1:303:A:PHE:N	27	1.15
(1,168)	1:290:A:ALA:N	1:290:A:ALA:CA	1:290:A:ALA:C	1:291:A:CYS:N	19	1.15
(1,149)	1:278:A:LEU:C	1:279:A:LEU:N	1:279:A:LEU:CA	1:279:A:LEU:C	14	1.15
(1,415)	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	1:435:A:ILE:CA	1:435:A:ILE:C	17	1.14
(1,414)	1:434:A:ARG:N	1:434:A:ARG:CA	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	17	1.14
(1,414)	1:434:A:ARG:N	1:434:A:ARG:CA	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	24	1.14
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	19	1.14
(1,368)	1:409:A:LEU:N	1:409:A:LEU:CA	1:409:A:LEU:C	1:410:A:ASN:N	24	1.14
(1,287)	1:352:A:ILE:C	1:353:A:SER:N	1:353:A:SER:CA	1:353:A:SER:C	22	1.14
(1,200)	1:307:A:LEU:N	1:307:A:LEU:CA	1:307:A:LEU:C	1:308:A:LYS:N	35	1.14
(1,191)	1:302:A:GLU:C	1:303:A:PHE:N	1:303:A:PHE:CA	1:303:A:PHE:C	9	1.14
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	16	1.14
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	21	1.14
(1,130)	1:267:A:LEU:N	1:267:A:LEU:CA	1:267:A:LEU:C	1:268:A:LYS:N	18	1.14
(1,375)	1:412:A:LEU:C	1:413:A:HIS:N	1:413:A:HIS:CA	1:413:A:HIS:C	29	1.13
(1,324)	1:375:A:GLN:N	1:375:A:GLN:CA	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	15	1.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,312)	1:366:A:GLU:N	1:366:A:GLU:CA	1:366:A:GLU:C	1:367:A:LEU:N	3	1.13
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	14	1.13
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	5	1.13
(1,208)	1:311:A:PRO:N	1:311:A:PRO:CA	1:311:A:PRO:C	1:312:A:GLU:N	22	1.13
(1,146)	1:276:A:GLU:N	1:276:A:GLU:CA	1:276:A:GLU:C	1:277:A:ASN:N	10	1.13
(1,65)	1:228:A:GLU:C	1:229:A:GLY:N	1:229:A:GLY:CA	1:229:A:GLY:C	32	1.13
(1,22)	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	1:202:A:MET:N	9	1.13
(1,415)	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	1:435:A:ILE:CA	1:435:A:ILE:C	3	1.12
(1,395)	1:424:A:SER:C	1:425:A:LYS:N	1:425:A:LYS:CA	1:425:A:LYS:C	5	1.12
(1,356)	1:403:A:ARG:N	1:403:A:ARG:CA	1:403:A:ARG:C	1:404:A:ARG:N	27	1.12
(1,336)	1:393:A:GLU:N	1:393:A:GLU:CA	1:393:A:GLU:C	1:394:A:THR:N	13	1.12
(1,303)	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	1:362:A:THR:CA	1:362:A:THR:C	2	1.12
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	24	1.12
(1,168)	1:290:A:ALA:N	1:290:A:ALA:CA	1:290:A:ALA:C	1:291:A:CYS:N	21	1.12
(1,167)	1:289:A:GLU:C	1:290:A:ALA:N	1:290:A:ALA:CA	1:290:A:ALA:C	18	1.12
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	32	1.12
(1,379)	1:414:A:ARG:C	1:415:A:ASP:N	1:415:A:ASP:CA	1:415:A:ASP:C	2	1.11
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	27	1.11
(1,252)	1:333:A:LEU:N	1:333:A:LEU:CA	1:333:A:LEU:C	1:334:A:GLU:N	26	1.11
(1,176)	1:295:A:THR:N	1:295:A:THR:CA	1:295:A:THR:C	1:296:A:GLU:N	20	1.11
(1,157)	1:284:A:MET:C	1:285:A:PRO:N	1:285:A:PRO:CA	1:285:A:PRO:C	29	1.11
(1,84)	1:241:A:ASP:N	1:241:A:ASP:CA	1:241:A:ASP:C	1:242:A:GLU:N	17	1.11
(1,69)	1:231:A:TYR:C	1:232:A:ARG:N	1:232:A:ARG:CA	1:232:A:ARG:C	3	1.11
(1,56)	1:223:A:TYR:N	1:223:A:TYR:CA	1:223:A:TYR:C	1:224:A:GLY:N	33	1.11
(1,6)	1:193:A:PRO:N	1:193:A:PRO:CA	1:193:A:PRO:C	1:194:A:LEU:N	19	1.11
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	29	1.1
(1,152)	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	1:282:A:GLU:N	19	1.1
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	5	1.09
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	35	1.09
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	4	1.09
(1,107)	1:254:A:ASN:C	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	8	1.09
(1,102)	1:252:A:SER:N	1:252:A:SER:CA	1:252:A:SER:C	1:253:A:THR:N	24	1.09
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	32	1.08
(1,395)	1:424:A:SER:C	1:425:A:LYS:N	1:425:A:LYS:CA	1:425:A:LYS:C	30	1.08
(1,384)	1:417:A:GLN:N	1:417:A:GLN:CA	1:417:A:GLN:C	1:418:A:GLY:N	18	1.08
(1,371)	1:410:A:ASN:C	1:411:A:CYS:N	1:411:A:CYS:CA	1:411:A:CYS:C	25	1.08
(1,368)	1:409:A:LEU:N	1:409:A:LEU:CA	1:409:A:LEU:C	1:410:A:ASN:N	23	1.08
(1,298)	1:359:A:VAL:N	1:359:A:VAL:CA	1:359:A:VAL:C	1:360:A:PHE:N	1	1.08
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	32	1.08
(1,278)	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	1:349:A:THR:N	12	1.08
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	19	1.08
(1,194)	1:304:A:GLN:N	1:304:A:GLN:CA	1:304:A:GLN:C	1:305:A:ARG:N	33	1.08
(1,116)	1:260:A:PRO:N	1:260:A:PRO:CA	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	23	1.08
(1,22)	1:201:A:THR:N	1:201:A:THR:CA	1:201:A:THR:C	1:202:A:MET:N	15	1.08
(1,6)	1:193:A:PRO:N	1:193:A:PRO:CA	1:193:A:PRO:C	1:194:A:LEU:N	11	1.08
(1,377)	1:413:A:HIS:C	1:414:A:ARG:N	1:414:A:ARG:CA	1:414:A:ARG:C	9	1.07
(1,184)	1:299:A:LYS:N	1:299:A:LYS:CA	1:299:A:LYS:C	1:300:A:VAL:N	27	1.07
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	6	1.07
(1,97)	1:247:A:TYR:C	1:248:A:ASP:N	1:248:A:ASP:CA	1:248:A:ASP:C	23	1.07
(1,91)	1:244:A:LYS:C	1:245:A:ALA:N	1:245:A:ALA:CA	1:245:A:ALA:C	29	1.07
(1,56)	1:223:A:TYR:N	1:223:A:TYR:CA	1:223:A:TYR:C	1:224:A:GLY:N	8	1.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,26)	1:206:A:GLY:N	1:206:A:GLY:CA	1:206:A:GLY:C	1:207:A:ILE:N	30	1.07
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	27	1.07
(1,18)	1:199:A:GLU:N	1:199:A:GLU:CA	1:199:A:GLU:C	1:200:A:ARG:N	35	1.07
(1,338)	1:394:A:THR:N	1:394:A:THR:CA	1:394:A:THR:C	1:395:A:GLN:N	19	1.06
(1,117)	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	1:261:A:ASN:CA	1:261:A:ASN:C	33	1.06
(1,116)	1:260:A:PRO:N	1:260:A:PRO:CA	1:260:A:PRO:C	1:261:A:ASN:N	25	1.06
(1,45)	1:217:A:ILE:C	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	18	1.06
(1,6)	1:193:A:PRO:N	1:193:A:PRO:CA	1:193:A:PRO:C	1:194:A:LEU:N	35	1.06
(1,287)	1:352:A:ILE:C	1:353:A:SER:N	1:353:A:SER:CA	1:353:A:SER:C	7	1.05
(1,283)	1:350:A:VAL:C	1:351:A:GLN:N	1:351:A:GLN:CA	1:351:A:GLN:C	27	1.05
(1,258)	1:338:A:ASN:N	1:338:A:ASN:CA	1:338:A:ASN:C	1:339:A:ILE:N	18	1.05
(1,217)	1:315:A:TYR:C	1:316:A:LEU:N	1:316:A:LEU:CA	1:316:A:LEU:C	32	1.05
(1,200)	1:307:A:LEU:N	1:307:A:LEU:CA	1:307:A:LEU:C	1:308:A:LYS:N	27	1.05
(1,170)	1:291:A:CYS:N	1:291:A:CYS:CA	1:291:A:CYS:C	1:292:A:GLY:N	10	1.05
(1,122)	1:263:A:VAL:N	1:263:A:VAL:CA	1:263:A:VAL:C	1:264:A:ALA:N	27	1.05
(1,46)	1:218:A:ASP:N	1:218:A:ASP:CA	1:218:A:ASP:C	1:219:A:TYR:N	19	1.05
(1,37)	1:213:A:PHE:C	1:214:A:ARG:N	1:214:A:ARG:CA	1:214:A:ARG:C	23	1.05
(1,415)	1:434:A:ARG:C	1:435:A:ILE:N	1:435:A:ILE:CA	1:435:A:ILE:C	27	1.04
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	4	1.04
(1,395)	1:424:A:SER:C	1:425:A:LYS:N	1:425:A:LYS:CA	1:425:A:LYS:C	11	1.04
(1,368)	1:409:A:LEU:N	1:409:A:LEU:CA	1:409:A:LEU:C	1:410:A:ASN:N	5	1.04
(1,252)	1:333:A:LEU:N	1:333:A:LEU:CA	1:333:A:LEU:C	1:334:A:GLU:N	27	1.04
(1,191)	1:302:A:GLU:C	1:303:A:PHE:N	1:303:A:PHE:CA	1:303:A:PHE:C	6	1.04
(1,41)	1:215:A:GLU:C	1:216:A:CYS:N	1:216:A:CYS:CA	1:216:A:CYS:C	23	1.04
(1,399)	1:426:A:GLU:C	1:427:A:GLU:N	1:427:A:GLU:CA	1:427:A:GLU:C	13	1.03
(1,373)	1:411:A:CYS:C	1:412:A:LEU:N	1:412:A:LEU:CA	1:412:A:LEU:C	34	1.03
(1,324)	1:375:A:GLN:N	1:375:A:GLN:CA	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	14	1.03
(1,289)	1:354:A:ASN:C	1:355:A:ARG:N	1:355:A:ARG:CA	1:355:A:ARG:C	30	1.03
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	12	1.03
(1,246)	1:330:A:ALA:N	1:330:A:ALA:CA	1:330:A:ALA:C	1:331:A:LYS:N	32	1.03
(1,236)	1:325:A:MET:N	1:325:A:MET:CA	1:325:A:MET:C	1:326:A:ASP:N	18	1.03
(1,200)	1:307:A:LEU:N	1:307:A:LEU:CA	1:307:A:LEU:C	1:308:A:LYS:N	19	1.03
(1,162)	1:287:A:PHE:N	1:287:A:PHE:CA	1:287:A:PHE:C	1:288:A:GLU:N	29	1.03
(1,151)	1:280:A:THR:C	1:281:A:LYS:N	1:281:A:LYS:CA	1:281:A:LYS:C	21	1.03
(1,86)	1:242:A:GLU:N	1:242:A:GLU:CA	1:242:A:GLU:C	1:243:A:LEU:N	6	1.03
(1,410)	1:432:A:VAL:N	1:432:A:VAL:CA	1:432:A:VAL:C	1:433:A:GLN:N	10	1.02
(1,325)	1:375:A:GLN:C	1:376:A:VAL:N	1:376:A:VAL:CA	1:376:A:VAL:C	5	1.02
(1,303)	1:361:A:PHE:C	1:362:A:THR:N	1:362:A:THR:CA	1:362:A:THR:C	19	1.02
(1,200)	1:307:A:LEU:N	1:307:A:LEU:CA	1:307:A:LEU:C	1:308:A:LYS:N	2	1.02
(1,157)	1:284:A:MET:C	1:285:A:PRO:N	1:285:A:PRO:CA	1:285:A:PRO:C	20	1.02
(1,85)	1:241:A:ASP:C	1:242:A:GLU:N	1:242:A:GLU:CA	1:242:A:GLU:C	32	1.02
(1,24)	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	1:206:A:GLY:N	19	1.02
(1,23)	1:204:A:TYR:C	1:205:A:ASP:N	1:205:A:ASP:CA	1:205:A:ASP:C	6	1.02
(1,407)	1:430:A:TRP:C	1:431:A:GLU:N	1:431:A:GLU:CA	1:431:A:GLU:C	11	1.01
(1,384)	1:417:A:GLN:N	1:417:A:GLN:CA	1:417:A:GLN:C	1:418:A:GLY:N	19	1.01
(1,384)	1:417:A:GLN:N	1:417:A:GLN:CA	1:417:A:GLN:C	1:418:A:GLY:N	26	1.01
(1,277)	1:347:A:SER:C	1:348:A:PRO:N	1:348:A:PRO:CA	1:348:A:PRO:C	29	1.01
(1,218)	1:316:A:LEU:N	1:316:A:LEU:CA	1:316:A:LEU:C	1:317:A:LEU:N	17	1.01
(1,192)	1:303:A:PHE:N	1:303:A:PHE:CA	1:303:A:PHE:C	1:304:A:GLN:N	26	1.01
(1,191)	1:302:A:GLU:C	1:303:A:PHE:N	1:303:A:PHE:CA	1:303:A:PHE:C	14	1.01
(1,176)	1:295:A:THR:N	1:295:A:THR:CA	1:295:A:THR:C	1:296:A:GLU:N	16	1.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,130)	1:267:A:LEU:N	1:267:A:LEU:CA	1:267:A:LEU:C	1:268:A:LYS:N	16	1.01
(1,108)	1:255:A:LEU:N	1:255:A:LEU:CA	1:255:A:LEU:C	1:256:A:GLU:N	26	1.01
(1,80)	1:239:A:LYS:N	1:239:A:LYS:CA	1:239:A:LYS:C	1:240:A:VAL:N	27	1.01
(1,356)	1:403:A:ARG:N	1:403:A:ARG:CA	1:403:A:ARG:C	1:404:A:ARG:N	6	1.0
(1,338)	1:394:A:THR:N	1:394:A:THR:CA	1:394:A:THR:C	1:395:A:GLN:N	3	1.0
(1,329)	1:377:A:MET:C	1:378:A:LYS:N	1:378:A:LYS:CA	1:378:A:LYS:C	9	1.0
(1,130)	1:267:A:LEU:N	1:267:A:LEU:CA	1:267:A:LEU:C	1:268:A:LYS:N	34	1.0
(1,94)	1:246:A:ALA:N	1:246:A:ALA:CA	1:246:A:ALA:C	1:247:A:TYR:N	12	1.0
(1,18)	1:199:A:GLU:N	1:199:A:GLU:CA	1:199:A:GLU:C	1:200:A:ARG:N	32	1.0
(1,10)	1:195:A:ALA:N	1:195:A:ALA:CA	1:195:A:ALA:C	1:196:A:ASP:N	32	1.0