Full wwPDB NMR Structure Validation Report (i)

Mar 5, 2026 – 08:44 PM UTC

PDB ID	:	2M33 / pdb_00002m33
BMRB ID	:	18919
Title	:	Solution NMR structure of full-length oxidized microsomal rabbit cytochrome b5
Authors	:	Subramanian, V.; Ahuja, S.; Popovych, N.; Huang, R.; Le Clair, S.V.; Jahr, N.; Soong, R.; Xu, J.; Yamamoto, K.; Nanga, R.P.; Im, S.; Waskell, L.; Ramamoorthy, A.
Deposited on	:	2013-01-08

This is a Full wwPDB NMR Structure Validation Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at *validation@mail.wwpdb.org*
A user guide is available at
https://www.wwpdb.org/validation/2017/NMRValidationReportHelp
with specific help available everywhere you see the (i) symbol.

The types of validation reports are described at
http://www.wwpdb.org/validation/2017/FAQs#types.

The following versions of software and data (see references (1)) were used in the production of this report:

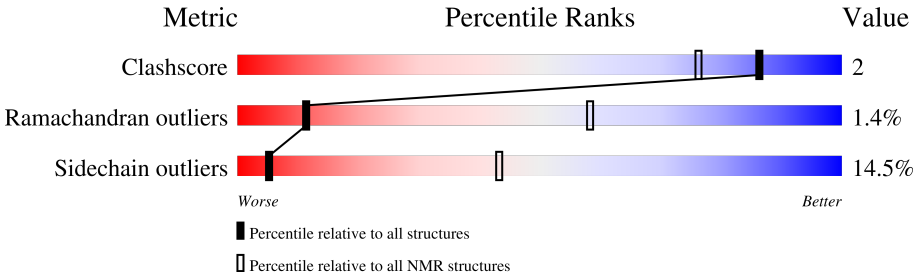
MolProbity	:	4-5-2 with Phenix2.0
Mogul	:	2022.3.0, CSD as543be (2022)
Buster-report	:	wwPDB partial adaption of 1.1.7 (2018)
Percentile statistics	:	20250101.v01 (using entries in the PDB archive January 1st 2025)
wwPDB-RCI	:	v_1n_11_5_13_A (Berjanski et al., 2005)
PANAV	:	Wang et al. (2010)
wwPDB-ShiftChecker	:	v1.2
BMRB Restraints Analysis	:	v1.2
Ideal geometry (proteins)	:	Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA)	:	Parkinson et al. (1996)
Validation Pipeline (wwPDB-VP)	:	2.49

1 Overall quality at a glance

The following experimental techniques were used to determine the structure:
SOLUTION NMR

The overall completeness of chemical shifts assignment is 61%.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	NMR archive (#Entries)
Clashscore	229148	14424
Ramachandran outliers	224038	12848
Sidechain outliers	223484	12823

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the experimental data. The red, orange, yellow and green segments indicate the fraction of residues that contain outliers for >=3, 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria. A cyan segment indicates the fraction of residues that are not part of the well-defined cores, and a grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions <=5%

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A	134	67% 10% • 22%

2 Ensemble composition and analysis (i)

This entry contains 23 models. Model 7 is the overall representative, medoid model (most similar to other models). The authors have identified model 1 as representative, based on the following criterion: *minimized average structure*.

The following residues are included in the computation of the global validation metrics.

Well-defined (core) protein residues			
Well-defined core	**Residue range (total)**	**Backbone RMSD (Å)**	**Medoid model**
1	A:2-A:104 (103)	0.62	7

Ill-defined regions of proteins are excluded from the global statistics.

Ligands and non-protein polymers are included in the analysis.

The models can be grouped into 5 clusters. No single-model clusters were found.

Cluster number	Models
1	1, 5, 7, 13, 14, 20, 23
2	2, 3, 4, 12, 15, 19
3	6, 11, 16, 18, 21
4	8, 9, 10
5	17, 22

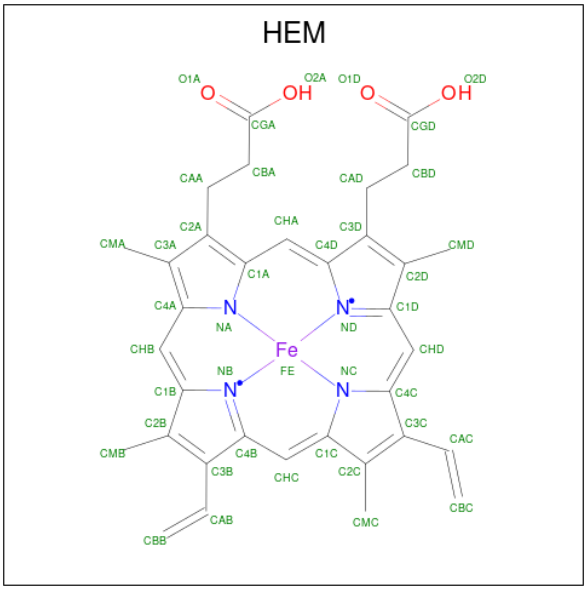
3 Entry composition

There are 2 unique types of molecules in this entry. The entry contains 1724 atoms, of which 845 are hydrogens and 0 are deuteriums.

- Molecule 1 is a protein called Cytochrome b5.

Mol	Chain	Residues	Atoms						Trace
			Total	C	H	N	O	S	
1	A	104	1651	523	815	142	169	2	0

- Molecule 2 is PROTOPORPHYRIN IX CONTAINING FE (CCD ID: HEM) (formula: $C_{34}H_{32}FeN_4O_4$).



Mol	Chain	Residues	Atoms					
			Total	C	Fe	H	N	O
2	A	1	73	34	1	30	4	4

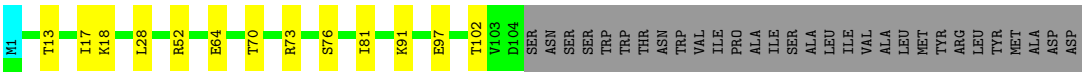
4 Residue-property plots

4.1 Average score per residue in the NMR ensemble

These plots are provided for all protein, RNA, DNA and oligosaccharide chains in the entry. The first graphic is the same as shown in the summary in section 1 of this report. The second graphic shows the sequence where residues are colour-coded according to the number of geometric quality criteria for which they contain at least one outlier: green = 0, yellow = 1, orange = 2 and red = 3 or more. Stretches of 2 or more consecutive residues without any outliers are shown as green connectors. Residues which are classified as ill-defined in the NMR ensemble, are shown in cyan with an underline colour-coded according to the previous scheme. Residues which were present in the experimental sample, but not modelled in the final structure are shown in grey.

• Molecule 1: Cytochrome b5

Chain A:



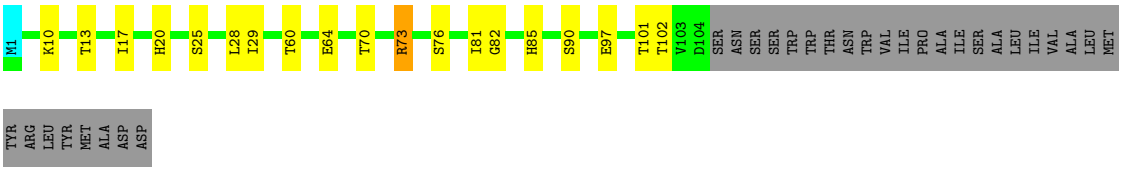
4.2 Scores per residue for each member of the ensemble

Colouring as in section 4.1 above.

4.2.1 Score per residue for model 1

• Molecule 1: Cytochrome b5

Chain A:



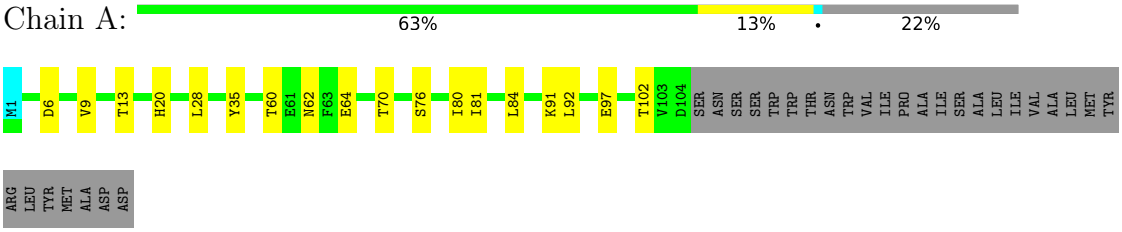
4.2.2 Score per residue for model 2

• Molecule 1: Cytochrome b5

Chain A:

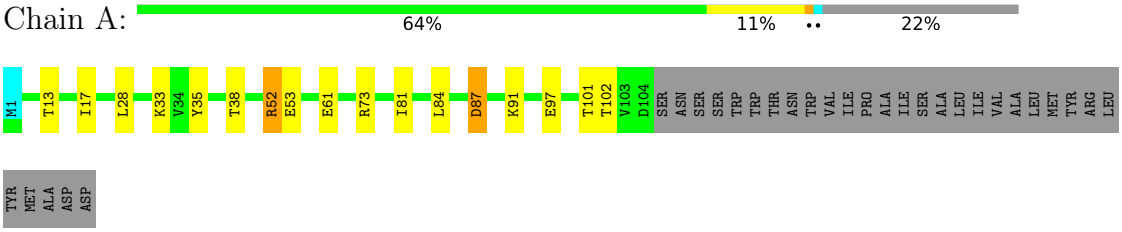
4.2.3 Score per residue for model 3

• Molecule 1: Cytochrome b5



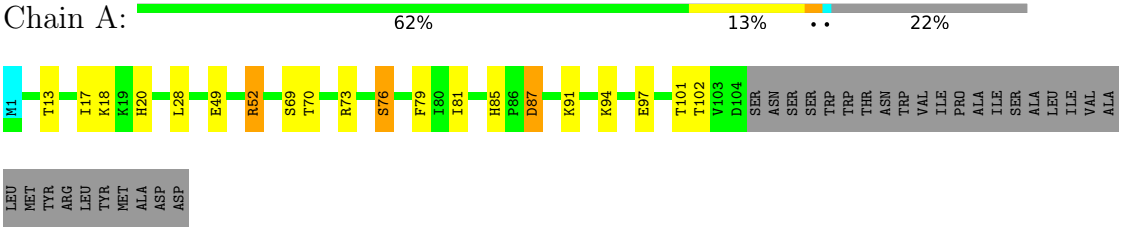
4.2.4 Score per residue for model 4

• Molecule 1: Cytochrome b5



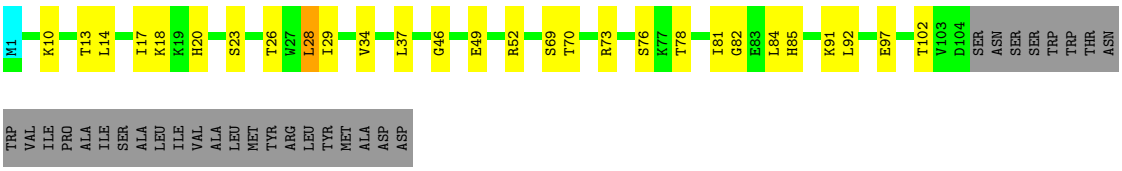
4.2.5 Score per residue for model 5

• Molecule 1: Cytochrome b5



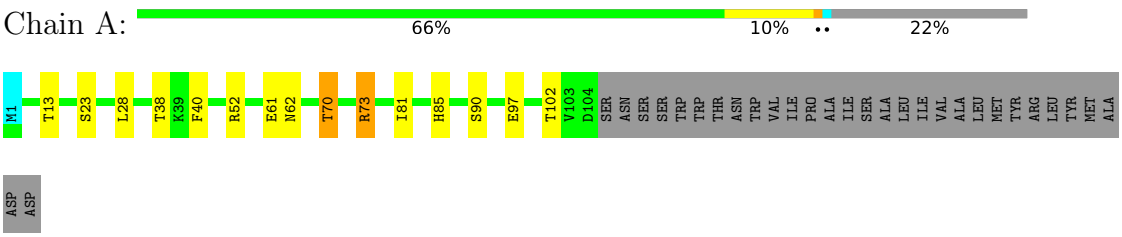
4.2.6 Score per residue for model 6

• Molecule 1: Cytochrome b5



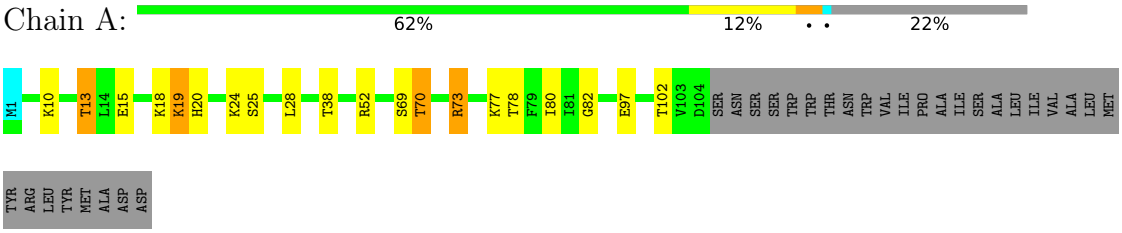
4.2.7 Score per residue for model 7 (medoid)

• Molecule 1: Cytochrome b5



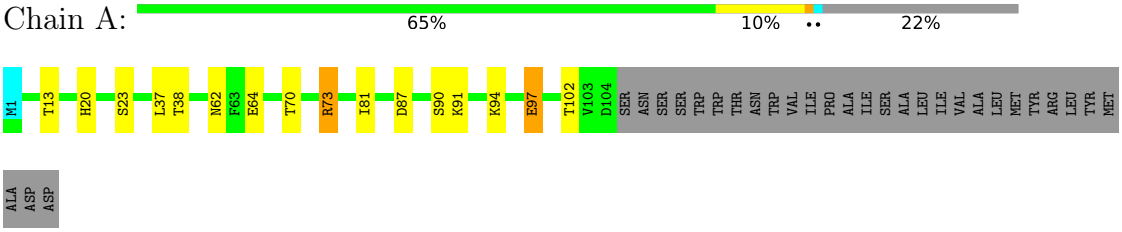
4.2.8 Score per residue for model 8

• Molecule 1: Cytochrome b5



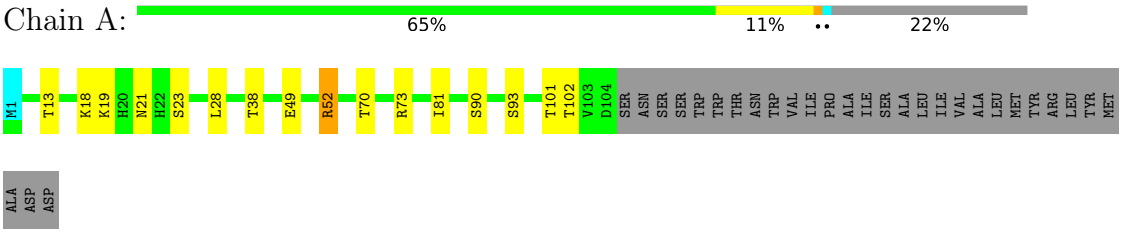
4.2.9 Score per residue for model 9

• Molecule 1: Cytochrome b5



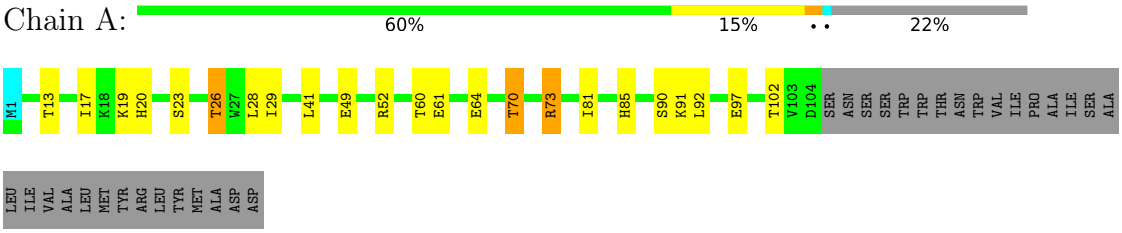
4.2.10 Score per residue for model 10

• Molecule 1: Cytochrome b5



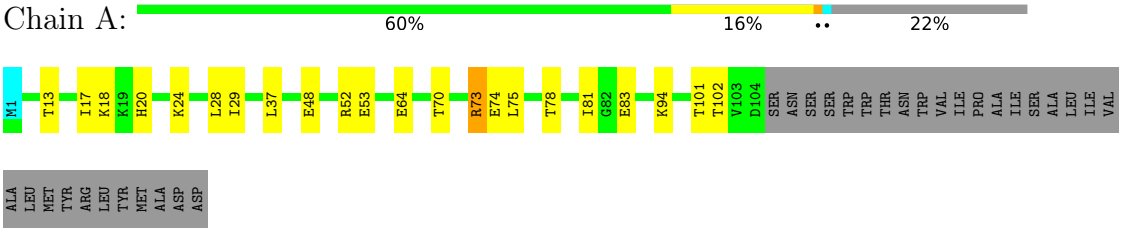
4.2.11 Score per residue for model 11

• Molecule 1: Cytochrome b5



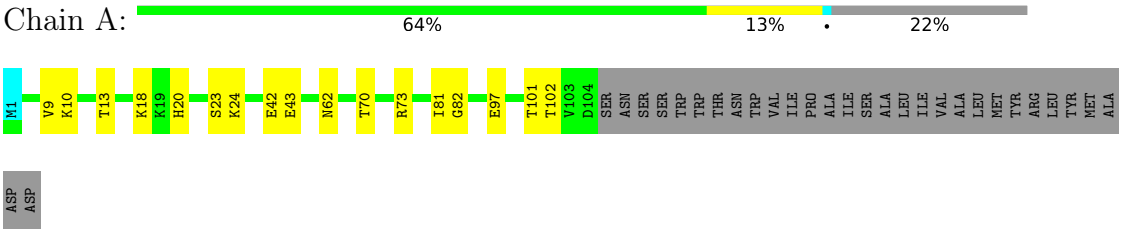
4.2.12 Score per residue for model 12

• Molecule 1: Cytochrome b5



4.2.13 Score per residue for model 13

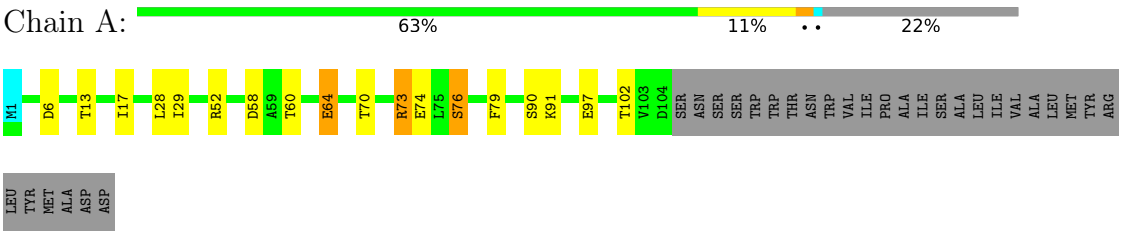
• Molecule 1: Cytochrome b5



4.2.14 Score per residue for model 14

• Molecule 1: Cytochrome b5

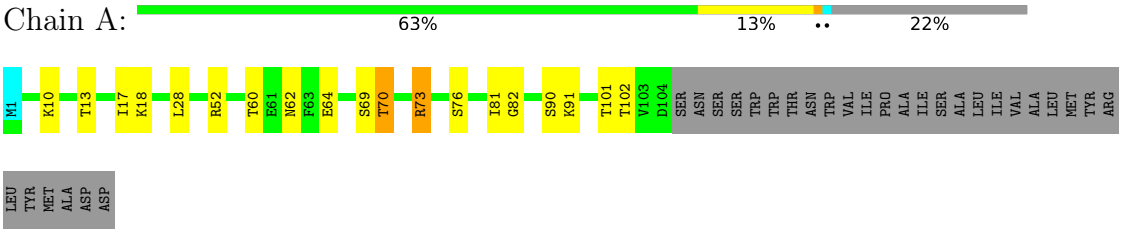
Chain A:



4.2.15 Score per residue for model 15

• Molecule 1: Cytochrome b5

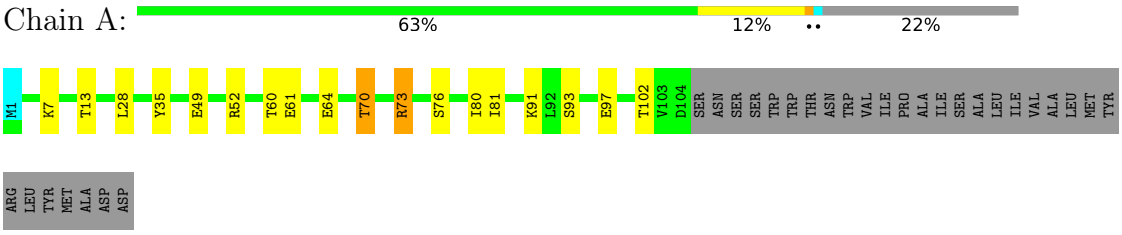
Chain A:



4.2.16 Score per residue for model 16

• Molecule 1: Cytochrome b5

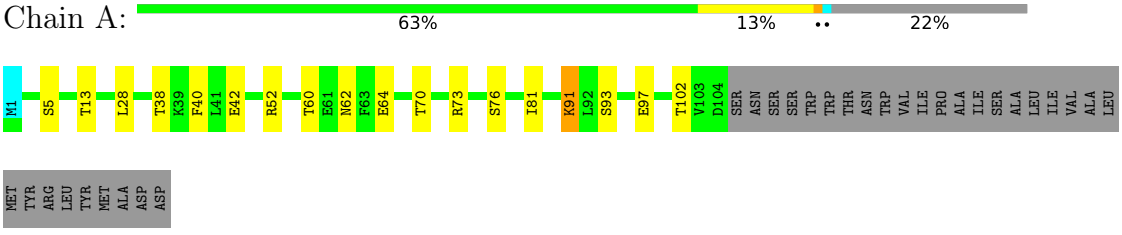
Chain A:



4.2.17 Score per residue for model 17

• Molecule 1: Cytochrome b5

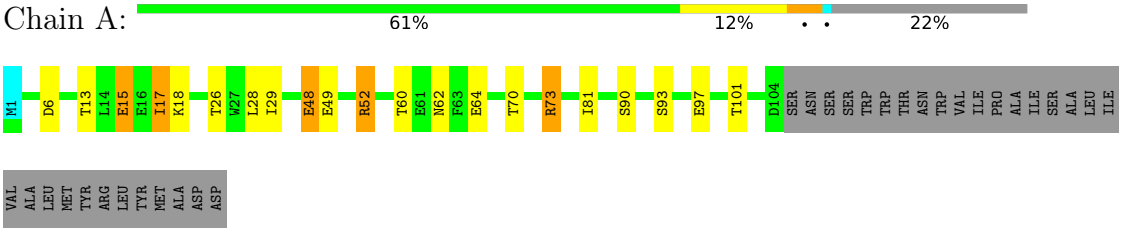
Chain A:



4.2.18 Score per residue for model 18

• Molecule 1: Cytochrome b5

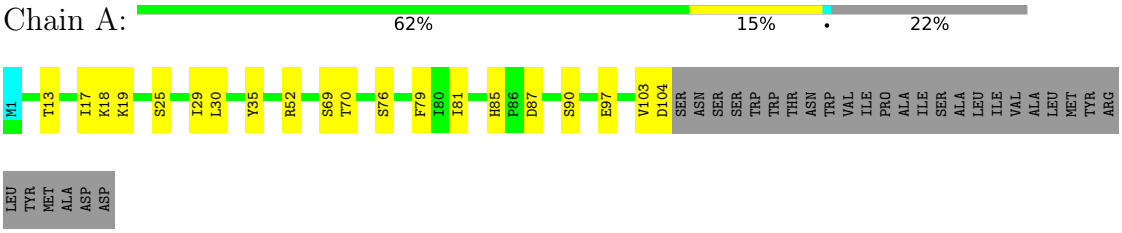
Chain A:



4.2.19 Score per residue for model 19

• Molecule 1: Cytochrome b5

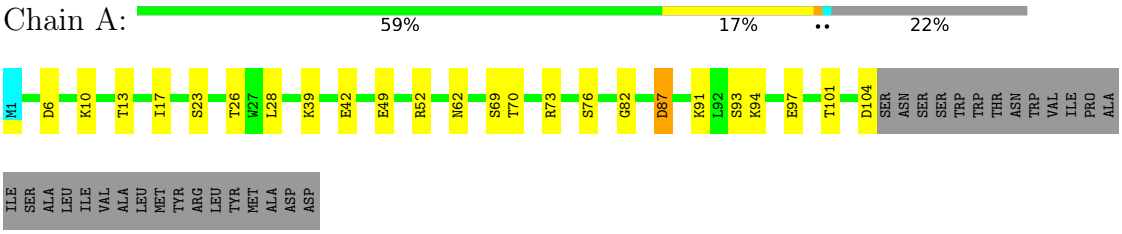
Chain A:



4.2.20 Score per residue for model 20

• Molecule 1: Cytochrome b5

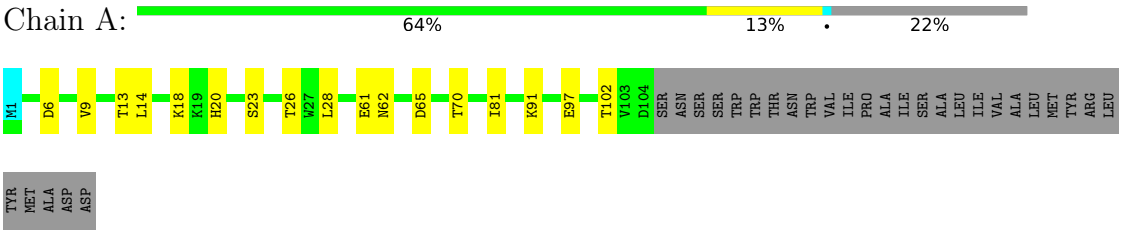
Chain A:



4.2.21 Score per residue for model 21

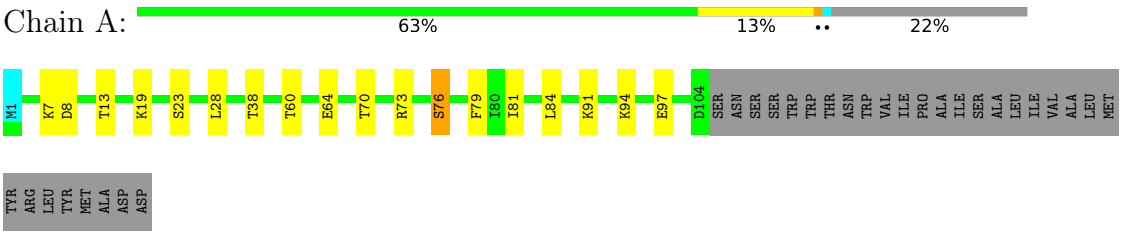
• Molecule 1: Cytochrome b5

Chain A:



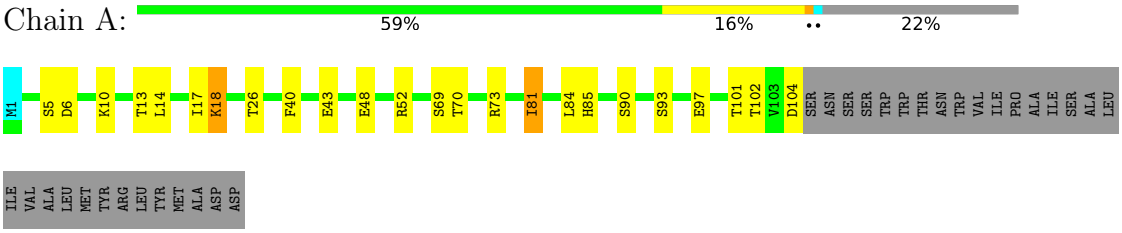
4.2.22 Score per residue for model 22

• Molecule 1: Cytochrome b5



4.2.23 Score per residue for model 23

• Molecule 1: Cytochrome b5



5 Refinement protocol and experimental data overview

The models were refined using the following method: *distance geometry, torsion angle dynamics, simulated annealing.*

Of the 50 calculated structures, 23 were deposited, based on the following criterion: *structures with the lowest energy.*

The following table shows the software used for structure solution, optimisation and refinement.

Software name	Classification	Version
CYANA	structure solution	2.1
HADDOCK	refinement	
CYANA	refinement	2.1

The following table shows chemical shift validation statistics as aggregates over all chemical shift files. Detailed validation can be found in section 7 of this report.

Chemical shift file(s)	working_cs.cif
Number of chemical shift lists	1
Total number of shifts	939
Number of shifts mapped to atoms	849
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	90
Number of shifts with mapping warnings	0
Assignment completeness (well-defined parts)	61%

6 Model quality

6.1 Standard geometry

Bond lengths and bond angles in the following residue types are not validated in this section: HEM

There are no covalent bond-length or bond-angle outliers.

There are no bond-length outliers.

There are no bond-angle outliers.

There are no chirality outliers.

There are no planarity outliers.

6.2 Too-close contacts

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in each chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes averaged over the ensemble.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes
1	A	828	804	799	4±2
2	A	43	30	30	0±1
All	All	20033	19182	19067	83

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 2.

All unique clashes are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:17:ILE:HD13	1:A:29:ILE:HD11	0.60	1.71	6	6
1:A:60:THR:O	1:A:64:GLU:HG2	0.54	2.02	14	10
1:A:62:ASN:OD1	2:A:400:HEM:HAC	0.54	2.02	21	7
1:A:70:THR:O	1:A:73:ARG:HG3	0.51	2.05	18	9
1:A:49:GLU:OE1	1:A:52:ARG:HD2	0.50	2.06	16	2
1:A:61:GLU:O	1:A:65:ASP:HB2	0.50	2.07	2	2
1:A:37:LEU:O	1:A:37:LEU:HG	0.49	2.07	9	1
1:A:26:THR:HG21	1:A:41:LEU:HD21	0.49	1.85	11	1
1:A:87:ASP:O	1:A:91:LYS:HB3	0.48	2.08	9	3
1:A:10:LYS:O	1:A:82:GLY:HA3	0.48	2.09	6	7
1:A:35:TYR:CE1	1:A:80:ILE:HB	0.48	2.43	16	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:76:SER:HA	1:A:79:PHE:CD2	0.46	2.45	19	4
1:A:28:LEU:HD12	1:A:37:LEU:HD21	0.45	1.88	12	1
1:A:49:GLU:O	1:A:52:ARG:HG3	0.45	2.12	20	3
1:A:20:HIS:O	1:A:25:SER:HB2	0.45	2.11	1	2
1:A:14:LEU:O	1:A:18:LYS:HG2	0.44	2.13	21	3
2:A:400:HEM:CMA	2:A:400:HEM:HBA1	0.44	2.43	3	1
1:A:87:ASP:O	1:A:91:LYS:HB2	0.44	2.13	20	2
1:A:29:ILE:O	1:A:58:ASP:HA	0.43	2.13	14	1
1:A:49:GLU:OE2	1:A:52:ARG:HD2	0.43	2.13	5	1
1:A:28:LEU:HB2	1:A:37:LEU:HD21	0.43	1.91	6	1
1:A:75:LEU:O	1:A:78:THR:HG22	0.43	2.13	12	1
1:A:48:GLU:O	1:A:52:ARG:HG3	0.43	2.14	18	1
1:A:77:LYS:O	1:A:80:ILE:HG22	0.42	2.14	2	2
1:A:73:ARG:HD3	1:A:74:GLU:OE2	0.42	2.15	12	1
1:A:81:ILE:H	1:A:81:ILE:HD13	0.42	1.73	23	1
1:A:15:GLU:O	1:A:19:LYS:HB2	0.42	2.15	8	1
1:A:15:GLU:CD	1:A:15:GLU:H	0.42	2.22	18	1
1:A:52:ARG:HD3	1:A:53:GLU:N	0.41	2.31	4	1
1:A:33:LYS:HB2	1:A:35:TYR:CE2	0.41	2.50	4	1
1:A:13:THR:HB	1:A:15:GLU:OE1	0.41	2.16	8	1
1:A:28:LEU:HD13	2:A:400:HEM:HMC3	0.41	1.93	12	1
1:A:73:ARG:HD3	1:A:74:GLU:OE1	0.40	2.17	14	1
1:A:30:LEU:HB2	1:A:35:TYR:CE1	0.40	2.52	19	1

6.3 Torsion angles (i)

6.3.1 Protein backbone (i)

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles	
1	A	102/134 (76%)	91±2 (90±2%)	9±2 (9±2%)	1±1 (1±1%)	11	58
All	All	2346/3082 (76%)	2100 (90%)	214 (9%)	32 (1%)	11	58

All 5 unique Ramachandran outliers are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	97	GLU	19
1	A	91	LYS	9
1	A	9	VAL	2
1	A	46	GLY	1
1	A	103	VAL	1

6.3.2 Protein sidechains (i)

In the following table, the Percentiles column shows the percent sidechain outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the sidechain conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles
1	A	92/119 (77%)	79±3 (86±3%)	13±3 (14±3%)	5 43
All	All	2116/2737 (77%)	1810 (86%)	306 (14%)	5 43

All 50 unique residues with a non-rotameric sidechain are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	13	THR	23
1	A	73	ARG	20
1	A	81	ILE	20
1	A	102	THR	19
1	A	28	LEU	18
1	A	70	THR	18
1	A	52	ARG	14
1	A	76	SER	10
1	A	90	SER	10
1	A	101	THR	10
1	A	18	LYS	10
1	A	23	SER	9
1	A	20	HIS	8
1	A	85	HIS	7
1	A	17	ILE	7
1	A	38	THR	7
1	A	69	SER	7
1	A	84	LEU	6
1	A	6	ASP	6
1	A	26	THR	6
1	A	93	SER	6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	94	LYS	5
1	A	19	LYS	5
1	A	24	LYS	4
1	A	61	GLU	4
1	A	87	ASP	4
1	A	78	THR	3
1	A	92	LEU	3
1	A	40	PHE	3
1	A	64	GLU	3
1	A	48	GLU	3
1	A	42	GLU	3
1	A	104	ASP	3
1	A	62	ASN	2
1	A	97	GLU	2
1	A	43	GLU	2
1	A	7	LYS	2
1	A	5	SER	2
1	A	34	VAL	1
1	A	49	GLU	1
1	A	21	ASN	1
1	A	53	GLU	1
1	A	83	GLU	1
1	A	9	VAL	1
1	A	91	LYS	1
1	A	15	GLU	1
1	A	25	SER	1
1	A	39	LYS	1
1	A	8	ASP	1
1	A	10	LYS	1

6.3.3 RNA

There are no RNA molecules in this entry.

6.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

6.5 Carbohydrates

There are no oligosaccharides in this entry.

6.6 Ligand geometry (i)

1 ligand is modelled in this entry.

In the following table, the Counts columns list the number of bonds for which Mogul statistics could be retrieved, the number of bonds that are observed in the model and the number of bonds that are defined in the chemical component dictionary. The Link column lists molecule types, if any, to which the group is linked. The Z score for a bond length is the number of standard deviations the observed value is removed from the expected value. A bond length with $|Z| > 2$ is considered an outlier worth inspection. RMSZ is the average root-mean-square of all Z scores of the bond lengths.

Mol	Type	Chain	Res	Link	Bond lengths		
					Counts	RMSZ	#Z>2
2	HEM	A	400	1	50,50,50	1.36±0.01	4±0 (8±0%)

In the following table, the Counts columns list the number of angles for which Mogul statistics could be retrieved, the number of angles that are observed in the model and the number of angles that are defined in the chemical component dictionary. The Link column lists molecule types, if any, to which the group is linked. The Z score for a bond angle is the number of standard deviations the observed value is removed from the expected value. A bond angle with $|Z| > 2$ is considered an outlier worth inspection. RMSZ is the average root-mean-square of all Z scores of the bond angles.

Mol	Type	Chain	Res	Link	Bond angles		
					Counts	RMSZ	#Z>2
2	HEM	A	400	1	67,82,82	0.88±0.01	1±0 (1±0%)

In the following table, the Chirals column lists the number of chiral outliers, the number of chiral centers analysed, the number of these observed in the model and the number defined in the chemical component dictionary. Similar counts are reported in the Torsion and Rings columns. '-' means no outliers of that kind were identified.

Mol	Type	Chain	Res	Link	Chirals	Torsions	Rings
2	HEM	A	400	1	-	0±0,14,54,54	-

All unique bond outliers are listed below. They are sorted according to the Z-score of the worst occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(Å)	Ideal(Å)	Models	
								Worst	Total
2	A	400	HEM	CBB-CAB	4.87	1.53	1.30	4	23
2	A	400	HEM	CBC-CAC	4.87	1.53	1.30	14	23
2	A	400	HEM	CAC-C3C	3.51	1.38	1.47	9	23
2	A	400	HEM	CAB-C3B	3.39	1.38	1.47	21	23

All unique angle outliers are listed below.

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(^{o})	Ideal(^{o})	Models	
								Worst	Total
2	A	400	HEM	C3B-C4B-NB	3.07	111.67	109.47	19	23

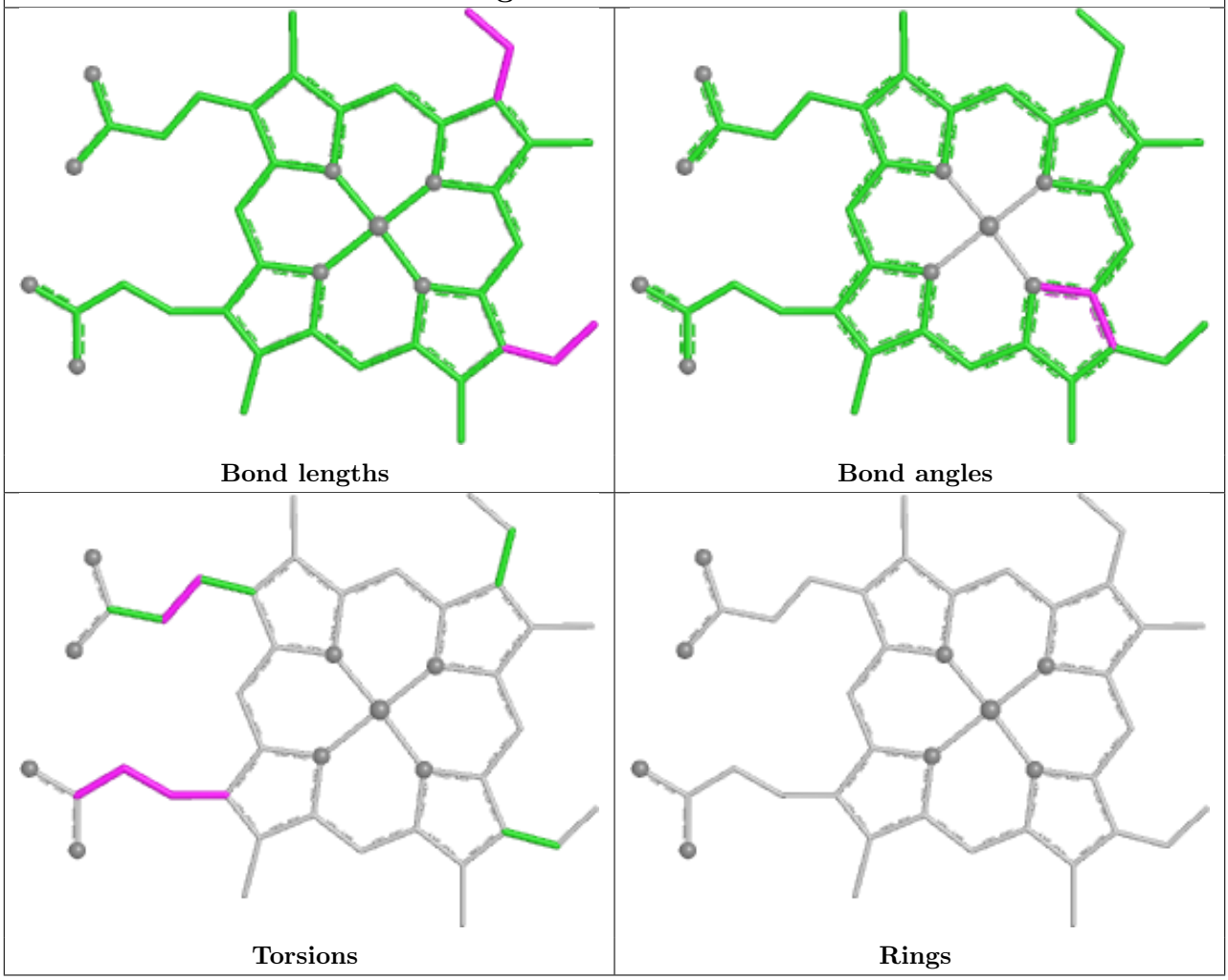
There are no chirality outliers.

There are no torsion outliers.

There are no ring outliers.

The following is a two-dimensional graphical depiction of Mogul quality analysis of bond lengths, bond angles, torsion angles, and ring geometry for all instances of the Ligand of Interest. In addition, ligands with molecular weight > 250 and outliers as shown on the validation Tables will also be included. For torsion angles, if less then 5% of the Mogul distribution of torsion angles is within 10 degrees of the torsion angle in question, then that torsion angle is considered an outlier. Any bond that is central to one or more torsion angles identified as an outlier by Mogul will be highlighted in the graph. For rings, the root-mean-square deviation (RMSD) between the ring in question and similar rings identified by Mogul is calculated over all ring torsion angles. If the average RMSD is greater than 60 degrees and the minimal RMSD between the ring in question and any Mogul-identified rings is also greater than 60 degrees, then that ring is considered an outlier. The outliers are highlighted in purple. The color gray indicates Mogul did not find sufficient equivalents in the CSD to analyse the geometry.

Ligand HEM A 400



6.7 Other polymers (i)

There are no such molecules in this entry.

6.8 Polymer linkage issues (i)

There are no chain breaks in this entry.

7 Chemical shift validation

The completeness of assignment taking into account all chemical shift lists is 61% for the well-defined parts and 60% for the entire structure.

7.1 Chemical shift list 1

File name: working_cs.cif

Chemical shift list name: *assigned_chem_shift_list_1*

7.1.1 Bookkeeping

The following table shows the results of parsing the chemical shift list and reports the number of nuclei with statistically unusual chemical shifts.

Total number of shifts	939
Number of shifts mapped to atoms	849
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	90
Number of shifts with mapping warnings	0
Number of shift outliers (ShiftChecker)	29

The following assigned chemical shifts were not mapped to the molecules present in the coordinate file.

- No matching atom found in the structure. All 90 occurrences are reported below.

List ID	Chain	Res	Type	Atom	Shift Data		
					Value	Uncertainty	Ambiguity
1	A	105	SER	HA	4.114	0.000	1
1	A	105	SER	HB2	4.004	0.000	.
1	A	105	SER	HB3	4.004	0.000	.
1	A	106	ASN	H	7.581	0.002	1
1	A	106	ASN	HA	4.264	0.000	1
1	A	106	ASN	HB2	2.977	0.000	.
1	A	106	ASN	HB3	2.782	0.000	.
1	A	106	ASN	N	127.088	0.028	1
1	A	111	THR	HG21	1.025	0.001	1
1	A	111	THR	HG22	1.025	0.001	1
1	A	111	THR	HG23	1.025	0.001	1
1	A	112	ASN	HB2	2.647	0.004	.
1	A	112	ASN	HB3	2.705	0.003	.
1	A	112	ASN	HD21	6.815	0.005	.

Continued on next page...

Continued from previous page...

List ID	Chain	Res	Type	Atom	Shift Data		
					Value	Uncertainty	Ambiguity
1	A	112	ASN	HD22	7.566	0.004	.
1	A	112	ASN	ND2	113.64	0.051	1
1	A	113	TRP	HA	4.266	0.000	1
1	A	113	TRP	HB2	2.855	0.000	.
1	A	113	TRP	HB3	2.855	0.000	.
1	A	114	VAL	HA	3.834	0.000	1
1	A	116	PRO	HB2	2.075	0.000	.
1	A	116	PRO	HB3	2.075	0.000	.
1	A	116	PRO	HD3	3.271	0.003	.
1	A	116	PRO	HG2	1.774	0.000	.
1	A	116	PRO	HG3	1.774	0.000	.
1	A	116	PRO	CD	47.675	0.111	1
1	A	120	ALA	HA	3.652	0.000	1
1	A	122	ILE	H	7.758	0.000	1
1	A	122	ILE	HA	4.474	0.690	1
1	A	122	ILE	HB	1.533	0.000	1
1	A	123	VAL	HA	4.207	0.000	1
1	A	123	VAL	HG11	-2.403	0.000	.
1	A	123	VAL	HG12	-2.403	0.000	.
1	A	123	VAL	HG13	-2.403	0.000	.
1	A	124	ALA	H	8.154	0.003	1
1	A	124	ALA	HB1	1.23	0.006	1
1	A	124	ALA	HB2	1.23	0.006	1
1	A	124	ALA	HB3	1.23	0.006	1
1	A	124	ALA	N	124.593	0.010	1
1	A	125	LEU	HA	4.888	0.003	1
1	A	126	MET	H	8.144	0.013	1
1	A	126	MET	HA	4.04	0.002	1
1	A	126	MET	HB2	1.673	0.001	.
1	A	126	MET	HB3	1.74	0.003	.
1	A	126	MET	HG2	1.966	0.001	.
1	A	126	MET	HG3	1.966	0.001	.
1	A	126	MET	N	123.137	0.018	1
1	A	127	TYR	H	8.186	0.003	1
1	A	127	TYR	HA	4.487	0.006	1
1	A	127	TYR	HB2	2.478	0.002	.
1	A	127	TYR	HB3	2.584	0.005	.
1	A	127	TYR	HD1	6.986	0.000	.
1	A	127	TYR	HD2	6.986	0.000	.
1	A	127	TYR	CA	52.638	0.019	1
1	A	127	TYR	CB	38.952	0.039	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

List ID	Chain	Res	Type	Atom	Shift Data		
					Value	Uncertainty	Ambiguity
1	A	127	TYR	N	119.91	0.041	1
1	A	128	ARG	H	8.139	0.004	1
1	A	128	ARG	HD2	2.984	0.014	.
1	A	128	ARG	HD3	2.984	0.014	.
1	A	128	ARG	N	121.788	0.027	1
1	A	129	LEU	HB2	1.362	0.000	.
1	A	129	LEU	HB3	1.866	0.000	.
1	A	129	LEU	HD11	0.672	0.007	.
1	A	129	LEU	HD12	0.672	0.007	.
1	A	129	LEU	HD13	0.672	0.007	.
1	A	129	LEU	HD21	0.633	0.003	.
1	A	129	LEU	HD22	0.633	0.003	.
1	A	129	LEU	HD23	0.633	0.003	.
1	A	129	LEU	HG	1.446	0.000	1
1	A	131	MET	HB3	1.776	0.002	.
1	A	132	ALA	HA	4.007	0.006	1
1	A	132	ALA	HB1	1.211	0.004	1
1	A	132	ALA	HB2	1.211	0.004	1
1	A	132	ALA	HB3	1.211	0.004	1
1	A	132	ALA	CA	52.332	0.030	1
1	A	132	ALA	CB	19.055	0.068	1
1	A	133	ASP	H	8.128	0.004	1
1	A	133	ASP	HA	4.439	0.007	1
1	A	133	ASP	HB2	2.334	0.008	.
1	A	133	ASP	HB3	2.537	0.004	.
1	A	133	ASP	CA	53.656	0.022	1
1	A	133	ASP	CB	41.39	0.033	1
1	A	133	ASP	N	120.504	0.016	1
1	A	134	ASP	H	7.753	0.003	1
1	A	134	ASP	HA	4.147	0.004	1
1	A	134	ASP	HB2	2.353	0.001	.
1	A	134	ASP	HB3	2.437	0.003	.
1	A	134	ASP	CA	55.487	0.016	1
1	A	134	ASP	CB	42.232	0.038	1
1	A	134	ASP	N	125.6	0.058	1

7.1.2 Chemical shift referencing (i)

The following table shows the suggested chemical shift referencing corrections.

Nucleus	# values	Correction ± precision, *ppm*	Suggested action
$^{13}C_{\alpha}$	74	0.09 ± 0.78	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}C_{\beta}$	46	0.12 ± 0.17	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}C'$	0	—	None (insufficient data)
^{15}N	95	0.35 ± 0.39	None needed (< 0.5 ppm)

7.1.3 Completeness of resonance assignments

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the well-defined regions of the structure. The overall completeness is 61%, i.e. 849 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 1395. 0 out of 15 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	^{1}H	^{13}C	^{15}N
Backbone	356/515 (69%)	198/209 (95%)	70/206 (34%)	88/100 (88%)
Sidechain	462/757 (61%)	380/487 (78%)	78/247 (32%)	4/23 (17%)
Aromatic	31/123 (25%)	30/61 (49%)	0/49 (0%)	1/13 (8%)
Overall	849/1395 (61%)	608/757 (80%)	148/502 (29%)	93/136 (68%)

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the full structure. The overall completeness is 60%, i.e. 849 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 1410. 0 out of 15 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	^{1}H	^{13}C	^{15}N
Backbone	356/520 (68%)	198/211 (94%)	70/208 (34%)	88/101 (87%)
Sidechain	462/767 (60%)	380/494 (77%)	78/250 (31%)	4/23 (17%)
Aromatic	31/123 (25%)	30/61 (49%)	0/49 (0%)	1/13 (8%)
Overall	849/1410 (60%)	608/766 (79%)	148/507 (29%)	93/137 (68%)

7.1.4 Statistically unusual chemical shifts

The following table lists the statistically unusual chemical shifts. These are statistical measures, and large deviations from the mean do not necessarily imply incorrect assignments. Molecules containing paramagnetic centres or hemes are expected to give rise to anomalous chemical shifts.

List Id	Chain	Res	Type	Atom	Shift, *ppm*	Expected range, *ppm*	Z-score
1	A	123	VAL	HG11	-2.40	-0.48 – 2.12	-12.4
1	A	123	VAL	HG12	-2.40	-0.48 – 2.12	-12.4
1	A	123	VAL	HG13	-2.40	-0.48 – 2.12	-12.4
1	A	30	LEU	HD11	-2.33	-0.61 – 2.12	-11.3
1	A	30	LEU	HD12	-2.33	-0.61 – 2.12	-11.3
1	A	30	LEU	HD13	-2.33	-0.61 – 2.12	-11.3
1	A	44	HIS	HB3	7.26	1.18 – 4.91	11.3

Continued on next page...

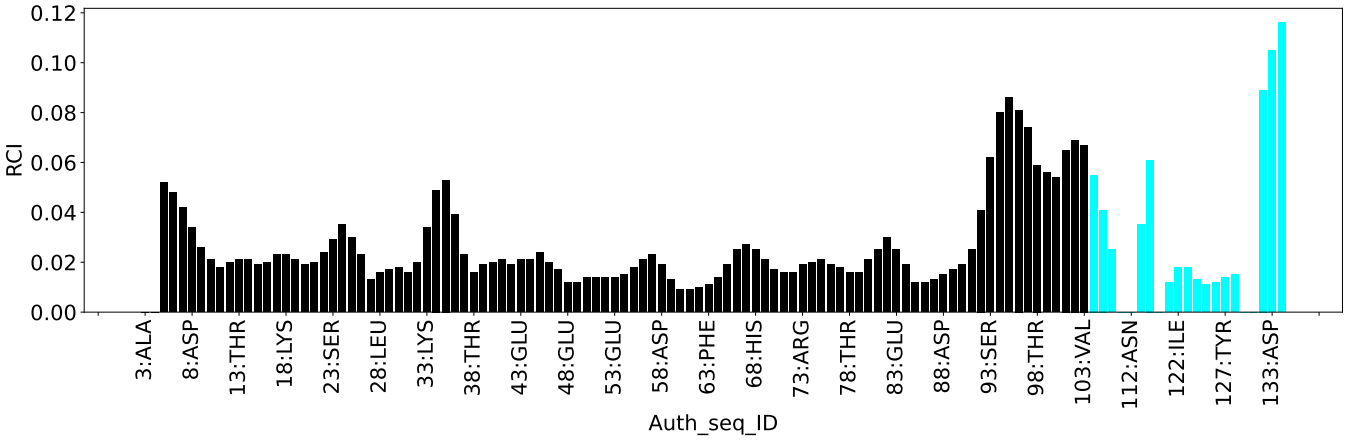
Continued from previous page...

List Id	Chain	Res	Type	Atom	Shift, *ppm*	Expected range, *ppm*	Z-score
1	A	81	ILE	HD11	-1.38	-0.72 – 2.09	-7.4
1	A	81	ILE	HD12	-1.38	-0.72 – 2.09	-7.4
1	A	81	ILE	HD13	-1.38	-0.72 – 2.09	-7.4
1	A	30	LEU	HD21	-1.08	-0.65 – 2.13	-6.5
1	A	30	LEU	HD22	-1.08	-0.65 – 2.13	-6.5
1	A	30	LEU	HD23	-1.08	-0.65 – 2.13	-6.5
1	A	59	ALA	HB1	-0.17	0.14 – 2.58	-6.2
1	A	59	ALA	HB2	-0.17	0.14 – 2.58	-6.2
1	A	59	ALA	HB3	-0.17	0.14 – 2.58	-6.2
1	A	63	PHE	HB3	0.56	1.03 – 4.85	-6.2
1	A	28	LEU	HD21	-0.99	-0.65 – 2.13	-6.2
1	A	28	LEU	HD22	-0.99	-0.65 – 2.13	-6.2
1	A	28	LEU	HD23	-0.99	-0.65 – 2.13	-6.2
1	A	86	PRO	HD3	1.34	1.76 – 5.48	-6.1
1	A	69	SER	H	11.65	5.45 – 11.10	6.0
1	A	30	LEU	HG	-0.41	-0.13 – 3.16	-5.8
1	A	28	LEU	HD11	-0.81	-0.61 – 2.12	-5.8
1	A	28	LEU	HD12	-0.81	-0.61 – 2.12	-5.8
1	A	28	LEU	HD13	-0.81	-0.61 – 2.12	-5.8
1	A	29	ILE	CG1	18.21	19.24 – 36.26	-5.6
1	A	47	GLY	HA2	5.98	2.15 – 5.77	5.6
1	A	54	GLN	HB3	0.57	0.71 – 3.33	-5.5

7.1.5 Random Coil Index (RCI) plots (i)

The image below reports *random coil index* values for the protein chains in the structure. The height of each bar gives a probability of a given residue to be disordered, as predicted from the available chemical shifts and the amino acid sequence. A value above 0.2 is an indication of significant predicted disorder. The colour of the bar shows whether the residue is in the well-defined core (black) or in the ill-defined residue ranges (cyan), as described in section 2 on ensemble composition.If well-defined core and ill-defined regions are not identified then it is shown as gray bars.

Random coil index (RCI) for chain A:


RCI
0.12
0.10
0.08
0.06
0.04
0.02
0.00
3:ALA
8:ASP
13:THR
18:LYS
23:SER
28:LEU
33:LYS
38:THR
43:GLU
48:GLU
53:GLU
58:ASP
63:PHE
68:HIS
73:ARG
78:THR
83:GLU
88:ASP
93:SER
98:THR
103:VAL
112:ASN
122:ILE
127:TYR
133:ASP
Auth_seq_ID

8 NMR restraints analysis

8.1 Conformationally restricting restraints

The following table provides the summary of experimentally observed NMR restraints in different categories. Restraints are classified into different categories based on the sequence separation of the atoms involved.

Description	Value
Total distance restraints	1649
Intra-residue (|i-j|=0)	332
Sequential (|i-j|=1)	483
Medium range (|i-j|>1 and |i-j|<5)	340
Long range (|i-j|≥5)	436
Inter-chain	19
Hydrogen bond restraints	39
Disulfide bond restraints	0
Total dihedral-angle restraints	0
Number of unmapped restraints	38
Number of restraints per residue	12.2
Number of long range restraints per residue[1]	3.3

[1]Long range hydrogen bonds and disulfide bonds are counted as long range restraints while calculating the number of long range restraints per residue

8.2 Residual restraint violations

This section provides the overview of the restraint violations analysis. The violations are binned as small, medium and large violations based on its absolute value. Average number of violations per model is calculated by dividing the total number of violations in each bin by the size of the ensemble.

8.2.1 Average number of distance violations per model

Distance violations less than 0.1 Å
are not included in the calculation.

Bins (Å)	Average number of violations per model	Max (Å)
0.1-0.2 (Small)	59.2	0.2
0.2-0.5 (Medium)	107.3	0.5
>0.5 (Large)	128.3	5.42

8.2.2 Average number of dihedral-angle violations per model (i)

Dihedral-angle violations less than 1° are not included in the calculation.There are no dihedral-angle violations

9 Distance violation analysis (i)

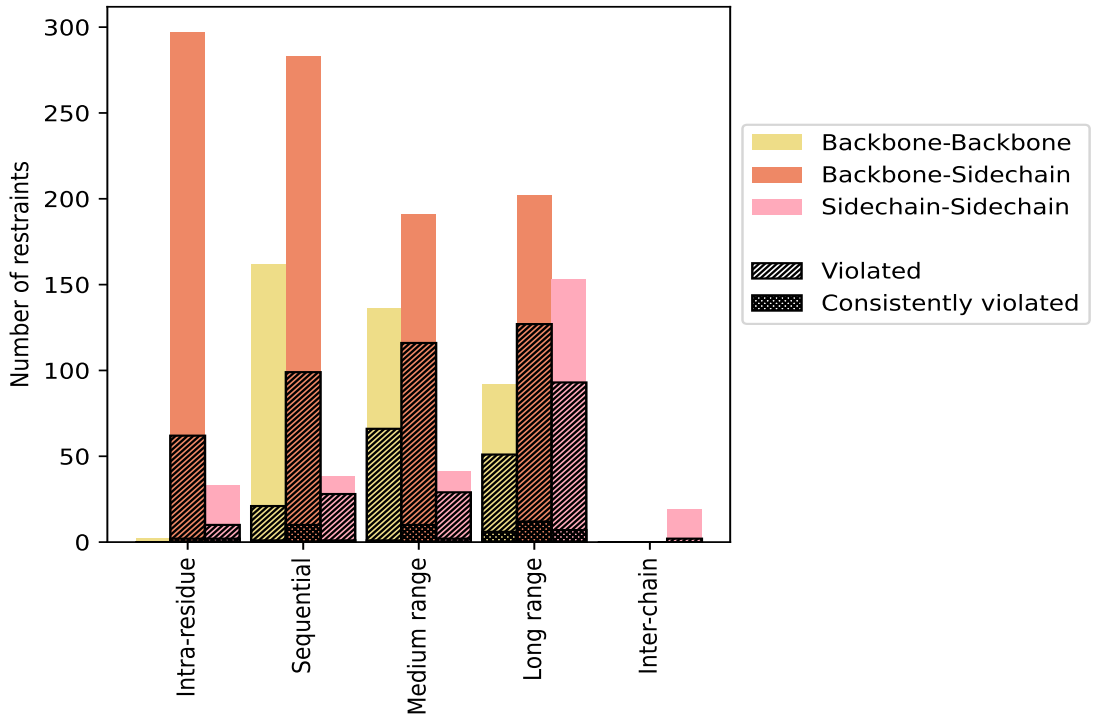
9.1 Summary of distance violations (i)

The following table shows the summary of distance violations in different restraint categories based on the sequence separation of the atoms involved. Each category is further sub-divided into three sub-categories based on the atoms involved. Violations less than 0.1 Å are not included in the statistics.

Restraints type	Count	%[1]	Violated[3]			Consistently Violated[4]		
			Count	%[2]	%[1]	Count	%[2]	%[1]
Intra-residue (|i-j|=0)	332	20.1	72	21.7	4.4	4	1.2	0.2
Backbone-Backbone	2	0.1	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	297	18.0	62	20.9	3.8	2	0.7	0.1
Sidechain-Sidechain	33	2.0	10	30.3	0.6	2	6.1	0.1
Sequential (|i-j|=1)	483	29.3	148	30.6	9.0	12	2.5	0.7
Backbone-Backbone	162	9.8	21	13.0	1.3	1	0.6	0.1
Backbone-Sidechain	283	17.2	99	35.0	6.0	10	3.5	0.6
Sidechain-Sidechain	38	2.3	28	73.7	1.7	1	2.6	0.1
Medium range (|i-j|>1 & |i-j|<5)	340	20.6	193	56.8	11.7	11	3.2	0.7
Backbone-Backbone	136	8.2	66	48.5	4.0	1	0.7	0.1
Backbone-Sidechain	163	9.9	98	60.1	5.9	8	4.9	0.5
Sidechain-Sidechain	41	2.5	29	70.7	1.8	2	4.9	0.1
Long range (|i-j|≥5)	436	26.4	269	61.7	16.3	25	5.7	1.5
Backbone-Backbone	92	5.6	51	55.4	3.1	6	6.5	0.4
Backbone-Sidechain	191	11.6	125	65.4	7.6	12	6.3	0.7
Sidechain-Sidechain	153	9.3	93	60.8	5.6	7	4.6	0.4
Inter-chain	19	1.2	2	10.5	0.1	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	19	1.2	2	10.5	0.1	0	0.0	0.0
Hydrogen bond	39	2.4	20	51.3	1.2	2	5.1	0.1
Disulfide bond	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Total	1649	100.0	704	42.7	42.7	54	3.3	3.3
Backbone-Backbone	392	23.8	138	35.2	8.4	8	2.0	0.5
Backbone-Sidechain	973	59.0	404	41.5	24.5	34	3.5	2.1
Sidechain-Sidechain	284	17.2	162	57.0	9.8	12	4.2	0.7

[1] percentage calculated with respect to the total number of distance restraints, [2] percentage calculated with respect to the number of restraints in a particular restraint category, [3] violated in at least one model, [4] violated in all the models

9.1.1 Bar chart : Distribution of distance restraints and violations



Violated and consistently violated restraints are shown using different hatch patterns in their respective categories. The hydrogen bonds and disulfied bonds are counted in their appropriate category on the x-axis

9.2 Distance violation statistics for each model

The following table provides the distance violation statistics for each model in the ensemble. Violations less than 0.1 Å
are not included in the statistics.

Model ID	Number of violations						Mean (Å)	Max (Å)	SD[6] (Å)	Median (Å)
	IR[1]	SQ[2]	MR[3]	LR[4]	IC[5]	Total				
1	30	54	68	125	0	277	0.59	3.32	0.5	0.43
2	29	61	87	120	0	297	0.6	3.42	0.58	0.4
3	37	60	102	134	0	333	0.59	3.73	0.53	0.4
4	30	72	95	124	0	321	0.57	3.02	0.48	0.4
5	37	58	73	123	0	291	0.61	3.52	0.51	0.42
6	31	59	82	129	0	301	0.61	3.37	0.49	0.44
7	26	52	66	117	0	261	0.55	2.64	0.46	0.38
8	30	58	73	149	0	310	0.61	2.83	0.48	0.44
9	25	63	76	141	0	305	0.69	5.42	0.69	0.48
10	29	65	64	125	0	283	0.55	2.18	0.41	0.42

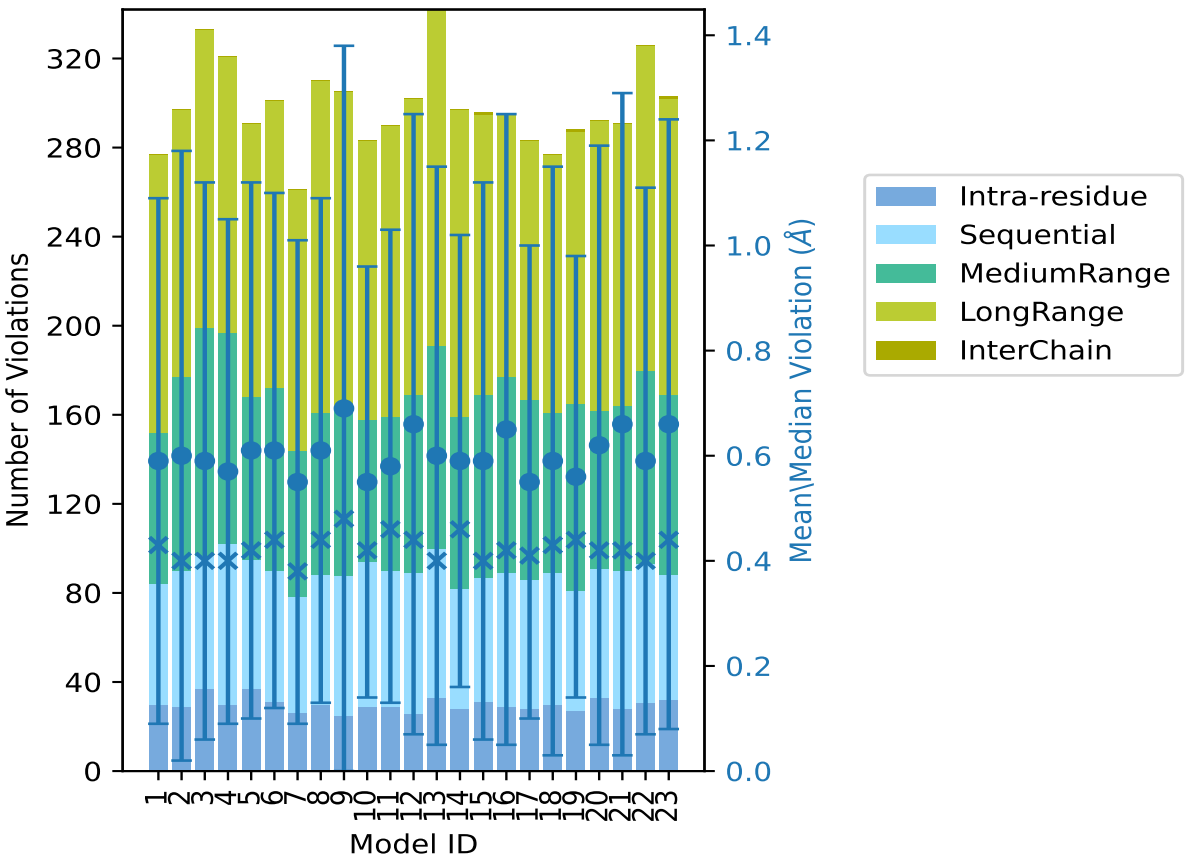
Continued on next page...

Continued from previous page...

Model ID	Number of violations						Mean (Å)	Max (Å)	SD[6] (Å)	Median (Å)
	IR[1]	SQ[2]	MR[3]	LR[4]	IC[5]	Total				
11	29	61	69	131	0	290	0.58	2.48	0.45	0.46
12	26	63	80	133	0	302	0.66	3.42	0.59	0.44
13	33	67	91	151	0	342	0.6	3.87	0.55	0.4
14	28	54	77	138	0	297	0.59	2.18	0.43	0.46
15	31	56	82	126	1	296	0.59	4.05	0.53	0.4
16	29	60	88	118	0	295	0.65	3.39	0.6	0.42
17	28	58	81	116	0	283	0.55	3.46	0.45	0.41
18	30	59	72	116	0	277	0.59	4.53	0.56	0.43
19	27	54	84	122	1	288	0.56	2.32	0.42	0.44
20	33	58	71	130	0	292	0.62	4.61	0.57	0.42
21	28	62	74	127	0	291	0.66	4.39	0.63	0.42
22	31	62	87	146	0	326	0.59	3.02	0.52	0.4
23	32	56	81	133	1	303	0.66	3.51	0.58	0.44

[1]Intra-residue restraints, [2]Sequential restraints, [3]Medium range restraints, [4]Long range restraints, [5]Inter-chain restraints, [6]Standard deviation

9.2.1 Bar graph : Distance Violation statistics for each model



The mean(dot),median(x) and the standard deviation are shown in blue with respect to the y axis on the right

9.3 Distance violation statistics for the ensemble

Violation analysis may find that some restraints are violated in few models and some are violated in most of models. The following table provides this information as number of violated restraints for a given fraction of the ensemble. In total, 926(IR:260, SQ:335, MR:147, LR:167, IC:17) restraints are not violated in the ensemble.

Number of violated restraints						Fraction of the ensemble	
IR[1]	SQ[2]	MR[3]	LR[4]	IC[5]	Total	Count[6]	%
10	26	33	26	1	96	1	4.3
6	15	23	29	1	74	2	8.7
7	12	17	14	0	50	3	13.0
3	15	11	14	0	43	4	17.4
4	5	4	7	0	20	5	21.7
5	5	7	13	0	30	6	26.1

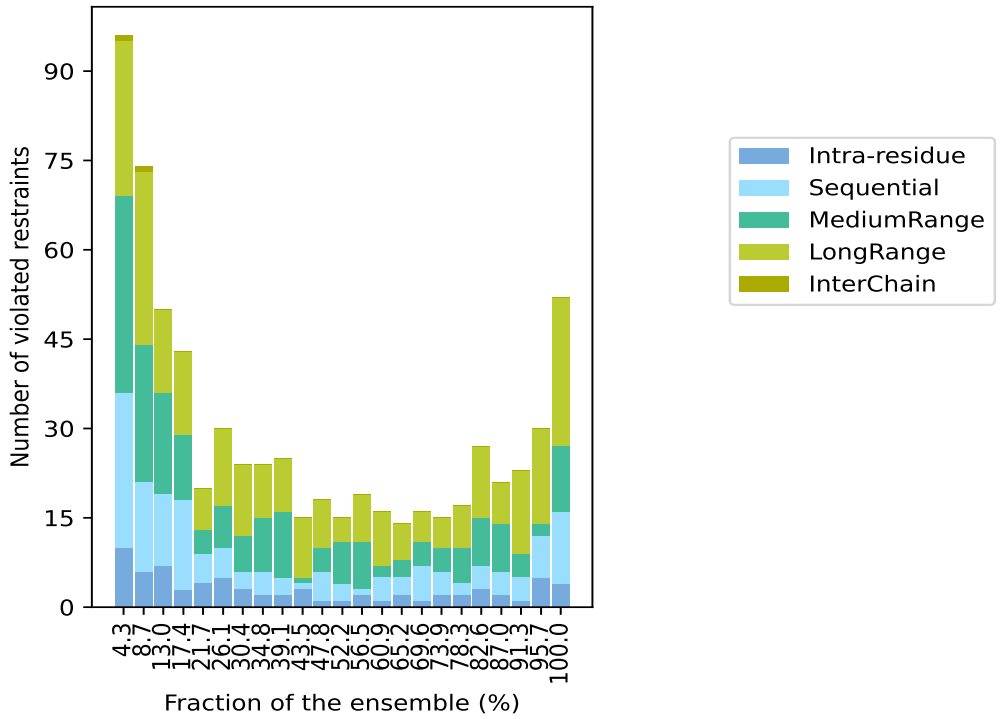
Continued on next page...

Continued from previous page...

Number of violated restraints						Fraction of the ensemble	
IR[1]	SQ[2]	MR[3]	LR[4]	IC[5]	Total	Count[6]	%
3	3	6	12	0	24	7	30.4
2	4	9	9	0	24	8	34.8
2	3	11	9	0	25	9	39.1
3	1	1	10	0	15	10	43.5
1	5	4	8	0	18	11	47.8
1	3	7	4	0	15	12	52.2
2	1	8	8	0	19	13	56.5
1	4	2	9	0	16	14	60.9
2	3	3	6	0	14	15	65.2
1	6	4	5	0	16	16	69.6
2	4	4	5	0	15	17	73.9
2	2	6	7	0	17	18	78.3
3	4	8	12	0	27	19	82.6
2	4	8	7	0	21	20	87.0
1	4	4	14	0	23	21	91.3
5	7	2	16	0	30	22	95.7
4	12	11	25	0	52	23	100.0

[1]Intra-residue restraints, [2]Sequential restraints, [3]Medium range restraints, [4]Long range restraints, [5]Inter-chain restraints, [6] Number of models with violations

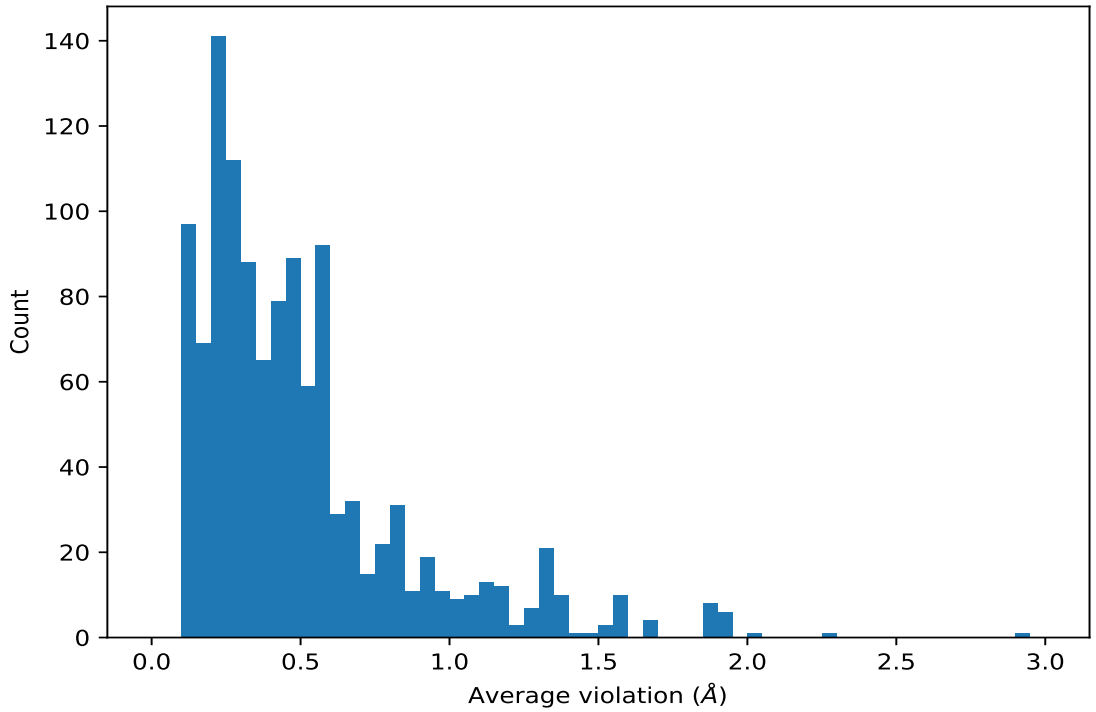
9.3.1 Bar graph : Distance violation statistics for the ensemble



9.4 Most violated distance restraints in the ensemble

9.4.1 Histogram : Distribution of mean distance violations

The following histogram shows the distribution of the average value of the violation. The average is calculated for each restraint that is violated in more than one model over all the violated models in the ensemble



9.4.2 Table: Most violated distance restraints (i)

The following table provides the mean and the standard deviation of theviolation for each restraint sorted by number of violated models and the mean value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	23	2.91	1.37	3.32
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	23	2.3	0.32	2.34
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	23	1.87	0.45	1.99
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	23	1.87	0.45	1.99
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	23	1.87	0.45	1.99
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	23	1.87	0.45	1.99
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	23	1.87	0.45	1.99
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	23	1.87	0.45	1.99
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	23	1.56	0.33	1.51
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	23	1.56	0.33	1.51
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	23	1.56	0.33	1.51
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	23	1.48	0.23	1.52
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	23	1.43	0.5	1.43
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	23	1.4	0.54	1.66
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	23	1.35	0.47	1.39
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	23	1.32	0.45	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	23	1.32	0.26	1.31
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	23	1.31	0.32	1.34
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	23	1.3	0.92	1.03
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	23	1.3	0.92	1.03
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	23	1.26	0.7	0.96
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	23	1.17	0.41	1.08
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	23	1.16	0.27	1.1
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	23	1.16	0.27	1.1
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	23	1.14	0.27	1.16
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	23	1.11	0.39	1.08
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	23	1.11	0.39	1.08
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	23	1.11	0.39	1.08
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	23	0.98	0.35	0.95
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	23	0.98	0.35	0.95
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	23	0.95	0.19	0.93
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	23	0.91	0.36	0.94
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	23	0.91	0.36	0.94
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	23	0.85	0.23	0.95
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	23	0.85	0.23	0.95
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	23	0.85	0.23	0.95
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	23	0.83	0.35	0.71
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	23	0.82	0.27	0.77
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	23	0.82	0.27	0.77
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	23	0.82	0.14	0.79
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	23	0.8	0.4	0.75
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	23	0.78	0.18	0.74
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	23	0.78	0.18	0.74
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	23	0.76	0.31	0.74
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	23	0.73	0.19	0.77
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	23	0.71	0.27	0.7
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	23	0.68	0.39	0.61
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	23	0.68	0.2	0.61
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	23	0.68	0.2	0.73
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	23	0.67	0.29	0.69
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	23	0.66	0.11	0.63
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	23	0.65	0.29	0.65
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	23	0.65	0.22	0.67
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	23	0.6	0.23	0.57
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	23	0.6	0.23	0.57
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	23	0.6	0.23	0.57
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	23	0.6	0.14	0.58
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	23	0.6	0.14	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	23	0.59	0.29	0.52
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	23	0.59	0.29	0.52
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	23	0.59	0.29	0.52
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	23	0.58	0.16	0.57
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	23	0.56	0.2	0.59
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	23	0.56	0.2	0.59
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	23	0.56	0.2	0.59
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	23	0.53	0.29	0.42
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	23	0.51	0.14	0.55
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	23	0.51	0.14	0.55
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	23	0.51	0.14	0.55
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	23	0.49	0.14	0.48
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	23	0.49	0.14	0.48
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	23	0.49	0.14	0.48
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	23	0.49	0.14	0.48
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	23	0.49	0.14	0.48
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	23	0.49	0.14	0.48
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	23	0.49	0.15	0.46
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	23	0.49	0.15	0.46
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	23	0.49	0.15	0.46
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	23	0.49	0.15	0.46
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	23	0.49	0.15	0.46
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	23	0.49	0.15	0.46
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	23	0.48	0.15	0.44
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	23	0.47	0.19	0.45
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	23	0.4	0.06	0.39
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	23	0.4	0.15	0.41
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	23	0.33	0.08	0.34
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	23	0.31	0.07	0.33
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	23	0.31	0.07	0.33
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	23	0.27	0.07	0.29
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	23	0.27	0.07	0.29
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	23	0.19	0.03	0.19
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	22	2.04	1.12	2.05
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	22	1.86	1.06	1.89
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	22	1.59	0.28	1.64
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	22	1.59	0.28	1.64
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	22	1.59	0.28	1.64
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	22	1.59	0.28	1.64
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	22	1.59	0.28	1.64
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	22	1.59	0.28	1.64
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	22	1.52	0.45	1.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	22	1.27	0.35	1.3
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	22	1.27	0.35	1.3
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	22	1.27	0.35	1.3
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	22	1.27	0.35	1.3
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	22	1.27	0.35	1.3
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	22	1.27	0.35	1.3
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	22	1.18	0.24	1.23
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	22	1.18	0.24	1.23
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	22	1.18	0.24	1.23
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	22	1.18	0.24	1.23
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	22	1.18	0.24	1.23
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	22	1.18	0.24	1.23
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	22	1.15	0.57	1.28
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	22	1.15	0.57	1.28
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	22	1.12	0.11	1.1
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	22	1.05	0.2	1.02
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	22	0.89	0.28	1.05
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	22	0.82	0.27	0.8
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	22	0.82	0.27	0.8
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	22	0.78	0.32	0.76
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	22	0.78	0.32	0.76
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	22	0.77	0.52	0.57
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	22	0.77	0.52	0.57
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	22	0.77	0.52	0.57
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	22	0.64	0.08	0.64
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	22	0.62	0.21	0.57
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	22	0.62	0.21	0.57
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	22	0.62	0.21	0.57
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	22	0.6	0.32	0.55
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	22	0.6	0.35	0.5
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	22	0.59	0.31	0.6
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	22	0.59	0.28	0.52
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	22	0.59	0.28	0.52
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	22	0.55	0.16	0.59
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	22	0.55	0.16	0.59
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	22	0.54	0.2	0.46
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	22	0.5	0.18	0.48
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	22	0.46	0.25	0.36
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	22	0.46	0.25	0.36
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	22	0.46	0.25	0.36
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	22	0.41	0.21	0.34
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	22	0.39	0.18	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	22	0.39	0.18	0.39
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	22	0.39	0.18	0.39
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	22	0.37	0.09	0.35
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	22	0.37	0.09	0.35
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	22	0.36	0.12	0.35
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	22	0.33	0.0	0.33
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	22	0.31	0.12	0.3
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	22	0.31	0.12	0.3
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	22	0.31	0.12	0.3
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	22	0.21	0.05	0.22
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	22	0.21	0.05	0.22
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD11	1:85:A:HIS:H	21	1.93	0.24	1.92
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD12	1:85:A:HIS:H	21	1.93	0.24	1.92
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD13	1:85:A:HIS:H	21	1.93	0.24	1.92
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD21	1:85:A:HIS:H	21	1.93	0.24	1.92
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD22	1:85:A:HIS:H	21	1.93	0.24	1.92
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD23	1:85:A:HIS:H	21	1.93	0.24	1.92
(1,936)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	21	1.66	0.29	1.57
(1,936)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	21	1.66	0.29	1.57
(1,936)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	21	1.66	0.29	1.57
(1,16)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HA	21	1.59	0.96	1.55
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD11	21	1.38	0.07	1.35
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD12	21	1.38	0.07	1.35
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD13	21	1.38	0.07	1.35
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD21	21	1.38	0.07	1.35
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD22	21	1.38	0.07	1.35
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD23	21	1.38	0.07	1.35
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:HA	21	1.34	0.27	1.28
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:HA	21	1.34	0.27	1.28
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:HA	21	1.34	0.27	1.28
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:HA	21	1.34	0.27	1.28
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:HA	21	1.34	0.27	1.28
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:HA	21	1.34	0.27	1.28
(1,1069)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HB2	21	1.33	0.6	1.33
(1,722)	1:24:A:LYS:HD2	1:25:A:SER:H	21	1.02	0.3	1.13
(1,722)	1:24:A:LYS:HD3	1:25:A:SER:H	21	1.02	0.3	1.13
(1,711)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HD12	21	0.92	0.65	0.83
(1,375)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:H	21	0.78	0.5	0.62
(1,1224)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HZ3	21	0.74	0.42	0.71
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE1	21	0.72	0.29	0.63
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE2	21	0.72	0.29	0.63
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG2	21	0.68	0.45	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG3	21	0.68	0.45	0.63
(1,872)	1:21:A:ASN:H	1:27:A:TRP:H	21	0.59	0.31	0.53
(1,979)	1:95:A:PRO:HG2	1:96:A:MET:H	21	0.52	0.18	0.49
(1,979)	1:95:A:PRO:HG3	1:96:A:MET:H	21	0.52	0.18	0.49
(1,1337)	1:30:A:LEU:HG	1:60:A:THR:HA	21	0.51	0.25	0.53
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HB	21	0.5	0.26	0.48
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HB	21	0.5	0.26	0.48
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HB	21	0.5	0.26	0.48
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HB	21	0.5	0.26	0.48
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HB	21	0.5	0.26	0.48
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HB	21	0.5	0.26	0.48
(1,440)	1:12:A:TYR:HD1	1:82:A:GLY:H	21	0.47	0.18	0.46
(1,440)	1:12:A:TYR:HD2	1:82:A:GLY:H	21	0.47	0.18	0.46
(1,770)	1:49:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:H	21	0.46	0.19	0.42
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	21	0.44	0.28	0.34
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	21	0.44	0.28	0.34
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	21	0.44	0.28	0.34
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	21	0.44	0.28	0.34
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	21	0.44	0.28	0.34
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	21	0.44	0.28	0.34
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD1	21	0.43	0.24	0.36
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD2	21	0.43	0.24	0.36
(1,762)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:H	21	0.35	0.16	0.32
(1,762)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:H	21	0.35	0.16	0.32
(1,762)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:H	21	0.35	0.16	0.32
(1,797)	1:34:A:VAL:HG21	1:82:A:GLY:H	21	0.32	0.15	0.3
(1,797)	1:34:A:VAL:HG22	1:82:A:GLY:H	21	0.32	0.15	0.3
(1,797)	1:34:A:VAL:HG23	1:82:A:GLY:H	21	0.32	0.15	0.3
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD11	21	0.21	0.04	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD12	21	0.21	0.04	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD13	21	0.21	0.04	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD21	21	0.21	0.04	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD22	21	0.21	0.04	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD23	21	0.21	0.04	0.22
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG2	20	1.54	0.34	1.69
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG3	20	1.54	0.34	1.69
(1,432)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HD2	20	1.31	0.97	1.16
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG2	20	1.05	0.53	1.1
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG3	20	1.05	0.53	1.1
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG2	20	1.05	0.53	1.1
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG3	20	1.05	0.53	1.1
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB2	20	0.87	0.22	0.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB3	20	0.87	0.22	0.86
(1,1256)	1:12:A:TYR:HB3	1:27:A:TRP:HH2	20	0.85	0.34	0.72
(1,194)	1:81:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:HD12	20	0.81	0.23	0.87
(1,608)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	20	0.71	0.45	0.53
(1,697)	1:81:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:H	20	0.58	0.27	0.58
(1,1323)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:HA2	20	0.57	0.23	0.58
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE1	20	0.53	0.26	0.53
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE2	20	0.53	0.26	0.53
(1,911)	1:26:A:THR:HG21	1:56:A:GLY:H	20	0.51	0.18	0.46
(1,911)	1:26:A:THR:HG22	1:56:A:GLY:H	20	0.51	0.18	0.46
(1,911)	1:26:A:THR:HG23	1:56:A:GLY:H	20	0.51	0.18	0.46
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:H	20	0.46	0.21	0.44
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:H	20	0.46	0.21	0.44
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:H	20	0.46	0.21	0.44
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG11	20	0.45	0.23	0.4
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG12	20	0.45	0.23	0.4
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG13	20	0.45	0.23	0.4
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG2	1:19:A:LYS:H	20	0.43	0.3	0.32
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG3	1:19:A:LYS:H	20	0.43	0.3	0.32
(1,737)	1:33:A:LYS:HG2	1:34:A:VAL:H	20	0.38	0.22	0.28
(1,737)	1:33:A:LYS:HG3	1:34:A:VAL:H	20	0.38	0.22	0.28
(1,668)	1:60:A:THR:HB	1:62:A:ASN:H	20	0.31	0.12	0.3
(1,836)	1:77:A:LYS:HB3	1:80:A:ILE:H	20	0.31	0.11	0.3
(1,428)	1:60:A:THR:H	1:62:A:ASN:H	20	0.26	0.1	0.24
(1,485)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	20	0.24	0.09	0.21
(1,485)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	20	0.24	0.09	0.21
(1,485)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	20	0.24	0.09	0.21
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE1	20	0.23	0.05	0.23
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE2	20	0.23	0.05	0.23
(1,897)	1:36:A:ASP:H	1:79:A:PHE:H	20	0.23	0.09	0.22
(1,994)	1:61:A:GLU:HB2	1:62:A:ASN:HD22	19	1.32	0.56	1.34
(1,994)	1:61:A:GLU:HB3	1:62:A:ASN:HD22	19	1.32	0.56	1.34
(1,1102)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:H	19	1.21	0.58	1.33
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD2	19	1.18	0.48	1.19
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD3	19	1.18	0.48	1.19
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	19	1.13	0.57	1.12
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	19	1.13	0.57	1.12
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG2	19	1.06	0.17	1.07
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG3	19	1.06	0.17	1.07
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG2	19	1.05	0.1	1.03
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG3	19	1.05	0.1	1.03
(1,727)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	19	1.01	0.59	0.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,673)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:H	19	0.88	0.41	0.92
(1,673)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:H	19	0.88	0.41	0.92
(1,673)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:H	19	0.88	0.41	0.92
(1,1306)	1:21:A:ASN:HB2	1:22:A:HIS:HD2	19	0.8	0.58	0.7
(1,1188)	1:30:A:LEU:HB2	1:31:A:HIS:HD2	19	0.73	0.46	0.7
(1,287)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HB	19	0.73	0.43	0.69
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD1	1:81:A:ILE:HD12	19	0.72	0.47	0.56
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD2	1:81:A:ILE:HD12	19	0.72	0.47	0.56
(1,139)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HB	19	0.62	0.26	0.63
(1,953)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HA	19	0.59	0.31	0.55
(1,1134)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HA	19	0.56	0.22	0.61
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG2	19	0.54	0.16	0.53
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG3	19	0.54	0.16	0.53
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD1	1:27:A:TRP:HH2	19	0.47	0.26	0.44
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD2	1:27:A:TRP:HH2	19	0.47	0.26	0.44
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB1	19	0.4	0.15	0.35
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB2	19	0.4	0.15	0.35
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB3	19	0.4	0.15	0.35
(1,15)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HA	19	0.37	0.21	0.35
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD11	1:61:A:GLU:H	19	0.37	0.19	0.33
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD12	1:61:A:GLU:H	19	0.37	0.19	0.33
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD13	1:61:A:GLU:H	19	0.37	0.19	0.33
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD21	1:61:A:GLU:H	19	0.37	0.19	0.33
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD22	1:61:A:GLU:H	19	0.37	0.19	0.33
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD23	1:61:A:GLU:H	19	0.37	0.19	0.33
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG2	19	0.36	0.04	0.36
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG3	19	0.36	0.04	0.36
(1,985)	1:41:A:LEU:HD21	1:52:A:ARG:H	19	0.34	0.19	0.32
(1,985)	1:41:A:LEU:HD22	1:52:A:ARG:H	19	0.34	0.19	0.32
(1,985)	1:41:A:LEU:HD23	1:52:A:ARG:H	19	0.34	0.19	0.32
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB1	19	0.32	0.14	0.35
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB2	19	0.32	0.14	0.35
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB3	19	0.32	0.14	0.35
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD2	19	0.32	0.09	0.34
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD3	19	0.32	0.09	0.34
(1,351)	1:50:A:VAL:H	1:52:A:ARG:H	19	0.22	0.08	0.21
(1,625)	1:29:A:ILE:H	1:29:A:ILE:HG22	19	0.16	0.05	0.16
(1,900)	1:38:A:THR:HG21	1:40:A:PHE:H	19	0.15	0.04	0.14
(1,900)	1:38:A:THR:HG22	1:40:A:PHE:H	19	0.15	0.04	0.14
(1,900)	1:38:A:THR:HG23	1:40:A:PHE:H	19	0.15	0.04	0.14
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:H	18	0.91	0.5	0.75
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:H	18	0.91	0.5	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:H	18	0.91	0.5	0.75
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	18	0.76	0.39	0.66
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	18	0.76	0.39	0.66
(1,247)	1:83:A:GLU:HB3	1:85:A:HIS:HA	18	0.59	0.53	0.42
(1,868)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:HB2	18	0.47	0.26	0.44
(1,1282)	1:81:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	18	0.43	0.1	0.4
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB1	18	0.42	0.15	0.4
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB2	18	0.42	0.15	0.4
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB3	18	0.42	0.15	0.4
(1,376)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:H	18	0.4	0.22	0.34
(1,1330)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:HA	18	0.36	0.22	0.28
(1,1330)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:HA	18	0.36	0.22	0.28
(1,1330)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:HA	18	0.36	0.22	0.28
(1,792)	1:35:A:TYR:HA	1:80:A:ILE:H	18	0.34	0.16	0.34
(1,637)	1:35:A:TYR:HB3	1:37:A:LEU:H	18	0.33	0.14	0.31
(1,988)	1:33:A:LYS:H	1:83:A:GLU:HA	18	0.33	0.21	0.29
(1,622)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HG2	18	0.32	0.09	0.33
(1,128)	1:48:A:GLU:HG2	1:50:A:VAL:H	18	0.31	0.14	0.29
(1,128)	1:48:A:GLU:HG3	1:50:A:VAL:H	18	0.31	0.14	0.29
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD1	18	0.28	0.11	0.24
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD2	18	0.28	0.11	0.24
(1,1024)	1:35:A:TYR:HA	1:79:A:PHE:H	18	0.27	0.1	0.26
(1,405)	1:62:A:ASN:H	1:64:A:GLU:H	18	0.27	0.12	0.24
(1,1064)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:H	18	0.19	0.05	0.17
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD22	17	1.3	0.58	1.35
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD21	17	1.3	0.58	1.35
(1,1264)	1:27:A:TRP:HZ3	1:81:A:ILE:HD12	17	1.0	0.72	0.83
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	17	0.99	0.32	1.0
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	17	0.99	0.32	1.0
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE2	17	0.73	0.43	0.79
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE3	17	0.73	0.43	0.79
(1,1202)	1:30:A:LEU:HA	1:31:A:HIS:HD2	17	0.61	0.35	0.61
(1,539)	1:17:A:ILE:HD11	1:56:A:GLY:H	17	0.58	0.37	0.5
(1,539)	1:17:A:ILE:HD12	1:56:A:GLY:H	17	0.58	0.37	0.5
(1,539)	1:17:A:ILE:HD13	1:56:A:GLY:H	17	0.58	0.37	0.5
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE1	17	0.45	0.24	0.39
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE2	17	0.45	0.24	0.39
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG21	17	0.45	0.28	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG22	17	0.45	0.28	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG23	17	0.45	0.28	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG21	17	0.45	0.28	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG22	17	0.45	0.28	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG23	17	0.45	0.28	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG21	17	0.45	0.28	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG22	17	0.45	0.28	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG23	17	0.45	0.28	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG21	17	0.45	0.28	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG22	17	0.45	0.28	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG23	17	0.45	0.28	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG21	17	0.45	0.28	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG22	17	0.45	0.28	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG23	17	0.45	0.28	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG21	17	0.45	0.28	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG22	17	0.45	0.28	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG23	17	0.45	0.28	0.29
(3,19)	1:40:A:PHE:O	1:44:A:HIS:H	17	0.32	0.11	0.33
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD2	17	0.31	0.11	0.26
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD3	17	0.31	0.11	0.26
(1,176)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HA	17	0.27	0.13	0.27
(1,1096)	1:33:A:LYS:HA	1:82:A:GLY:H	17	0.27	0.11	0.27
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG21	17	0.27	0.12	0.24
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG22	17	0.27	0.12	0.24
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG23	17	0.27	0.12	0.24
(1,445)	1:21:A:ASN:H	1:21:A:ASN:HD21	17	0.26	0.04	0.25
(1,356)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:H	17	0.19	0.09	0.15
(1,236)	1:95:A:PRO:HD3	1:96:A:MET:H	17	0.15	0.04	0.14
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG2	1:40:A:PHE:HD1	16	1.32	0.57	1.43
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG3	1:40:A:PHE:HD1	16	1.32	0.57	1.43
(1,1227)	1:37:A:LEU:HA	1:40:A:PHE:HD1	16	1.11	0.44	1.21
(1,159)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HB3	16	1.0	0.53	0.88
(1,159)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HB3	16	1.0	0.53	0.88
(1,159)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HB3	16	1.0	0.53	0.88
(1,431)	1:40:A:PHE:H	1:40:A:PHE:HD1	16	0.79	0.29	0.84
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB2	16	0.62	0.4	0.86
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB3	16	0.62	0.4	0.86
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	16	0.61	0.2	0.66
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	16	0.61	0.2	0.66
(1,853)	1:12:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HA	16	0.59	0.45	0.41
(1,1184)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	16	0.52	0.34	0.38
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD2	16	0.52	0.29	0.44
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD3	16	0.52	0.29	0.44
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD2	16	0.52	0.29	0.44
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD3	16	0.52	0.29	0.44
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD2	16	0.52	0.29	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD3	16	0.52	0.29	0.44
(1,1062)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:HB2	16	0.39	0.19	0.36
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB1	16	0.38	0.16	0.4
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB2	16	0.38	0.16	0.4
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB3	16	0.38	0.16	0.4
(1,393)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	16	0.31	0.19	0.26
(1,766)	1:52:A:ARG:H	1:53:A:GLU:HG2	16	0.31	0.14	0.3
(1,1014)	1:60:A:THR:HG21	1:62:A:ASN:H	16	0.26	0.11	0.22
(1,1014)	1:60:A:THR:HG22	1:62:A:ASN:H	16	0.26	0.11	0.22
(1,1014)	1:60:A:THR:HG23	1:62:A:ASN:H	16	0.26	0.11	0.22
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:HE21	16	0.25	0.13	0.2
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:HE21	16	0.25	0.13	0.2
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:HE21	16	0.25	0.13	0.2
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD21	1:54:A:GLN:HE21	16	0.25	0.13	0.2
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD22	1:54:A:GLN:HE21	16	0.25	0.13	0.2
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD23	1:54:A:GLN:HE21	16	0.25	0.13	0.2
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:HA	16	0.18	0.06	0.17
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:HA	16	0.18	0.06	0.17
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:HA	16	0.18	0.06	0.17
(1,870)	1:21:A:ASN:H	1:26:A:THR:HA	15	0.78	0.4	0.93
(1,1303)	1:22:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	15	0.68	0.26	0.69
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	15	0.55	0.18	0.57
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	15	0.55	0.18	0.57
(1,274)	1:42:A:GLU:HB2	1:48:A:GLU:HB3	15	0.53	0.22	0.6
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:H	15	0.49	0.2	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:H	15	0.49	0.2	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:H	15	0.49	0.2	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	15	0.49	0.2	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	15	0.49	0.2	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	15	0.49	0.2	0.45
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG21	1:85:A:HIS:H	15	0.43	0.22	0.4
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG22	1:85:A:HIS:H	15	0.43	0.22	0.4
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG23	1:85:A:HIS:H	15	0.43	0.22	0.4
(1,858)	1:12:A:TYR:HE1	1:13:A:THR:H	15	0.43	0.15	0.44
(1,858)	1:12:A:TYR:HE2	1:13:A:THR:H	15	0.43	0.15	0.44
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB2	15	0.34	0.15	0.32
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB3	15	0.34	0.15	0.32
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB2	15	0.33	0.14	0.29
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB3	15	0.33	0.14	0.29
(1,1044)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HA	15	0.32	0.14	0.27
(1,61)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HA	15	0.32	0.09	0.32
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG2	15	0.22	0.17	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG3	15	0.22	0.17	0.17
(1,1003)	1:6:A:ASP:H	1:7:A:LYS:H	15	0.21	0.06	0.22
(1,1085)	1:57:A:GLY:H	1:58:A:ASP:HA	15	0.15	0.04	0.15
(1,1189)	1:13:A:THR:HG21	1:85:A:HIS:HD2	14	0.85	0.56	0.64
(1,1189)	1:13:A:THR:HG22	1:85:A:HIS:HD2	14	0.85	0.56	0.64
(1,1189)	1:13:A:THR:HG23	1:85:A:HIS:HD2	14	0.85	0.56	0.64
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD2	14	0.84	0.62	0.62
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD3	14	0.84	0.62	0.62
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE1	14	0.7	0.42	0.68
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE2	14	0.7	0.42	0.68
(1,276)	1:42:A:GLU:HB3	1:48:A:GLU:HB3	14	0.53	0.18	0.57
(1,793)	1:35:A:TYR:HB3	1:80:A:ILE:H	14	0.43	0.23	0.38
(1,193)	1:36:A:ASP:HB3	1:81:A:ILE:HG22	14	0.42	0.18	0.4
(1,92)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HA	14	0.37	0.18	0.36
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD2	14	0.36	0.27	0.29
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	14	0.36	0.27	0.29
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD11	1:48:A:GLU:HA	14	0.32	0.14	0.32
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD12	1:48:A:GLU:HA	14	0.32	0.14	0.32
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD13	1:48:A:GLU:HA	14	0.32	0.14	0.32
(1,894)	1:35:A:TYR:H	1:80:A:ILE:HA	14	0.29	0.09	0.3
(1,314)	1:70:A:THR:HG21	1:71:A:ASP:H	14	0.28	0.09	0.3
(1,314)	1:70:A:THR:HG22	1:71:A:ASP:H	14	0.28	0.09	0.3
(1,314)	1:70:A:THR:HG23	1:71:A:ASP:H	14	0.28	0.09	0.3
(1,281)	1:53:A:GLU:HA	1:54:A:GLN:HG2	14	0.28	0.12	0.24
(1,91)	1:34:A:VAL:HA	1:80:A:ILE:HA	14	0.27	0.1	0.26
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD1	14	0.22	0.07	0.2
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD2	14	0.22	0.07	0.2
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD1	14	0.22	0.07	0.2
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD2	14	0.22	0.07	0.2
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD1	14	0.2	0.08	0.18
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD2	14	0.2	0.08	0.18
(1,1292)	1:81:A:ILE:HB	1:81:A:ILE:HD12	14	0.13	0.02	0.12
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD1	13	1.3	0.81	0.99
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD2	13	1.3	0.81	0.99
(1,856)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:H	13	1.19	0.94	0.94
(1,1221)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	13	1.01	0.84	0.71
(1,433)	1:22:A:HIS:H	1:22:A:HIS:HD2	13	0.97	0.47	0.77
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE1	13	0.91	0.47	0.84
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE2	13	0.91	0.47	0.84
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG21	13	0.81	0.38	0.71
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG22	13	0.81	0.38	0.71
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG23	13	0.81	0.38	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:HA2	13	0.65	0.41	0.55
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:HA2	13	0.65	0.41	0.55
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:HB2	13	0.63	0.58	0.45
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:HB2	13	0.63	0.58	0.45
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE1	13	0.59	0.31	0.65
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE2	13	0.59	0.31	0.65
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE1	13	0.55	0.32	0.44
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE2	13	0.55	0.32	0.44
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE1	13	0.55	0.32	0.44
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE2	13	0.55	0.32	0.44
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE1	13	0.55	0.32	0.44
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE2	13	0.55	0.32	0.44
(1,1124)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB3	13	0.48	0.27	0.55
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE1	13	0.37	0.25	0.29
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE2	13	0.37	0.25	0.29
(1,209)	1:14:A:LEU:HA	1:17:A:ILE:HB	13	0.35	0.19	0.25
(1,1109)	1:16:A:GLU:HB3	1:18:A:LYS:H	13	0.35	0.27	0.21
(1,121)	1:79:A:PHE:HA	1:81:A:ILE:HG23	13	0.34	0.2	0.29
(1,474)	1:9:A:VAL:HG21	1:10:A:LYS:H	13	0.34	0.17	0.31
(1,474)	1:9:A:VAL:HG22	1:10:A:LYS:H	13	0.34	0.17	0.31
(1,474)	1:9:A:VAL:HG23	1:10:A:LYS:H	13	0.34	0.17	0.31
(1,967)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD21	13	0.33	0.18	0.32
(1,877)	1:22:A:HIS:HB3	1:25:A:SER:H	13	0.31	0.18	0.21
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB1	13	0.26	0.08	0.25
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB2	13	0.26	0.08	0.25
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB3	13	0.26	0.08	0.25
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD11	1:20:A:HIS:H	12	0.68	0.43	0.6
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD12	1:20:A:HIS:H	12	0.68	0.43	0.6
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD13	1:20:A:HIS:H	12	0.68	0.43	0.6
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG2	12	0.61	0.41	0.44
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG3	12	0.61	0.41	0.44
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG2	12	0.61	0.41	0.44
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG3	12	0.61	0.41	0.44
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG2	12	0.61	0.41	0.44
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG3	12	0.61	0.41	0.44
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD1	1:86:A:PRO:HD2	12	0.6	0.46	0.45
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD2	1:86:A:PRO:HD2	12	0.6	0.46	0.45
(1,555)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:HB2	12	0.56	0.52	0.4
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD1	12	0.55	0.23	0.61
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD2	12	0.55	0.23	0.61
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB1	1:62:A:ASN:HD22	12	0.49	0.27	0.48
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB2	1:62:A:ASN:HD22	12	0.49	0.27	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB3	1:62:A:ASN:HD22	12	0.49	0.27	0.48
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG2	12	0.43	0.2	0.44
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG3	12	0.43	0.2	0.44
(1,1031)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	12	0.34	0.2	0.28
(1,137)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HB	12	0.29	0.09	0.28
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD2	12	0.25	0.18	0.13
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD3	12	0.25	0.18	0.13
(1,51)	1:40:A:PHE:HA	1:43:A:GLU:HB3	12	0.25	0.14	0.22
(3,24)	1:55:A:ALA:H	1:52:A:ARG:O	12	0.23	0.12	0.18
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD11	1:62:A:ASN:H	12	0.21	0.09	0.18
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD12	1:62:A:ASN:H	12	0.21	0.09	0.18
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD13	1:62:A:ASN:H	12	0.21	0.09	0.18
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD21	1:62:A:ASN:H	12	0.21	0.09	0.18
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD22	1:62:A:ASN:H	12	0.21	0.09	0.18
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD23	1:62:A:ASN:H	12	0.21	0.09	0.18
(1,788)	1:70:A:THR:HA	1:72:A:ALA:H	12	0.19	0.09	0.16
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG2	1:75:A:LEU:H	12	0.17	0.05	0.18
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG3	1:75:A:LEU:H	12	0.17	0.05	0.18
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB2	1:98:A:THR:H	12	0.15	0.03	0.15
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB3	1:98:A:THR:H	12	0.15	0.03	0.15
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	11	0.62	0.36	0.61
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	11	0.62	0.36	0.61
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	11	0.62	0.36	0.61
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE1	1:81:A:ILE:HD12	11	0.58	0.25	0.6
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE2	1:81:A:ILE:HD12	11	0.58	0.25	0.6
(1,1245)	1:17:A:ILE:HA	1:27:A:TRP:HH2	11	0.56	0.21	0.63
(1,99)	1:41:A:LEU:HG	1:48:A:GLU:HB2	11	0.54	0.4	0.41
(1,23)	1:52:A:ARG:HG2	1:53:A:GLU:HA	11	0.44	0.2	0.54
(1,23)	1:52:A:ARG:HG3	1:53:A:GLU:HA	11	0.44	0.2	0.54
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG2	11	0.44	0.3	0.4
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG3	11	0.44	0.3	0.4
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG2	11	0.44	0.3	0.4
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG3	11	0.44	0.3	0.4
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG2	11	0.44	0.3	0.4
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG3	11	0.44	0.3	0.4
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG2	11	0.41	0.18	0.46
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG3	11	0.41	0.18	0.46
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD1	1:17:A:ILE:HG21	11	0.36	0.19	0.33
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD2	1:17:A:ILE:HG21	11	0.36	0.19	0.33
(1,235)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	11	0.3	0.09	0.29
(1,532)	1:9:A:VAL:H	1:10:A:LYS:HA	11	0.28	0.17	0.21
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG21	11	0.27	0.17	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG22	11	0.27	0.17	0.25
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG23	11	0.27	0.17	0.25
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD1	1:79:A:PHE:HA	11	0.26	0.1	0.24
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD2	1:79:A:PHE:HA	11	0.26	0.1	0.24
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD11	1:55:A:ALA:H	11	0.25	0.15	0.19
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD12	1:55:A:ALA:H	11	0.25	0.15	0.19
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD13	1:55:A:ALA:H	11	0.25	0.15	0.19
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD21	1:55:A:ALA:H	11	0.25	0.15	0.19
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD22	1:55:A:ALA:H	11	0.25	0.15	0.19
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD23	1:55:A:ALA:H	11	0.25	0.15	0.19
(1,854)	1:10:A:LYS:HA	1:12:A:TYR:H	11	0.24	0.09	0.22
(1,262)	1:53:A:GLU:H	1:54:A:GLN:HG2	11	0.24	0.13	0.17
(1,325)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:H	11	0.21	0.1	0.15
(1,328)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:H	11	0.14	0.05	0.14
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG2	11	0.11	0.01	0.11
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG3	11	0.11	0.01	0.11
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD11	1:58:A:ASP:H	10	0.75	0.39	0.73
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD12	1:58:A:ASP:H	10	0.75	0.39	0.73
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD13	1:58:A:ASP:H	10	0.75	0.39	0.73
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD21	1:58:A:ASP:H	10	0.75	0.39	0.73
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD22	1:58:A:ASP:H	10	0.75	0.39	0.73
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD23	1:58:A:ASP:H	10	0.75	0.39	0.73
(1,1167)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HA	10	0.72	0.38	0.77
(1,729)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	10	0.61	0.29	0.56
(1,1047)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HE2	10	0.54	0.26	0.57
(1,1047)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HE3	10	0.54	0.26	0.57
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG21	1:81:A:ILE:HD12	10	0.47	0.45	0.22
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG22	1:81:A:ILE:HD12	10	0.47	0.45	0.22
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG23	1:81:A:ILE:HD12	10	0.47	0.45	0.22
(1,1099)	1:32:A:HIS:HA	1:84:A:LEU:H	10	0.47	0.38	0.24
(3,9)	1:70:A:THR:O	1:74:A:GLU:H	10	0.4	0.21	0.4
(1,1216)	1:35:A:TYR:HD1	1:80:A:ILE:H	10	0.37	0.19	0.3
(1,1216)	1:35:A:TYR:HD2	1:80:A:ILE:H	10	0.37	0.19	0.3
(1,930)	1:34:A:VAL:H	1:84:A:LEU:H	10	0.36	0.17	0.3
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB1	10	0.35	0.24	0.2
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB2	10	0.35	0.24	0.2
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB3	10	0.35	0.24	0.2
(1,955)	1:53:A:GLU:HB2	1:54:A:GLN:HE22	10	0.34	0.2	0.3
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG21	10	0.3	0.11	0.36
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG22	10	0.3	0.11	0.36
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG23	10	0.3	0.11	0.36
(1,879)	1:22:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	10	0.27	0.11	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,654)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG2	10	0.25	0.15	0.17
(1,495)	1:15:A:GLU:H	1:18:A:LYS:H	10	0.21	0.08	0.22
(1,1255)	1:12:A:TYR:HE1	1:17:A:ILE:HG22	10	0.2	0.06	0.18
(1,1255)	1:12:A:TYR:HE2	1:17:A:ILE:HG22	10	0.2	0.06	0.18
(1,1304)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	9	1.9	1.12	1.84
(1,695)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:GLY:H	9	1.68	0.13	1.67
(1,382)	1:23:A:SER:H	1:25:A:SER:H	9	1.05	0.09	1.05
(1,1318)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HD13	9	1.03	0.15	1.01
(1,740)	1:34:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HD13	9	0.99	0.5	0.93
(1,279)	1:27:A:TRP:HE3	1:81:A:ILE:HD12	9	0.83	0.71	0.51
(1,1176)	1:11:A:TYR:HE1	1:83:A:GLU:HB2	9	0.6	0.62	0.42
(1,1176)	1:11:A:TYR:HE2	1:83:A:GLU:HB2	9	0.6	0.62	0.42
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG2	1:52:A:ARG:HD2	9	0.57	0.49	0.44
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG2	1:52:A:ARG:HD3	9	0.57	0.49	0.44
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG3	1:52:A:ARG:HD2	9	0.57	0.49	0.44
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG3	1:52:A:ARG:HD3	9	0.57	0.49	0.44
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD11	1:79:A:PHE:HD1	9	0.55	0.32	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD11	1:79:A:PHE:HD2	9	0.55	0.32	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD12	1:79:A:PHE:HD1	9	0.55	0.32	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD12	1:79:A:PHE:HD2	9	0.55	0.32	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD13	1:79:A:PHE:HD1	9	0.55	0.32	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD13	1:79:A:PHE:HD2	9	0.55	0.32	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD21	1:79:A:PHE:HD1	9	0.55	0.32	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD21	1:79:A:PHE:HD2	9	0.55	0.32	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD22	1:79:A:PHE:HD1	9	0.55	0.32	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD22	1:79:A:PHE:HD2	9	0.55	0.32	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD23	1:79:A:PHE:HD1	9	0.55	0.32	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD23	1:79:A:PHE:HD2	9	0.55	0.32	0.48
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HD2	9	0.52	0.34	0.54
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HD3	9	0.52	0.34	0.54
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HD2	9	0.52	0.34	0.54
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HD3	9	0.52	0.34	0.54
(1,570)	1:85:A:HIS:HB3	1:89:A:ARG:H	9	0.38	0.27	0.34
(1,1407)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:H	9	0.35	0.14	0.29
(1,1407)	1:28:A:LEU:HB3	1:59:A:ALA:H	9	0.35	0.14	0.29
(1,602)	1:22:A:HIS:HB2	1:25:A:SER:H	9	0.34	0.26	0.19
(1,123)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HG2	9	0.32	0.15	0.33
(1,123)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HG3	9	0.32	0.15	0.33
(1,876)	1:22:A:HIS:HA	1:24:A:LYS:H	9	0.3	0.18	0.24
(1,332)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:H	9	0.3	0.08	0.26
(1,254)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HA	9	0.27	0.17	0.2
(1,254)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HA	9	0.27	0.17	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,254)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HA	9	0.27	0.17	0.2
(1,363)	1:52:A:ARG:H	1:55:A:ALA:H	9	0.26	0.12	0.22
(1,987)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:H	9	0.26	0.06	0.25
(1,1006)	1:11:A:TYR:H	1:11:A:TYR:HE1	9	0.24	0.15	0.17
(1,1006)	1:11:A:TYR:H	1:11:A:TYR:HE2	9	0.24	0.15	0.17
(1,395)	1:9:A:VAL:H	1:10:A:LYS:H	9	0.23	0.1	0.22
(1,1022)	1:72:A:ALA:HA	1:76:A:SER:H	9	0.22	0.04	0.21
(1,414)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:H	9	0.21	0.08	0.22
(1,297)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:H	9	0.17	0.06	0.16
(1,573)	1:40:A:PHE:HB2	1:41:A:LEU:H	9	0.17	0.04	0.16
(1,1379)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	8	1.37	0.84	1.48
(1,1379)	1:20:A:HIS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	8	1.37	0.84	1.48
(1,1239)	1:12:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	8	1.13	0.57	1.04
(1,1240)	1:13:A:THR:HA	1:85:A:HIS:HD2	8	0.98	0.42	1.12
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE1	1:16:A:GLU:HG2	8	0.83	0.72	0.45
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE1	1:16:A:GLU:HG3	8	0.83	0.72	0.45
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE2	1:16:A:GLU:HG2	8	0.83	0.72	0.45
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE2	1:16:A:GLU:HG3	8	0.83	0.72	0.45
(1,1456)	1:31:A:HIS:HE1	1:64:A:GLU:HB2	8	0.64	0.24	0.52
(1,1456)	1:31:A:HIS:HE1	1:64:A:GLU:HB3	8	0.64	0.24	0.52
(1,241)	1:75:A:LEU:HG	1:78:A:THR:HB	8	0.57	0.24	0.56
(1,1074)	1:21:A:ASN:HB2	1:56:A:GLY:H	8	0.47	0.31	0.4
(1,1383)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:HA2	8	0.41	0.25	0.35
(1,1383)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:HA3	8	0.41	0.25	0.35
(1,1168)	1:85:A:HIS:HB2	1:85:A:HIS:HD2	8	0.4	0.17	0.52
(1,88)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HG12	8	0.36	0.19	0.36
(1,88)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HG13	8	0.36	0.19	0.36
(1,1114)	1:25:A:SER:H	1:26:A:THR:HB	8	0.34	0.21	0.24
(1,1097)	1:9:A:VAL:HB	1:82:A:GLY:H	8	0.28	0.21	0.16
(1,119)	1:27:A:TRP:HA	1:36:A:ASP:HB2	8	0.26	0.13	0.23
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG21	8	0.26	0.14	0.2
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG22	8	0.26	0.14	0.2
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG23	8	0.26	0.14	0.2
(3,4)	1:41:A:LEU:O	1:44:A:HIS:H	8	0.25	0.09	0.2
(1,74)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:H	8	0.24	0.14	0.22
(1,855)	1:12:A:TYR:H	1:82:A:GLY:HA2	8	0.22	0.14	0.15
(1,59)	1:50:A:VAL:HA	1:53:A:GLU:HB3	8	0.21	0.1	0.18
(1,59)	1:50:A:VAL:HA	1:53:A:GLU:HB2	8	0.21	0.1	0.18
(1,470)	1:13:A:THR:HA	1:15:A:GLU:H	8	0.2	0.06	0.2
(1,302)	1:59:A:ALA:H	1:62:A:ASN:H	8	0.19	0.09	0.16
(1,1387)	1:22:A:HIS:HA	1:23:A:SER:HB2	8	0.19	0.08	0.15
(1,1387)	1:22:A:HIS:HA	1:23:A:SER:HB3	8	0.19	0.08	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,940)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HA	8	0.18	0.05	0.18
(1,471)	1:13:A:THR:HA	1:16:A:GLU:H	8	0.16	0.03	0.16
(1,1196)	1:12:A:TYR:HA	1:12:A:TYR:HE1	8	0.16	0.05	0.16
(1,1196)	1:12:A:TYR:HA	1:12:A:TYR:HE2	8	0.16	0.05	0.16
(1,862)	1:17:A:ILE:HG22	1:18:A:LYS:H	8	0.15	0.03	0.14
(1,1505)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:HG2	7	0.8	0.4	0.81
(1,1505)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:HG3	7	0.8	0.4	0.81
(1,446)	1:12:A:TYR:HE1	1:83:A:GLU:H	7	0.52	0.23	0.51
(1,446)	1:12:A:TYR:HE2	1:83:A:GLU:H	7	0.52	0.23	0.51
(1,1250)	1:78:A:THR:HG21	1:79:A:PHE:HZ	7	0.52	0.46	0.28
(1,1250)	1:78:A:THR:HG22	1:79:A:PHE:HZ	7	0.52	0.46	0.28
(1,1250)	1:78:A:THR:HG23	1:79:A:PHE:HZ	7	0.52	0.46	0.28
(1,156)	1:41:A:LEU:HB2	1:48:A:GLU:HB2	7	0.43	0.21	0.42
(1,1232)	1:35:A:TYR:HB2	1:79:A:PHE:HD1	7	0.42	0.2	0.41
(1,1232)	1:35:A:TYR:HB2	1:79:A:PHE:HD2	7	0.42	0.2	0.41
(1,447)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:H	7	0.42	0.18	0.44
(1,447)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:H	7	0.42	0.18	0.44
(1,234)	1:36:A:ASP:HB2	1:81:A:ILE:HG22	7	0.41	0.18	0.37
(1,1248)	1:35:A:TYR:HE1	1:80:A:ILE:HG21	7	0.4	0.12	0.46
(1,1248)	1:35:A:TYR:HE2	1:80:A:ILE:HG21	7	0.4	0.12	0.46
(1,1378)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	7	0.4	0.24	0.37
(1,1378)	1:20:A:HIS:HB3	1:22:A:HIS:H	7	0.4	0.24	0.37
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD11	1:57:A:GLY:H	7	0.38	0.22	0.32
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD12	1:57:A:GLY:H	7	0.38	0.22	0.32
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD13	1:57:A:GLY:H	7	0.38	0.22	0.32
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD21	1:57:A:GLY:H	7	0.38	0.22	0.32
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD22	1:57:A:GLY:H	7	0.38	0.22	0.32
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD23	1:57:A:GLY:H	7	0.38	0.22	0.32
(1,379)	1:22:A:HIS:H	1:24:A:LYS:H	7	0.37	0.17	0.29
(1,1325)	1:10:A:LYS:HA	1:10:A:LYS:HE2	7	0.36	0.12	0.37
(1,1325)	1:10:A:LYS:HA	1:10:A:LYS:HE3	7	0.36	0.12	0.37
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB1	7	0.33	0.14	0.39
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB2	7	0.33	0.14	0.39
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB3	7	0.33	0.14	0.39
(1,366)	1:52:A:ARG:HA	1:55:A:ALA:H	7	0.25	0.08	0.22
(1,310)	1:65:A:ASP:HA	1:67:A:GLY:H	7	0.23	0.05	0.24
(1,850)	1:11:A:TYR:H	1:83:A:GLU:H	7	0.23	0.07	0.23
(1,991)	1:34:A:VAL:HB	1:83:A:GLU:H	7	0.23	0.06	0.22
(1,1406)	1:28:A:LEU:HB2	1:57:A:GLY:H	7	0.23	0.05	0.22
(1,1406)	1:28:A:LEU:HB3	1:57:A:GLY:H	7	0.23	0.05	0.22
(1,1110)	1:15:A:GLU:HB2	1:18:A:LYS:H	7	0.21	0.09	0.16
(1,1110)	1:15:A:GLU:HB3	1:18:A:LYS:H	7	0.21	0.09	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1209)	1:31:A:HIS:HA	1:31:A:HIS:HD2	7	0.21	0.11	0.14
(1,1107)	1:14:A:LEU:H	1:15:A:GLU:HB2	7	0.2	0.08	0.22
(1,1107)	1:14:A:LEU:H	1:15:A:GLU:HB3	7	0.2	0.08	0.22
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG11	1:82:A:GLY:H	7	0.18	0.06	0.16
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG12	1:82:A:GLY:H	7	0.18	0.06	0.16
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG13	1:82:A:GLY:H	7	0.18	0.06	0.16
(1,708)	1:27:A:TRP:HA	1:27:A:TRP:HE1	7	0.15	0.04	0.13
(1,816)	1:95:A:PRO:HD2	1:96:A:MET:H	7	0.13	0.02	0.13
(1,1242)	1:16:A:GLU:HG2	1:27:A:TRP:HH2	6	0.94	0.79	0.83
(1,1242)	1:16:A:GLU:HG3	1:27:A:TRP:HH2	6	0.94	0.79	0.83
(1,1472)	1:40:A:PHE:HD1	1:43:A:GLU:HB2	6	0.94	0.3	1.0
(1,1472)	1:40:A:PHE:HD1	1:43:A:GLU:HB3	6	0.94	0.3	1.0
(1,1004)	1:11:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HD2	6	0.93	0.77	0.68
(1,1180)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:HB3	6	0.88	0.59	0.79
(1,1180)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:HB3	6	0.88	0.59	0.79
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HE1	6	0.65	0.26	0.6
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HE2	6	0.65	0.26	0.6
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HE1	6	0.65	0.26	0.6
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HE2	6	0.65	0.26	0.6
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HE1	6	0.65	0.26	0.6
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HE2	6	0.65	0.26	0.6
(1,543)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:HG13	6	0.64	0.28	0.66
(1,612)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HE2	6	0.59	0.19	0.62
(1,612)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HE3	6	0.59	0.19	0.62
(1,26)	1:15:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	6	0.53	0.36	0.46
(1,26)	1:15:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	6	0.53	0.36	0.46
(1,267)	1:33:A:LYS:HG2	1:83:A:GLU:HA	6	0.49	0.32	0.32
(1,267)	1:33:A:LYS:HG3	1:83:A:GLU:HA	6	0.49	0.32	0.32
(1,1305)	1:22:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	6	0.48	0.05	0.49
(1,1270)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HZ3	6	0.42	0.25	0.32
(1,1083)	1:54:A:GLN:HB2	1:57:A:GLY:H	6	0.38	0.34	0.24
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE2	1:12:A:TYR:HE1	6	0.38	0.22	0.3
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE2	1:12:A:TYR:HE2	6	0.38	0.22	0.3
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE3	1:12:A:TYR:HE1	6	0.38	0.22	0.3
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE3	1:12:A:TYR:HE2	6	0.38	0.22	0.3
(1,720)	1:18:A:LYS:HA	1:20:A:HIS:H	6	0.37	0.17	0.38
(1,965)	1:62:A:ASN:HA	1:62:A:ASN:HD21	6	0.35	0.11	0.37
(1,1201)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:HA3	6	0.35	0.26	0.24
(1,1201)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:HA3	6	0.35	0.26	0.24
(1,190)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:HB1	6	0.33	0.11	0.38
(1,190)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:HB2	6	0.33	0.11	0.38
(1,190)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:HB3	6	0.33	0.11	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,190)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:HB1	6	0.33	0.11	0.38
(1,190)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:HB2	6	0.33	0.11	0.38
(1,190)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:HB3	6	0.33	0.11	0.38
(1,190)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:HB1	6	0.33	0.11	0.38
(1,190)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:HB2	6	0.33	0.11	0.38
(1,190)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:HB3	6	0.33	0.11	0.38
(1,403)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:H	6	0.28	0.13	0.26
(1,145)	1:52:A:ARG:H	1:52:A:ARG:HD2	6	0.25	0.14	0.2
(1,145)	1:52:A:ARG:H	1:52:A:ARG:HD3	6	0.25	0.14	0.2
(1,1236)	1:27:A:TRP:HD1	1:36:A:ASP:HB3	6	0.23	0.09	0.2
(1,782)	1:28:A:LEU:HA	1:57:A:GLY:H	6	0.23	0.05	0.22
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:HB2	6	0.22	0.1	0.22
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:HB3	6	0.22	0.1	0.22
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:HB2	6	0.22	0.1	0.22
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:HB3	6	0.22	0.1	0.22
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:HB2	6	0.22	0.1	0.22
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:HB3	6	0.22	0.1	0.22
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:HB2	6	0.22	0.1	0.22
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:HB3	6	0.22	0.1	0.22
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:HB2	6	0.22	0.1	0.22
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:HB3	6	0.22	0.1	0.22
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:HB2	6	0.22	0.1	0.22
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:HB3	6	0.22	0.1	0.22
(1,490)	1:27:A:TRP:H	1:55:A:ALA:HA	6	0.22	0.09	0.18
(1,394)	1:8:A:ASP:HA	1:9:A:VAL:H	6	0.19	0.07	0.2
(3,6)	1:69:A:SER:O	1:72:A:ALA:H	6	0.19	0.07	0.16
(1,783)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:H	6	0.18	0.06	0.17
(1,759)	1:48:A:GLU:H	1:49:A:GLU:HA	6	0.16	0.03	0.15
(1,238)	1:103:A:VAL:HA	1:104:A:ASP:H	6	0.15	0.04	0.15
(1,1399)	1:28:A:LEU:HB2	1:29:A:ILE:H	6	0.15	0.02	0.15
(1,1399)	1:28:A:LEU:HB3	1:29:A:ILE:H	6	0.15	0.02	0.15
(1,1021)	1:76:A:SER:H	1:77:A:LYS:HB2	6	0.14	0.03	0.12
(1,1298)	1:80:A:ILE:HG21	1:80:A:ILE:HG12	6	0.12	0.01	0.12
(1,1298)	1:80:A:ILE:HG21	1:80:A:ILE:HG13	6	0.12	0.01	0.12
(1,1515)	1:64:A:GLU:HG2	1:65:A:ASP:H	5	0.92	0.23	0.79
(1,1515)	1:64:A:GLU:HG3	1:65:A:ASP:H	5	0.92	0.23	0.79
(1,968)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE21	5	0.73	0.36	0.6
(1,158)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG2	5	0.57	0.24	0.69
(1,158)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG2	5	0.57	0.24	0.69
(1,158)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG2	5	0.57	0.24	0.69
(1,158)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG3	5	0.57	0.24	0.69
(1,158)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG3	5	0.57	0.24	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,158)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG3	5	0.57	0.24	0.69
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HD1	5	0.53	0.19	0.41
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HD2	5	0.53	0.19	0.41
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HD1	5	0.53	0.19	0.41
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HD2	5	0.53	0.19	0.41
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HD1	5	0.53	0.19	0.41
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HD2	5	0.53	0.19	0.41
(1,52)	1:40:A:PHE:HA	1:40:A:PHE:HD1	5	0.52	0.1	0.51
(1,130)	1:11:A:TYR:HA	1:83:A:GLU:HB3	5	0.51	0.32	0.31
(1,1273)	1:17:A:ILE:HB	1:27:A:TRP:HZ3	5	0.41	0.17	0.32
(1,865)	1:17:A:ILE:HD11	1:19:A:LYS:H	5	0.3	0.03	0.32
(1,865)	1:17:A:ILE:HD12	1:19:A:LYS:H	5	0.3	0.03	0.32
(1,865)	1:17:A:ILE:HD13	1:19:A:LYS:H	5	0.3	0.03	0.32
(1,1220)	1:12:A:TYR:HE1	1:27:A:TRP:HZ3	5	0.29	0.13	0.32
(1,1220)	1:12:A:TYR:HE2	1:27:A:TRP:HZ3	5	0.29	0.13	0.32
(1,805)	1:35:A:TYR:HB3	1:79:A:PHE:H	5	0.28	0.04	0.28
(1,1005)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:H	5	0.28	0.13	0.26
(1,1005)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:H	5	0.28	0.13	0.26
(1,1005)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:H	5	0.28	0.13	0.26
(1,1125)	1:48:A:GLU:H	1:49:A:GLU:HB3	5	0.26	0.13	0.19
(1,956)	1:54:A:GLN:HB2	1:54:A:GLN:HE22	5	0.21	0.02	0.22
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD11	1:55:A:ALA:HA	5	0.21	0.12	0.17
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD12	1:55:A:ALA:HA	5	0.21	0.12	0.17
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD13	1:55:A:ALA:HA	5	0.21	0.12	0.17
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD21	1:55:A:ALA:HA	5	0.21	0.12	0.17
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD22	1:55:A:ALA:HA	5	0.21	0.12	0.17
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD23	1:55:A:ALA:HA	5	0.21	0.12	0.17
(1,990)	1:35:A:TYR:HE1	1:77:A:LYS:H	5	0.2	0.04	0.19
(1,990)	1:35:A:TYR:HE2	1:77:A:LYS:H	5	0.2	0.04	0.19
(1,861)	1:12:A:TYR:HD1	1:17:A:ILE:H	5	0.18	0.03	0.19
(1,861)	1:12:A:TYR:HD2	1:17:A:ILE:H	5	0.18	0.03	0.19
(3,10)	1:19:A:LYS:H	1:16:A:GLU:O	5	0.18	0.05	0.2
(1,133)	1:9:A:VAL:H	1:9:A:VAL:HB	5	0.18	0.04	0.18
(3,39)	1:77:A:LYS:H	1:74:A:GLU:O	5	0.18	0.07	0.14
(3,16)	1:72:A:ALA:O	1:76:A:SER:H	5	0.17	0.04	0.18
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	5	0.15	0.03	0.16
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	5	0.15	0.03	0.16
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	5	0.15	0.03	0.16
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD21	1:15:A:GLU:H	5	0.15	0.03	0.16
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD22	1:15:A:GLU:H	5	0.15	0.03	0.16
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD23	1:15:A:GLU:H	5	0.15	0.03	0.16
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB2	1:89:A:ARG:HG2	5	0.15	0.03	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB2	1:89:A:ARG:HG3	5	0.15	0.03	0.14
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB3	1:89:A:ARG:HG2	5	0.15	0.03	0.14
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB3	1:89:A:ARG:HG3	5	0.15	0.03	0.14
(1,17)	1:12:A:TYR:HA	1:13:A:THR:HG21	5	0.15	0.03	0.14
(1,17)	1:12:A:TYR:HA	1:13:A:THR:HG22	5	0.15	0.03	0.14
(1,17)	1:12:A:TYR:HA	1:13:A:THR:HG23	5	0.15	0.03	0.14
(1,567)	1:12:A:TYR:H	1:85:A:HIS:H	4	0.94	0.2	1.0
(1,1065)	1:15:A:GLU:H	1:16:A:GLU:HB3	4	0.89	0.26	1.0
(1,1312)	1:52:A:ARG:HD2	1:53:A:GLU:HB3	4	0.87	0.43	1.05
(1,1312)	1:52:A:ARG:HD3	1:53:A:GLU:HB3	4	0.87	0.43	1.05
(1,1159)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HD12	4	0.82	0.57	0.75
(1,924)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:HG21	4	0.76	0.78	0.34
(1,924)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:HG22	4	0.76	0.78	0.34
(1,924)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:HG23	4	0.76	0.78	0.34
(1,1148)	1:30:A:LEU:HB3	1:31:A:HIS:HD2	4	0.63	0.14	0.69
(1,1516)	1:64:A:GLU:HG2	1:65:A:ASP:HA	4	0.6	0.14	0.6
(1,1516)	1:64:A:GLU:HG3	1:65:A:ASP:HA	4	0.6	0.14	0.6
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD11	1:17:A:ILE:HB	4	0.58	0.2	0.56
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD12	1:17:A:ILE:HB	4	0.58	0.2	0.56
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD13	1:17:A:ILE:HB	4	0.58	0.2	0.56
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD21	1:17:A:ILE:HB	4	0.58	0.2	0.56
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD22	1:17:A:ILE:HB	4	0.58	0.2	0.56
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD23	1:17:A:ILE:HB	4	0.58	0.2	0.56
(1,1549)	1:85:A:HIS:HA	1:89:A:ARG:HB2	4	0.58	0.38	0.43
(1,1549)	1:85:A:HIS:HA	1:89:A:ARG:HB3	4	0.58	0.38	0.43
(1,997)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HG21	4	0.57	0.54	0.32
(1,997)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HG22	4	0.57	0.54	0.32
(1,997)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HG23	4	0.57	0.54	0.32
(1,1183)	1:11:A:TYR:HD1	1:86:A:PRO:HD3	4	0.54	0.45	0.34
(1,1183)	1:11:A:TYR:HD2	1:86:A:PRO:HD3	4	0.54	0.45	0.34
(1,621)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HE2	4	0.5	0.07	0.48
(1,621)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HE3	4	0.5	0.07	0.48
(1,1084)	1:29:A:ILE:HB	1:57:A:GLY:H	4	0.5	0.13	0.48
(1,541)	1:16:A:GLU:H	1:17:A:ILE:HG13	4	0.47	0.14	0.44
(1,1156)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	4	0.45	0.28	0.4
(1,1156)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	4	0.45	0.28	0.4
(1,1156)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	4	0.45	0.28	0.4
(1,1377)	1:20:A:HIS:H	1:56:A:GLY:HA2	4	0.41	0.15	0.41
(1,1377)	1:20:A:HIS:H	1:56:A:GLY:HA3	4	0.41	0.15	0.41
(1,954)	1:53:A:GLU:HG2	1:54:A:GLN:HE22	4	0.4	0.2	0.37
(1,954)	1:53:A:GLU:HG3	1:54:A:GLN:HE22	4	0.4	0.2	0.37
(1,360)	1:52:A:ARG:HA	1:54:A:GLN:H	4	0.38	0.19	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,728)	1:21:A:ASN:HB2	1:27:A:TRP:H	4	0.36	0.08	0.36
(1,316)	1:70:A:THR:HB	1:71:A:ASP:H	4	0.34	0.06	0.36
(1,1559)	1:87:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HB2	4	0.33	0.16	0.31
(1,1559)	1:87:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HB3	4	0.33	0.16	0.31
(3,26)	1:53:A:GLU:H	1:49:A:GLU:O	4	0.3	0.12	0.34
(1,553)	1:13:A:THR:HG21	1:85:A:HIS:H	4	0.3	0.17	0.26
(1,553)	1:13:A:THR:HG22	1:85:A:HIS:H	4	0.3	0.17	0.26
(1,553)	1:13:A:THR:HG23	1:85:A:HIS:H	4	0.3	0.17	0.26
(3,35)	1:83:A:GLU:H	1:10:A:LYS:O	4	0.28	0.09	0.3
(1,207)	1:62:A:ASN:HB3	1:64:A:GLU:H	4	0.26	0.06	0.25
(1,1040)	1:16:A:GLU:HB3	1:19:A:LYS:H	4	0.25	0.13	0.24
(1,1198)	1:12:A:TYR:HE1	1:81:A:ILE:HA	4	0.24	0.14	0.18
(1,1198)	1:12:A:TYR:HE2	1:81:A:ILE:HA	4	0.24	0.14	0.18
(1,152)	1:70:A:THR:HA	1:74:A:GLU:H	4	0.24	0.06	0.22
(1,63)	1:28:A:LEU:HB3	1:55:A:ALA:HA	4	0.23	0.11	0.22
(1,421)	1:10:A:LYS:H	1:83:A:GLU:H	4	0.23	0.07	0.24
(1,1052)	1:28:A:LEU:H	1:56:A:GLY:H	4	0.22	0.08	0.2
(1,248)	1:85:A:HIS:HB3	1:86:A:PRO:HA	4	0.22	0.1	0.2
(1,1404)	1:28:A:LEU:HB2	1:55:A:ALA:HA	4	0.21	0.08	0.18
(1,1404)	1:28:A:LEU:HB3	1:55:A:ALA:HA	4	0.21	0.08	0.18
(1,857)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:H	4	0.2	0.05	0.2
(1,304)	1:59:A:ALA:HA	1:63:A:PHE:H	4	0.2	0.08	0.2
(1,799)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HB3	4	0.2	0.04	0.21
(1,1391)	1:24:A:LYS:HG2	1:25:A:SER:H	4	0.2	0.1	0.15
(1,1391)	1:24:A:LYS:HG3	1:25:A:SER:H	4	0.2	0.1	0.15
(1,804)	1:79:A:PHE:H	1:80:A:ILE:HB	4	0.19	0.05	0.18
(1,1045)	1:27:A:TRP:HB2	1:28:A:LEU:H	4	0.18	0.09	0.15
(1,1032)	1:9:A:VAL:HG11	1:83:A:GLU:H	4	0.18	0.04	0.18
(1,1032)	1:9:A:VAL:HG12	1:83:A:GLU:H	4	0.18	0.04	0.18
(1,1032)	1:9:A:VAL:HG13	1:83:A:GLU:H	4	0.18	0.04	0.18
(1,1149)	1:30:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HE1	4	0.15	0.04	0.13
(1,1149)	1:30:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HE2	4	0.15	0.04	0.13
(1,1514)	1:64:A:GLU:HB2	1:66:A:VAL:H	4	0.14	0.03	0.13
(1,1514)	1:64:A:GLU:HB3	1:66:A:VAL:H	4	0.14	0.03	0.13
(1,723)	1:24:A:LYS:HB3	1:25:A:SER:H	4	0.13	0.02	0.14
(1,580)	1:41:A:LEU:HB2	1:42:A:GLU:H	4	0.11	0.01	0.12
(1,942)	1:21:A:ASN:HA	1:21:A:ASN:HD22	4	0.11	0.0	0.11
(1,942)	1:21:A:ASN:HA	1:21:A:ASN:HD21	4	0.11	0.0	0.11
(1,1269)	1:16:A:GLU:HG2	1:27:A:TRP:HZ3	3	1.22	0.19	1.23
(1,1269)	1:16:A:GLU:HG3	1:27:A:TRP:HZ3	3	1.22	0.19	1.23
(1,143)	1:52:A:ARG:HD2	1:53:A:GLU:HA	3	1.11	0.02	1.1
(1,143)	1:52:A:ARG:HD3	1:53:A:GLU:HA	3	1.11	0.02	1.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,181)	1:12:A:TYR:HD1	1:16:A:GLU:HG2	3	0.99	0.33	0.98
(1,181)	1:12:A:TYR:HD1	1:16:A:GLU:HG3	3	0.99	0.33	0.98
(1,181)	1:12:A:TYR:HD2	1:16:A:GLU:HG2	3	0.99	0.33	0.98
(1,181)	1:12:A:TYR:HD2	1:16:A:GLU:HG3	3	0.99	0.33	0.98
(1,1321)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	3	0.74	0.16	0.8
(1,1145)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HG21	3	0.7	0.34	0.74
(1,1145)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HG22	3	0.7	0.34	0.74
(1,1145)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HG23	3	0.7	0.34	0.74
(1,494)	1:12:A:TYR:H	1:84:A:LEU:HA	3	0.68	0.38	0.88
(1,104)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HG21	3	0.62	0.56	0.3
(1,104)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HG22	3	0.62	0.56	0.3
(1,104)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HG23	3	0.62	0.56	0.3
(1,70)	1:54:A:GLN:HG3	1:59:A:ALA:HA	3	0.5	0.2	0.43
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:HE1	3	0.47	0.09	0.49
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:HE2	3	0.47	0.09	0.49
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:HE1	3	0.47	0.09	0.49
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:HE2	3	0.47	0.09	0.49
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:HE1	3	0.47	0.09	0.49
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:HE2	3	0.47	0.09	0.49
(1,557)	1:16:A:GLU:H	1:16:A:GLU:HB3	3	0.41	0.11	0.45
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:HD1	3	0.41	0.16	0.37
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:HD2	3	0.41	0.16	0.37
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:HD1	3	0.41	0.16	0.37
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:HD2	3	0.41	0.16	0.37
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:HD1	3	0.41	0.16	0.37
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:HD2	3	0.41	0.16	0.37
(1,1268)	1:16:A:GLU:HB3	1:27:A:TRP:HZ3	3	0.4	0.28	0.22
(1,908)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:H	3	0.38	0.19	0.49
(1,908)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:H	3	0.38	0.19	0.49
(1,908)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:H	3	0.38	0.19	0.49
(1,448)	1:30:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HE1	3	0.38	0.11	0.41
(1,448)	1:30:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HE2	3	0.38	0.11	0.41
(1,258)	1:40:A:PHE:H	1:41:A:LEU:HD21	3	0.36	0.2	0.34
(1,258)	1:40:A:PHE:H	1:41:A:LEU:HD22	3	0.36	0.2	0.34
(1,258)	1:40:A:PHE:H	1:41:A:LEU:HD23	3	0.36	0.2	0.34
(1,221)	1:11:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG21	3	0.32	0.16	0.22
(1,221)	1:11:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG22	3	0.32	0.16	0.22
(1,221)	1:11:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG23	3	0.32	0.16	0.22
(1,758)	1:44:A:HIS:H	1:48:A:GLU:HB3	3	0.32	0.08	0.37
(1,690)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HD12	3	0.28	0.03	0.29
(1,146)	1:52:A:ARG:HD2	1:53:A:GLU:H	3	0.27	0.16	0.2
(1,146)	1:52:A:ARG:HD3	1:53:A:GLU:H	3	0.27	0.16	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,491)	1:27:A:TRP:H	1:55:A:ALA:HB1	3	0.27	0.11	0.27
(1,491)	1:27:A:TRP:H	1:55:A:ALA:HB2	3	0.27	0.11	0.27
(1,491)	1:27:A:TRP:H	1:55:A:ALA:HB3	3	0.27	0.11	0.27
(1,785)	1:61:A:GLU:H	1:64:A:GLU:H	3	0.26	0.15	0.16
(1,467)	1:13:A:THR:H	1:16:A:GLU:HB3	3	0.25	0.06	0.23
(1,436)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:H	3	0.25	0.08	0.2
(1,436)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:H	3	0.25	0.08	0.2
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	3	0.24	0.1	0.29
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	3	0.24	0.1	0.29
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	3	0.24	0.1	0.29
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HA	3	0.24	0.1	0.29
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HA	3	0.24	0.1	0.29
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HA	3	0.24	0.1	0.29
(1,169)	1:34:A:VAL:HA	1:35:A:TYR:HD1	3	0.24	0.09	0.21
(1,169)	1:34:A:VAL:HA	1:35:A:TYR:HD2	3	0.24	0.09	0.21
(1,517)	1:73:A:ARG:HA	1:77:A:LYS:H	3	0.23	0.09	0.17
(1,1433)	1:29:A:ILE:HG12	1:32:A:HIS:HA	3	0.22	0.08	0.26
(1,1433)	1:29:A:ILE:HG13	1:32:A:HIS:HA	3	0.22	0.08	0.26
(1,1465)	1:37:A:LEU:HB2	1:41:A:LEU:H	3	0.22	0.05	0.25
(1,1465)	1:37:A:LEU:HB3	1:41:A:LEU:H	3	0.22	0.05	0.25
(1,477)	1:14:A:LEU:HA	1:18:A:LYS:H	3	0.21	0.05	0.2
(1,1218)	1:12:A:TYR:HE1	1:27:A:TRP:HH2	3	0.19	0.04	0.19
(1,1218)	1:12:A:TYR:HE2	1:27:A:TRP:HH2	3	0.19	0.04	0.19
(1,1051)	1:52:A:ARG:HB2	1:54:A:GLN:H	3	0.19	0.09	0.13
(1,1051)	1:52:A:ARG:HB3	1:54:A:GLN:H	3	0.19	0.09	0.13
(1,56)	1:47:A:GLY:H	1:48:A:GLU:HA	3	0.18	0.03	0.19
(1,1562)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HB2	3	0.18	0.05	0.2
(1,1562)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HB3	3	0.18	0.05	0.2
(1,1077)	1:51:A:LEU:H	1:52:A:ARG:HB2	3	0.17	0.0	0.17
(1,1077)	1:51:A:LEU:H	1:52:A:ARG:HB3	3	0.17	0.0	0.17
(1,358)	1:52:A:ARG:H	1:54:A:GLN:H	3	0.17	0.02	0.17
(1,826)	1:102:A:THR:HG21	1:103:A:VAL:H	3	0.17	0.02	0.16
(1,826)	1:102:A:THR:HG22	1:103:A:VAL:H	3	0.17	0.02	0.16
(1,826)	1:102:A:THR:HG23	1:103:A:VAL:H	3	0.17	0.02	0.16
(1,563)	1:69:A:SER:HA	1:71:A:ASP:H	3	0.16	0.03	0.18
(1,291)	1:102:A:THR:HB	1:103:A:VAL:H	3	0.16	0.03	0.17
(1,1203)	1:62:A:ASN:HA	1:62:A:ASN:HD22	3	0.16	0.08	0.11
(1,154)	1:70:A:THR:H	1:70:A:THR:HB	3	0.15	0.02	0.15
(1,478)	1:15:A:GLU:HA	1:18:A:LYS:H	3	0.15	0.04	0.13
(1,755)	1:43:A:GLU:HB3	1:44:A:HIS:H	3	0.14	0.03	0.15
(1,1206)	1:35:A:TYR:HD1	1:77:A:LYS:HA	3	0.14	0.03	0.15
(1,1206)	1:35:A:TYR:HD2	1:77:A:LYS:HA	3	0.14	0.03	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:H	3	0.14	0.03	0.14
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:H	3	0.14	0.03	0.14
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:H	3	0.14	0.03	0.14
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD21	1:54:A:GLN:H	3	0.14	0.03	0.14
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD22	1:54:A:GLN:H	3	0.14	0.03	0.14
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD23	1:54:A:GLN:H	3	0.14	0.03	0.14
(1,964)	1:54:A:GLN:HB2	1:54:A:GLN:HE21	3	0.13	0.01	0.13
(1,1393)	1:25:A:SER:H	1:25:A:SER:HB2	3	0.13	0.02	0.14
(1,1393)	1:25:A:SER:H	1:25:A:SER:HB3	3	0.13	0.02	0.14
(1,132)	1:8:A:ASP:HA	1:9:A:VAL:HB	3	0.13	0.01	0.13
(1,174)	1:69:A:SER:HB3	1:71:A:ASP:H	3	0.13	0.02	0.12
(1,552)	1:13:A:THR:HG21	1:16:A:GLU:H	3	0.12	0.01	0.12
(1,552)	1:13:A:THR:HG22	1:16:A:GLU:H	3	0.12	0.01	0.12
(1,552)	1:13:A:THR:HG23	1:16:A:GLU:H	3	0.12	0.01	0.12
(1,581)	1:42:A:GLU:H	1:42:A:GLU:HB3	3	0.12	0.01	0.12
(1,268)	1:11:A:TYR:HE1	1:83:A:GLU:HB3	2	0.94	0.24	0.94
(1,268)	1:11:A:TYR:HE2	1:83:A:GLU:HB3	2	0.94	0.24	0.94
(1,227)	1:11:A:TYR:HB3	1:86:A:PRO:HD3	2	0.82	0.15	0.82
(3,1)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:O	2	0.82	0.13	0.82
(1,275)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HB2	2	0.7	0.01	0.7
(1,275)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HB2	2	0.7	0.01	0.7
(1,275)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HB2	2	0.7	0.01	0.7
(1,1347)	1:11:A:TYR:HB3	1:86:A:PRO:HD2	2	0.66	0.18	0.66
(1,1347)	1:11:A:TYR:HB3	1:86:A:PRO:HD3	2	0.66	0.18	0.66
(1,1070)	1:53:A:GLU:HG2	1:54:A:GLN:HE21	2	0.56	0.3	0.56
(1,1466)	1:37:A:LEU:HB2	1:79:A:PHE:HD1	2	0.55	0.22	0.55
(1,1466)	1:37:A:LEU:HB2	1:79:A:PHE:HD2	2	0.55	0.22	0.55
(1,1466)	1:37:A:LEU:HB3	1:79:A:PHE:HD1	2	0.55	0.22	0.55
(1,1466)	1:37:A:LEU:HB3	1:79:A:PHE:HD2	2	0.55	0.22	0.55
(1,1034)	1:85:A:HIS:HB2	1:87:A:ASP:H	2	0.48	0.05	0.48
(1,1036)	1:17:A:ILE:H	1:18:A:LYS:HG2	2	0.46	0.36	0.46
(1,1036)	1:17:A:ILE:H	1:18:A:LYS:HG3	2	0.46	0.36	0.46
(1,721)	1:24:A:LYS:H	1:38:A:THR:HG21	2	0.45	0.26	0.45
(1,721)	1:24:A:LYS:H	1:38:A:THR:HG22	2	0.45	0.26	0.45
(1,721)	1:24:A:LYS:H	1:38:A:THR:HG23	2	0.45	0.26	0.45
(1,1144)	1:12:A:TYR:HE1	1:34:A:VAL:HG21	2	0.45	0.11	0.45
(1,1144)	1:12:A:TYR:HE1	1:34:A:VAL:HG22	2	0.45	0.11	0.45
(1,1144)	1:12:A:TYR:HE1	1:34:A:VAL:HG23	2	0.45	0.11	0.45
(1,1144)	1:12:A:TYR:HE2	1:34:A:VAL:HG21	2	0.45	0.11	0.45
(1,1144)	1:12:A:TYR:HE2	1:34:A:VAL:HG22	2	0.45	0.11	0.45
(1,1144)	1:12:A:TYR:HE2	1:34:A:VAL:HG23	2	0.45	0.11	0.45
(1,229)	1:11:A:TYR:HB3	1:86:A:PRO:HD2	2	0.44	0.23	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,126)	1:48:A:GLU:HG2	1:51:A:LEU:H	2	0.44	0.31	0.44
(1,126)	1:48:A:GLU:HG3	1:51:A:LEU:H	2	0.44	0.31	0.44
(1,294)	1:12:A:TYR:HA	1:16:A:GLU:HB2	2	0.43	0.14	0.43
(1,1557)	1:86:A:PRO:HD2	1:89:A:ARG:HB2	2	0.42	0.08	0.42
(1,1557)	1:86:A:PRO:HD2	1:89:A:ARG:HB3	2	0.42	0.08	0.42
(1,1557)	1:86:A:PRO:HD3	1:89:A:ARG:HB2	2	0.42	0.08	0.42
(1,1557)	1:86:A:PRO:HD3	1:89:A:ARG:HB3	2	0.42	0.08	0.42
(1,198)	1:12:A:TYR:HD1	1:16:A:GLU:HB2	2	0.4	0.12	0.4
(1,198)	1:12:A:TYR:HD2	1:16:A:GLU:HB2	2	0.4	0.12	0.4
(1,1335)	1:30:A:LEU:HB3	1:60:A:THR:HA	2	0.4	0.27	0.4
(1,961)	1:53:A:GLU:HB2	1:54:A:GLN:HE21	2	0.39	0.15	0.39
(1,533)	1:22:A:HIS:H	1:26:A:THR:HA	2	0.38	0.14	0.38
(1,568)	1:85:A:HIS:HB2	1:88:A:ASP:H	2	0.37	0.05	0.37
(1,69)	1:54:A:GLN:HB3	1:59:A:ALA:HA	2	0.32	0.1	0.32
(1,439)	1:12:A:TYR:HD1	1:13:A:THR:H	2	0.32	0.14	0.32
(1,439)	1:12:A:TYR:HD2	1:13:A:THR:H	2	0.32	0.14	0.32
(1,934)	1:14:A:LEU:H	1:85:A:HIS:H	2	0.32	0.16	0.32
(1,874)	1:20:A:HIS:HB3	1:22:A:HIS:H	2	0.3	0.02	0.3
(1,1496)	1:60:A:THR:HG21	1:64:A:GLU:HB2	2	0.29	0.15	0.29
(1,1496)	1:60:A:THR:HG21	1:64:A:GLU:HB3	2	0.29	0.15	0.29
(1,1496)	1:60:A:THR:HG22	1:64:A:GLU:HB2	2	0.29	0.15	0.29
(1,1496)	1:60:A:THR:HG22	1:64:A:GLU:HB3	2	0.29	0.15	0.29
(1,1496)	1:60:A:THR:HG23	1:64:A:GLU:HB2	2	0.29	0.15	0.29
(1,1496)	1:60:A:THR:HG23	1:64:A:GLU:HB3	2	0.29	0.15	0.29
(1,1132)	1:33:A:LYS:HA	1:83:A:GLU:H	2	0.28	0.08	0.28
(1,1116)	1:28:A:LEU:H	1:55:A:ALA:HA	2	0.27	0.0	0.27
(1,508)	1:61:A:GLU:H	1:61:A:GLU:HB3	2	0.26	0.14	0.26
(1,843)	1:27:A:TRP:HA	1:38:A:THR:H	2	0.26	0.15	0.26
(1,1081)	1:57:A:GLY:H	1:59:A:ALA:HB1	2	0.26	0.15	0.26
(1,1081)	1:57:A:GLY:H	1:59:A:ALA:HB2	2	0.26	0.15	0.26
(1,1081)	1:57:A:GLY:H	1:59:A:ALA:HB3	2	0.26	0.15	0.26
(1,1140)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HE3	2	0.26	0.12	0.26
(1,347)	1:48:A:GLU:H	1:50:A:VAL:H	2	0.24	0.05	0.24
(1,1568)	1:94:A:LYS:HD2	1:95:A:PRO:HD2	2	0.23	0.1	0.23
(1,1568)	1:94:A:LYS:HD2	1:95:A:PRO:HD3	2	0.23	0.1	0.23
(1,1568)	1:94:A:LYS:HD3	1:95:A:PRO:HD2	2	0.23	0.1	0.23
(1,1568)	1:94:A:LYS:HD3	1:95:A:PRO:HD3	2	0.23	0.1	0.23
(1,1152)	1:12:A:TYR:HE1	1:34:A:VAL:HG11	2	0.23	0.06	0.23
(1,1152)	1:12:A:TYR:HE1	1:34:A:VAL:HG12	2	0.23	0.06	0.23
(1,1152)	1:12:A:TYR:HE1	1:34:A:VAL:HG13	2	0.23	0.06	0.23
(1,1152)	1:12:A:TYR:HE2	1:34:A:VAL:HG11	2	0.23	0.06	0.23
(1,1152)	1:12:A:TYR:HE2	1:34:A:VAL:HG12	2	0.23	0.06	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1152)	1:12:A:TYR:HE2	1:34:A:VAL:HG13	2	0.23	0.06	0.23
(1,909)	1:51:A:LEU:HA	1:55:A:ALA:H	2	0.22	0.12	0.22
(1,986)	1:14:A:LEU:HD21	1:15:A:GLU:H	2	0.22	0.02	0.22
(1,986)	1:14:A:LEU:HD22	1:15:A:GLU:H	2	0.22	0.02	0.22
(1,986)	1:14:A:LEU:HD23	1:15:A:GLU:H	2	0.22	0.02	0.22
(1,1106)	1:13:A:THR:H	1:15:A:GLU:H	2	0.22	0.06	0.22
(1,1382)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:HA2	2	0.22	0.04	0.22
(1,1382)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:HA3	2	0.22	0.04	0.22
(1,1427)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:H	2	0.21	0.11	0.21
(1,1427)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:H	2	0.21	0.11	0.21
(1,1427)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:H	2	0.21	0.11	0.21
(1,1427)	1:28:A:LEU:HD21	1:59:A:ALA:H	2	0.21	0.11	0.21
(1,1427)	1:28:A:LEU:HD22	1:59:A:ALA:H	2	0.21	0.11	0.21
(1,1427)	1:28:A:LEU:HD23	1:59:A:ALA:H	2	0.21	0.11	0.21
(1,1265)	1:27:A:TRP:HZ3	1:34:A:VAL:HG11	2	0.21	0.09	0.21
(1,1265)	1:27:A:TRP:HZ3	1:34:A:VAL:HG12	2	0.21	0.09	0.21
(1,1265)	1:27:A:TRP:HZ3	1:34:A:VAL:HG13	2	0.21	0.09	0.21
(1,21)	1:13:A:THR:HA	1:85:A:HIS:H	2	0.2	0.09	0.2
(1,515)	1:61:A:GLU:HA	1:65:A:ASP:H	2	0.2	0.0	0.2
(1,1011)	1:59:A:ALA:H	1:60:A:THR:HB	2	0.2	0.02	0.2
(1,1126)	1:60:A:THR:H	1:61:A:GLU:HB3	2	0.2	0.04	0.2
(3,27)	1:62:A:ASN:H	1:59:A:ALA:O	2	0.2	0.04	0.2
(1,131)	1:9:A:VAL:HB	1:82:A:GLY:HA2	2	0.19	0.04	0.19
(1,269)	1:48:A:GLU:HB2	1:49:A:GLU:H	2	0.19	0.06	0.19
(1,296)	1:40:A:PHE:HA	1:44:A:HIS:H	2	0.18	0.03	0.18
(1,842)	1:38:A:THR:H	1:39:A:LYS:HG2	2	0.18	0.0	0.18
(1,842)	1:38:A:THR:H	1:39:A:LYS:HG3	2	0.18	0.0	0.18
(1,1090)	1:60:A:THR:HB	1:63:A:PHE:H	2	0.18	0.02	0.18
(1,1543)	1:83:A:GLU:HB3	1:84:A:LEU:HB2	2	0.17	0.03	0.17
(1,1543)	1:83:A:GLU:HB3	1:84:A:LEU:HB3	2	0.17	0.03	0.17
(1,939)	1:86:A:PRO:HD3	1:88:A:ASP:H	2	0.16	0.01	0.16
(1,386)	1:34:A:VAL:H	1:82:A:GLY:H	2	0.16	0.02	0.16
(1,731)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HG11	2	0.16	0.02	0.16
(1,731)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HG12	2	0.16	0.02	0.16
(1,731)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HG13	2	0.16	0.02	0.16
(1,941)	1:86:A:PRO:HA	1:88:A:ASP:H	2	0.16	0.02	0.16
(1,1080)	1:18:A:LYS:HA	1:56:A:GLY:H	2	0.16	0.02	0.16
(1,1252)	1:31:A:HIS:HA	1:31:A:HIS:HE1	2	0.16	0.05	0.16
(1,1123)	1:37:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:H	2	0.15	0.02	0.15
(1,473)	1:9:A:VAL:H	1:9:A:VAL:HG11	2	0.14	0.01	0.14
(1,473)	1:9:A:VAL:H	1:9:A:VAL:HG12	2	0.14	0.01	0.14
(1,473)	1:9:A:VAL:H	1:9:A:VAL:HG13	2	0.14	0.01	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

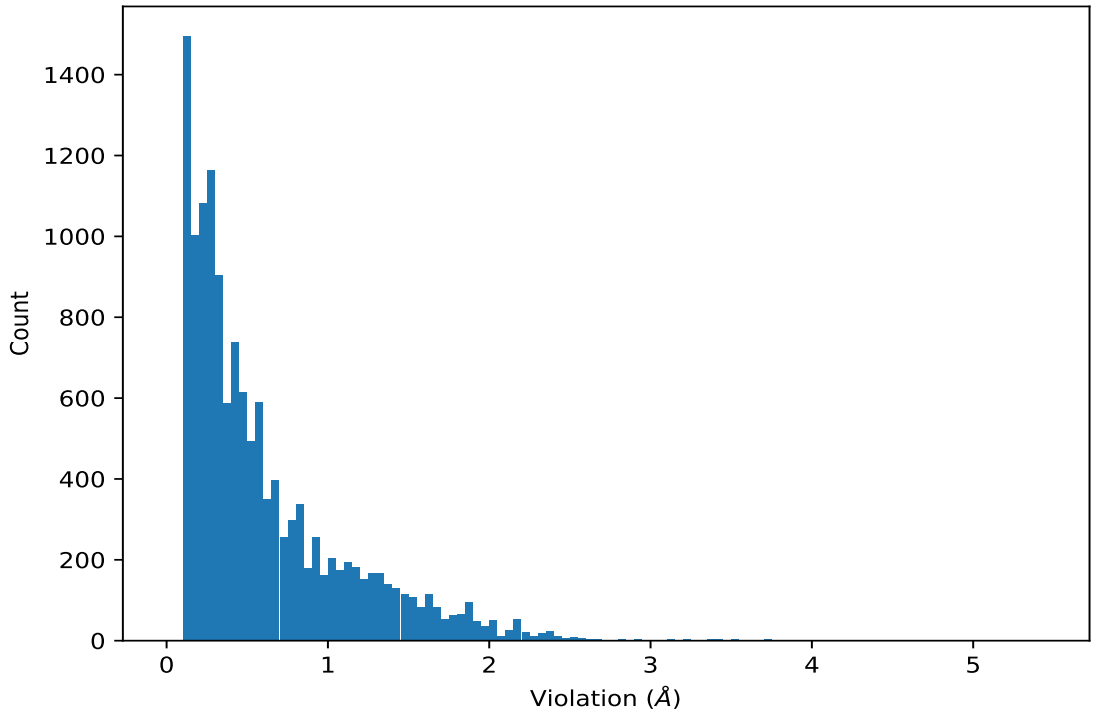
Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1249)	1:35:A:TYR:HE1	1:79:A:PHE:HB2	2	0.14	0.02	0.14
(1,1249)	1:35:A:TYR:HE1	1:79:A:PHE:HB3	2	0.14	0.02	0.14
(1,1249)	1:35:A:TYR:HE2	1:79:A:PHE:HB2	2	0.14	0.02	0.14
(1,1249)	1:35:A:TYR:HE2	1:79:A:PHE:HB3	2	0.14	0.02	0.14
(1,617)	1:16:A:GLU:H	1:16:A:GLU:HG2	2	0.14	0.01	0.14
(1,617)	1:16:A:GLU:H	1:16:A:GLU:HG3	2	0.14	0.01	0.14
(1,1247)	1:30:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD1	2	0.14	0.02	0.14
(1,1247)	1:30:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD2	2	0.14	0.02	0.14
(1,6)	1:7:A:LYS:HA	1:7:A:LYS:HE2	2	0.13	0.02	0.13
(1,6)	1:7:A:LYS:HA	1:7:A:LYS:HE3	2	0.13	0.02	0.13
(1,64)	1:52:A:ARG:HA	1:55:A:ALA:HA	2	0.13	0.02	0.13
(1,82)	1:74:A:GLU:HA	1:74:A:GLU:HG3	2	0.13	0.03	0.13
(1,528)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:H	2	0.13	0.01	0.13
(1,1523)	1:70:A:THR:HB	1:71:A:ASP:HB2	2	0.13	0.01	0.13
(1,1523)	1:70:A:THR:HB	1:71:A:ASP:HB3	2	0.13	0.01	0.13
(1,136)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:H	2	0.12	0.01	0.12
(1,531)	1:81:A:ILE:H	1:82:A:GLY:HA2	2	0.12	0.0	0.12
(1,915)	1:18:A:LYS:HA	1:57:A:GLY:H	2	0.12	0.01	0.12
(1,245)	1:11:A:TYR:HE1	1:85:A:HIS:HA	2	0.12	0.0	0.12
(1,245)	1:11:A:TYR:HE2	1:85:A:HIS:HA	2	0.12	0.0	0.12
(1,764)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:H	2	0.12	0.0	0.12
(1,349)	1:50:A:VAL:HA	1:52:A:ARG:H	2	0.11	0.01	0.11
(1,583)	1:41:A:LEU:HD11	1:42:A:GLU:H	2	0.11	0.01	0.11
(1,583)	1:41:A:LEU:HD12	1:42:A:GLU:H	2	0.11	0.01	0.11
(1,583)	1:41:A:LEU:HD13	1:42:A:GLU:H	2	0.11	0.01	0.11
(1,1150)	1:12:A:TYR:HD1	1:34:A:VAL:HG11	2	0.11	0.0	0.11
(1,1150)	1:12:A:TYR:HD1	1:34:A:VAL:HG12	2	0.11	0.0	0.11
(1,1150)	1:12:A:TYR:HD1	1:34:A:VAL:HG13	2	0.11	0.0	0.11
(1,1150)	1:12:A:TYR:HD2	1:34:A:VAL:HG11	2	0.11	0.0	0.11
(1,1150)	1:12:A:TYR:HD2	1:34:A:VAL:HG12	2	0.11	0.0	0.11
(1,1150)	1:12:A:TYR:HD2	1:34:A:VAL:HG13	2	0.11	0.0	0.11
(2,5)	2:400:A:HEM:FE	1:68:A:HIS:NE2	2	0.11	0.0	0.11

[1]Number of violated models, [2]Standard deviation

9.5 All violated distance restraints (i)

9.5.1 Histogram : Distribution of distance violations (i)

The following histogram shows the distribution of the absolute value of the violation for all violated restraints in the ensemble.



9.5.2 Table : All distance violations (i)

The following table lists the absolute value of the violation for each restraint in the ensemble sorted by its value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	9	5.42
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	20	4.61
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	18	4.53
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	21	4.39
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	9	4.14
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	9	4.11
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	15	4.05
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	20	3.88
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	13	3.87
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	13	3.81
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	3	3.73
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	9	3.7
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	9	3.7
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	5	3.52
(1,1221)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	23	3.51
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	18	3.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,432)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HD2	9	3.49
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	17	3.46
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	12	3.42
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	2	3.42
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	21	3.41
(1,1304)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	16	3.39
(1,1304)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	9	3.37
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	6	3.37
(1,16)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HA	2	3.34
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	1	3.32
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	16	3.22
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	20	3.21
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	15	3.2
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	16	3.1
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	16	3.1
(1,16)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HA	21	3.1
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	4	3.02
(1,16)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HA	22	3.02
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	18	2.93
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	22	2.91
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	22	2.91
(1,432)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HD2	16	2.9
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	21	2.84
(1,1304)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	12	2.83
(1,16)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HA	8	2.83
(1,1264)	1:27:A:TRP:HZ3	1:81:A:ILE:HD12	12	2.82
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	16	2.75
(1,711)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HD12	13	2.73
(1,856)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:H	2	2.72
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	15	2.69
(1,1069)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HB2	9	2.66
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	3	2.66
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	23	2.65
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	7	2.64
(1,1004)	1:11:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HD2	23	2.62
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	3	2.62
(1,711)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HD12	12	2.59
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	15	2.59
(1,16)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HA	12	2.59
(1,1304)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	22	2.58
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	12	2.57
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	12	2.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	12	2.57
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	7	2.55
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	5	2.55
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	16	2.54
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	21	2.52
(1,856)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:H	21	2.52
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	23	2.51
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	9	2.5
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	2	2.5
(1,432)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HD2	12	2.49
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	11	2.48
(1,856)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:H	22	2.48
(1,1264)	1:27:A:TRP:HZ3	1:81:A:ILE:HD12	21	2.47
(1,1379)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	16	2.46
(1,1379)	1:20:A:HIS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	16	2.46
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	1	2.43
(1,1379)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	9	2.42
(1,1379)	1:20:A:HIS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	9	2.42
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	4	2.42
(1,432)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HD2	2	2.42
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD1	2	2.41
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD2	2	2.41
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD1	21	2.41
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD2	21	2.41
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	22	2.41
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD1	22	2.4
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD2	22	2.4
(1,1306)	1:21:A:ASN:HB2	1:22:A:HIS:HD2	2	2.39
(1,994)	1:61:A:GLU:HB2	1:62:A:ASN:HD22	5	2.39
(1,994)	1:61:A:GLU:HB3	1:62:A:ASN:HD22	5	2.39
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	5	2.39
(1,1239)	1:12:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	23	2.37
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD22	13	2.37
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD21	13	2.37
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	11	2.36
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	11	2.36
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	11	2.36
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	11	2.36
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	11	2.36
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	11	2.36
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	3	2.36
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE1	1:16:A:GLU:HG2	2	2.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE1	1:16:A:GLU:HG3	2	2.36
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE2	1:16:A:GLU:HG2	2	2.36
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE2	1:16:A:GLU:HG3	2	2.36
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	2	2.36
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	18	2.35
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	18	2.35
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	23	2.34
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	23	2.34
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	23	2.34
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	23	2.34
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	23	2.34
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	23	2.34
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	21	2.34
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD11	1:85:A:HIS:H	11	2.33
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD12	1:85:A:HIS:H	11	2.33
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD13	1:85:A:HIS:H	11	2.33
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD21	1:85:A:HIS:H	11	2.33
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD22	1:85:A:HIS:H	11	2.33
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD23	1:85:A:HIS:H	11	2.33
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	12	2.33
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	16	2.33
(1,16)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HA	6	2.33
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	19	2.32
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	18	2.31
(1,1069)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HB2	22	2.29
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	13	2.29
(1,727)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	11	2.29
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	20	2.28
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	20	2.28
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	20	2.28
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	20	2.28
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	20	2.28
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	20	2.28
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	23	2.28
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	17	2.25
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD11	1:85:A:HIS:H	22	2.24
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD12	1:85:A:HIS:H	22	2.24
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD13	1:85:A:HIS:H	22	2.24
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD21	1:85:A:HIS:H	22	2.24
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD22	1:85:A:HIS:H	22	2.24
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD23	1:85:A:HIS:H	22	2.24
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD11	1:85:A:HIS:H	23	2.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD12	1:85:A:HIS:H	23	2.24
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD13	1:85:A:HIS:H	23	2.24
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD21	1:85:A:HIS:H	23	2.24
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD22	1:85:A:HIS:H	23	2.24
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD23	1:85:A:HIS:H	23	2.24
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	23	2.24
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	3	2.24
(1,432)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HD2	23	2.23
(1,16)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HA	9	2.22
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	20	2.2
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	7	2.2
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD2	13	2.2
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD3	13	2.2
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD11	1:85:A:HIS:H	20	2.18
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD12	1:85:A:HIS:H	20	2.18
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD13	1:85:A:HIS:H	20	2.18
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD21	1:85:A:HIS:H	20	2.18
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD22	1:85:A:HIS:H	20	2.18
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD23	1:85:A:HIS:H	20	2.18
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	4	2.18
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	4	2.18
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	4	2.18
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	4	2.18
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	4	2.18
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	4	2.18
(1,1176)	1:11:A:TYR:HE1	1:83:A:GLU:HB2	16	2.18
(1,1176)	1:11:A:TYR:HE2	1:83:A:GLU:HB2	16	2.18
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	14	2.18
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	14	2.18
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	14	2.18
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	10	2.18
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:HB2	16	2.17
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:HB2	16	2.17
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	9	2.17
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	9	2.17
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	9	2.17
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	16	2.16
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	16	2.16
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	16	2.16
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	16	2.16
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	16	2.16
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	16	2.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD11	1:85:A:HIS:H	4	2.15
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD12	1:85:A:HIS:H	4	2.15
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD13	1:85:A:HIS:H	4	2.15
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD21	1:85:A:HIS:H	4	2.15
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD22	1:85:A:HIS:H	4	2.15
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD23	1:85:A:HIS:H	4	2.15
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD11	1:85:A:HIS:H	6	2.15
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD12	1:85:A:HIS:H	6	2.15
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD13	1:85:A:HIS:H	6	2.15
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD21	1:85:A:HIS:H	6	2.15
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD22	1:85:A:HIS:H	6	2.15
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD23	1:85:A:HIS:H	6	2.15
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	6	2.15
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	6	2.15
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	6	2.15
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	6	2.15
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	6	2.15
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	6	2.15
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG2	1:40:A:PHE:HD1	4	2.15
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG3	1:40:A:PHE:HD1	4	2.15
(1,1102)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:H	2	2.15
(1,936)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	21	2.15
(1,936)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	21	2.15
(1,936)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	21	2.15
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	12	2.15
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	15	2.14
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	4	2.13
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	13	2.13
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	13	2.13
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD11	1:85:A:HIS:H	21	2.11
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD12	1:85:A:HIS:H	21	2.11
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD13	1:85:A:HIS:H	21	2.11
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD21	1:85:A:HIS:H	21	2.11
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD22	1:85:A:HIS:H	21	2.11
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD23	1:85:A:HIS:H	21	2.11
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	14	2.11
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD11	1:85:A:HIS:H	13	2.1
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD12	1:85:A:HIS:H	13	2.1
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD13	1:85:A:HIS:H	13	2.1
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD21	1:85:A:HIS:H	13	2.1
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD22	1:85:A:HIS:H	13	2.1
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD23	1:85:A:HIS:H	13	2.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,936)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	2	2.1
(1,936)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	2	2.1
(1,936)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	2	2.1
(1,924)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:HG21	3	2.1
(1,924)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:HG22	3	2.1
(1,924)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:HG23	3	2.1
(1,432)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HD2	22	2.1
(1,247)	1:83:A:GLU:HB3	1:85:A:HIS:HA	16	2.1
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	22	2.09
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	22	2.09
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	22	2.09
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	22	2.09
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	22	2.09
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	22	2.09
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD1	9	2.09
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD2	9	2.09
(1,1242)	1:16:A:GLU:HG2	1:27:A:TRP:HH2	2	2.08
(1,1242)	1:16:A:GLU:HG3	1:27:A:TRP:HH2	2	2.08
(1,279)	1:27:A:TRP:HE3	1:81:A:ILE:HD12	12	2.08
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	1	2.07
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD22	6	2.05
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD21	6	2.05
(1,994)	1:61:A:GLU:HB2	1:62:A:ASN:HD22	2	2.05
(1,994)	1:61:A:GLU:HB3	1:62:A:ASN:HD22	2	2.05
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	5	2.05
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	21	2.04
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	21	2.04
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	21	2.04
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	21	2.04
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	21	2.04
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	21	2.04
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD11	1:85:A:HIS:H	15	2.03
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD12	1:85:A:HIS:H	15	2.03
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD13	1:85:A:HIS:H	15	2.03
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD21	1:85:A:HIS:H	15	2.03
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD22	1:85:A:HIS:H	15	2.03
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD23	1:85:A:HIS:H	15	2.03
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	12	2.03
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	12	2.03
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	12	2.03
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	12	2.03
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	12	2.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	12	2.03
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	12	2.03
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	15	2.02
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	15	2.02
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	15	2.02
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	15	2.02
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	15	2.02
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	15	2.02
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG2	1:40:A:PHE:HD1	1	2.02
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG3	1:40:A:PHE:HD1	1	2.02
(1,936)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	11	2.02
(1,936)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	11	2.02
(1,936)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	11	2.02
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	8	2.02
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	19	2.02
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	7	2.01
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	7	2.01
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	7	2.01
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	7	2.01
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	7	2.01
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	7	2.01
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	23	2.01
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	12	2.01
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	6	2.01
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG2	1:40:A:PHE:HD1	18	2.0
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG3	1:40:A:PHE:HD1	18	2.0
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	10	2.0
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	5	2.0
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	5	1.99
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	5	1.99
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	5	1.99
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	5	1.99
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	5	1.99
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	5	1.99
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	9	1.99
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	9	1.99
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	9	1.99
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	8	1.99
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	3	1.99
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	3	1.99
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	3	1.99
(1,247)	1:83:A:GLU:HB3	1:85:A:HIS:HA	9	1.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	14	1.98
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	14	1.98
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	14	1.98
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	14	1.98
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	14	1.98
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	14	1.98
(1,1102)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:H	21	1.98
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD22	18	1.98
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD21	18	1.98
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	8	1.98
(1,936)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	22	1.98
(1,936)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	22	1.98
(1,936)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	22	1.98
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	17	1.98
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	18	1.97
(1,159)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HB3	23	1.97
(1,159)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HB3	23	1.97
(1,159)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HB3	23	1.97
(1,1306)	1:21:A:ASN:HB2	1:22:A:HIS:HD2	23	1.96
(1,727)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	21	1.96
(1,555)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:HB2	9	1.96
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	21	1.95
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	21	1.95
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	21	1.95
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	21	1.95
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	21	1.95
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	21	1.95
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD11	1:85:A:HIS:H	7	1.95
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD12	1:85:A:HIS:H	7	1.95
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD13	1:85:A:HIS:H	7	1.95
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD21	1:85:A:HIS:H	7	1.95
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD22	1:85:A:HIS:H	7	1.95
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD23	1:85:A:HIS:H	7	1.95
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	1	1.95
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	1	1.95
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	1	1.95
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	1	1.95
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	1	1.95
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	1	1.95
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG2	1:40:A:PHE:HD1	6	1.95
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG3	1:40:A:PHE:HD1	6	1.95
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	5	1.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD1	12	1.94
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD2	12	1.94
(1,740)	1:34:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HD13	3	1.94
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	16	1.93
(1,936)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	7	1.93
(1,936)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	7	1.93
(1,936)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	7	1.93
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	9	1.93
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	9	1.93
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD11	1:85:A:HIS:H	2	1.92
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD12	1:85:A:HIS:H	2	1.92
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD13	1:85:A:HIS:H	2	1.92
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD21	1:85:A:HIS:H	2	1.92
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD22	1:85:A:HIS:H	2	1.92
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD23	1:85:A:HIS:H	2	1.92
(1,1227)	1:37:A:LEU:HA	1:40:A:PHE:HD1	18	1.92
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG2	21	1.91
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG3	21	1.91
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG2	21	1.91
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG3	21	1.91
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	6	1.91
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	21	1.91
(1,936)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	16	1.91
(1,936)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	16	1.91
(1,936)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	16	1.91
(1,279)	1:27:A:TRP:HE3	1:81:A:ILE:HD12	21	1.91
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD11	1:85:A:HIS:H	1	1.9
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD12	1:85:A:HIS:H	1	1.9
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD13	1:85:A:HIS:H	1	1.9
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD21	1:85:A:HIS:H	1	1.9
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD22	1:85:A:HIS:H	1	1.9
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD23	1:85:A:HIS:H	1	1.9
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	1	1.9
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	5	1.9
(1,994)	1:61:A:GLU:HB2	1:62:A:ASN:HD22	14	1.9
(1,994)	1:61:A:GLU:HB3	1:62:A:ASN:HD22	14	1.9
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	10	1.9
(1,727)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	8	1.9
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	18	1.9
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	7	1.9
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	13	1.9
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	11	1.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	11	1.89
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	11	1.89
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	11	1.89
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	11	1.89
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	11	1.89
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	2	1.89
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	2	1.89
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	2	1.89
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	2	1.89
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	2	1.89
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	2	1.89
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD22	20	1.89
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD21	20	1.89
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	10	1.89
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	6	1.89
(1,433)	1:22:A:HIS:H	1:22:A:HIS:HD2	9	1.89
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	2	1.88
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	2	1.88
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	2	1.88
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	2	1.88
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	2	1.88
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	2	1.88
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	22	1.88
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	22	1.88
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	22	1.88
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	22	1.88
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	22	1.88
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	22	1.88
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	18	1.88
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	18	1.88
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	18	1.88
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	18	1.88
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	18	1.88
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	18	1.88
(1,1264)	1:27:A:TRP:HZ3	1:81:A:ILE:HD12	1	1.88
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	13	1.88
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	13	1.88
(1,1102)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:H	22	1.88
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	14	1.88
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	23	1.88
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	23	1.88
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	23	1.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,695)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:GLY:H	8	1.88
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	4	1.88
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD2	9	1.88
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD3	9	1.88
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	2	1.88
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	2	1.88
(1,1379)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	12	1.87
(1,1379)	1:20:A:HIS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	12	1.87
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG2	13	1.87
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG3	13	1.87
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG2	13	1.87
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG3	13	1.87
(1,1379)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	22	1.86
(1,1379)	1:20:A:HIS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	22	1.86
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD11	1:85:A:HIS:H	14	1.86
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD12	1:85:A:HIS:H	14	1.86
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD13	1:85:A:HIS:H	14	1.86
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD21	1:85:A:HIS:H	14	1.86
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD22	1:85:A:HIS:H	14	1.86
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD23	1:85:A:HIS:H	14	1.86
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	13	1.86
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	3	1.86
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	11	1.85
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	11	1.85
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	11	1.85
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	11	1.85
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	11	1.85
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	11	1.85
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	15	1.85
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	15	1.85
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	23	1.85
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	23	1.85
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	5	1.85
(1,1069)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HB2	7	1.85
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	20	1.85
(1,695)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:GLY:H	3	1.85
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD2	17	1.85
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD3	17	1.85
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	3	1.84
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	3	1.84
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	3	1.84
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	3	1.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	3	1.84
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	3	1.84
(1,1304)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	15	1.84
(1,994)	1:61:A:GLU:HB2	1:62:A:ASN:HD22	23	1.84
(1,994)	1:61:A:GLU:HB3	1:62:A:ASN:HD22	23	1.84
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	4	1.84
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	4	1.84
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	4	1.84
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:HA	11	1.83
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:HA	11	1.83
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:HA	11	1.83
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:HA	11	1.83
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:HA	11	1.83
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:HA	11	1.83
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	8	1.83
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	8	1.83
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	8	1.83
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	8	1.83
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	8	1.83
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	8	1.83
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG2	15	1.83
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG3	15	1.83
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG2	15	1.83
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG3	15	1.83
(1,1069)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HB2	10	1.83
(1,1102)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:H	12	1.82
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	22	1.82
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	22	1.82
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	22	1.82
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG2	21	1.82
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG3	21	1.82
(1,159)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HB3	20	1.82
(1,159)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HB3	20	1.82
(1,159)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HB3	20	1.82
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	4	1.81
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	4	1.81
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	4	1.81
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	4	1.81
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	4	1.81
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	4	1.81
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD11	1:85:A:HIS:H	8	1.81
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD12	1:85:A:HIS:H	8	1.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD13	1:85:A:HIS:H	8	1.81
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD21	1:85:A:HIS:H	8	1.81
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD22	1:85:A:HIS:H	8	1.81
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD23	1:85:A:HIS:H	8	1.81
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	11	1.81
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	11	1.81
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	11	1.81
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	11	1.81
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	21	1.81
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	21	1.81
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	21	1.81
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD2	13	1.8
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD3	13	1.8
(1,1069)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HB2	21	1.8
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	6	1.8
(1,727)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	6	1.8
(1,159)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HB3	21	1.8
(1,159)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HB3	21	1.8
(1,159)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HB3	21	1.8
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	16	1.79
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	20	1.79
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	23	1.79
(1,856)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:H	9	1.79
(1,695)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:GLY:H	16	1.79
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG2	4	1.79
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG3	4	1.79
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG2	16	1.79
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG3	16	1.79
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG2	19	1.79
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG3	19	1.79
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD11	1:85:A:HIS:H	5	1.78
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD12	1:85:A:HIS:H	5	1.78
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD13	1:85:A:HIS:H	5	1.78
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD21	1:85:A:HIS:H	5	1.78
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD22	1:85:A:HIS:H	5	1.78
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD23	1:85:A:HIS:H	5	1.78
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG2	1:52:A:ARG:HD2	23	1.78
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG2	1:52:A:ARG:HD3	23	1.78
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG3	1:52:A:ARG:HD2	23	1.78
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG3	1:52:A:ARG:HD3	23	1.78
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	2	1.78
(1,936)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	4	1.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,936)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	4	1.78
(1,936)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	4	1.78
(1,936)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	20	1.78
(1,936)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	20	1.78
(1,936)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	20	1.78
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD2	8	1.77
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD3	8	1.77
(1,1188)	1:30:A:LEU:HB2	1:31:A:HIS:HD2	12	1.77
(1,673)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:H	23	1.77
(1,673)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:H	23	1.77
(1,673)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:H	23	1.77
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG2	23	1.77
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG3	23	1.77
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	3	1.76
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	3	1.76
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	3	1.76
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	3	1.76
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	3	1.76
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	3	1.76
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG2	14	1.76
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG3	14	1.76
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG2	14	1.76
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG3	14	1.76
(1,994)	1:61:A:GLU:HB2	1:62:A:ASN:HD22	12	1.76
(1,994)	1:61:A:GLU:HB3	1:62:A:ASN:HD22	12	1.76
(1,936)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	6	1.76
(1,936)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	6	1.76
(1,936)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	6	1.76
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	13	1.76
(1,375)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:H	5	1.76
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	23	1.75
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	23	1.75
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	23	1.75
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	23	1.75
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	23	1.75
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	23	1.75
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD1	1:81:A:ILE:HD12	21	1.75
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD2	1:81:A:ILE:HD12	21	1.75
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG2	18	1.75
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG3	18	1.75
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	4	1.74
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	15	1.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	1	1.74
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	1	1.74
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	1	1.74
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:H	23	1.73
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:H	23	1.73
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:H	23	1.73
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	1	1.73
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	7	1.73
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE2	2	1.73
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE3	2	1.73
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG2	6	1.73
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG3	6	1.73
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	6	1.72
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	6	1.72
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	6	1.72
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	6	1.72
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	6	1.72
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	6	1.72
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD11	1:85:A:HIS:H	16	1.72
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD12	1:85:A:HIS:H	16	1.72
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD13	1:85:A:HIS:H	16	1.72
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD21	1:85:A:HIS:H	16	1.72
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD22	1:85:A:HIS:H	16	1.72
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD23	1:85:A:HIS:H	16	1.72
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	19	1.72
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD1	1:81:A:ILE:HD12	19	1.72
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD2	1:81:A:ILE:HD12	19	1.72
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	13	1.72
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	2	1.72
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	2	1.72
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	2	1.72
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	23	1.72
(1,695)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:GLY:H	20	1.72
(1,433)	1:22:A:HIS:H	1:22:A:HIS:HD2	16	1.72
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG2	11	1.72
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG3	11	1.72
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG2	17	1.72
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG3	17	1.72
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:HA	20	1.71
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:HA	20	1.71
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:HA	20	1.71
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:HA	20	1.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:HA	20	1.71
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:HA	20	1.71
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	3	1.71
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	3	1.71
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	3	1.71
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	14	1.71
(1,1102)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:H	6	1.71
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	7	1.71
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	2	1.7
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	2	1.7
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:HA	23	1.7
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:HA	23	1.7
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:HA	23	1.7
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:HA	23	1.7
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:HA	23	1.7
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:HA	23	1.7
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD22	3	1.7
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD21	3	1.7
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	5	1.7
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	22	1.69
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	22	1.69
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	12	1.69
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	12	1.69
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	12	1.69
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	12	1.69
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	12	1.69
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	12	1.69
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG2	1:40:A:PHE:HD1	12	1.69
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG3	1:40:A:PHE:HD1	12	1.69
(1,1224)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HZ3	23	1.69
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD1	1:81:A:ILE:HD12	1	1.69
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD2	1:81:A:ILE:HD12	1	1.69
(1,1069)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HB2	4	1.69
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	9	1.69
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG2	13	1.69
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG3	13	1.69
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG2	22	1.69
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG3	22	1.69
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD2	1	1.69
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD3	1	1.69
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	16	1.68
(1,1189)	1:13:A:THR:HG21	1:85:A:HIS:HD2	22	1.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1189)	1:13:A:THR:HG22	1:85:A:HIS:HD2	22	1.68
(1,1189)	1:13:A:THR:HG23	1:85:A:HIS:HD2	22	1.68
(1,994)	1:61:A:GLU:HB2	1:62:A:ASN:HD22	13	1.68
(1,994)	1:61:A:GLU:HB3	1:62:A:ASN:HD22	13	1.68
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	12	1.68
(1,539)	1:17:A:ILE:HD11	1:56:A:GLY:H	9	1.68
(1,539)	1:17:A:ILE:HD12	1:56:A:GLY:H	9	1.68
(1,539)	1:17:A:ILE:HD13	1:56:A:GLY:H	9	1.68
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	18	1.67
(1,1180)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:HB3	16	1.67
(1,1180)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:HB3	16	1.67
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	17	1.67
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	21	1.67
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	6	1.67
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	6	1.67
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	6	1.67
(1,936)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	8	1.67
(1,936)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	8	1.67
(1,936)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	8	1.67
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	5	1.67
(1,856)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:H	8	1.67
(1,695)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:GLY:H	19	1.67
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	10	1.67
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	10	1.67
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	10	1.67
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	7	1.66
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	7	1.66
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	7	1.66
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	7	1.66
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	7	1.66
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	7	1.66
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD11	1:85:A:HIS:H	12	1.66
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD12	1:85:A:HIS:H	12	1.66
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD13	1:85:A:HIS:H	12	1.66
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD21	1:85:A:HIS:H	12	1.66
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD22	1:85:A:HIS:H	12	1.66
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD23	1:85:A:HIS:H	12	1.66
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	19	1.66
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	19	1.66
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	19	1.66
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	19	1.66
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	19	1.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	19	1.66
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	12	1.66
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	3	1.66
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	6	1.66
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	14	1.66
(1,375)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:H	3	1.66
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	11	1.66
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	1	1.65
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	1	1.65
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	1	1.65
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	1	1.65
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	1	1.65
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	1	1.65
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	16	1.65
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	16	1.65
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	16	1.65
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	16	1.65
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	16	1.65
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	16	1.65
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	9	1.65
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	16	1.65
(1,16)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HA	3	1.65
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	8	1.64
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	8	1.64
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	20	1.64
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	20	1.64
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	20	1.64
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	20	1.64
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	20	1.64
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	20	1.64
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	23	1.64
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	23	1.64
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	23	1.64
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	23	1.64
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	23	1.64
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	23	1.64
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:HA	15	1.64
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:HA	15	1.64
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:HA	15	1.64
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:HA	15	1.64
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:HA	15	1.64
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:HA	15	1.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	8	1.64
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	15	1.64
(1,695)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:GLY:H	15	1.64
(1,608)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	3	1.64
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD11	1:85:A:HIS:H	3	1.63
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD12	1:85:A:HIS:H	3	1.63
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD13	1:85:A:HIS:H	3	1.63
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD21	1:85:A:HIS:H	3	1.63
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD22	1:85:A:HIS:H	3	1.63
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD23	1:85:A:HIS:H	3	1.63
(1,1102)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:H	8	1.63
(1,1069)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HB2	15	1.63
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	22	1.63
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	11	1.63
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	5	1.63
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	5	1.63
(1,16)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HA	13	1.63
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD11	1:85:A:HIS:H	18	1.62
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD12	1:85:A:HIS:H	18	1.62
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD13	1:85:A:HIS:H	18	1.62
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD21	1:85:A:HIS:H	18	1.62
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD22	1:85:A:HIS:H	18	1.62
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD23	1:85:A:HIS:H	18	1.62
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:HA	6	1.62
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:HA	6	1.62
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:HA	6	1.62
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:HA	6	1.62
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:HA	6	1.62
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:HA	6	1.62
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	20	1.62
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	20	1.62
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	20	1.62
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	20	1.62
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	20	1.62
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	20	1.62
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	16	1.62
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	16	1.62
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	16	1.62
(1,1221)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	12	1.62
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	4	1.62
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	4	1.62
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	12	1.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	12	1.62
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	16	1.62
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	16	1.62
(1,608)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	5	1.62
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	1	1.62
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	2	1.62
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	3	1.62
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	3	1.62
(1,1242)	1:16:A:GLU:HG2	1:27:A:TRP:HH2	4	1.61
(1,1242)	1:16:A:GLU:HG3	1:27:A:TRP:HH2	4	1.61
(1,1239)	1:12:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	8	1.61
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	22	1.61
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	22	1.61
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	2	1.61
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	4	1.61
(1,16)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HA	5	1.61
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	4	1.6
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	4	1.6
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	4	1.6
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	4	1.6
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	4	1.6
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	4	1.6
(1,1180)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:HB3	9	1.6
(1,1180)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:HB3	9	1.6
(1,1159)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HD12	13	1.6
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	11	1.6
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:H	16	1.6
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:H	16	1.6
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:H	16	1.6
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	3	1.6
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	16	1.6
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	22	1.6
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	23	1.6
(1,695)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:GLY:H	5	1.6
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	22	1.6
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	22	1.6
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	22	1.6
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	6	1.59
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	6	1.59
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	6	1.59
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	6	1.59
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	6	1.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	6	1.59
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:HB2	9	1.59
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:HB2	9	1.59
(1,1171)	1:11:A:TYR:HB3	1:85:A:HIS:HD2	23	1.59
(1,1069)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HB2	18	1.59
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	17	1.59
(1,856)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:H	12	1.59
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	18	1.59
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD11	1:85:A:HIS:H	17	1.58
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD12	1:85:A:HIS:H	17	1.58
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD13	1:85:A:HIS:H	17	1.58
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD21	1:85:A:HIS:H	17	1.58
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD22	1:85:A:HIS:H	17	1.58
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD23	1:85:A:HIS:H	17	1.58
(1,1224)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HZ3	3	1.58
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD1	1:86:A:PRO:HD2	13	1.58
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD2	1:86:A:PRO:HD2	13	1.58
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	13	1.58
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	13	1.58
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	14	1.58
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	18	1.58
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	18	1.58
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	18	1.58
(1,853)	1:12:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HA	8	1.58
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE1	12	1.57
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE2	12	1.57
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE1	12	1.57
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE2	12	1.57
(1,936)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	3	1.57
(1,936)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	3	1.57
(1,936)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	3	1.57
(1,740)	1:34:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HD13	20	1.57
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	20	1.57
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	13	1.56
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	13	1.56
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	13	1.56
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	13	1.56
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	13	1.56
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	13	1.56
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	17	1.56
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	17	1.56
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	17	1.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	17	1.56
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	17	1.56
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	17	1.56
(1,1102)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:H	13	1.56
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	17	1.56
(1,936)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	15	1.56
(1,936)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	15	1.56
(1,936)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	15	1.56
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	19	1.56
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG2	1	1.56
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG3	1	1.56
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD11	1:85:A:HIS:H	19	1.55
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD12	1:85:A:HIS:H	19	1.55
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD13	1:85:A:HIS:H	19	1.55
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD21	1:85:A:HIS:H	19	1.55
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD22	1:85:A:HIS:H	19	1.55
(1,1370)	1:14:A:LEU:HD23	1:85:A:HIS:H	19	1.55
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:HA	4	1.55
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:HA	4	1.55
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:HA	4	1.55
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:HA	4	1.55
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:HA	4	1.55
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:HA	4	1.55
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	10	1.55
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	10	1.55
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	15	1.55
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:HA2	8	1.55
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:HA2	8	1.55
(1,1189)	1:13:A:THR:HG21	1:85:A:HIS:HD2	15	1.55
(1,1189)	1:13:A:THR:HG22	1:85:A:HIS:HD2	15	1.55
(1,1189)	1:13:A:THR:HG23	1:85:A:HIS:HD2	15	1.55
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	3	1.55
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	18	1.55
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	16	1.55
(1,16)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HA	20	1.55
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD2	14	1.54
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD3	14	1.54
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD2	22	1.54
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD3	22	1.54
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD11	1:58:A:ASP:H	23	1.54
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD12	1:58:A:ASP:H	23	1.54
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD13	1:58:A:ASP:H	23	1.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD21	1:58:A:ASP:H	23	1.54
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD22	1:58:A:ASP:H	23	1.54
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD23	1:58:A:ASP:H	23	1.54
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	18	1.54
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	18	1.54
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	18	1.54
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	18	1.54
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	18	1.54
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	18	1.54
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE1	21	1.54
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE2	21	1.54
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	5	1.54
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	5	1.54
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	17	1.54
(1,936)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	19	1.54
(1,936)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	19	1.54
(1,936)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	19	1.54
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	12	1.54
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	17	1.54
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG2	5	1.54
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG3	5	1.54
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	6	1.53
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	6	1.53
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	6	1.53
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	22	1.53
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	12	1.53
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG2	1:40:A:PHE:HD1	9	1.53
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG3	1:40:A:PHE:HD1	9	1.53
(1,1202)	1:30:A:LEU:HA	1:31:A:HIS:HD2	4	1.53
(1,1189)	1:13:A:THR:HG21	1:85:A:HIS:HD2	14	1.53
(1,1189)	1:13:A:THR:HG22	1:85:A:HIS:HD2	14	1.53
(1,1189)	1:13:A:THR:HG23	1:85:A:HIS:HD2	14	1.53
(1,1184)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	9	1.53
(1,1167)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HA	1	1.53
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD22	15	1.53
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD21	15	1.53
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	23	1.53
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	23	1.53
(1,994)	1:61:A:GLU:HB2	1:62:A:ASN:HD22	16	1.53
(1,994)	1:61:A:GLU:HB3	1:62:A:ASN:HD22	16	1.53
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	15	1.52
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	15	1.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	15	1.52
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	15	1.52
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	15	1.52
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	15	1.52
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	1	1.52
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE1	1:16:A:GLU:HG2	4	1.52
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE1	1:16:A:GLU:HG3	4	1.52
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE2	1:16:A:GLU:HG2	4	1.52
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE2	1:16:A:GLU:HG3	4	1.52
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG21	12	1.52
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG22	12	1.52
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG23	12	1.52
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:H	18	1.52
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:H	18	1.52
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:H	18	1.52
(1,936)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	1	1.52
(1,936)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	1	1.52
(1,936)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	1	1.52
(1,936)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	13	1.52
(1,936)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	13	1.52
(1,936)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	13	1.52
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	8	1.52
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	20	1.52
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	5	1.52
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	7	1.52
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	7	1.52
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	7	1.52
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE1	8	1.51
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE2	8	1.51
(1,1189)	1:13:A:THR:HG21	1:85:A:HIS:HD2	13	1.51
(1,1189)	1:13:A:THR:HG22	1:85:A:HIS:HD2	13	1.51
(1,1189)	1:13:A:THR:HG23	1:85:A:HIS:HD2	13	1.51
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	5	1.51
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	5	1.51
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	5	1.51
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	14	1.51
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	7	1.51
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	6	1.51
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	11	1.51
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	11	1.51
(1,16)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HA	19	1.51
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	7	1.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	7	1.5
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:HA	22	1.5
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:HA	22	1.5
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:HA	22	1.5
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:HA	22	1.5
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:HA	22	1.5
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:HA	22	1.5
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE1	22	1.5
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE2	22	1.5
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	6	1.5
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	6	1.5
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	9	1.5
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	9	1.5
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD22	21	1.5
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD21	21	1.5
(1,695)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:GLY:H	4	1.5
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	12	1.49
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	12	1.49
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	12	1.49
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	12	1.49
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	12	1.49
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	12	1.49
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	19	1.49
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	19	1.49
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	19	1.49
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	19	1.49
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	19	1.49
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	19	1.49
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	23	1.49
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	23	1.49
(1,997)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HG21	3	1.49
(1,997)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HG22	3	1.49
(1,997)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HG23	3	1.49
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	16	1.49
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	20	1.49
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	20	1.49
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	20	1.49
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	10	1.49
(1,695)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:GLY:H	23	1.49
(1,159)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HB3	8	1.49
(1,159)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HB3	8	1.49
(1,159)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HB3	8	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD2	15	1.48
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD3	15	1.48
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	8	1.48
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	8	1.48
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	8	1.48
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	8	1.48
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	8	1.48
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	8	1.48
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD11	11	1.48
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD12	11	1.48
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD13	11	1.48
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD21	11	1.48
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD22	11	1.48
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD23	11	1.48
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD11	16	1.48
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD12	16	1.48
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD13	16	1.48
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD21	16	1.48
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD22	16	1.48
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD23	16	1.48
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD11	23	1.48
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD12	23	1.48
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD13	23	1.48
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD21	23	1.48
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD22	23	1.48
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD23	23	1.48
(1,1240)	1:13:A:THR:HA	1:85:A:HIS:HD2	13	1.48
(1,1227)	1:37:A:LEU:HA	1:40:A:PHE:HD1	12	1.48
(1,1189)	1:13:A:THR:HG21	1:85:A:HIS:HD2	8	1.48
(1,1189)	1:13:A:THR:HG22	1:85:A:HIS:HD2	8	1.48
(1,1189)	1:13:A:THR:HG23	1:85:A:HIS:HD2	8	1.48
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:H	13	1.48
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:H	13	1.48
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:H	13	1.48
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	5	1.48
(1,673)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:H	20	1.48
(1,673)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:H	20	1.48
(1,673)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:H	20	1.48
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG2	7	1.48
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG3	7	1.48
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	13	1.47
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	13	1.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	13	1.47
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	13	1.47
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	13	1.47
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	13	1.47
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD11	21	1.47
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD12	21	1.47
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD13	21	1.47
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD21	21	1.47
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD22	21	1.47
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD23	21	1.47
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD11	22	1.47
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD12	22	1.47
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD13	22	1.47
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD21	22	1.47
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD22	22	1.47
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD23	22	1.47
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	10	1.47
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	10	1.47
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	10	1.47
(1,1256)	1:12:A:TYR:HB3	1:27:A:TRP:HH2	23	1.47
(1,1227)	1:37:A:LEU:HA	1:40:A:PHE:HD1	13	1.47
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	9	1.47
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD22	9	1.47
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD21	9	1.47
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	20	1.47
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	8	1.47
(1,432)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HD2	10	1.47
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	9	1.46
(1,1250)	1:78:A:THR:HG21	1:79:A:PHE:HZ	3	1.46
(1,1250)	1:78:A:THR:HG22	1:79:A:PHE:HZ	3	1.46
(1,1250)	1:78:A:THR:HG23	1:79:A:PHE:HZ	3	1.46
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG2	1:40:A:PHE:HD1	3	1.46
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG3	1:40:A:PHE:HD1	3	1.46
(1,1227)	1:37:A:LEU:HA	1:40:A:PHE:HD1	4	1.46
(1,1227)	1:37:A:LEU:HA	1:40:A:PHE:HD1	9	1.46
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD1	8	1.46
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD2	8	1.46
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	14	1.46
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	14	1.46
(1,1069)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HB2	1	1.46
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:H	8	1.46
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:H	8	1.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:H	8	1.46
(1,936)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	12	1.46
(1,936)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	12	1.46
(1,936)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	12	1.46
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	17	1.46
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	17	1.46
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	5	1.45
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	5	1.45
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	5	1.45
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	5	1.45
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	5	1.45
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	5	1.45
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	20	1.45
(1,1242)	1:16:A:GLU:HG2	1:27:A:TRP:HH2	1	1.45
(1,1242)	1:16:A:GLU:HG3	1:27:A:TRP:HH2	1	1.45
(1,1188)	1:30:A:LEU:HB2	1:31:A:HIS:HD2	8	1.45
(1,1102)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:H	3	1.45
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	18	1.45
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	18	1.45
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	12	1.45
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	12	1.45
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	12	1.45
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	16	1.45
(1,722)	1:24:A:LYS:HD2	1:25:A:SER:H	16	1.45
(1,722)	1:24:A:LYS:HD3	1:25:A:SER:H	16	1.45
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	3	1.45
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	14	1.45
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG2	20	1.45
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG3	20	1.45
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	11	1.44
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	11	1.44
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	5	1.44
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	5	1.44
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	5	1.44
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	5	1.44
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	5	1.44
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	5	1.44
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD11	4	1.44
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD12	4	1.44
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD13	4	1.44
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD21	4	1.44
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD22	4	1.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD23	4	1.44
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD11	6	1.44
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD12	6	1.44
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD13	6	1.44
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD21	6	1.44
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD22	6	1.44
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD23	6	1.44
(1,1269)	1:16:A:GLU:HG2	1:27:A:TRP:HZ3	2	1.44
(1,1269)	1:16:A:GLU:HG3	1:27:A:TRP:HZ3	2	1.44
(1,1240)	1:13:A:THR:HA	1:85:A:HIS:HD2	8	1.44
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG2	1:40:A:PHE:HD1	10	1.44
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG3	1:40:A:PHE:HD1	10	1.44
(1,1221)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	14	1.44
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	6	1.44
(1,936)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	18	1.44
(1,936)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	18	1.44
(1,936)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	18	1.44
(1,853)	1:12:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HA	9	1.44
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	10	1.44
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	11	1.44
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	9	1.44
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	13	1.44
(1,287)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HB	8	1.44
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	19	1.44
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD11	20	1.43
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD12	20	1.43
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD13	20	1.43
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD21	20	1.43
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD22	20	1.43
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD23	20	1.43
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	8	1.43
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	2	1.43
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	7	1.43
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	15	1.43
(1,936)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	23	1.43
(1,936)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	23	1.43
(1,936)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	23	1.43
(1,870)	1:21:A:ASN:H	1:26:A:THR:HA	8	1.43
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	19	1.43
(1,673)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:H	21	1.43
(1,673)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:H	21	1.43
(1,673)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:H	21	1.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	23	1.43
(1,1318)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HD13	3	1.42
(1,1256)	1:12:A:TYR:HB3	1:27:A:TRP:HH2	1	1.42
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	13	1.42
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	2	1.42
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG2	1:40:A:PHE:HD1	13	1.42
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG3	1:40:A:PHE:HD1	13	1.42
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	3	1.42
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	3	1.42
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	14	1.42
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	14	1.42
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	14	1.42
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	7	1.42
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	7	1.42
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	7	1.42
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	15	1.42
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	15	1.42
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	15	1.42
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	20	1.42
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE2	13	1.42
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE3	13	1.42
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	1	1.42
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	17	1.41
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	17	1.41
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	17	1.41
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	17	1.41
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	17	1.41
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	17	1.41
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD11	15	1.41
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD12	15	1.41
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD13	15	1.41
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD21	15	1.41
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD22	15	1.41
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD23	15	1.41
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	9	1.41
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	9	1.41
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	16	1.41
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	16	1.41
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	16	1.41
(1,936)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	17	1.41
(1,936)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	17	1.41
(1,936)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	17	1.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,711)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HD12	16	1.41
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	21	1.41
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	17	1.41
(1,287)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HB	10	1.41
(1,181)	1:12:A:TYR:HD1	1:16:A:GLU:HG2	2	1.41
(1,181)	1:12:A:TYR:HD1	1:16:A:GLU:HG3	2	1.41
(1,181)	1:12:A:TYR:HD2	1:16:A:GLU:HG2	2	1.41
(1,181)	1:12:A:TYR:HD2	1:16:A:GLU:HG3	2	1.41
(1,104)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HG21	3	1.41
(1,104)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HG22	3	1.41
(1,104)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HG23	3	1.41
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	17	1.4
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	17	1.4
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:HA	21	1.4
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:HA	21	1.4
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:HA	21	1.4
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:HA	21	1.4
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:HA	21	1.4
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:HA	21	1.4
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD11	12	1.4
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD12	12	1.4
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD13	12	1.4
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD21	12	1.4
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD22	12	1.4
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD23	12	1.4
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	4	1.4
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	4	1.4
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	4	1.4
(1,1227)	1:37:A:LEU:HA	1:40:A:PHE:HD1	6	1.4
(1,1188)	1:30:A:LEU:HB2	1:31:A:HIS:HD2	5	1.4
(1,994)	1:61:A:GLU:HB2	1:62:A:ASN:HD22	20	1.4
(1,994)	1:61:A:GLU:HB3	1:62:A:ASN:HD22	20	1.4
(1,375)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:H	12	1.4
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG2	9	1.4
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG3	9	1.4
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	14	1.39
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	14	1.39
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	14	1.39
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	14	1.39
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	14	1.39
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	14	1.39
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	15	1.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	15	1.39
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	15	1.39
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	15	1.39
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	15	1.39
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	15	1.39
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	23	1.39
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	23	1.39
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	2	1.39
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	15	1.39
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	18	1.39
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	11	1.39
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	1	1.39
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	21	1.39
(1,432)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HD2	13	1.39
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG2	14	1.39
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG3	14	1.39
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:HA	14	1.38
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:HA	14	1.38
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:HA	14	1.38
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:HA	14	1.38
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:HA	14	1.38
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:HA	14	1.38
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	20	1.38
(1,1221)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	3	1.38
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	20	1.38
(1,1069)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HB2	16	1.38
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	19	1.38
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	19	1.38
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	19	1.38
(1,853)	1:12:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HA	10	1.38
(1,727)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	3	1.38
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG2	2	1.38
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG3	2	1.38
(1,99)	1:41:A:LEU:HG	1:48:A:GLU:HB2	23	1.38
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD2	6	1.38
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD3	6	1.38
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	9	1.37
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	9	1.37
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	1	1.37
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	1	1.37
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	1	1.37
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	1	1.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	1	1.37
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	1	1.37
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE1	2	1.37
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE2	2	1.37
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	1	1.37
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	1	1.37
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	21	1.37
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	4	1.37
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	20	1.37
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	20	1.37
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG2	19	1.37
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG3	19	1.37
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	3	1.36
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	3	1.36
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	3	1.36
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	3	1.36
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	3	1.36
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	3	1.36
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	4	1.36
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	4	1.36
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	8	1.36
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	8	1.36
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	8	1.36
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	2	1.36
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE1	20	1.36
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE2	20	1.36
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	4	1.36
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	4	1.36
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	10	1.36
(1,722)	1:24:A:LYS:HD2	1:25:A:SER:H	17	1.36
(1,722)	1:24:A:LYS:HD3	1:25:A:SER:H	17	1.36
(1,722)	1:24:A:LYS:HD2	1:25:A:SER:H	19	1.36
(1,722)	1:24:A:LYS:HD3	1:25:A:SER:H	19	1.36
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	21	1.35
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	21	1.35
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD11	2	1.35
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD12	2	1.35
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD13	2	1.35
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD21	2	1.35
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD22	2	1.35
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD23	2	1.35
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD11	8	1.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD12	8	1.35
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD13	8	1.35
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD21	8	1.35
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD22	8	1.35
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD23	8	1.35
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD11	18	1.35
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD12	18	1.35
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD13	18	1.35
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD21	18	1.35
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD22	18	1.35
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD23	18	1.35
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG2	10	1.35
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG3	10	1.35
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG2	10	1.35
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG3	10	1.35
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	15	1.35
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD22	17	1.35
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD21	17	1.35
(1,994)	1:61:A:GLU:HB2	1:62:A:ASN:HD22	6	1.35
(1,994)	1:61:A:GLU:HB3	1:62:A:ASN:HD22	6	1.35
(1,953)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HA	4	1.35
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	7	1.35
(1,279)	1:27:A:TRP:HE3	1:81:A:ILE:HD12	1	1.35
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	20	1.35
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	20	1.35
(1,1505)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:HG2	5	1.34
(1,1505)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:HG3	5	1.34
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	11	1.34
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	11	1.34
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD11	7	1.34
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD12	7	1.34
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD13	7	1.34
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD21	7	1.34
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD22	7	1.34
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD23	7	1.34
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	16	1.34
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	16	1.34
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	16	1.34
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	16	1.34
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	16	1.34
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	16	1.34
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	8	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1102)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:H	19	1.34
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	22	1.34
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	22	1.34
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	9	1.34
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	9	1.34
(1,994)	1:61:A:GLU:HB2	1:62:A:ASN:HD22	9	1.34
(1,994)	1:61:A:GLU:HB3	1:62:A:ASN:HD22	9	1.34
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	13	1.34
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	13	1.34
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	13	1.34
(1,893)	1:35:A:TYR:H	1:81:A:ILE:HG23	1	1.34
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	21	1.34
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	4	1.34
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD2	14	1.34
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD3	14	1.34
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:HA	12	1.33
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:HA	12	1.33
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:HA	12	1.33
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:HA	12	1.33
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:HA	12	1.33
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:HA	12	1.33
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	21	1.33
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	21	1.33
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	21	1.33
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	21	1.33
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	21	1.33
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	21	1.33
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD11	3	1.33
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD12	3	1.33
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD13	3	1.33
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD21	3	1.33
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD22	3	1.33
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD23	3	1.33
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	4	1.33
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	4	1.33
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	4	1.33
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	4	1.33
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	4	1.33
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	4	1.33
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	14	1.33
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	3	1.33
(1,1102)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:H	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1069)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HB2	8	1.33
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	1	1.33
(1,994)	1:61:A:GLU:HB2	1:62:A:ASN:HD22	21	1.33
(1,994)	1:61:A:GLU:HB3	1:62:A:ASN:HD22	21	1.33
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	15	1.33
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	15	1.33
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	14	1.32
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	14	1.32
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	12	1.32
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	12	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD11	1	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD12	1	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD13	1	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD21	1	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD22	1	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD23	1	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD11	5	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD12	5	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD13	5	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD21	5	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD22	5	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD23	5	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD11	14	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD12	14	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD13	14	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD21	14	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD22	14	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD23	14	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD11	19	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD12	19	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD13	19	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD21	19	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD22	19	1.32
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD23	19	1.32
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	11	1.32
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	11	1.32
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	11	1.32
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	11	1.32
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	11	1.32
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	11	1.32
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	15	1.32
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	11	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,968)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE21	17	1.32
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	17	1.32
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	17	1.32
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	17	1.32
(1,936)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	5	1.32
(1,936)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	5	1.32
(1,936)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	5	1.32
(1,870)	1:21:A:ASN:H	1:26:A:THR:HA	10	1.32
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	9	1.32
(1,432)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HD2	15	1.32
(1,375)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:H	13	1.32
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG2	10	1.32
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG3	10	1.32
(1,1472)	1:40:A:PHE:HD1	1:43:A:GLU:HB2	15	1.31
(1,1472)	1:40:A:PHE:HD1	1:43:A:GLU:HB3	15	1.31
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD11	17	1.31
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD12	17	1.31
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD13	17	1.31
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD21	17	1.31
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD22	17	1.31
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD23	17	1.31
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	12	1.31
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	12	1.31
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	12	1.31
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	12	1.31
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	12	1.31
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	12	1.31
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	23	1.31
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	23	1.31
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	23	1.31
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	23	1.31
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	23	1.31
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	23	1.31
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	21	1.31
(1,1227)	1:37:A:LEU:HA	1:40:A:PHE:HD1	10	1.31
(1,1183)	1:11:A:TYR:HD1	1:86:A:PRO:HD3	13	1.31
(1,1183)	1:11:A:TYR:HD2	1:86:A:PRO:HD3	13	1.31
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	5	1.31
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	5	1.31
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	18	1.31
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	22	1.31
(1,608)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	13	1.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD2	4	1.31
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD3	4	1.31
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG2	23	1.3
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG3	23	1.3
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG2	23	1.3
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG3	23	1.3
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG2	23	1.3
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG3	23	1.3
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	17	1.3
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	17	1.3
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	20	1.3
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	6	1.3
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	6	1.3
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG2	23	1.3
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG3	23	1.3
(1,722)	1:24:A:LYS:HD2	1:25:A:SER:H	15	1.3
(1,722)	1:24:A:LYS:HD3	1:25:A:SER:H	15	1.3
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	14	1.3
(1,375)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:H	9	1.3
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG2	10	1.3
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG3	10	1.3
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD2	19	1.3
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD3	19	1.3
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	9	1.3
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	21	1.3
(1,1515)	1:64:A:GLU:HG2	1:65:A:ASP:H	5	1.29
(1,1515)	1:64:A:GLU:HG3	1:65:A:ASP:H	5	1.29
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	19	1.29
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	19	1.29
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG2	6	1.29
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG3	6	1.29
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG2	6	1.29
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG3	6	1.29
(1,1264)	1:27:A:TRP:HZ3	1:81:A:ILE:HD12	10	1.29
(1,1069)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HB2	2	1.29
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	15	1.29
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	15	1.29
(1,740)	1:34:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HD13	8	1.29
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:HA	1	1.28
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:HA	1	1.28
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:HA	1	1.28
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:HA	1	1.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:HA	1	1.28
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:HA	1	1.28
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:HA	13	1.28
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:HA	13	1.28
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:HA	13	1.28
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:HA	13	1.28
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:HA	13	1.28
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:HA	13	1.28
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	14	1.28
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	14	1.28
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	14	1.28
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	14	1.28
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	14	1.28
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	14	1.28
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	21	1.28
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	21	1.28
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	21	1.28
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	21	1.28
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	21	1.28
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	21	1.28
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG2	19	1.28
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG3	19	1.28
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG2	19	1.28
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG3	19	1.28
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	7	1.28
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	7	1.28
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	7	1.28
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	12	1.28
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	12	1.28
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	12	1.28
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	20	1.28
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	20	1.28
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	7	1.28
(1,1069)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HB2	20	1.28
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:H	1	1.28
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:H	1	1.28
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:H	1	1.28
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	3	1.28
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	16	1.28
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	2	1.28
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	8	1.28
(1,432)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HD2	5	1.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,431)	1:40:A:PHE:H	1:40:A:PHE:HD1	18	1.28
(1,159)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HB3	13	1.28
(1,159)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HB3	13	1.28
(1,159)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HB3	13	1.28
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	22	1.27
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	22	1.27
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	18	1.27
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	18	1.27
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:HA	5	1.27
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:HA	5	1.27
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:HA	5	1.27
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:HA	5	1.27
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:HA	5	1.27
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:HA	5	1.27
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD11	13	1.27
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD12	13	1.27
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD13	13	1.27
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD21	13	1.27
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD22	13	1.27
(1,1357)	1:13:A:THR:HA	1:14:A:LEU:HD23	13	1.27
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE1	9	1.27
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE2	9	1.27
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	5	1.27
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	5	1.27
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	4	1.27
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	22	1.27
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD11	1:20:A:HIS:H	16	1.27
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD12	1:20:A:HIS:H	16	1.27
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD13	1:20:A:HIS:H	16	1.27
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	12	1.27
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	4	1.27
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG2	4	1.27
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG3	4	1.27
(1,729)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	8	1.27
(1,673)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:H	15	1.27
(1,673)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:H	15	1.27
(1,673)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:H	15	1.27
(1,433)	1:22:A:HIS:H	1:22:A:HIS:HD2	12	1.27
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	18	1.27
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	18	1.27
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	2	1.27
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	14	1.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,26)	1:15:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	2	1.27
(1,26)	1:15:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	2	1.27
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	2	1.26
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	2	1.26
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	2	1.26
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	2	1.26
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	2	1.26
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	2	1.26
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	5	1.26
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	5	1.26
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	5	1.26
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	11	1.26
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	11	1.26
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	11	1.26
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	8	1.26
(1,1227)	1:37:A:LEU:HA	1:40:A:PHE:HD1	1	1.26
(1,1099)	1:32:A:HIS:HA	1:84:A:LEU:H	14	1.26
(1,1069)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HB2	3	1.26
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	8	1.26
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	8	1.26
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	8	1.26
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG2	6	1.26
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG3	6	1.26
(1,872)	1:21:A:ASN:H	1:27:A:TRP:H	8	1.26
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	19	1.26
(1,608)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	6	1.26
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG2	22	1.26
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG3	22	1.26
(1,1505)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:HG2	10	1.25
(1,1505)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:HG3	10	1.25
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB2	12	1.25
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB3	12	1.25
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	3	1.25
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	3	1.25
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	3	1.25
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	3	1.25
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	3	1.25
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	3	1.25
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	22	1.25
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	22	1.25
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	22	1.25
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	22	1.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	22	1.25
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	22	1.25
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE1	3	1.25
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE2	3	1.25
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE1	3	1.25
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE2	3	1.25
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE1	3	1.25
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE2	3	1.25
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	23	1.25
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG21	8	1.25
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG22	8	1.25
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG23	8	1.25
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG21	23	1.25
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG22	23	1.25
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG23	23	1.25
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	19	1.25
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	19	1.25
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:H	9	1.25
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:H	9	1.25
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:H	9	1.25
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	9	1.25
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	9	1.25
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	9	1.25
(1,375)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:H	6	1.25
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	16	1.24
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	16	1.24
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	16	1.24
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	16	1.24
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	16	1.24
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	16	1.24
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG2	22	1.24
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG3	22	1.24
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG2	22	1.24
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG3	22	1.24
(1,1312)	1:52:A:ARG:HD2	1:53:A:GLU:HB3	21	1.24
(1,1312)	1:52:A:ARG:HD3	1:53:A:GLU:HB3	21	1.24
(1,1306)	1:21:A:ASN:HB2	1:22:A:HIS:HD2	19	1.24
(1,1304)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	4	1.24
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG2	1:40:A:PHE:HD1	8	1.24
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG3	1:40:A:PHE:HD1	8	1.24
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	22	1.24
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	1	1.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	1	1.24
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	3	1.24
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	3	1.24
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG2	19	1.24
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG3	19	1.24
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	6	1.24
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	9	1.24
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	19	1.24
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	19	1.24
(1,99)	1:41:A:LEU:HG	1:48:A:GLU:HB2	19	1.24
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:HA	8	1.23
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:HA	8	1.23
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:HA	8	1.23
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:HA	8	1.23
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:HA	8	1.23
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:HA	8	1.23
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	2	1.23
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	2	1.23
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	2	1.23
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	2	1.23
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	2	1.23
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	2	1.23
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	18	1.23
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	18	1.23
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	18	1.23
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	18	1.23
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	18	1.23
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	18	1.23
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	12	1.23
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	12	1.23
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	12	1.23
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG21	1:81:A:ILE:HD12	21	1.23
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG22	1:81:A:ILE:HD12	21	1.23
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG23	1:81:A:ILE:HD12	21	1.23
(1,1269)	1:16:A:GLU:HG2	1:27:A:TRP:HZ3	4	1.23
(1,1269)	1:16:A:GLU:HG3	1:27:A:TRP:HZ3	4	1.23
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	17	1.23
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	1	1.23
(1,994)	1:61:A:GLU:HB2	1:62:A:ASN:HD22	1	1.23
(1,994)	1:61:A:GLU:HB3	1:62:A:ASN:HD22	1	1.23
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG2	11	1.23
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG3	11	1.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	15	1.23
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	3	1.23
(1,722)	1:24:A:LYS:HD2	1:25:A:SER:H	23	1.23
(1,722)	1:24:A:LYS:HD3	1:25:A:SER:H	23	1.23
(1,375)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:H	10	1.23
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	5	1.23
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	22	1.23
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG2	20	1.22
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG3	20	1.22
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG2	20	1.22
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG3	20	1.22
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG2	20	1.22
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG3	20	1.22
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD11	1:79:A:PHE:HD1	11	1.22
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD11	1:79:A:PHE:HD2	11	1.22
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD12	1:79:A:PHE:HD1	11	1.22
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD12	1:79:A:PHE:HD2	11	1.22
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD13	1:79:A:PHE:HD1	11	1.22
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD13	1:79:A:PHE:HD2	11	1.22
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD21	1:79:A:PHE:HD1	11	1.22
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD21	1:79:A:PHE:HD2	11	1.22
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD22	1:79:A:PHE:HD1	11	1.22
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD22	1:79:A:PHE:HD2	11	1.22
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD23	1:79:A:PHE:HD1	11	1.22
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD23	1:79:A:PHE:HD2	11	1.22
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	1	1.22
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	1	1.22
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:HA	2	1.22
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:HA	2	1.22
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:HA	2	1.22
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:HA	2	1.22
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:HA	2	1.22
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:HA	2	1.22
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	6	1.22
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	6	1.22
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	6	1.22
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	6	1.22
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	6	1.22
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	6	1.22
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	11	1.22
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	7	1.22
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	8	1.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	8	1.22
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	17	1.22
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	21	1.22
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	23	1.22
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	10	1.22
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	13	1.22
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	17	1.22
(1,697)	1:81:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:H	20	1.22
(1,433)	1:22:A:HIS:H	1:22:A:HIS:HD2	23	1.22
(1,382)	1:23:A:SER:H	1:25:A:SER:H	7	1.22
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD2	9	1.21
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	9	1.21
(1,1549)	1:85:A:HIS:HA	1:89:A:ARG:HB2	3	1.21
(1,1549)	1:85:A:HIS:HA	1:89:A:ARG:HB3	3	1.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG21	8	1.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG22	8	1.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG23	8	1.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG21	8	1.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG22	8	1.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG23	8	1.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG21	8	1.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG22	8	1.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG23	8	1.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG21	8	1.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG22	8	1.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG23	8	1.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG21	8	1.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG22	8	1.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG23	8	1.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG21	8	1.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG22	8	1.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG23	8	1.21
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	8	1.21
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	8	1.21
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	8	1.21
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	8	1.21
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	8	1.21
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	8	1.21
(1,1337)	1:30:A:LEU:HG	1:60:A:THR:HA	12	1.21
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	14	1.21
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	21	1.21
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	3	1.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1102)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:H	5	1.21
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD22	16	1.21
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD21	16	1.21
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD11	1:20:A:HIS:H	22	1.21
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD12	1:20:A:HIS:H	22	1.21
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD13	1:20:A:HIS:H	22	1.21
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG2	16	1.21
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG3	16	1.21
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	6	1.21
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	7	1.2
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	7	1.2
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	7	1.2
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	7	1.2
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	7	1.2
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	7	1.2
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	18	1.2
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	18	1.2
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	18	1.2
(1,1256)	1:12:A:TYR:HB3	1:27:A:TRP:HH2	13	1.2
(1,1256)	1:12:A:TYR:HB3	1:27:A:TRP:HH2	16	1.2
(1,1256)	1:12:A:TYR:HB3	1:27:A:TRP:HH2	20	1.2
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	14	1.2
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD1	1:86:A:PRO:HD2	15	1.2
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD2	1:86:A:PRO:HD2	15	1.2
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	8	1.2
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	8	1.2
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	8	1.2
(1,1102)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:H	20	1.2
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	10	1.2
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	10	1.2
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	5	1.2
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG2	22	1.2
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG3	22	1.2
(1,870)	1:21:A:ASN:H	1:26:A:THR:HA	11	1.2
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	23	1.2
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	23	1.2
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	23	1.2
(1,722)	1:24:A:LYS:HD2	1:25:A:SER:H	22	1.2
(1,722)	1:24:A:LYS:HD3	1:25:A:SER:H	22	1.2
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	4	1.2
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG2	4	1.2
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG3	4	1.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB2	19	1.19
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB3	19	1.19
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	1	1.19
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	1	1.19
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	1	1.19
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	1	1.19
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	1	1.19
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	1	1.19
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	6	1.19
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	6	1.19
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG2	1:40:A:PHE:HD1	11	1.19
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG3	1:40:A:PHE:HD1	11	1.19
(1,1224)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HZ3	5	1.19
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG2	17	1.19
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG3	17	1.19
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	14	1.19
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE2	9	1.19
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE3	9	1.19
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	22	1.19
(1,287)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HB	9	1.19
(1,268)	1:11:A:TYR:HE1	1:83:A:GLU:HB3	16	1.19
(1,268)	1:11:A:TYR:HE2	1:83:A:GLU:HB3	16	1.19
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD2	7	1.19
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD3	7	1.19
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD2	15	1.19
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD3	15	1.19
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HB	12	1.18
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HB	12	1.18
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HB	12	1.18
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HB	12	1.18
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HB	12	1.18
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HB	12	1.18
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:HA	3	1.18
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:HA	3	1.18
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:HA	3	1.18
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:HA	3	1.18
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:HA	3	1.18
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:HA	3	1.18
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	22	1.18
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	22	1.18
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	22	1.18
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	22	1.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	22	1.18
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	22	1.18
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	22	1.18
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	19	1.18
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	2	1.18
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	2	1.18
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	8	1.18
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	2	1.18
(1,682)	1:78:A:THR:H	1:78:A:THR:HG21	3	1.18
(1,682)	1:78:A:THR:H	1:78:A:THR:HG22	3	1.18
(1,682)	1:78:A:THR:H	1:78:A:THR:HG23	3	1.18
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG2	12	1.18
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG3	12	1.18
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG2	5	1.18
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG3	5	1.18
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG2	19	1.18
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG3	19	1.18
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG2	19	1.18
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG3	19	1.18
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG2	19	1.18
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG3	19	1.18
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	15	1.17
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	15	1.17
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	13	1.17
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	13	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	5	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	5	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	5	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	5	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	5	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	5	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	15	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	15	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	15	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	15	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	15	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	15	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	17	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	17	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	17	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	17	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	17	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	17	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	20	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	20	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	20	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	20	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	20	1.17
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	20	1.17
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	15	1.17
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	18	1.17
(1,1306)	1:21:A:ASN:HB2	1:22:A:HIS:HD2	10	1.17
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG21	1:81:A:ILE:HD12	1	1.17
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG22	1:81:A:ILE:HD12	1	1.17
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG23	1:81:A:ILE:HD12	1	1.17
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	1	1.17
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE1	5	1.17
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE2	5	1.17
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	21	1.17
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	21	1.17
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	21	1.17
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	21	1.17
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	11	1.17
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG2	21	1.17
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG3	21	1.17
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	3	1.17
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	17	1.17
(1,287)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HB	11	1.17
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	21	1.17
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	21	1.17
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	20	1.17
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG2	21	1.16
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG3	21	1.16
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG2	21	1.16
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG3	21	1.16
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG2	21	1.16
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG3	21	1.16
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	4	1.16
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	4	1.16
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	4	1.16
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	4	1.16
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	4	1.16
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	4	1.16
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	7	1.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	7	1.16
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	7	1.16
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	7	1.16
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	7	1.16
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	7	1.16
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	12	1.16
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	12	1.16
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	12	1.16
(1,1227)	1:37:A:LEU:HA	1:40:A:PHE:HD1	3	1.16
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	17	1.16
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	17	1.16
(1,1069)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HB2	19	1.16
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG2	1:19:A:LYS:H	2	1.16
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG3	1:19:A:LYS:H	2	1.16
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG2	21	1.16
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG3	21	1.16
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	18	1.16
(1,727)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	5	1.16
(1,722)	1:24:A:LYS:HD2	1:25:A:SER:H	1	1.16
(1,722)	1:24:A:LYS:HD3	1:25:A:SER:H	1	1.16
(1,433)	1:22:A:HIS:H	1:22:A:HIS:HD2	22	1.16
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD2	22	1.16
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD3	22	1.16
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	12	1.16
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	18	1.15
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	18	1.15
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB2	8	1.15
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB3	8	1.15
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:HA	7	1.15
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:HA	7	1.15
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:HA	7	1.15
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:HA	7	1.15
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:HA	7	1.15
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:HA	7	1.15
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:HA	16	1.15
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:HA	16	1.15
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:HA	16	1.15
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:HA	16	1.15
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:HA	16	1.15
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:HA	16	1.15
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	8	1.15
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	8	1.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	8	1.15
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	8	1.15
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	8	1.15
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	8	1.15
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	19	1.15
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	19	1.15
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	19	1.15
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	19	1.15
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	19	1.15
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	19	1.15
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	19	1.15
(1,1312)	1:52:A:ARG:HD2	1:53:A:GLU:HB3	13	1.15
(1,1312)	1:52:A:ARG:HD3	1:53:A:GLU:HB3	13	1.15
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	11	1.15
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	11	1.15
(1,1303)	1:22:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	2	1.15
(1,1240)	1:13:A:THR:HA	1:85:A:HIS:HD2	22	1.15
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	18	1.15
(1,1221)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	8	1.15
(1,1202)	1:30:A:LEU:HA	1:31:A:HIS:HD2	5	1.15
(1,1188)	1:30:A:LEU:HB2	1:31:A:HIS:HD2	4	1.15
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	6	1.15
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG2	10	1.15
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG3	10	1.15
(1,727)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	12	1.15
(1,722)	1:24:A:LYS:HD2	1:25:A:SER:H	4	1.15
(1,722)	1:24:A:LYS:HD3	1:25:A:SER:H	4	1.15
(1,722)	1:24:A:LYS:HD2	1:25:A:SER:H	14	1.15
(1,722)	1:24:A:LYS:HD3	1:25:A:SER:H	14	1.15
(1,608)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	12	1.15
(1,431)	1:40:A:PHE:H	1:40:A:PHE:HD1	1	1.15
(1,1472)	1:40:A:PHE:HD1	1:43:A:GLU:HB2	19	1.14
(1,1472)	1:40:A:PHE:HD1	1:43:A:GLU:HB3	19	1.14
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	21	1.14
(1,1240)	1:13:A:THR:HA	1:85:A:HIS:HD2	14	1.14
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE1	11	1.14
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE2	11	1.14
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	22	1.14
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	22	1.14
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	20	1.14
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	20	1.14
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	20	1.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	23	1.14
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG2	17	1.14
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG3	17	1.14
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	18	1.14
(1,722)	1:24:A:LYS:HD2	1:25:A:SER:H	11	1.14
(1,722)	1:24:A:LYS:HD3	1:25:A:SER:H	11	1.14
(1,567)	1:12:A:TYR:H	1:85:A:HIS:H	9	1.14
(1,143)	1:52:A:ARG:HD2	1:53:A:GLU:HA	13	1.14
(1,143)	1:52:A:ARG:HD3	1:53:A:GLU:HA	13	1.14
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	8	1.13
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	8	1.13
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	18	1.13
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	18	1.13
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	18	1.13
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	18	1.13
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	18	1.13
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	18	1.13
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	13	1.13
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	13	1.13
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	13	1.13
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	13	1.13
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	13	1.13
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	13	1.13
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	17	1.13
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	13	1.13
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	1	1.13
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	11	1.13
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	11	1.13
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	18	1.13
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	18	1.13
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	9	1.13
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD11	1:20:A:HIS:H	10	1.13
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD12	1:20:A:HIS:H	10	1.13
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD13	1:20:A:HIS:H	10	1.13
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG2	13	1.13
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG3	13	1.13
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	15	1.13
(1,722)	1:24:A:LYS:HD2	1:25:A:SER:H	3	1.13
(1,722)	1:24:A:LYS:HD3	1:25:A:SER:H	3	1.13
(1,711)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HD12	18	1.13
(1,673)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:H	8	1.13
(1,673)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:H	8	1.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,673)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:H	8	1.13
(1,433)	1:22:A:HIS:H	1:22:A:HIS:HD2	2	1.13
(1,382)	1:23:A:SER:H	1:25:A:SER:H	21	1.13
(1,159)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HB3	10	1.13
(1,159)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HB3	10	1.13
(1,159)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HB3	10	1.13
(1,130)	1:11:A:TYR:HA	1:83:A:GLU:HB3	9	1.13
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	13	1.13
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB2	7	1.12
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB3	7	1.12
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:HA	18	1.12
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:HA	18	1.12
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:HA	18	1.12
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:HA	18	1.12
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:HA	18	1.12
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:HA	18	1.12
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG2	1	1.12
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG3	1	1.12
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG2	1	1.12
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG3	1	1.12
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	17	1.12
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	4	1.12
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	13	1.12
(1,1227)	1:37:A:LEU:HA	1:40:A:PHE:HD1	8	1.12
(1,1083)	1:54:A:GLN:HB2	1:57:A:GLY:H	23	1.12
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD22	23	1.12
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD21	23	1.12
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG2	7	1.12
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG3	7	1.12
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG2	22	1.12
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG3	22	1.12
(1,722)	1:24:A:LYS:HD2	1:25:A:SER:H	5	1.12
(1,722)	1:24:A:LYS:HD3	1:25:A:SER:H	5	1.12
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	5	1.12
(1,431)	1:40:A:PHE:H	1:40:A:PHE:HD1	4	1.12
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	6	1.12
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	6	1.12
(1,16)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HA	1	1.12
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG2	11	1.11
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG3	11	1.11
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG2	11	1.11
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG3	11	1.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	10	1.11
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	14	1.11
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	14	1.11
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	14	1.11
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	16	1.11
(1,1240)	1:13:A:THR:HA	1:85:A:HIS:HD2	23	1.11
(1,1239)	1:12:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	12	1.11
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:HA2	13	1.11
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:HA2	13	1.11
(1,1159)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HD12	12	1.11
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	10	1.11
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	10	1.11
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	10	1.11
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	20	1.11
(1,1065)	1:15:A:GLU:H	1:16:A:GLU:HB3	2	1.11
(1,994)	1:61:A:GLU:HB2	1:62:A:ASN:HD22	17	1.11
(1,994)	1:61:A:GLU:HB3	1:62:A:ASN:HD22	17	1.11
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	4	1.11
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	8	1.11
(1,382)	1:23:A:SER:H	1:25:A:SER:H	14	1.11
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	8	1.11
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	8	1.11
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	8	1.11
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	20	1.1
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	20	1.1
(1,1379)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	15	1.1
(1,1379)	1:20:A:HIS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	15	1.1
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	21	1.1
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	10	1.1
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	10	1.1
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG21	14	1.1
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG22	14	1.1
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG23	14	1.1
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD1	1:86:A:PRO:HD2	21	1.1
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD2	1:86:A:PRO:HD2	21	1.1
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	13	1.1
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	13	1.1
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	13	1.1
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	4	1.1
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG2	11	1.1
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG3	11	1.1
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG2	18	1.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG3	18	1.1
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	8	1.1
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	14	1.1
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	21	1.1
(1,287)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HB	7	1.1
(1,143)	1:52:A:ARG:HD2	1:53:A:GLU:HA	1	1.1
(1,143)	1:52:A:ARG:HD3	1:53:A:GLU:HA	1	1.1
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	17	1.1
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	17	1.09
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	17	1.09
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	9	1.09
(1,1306)	1:21:A:ASN:HB2	1:22:A:HIS:HD2	7	1.09
(1,1303)	1:22:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	23	1.09
(1,1256)	1:12:A:TYR:HB3	1:27:A:TRP:HH2	14	1.09
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	17	1.09
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE1	20	1.09
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE2	20	1.09
(1,1145)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HG21	1	1.09
(1,1145)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HG22	1	1.09
(1,1145)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HG23	1	1.09
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	13	1.09
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	2	1.09
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	6	1.09
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	15	1.09
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	3	1.09
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	12	1.09
(1,711)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HD12	6	1.09
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	22	1.09
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	22	1.09
(1,143)	1:52:A:ARG:HD2	1:53:A:GLU:HA	21	1.09
(1,143)	1:52:A:ARG:HD3	1:53:A:GLU:HA	21	1.09
(1,16)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HA	16	1.09
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	4	1.08
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	4	1.08
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG2	4	1.08
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG3	4	1.08
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG2	4	1.08
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG3	4	1.08
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	23	1.08
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	23	1.08
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	23	1.08
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	12	1.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1264)	1:27:A:TRP:HZ3	1:81:A:ILE:HD12	7	1.08
(1,1256)	1:12:A:TYR:HB3	1:27:A:TRP:HH2	3	1.08
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	10	1.08
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	19	1.08
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE1	1:16:A:GLU:HG2	10	1.08
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE1	1:16:A:GLU:HG3	10	1.08
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE2	1:16:A:GLU:HG2	10	1.08
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE2	1:16:A:GLU:HG3	10	1.08
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD1	1:27:A:TRP:HH2	23	1.08
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD2	1:27:A:TRP:HH2	23	1.08
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	3	1.08
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	16	1.08
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	17	1.08
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	21	1.08
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	4	1.08
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD11	1:20:A:HIS:H	7	1.08
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD12	1:20:A:HIS:H	7	1.08
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD13	1:20:A:HIS:H	7	1.08
(1,1065)	1:15:A:GLU:H	1:16:A:GLU:HB3	4	1.08
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:H	15	1.08
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:H	15	1.08
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:H	15	1.08
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	4	1.08
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	4	1.08
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG2	20	1.08
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG3	20	1.08
(1,868)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:HB2	8	1.08
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	18	1.08
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	18	1.08
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	18	1.08
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	9	1.08
(1,722)	1:24:A:LYS:HD2	1:25:A:SER:H	21	1.08
(1,722)	1:24:A:LYS:HD3	1:25:A:SER:H	21	1.08
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	2	1.08
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	22	1.08
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	22	1.08
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	17	1.08
(1,267)	1:33:A:LYS:HG2	1:83:A:GLU:HA	22	1.08
(1,267)	1:33:A:LYS:HG3	1:83:A:GLU:HA	22	1.08
(1,1515)	1:64:A:GLU:HG2	1:65:A:ASP:H	10	1.07
(1,1515)	1:64:A:GLU:HG3	1:65:A:ASP:H	10	1.07
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	14	1.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	14	1.07
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	14	1.07
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	14	1.07
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	14	1.07
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	14	1.07
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	8	1.07
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	8	1.07
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	8	1.07
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	3	1.07
(1,1306)	1:21:A:ASN:HB2	1:22:A:HIS:HD2	13	1.07
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	11	1.07
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	17	1.07
(1,1239)	1:12:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	13	1.07
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE1	21	1.07
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE2	21	1.07
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG21	10	1.07
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG22	10	1.07
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG23	10	1.07
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	15	1.07
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	15	1.07
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	12	1.07
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	18	1.07
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG2	1:19:A:LYS:H	1	1.07
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG3	1:19:A:LYS:H	1	1.07
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG2	1	1.07
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG3	1	1.07
(1,872)	1:21:A:ASN:H	1:27:A:TRP:H	7	1.07
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	15	1.07
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HB	8	1.06
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HB	8	1.06
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HB	8	1.06
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HB	8	1.06
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HB	8	1.06
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HB	8	1.06
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB2	11	1.06
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB3	11	1.06
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG2	2	1.06
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG3	2	1.06
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG2	2	1.06
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG3	2	1.06
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG21	1:81:A:ILE:HD12	19	1.06
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG22	1:81:A:ILE:HD12	19	1.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG23	1:81:A:ILE:HD12	19	1.06
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	11	1.06
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	23	1.06
(1,1188)	1:30:A:LEU:HB2	1:31:A:HIS:HD2	14	1.06
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	14	1.06
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	1	1.06
(1,994)	1:61:A:GLU:HB2	1:62:A:ASN:HD22	3	1.06
(1,994)	1:61:A:GLU:HB3	1:62:A:ASN:HD22	3	1.06
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	6	1.06
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	13	1.06
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	17	1.06
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	13	1.06
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	7	1.06
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	7	1.06
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	3	1.06
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	11	1.06
(1,722)	1:24:A:LYS:HD2	1:25:A:SER:H	10	1.06
(1,722)	1:24:A:LYS:HD3	1:25:A:SER:H	10	1.06
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	14	1.06
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	4	1.06
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	4	1.06
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	14	1.05
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	14	1.05
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	6	1.05
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	6	1.05
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	20	1.05
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	20	1.05
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	16	1.05
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD2	2	1.05
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD3	2	1.05
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD2	2	1.05
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD3	2	1.05
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD2	2	1.05
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD3	2	1.05
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	6	1.05
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	6	1.05
(1,1224)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HZ3	6	1.05
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE1	18	1.05
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE2	18	1.05
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE1	21	1.05
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE2	21	1.05
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	6	1.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	6	1.05
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	18	1.05
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	18	1.05
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	15	1.05
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	15	1.05
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG2	18	1.05
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG3	18	1.05
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	10	1.05
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	12	1.05
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	13	1.05
(1,431)	1:40:A:PHE:H	1:40:A:PHE:HD1	6	1.05
(1,382)	1:23:A:SER:H	1:25:A:SER:H	10	1.05
(1,382)	1:23:A:SER:H	1:25:A:SER:H	20	1.05
(1,287)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HB	14	1.05
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	21	1.04
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	21	1.04
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD11	1:58:A:ASP:H	18	1.04
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD12	1:58:A:ASP:H	18	1.04
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD13	1:58:A:ASP:H	18	1.04
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD21	1:58:A:ASP:H	18	1.04
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD22	1:58:A:ASP:H	18	1.04
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD23	1:58:A:ASP:H	18	1.04
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	4	1.04
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	7	1.04
(1,1318)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HD13	8	1.04
(1,1318)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HD13	15	1.04
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD2	11	1.04
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD3	11	1.04
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD2	11	1.04
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD3	11	1.04
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD2	11	1.04
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD3	11	1.04
(1,1264)	1:27:A:TRP:HZ3	1:81:A:ILE:HD12	17	1.04
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE1	8	1.04
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE2	8	1.04
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE1	8	1.04
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE2	8	1.04
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE1	8	1.04
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE2	8	1.04
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	3	1.04
(1,1227)	1:37:A:LEU:HA	1:40:A:PHE:HD1	16	1.04
(1,1176)	1:11:A:TYR:HE1	1:83:A:GLU:HB2	9	1.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1176)	1:11:A:TYR:HE2	1:83:A:GLU:HB2	9	1.04
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	5	1.04
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	5	1.04
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	21	1.04
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	21	1.04
(1,953)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HA	9	1.04
(1,673)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:H	12	1.04
(1,673)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:H	12	1.04
(1,673)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:H	12	1.04
(1,567)	1:12:A:TYR:H	1:85:A:HIS:H	10	1.04
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	4	1.04
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	2	1.03
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	2	1.03
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	7	1.03
(1,1224)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HZ3	18	1.03
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD1	1:27:A:TRP:HH2	1	1.03
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD2	1:27:A:TRP:HH2	1	1.03
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HE1	22	1.03
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HE2	22	1.03
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HE1	22	1.03
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HE2	22	1.03
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HE1	22	1.03
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HE2	22	1.03
(1,1109)	1:16:A:GLU:HB3	1:18:A:LYS:H	7	1.03
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	14	1.03
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	7	1.03
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	4	1.03
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	4	1.03
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	16	1.03
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	16	1.03
(1,994)	1:61:A:GLU:HB2	1:62:A:ASN:HD22	15	1.03
(1,994)	1:61:A:GLU:HB3	1:62:A:ASN:HD22	15	1.03
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	19	1.03
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	6	1.03
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	11	1.03
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	13	1.03
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG2	13	1.03
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG3	13	1.03
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG2	23	1.03
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG3	23	1.03
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG2	5	1.03
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG3	5	1.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	5	1.03
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	23	1.03
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD1	4	1.03
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD2	4	1.03
(1,543)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:HG13	22	1.03
(1,432)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HD2	19	1.03
(1,287)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HB	21	1.03
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	5	1.03
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	5	1.03
(1,1472)	1:40:A:PHE:HD1	1:43:A:GLU:HB2	14	1.02
(1,1472)	1:40:A:PHE:HD1	1:43:A:GLU:HB3	14	1.02
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	23	1.02
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	23	1.02
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB2	8	1.02
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB3	8	1.02
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	5	1.02
(1,1318)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HD13	20	1.02
(1,1303)	1:22:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	10	1.02
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	7	1.02
(1,1256)	1:12:A:TYR:HB3	1:27:A:TRP:HH2	19	1.02
(1,1188)	1:30:A:LEU:HB2	1:31:A:HIS:HD2	9	1.02
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE1	21	1.02
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE2	21	1.02
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE1	1:81:A:ILE:HD12	21	1.02
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE2	1:81:A:ILE:HD12	21	1.02
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	14	1.02
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	14	1.02
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	14	1.02
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	16	1.02
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	16	1.02
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	16	1.02
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	3	1.02
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD22	1	1.02
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD21	1	1.02
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	19	1.02
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD11	1:20:A:HIS:H	9	1.02
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD12	1:20:A:HIS:H	9	1.02
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD13	1:20:A:HIS:H	9	1.02
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	17	1.02
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG2	5	1.02
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG3	5	1.02
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG2	19	1.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG3	19	1.02
(1,870)	1:21:A:ASN:H	1:26:A:THR:HA	21	1.02
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	16	1.02
(1,722)	1:24:A:LYS:HD2	1:25:A:SER:H	9	1.02
(1,722)	1:24:A:LYS:HD3	1:25:A:SER:H	9	1.02
(1,711)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HD12	10	1.02
(1,711)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HD12	23	1.02
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	14	1.02
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	14	1.02
(1,139)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HB	22	1.02
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	6	1.01
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	6	1.01
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB2	6	1.01
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB3	6	1.01
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB2	20	1.01
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB3	20	1.01
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	2	1.01
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	2	1.01
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG2	17	1.01
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG3	17	1.01
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG2	17	1.01
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG3	17	1.01
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	12	1.01
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	23	1.01
(1,1318)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HD13	4	1.01
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	19	1.01
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	19	1.01
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	19	1.01
(1,1099)	1:32:A:HIS:HA	1:84:A:LEU:H	15	1.01
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	12	1.01
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	16	1.01
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG2	4	1.01
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG3	4	1.01
(1,870)	1:21:A:ASN:H	1:26:A:THR:HA	9	1.01
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	17	1.01
(1,727)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	10	1.01
(1,673)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:H	13	1.01
(1,673)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:H	13	1.01
(1,673)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:H	13	1.01
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	3	1.01
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	12	1.01
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	2	1.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	2	1.01
(1,446)	1:12:A:TYR:HE1	1:83:A:GLU:H	8	1.01
(1,446)	1:12:A:TYR:HE2	1:83:A:GLU:H	8	1.01
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG2	7	1.01
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG3	7	1.01
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD2	23	1.01
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD3	23	1.01
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB2	15	1.0
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB3	15	1.0
(1,1456)	1:31:A:HIS:HE1	1:64:A:GLU:HB2	10	1.0
(1,1456)	1:31:A:HIS:HE1	1:64:A:GLU:HB3	10	1.0
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	22	1.0
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	22	1.0
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	22	1.0
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	13	1.0
(1,1318)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HD13	23	1.0
(1,1304)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	11	1.0
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	21	1.0
(1,1256)	1:12:A:TYR:HB3	1:27:A:TRP:HH2	18	1.0
(1,1239)	1:12:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	14	1.0
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE1	9	1.0
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE2	9	1.0
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	23	1.0
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	23	1.0
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	23	1.0
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	16	1.0
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	16	1.0
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	18	1.0
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	18	1.0
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	18	1.0
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	23	1.0
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	23	1.0
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	23	1.0
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	15	1.0
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	19	1.0
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	19	1.0
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	19	1.0
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG2	16	1.0
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG3	16	1.0
(1,872)	1:21:A:ASN:H	1:27:A:TRP:H	14	1.0
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	5	1.0
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	9	1.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE2	15	1.0
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE3	15	1.0
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	6	1.0
(1,494)	1:12:A:TYR:H	1:84:A:LEU:HA	9	1.0
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	13	1.0
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	13	1.0
(1,375)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:H	23	1.0
(1,194)	1:81:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:HD12	8	1.0
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	20	0.99
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	20	0.99
(1,1472)	1:40:A:PHE:HD1	1:43:A:GLU:HB2	20	0.99
(1,1472)	1:40:A:PHE:HD1	1:43:A:GLU:HB3	20	0.99
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD11	1:58:A:ASP:H	16	0.99
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD12	1:58:A:ASP:H	16	0.99
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD13	1:58:A:ASP:H	16	0.99
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD21	1:58:A:ASP:H	16	0.99
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD22	1:58:A:ASP:H	16	0.99
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD23	1:58:A:ASP:H	16	0.99
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG2	1:40:A:PHE:HD1	2	0.99
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG3	1:40:A:PHE:HD1	2	0.99
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD1	6	0.99
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD2	6	0.99
(1,1189)	1:13:A:THR:HG21	1:85:A:HIS:HD2	10	0.99
(1,1189)	1:13:A:THR:HG22	1:85:A:HIS:HD2	10	0.99
(1,1189)	1:13:A:THR:HG23	1:85:A:HIS:HD2	10	0.99
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	18	0.99
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	18	0.99
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	18	0.99
(1,1069)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HB2	5	0.99
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	4	0.99
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	3	0.99
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	3	0.99
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	19	0.99
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	19	0.99
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG2	6	0.99
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG3	6	0.99
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	14	0.99
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	11	0.99
(1,727)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	23	0.99
(1,382)	1:23:A:SER:H	1:25:A:SER:H	11	0.99
(1,241)	1:75:A:LEU:HG	1:78:A:THR:HB	14	0.99
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	1	0.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	1	0.99
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB2	1	0.98
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB3	1	0.98
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD11	1:79:A:PHE:HD1	3	0.98
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD11	1:79:A:PHE:HD2	3	0.98
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD12	1:79:A:PHE:HD1	3	0.98
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD12	1:79:A:PHE:HD2	3	0.98
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD13	1:79:A:PHE:HD1	3	0.98
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD13	1:79:A:PHE:HD2	3	0.98
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD21	1:79:A:PHE:HD1	3	0.98
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD21	1:79:A:PHE:HD2	3	0.98
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD22	1:79:A:PHE:HD1	3	0.98
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD22	1:79:A:PHE:HD2	3	0.98
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD23	1:79:A:PHE:HD1	3	0.98
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD23	1:79:A:PHE:HD2	3	0.98
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	10	0.98
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	10	0.98
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	14	0.98
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	14	0.98
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HD2	21	0.98
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HD3	21	0.98
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HD2	21	0.98
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HD3	21	0.98
(1,1319)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG23	2	0.98
(1,1269)	1:16:A:GLU:HG2	1:27:A:TRP:HZ3	1	0.98
(1,1269)	1:16:A:GLU:HG3	1:27:A:TRP:HZ3	1	0.98
(1,1224)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HZ3	16	0.98
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:HA2	3	0.98
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:HA2	3	0.98
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE1	11	0.98
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE2	11	0.98
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE1	22	0.98
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE2	22	0.98
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	13	0.98
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	4	0.98
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	23	0.98
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	23	0.98
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	13	0.98
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	1	0.98
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	21	0.98
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	20	0.98
(1,870)	1:21:A:ASN:H	1:26:A:THR:HA	14	0.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	17	0.98
(1,727)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	9	0.98
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	20	0.98
(1,555)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:HB2	16	0.98
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	15	0.98
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	15	0.98
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	20	0.98
(1,181)	1:12:A:TYR:HD1	1:16:A:GLU:HG2	4	0.98
(1,181)	1:12:A:TYR:HD1	1:16:A:GLU:HG3	4	0.98
(1,181)	1:12:A:TYR:HD2	1:16:A:GLU:HG2	4	0.98
(1,181)	1:12:A:TYR:HD2	1:16:A:GLU:HG3	4	0.98
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	3	0.98
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	7	0.97
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	7	0.97
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB2	20	0.97
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB3	20	0.97
(1,1318)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HD13	16	0.97
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG21	15	0.97
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG22	15	0.97
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG23	15	0.97
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	12	0.97
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	12	0.97
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	15	0.97
(1,1074)	1:21:A:ASN:HB2	1:56:A:GLY:H	16	0.97
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	2	0.97
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	23	0.97
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	6	0.97
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	11	0.97
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	19	0.97
(1,870)	1:21:A:ASN:H	1:26:A:THR:HA	7	0.97
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	15	0.97
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	15	0.97
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	15	0.97
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	16	0.97
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	16	0.97
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	16	0.97
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	22	0.97
(1,727)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	20	0.97
(1,673)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:H	3	0.97
(1,673)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:H	3	0.97
(1,673)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:H	3	0.97
(1,673)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:H	10	0.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,673)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:H	10	0.97
(1,673)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:H	10	0.97
(1,567)	1:12:A:TYR:H	1:85:A:HIS:H	8	0.97
(1,382)	1:23:A:SER:H	1:25:A:SER:H	6	0.97
(1,382)	1:23:A:SER:H	1:25:A:SER:H	8	0.97
(1,227)	1:11:A:TYR:HB3	1:86:A:PRO:HD3	8	0.97
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB2	14	0.96
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB3	14	0.96
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB2	21	0.96
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB3	21	0.96
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	15	0.96
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	15	0.96
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	15	0.96
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	15	0.96
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	12	0.96
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE1	19	0.96
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE2	19	0.96
(1,1180)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:HB3	8	0.96
(1,1180)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:HB3	8	0.96
(1,1167)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HA	19	0.96
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	11	0.96
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	1	0.96
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	1	0.96
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	1	0.96
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	12	0.96
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	12	0.96
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	12	0.96
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	16	0.96
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	16	0.96
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	16	0.96
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	19	0.96
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	19	0.96
(1,979)	1:95:A:PRO:HG2	1:96:A:MET:H	20	0.96
(1,979)	1:95:A:PRO:HG3	1:96:A:MET:H	20	0.96
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	23	0.96
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	17	0.96
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	17	0.96
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	17	0.96
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	19	0.96
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	19	0.96
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	19	0.96
(1,194)	1:81:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:HD12	14	0.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	16	0.96
(3,1)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:O	9	0.95
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB2	11	0.95
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB3	11	0.95
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	19	0.95
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	19	0.95
(1,1383)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:HA2	5	0.95
(1,1383)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:HA3	5	0.95
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	10	0.95
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	10	0.95
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	23	0.95
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	23	0.95
(1,1318)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HD13	19	0.95
(1,1312)	1:52:A:ARG:HD2	1:53:A:GLU:HB3	1	0.95
(1,1312)	1:52:A:ARG:HD3	1:53:A:GLU:HB3	1	0.95
(1,1270)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HZ3	20	0.95
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	5	0.95
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	12	0.95
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB1	1:62:A:ASN:HD22	18	0.95
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB2	1:62:A:ASN:HD22	18	0.95
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB3	1:62:A:ASN:HD22	18	0.95
(1,1184)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	19	0.95
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	14	0.95
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	14	0.95
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	22	0.95
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	22	0.95
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	22	0.95
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HE1	19	0.95
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HE2	19	0.95
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HE1	19	0.95
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HE2	19	0.95
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HE1	19	0.95
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HE2	19	0.95
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	11	0.95
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	21	0.95
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	21	0.95
(1,994)	1:61:A:GLU:HB2	1:62:A:ASN:HD22	18	0.95
(1,994)	1:61:A:GLU:HB3	1:62:A:ASN:HD22	18	0.95
(1,968)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE21	6	0.95
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG2	2	0.95
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG3	2	0.95
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	23	0.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	18	0.95
(1,740)	1:34:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HD13	16	0.95
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	6	0.95
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	16	0.95
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	16	0.95
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	16	0.95
(1,539)	1:17:A:ILE:HD11	1:56:A:GLY:H	22	0.95
(1,539)	1:17:A:ILE:HD12	1:56:A:GLY:H	22	0.95
(1,539)	1:17:A:ILE:HD13	1:56:A:GLY:H	22	0.95
(1,431)	1:40:A:PHE:H	1:40:A:PHE:HD1	12	0.95
(1,139)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HB	23	0.95
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD2	16	0.95
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD3	16	0.95
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	10	0.95
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG2	1:52:A:ARG:HD2	3	0.94
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG2	1:52:A:ARG:HD3	3	0.94
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG3	1:52:A:ARG:HD2	3	0.94
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG3	1:52:A:ARG:HD3	3	0.94
(1,1306)	1:21:A:ASN:HB2	1:22:A:HIS:HD2	9	0.94
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	19	0.94
(1,1250)	1:78:A:THR:HG21	1:79:A:PHE:HZ	23	0.94
(1,1250)	1:78:A:THR:HG22	1:79:A:PHE:HZ	23	0.94
(1,1250)	1:78:A:THR:HG23	1:79:A:PHE:HZ	23	0.94
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE1	14	0.94
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE2	14	0.94
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	2	0.94
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	21	0.94
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	21	0.94
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	21	0.94
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	1	0.94
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	1	0.94
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	20	0.94
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	20	0.94
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG2	1	0.94
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG3	1	0.94
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG2	12	0.94
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG3	12	0.94
(1,856)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:H	6	0.94
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	10	0.94
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	16	0.94
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	17	0.94
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	10	0.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	10	0.94
(1,440)	1:12:A:TYR:HD1	1:82:A:GLY:H	12	0.94
(1,440)	1:12:A:TYR:HD2	1:82:A:GLY:H	12	0.94
(1,382)	1:23:A:SER:H	1:25:A:SER:H	9	0.94
(1,1505)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:HG2	14	0.93
(1,1505)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:HG3	14	0.93
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB2	7	0.93
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB3	7	0.93
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	19	0.93
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	19	0.93
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	19	0.93
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	19	0.93
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	19	0.93
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	19	0.93
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	13	0.93
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	13	0.93
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG11	20	0.93
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG12	20	0.93
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG13	20	0.93
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	2	0.93
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	2	0.93
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	9	0.93
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE1	19	0.93
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE2	19	0.93
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG21	1:85:A:HIS:H	8	0.93
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG22	1:85:A:HIS:H	8	0.93
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG23	1:85:A:HIS:H	8	0.93
(1,936)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	14	0.93
(1,936)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	14	0.93
(1,936)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	14	0.93
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	20	0.93
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	6	0.93
(1,870)	1:21:A:ASN:H	1:26:A:THR:HA	6	0.93
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	21	0.93
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	9	0.93
(1,740)	1:34:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HD13	19	0.93
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	22	0.93
(1,697)	1:81:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:H	8	0.93
(1,570)	1:85:A:HIS:HB3	1:89:A:ARG:H	8	0.93
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	4	0.93
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	11	0.93
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	11	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,287)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HB	6	0.93
(1,194)	1:81:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:HD12	3	0.93
(1,159)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HB3	12	0.93
(1,159)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HB3	12	0.93
(1,159)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HB3	12	0.93
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	12	0.93
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	23	0.93
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD11	1:58:A:ASP:H	8	0.92
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD12	1:58:A:ASP:H	8	0.92
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD13	1:58:A:ASP:H	8	0.92
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD21	1:58:A:ASP:H	8	0.92
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD22	1:58:A:ASP:H	8	0.92
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD23	1:58:A:ASP:H	8	0.92
(1,1337)	1:30:A:LEU:HG	1:60:A:THR:HA	14	0.92
(1,1323)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:HA2	1	0.92
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD2	19	0.92
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD3	19	0.92
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD2	19	0.92
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD3	19	0.92
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD2	19	0.92
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD3	19	0.92
(1,1303)	1:22:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	13	0.92
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	22	0.92
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	8	0.92
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	18	0.92
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE1	3	0.92
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE2	3	0.92
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	17	0.92
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	13	0.92
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	13	0.92
(1,1093)	1:78:A:THR:H	1:80:A:ILE:HG21	14	0.92
(1,953)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HA	21	0.92
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	6	0.92
(1,740)	1:34:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HD13	15	0.92
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE2	11	0.92
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE3	11	0.92
(1,673)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:H	6	0.92
(1,673)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:H	6	0.92
(1,673)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:H	6	0.92
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	16	0.92
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	16	0.92
(1,194)	1:81:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:HD12	16	0.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,194)	1:81:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:HD12	17	0.92
(1,139)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HB	16	0.92
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	2	0.91
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	21	0.91
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	2	0.91
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	21	0.91
(1,1456)	1:31:A:HIS:HE1	1:64:A:GLU:HB2	14	0.91
(1,1456)	1:31:A:HIS:HE1	1:64:A:GLU:HB3	14	0.91
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB2	10	0.91
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB3	10	0.91
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	13	0.91
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	13	0.91
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	13	0.91
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	13	0.91
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	13	0.91
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	13	0.91
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	9	0.91
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	9	0.91
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	9	0.91
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	9	0.91
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	9	0.91
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	9	0.91
(1,1264)	1:27:A:TRP:HZ3	1:81:A:ILE:HD12	13	0.91
(1,1201)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:HA3	8	0.91
(1,1201)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:HA3	8	0.91
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD1	18	0.91
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD2	18	0.91
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:H	6	0.91
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:H	6	0.91
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:H	6	0.91
(1,1065)	1:15:A:GLU:H	1:16:A:GLU:HB3	1	0.91
(1,1047)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HE2	2	0.91
(1,1047)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HE3	2	0.91
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	17	0.91
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	17	0.91
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	12	0.91
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	12	0.91
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	2	0.91
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	2	0.91
(1,985)	1:41:A:LEU:HD21	1:52:A:ARG:H	19	0.91
(1,985)	1:41:A:LEU:HD22	1:52:A:ARG:H	19	0.91
(1,985)	1:41:A:LEU:HD23	1:52:A:ARG:H	19	0.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG2	7	0.91
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG3	7	0.91
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	9	0.91
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	17	0.91
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	3	0.91
(1,711)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HD12	8	0.91
(1,697)	1:81:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:H	14	0.91
(1,431)	1:40:A:PHE:H	1:40:A:PHE:HD1	3	0.91
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	22	0.91
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	22	0.91
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	22	0.91
(1,1456)	1:31:A:HIS:HE1	1:64:A:GLU:HB2	5	0.9
(1,1456)	1:31:A:HIS:HE1	1:64:A:GLU:HB3	5	0.9
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	7	0.9
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	7	0.9
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	5	0.9
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	5	0.9
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:HA	19	0.9
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:HA	19	0.9
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:HA	19	0.9
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:HA	19	0.9
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:HA	19	0.9
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:HA	19	0.9
(1,1224)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HZ3	4	0.9
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE1	6	0.9
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE2	6	0.9
(1,1202)	1:30:A:LEU:HA	1:31:A:HIS:HD2	16	0.9
(1,1167)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HA	13	0.9
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	20	0.9
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	20	0.9
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	20	0.9
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	9	0.9
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	9	0.9
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	12	0.9
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	12	0.9
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	14	0.9
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	22	0.9
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	4	0.9
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	6	0.9
(1,711)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HD12	17	0.9
(1,555)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:HB2	10	0.9
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	13	0.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,274)	1:42:A:GLU:HB2	1:48:A:GLU:HB3	7	0.9
(1,194)	1:81:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:HD12	5	0.9
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	20	0.9
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	14	0.9
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	14	0.9
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG21	14	0.89
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG22	14	0.89
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG23	14	0.89
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG21	14	0.89
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG22	14	0.89
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG23	14	0.89
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG21	14	0.89
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG22	14	0.89
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG23	14	0.89
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG21	14	0.89
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG22	14	0.89
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG23	14	0.89
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG21	14	0.89
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG22	14	0.89
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG23	14	0.89
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG21	14	0.89
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG22	14	0.89
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG23	14	0.89
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD11	1:57:A:GLY:H	23	0.89
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD12	1:57:A:GLY:H	23	0.89
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD13	1:57:A:GLY:H	23	0.89
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD21	1:57:A:GLY:H	23	0.89
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD22	1:57:A:GLY:H	23	0.89
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD23	1:57:A:GLY:H	23	0.89
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HD2	15	0.89
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HD3	15	0.89
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HD2	15	0.89
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HD3	15	0.89
(1,1330)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:HA	23	0.89
(1,1330)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:HA	23	0.89
(1,1330)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:HA	23	0.89
(1,1323)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:HA2	7	0.89
(1,1323)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:HA2	12	0.89
(1,1321)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	8	0.89
(1,1224)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HZ3	20	0.89
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:HA2	11	0.89
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:HA2	11	0.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:HA2	12	0.89
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:HA2	12	0.89
(1,1184)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	5	0.89
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	11	0.89
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	11	0.89
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	8	0.89
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	8	0.89
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	4	0.89
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG2	2	0.89
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG3	2	0.89
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG2	20	0.89
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG3	20	0.89
(1,872)	1:21:A:ASN:H	1:27:A:TRP:H	21	0.89
(1,547)	1:13:A:THR:H	1:16:A:GLU:HB2	7	0.89
(1,431)	1:40:A:PHE:H	1:40:A:PHE:HD1	8	0.89
(1,194)	1:81:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:HD12	4	0.89
(1,194)	1:81:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:HD12	23	0.89
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	8	0.89
(3,31)	1:57:A:GLY:H	1:54:A:GLN:O	23	0.88
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	5	0.88
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	12	0.88
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	5	0.88
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	12	0.88
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG2	8	0.88
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG3	8	0.88
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG2	8	0.88
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG3	8	0.88
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG2	8	0.88
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG3	8	0.88
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	8	0.88
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	8	0.88
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD11	1:17:A:ILE:HB	14	0.88
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD12	1:17:A:ILE:HB	14	0.88
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD13	1:17:A:ILE:HB	14	0.88
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD21	1:17:A:ILE:HB	14	0.88
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD22	1:17:A:ILE:HB	14	0.88
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD23	1:17:A:ILE:HB	14	0.88
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	10	0.88
(1,1245)	1:17:A:ILE:HA	1:27:A:TRP:HH2	13	0.88
(1,1202)	1:30:A:LEU:HA	1:31:A:HIS:HD2	3	0.88
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE1	3	0.88
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE2	3	0.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	15	0.88
(1,1124)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB3	19	0.88
(1,1102)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:H	1	0.88
(1,1047)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HE2	17	0.88
(1,1047)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HE3	17	0.88
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	20	0.88
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	20	0.88
(1,988)	1:33:A:LYS:H	1:83:A:GLU:HA	22	0.88
(1,953)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HA	7	0.88
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	4	0.88
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	13	0.88
(1,872)	1:21:A:ASN:H	1:27:A:TRP:H	11	0.88
(1,793)	1:35:A:TYR:HB3	1:80:A:ILE:H	9	0.88
(1,539)	1:17:A:ILE:HD11	1:56:A:GLY:H	7	0.88
(1,539)	1:17:A:ILE:HD12	1:56:A:GLY:H	7	0.88
(1,539)	1:17:A:ILE:HD13	1:56:A:GLY:H	7	0.88
(1,494)	1:12:A:TYR:H	1:84:A:LEU:HA	10	0.88
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	13	0.88
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	13	0.88
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	13	0.88
(1,159)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HB3	6	0.88
(1,159)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HB3	6	0.88
(1,159)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HB3	6	0.88
(1,139)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HB	20	0.88
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	13	0.88
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB2	13	0.87
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB3	13	0.87
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB2	6	0.87
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB3	6	0.87
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	19	0.87
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	19	0.87
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	19	0.87
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	7	0.87
(1,1229)	1:78:A:THR:HG21	1:79:A:PHE:HE1	3	0.87
(1,1229)	1:78:A:THR:HG21	1:79:A:PHE:HE2	3	0.87
(1,1229)	1:78:A:THR:HG22	1:79:A:PHE:HE1	3	0.87
(1,1229)	1:78:A:THR:HG22	1:79:A:PHE:HE2	3	0.87
(1,1229)	1:78:A:THR:HG23	1:79:A:PHE:HE1	3	0.87
(1,1229)	1:78:A:THR:HG23	1:79:A:PHE:HE2	3	0.87
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE1	19	0.87
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE2	19	0.87
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG2	1:19:A:LYS:H	17	0.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG3	1:19:A:LYS:H	17	0.87
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	15	0.87
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	18	0.87
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	19	0.87
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	9	0.87
(1,770)	1:49:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:H	17	0.87
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE2	3	0.87
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE3	3	0.87
(1,608)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	9	0.87
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	4	0.87
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	4	0.87
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	4	0.87
(1,539)	1:17:A:ILE:HD11	1:56:A:GLY:H	10	0.87
(1,539)	1:17:A:ILE:HD12	1:56:A:GLY:H	10	0.87
(1,539)	1:17:A:ILE:HD13	1:56:A:GLY:H	10	0.87
(1,287)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HB	20	0.87
(1,194)	1:81:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:HD12	6	0.87
(1,194)	1:81:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:HD12	10	0.87
(1,194)	1:81:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:HD12	20	0.87
(1,159)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HB3	11	0.87
(1,159)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HB3	11	0.87
(1,159)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HB3	11	0.87
(1,139)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HB	5	0.87
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD2	21	0.87
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD3	21	0.87
(1,16)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HA	18	0.87
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	1	0.86
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	1	0.86
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB2	9	0.86
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB3	9	0.86
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	6	0.86
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	6	0.86
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB2	9	0.86
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB3	9	0.86
(1,1323)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:HA2	10	0.86
(1,1306)	1:21:A:ASN:HB2	1:22:A:HIS:HD2	5	0.86
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	22	0.86
(1,1264)	1:27:A:TRP:HZ3	1:81:A:ILE:HD12	20	0.86
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	20	0.86
(1,1221)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	13	0.86
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD1	19	0.86
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD2	19	0.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1134)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HA	16	0.86
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	11	0.86
(1,1070)	1:53:A:GLU:HG2	1:54:A:GLN:HE21	17	0.86
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD11	1:20:A:HIS:H	3	0.86
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD12	1:20:A:HIS:H	3	0.86
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD13	1:20:A:HIS:H	3	0.86
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	16	0.86
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	18	0.86
(1,870)	1:21:A:ASN:H	1:26:A:THR:HA	20	0.86
(1,710)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HG22	11	0.86
(1,612)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HE2	2	0.86
(1,612)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HE3	2	0.86
(1,555)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:HB2	12	0.86
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	6	0.86
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	14	0.86
(1,194)	1:81:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:HD12	11	0.86
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	15	0.85
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	15	0.85
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	23	0.85
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	23	0.85
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	23	0.85
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	23	0.85
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	23	0.85
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	23	0.85
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	6	0.85
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	6	0.85
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	15	0.85
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	15	0.85
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	6	0.85
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	6	0.85
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	6	0.85
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	6	0.85
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	22	0.85
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	22	0.85
(1,1318)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HD13	5	0.85
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	5	0.85
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	5	0.85
(1,1193)	1:78:A:THR:HG21	1:79:A:PHE:HD1	3	0.85
(1,1193)	1:78:A:THR:HG21	1:79:A:PHE:HD2	3	0.85
(1,1193)	1:78:A:THR:HG22	1:79:A:PHE:HD1	3	0.85
(1,1193)	1:78:A:THR:HG22	1:79:A:PHE:HD2	3	0.85
(1,1193)	1:78:A:THR:HG23	1:79:A:PHE:HD1	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1193)	1:78:A:THR:HG23	1:79:A:PHE:HD2	3	0.85
(1,1167)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HA	3	0.85
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	9	0.85
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD1	1:81:A:ILE:HD12	14	0.85
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD2	1:81:A:ILE:HD12	14	0.85
(1,1134)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HA	21	0.85
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	17	0.85
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG2	1:19:A:LYS:H	4	0.85
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG3	1:19:A:LYS:H	4	0.85
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	17	0.85
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	8	0.85
(1,911)	1:26:A:THR:HG21	1:56:A:GLY:H	10	0.85
(1,911)	1:26:A:THR:HG22	1:56:A:GLY:H	10	0.85
(1,911)	1:26:A:THR:HG23	1:56:A:GLY:H	10	0.85
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	10	0.85
(1,872)	1:21:A:ASN:H	1:27:A:TRP:H	10	0.85
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	2	0.85
(1,431)	1:40:A:PHE:H	1:40:A:PHE:HD1	10	0.85
(1,194)	1:81:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:HD12	7	0.85
(1,194)	1:81:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:HD12	15	0.85
(1,15)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HA	8	0.85
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	19	0.84
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	19	0.84
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB2	23	0.84
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB3	23	0.84
(1,1347)	1:11:A:TYR:HB3	1:86:A:PRO:HD2	8	0.84
(1,1347)	1:11:A:TYR:HB3	1:86:A:PRO:HD3	8	0.84
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	21	0.84
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	21	0.84
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	21	0.84
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	7	0.84
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	7	0.84
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE1	8	0.84
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE2	8	0.84
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE1	14	0.84
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE2	14	0.84
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE1	23	0.84
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE2	23	0.84
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	18	0.84
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	5	0.84
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	6	0.84
(1,1156)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	4	0.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1156)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	4	0.84
(1,1156)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	4	0.84
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	23	0.84
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	23	0.84
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	6	0.84
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	6	0.84
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	6	0.84
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	21	0.84
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	10	0.84
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	14	0.84
(1,911)	1:26:A:THR:HG21	1:56:A:GLY:H	6	0.84
(1,911)	1:26:A:THR:HG22	1:56:A:GLY:H	6	0.84
(1,911)	1:26:A:THR:HG23	1:56:A:GLY:H	6	0.84
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	20	0.84
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG2	16	0.84
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG3	16	0.84
(1,793)	1:35:A:TYR:HB3	1:80:A:ILE:H	1	0.84
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE2	17	0.84
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE3	17	0.84
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD1	23	0.84
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD2	23	0.84
(1,711)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HD12	1	0.84
(1,543)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:HG13	10	0.84
(1,432)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HD2	6	0.84
(1,431)	1:40:A:PHE:H	1:40:A:PHE:HD1	9	0.84
(1,241)	1:75:A:LEU:HG	1:78:A:THR:HB	20	0.84
(1,194)	1:81:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:HD12	9	0.84
(1,194)	1:81:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:HD12	18	0.84
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	23	0.84
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	23	0.84
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	23	0.84
(1,159)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HB3	15	0.84
(1,159)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HB3	15	0.84
(1,159)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HB3	15	0.84
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG2	23	0.84
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG3	23	0.84
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG2	23	0.84
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG3	23	0.84
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG2	23	0.84
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG3	23	0.84
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG2	13	0.84
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG3	13	0.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	15	0.83
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	15	0.83
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	15	0.83
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	15	0.83
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	15	0.83
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	15	0.83
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	23	0.83
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	23	0.83
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB2	18	0.83
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB3	18	0.83
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:H	20	0.83
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:H	20	0.83
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:H	20	0.83
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	20	0.83
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	20	0.83
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	20	0.83
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	8	0.83
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	8	0.83
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	8	0.83
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	8	0.83
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	8	0.83
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	8	0.83
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HD2	13	0.83
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HD3	13	0.83
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HD2	13	0.83
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HD3	13	0.83
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	8	0.83
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	8	0.83
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	8	0.83
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	4	0.83
(1,1264)	1:27:A:TRP:HZ3	1:81:A:ILE:HD12	19	0.83
(1,1245)	1:17:A:ILE:HA	1:27:A:TRP:HH2	23	0.83
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD1	1:81:A:ILE:HD12	12	0.83
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD2	1:81:A:ILE:HD12	12	0.83
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	18	0.83
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	19	0.83
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	21	0.83
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	21	0.83
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	9	0.83
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG2	9	0.83
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG3	9	0.83
(1,911)	1:26:A:THR:HG21	1:56:A:GLY:H	16	0.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,911)	1:26:A:THR:HG22	1:56:A:GLY:H	16	0.83
(1,911)	1:26:A:THR:HG23	1:56:A:GLY:H	16	0.83
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	12	0.83
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	19	0.83
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	10	0.83
(1,858)	1:12:A:TYR:HE1	1:13:A:THR:H	2	0.83
(1,858)	1:12:A:TYR:HE2	1:13:A:THR:H	2	0.83
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	19	0.83
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	19	0.83
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	19	0.83
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG2	13	0.83
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG3	13	0.83
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	15	0.83
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE2	5	0.83
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE3	5	0.83
(1,711)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HD12	3	0.83
(1,697)	1:81:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:H	2	0.83
(1,602)	1:22:A:HIS:HB2	1:25:A:SER:H	4	0.83
(1,539)	1:17:A:ILE:HD11	1:56:A:GLY:H	19	0.83
(1,539)	1:17:A:ILE:HD12	1:56:A:GLY:H	19	0.83
(1,539)	1:17:A:ILE:HD13	1:56:A:GLY:H	19	0.83
(1,431)	1:40:A:PHE:H	1:40:A:PHE:HD1	13	0.83
(1,194)	1:81:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:HD12	22	0.83
(1,158)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG2	23	0.83
(1,158)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG2	23	0.83
(1,158)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG2	23	0.83
(1,158)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG3	23	0.83
(1,158)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG3	23	0.83
(1,158)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG3	23	0.83
(1,139)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HB	19	0.83
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG2	11	0.83
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG3	11	0.83
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	9	0.83
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	16	0.83
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD2	18	0.83
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD3	18	0.83
(3,9)	1:70:A:THR:O	1:74:A:GLU:H	12	0.82
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD2	10	0.82
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD3	10	0.82
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	4	0.82
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	4	0.82
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	4	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE1	12	0.82
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE2	12	0.82
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE1	12	0.82
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE2	12	0.82
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE1	12	0.82
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE2	12	0.82
(1,1240)	1:13:A:THR:HA	1:85:A:HIS:HD2	15	0.82
(1,1227)	1:37:A:LEU:HA	1:40:A:PHE:HD1	2	0.82
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE1	1:81:A:ILE:HD12	1	0.82
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE2	1:81:A:ILE:HD12	1	0.82
(1,1134)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HA	9	0.82
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	4	0.82
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	4	0.82
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	1	0.82
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	7	0.82
(1,1062)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:HB2	13	0.82
(1,1036)	1:17:A:ILE:H	1:18:A:LYS:HG2	13	0.82
(1,1036)	1:17:A:ILE:H	1:18:A:LYS:HG3	13	0.82
(1,953)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HA	15	0.82
(1,953)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HA	16	0.82
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	5	0.82
(1,770)	1:49:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:H	2	0.82
(1,432)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HD2	3	0.82
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	16	0.82
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	16	0.82
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	16	0.82
(1,194)	1:81:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:HD12	2	0.82
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	6	0.82
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD2	11	0.82
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD3	11	0.82
(1,15)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HA	10	0.82
(1,1505)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:HG2	22	0.81
(1,1505)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:HG3	22	0.81
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB2	16	0.81
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB3	16	0.81
(1,1472)	1:40:A:PHE:HD1	1:43:A:GLU:HB2	22	0.81
(1,1472)	1:40:A:PHE:HD1	1:43:A:GLU:HB3	22	0.81
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	5	0.81
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	5	0.81
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	11	0.81
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	11	0.81
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD11	1:58:A:ASP:H	13	0.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD12	1:58:A:ASP:H	13	0.81
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD13	1:58:A:ASP:H	13	0.81
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD21	1:58:A:ASP:H	13	0.81
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD22	1:58:A:ASP:H	13	0.81
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD23	1:58:A:ASP:H	13	0.81
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	4	0.81
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	4	0.81
(1,1323)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:HA2	2	0.81
(1,1303)	1:22:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	5	0.81
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	9	0.81
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:HA2	17	0.81
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:HA2	17	0.81
(1,1167)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HA	4	0.81
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	11	0.81
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	11	0.81
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	6	0.81
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	6	0.81
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	6	0.81
(1,1114)	1:25:A:SER:H	1:26:A:THR:HB	10	0.81
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	22	0.81
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	22	0.81
(1,1074)	1:21:A:ASN:HB2	1:56:A:GLY:H	13	0.81
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	18	0.81
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:H	22	0.81
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:H	22	0.81
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:H	22	0.81
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG21	1:85:A:HIS:H	22	0.81
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG22	1:85:A:HIS:H	22	0.81
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG23	1:85:A:HIS:H	22	0.81
(1,911)	1:26:A:THR:HG21	1:56:A:GLY:H	18	0.81
(1,911)	1:26:A:THR:HG22	1:56:A:GLY:H	18	0.81
(1,911)	1:26:A:THR:HG23	1:56:A:GLY:H	18	0.81
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	8	0.81
(1,868)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:HB2	21	0.81
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	13	0.81
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	13	0.81
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	13	0.81
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	21	0.81
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	15	0.81
(1,729)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	21	0.81
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	16	0.81
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	16	0.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,274)	1:42:A:GLU:HB2	1:48:A:GLU:HB3	11	0.81
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	10	0.81
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	10	0.81
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	10	0.81
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	5	0.81
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB1	3	0.81
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB2	3	0.81
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB3	3	0.81
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB2	2	0.8
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB3	2	0.8
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	14	0.8
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	14	0.8
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	14	0.8
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	14	0.8
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	14	0.8
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	14	0.8
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HB	14	0.8
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HB	14	0.8
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HB	14	0.8
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HB	14	0.8
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HB	14	0.8
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HB	14	0.8
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	20	0.8
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	20	0.8
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	20	0.8
(1,1321)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	14	0.8
(1,1268)	1:16:A:GLU:HB3	1:27:A:TRP:HZ3	7	0.8
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	11	0.8
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	7	0.8
(1,1188)	1:30:A:LEU:HB2	1:31:A:HIS:HD2	21	0.8
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	16	0.8
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	16	0.8
(1,1124)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB3	10	0.8
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD22	5	0.8
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD21	5	0.8
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	6	0.8
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	13	0.8
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	13	0.8
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	13	0.8
(1,1031)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	7	0.8
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	1	0.8
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	1	0.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	3	0.8
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	7	0.8
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	3	0.8
(1,762)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:H	19	0.8
(1,762)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:H	19	0.8
(1,762)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:H	19	0.8
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	16	0.8
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD1	2	0.8
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD2	2	0.8
(1,711)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HD12	21	0.8
(1,673)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:H	11	0.8
(1,673)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:H	11	0.8
(1,673)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:H	11	0.8
(1,608)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	23	0.8
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	11	0.8
(1,128)	1:48:A:GLU:HG2	1:50:A:VAL:H	23	0.8
(1,128)	1:48:A:GLU:HG3	1:50:A:VAL:H	23	0.8
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	2	0.8
(1,1515)	1:64:A:GLU:HG2	1:65:A:ASP:H	22	0.79
(1,1515)	1:64:A:GLU:HG3	1:65:A:ASP:H	22	0.79
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	10	0.79
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	10	0.79
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	18	0.79
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	18	0.79
(1,1330)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:HA	16	0.79
(1,1330)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:HA	16	0.79
(1,1330)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:HA	16	0.79
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	2	0.79
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB1	1:62:A:ASN:HD22	6	0.79
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB2	1:62:A:ASN:HD22	6	0.79
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB3	1:62:A:ASN:HD22	6	0.79
(1,1232)	1:35:A:TYR:HB2	1:79:A:PHE:HD1	1	0.79
(1,1232)	1:35:A:TYR:HB2	1:79:A:PHE:HD2	1	0.79
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE1	16	0.79
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE2	16	0.79
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	20	0.79
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	22	0.79
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	23	0.79
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	6	0.79
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB1	21	0.79
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB2	21	0.79
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB3	21	0.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,877)	1:22:A:HIS:HB3	1:25:A:SER:H	16	0.79
(1,868)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:HB2	23	0.79
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	20	0.79
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	20	0.79
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	20	0.79
(1,769)	1:48:A:GLU:HG2	1:52:A:ARG:H	23	0.79
(1,769)	1:48:A:GLU:HG3	1:52:A:ARG:H	23	0.79
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE2	14	0.79
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE3	14	0.79
(1,608)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	11	0.79
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	9	0.79
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	9	0.79
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	9	0.79
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	15	0.79
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	3	0.79
(1,1264)	1:27:A:TRP:HZ3	1:81:A:ILE:HD12	22	0.78
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	13	0.78
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG11	10	0.78
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG12	10	0.78
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG13	10	0.78
(1,1239)	1:12:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	22	0.78
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG2	1:40:A:PHE:HD1	16	0.78
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG3	1:40:A:PHE:HD1	16	0.78
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD1	21	0.78
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD2	21	0.78
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD1	22	0.78
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD2	22	0.78
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE1	1:81:A:ILE:HD12	11	0.78
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE2	1:81:A:ILE:HD12	11	0.78
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HD1	22	0.78
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HD2	22	0.78
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HD1	22	0.78
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HD2	22	0.78
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HD1	22	0.78
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HD2	22	0.78
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	13	0.78
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	13	0.78
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	5	0.78
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	22	0.78
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG2	9	0.78
(1,937)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HG3	9	0.78
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	17	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	16	0.78
(1,872)	1:21:A:ASN:H	1:27:A:TRP:H	20	0.78
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	18	0.78
(1,722)	1:24:A:LYS:HD2	1:25:A:SER:H	6	0.78
(1,722)	1:24:A:LYS:HD3	1:25:A:SER:H	6	0.78
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	7	0.78
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	7	0.78
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	7	0.78
(1,1516)	1:64:A:GLU:HG2	1:65:A:ASP:HA	5	0.77
(1,1516)	1:64:A:GLU:HG3	1:65:A:ASP:HA	5	0.77
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	20	0.77
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	20	0.77
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	20	0.77
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	20	0.77
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	20	0.77
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	20	0.77
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD11	1:61:A:GLU:H	12	0.77
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD12	1:61:A:GLU:H	12	0.77
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD13	1:61:A:GLU:H	12	0.77
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD21	1:61:A:GLU:H	12	0.77
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD22	1:61:A:GLU:H	12	0.77
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD23	1:61:A:GLU:H	12	0.77
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	3	0.77
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	3	0.77
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	16	0.77
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	16	0.77
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:H	5	0.77
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:H	5	0.77
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:H	5	0.77
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	5	0.77
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	5	0.77
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	5	0.77
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:H	11	0.77
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:H	11	0.77
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:H	11	0.77
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	11	0.77
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	11	0.77
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	11	0.77
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	9	0.77
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	9	0.77
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	11	0.77
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	11	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE1	11	0.77
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE2	11	0.77
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE1	11	0.77
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE2	11	0.77
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE1	11	0.77
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE2	11	0.77
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	10	0.77
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG11	8	0.77
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG12	8	0.77
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG13	8	0.77
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	9	0.77
(1,1224)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HZ3	12	0.77
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE1	5	0.77
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE2	5	0.77
(1,1188)	1:30:A:LEU:HB2	1:31:A:HIS:HD2	23	0.77
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD1	19	0.77
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD2	19	0.77
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	23	0.77
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	23	0.77
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE1	1:81:A:ILE:HD12	19	0.77
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE2	1:81:A:ILE:HD12	19	0.77
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD1	1:81:A:ILE:HD12	22	0.77
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD2	1:81:A:ILE:HD12	22	0.77
(1,1134)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HA	4	0.77
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	7	0.77
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	7	0.77
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD22	4	0.77
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD21	4	0.77
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:H	19	0.77
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:H	19	0.77
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:H	19	0.77
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	8	0.77
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	19	0.77
(1,1004)	1:11:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HD2	9	0.77
(1,979)	1:95:A:PRO:HG2	1:96:A:MET:H	21	0.77
(1,979)	1:95:A:PRO:HG3	1:96:A:MET:H	21	0.77
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	1	0.77
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	13	0.77
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	11	0.77
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	17	0.77
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG2	4	0.77
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG3	4	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,729)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	20	0.77
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	17	0.77
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	17	0.77
(1,433)	1:22:A:HIS:H	1:22:A:HIS:HD2	10	0.77
(1,432)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HD2	7	0.77
(1,393)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	22	0.77
(1,376)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:H	5	0.77
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	3	0.77
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	3	0.77
(1,139)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HB	11	0.77
(1,139)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HB	14	0.77
(1,70)	1:54:A:GLN:HG3	1:59:A:ALA:HA	14	0.77
(1,1466)	1:37:A:LEU:HB2	1:79:A:PHE:HD1	11	0.76
(1,1466)	1:37:A:LEU:HB2	1:79:A:PHE:HD2	11	0.76
(1,1466)	1:37:A:LEU:HB3	1:79:A:PHE:HD1	11	0.76
(1,1466)	1:37:A:LEU:HB3	1:79:A:PHE:HD2	11	0.76
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD11	1:61:A:GLU:H	8	0.76
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD12	1:61:A:GLU:H	8	0.76
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD13	1:61:A:GLU:H	8	0.76
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD21	1:61:A:GLU:H	8	0.76
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD22	1:61:A:GLU:H	8	0.76
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD23	1:61:A:GLU:H	8	0.76
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG21	12	0.76
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG22	12	0.76
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG23	12	0.76
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG21	12	0.76
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG22	12	0.76
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG23	12	0.76
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG21	12	0.76
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG22	12	0.76
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG23	12	0.76
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG21	12	0.76
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG22	12	0.76
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG23	12	0.76
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG21	12	0.76
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG22	12	0.76
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG23	12	0.76
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG21	12	0.76
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG22	12	0.76
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG23	12	0.76
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	20	0.76
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	20	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	7	0.76
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	16	0.76
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	9	0.76
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE1	3	0.76
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE2	3	0.76
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD1	1:86:A:PRO:HD2	14	0.76
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD2	1:86:A:PRO:HD2	14	0.76
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	4	0.76
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	4	0.76
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	4	0.76
(1,1124)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB3	22	0.76
(1,1109)	1:16:A:GLU:HB3	1:18:A:LYS:H	2	0.76
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	7	0.76
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	20	0.76
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	21	0.76
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:H	22	0.76
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:H	22	0.76
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:H	22	0.76
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG2	12	0.76
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG3	12	0.76
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	4	0.76
(1,697)	1:81:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:H	15	0.76
(1,608)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	10	0.76
(1,602)	1:22:A:HIS:HB2	1:25:A:SER:H	16	0.76
(1,474)	1:9:A:VAL:HG21	1:10:A:LYS:H	3	0.76
(1,474)	1:9:A:VAL:HG22	1:10:A:LYS:H	3	0.76
(1,474)	1:9:A:VAL:HG23	1:10:A:LYS:H	3	0.76
(1,433)	1:22:A:HIS:H	1:22:A:HIS:HD2	13	0.76
(1,376)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:H	3	0.76
(1,375)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:H	16	0.76
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	13	0.76
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	13	0.76
(1,276)	1:42:A:GLU:HB3	1:48:A:GLU:HB3	4	0.76
(1,267)	1:33:A:LYS:HG2	1:83:A:GLU:HA	14	0.76
(1,267)	1:33:A:LYS:HG3	1:83:A:GLU:HA	14	0.76
(1,209)	1:14:A:LEU:HA	1:17:A:ILE:HB	22	0.76
(1,121)	1:79:A:PHE:HA	1:81:A:ILE:HG23	20	0.76
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	23	0.76
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG12	1:33:A:LYS:H	15	0.75
(1,1434)	1:29:A:ILE:HG13	1:33:A:LYS:H	15	0.75
(1,1378)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	5	0.75
(1,1378)	1:20:A:HIS:HB3	1:22:A:HIS:H	5	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HD2	14	0.75
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HD3	14	0.75
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HD2	14	0.75
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HD3	14	0.75
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG2	23	0.75
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG3	23	0.75
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG2	23	0.75
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG3	23	0.75
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD2	17	0.75
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD3	17	0.75
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD2	17	0.75
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD3	17	0.75
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD2	17	0.75
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD3	17	0.75
(1,1303)	1:22:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	7	0.75
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	6	0.75
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	17	0.75
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	19	0.75
(1,1224)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HZ3	15	0.75
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE1	19	0.75
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE2	19	0.75
(1,1188)	1:30:A:LEU:HB2	1:31:A:HIS:HD2	10	0.75
(1,1148)	1:30:A:LEU:HB3	1:31:A:HIS:HD2	8	0.75
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	14	0.75
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	14	0.75
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	15	0.75
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	15	0.75
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	10	0.75
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	10	0.75
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	10	0.75
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	21	0.75
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	15	0.75
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	12	0.75
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	6	0.75
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	6	0.75
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	6	0.75
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG2	23	0.75
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG3	23	0.75
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB1	17	0.75
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB2	17	0.75
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB3	17	0.75
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	3	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,722)	1:24:A:LYS:HD2	1:25:A:SER:H	20	0.75
(1,722)	1:24:A:LYS:HD3	1:25:A:SER:H	20	0.75
(1,711)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HD12	19	0.75
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	6	0.75
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	6	0.75
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	14	0.75
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	14	0.75
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	14	0.75
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	1	0.75
(1,193)	1:36:A:ASP:HB3	1:81:A:ILE:HG22	17	0.75
(1,158)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG2	20	0.75
(1,158)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG2	20	0.75
(1,158)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG2	20	0.75
(1,158)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG3	20	0.75
(1,158)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG3	20	0.75
(1,158)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG3	20	0.75
(1,156)	1:41:A:LEU:HB2	1:48:A:GLU:HB2	23	0.75
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	19	0.75
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	23	0.75
(1,126)	1:48:A:GLU:HG2	1:51:A:LEU:H	23	0.75
(1,126)	1:48:A:GLU:HG3	1:51:A:LEU:H	23	0.75
(1,124)	1:48:A:GLU:HG2	1:49:A:GLU:HA	23	0.75
(1,124)	1:48:A:GLU:HG3	1:49:A:GLU:HA	23	0.75
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	23	0.74
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	23	0.74
(1,1515)	1:64:A:GLU:HG2	1:65:A:ASP:H	12	0.74
(1,1515)	1:64:A:GLU:HG3	1:65:A:ASP:H	12	0.74
(1,1378)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	3	0.74
(1,1378)	1:20:A:HIS:HB3	1:22:A:HIS:H	3	0.74
(1,1337)	1:30:A:LEU:HG	1:60:A:THR:HA	20	0.74
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB1	1:62:A:ASN:HD22	20	0.74
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB2	1:62:A:ASN:HD22	20	0.74
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB3	1:62:A:ASN:HD22	20	0.74
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE1	1	0.74
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE2	1	0.74
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	21	0.74
(1,1173)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD2	9	0.74
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE1	18	0.74
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE2	18	0.74
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	17	0.74
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	17	0.74
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	18	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	23	0.74
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HD1	19	0.74
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HD2	19	0.74
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HD1	19	0.74
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HD2	19	0.74
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HD1	19	0.74
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HD2	19	0.74
(1,1145)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HG21	13	0.74
(1,1145)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HG22	13	0.74
(1,1145)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HG23	13	0.74
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	7	0.74
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	7	0.74
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	9	0.74
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	9	0.74
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	19	0.74
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	19	0.74
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	9	0.74
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	13	0.74
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	7	0.74
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	11	0.74
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:H	3	0.74
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:H	3	0.74
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:H	3	0.74
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG2	10	0.74
(1,935)	1:85:A:HIS:H	1:89:A:ARG:HG3	10	0.74
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	6	0.74
(1,853)	1:12:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HA	14	0.74
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	19	0.74
(1,737)	1:33:A:LYS:HG2	1:34:A:VAL:H	22	0.74
(1,737)	1:33:A:LYS:HG3	1:34:A:VAL:H	22	0.74
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG21	11	0.74
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG22	11	0.74
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG23	11	0.74
(1,612)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HE2	3	0.74
(1,612)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HE3	3	0.74
(1,570)	1:85:A:HIS:HB3	1:89:A:ARG:H	13	0.74
(1,447)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:H	8	0.74
(1,447)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:H	8	0.74
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	15	0.74
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	15	0.74
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	15	0.74
(1,209)	1:14:A:LEU:HA	1:17:A:ILE:HB	14	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	4	0.74
(1,16)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HA	14	0.74
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	19	0.73
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	19	0.73
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	19	0.73
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	19	0.73
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	19	0.73
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	19	0.73
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB2	17	0.73
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB3	17	0.73
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	1	0.73
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	1	0.73
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	10	0.73
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	10	0.73
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	5	0.73
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	5	0.73
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	14	0.73
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	14	0.73
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	14	0.73
(1,1256)	1:12:A:TYR:HB3	1:27:A:TRP:HH2	6	0.73
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	22	0.73
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE1	6	0.73
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE2	6	0.73
(1,1167)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HA	16	0.73
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	6	0.73
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	6	0.73
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE1	22	0.73
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE2	22	0.73
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	17	0.73
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	17	0.73
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	17	0.73
(1,1134)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HA	7	0.73
(1,1099)	1:32:A:HIS:HA	1:84:A:LEU:H	8	0.73
(1,1097)	1:9:A:VAL:HB	1:82:A:GLY:H	9	0.73
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	22	0.73
(1,1074)	1:21:A:ASN:HB2	1:56:A:GLY:H	10	0.73
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	9	0.73
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	14	0.73
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	12	0.73
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	12	0.73
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	12	0.73
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	18	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	6	0.73
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	6	0.73
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	6	0.73
(1,979)	1:95:A:PRO:HG2	1:96:A:MET:H	6	0.73
(1,979)	1:95:A:PRO:HG3	1:96:A:MET:H	6	0.73
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	21	0.73
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	3	0.73
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	9	0.73
(1,872)	1:21:A:ASN:H	1:27:A:TRP:H	17	0.73
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	3	0.73
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	7	0.73
(1,793)	1:35:A:TYR:HB3	1:80:A:ILE:H	11	0.73
(1,729)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	11	0.73
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	19	0.73
(1,433)	1:22:A:HIS:H	1:22:A:HIS:HD2	15	0.73
(1,276)	1:42:A:GLU:HB3	1:48:A:GLU:HB3	10	0.73
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG2	7	0.73
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG3	7	0.73
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	6	0.73
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	17	0.73
(1,92)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HA	23	0.73
(1,87)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HG22	14	0.73
(1,87)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HG21	14	0.73
(1,15)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HA	13	0.73
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	9	0.72
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	17	0.72
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	9	0.72
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	17	0.72
(1,1505)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:HG2	12	0.72
(1,1505)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:HG3	12	0.72
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB2	3	0.72
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB3	3	0.72
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	5	0.72
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	5	0.72
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	5	0.72
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	5	0.72
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	5	0.72
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	5	0.72
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	12	0.72
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	12	0.72
(1,1306)	1:21:A:ASN:HB2	1:22:A:HIS:HD2	8	0.72
(1,1256)	1:12:A:TYR:HB3	1:27:A:TRP:HH2	22	0.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1216)	1:35:A:TYR:HD1	1:80:A:ILE:H	1	0.72
(1,1216)	1:35:A:TYR:HD2	1:80:A:ILE:H	1	0.72
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE1	5	0.72
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE2	5	0.72
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD1	1:81:A:ILE:HD12	11	0.72
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD2	1:81:A:ILE:HD12	11	0.72
(1,1102)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:H	16	0.72
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	3	0.72
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	3	0.72
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	3	0.72
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	18	0.72
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	21	0.72
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	21	0.72
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	21	0.72
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	9	0.72
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	18	0.72
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	2	0.72
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	9	0.72
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	5	0.72
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	1	0.72
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	1	0.72
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	1	0.72
(1,837)	1:80:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	12	0.72
(1,770)	1:49:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:H	13	0.72
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	4	0.72
(1,737)	1:33:A:LYS:HG2	1:34:A:VAL:H	18	0.72
(1,737)	1:33:A:LYS:HG3	1:34:A:VAL:H	18	0.72
(1,711)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HD12	9	0.72
(1,697)	1:81:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:H	11	0.72
(1,433)	1:22:A:HIS:H	1:22:A:HIS:HD2	5	0.72
(1,276)	1:42:A:GLU:HB3	1:48:A:GLU:HB3	22	0.72
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	21	0.72
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	21	0.72
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	21	0.72
(1,159)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HB3	3	0.72
(1,159)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HB3	3	0.72
(1,159)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HB3	3	0.72
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG2	8	0.72
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG3	8	0.72
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	15	0.72
(1,23)	1:52:A:ARG:HG2	1:53:A:GLU:HA	18	0.72
(1,23)	1:52:A:ARG:HG3	1:53:A:GLU:HA	18	0.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	6	0.71
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	6	0.71
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	6	0.71
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	6	0.71
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	6	0.71
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	6	0.71
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	1	0.71
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	4	0.71
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG11	14	0.71
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG12	14	0.71
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG13	14	0.71
(1,1224)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HZ3	1	0.71
(1,1224)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HZ3	8	0.71
(1,1221)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	6	0.71
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG21	9	0.71
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG22	9	0.71
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG23	9	0.71
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE1	12	0.71
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE2	12	0.71
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE1	20	0.71
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE2	20	0.71
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD1	1:86:A:PRO:HD2	19	0.71
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD2	1:86:A:PRO:HD2	19	0.71
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE2	1:12:A:TYR:HE1	23	0.71
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE2	1:12:A:TYR:HE2	23	0.71
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE3	1:12:A:TYR:HE1	23	0.71
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE3	1:12:A:TYR:HE2	23	0.71
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	7	0.71
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	7	0.71
(1,1148)	1:30:A:LEU:HB3	1:31:A:HIS:HD2	12	0.71
(1,1134)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HA	14	0.71
(1,1124)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB3	5	0.71
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	5	0.71
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	5	0.71
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	5	0.71
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	16	0.71
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	14	0.71
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	14	0.71
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	14	0.71
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	3	0.71
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	19	0.71
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	19	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	19	0.71
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	19	0.71
(1,988)	1:33:A:LYS:H	1:83:A:GLU:HA	14	0.71
(1,979)	1:95:A:PRO:HG2	1:96:A:MET:H	1	0.71
(1,979)	1:95:A:PRO:HG3	1:96:A:MET:H	1	0.71
(1,967)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD21	12	0.71
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	12	0.71
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	12	0.71
(1,876)	1:22:A:HIS:HA	1:24:A:LYS:H	4	0.71
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	15	0.71
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	14	0.71
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	15	0.71
(1,721)	1:24:A:LYS:H	1:38:A:THR:HG21	11	0.71
(1,721)	1:24:A:LYS:H	1:38:A:THR:HG22	11	0.71
(1,721)	1:24:A:LYS:H	1:38:A:THR:HG23	11	0.71
(1,673)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:H	5	0.71
(1,673)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:H	5	0.71
(1,673)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:H	5	0.71
(1,440)	1:12:A:TYR:HD1	1:82:A:GLY:H	23	0.71
(1,440)	1:12:A:TYR:HD2	1:82:A:GLY:H	23	0.71
(1,275)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HB2	23	0.71
(1,275)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HB2	23	0.71
(1,275)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HB2	23	0.71
(1,274)	1:42:A:GLU:HB2	1:48:A:GLU:HB3	22	0.71
(1,247)	1:83:A:GLU:HB3	1:85:A:HIS:HA	6	0.71
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	21	0.71
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	15	0.71
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	1	0.7
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	1	0.7
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	13	0.7
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	13	0.7
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD2	13	0.7
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD3	13	0.7
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD2	13	0.7
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD3	13	0.7
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD2	13	0.7
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD3	13	0.7
(1,1306)	1:21:A:ASN:HB2	1:22:A:HIS:HD2	6	0.7
(1,1303)	1:22:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	6	0.7
(1,1273)	1:17:A:ILE:HB	1:27:A:TRP:HZ3	23	0.7
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	20	0.7
(1,1243)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HH2	10	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE1	16	0.7
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE2	16	0.7
(1,1188)	1:30:A:LEU:HB2	1:31:A:HIS:HD2	2	0.7
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:HB2	1	0.7
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:HB2	1	0.7
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	1	0.7
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	1	0.7
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	3	0.7
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	3	0.7
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	9	0.7
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	9	0.7
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE1	18	0.7
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE2	18	0.7
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	1	0.7
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	1	0.7
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	17	0.7
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	17	0.7
(1,1084)	1:29:A:ILE:HB	1:57:A:GLY:H	2	0.7
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD22	2	0.7
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD21	2	0.7
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	19	0.7
(1,1047)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HE2	13	0.7
(1,1047)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HE3	13	0.7
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	14	0.7
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	14	0.7
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	23	0.7
(1,1004)	1:11:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HD2	12	0.7
(1,954)	1:53:A:GLU:HG2	1:54:A:GLN:HE22	17	0.7
(1,954)	1:53:A:GLU:HG3	1:54:A:GLN:HE22	17	0.7
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG2	19	0.7
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG3	19	0.7
(1,737)	1:33:A:LYS:HG2	1:34:A:VAL:H	14	0.7
(1,737)	1:33:A:LYS:HG3	1:34:A:VAL:H	14	0.7
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD1	3	0.7
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD2	3	0.7
(1,673)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:H	22	0.7
(1,673)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:H	22	0.7
(1,673)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:H	22	0.7
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	1	0.7
(1,543)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:HG13	9	0.7
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	12	0.7
(1,379)	1:22:A:HIS:H	1:24:A:LYS:H	4	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,275)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HB2	19	0.7
(1,275)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HB2	19	0.7
(1,275)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HB2	19	0.7
(1,268)	1:11:A:TYR:HE1	1:83:A:GLU:HB3	9	0.7
(1,268)	1:11:A:TYR:HE2	1:83:A:GLU:HB3	9	0.7
(1,139)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HB	13	0.7
(1,121)	1:79:A:PHE:HA	1:81:A:ILE:HG23	8	0.7
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	14	0.7
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	6	0.7
(1,23)	1:52:A:ARG:HG2	1:53:A:GLU:HA	5	0.7
(1,23)	1:52:A:ARG:HG3	1:53:A:GLU:HA	5	0.7
(1,1515)	1:64:A:GLU:HG2	1:65:A:ASP:H	14	0.69
(1,1515)	1:64:A:GLU:HG3	1:65:A:ASP:H	14	0.69
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB2	4	0.69
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB3	4	0.69
(1,1323)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:HA2	9	0.69
(1,1303)	1:22:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	19	0.69
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	5	0.69
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	5	0.69
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	5	0.69
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	10	0.69
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	10	0.69
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	10	0.69
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	3	0.69
(1,1256)	1:12:A:TYR:HB3	1:27:A:TRP:HH2	8	0.69
(1,1245)	1:17:A:ILE:HA	1:27:A:TRP:HH2	18	0.69
(1,1202)	1:30:A:LEU:HA	1:31:A:HIS:HD2	7	0.69
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	16	0.69
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	9	0.69
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	9	0.69
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	9	0.69
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	20	0.69
(1,1069)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HB2	11	0.69
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	8	0.69
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	18	0.69
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	18	0.69
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	18	0.69
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	6	0.69
(1,979)	1:95:A:PRO:HG2	1:96:A:MET:H	18	0.69
(1,979)	1:95:A:PRO:HG3	1:96:A:MET:H	18	0.69
(1,953)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HA	3	0.69
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	4	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	5	0.69
(1,868)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:HB2	1	0.69
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	3	0.69
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	7	0.69
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	20	0.69
(1,683)	1:78:A:THR:HG21	1:79:A:PHE:H	3	0.69
(1,683)	1:78:A:THR:HG22	1:79:A:PHE:H	3	0.69
(1,683)	1:78:A:THR:HG23	1:79:A:PHE:H	3	0.69
(1,673)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:H	2	0.69
(1,673)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:H	2	0.69
(1,673)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:H	2	0.69
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	15	0.69
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	4	0.69
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	4	0.69
(1,287)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HB	4	0.69
(1,274)	1:42:A:GLU:HB2	1:48:A:GLU:HB3	12	0.69
(1,158)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG2	21	0.69
(1,158)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG2	21	0.69
(1,158)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG2	21	0.69
(1,158)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG3	21	0.69
(1,158)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG3	21	0.69
(1,158)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG3	21	0.69
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG2	19	0.69
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG3	19	0.69
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD2	10	0.69
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD3	10	0.69
(1,16)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HA	11	0.69
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	11	0.68
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	11	0.68
(3,1)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:O	10	0.68
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	22	0.68
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	22	0.68
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	2	0.68
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	2	0.68
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	2	0.68
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	2	0.68
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	2	0.68
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	2	0.68
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD11	1:61:A:GLU:H	14	0.68
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD12	1:61:A:GLU:H	14	0.68
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD13	1:61:A:GLU:H	14	0.68
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD21	1:61:A:GLU:H	14	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD22	1:61:A:GLU:H	14	0.68
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD23	1:61:A:GLU:H	14	0.68
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:HA	17	0.68
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:HA	17	0.68
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:HA	17	0.68
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:HA	17	0.68
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:HA	17	0.68
(1,1369)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:HA	17	0.68
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	1	0.68
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	1	0.68
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	1	0.68
(1,1323)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:HA2	5	0.68
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	18	0.68
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	18	0.68
(1,1245)	1:17:A:ILE:HA	1:27:A:TRP:HH2	3	0.68
(1,1245)	1:17:A:ILE:HA	1:27:A:TRP:HH2	19	0.68
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG11	22	0.68
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG12	22	0.68
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG13	22	0.68
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB1	1:62:A:ASN:HD22	13	0.68
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB2	1:62:A:ASN:HD22	13	0.68
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB3	1:62:A:ASN:HD22	13	0.68
(1,1227)	1:37:A:LEU:HA	1:40:A:PHE:HD1	11	0.68
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE1	10	0.68
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE2	10	0.68
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD1	1:27:A:TRP:HH2	16	0.68
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD2	1:27:A:TRP:HH2	16	0.68
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:HB2	12	0.68
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:HB2	12	0.68
(1,1134)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HA	3	0.68
(1,1124)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB3	14	0.68
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	2	0.68
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	1	0.68
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	1	0.68
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	1	0.68
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:H	21	0.68
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:H	21	0.68
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:H	21	0.68
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	1	0.68
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	1	0.68
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	1	0.68
(1,1047)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HE2	11	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1047)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HE3	11	0.68
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	18	0.68
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	18	0.68
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	21	0.68
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	20	0.68
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	20	0.68
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	20	0.68
(1,967)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD21	5	0.68
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	11	0.68
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	1	0.68
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	1	0.68
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	21	0.68
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	13	0.68
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	15	0.68
(1,673)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:H	19	0.68
(1,673)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:H	19	0.68
(1,673)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:H	19	0.68
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	18	0.68
(1,541)	1:16:A:GLU:H	1:17:A:ILE:HG13	10	0.68
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	14	0.68
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	14	0.68
(1,241)	1:75:A:LEU:HG	1:78:A:THR:HB	5	0.68
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	8	0.68
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	12	0.68
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	12	0.68
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	12	0.68
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	1	0.68
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD2	12	0.68
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD3	12	0.68
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	12	0.67
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	12	0.67
(1,1516)	1:64:A:GLU:HG2	1:65:A:ASP:HA	10	0.67
(1,1516)	1:64:A:GLU:HG3	1:65:A:ASP:HA	10	0.67
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	22	0.67
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	22	0.67
(1,1335)	1:30:A:LEU:HB3	1:60:A:THR:HA	12	0.67
(1,1330)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:HA	18	0.67
(1,1330)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:HA	18	0.67
(1,1330)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:HA	18	0.67
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG11	21	0.67
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG12	21	0.67
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG13	21	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	10	0.67
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB1	1:62:A:ASN:HD22	15	0.67
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB2	1:62:A:ASN:HD22	15	0.67
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB3	1:62:A:ASN:HD22	15	0.67
(1,1221)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	22	0.67
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE1	4	0.67
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE2	4	0.67
(1,1148)	1:30:A:LEU:HB3	1:31:A:HIS:HD2	4	0.67
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	16	0.67
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	16	0.67
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	21	0.67
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	21	0.67
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	21	0.67
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	8	0.67
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	2	0.67
(1,1004)	1:11:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HD2	8	0.67
(1,930)	1:34:A:VAL:H	1:84:A:LEU:H	14	0.67
(1,853)	1:12:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HA	16	0.67
(1,797)	1:34:A:VAL:HG21	1:82:A:GLY:H	13	0.67
(1,797)	1:34:A:VAL:HG22	1:82:A:GLY:H	13	0.67
(1,797)	1:34:A:VAL:HG23	1:82:A:GLY:H	13	0.67
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	13	0.67
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	23	0.67
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	1	0.67
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	12	0.67
(1,737)	1:33:A:LYS:HG2	1:34:A:VAL:H	4	0.67
(1,737)	1:33:A:LYS:HG3	1:34:A:VAL:H	4	0.67
(1,433)	1:22:A:HIS:H	1:22:A:HIS:HD2	6	0.67
(1,276)	1:42:A:GLU:HB3	1:48:A:GLU:HB3	7	0.67
(1,229)	1:11:A:TYR:HB3	1:86:A:PRO:HD2	8	0.67
(1,193)	1:36:A:ASP:HB3	1:81:A:ILE:HG22	3	0.67
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG2	13	0.66
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG3	13	0.66
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG2	13	0.66
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG3	13	0.66
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG2	13	0.66
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG3	13	0.66
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	1	0.66
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	1	0.66
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	14	0.66
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	14	0.66
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	16	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	16	0.66
(1,1323)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:HA2	11	0.66
(1,1282)	1:81:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	8	0.66
(1,1256)	1:12:A:TYR:HB3	1:27:A:TRP:HH2	21	0.66
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	22	0.66
(1,1189)	1:13:A:THR:HG21	1:85:A:HIS:HD2	4	0.66
(1,1189)	1:13:A:THR:HG22	1:85:A:HIS:HD2	4	0.66
(1,1189)	1:13:A:THR:HG23	1:85:A:HIS:HD2	4	0.66
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HE1	13	0.66
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HE2	13	0.66
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HE1	13	0.66
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HE2	13	0.66
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HE1	13	0.66
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HE2	13	0.66
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD1	1:17:A:ILE:HG21	3	0.66
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD2	1:17:A:ILE:HG21	3	0.66
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	22	0.66
(1,1069)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HB2	17	0.66
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	4	0.66
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	11	0.66
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	2	0.66
(1,955)	1:53:A:GLU:HB2	1:54:A:GLN:HE22	6	0.66
(1,955)	1:53:A:GLU:HB2	1:54:A:GLN:HE22	12	0.66
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	7	0.66
(1,930)	1:34:A:VAL:H	1:84:A:LEU:H	22	0.66
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	2	0.66
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	21	0.66
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	21	0.66
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	21	0.66
(1,797)	1:34:A:VAL:HG21	1:82:A:GLY:H	2	0.66
(1,797)	1:34:A:VAL:HG22	1:82:A:GLY:H	2	0.66
(1,797)	1:34:A:VAL:HG23	1:82:A:GLY:H	2	0.66
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB1	9	0.66
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB2	9	0.66
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB3	9	0.66
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	18	0.66
(1,737)	1:33:A:LYS:HG2	1:34:A:VAL:H	9	0.66
(1,737)	1:33:A:LYS:HG3	1:34:A:VAL:H	9	0.66
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD1	5	0.66
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD2	5	0.66
(1,697)	1:81:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:H	19	0.66
(1,612)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HE2	5	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,612)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HE3	5	0.66
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	3	0.66
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	3	0.66
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	3	0.66
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	10	0.66
(1,440)	1:12:A:TYR:HD1	1:82:A:GLY:H	6	0.66
(1,440)	1:12:A:TYR:HD2	1:82:A:GLY:H	6	0.66
(1,431)	1:40:A:PHE:H	1:40:A:PHE:HD1	2	0.66
(1,276)	1:42:A:GLU:HB3	1:48:A:GLU:HB3	5	0.66
(1,274)	1:42:A:GLU:HB2	1:48:A:GLU:HB3	5	0.66
(1,254)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HA	19	0.66
(1,254)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HA	19	0.66
(1,254)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HA	19	0.66
(1,234)	1:36:A:ASP:HB2	1:81:A:ILE:HG22	16	0.66
(1,227)	1:11:A:TYR:HB3	1:86:A:PRO:HD3	13	0.66
(1,99)	1:41:A:LEU:HG	1:48:A:GLU:HB2	5	0.66
(1,99)	1:41:A:LEU:HG	1:48:A:GLU:HB2	20	0.66
(1,88)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HG12	5	0.66
(1,88)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HG13	5	0.66
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD2	4	0.65
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD3	4	0.65
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HB	2	0.65
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HB	2	0.65
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HB	2	0.65
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HB	2	0.65
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HB	2	0.65
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HB	2	0.65
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	12	0.65
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	12	0.65
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	12	0.65
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	12	0.65
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	19	0.65
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	19	0.65
(1,1323)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:HA2	18	0.65
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	14	0.65
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	14	0.65
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	14	0.65
(1,1282)	1:81:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	14	0.65
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD1	1:27:A:TRP:HH2	17	0.65
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD2	1:27:A:TRP:HH2	17	0.65
(1,1202)	1:30:A:LEU:HA	1:31:A:HIS:HD2	13	0.65
(1,1202)	1:30:A:LEU:HA	1:31:A:HIS:HD2	18	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	23	0.65
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE1	15	0.65
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE2	15	0.65
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	2	0.65
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	2	0.65
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	2	0.65
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	2	0.65
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	3	0.65
(1,1047)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HE2	22	0.65
(1,1047)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HE3	22	0.65
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	13	0.65
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	13	0.65
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG21	1:85:A:HIS:H	13	0.65
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG22	1:85:A:HIS:H	13	0.65
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG23	1:85:A:HIS:H	13	0.65
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	3	0.65
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	1	0.65
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	19	0.65
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	22	0.65
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	22	0.65
(1,766)	1:52:A:ARG:H	1:53:A:GLU:HG2	12	0.65
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	11	0.65
(1,762)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:H	18	0.65
(1,762)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:H	18	0.65
(1,762)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:H	18	0.65
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	17	0.65
(1,737)	1:33:A:LYS:HG2	1:34:A:VAL:H	5	0.65
(1,737)	1:33:A:LYS:HG3	1:34:A:VAL:H	5	0.65
(1,722)	1:24:A:LYS:HD2	1:25:A:SER:H	18	0.65
(1,722)	1:24:A:LYS:HD3	1:25:A:SER:H	18	0.65
(1,697)	1:81:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:H	22	0.65
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	6	0.65
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	6	0.65
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	6	0.65
(1,539)	1:17:A:ILE:HD11	1:56:A:GLY:H	4	0.65
(1,539)	1:17:A:ILE:HD12	1:56:A:GLY:H	4	0.65
(1,539)	1:17:A:ILE:HD13	1:56:A:GLY:H	4	0.65
(1,376)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:H	12	0.65
(1,274)	1:42:A:GLU:HB2	1:48:A:GLU:HB3	10	0.65
(1,193)	1:36:A:ASP:HB3	1:81:A:ILE:HG22	10	0.65
(1,159)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HB3	2	0.65
(1,159)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HB3	2	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,159)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HB3	2	0.65
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG2	20	0.65
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG3	20	0.65
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	18	0.65
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	19	0.64
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	19	0.64
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG21	2	0.64
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG22	2	0.64
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG23	2	0.64
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG21	2	0.64
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG22	2	0.64
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG23	2	0.64
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG21	2	0.64
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG22	2	0.64
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG23	2	0.64
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG21	2	0.64
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG22	2	0.64
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG23	2	0.64
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG21	2	0.64
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG22	2	0.64
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG23	2	0.64
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG21	2	0.64
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG22	2	0.64
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG23	2	0.64
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD11	1:58:A:ASP:H	1	0.64
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD12	1:58:A:ASP:H	1	0.64
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD13	1:58:A:ASP:H	1	0.64
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD21	1:58:A:ASP:H	1	0.64
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD22	1:58:A:ASP:H	1	0.64
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD23	1:58:A:ASP:H	1	0.64
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:H	6	0.64
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:H	6	0.64
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:H	6	0.64
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	6	0.64
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	6	0.64
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	6	0.64
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD11	1:17:A:ILE:HB	9	0.64
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD12	1:17:A:ILE:HB	9	0.64
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD13	1:17:A:ILE:HB	9	0.64
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD21	1:17:A:ILE:HB	9	0.64
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD22	1:17:A:ILE:HB	9	0.64
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD23	1:17:A:ILE:HB	9	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG2	9	0.64
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG3	9	0.64
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG2	9	0.64
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG3	9	0.64
(1,1337)	1:30:A:LEU:HG	1:60:A:THR:HA	15	0.64
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	8	0.64
(1,1264)	1:27:A:TRP:HZ3	1:81:A:ILE:HD12	11	0.64
(1,1224)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HZ3	11	0.64
(1,1216)	1:35:A:TYR:HD1	1:80:A:ILE:H	6	0.64
(1,1216)	1:35:A:TYR:HD2	1:80:A:ILE:H	6	0.64
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE1	20	0.64
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE2	20	0.64
(1,1184)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	11	0.64
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	1	0.64
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	20	0.64
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	19	0.64
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	19	0.64
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	13	0.64
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	22	0.64
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	22	0.64
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	22	0.64
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	13	0.64
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	23	0.64
(1,984)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG22	1	0.64
(1,868)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:HB2	19	0.64
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	12	0.64
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	12	0.64
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	12	0.64
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG2	17	0.64
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG3	17	0.64
(1,711)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HD12	15	0.64
(1,697)	1:81:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:H	18	0.64
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	8	0.64
(1,360)	1:52:A:ARG:HA	1:54:A:GLN:H	3	0.64
(1,287)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HB	12	0.64
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	1	0.64
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	1	0.64
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	7	0.64
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	7	0.64
(1,276)	1:42:A:GLU:HB3	1:48:A:GLU:HB3	12	0.64
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	17	0.64
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	17	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	17	0.64
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	12	0.64
(1,123)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HG2	14	0.64
(1,123)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HG3	14	0.64
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB2	18	0.64
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB3	18	0.64
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB1	5	0.64
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB2	5	0.64
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB3	5	0.64
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HB	23	0.63
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HB	23	0.63
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HB	23	0.63
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HB	23	0.63
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HB	23	0.63
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HB	23	0.63
(1,1407)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:H	5	0.63
(1,1407)	1:28:A:LEU:HB3	1:59:A:ALA:H	5	0.63
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG2	12	0.63
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG3	12	0.63
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG2	12	0.63
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG3	12	0.63
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	13	0.63
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	13	0.63
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	13	0.63
(1,1337)	1:30:A:LEU:HG	1:60:A:THR:HA	5	0.63
(1,1337)	1:30:A:LEU:HG	1:60:A:THR:HA	8	0.63
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD2	20	0.63
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD3	20	0.63
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD2	20	0.63
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD3	20	0.63
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD2	20	0.63
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD3	20	0.63
(1,1256)	1:12:A:TYR:HB3	1:27:A:TRP:HH2	4	0.63
(1,1256)	1:12:A:TYR:HB3	1:27:A:TRP:HH2	17	0.63
(1,1245)	1:17:A:ILE:HA	1:27:A:TRP:HH2	6	0.63
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	2	0.63
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	21	0.63
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE1	20	0.63
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE2	20	0.63
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE1	2	0.63
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE2	2	0.63
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	8	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	15	0.63
(1,1167)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HA	7	0.63
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE2	1:12:A:TYR:HE1	21	0.63
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE2	1:12:A:TYR:HE2	21	0.63
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE3	1:12:A:TYR:HE1	21	0.63
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE3	1:12:A:TYR:HE2	21	0.63
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE1	14	0.63
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE2	14	0.63
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE1	1:81:A:ILE:HD12	17	0.63
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE2	1:81:A:ILE:HD12	17	0.63
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	15	0.63
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	15	0.63
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	15	0.63
(1,1134)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HA	10	0.63
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	22	0.63
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	22	0.63
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	10	0.63
(1,953)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HA	1	0.63
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	21	0.63
(1,792)	1:35:A:TYR:HA	1:80:A:ILE:H	1	0.63
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB1	2	0.63
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB2	2	0.63
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB3	2	0.63
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	6	0.63
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	8	0.63
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	20	0.63
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	20	0.63
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	20	0.63
(1,532)	1:9:A:VAL:H	1:10:A:LYS:HA	9	0.63
(1,376)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:H	13	0.63
(1,276)	1:42:A:GLU:HB3	1:48:A:GLU:HB3	11	0.63
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	8	0.63
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	8	0.63
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	8	0.63
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	15	0.63
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	15	0.63
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	15	0.63
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	20	0.63
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	20	0.63
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	20	0.63
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	21	0.63
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	21	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	21	0.63
(1,139)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HB	17	0.63
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG2	1	0.63
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG3	1	0.63
(1,52)	1:40:A:PHE:HA	1:40:A:PHE:HD1	14	0.63
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	4	0.62
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	4	0.62
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	1	0.62
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	1	0.62
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	1	0.62
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	1	0.62
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	1	0.62
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	1	0.62
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	3	0.62
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	3	0.62
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HB	10	0.62
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HB	10	0.62
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HB	10	0.62
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HB	10	0.62
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HB	10	0.62
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HB	10	0.62
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD11	1:55:A:ALA:H	17	0.62
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD12	1:55:A:ALA:H	17	0.62
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD13	1:55:A:ALA:H	17	0.62
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD21	1:55:A:ALA:H	17	0.62
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD22	1:55:A:ALA:H	17	0.62
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD23	1:55:A:ALA:H	17	0.62
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	18	0.62
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	18	0.62
(1,1337)	1:30:A:LEU:HG	1:60:A:THR:HA	10	0.62
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD2	13	0.62
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD3	13	0.62
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	3	0.62
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	3	0.62
(1,1306)	1:21:A:ASN:HB2	1:22:A:HIS:HD2	16	0.62
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	4	0.62
(1,1224)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HZ3	2	0.62
(1,1202)	1:30:A:LEU:HA	1:31:A:HIS:HD2	17	0.62
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD1	20	0.62
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD2	20	0.62
(1,1189)	1:13:A:THR:HG21	1:85:A:HIS:HD2	17	0.62
(1,1189)	1:13:A:THR:HG22	1:85:A:HIS:HD2	17	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1189)	1:13:A:THR:HG23	1:85:A:HIS:HD2	17	0.62
(1,1184)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	16	0.62
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	6	0.62
(1,1180)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:HB3	18	0.62
(1,1180)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:HB3	18	0.62
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD1	15	0.62
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD2	15	0.62
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	4	0.62
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	4	0.62
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD1	1:81:A:ILE:HD12	20	0.62
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD2	1:81:A:ILE:HD12	20	0.62
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:HD1	19	0.62
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:HD2	19	0.62
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:HD1	19	0.62
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:HD2	19	0.62
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:HD1	19	0.62
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:HD2	19	0.62
(1,1134)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HA	1	0.62
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	15	0.62
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	15	0.62
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	20	0.62
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	22	0.62
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	7	0.62
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	1	0.62
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	1	0.62
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG21	1:85:A:HIS:H	14	0.62
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG22	1:85:A:HIS:H	14	0.62
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG23	1:85:A:HIS:H	14	0.62
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	7	0.62
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	7	0.62
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	17	0.62
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	17	0.62
(1,1006)	1:11:A:TYR:H	1:11:A:TYR:HE1	20	0.62
(1,1006)	1:11:A:TYR:H	1:11:A:TYR:HE2	20	0.62
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB1	19	0.62
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB2	19	0.62
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB3	19	0.62
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	10	0.62
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	22	0.62
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	16	0.62
(1,792)	1:35:A:TYR:HA	1:80:A:ILE:H	9	0.62
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	5	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	7	0.62
(1,753)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB2	18	0.62
(1,722)	1:24:A:LYS:HD2	1:25:A:SER:H	12	0.62
(1,722)	1:24:A:LYS:HD3	1:25:A:SER:H	12	0.62
(1,567)	1:12:A:TYR:H	1:85:A:HIS:H	16	0.62
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	16	0.62
(1,543)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:HG13	7	0.62
(1,446)	1:12:A:TYR:HE1	1:83:A:GLU:H	13	0.62
(1,446)	1:12:A:TYR:HE2	1:83:A:GLU:H	13	0.62
(1,375)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:H	15	0.62
(1,375)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:H	18	0.62
(1,258)	1:40:A:PHE:H	1:41:A:LEU:HD21	11	0.62
(1,258)	1:40:A:PHE:H	1:41:A:LEU:HD22	11	0.62
(1,258)	1:40:A:PHE:H	1:41:A:LEU:HD23	11	0.62
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	1	0.62
(1,54)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HB2	18	0.62
(1,52)	1:40:A:PHE:HA	1:40:A:PHE:HD1	20	0.62
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	3	0.61
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	13	0.61
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	3	0.61
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	13	0.61
(3,9)	1:70:A:THR:O	1:74:A:GLU:H	10	0.61
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	5	0.61
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	5	0.61
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	11	0.61
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	11	0.61
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	3	0.61
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	3	0.61
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	17	0.61
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	17	0.61
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	9	0.61
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	9	0.61
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	9	0.61
(1,1282)	1:81:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	20	0.61
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	16	0.61
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	10	0.61
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE1	13	0.61
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE2	13	0.61
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE1	13	0.61
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE2	13	0.61
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE1	13	0.61
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE2	13	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	11	0.61
(1,1224)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HZ3	14	0.61
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	7	0.61
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	7	0.61
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE1	4	0.61
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE2	4	0.61
(1,1202)	1:30:A:LEU:HA	1:31:A:HIS:HD2	19	0.61
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG21	21	0.61
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG22	21	0.61
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG23	21	0.61
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD1	1:86:A:PRO:HD2	22	0.61
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD2	1:86:A:PRO:HD2	22	0.61
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD1	11	0.61
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD2	11	0.61
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD1	20	0.61
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD2	20	0.61
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE1	19	0.61
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE2	19	0.61
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD1	1:81:A:ILE:HD12	18	0.61
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD2	1:81:A:ILE:HD12	18	0.61
(1,1134)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HA	15	0.61
(1,1109)	1:16:A:GLU:HB3	1:18:A:LYS:H	4	0.61
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	11	0.61
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	11	0.61
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	11	0.61
(1,1062)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:HB2	7	0.61
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	9	0.61
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	9	0.61
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	9	0.61
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	16	0.61
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	16	0.61
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	16	0.61
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	23	0.61
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	23	0.61
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	12	0.61
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	17	0.61
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	5	0.61
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	22	0.61
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	22	0.61
(1,872)	1:21:A:ASN:H	1:27:A:TRP:H	4	0.61
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	23	0.61
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG2	5	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG3	5	0.61
(1,770)	1:49:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:H	6	0.61
(1,621)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HE2	13	0.61
(1,621)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HE3	13	0.61
(1,539)	1:17:A:ILE:HD11	1:56:A:GLY:H	3	0.61
(1,539)	1:17:A:ILE:HD12	1:56:A:GLY:H	3	0.61
(1,539)	1:17:A:ILE:HD13	1:56:A:GLY:H	3	0.61
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	11	0.61
(1,393)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	4	0.61
(1,281)	1:53:A:GLU:HA	1:54:A:GLN:HG2	3	0.61
(1,274)	1:42:A:GLU:HB2	1:48:A:GLU:HB3	4	0.61
(1,241)	1:75:A:LEU:HG	1:78:A:THR:HB	22	0.61
(1,193)	1:36:A:ASP:HB3	1:81:A:ILE:HG22	11	0.61
(1,156)	1:41:A:LEU:HB2	1:48:A:GLU:HB2	19	0.61
(1,92)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HA	5	0.61
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB2	4	0.61
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB3	4	0.61
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	10	0.6
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	16	0.6
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	10	0.6
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	16	0.6
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:H	17	0.6
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:H	17	0.6
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:H	17	0.6
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	17	0.6
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	17	0.6
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	17	0.6
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	14	0.6
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	14	0.6
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	14	0.6
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG2	1:52:A:ARG:HD2	6	0.6
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG2	1:52:A:ARG:HD3	6	0.6
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG3	1:52:A:ARG:HD2	6	0.6
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG3	1:52:A:ARG:HD3	6	0.6
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	13	0.6
(1,1202)	1:30:A:LEU:HA	1:31:A:HIS:HD2	1	0.6
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE1	1	0.6
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE2	1	0.6
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	8	0.6
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE1	1:81:A:ILE:HD12	13	0.6
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE2	1:81:A:ILE:HD12	13	0.6
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD1	1:17:A:ILE:HG21	8	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD2	1:17:A:ILE:HG21	8	0.6
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	4	0.6
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	4	0.6
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	1	0.6
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	6	0.6
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	6	0.6
(1,994)	1:61:A:GLU:HB2	1:62:A:ASN:HD22	4	0.6
(1,994)	1:61:A:GLU:HB3	1:62:A:ASN:HD22	4	0.6
(1,979)	1:95:A:PRO:HG2	1:96:A:MET:H	4	0.6
(1,979)	1:95:A:PRO:HG3	1:96:A:MET:H	4	0.6
(1,979)	1:95:A:PRO:HG2	1:96:A:MET:H	16	0.6
(1,979)	1:95:A:PRO:HG3	1:96:A:MET:H	16	0.6
(1,968)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE21	11	0.6
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	2	0.6
(1,911)	1:26:A:THR:HG21	1:56:A:GLY:H	5	0.6
(1,911)	1:26:A:THR:HG22	1:56:A:GLY:H	5	0.6
(1,911)	1:26:A:THR:HG23	1:56:A:GLY:H	5	0.6
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	6	0.6
(1,868)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:HB2	12	0.6
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	11	0.6
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	16	0.6
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	16	0.6
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB1	2	0.6
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB2	2	0.6
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB3	2	0.6
(1,539)	1:17:A:ILE:HD11	1:56:A:GLY:H	16	0.6
(1,539)	1:17:A:ILE:HD12	1:56:A:GLY:H	16	0.6
(1,539)	1:17:A:ILE:HD13	1:56:A:GLY:H	16	0.6
(1,375)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:H	11	0.6
(1,274)	1:42:A:GLU:HB2	1:48:A:GLU:HB3	9	0.6
(1,234)	1:36:A:ASP:HB2	1:81:A:ILE:HG22	12	0.6
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	2	0.6
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	2	0.6
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	2	0.6
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	10	0.6
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	10	0.6
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	10	0.6
(1,139)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HB	15	0.6
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG2	17	0.6
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG3	17	0.6
(1,51)	1:40:A:PHE:HA	1:43:A:GLU:HB3	12	0.6
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD2	20	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD3	20	0.59
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	10	0.59
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	10	0.59
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	10	0.59
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	10	0.59
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	10	0.59
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	10	0.59
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	18	0.59
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	18	0.59
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	18	0.59
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	18	0.59
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	18	0.59
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	18	0.59
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HB	20	0.59
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HB	20	0.59
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HB	20	0.59
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HB	20	0.59
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HB	20	0.59
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HB	20	0.59
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:H	14	0.59
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:H	14	0.59
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:H	14	0.59
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	14	0.59
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	14	0.59
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	14	0.59
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	6	0.59
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	6	0.59
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	6	0.59
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD11	1:48:A:GLU:HA	22	0.59
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD12	1:48:A:GLU:HA	22	0.59
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD13	1:48:A:GLU:HA	22	0.59
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	18	0.59
(1,1232)	1:35:A:TYR:HB2	1:79:A:PHE:HD1	3	0.59
(1,1232)	1:35:A:TYR:HB2	1:79:A:PHE:HD2	3	0.59
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE1	6	0.59
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE2	6	0.59
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE1	13	0.59
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE2	13	0.59
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE1	6	0.59
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE2	6	0.59
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE1	13	0.59
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE2	13	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	4	0.59
(1,1062)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:HB2	2	0.59
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	23	0.59
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	23	0.59
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	23	0.59
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	13	0.59
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	13	0.59
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	18	0.59
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	18	0.59
(1,1031)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	21	0.59
(1,1004)	1:11:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HD2	3	0.59
(1,985)	1:41:A:LEU:HD21	1:52:A:ARG:H	20	0.59
(1,985)	1:41:A:LEU:HD22	1:52:A:ARG:H	20	0.59
(1,985)	1:41:A:LEU:HD23	1:52:A:ARG:H	20	0.59
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	16	0.59
(1,868)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:HB2	18	0.59
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG2	21	0.59
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG3	21	0.59
(1,793)	1:35:A:TYR:HB3	1:80:A:ILE:H	6	0.59
(1,770)	1:49:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:H	18	0.59
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	22	0.59
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB1	14	0.59
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB2	14	0.59
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB3	14	0.59
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB1	17	0.59
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB2	17	0.59
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB3	17	0.59
(1,720)	1:18:A:LYS:HA	1:20:A:HIS:H	8	0.59
(1,697)	1:81:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:H	4	0.59
(1,637)	1:35:A:TYR:HB3	1:37:A:LEU:H	11	0.59
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	15	0.59
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	15	0.59
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	15	0.59
(1,532)	1:9:A:VAL:H	1:10:A:LYS:HA	22	0.59
(1,440)	1:12:A:TYR:HD1	1:82:A:GLY:H	2	0.59
(1,440)	1:12:A:TYR:HD2	1:82:A:GLY:H	2	0.59
(1,440)	1:12:A:TYR:HD1	1:82:A:GLY:H	4	0.59
(1,440)	1:12:A:TYR:HD2	1:82:A:GLY:H	4	0.59
(1,440)	1:12:A:TYR:HD1	1:82:A:GLY:H	5	0.59
(1,440)	1:12:A:TYR:HD2	1:82:A:GLY:H	5	0.59
(1,440)	1:12:A:TYR:HD1	1:82:A:GLY:H	14	0.59
(1,440)	1:12:A:TYR:HD2	1:82:A:GLY:H	14	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,431)	1:40:A:PHE:H	1:40:A:PHE:HD1	11	0.59
(1,405)	1:62:A:ASN:H	1:64:A:GLU:H	8	0.59
(1,376)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:H	6	0.59
(1,376)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:H	10	0.59
(1,181)	1:12:A:TYR:HD1	1:16:A:GLU:HG2	10	0.59
(1,181)	1:12:A:TYR:HD1	1:16:A:GLU:HG3	10	0.59
(1,181)	1:12:A:TYR:HD2	1:16:A:GLU:HG2	10	0.59
(1,181)	1:12:A:TYR:HD2	1:16:A:GLU:HG3	10	0.59
(1,26)	1:15:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	14	0.59
(1,26)	1:15:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	14	0.59
(1,23)	1:52:A:ARG:HG2	1:53:A:GLU:HA	4	0.59
(1,23)	1:52:A:ARG:HG3	1:53:A:GLU:HA	4	0.59
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	13	0.58
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	13	0.58
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	18	0.58
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	18	0.58
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	9	0.58
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	9	0.58
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	9	0.58
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	9	0.58
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	9	0.58
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	9	0.58
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	5	0.58
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	5	0.58
(1,1377)	1:20:A:HIS:H	1:56:A:GLY:HA2	21	0.58
(1,1377)	1:20:A:HIS:H	1:56:A:GLY:HA3	21	0.58
(1,1360)	1:14:A:LEU:H	1:88:A:ASP:HB2	9	0.58
(1,1360)	1:14:A:LEU:H	1:88:A:ASP:HB3	9	0.58
(1,1323)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:HA2	17	0.58
(1,1323)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:HA2	21	0.58
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE1	7	0.58
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE2	7	0.58
(1,1188)	1:30:A:LEU:HB2	1:31:A:HIS:HD2	11	0.58
(1,1176)	1:11:A:TYR:HE1	1:83:A:GLU:HB2	22	0.58
(1,1176)	1:11:A:TYR:HE2	1:83:A:GLU:HB2	22	0.58
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	8	0.58
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	8	0.58
(1,1156)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	8	0.58
(1,1156)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	8	0.58
(1,1156)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	8	0.58
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	3	0.58
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	3	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	3	0.58
(1,1134)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HA	22	0.58
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	6	0.58
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	6	0.58
(1,1102)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:H	18	0.58
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	15	0.58
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	15	0.58
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	15	0.58
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	6	0.58
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	6	0.58
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	11	0.58
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	11	0.58
(1,953)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HA	14	0.58
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	20	0.58
(1,911)	1:26:A:THR:HG21	1:56:A:GLY:H	23	0.58
(1,911)	1:26:A:THR:HG22	1:56:A:GLY:H	23	0.58
(1,911)	1:26:A:THR:HG23	1:56:A:GLY:H	23	0.58
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	12	0.58
(1,870)	1:21:A:ASN:H	1:26:A:THR:HA	4	0.58
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	7	0.58
(1,858)	1:12:A:TYR:HE1	1:13:A:THR:H	10	0.58
(1,858)	1:12:A:TYR:HE2	1:13:A:THR:H	10	0.58
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG2	7	0.58
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG3	7	0.58
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	2	0.58
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	10	0.58
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB1	17	0.58
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB2	17	0.58
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB3	17	0.58
(1,770)	1:49:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:H	11	0.58
(1,697)	1:81:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:H	6	0.58
(1,431)	1:40:A:PHE:H	1:40:A:PHE:HD1	16	0.58
(1,363)	1:52:A:ARG:H	1:55:A:ALA:H	17	0.58
(1,92)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HA	22	0.58
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB1	23	0.58
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB2	23	0.58
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB3	23	0.58
(1,1549)	1:85:A:HIS:HA	1:89:A:ARG:HB2	14	0.57
(1,1549)	1:85:A:HIS:HA	1:89:A:ARG:HB3	14	0.57
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	2	0.57
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	2	0.57
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	2	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	2	0.57
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	2	0.57
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	2	0.57
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	8	0.57
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	8	0.57
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB2	23	0.57
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB3	23	0.57
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	17	0.57
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	17	0.57
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	17	0.57
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	17	0.57
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	17	0.57
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	17	0.57
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	20	0.57
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	20	0.57
(1,1337)	1:30:A:LEU:HG	1:60:A:THR:HA	2	0.57
(1,1325)	1:10:A:LYS:HA	1:10:A:LYS:HE2	13	0.57
(1,1325)	1:10:A:LYS:HA	1:10:A:LYS:HE3	13	0.57
(1,1303)	1:22:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	3	0.57
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	6	0.57
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG2	1:40:A:PHE:HD1	5	0.57
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG3	1:40:A:PHE:HD1	5	0.57
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD1	1:27:A:TRP:HH2	3	0.57
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD2	1:27:A:TRP:HH2	3	0.57
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD1	1:27:A:TRP:HH2	21	0.57
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD2	1:27:A:TRP:HH2	21	0.57
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE1	15	0.57
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE2	15	0.57
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG21	11	0.57
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG22	11	0.57
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG23	11	0.57
(1,1188)	1:30:A:LEU:HB2	1:31:A:HIS:HD2	22	0.57
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	4	0.57
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	22	0.57
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:HE1	19	0.57
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:HE2	19	0.57
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:HE1	19	0.57
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:HE2	19	0.57
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:HE1	19	0.57
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:HE2	19	0.57
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	7	0.57
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	7	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	7	0.57
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	20	0.57
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	20	0.57
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	20	0.57
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	14	0.57
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:H	20	0.57
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:H	20	0.57
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:H	20	0.57
(1,1044)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HA	23	0.57
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	9	0.57
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	9	0.57
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	5	0.57
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	16	0.57
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	13	0.57
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	13	0.57
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	13	0.57
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB1	15	0.57
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB2	15	0.57
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB3	15	0.57
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	8	0.57
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	6	0.57
(1,729)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	23	0.57
(1,727)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	1	0.57
(1,637)	1:35:A:TYR:HB3	1:37:A:LEU:H	8	0.57
(1,612)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HE2	15	0.57
(1,612)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HE3	15	0.57
(1,555)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:HB2	8	0.57
(1,376)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:H	9	0.57
(1,287)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HB	17	0.57
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	9	0.57
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	9	0.57
(1,234)	1:36:A:ASP:HB2	1:81:A:ILE:HG22	15	0.57
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	4	0.57
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	4	0.57
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	4	0.57
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG2	3	0.57
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG3	3	0.57
(1,159)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HB3	22	0.57
(1,159)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HB3	22	0.57
(1,159)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HB3	22	0.57
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	19	0.57
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	19	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD11	1:79:A:PHE:HD1	2	0.56
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD11	1:79:A:PHE:HD2	2	0.56
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD12	1:79:A:PHE:HD1	2	0.56
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD12	1:79:A:PHE:HD2	2	0.56
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD13	1:79:A:PHE:HD1	2	0.56
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD13	1:79:A:PHE:HD2	2	0.56
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD21	1:79:A:PHE:HD1	2	0.56
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD21	1:79:A:PHE:HD2	2	0.56
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD22	1:79:A:PHE:HD1	2	0.56
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD22	1:79:A:PHE:HD2	2	0.56
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD23	1:79:A:PHE:HD1	2	0.56
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD23	1:79:A:PHE:HD2	2	0.56
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	8	0.56
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	8	0.56
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	8	0.56
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	8	0.56
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	8	0.56
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	8	0.56
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG21	10	0.56
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG22	10	0.56
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG23	10	0.56
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG21	10	0.56
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG22	10	0.56
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG23	10	0.56
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG21	10	0.56
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG22	10	0.56
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG23	10	0.56
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG21	10	0.56
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG22	10	0.56
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG23	10	0.56
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG21	10	0.56
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG22	10	0.56
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG23	10	0.56
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG21	10	0.56
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG22	10	0.56
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG23	10	0.56
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HB	9	0.56
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HB	9	0.56
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HB	9	0.56
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HB	9	0.56
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HB	9	0.56
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HB	9	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	12	0.56
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	12	0.56
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	12	0.56
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	12	0.56
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	12	0.56
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	12	0.56
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	21	0.56
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	21	0.56
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD11	1:58:A:ASP:H	9	0.56
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD12	1:58:A:ASP:H	9	0.56
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD13	1:58:A:ASP:H	9	0.56
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD21	1:58:A:ASP:H	9	0.56
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD22	1:58:A:ASP:H	9	0.56
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD23	1:58:A:ASP:H	9	0.56
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD11	1:84:A:LEU:H	9	0.56
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD12	1:84:A:LEU:H	9	0.56
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD13	1:84:A:LEU:H	9	0.56
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD21	1:84:A:LEU:H	9	0.56
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD22	1:84:A:LEU:H	9	0.56
(1,1368)	1:14:A:LEU:HD23	1:84:A:LEU:H	9	0.56
(1,1337)	1:30:A:LEU:HG	1:60:A:THR:HA	23	0.56
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD2	1	0.56
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD3	1	0.56
(1,1303)	1:22:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	8	0.56
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	2	0.56
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	2	0.56
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	2	0.56
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	5	0.56
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	5	0.56
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	5	0.56
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	20	0.56
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	20	0.56
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	20	0.56
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	19	0.56
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE1	17	0.56
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE2	17	0.56
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE1	17	0.56
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE2	17	0.56
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE1	17	0.56
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE2	17	0.56
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG11	12	0.56
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG12	12	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG13	12	0.56
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD1	1:27:A:TRP:HH2	4	0.56
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD2	1:27:A:TRP:HH2	4	0.56
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD1	1:27:A:TRP:HH2	13	0.56
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD2	1:27:A:TRP:HH2	13	0.56
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD1	3	0.56
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD2	3	0.56
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	5	0.56
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:HB2	8	0.56
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:HB2	8	0.56
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD1	1:81:A:ILE:HD12	2	0.56
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD2	1:81:A:ILE:HD12	2	0.56
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	7	0.56
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	7	0.56
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	7	0.56
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD1	1:17:A:ILE:HG21	11	0.56
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD2	1:17:A:ILE:HG21	11	0.56
(1,1124)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB3	4	0.56
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	10	0.56
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	10	0.56
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	19	0.56
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	19	0.56
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:H	16	0.56
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:H	16	0.56
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:H	16	0.56
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG2	1:19:A:LYS:H	13	0.56
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG3	1:19:A:LYS:H	13	0.56
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	22	0.56
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	22	0.56
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:H	7	0.56
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:H	7	0.56
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:H	7	0.56
(1,985)	1:41:A:LEU:HD21	1:52:A:ARG:H	13	0.56
(1,985)	1:41:A:LEU:HD22	1:52:A:ARG:H	13	0.56
(1,985)	1:41:A:LEU:HD23	1:52:A:ARG:H	13	0.56
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	7	0.56
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	23	0.56
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	14	0.56
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	17	0.56
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	19	0.56
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	1	0.56
(1,770)	1:49:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:H	19	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,729)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	10	0.56
(1,729)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	22	0.56
(1,727)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	13	0.56
(1,727)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	14	0.56
(1,711)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HD12	4	0.56
(1,553)	1:13:A:THR:HG21	1:85:A:HIS:H	9	0.56
(1,553)	1:13:A:THR:HG22	1:85:A:HIS:H	9	0.56
(1,553)	1:13:A:THR:HG23	1:85:A:HIS:H	9	0.56
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	9	0.56
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	2	0.56
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	2	0.56
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	2	0.56
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	19	0.56
(1,446)	1:12:A:TYR:HE1	1:83:A:GLU:H	17	0.56
(1,446)	1:12:A:TYR:HE2	1:83:A:GLU:H	17	0.56
(1,294)	1:12:A:TYR:HA	1:16:A:GLU:HB2	7	0.56
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	23	0.56
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	23	0.56
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	11	0.56
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG2	2	0.56
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG3	2	0.56
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	11	0.56
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	11	0.56
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	11	0.56
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	13	0.56
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	13	0.56
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	13	0.56
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	19	0.56
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	19	0.56
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	19	0.56
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	22	0.56
(1,145)	1:52:A:ARG:H	1:52:A:ARG:HD2	21	0.56
(1,145)	1:52:A:ARG:H	1:52:A:ARG:HD3	21	0.56
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG2	6	0.56
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG3	6	0.56
(1,25)	1:15:A:GLU:HA	1:18:A:LYS:HD2	13	0.56
(1,25)	1:15:A:GLU:HA	1:18:A:LYS:HD3	13	0.56
(1,23)	1:52:A:ARG:HG2	1:53:A:GLU:HA	12	0.56
(1,23)	1:52:A:ARG:HG3	1:53:A:GLU:HA	12	0.56
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD2	19	0.55
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	19	0.55
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	3	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	3	0.55
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	3	0.55
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	3	0.55
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	3	0.55
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	3	0.55
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	16	0.55
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	16	0.55
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	4	0.55
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	4	0.55
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	4	0.55
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	4	0.55
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	4	0.55
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	4	0.55
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	2	0.55
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	2	0.55
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	2	0.55
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	2	0.55
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	2	0.55
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	2	0.55
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD11	1:58:A:ASP:H	19	0.55
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD12	1:58:A:ASP:H	19	0.55
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD13	1:58:A:ASP:H	19	0.55
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD21	1:58:A:ASP:H	19	0.55
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD22	1:58:A:ASP:H	19	0.55
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD23	1:58:A:ASP:H	19	0.55
(1,1407)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:H	10	0.55
(1,1407)	1:28:A:LEU:HB3	1:59:A:ALA:H	10	0.55
(1,1383)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:HA2	16	0.55
(1,1383)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:HA3	16	0.55
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	2	0.55
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	2	0.55
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	2	0.55
(1,1330)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:HA	3	0.55
(1,1330)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:HA	3	0.55
(1,1330)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:HA	3	0.55
(1,1256)	1:12:A:TYR:HB3	1:27:A:TRP:HH2	15	0.55
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:HA2	9	0.55
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:HA2	9	0.55
(1,1189)	1:13:A:THR:HG21	1:85:A:HIS:HD2	2	0.55
(1,1189)	1:13:A:THR:HG22	1:85:A:HIS:HD2	2	0.55
(1,1189)	1:13:A:THR:HG23	1:85:A:HIS:HD2	2	0.55
(1,1184)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	7	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE1	2	0.55
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE2	2	0.55
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE1	22	0.55
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE2	22	0.55
(1,1144)	1:12:A:TYR:HE1	1:34:A:VAL:HG21	8	0.55
(1,1144)	1:12:A:TYR:HE1	1:34:A:VAL:HG22	8	0.55
(1,1144)	1:12:A:TYR:HE1	1:34:A:VAL:HG23	8	0.55
(1,1144)	1:12:A:TYR:HE2	1:34:A:VAL:HG21	8	0.55
(1,1144)	1:12:A:TYR:HE2	1:34:A:VAL:HG22	8	0.55
(1,1144)	1:12:A:TYR:HE2	1:34:A:VAL:HG23	8	0.55
(1,1134)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HA	2	0.55
(1,1124)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB3	7	0.55
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	15	0.55
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	5	0.55
(1,1054)	1:28:A:LEU:H	1:57:A:GLY:H	11	0.55
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	7	0.55
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	7	0.55
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	7	0.55
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	13	0.55
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	13	0.55
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	1	0.55
(1,979)	1:95:A:PRO:HG2	1:96:A:MET:H	2	0.55
(1,979)	1:95:A:PRO:HG3	1:96:A:MET:H	2	0.55
(1,979)	1:95:A:PRO:HG2	1:96:A:MET:H	11	0.55
(1,979)	1:95:A:PRO:HG3	1:96:A:MET:H	11	0.55
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB1	12	0.55
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB2	12	0.55
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB3	12	0.55
(1,953)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HA	10	0.55
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	10	0.55
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	4	0.55
(1,872)	1:21:A:ASN:H	1:27:A:TRP:H	9	0.55
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	11	0.55
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	11	0.55
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	11	0.55
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB1	14	0.55
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB2	14	0.55
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB3	14	0.55
(1,722)	1:24:A:LYS:HD2	1:25:A:SER:H	7	0.55
(1,722)	1:24:A:LYS:HD3	1:25:A:SER:H	7	0.55
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE2	6	0.55
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE3	6	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD1	9	0.55
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD2	9	0.55
(1,608)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	18	0.55
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	11	0.55
(1,440)	1:12:A:TYR:HD1	1:82:A:GLY:H	11	0.55
(1,440)	1:12:A:TYR:HD2	1:82:A:GLY:H	11	0.55
(1,279)	1:27:A:TRP:HE3	1:81:A:ILE:HD12	13	0.55
(1,221)	1:11:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG21	22	0.55
(1,221)	1:11:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG22	22	0.55
(1,221)	1:11:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG23	22	0.55
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	3	0.55
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	3	0.55
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	3	0.55
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD1	11	0.55
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD2	11	0.55
(1,92)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HA	19	0.55
(1,74)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:H	12	0.55
(1,23)	1:52:A:ARG:HG2	1:53:A:GLU:HA	14	0.55
(1,23)	1:52:A:ARG:HG3	1:53:A:GLU:HA	14	0.55
(1,1559)	1:87:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HB2	14	0.54
(1,1559)	1:87:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HB3	14	0.54
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	6	0.54
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	6	0.54
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	6	0.54
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	6	0.54
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	6	0.54
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	6	0.54
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	8	0.54
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	8	0.54
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	8	0.54
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	8	0.54
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	8	0.54
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	8	0.54
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD11	1:88:A:ASP:H	9	0.54
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD12	1:88:A:ASP:H	9	0.54
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD13	1:88:A:ASP:H	9	0.54
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	9	0.54
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	9	0.54
(1,1371)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	9	0.54
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HD2	19	0.54
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HD3	19	0.54
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HD2	19	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HD3	19	0.54
(1,1337)	1:30:A:LEU:HG	1:60:A:THR:HA	18	0.54
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	21	0.54
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	21	0.54
(1,1248)	1:35:A:TYR:HE1	1:80:A:ILE:HG21	6	0.54
(1,1248)	1:35:A:TYR:HE2	1:80:A:ILE:HG21	6	0.54
(1,1239)	1:12:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	15	0.54
(1,1216)	1:35:A:TYR:HD1	1:80:A:ILE:H	9	0.54
(1,1216)	1:35:A:TYR:HD2	1:80:A:ILE:H	9	0.54
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	20	0.54
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	20	0.54
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	11	0.54
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	13	0.54
(1,1062)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:HB2	21	0.54
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	15	0.54
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	15	0.54
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	15	0.54
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	2	0.54
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	8	0.54
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	11	0.54
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	11	0.54
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	11	0.54
(1,961)	1:53:A:GLU:HB2	1:54:A:GLN:HE21	6	0.54
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	20	0.54
(1,908)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:H	19	0.54
(1,908)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:H	19	0.54
(1,908)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:H	19	0.54
(1,880)	1:27:A:TRP:H	1:57:A:GLY:H	11	0.54
(1,876)	1:22:A:HIS:HA	1:24:A:LYS:H	16	0.54
(1,868)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:HB2	13	0.54
(1,836)	1:77:A:LYS:HB3	1:80:A:ILE:H	22	0.54
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	19	0.54
(1,770)	1:49:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:H	16	0.54
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	2	0.54
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	23	0.54
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	12	0.54
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	12	0.54
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	12	0.54
(1,432)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HD2	11	0.54
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	17	0.54
(1,159)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HB3	5	0.54
(1,159)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HB3	5	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,159)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HB3	5	0.54
(1,156)	1:41:A:LEU:HB2	1:48:A:GLU:HB2	22	0.54
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD2	1	0.54
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD3	1	0.54
(1,23)	1:52:A:ARG:HG2	1:53:A:GLU:HA	16	0.54
(1,23)	1:52:A:ARG:HG3	1:53:A:GLU:HA	16	0.54
(1,1516)	1:64:A:GLU:HG2	1:65:A:ASP:HA	22	0.53
(1,1516)	1:64:A:GLU:HG3	1:65:A:ASP:HA	22	0.53
(1,1456)	1:31:A:HIS:HE1	1:64:A:GLU:HB2	22	0.53
(1,1456)	1:31:A:HIS:HE1	1:64:A:GLU:HB3	22	0.53
(1,1377)	1:20:A:HIS:H	1:56:A:GLY:HA2	8	0.53
(1,1377)	1:20:A:HIS:H	1:56:A:GLY:HA3	8	0.53
(1,1337)	1:30:A:LEU:HG	1:60:A:THR:HA	6	0.53
(1,1305)	1:22:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	9	0.53
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	19	0.53
(1,1264)	1:27:A:TRP:HZ3	1:81:A:ILE:HD12	5	0.53
(1,1239)	1:12:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	3	0.53
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	19	0.53
(1,1168)	1:85:A:HIS:HB2	1:85:A:HIS:HD2	14	0.53
(1,1168)	1:85:A:HIS:HB2	1:85:A:HIS:HD2	22	0.53
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE1	1:81:A:ILE:HD12	12	0.53
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE2	1:81:A:ILE:HD12	12	0.53
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE1	1:81:A:ILE:HD12	14	0.53
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE2	1:81:A:ILE:HD12	14	0.53
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HE1	15	0.53
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HE2	15	0.53
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HE1	15	0.53
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HE2	15	0.53
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HE1	15	0.53
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HE2	15	0.53
(1,1114)	1:25:A:SER:H	1:26:A:THR:HB	20	0.53
(1,1084)	1:29:A:ILE:HB	1:57:A:GLY:H	11	0.53
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	8	0.53
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	8	0.53
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	8	0.53
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	13	0.53
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	13	0.53
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	13	0.53
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	4	0.53
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	5	0.53
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	5	0.53
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	5	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	5	0.53
(1,1044)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HA	1	0.53
(1,1034)	1:85:A:HIS:HB2	1:87:A:ASP:H	12	0.53
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	9	0.53
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:H	10	0.53
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:H	10	0.53
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:H	10	0.53
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:H	21	0.53
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:H	21	0.53
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:H	21	0.53
(1,979)	1:95:A:PRO:HG2	1:96:A:MET:H	14	0.53
(1,979)	1:95:A:PRO:HG3	1:96:A:MET:H	14	0.53
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	10	0.53
(1,872)	1:21:A:ASN:H	1:27:A:TRP:H	19	0.53
(1,856)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:H	3	0.53
(1,853)	1:12:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HA	13	0.53
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG2	1	0.53
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG3	1	0.53
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG2	12	0.53
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG3	12	0.53
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG2	18	0.53
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG3	18	0.53
(1,792)	1:35:A:TYR:HA	1:80:A:ILE:H	6	0.53
(1,762)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:H	20	0.53
(1,762)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:H	20	0.53
(1,762)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:H	20	0.53
(1,697)	1:81:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:H	23	0.53
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	14	0.53
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	14	0.53
(1,668)	1:60:A:THR:HB	1:62:A:ASN:H	11	0.53
(1,654)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG2	9	0.53
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	6	0.53
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	12	0.53
(1,543)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:HG13	16	0.53
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	3	0.53
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	3	0.53
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	8	0.53
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	8	0.53
(1,375)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:H	17	0.53
(1,274)	1:42:A:GLU:HB2	1:48:A:GLU:HB3	1	0.53
(1,262)	1:53:A:GLU:H	1:54:A:GLN:HG2	9	0.53
(1,176)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HA	9	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,130)	1:11:A:TYR:HA	1:83:A:GLU:HB3	16	0.53
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB2	5	0.53
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB3	5	0.53
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	22	0.52
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	22	0.52
(3,9)	1:70:A:THR:O	1:74:A:GLU:H	23	0.52
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	2	0.52
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	2	0.52
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	7	0.52
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	7	0.52
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB2	21	0.52
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB3	21	0.52
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD11	1:79:A:PHE:HD1	22	0.52
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD11	1:79:A:PHE:HD2	22	0.52
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD12	1:79:A:PHE:HD1	22	0.52
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD12	1:79:A:PHE:HD2	22	0.52
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD13	1:79:A:PHE:HD1	22	0.52
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD13	1:79:A:PHE:HD2	22	0.52
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD21	1:79:A:PHE:HD1	22	0.52
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD21	1:79:A:PHE:HD2	22	0.52
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD22	1:79:A:PHE:HD1	22	0.52
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD22	1:79:A:PHE:HD2	22	0.52
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD23	1:79:A:PHE:HD1	22	0.52
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD23	1:79:A:PHE:HD2	22	0.52
(1,1456)	1:31:A:HIS:HE1	1:64:A:GLU:HB2	15	0.52
(1,1456)	1:31:A:HIS:HE1	1:64:A:GLU:HB3	15	0.52
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	9	0.52
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	9	0.52
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	9	0.52
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	9	0.52
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	9	0.52
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	9	0.52
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HB	18	0.52
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HB	18	0.52
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HB	18	0.52
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HB	18	0.52
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HB	18	0.52
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HB	18	0.52
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB2	16	0.52
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB3	16	0.52
(1,1383)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:HA2	23	0.52
(1,1383)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:HA3	23	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1337)	1:30:A:LEU:HG	1:60:A:THR:HA	3	0.52
(1,1321)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	20	0.52
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD2	22	0.52
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD3	22	0.52
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD2	22	0.52
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD3	22	0.52
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD2	22	0.52
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD3	22	0.52
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	8	0.52
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	8	0.52
(1,1305)	1:22:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	16	0.52
(1,1264)	1:27:A:TRP:HZ3	1:81:A:ILE:HD12	14	0.52
(1,1256)	1:12:A:TYR:HB3	1:27:A:TRP:HH2	7	0.52
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE1	21	0.52
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE2	21	0.52
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE1	18	0.52
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE2	18	0.52
(1,1202)	1:30:A:LEU:HA	1:31:A:HIS:HD2	2	0.52
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	11	0.52
(1,1168)	1:85:A:HIS:HB2	1:85:A:HIS:HD2	13	0.52
(1,1168)	1:85:A:HIS:HB2	1:85:A:HIS:HD2	15	0.52
(1,1161)	1:27:A:TRP:HH2	1:81:A:ILE:HD12	3	0.52
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD1	1:81:A:ILE:HD12	7	0.52
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD2	1:81:A:ILE:HD12	7	0.52
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD1	1:17:A:ILE:HG21	15	0.52
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD2	1:17:A:ILE:HG21	15	0.52
(1,1096)	1:33:A:LYS:HA	1:82:A:GLY:H	15	0.52
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	9	0.52
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	12	0.52
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	4	0.52
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	4	0.52
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	4	0.52
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	23	0.52
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	10	0.52
(1,1062)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:HB2	3	0.52
(1,1044)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HA	18	0.52
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	14	0.52
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	14	0.52
(1,1031)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	17	0.52
(1,988)	1:33:A:LYS:H	1:83:A:GLU:HA	8	0.52
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	9	0.52
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	2	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	8	0.52
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	15	0.52
(1,949)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD22	22	0.52
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	15	0.52
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	16	0.52
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	13	0.52
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	5	0.52
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	5	0.52
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	5	0.52
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB1	14	0.52
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB2	14	0.52
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB3	14	0.52
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	12	0.52
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	22	0.52
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB1	9	0.52
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB2	9	0.52
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB3	9	0.52
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB1	11	0.52
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB2	11	0.52
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB3	11	0.52
(1,720)	1:18:A:LYS:HA	1:20:A:HIS:H	12	0.52
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE2	1	0.52
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE3	1	0.52
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE2	4	0.52
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE3	4	0.52
(1,697)	1:81:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:H	1	0.52
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	14	0.52
(1,557)	1:16:A:GLU:H	1:16:A:GLU:HB3	2	0.52
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	21	0.52
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	21	0.52
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	21	0.52
(1,474)	1:9:A:VAL:HG21	1:10:A:LYS:H	4	0.52
(1,474)	1:9:A:VAL:HG22	1:10:A:LYS:H	4	0.52
(1,474)	1:9:A:VAL:HG23	1:10:A:LYS:H	4	0.52
(1,474)	1:9:A:VAL:HG21	1:10:A:LYS:H	23	0.52
(1,474)	1:9:A:VAL:HG22	1:10:A:LYS:H	23	0.52
(1,474)	1:9:A:VAL:HG23	1:10:A:LYS:H	23	0.52
(1,447)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:H	12	0.52
(1,447)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:H	12	0.52
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	8	0.52
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	8	0.52
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	8	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	11	0.52
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	11	0.52
(1,274)	1:42:A:GLU:HB2	1:48:A:GLU:HB3	19	0.52
(1,247)	1:83:A:GLU:HB3	1:85:A:HIS:HA	15	0.52
(1,198)	1:12:A:TYR:HD1	1:16:A:GLU:HB2	10	0.52
(1,198)	1:12:A:TYR:HD2	1:16:A:GLU:HB2	10	0.52
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	15	0.52
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG2	18	0.52
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG3	18	0.52
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	22	0.52
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	22	0.52
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	22	0.52
(1,119)	1:27:A:TRP:HA	1:36:A:ASP:HB2	23	0.52
(1,88)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HG12	23	0.52
(1,88)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HG13	23	0.52
(3,24)	1:55:A:ALA:H	1:52:A:ARG:O	3	0.51
(3,19)	1:40:A:PHE:O	1:44:A:HIS:H	23	0.51
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG2	10	0.51
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG3	10	0.51
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG2	10	0.51
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG3	10	0.51
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG2	10	0.51
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG3	10	0.51
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	12	0.51
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	12	0.51
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	12	0.51
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	12	0.51
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	12	0.51
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	12	0.51
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	20	0.51
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	20	0.51
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	20	0.51
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	20	0.51
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	20	0.51
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	20	0.51
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	9	0.51
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	9	0.51
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	11	0.51
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	11	0.51
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	11	0.51
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	11	0.51
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	11	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	11	0.51
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:HE21	19	0.51
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:HE21	19	0.51
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:HE21	19	0.51
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD21	1:54:A:GLN:HE21	19	0.51
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD22	1:54:A:GLN:HE21	19	0.51
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD23	1:54:A:GLN:HE21	19	0.51
(1,1392)	1:24:A:LYS:HG2	1:38:A:THR:HG21	11	0.51
(1,1392)	1:24:A:LYS:HG2	1:38:A:THR:HG22	11	0.51
(1,1392)	1:24:A:LYS:HG2	1:38:A:THR:HG23	11	0.51
(1,1392)	1:24:A:LYS:HG3	1:38:A:THR:HG21	11	0.51
(1,1392)	1:24:A:LYS:HG3	1:38:A:THR:HG22	11	0.51
(1,1392)	1:24:A:LYS:HG3	1:38:A:THR:HG23	11	0.51
(1,1379)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	4	0.51
(1,1379)	1:20:A:HIS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	4	0.51
(1,1273)	1:17:A:ILE:HB	1:27:A:TRP:HZ3	3	0.51
(1,1256)	1:12:A:TYR:HB3	1:27:A:TRP:HH2	11	0.51
(1,1224)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HZ3	21	0.51
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE1	5	0.51
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE2	5	0.51
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE1	20	0.51
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE2	20	0.51
(1,1168)	1:85:A:HIS:HB2	1:85:A:HIS:HD2	8	0.51
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD1	1:81:A:ILE:HD12	13	0.51
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD2	1:81:A:ILE:HD12	13	0.51
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	12	0.51
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	12	0.51
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	12	0.51
(1,1074)	1:21:A:ASN:HB2	1:56:A:GLY:H	7	0.51
(1,1062)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:HB2	17	0.51
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:H	5	0.51
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:H	5	0.51
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:H	5	0.51
(1,953)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HA	11	0.51
(1,953)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HA	22	0.51
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	12	0.51
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	8	0.51
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	1	0.51
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	19	0.51
(1,855)	1:12:A:TYR:H	1:82:A:GLY:HA2	6	0.51
(1,797)	1:34:A:VAL:HG21	1:82:A:GLY:H	15	0.51
(1,797)	1:34:A:VAL:HG22	1:82:A:GLY:H	15	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,797)	1:34:A:VAL:HG23	1:82:A:GLY:H	15	0.51
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB1	20	0.51
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB2	20	0.51
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB3	20	0.51
(1,720)	1:18:A:LYS:HA	1:20:A:HIS:H	21	0.51
(1,608)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	16	0.51
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	7	0.51
(1,533)	1:22:A:HIS:H	1:26:A:THR:HA	4	0.51
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	19	0.51
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	19	0.51
(1,446)	1:12:A:TYR:HE1	1:83:A:GLU:H	3	0.51
(1,446)	1:12:A:TYR:HE2	1:83:A:GLU:H	3	0.51
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	8	0.51
(1,279)	1:27:A:TRP:HE3	1:81:A:ILE:HD12	7	0.51
(1,276)	1:42:A:GLU:HB3	1:48:A:GLU:HB3	9	0.51
(1,247)	1:83:A:GLU:HB3	1:85:A:HIS:HA	19	0.51
(1,241)	1:75:A:LEU:HG	1:78:A:THR:HB	19	0.51
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	18	0.51
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	18	0.51
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	18	0.51
(1,52)	1:40:A:PHE:HA	1:40:A:PHE:HD1	15	0.51
(1,16)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HA	15	0.51
(1,1557)	1:86:A:PRO:HD2	1:89:A:ARG:HB2	3	0.5
(1,1557)	1:86:A:PRO:HD2	1:89:A:ARG:HB3	3	0.5
(1,1557)	1:86:A:PRO:HD3	1:89:A:ARG:HB2	3	0.5
(1,1557)	1:86:A:PRO:HD3	1:89:A:ARG:HB3	3	0.5
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	17	0.5
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	17	0.5
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG21	9	0.5
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG22	9	0.5
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG23	9	0.5
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG21	9	0.5
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG22	9	0.5
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG23	9	0.5
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG21	9	0.5
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG22	9	0.5
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG23	9	0.5
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG21	9	0.5
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG22	9	0.5
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG23	9	0.5
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG21	9	0.5
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG22	9	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG23	9	0.5
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG21	9	0.5
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG22	9	0.5
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG23	9	0.5
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HB	15	0.5
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HB	15	0.5
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HB	15	0.5
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HB	15	0.5
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HB	15	0.5
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HB	15	0.5
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	9	0.5
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	9	0.5
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB2	8	0.5
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB3	8	0.5
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:HE21	4	0.5
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:HE21	4	0.5
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:HE21	4	0.5
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD21	1:54:A:GLN:HE21	4	0.5
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD22	1:54:A:GLN:HE21	4	0.5
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD23	1:54:A:GLN:HE21	4	0.5
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	9	0.5
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	9	0.5
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG2	1:52:A:ARG:HD2	17	0.5
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG2	1:52:A:ARG:HD3	17	0.5
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG3	1:52:A:ARG:HD2	17	0.5
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG3	1:52:A:ARG:HD3	17	0.5
(1,1305)	1:22:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	22	0.5
(1,1227)	1:37:A:LEU:HA	1:40:A:PHE:HD1	17	0.5
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE1	1:16:A:GLU:HG2	18	0.5
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE1	1:16:A:GLU:HG3	18	0.5
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE2	1:16:A:GLU:HG2	18	0.5
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE2	1:16:A:GLU:HG3	18	0.5
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD1	1:27:A:TRP:HH2	18	0.5
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD2	1:27:A:TRP:HH2	18	0.5
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD1	1:81:A:ILE:HD12	6	0.5
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD2	1:81:A:ILE:HD12	6	0.5
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD1	1:81:A:ILE:HD12	10	0.5
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD2	1:81:A:ILE:HD12	10	0.5
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	14	0.5
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	14	0.5
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	14	0.5
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:H	2	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:H	2	0.5
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:H	2	0.5
(1,1047)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HE2	10	0.5
(1,1047)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HE3	10	0.5
(1,1024)	1:35:A:TYR:HA	1:79:A:PHE:H	20	0.5
(1,988)	1:33:A:LYS:H	1:83:A:GLU:HA	15	0.5
(1,965)	1:62:A:ASN:HA	1:62:A:ASN:HD21	22	0.5
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	18	0.5
(1,938)	1:14:A:LEU:HD21	1:88:A:ASP:H	10	0.5
(1,938)	1:14:A:LEU:HD22	1:88:A:ASP:H	10	0.5
(1,938)	1:14:A:LEU:HD23	1:88:A:ASP:H	10	0.5
(1,858)	1:12:A:TYR:HE1	1:13:A:THR:H	5	0.5
(1,858)	1:12:A:TYR:HE2	1:13:A:THR:H	5	0.5
(1,858)	1:12:A:TYR:HE1	1:13:A:THR:H	9	0.5
(1,858)	1:12:A:TYR:HE2	1:13:A:THR:H	9	0.5
(1,858)	1:12:A:TYR:HE1	1:13:A:THR:H	18	0.5
(1,858)	1:12:A:TYR:HE2	1:13:A:THR:H	18	0.5
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	8	0.5
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	8	0.5
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	8	0.5
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG2	9	0.5
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG3	9	0.5
(1,766)	1:52:A:ARG:H	1:53:A:GLU:HG2	22	0.5
(1,637)	1:35:A:TYR:HB3	1:37:A:LEU:H	5	0.5
(1,622)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HG2	6	0.5
(1,621)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HE2	5	0.5
(1,621)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HE3	5	0.5
(1,539)	1:17:A:ILE:HD11	1:56:A:GLY:H	11	0.5
(1,539)	1:17:A:ILE:HD12	1:56:A:GLY:H	11	0.5
(1,539)	1:17:A:ILE:HD13	1:56:A:GLY:H	11	0.5
(1,448)	1:30:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HE1	22	0.5
(1,448)	1:30:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HE2	22	0.5
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	9	0.5
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	12	0.5
(1,440)	1:12:A:TYR:HD1	1:82:A:GLY:H	9	0.5
(1,440)	1:12:A:TYR:HD2	1:82:A:GLY:H	9	0.5
(1,376)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:H	23	0.5
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	10	0.5
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	3	0.5
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	5	0.5
(1,146)	1:52:A:ARG:HD2	1:53:A:GLU:H	21	0.5
(1,146)	1:52:A:ARG:HD3	1:53:A:GLU:H	21	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD1	13	0.5
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD2	13	0.5
(1,121)	1:79:A:PHE:HA	1:81:A:ILE:HG23	6	0.5
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	7	0.5
(1,88)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HG12	20	0.5
(1,88)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HG13	20	0.5
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD2	3	0.5
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD3	3	0.5
(3,28)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	8	0.49
(3,20)	1:66:A:VAL:H	1:63:A:PHE:O	8	0.49
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD2	5	0.49
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	5	0.49
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	14	0.49
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	14	0.49
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	15	0.49
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	15	0.49
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	15	0.49
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	15	0.49
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	15	0.49
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	15	0.49
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD11	1:61:A:GLU:H	9	0.49
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD12	1:61:A:GLU:H	9	0.49
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD13	1:61:A:GLU:H	9	0.49
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD21	1:61:A:GLU:H	9	0.49
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD22	1:61:A:GLU:H	9	0.49
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD23	1:61:A:GLU:H	9	0.49
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG21	20	0.49
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG22	20	0.49
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG23	20	0.49
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG21	20	0.49
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG22	20	0.49
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG23	20	0.49
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG21	20	0.49
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG22	20	0.49
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG23	20	0.49
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG21	20	0.49
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG22	20	0.49
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG23	20	0.49
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG21	20	0.49
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG22	20	0.49
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG23	20	0.49
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG21	20	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG22	20	0.49
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG23	20	0.49
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:HE21	13	0.49
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:HE21	13	0.49
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:HE21	13	0.49
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD21	1:54:A:GLN:HE21	13	0.49
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD22	1:54:A:GLN:HE21	13	0.49
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD23	1:54:A:GLN:HE21	13	0.49
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:H	7	0.49
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:H	7	0.49
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:H	7	0.49
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	7	0.49
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	7	0.49
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	7	0.49
(1,1347)	1:11:A:TYR:HB3	1:86:A:PRO:HD2	13	0.49
(1,1347)	1:11:A:TYR:HB3	1:86:A:PRO:HD3	13	0.49
(1,1337)	1:30:A:LEU:HG	1:60:A:THR:HA	19	0.49
(1,1304)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	2	0.49
(1,1264)	1:27:A:TRP:HZ3	1:81:A:ILE:HD12	2	0.49
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB1	1:62:A:ASN:HD22	21	0.49
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB2	1:62:A:ASN:HD22	21	0.49
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB3	1:62:A:ASN:HD22	21	0.49
(1,1221)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	15	0.49
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE1	23	0.49
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE2	23	0.49
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE1	5	0.49
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE2	5	0.49
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:HE1	13	0.49
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:HE2	13	0.49
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:HE1	13	0.49
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:HE2	13	0.49
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:HE1	13	0.49
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:HE2	13	0.49
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	22	0.49
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	22	0.49
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	22	0.49
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	23	0.49
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	11	0.49
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:H	11	0.49
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:H	11	0.49
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:H	11	0.49
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	14	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	14	0.49
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	14	0.49
(1,1005)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:H	22	0.49
(1,1005)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:H	22	0.49
(1,1005)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:H	22	0.49
(1,979)	1:95:A:PRO:HG2	1:96:A:MET:H	22	0.49
(1,979)	1:95:A:PRO:HG3	1:96:A:MET:H	22	0.49
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB1	4	0.49
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB2	4	0.49
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB3	4	0.49
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	11	0.49
(1,911)	1:26:A:THR:HG21	1:56:A:GLY:H	21	0.49
(1,911)	1:26:A:THR:HG22	1:56:A:GLY:H	21	0.49
(1,911)	1:26:A:THR:HG23	1:56:A:GLY:H	21	0.49
(1,908)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:H	13	0.49
(1,908)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:H	13	0.49
(1,908)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:H	13	0.49
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	18	0.49
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	19	0.49
(1,868)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:HB2	16	0.49
(1,858)	1:12:A:TYR:HE1	1:13:A:THR:H	4	0.49
(1,858)	1:12:A:TYR:HE2	1:13:A:THR:H	4	0.49
(1,858)	1:12:A:TYR:HE1	1:13:A:THR:H	6	0.49
(1,858)	1:12:A:TYR:HE2	1:13:A:THR:H	6	0.49
(1,853)	1:12:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HA	18	0.49
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB1	21	0.49
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB2	21	0.49
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB3	21	0.49
(1,770)	1:49:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:H	14	0.49
(1,654)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG2	17	0.49
(1,608)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	15	0.49
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	10	0.49
(1,555)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:HB2	1	0.49
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	21	0.49
(1,541)	1:16:A:GLU:H	1:17:A:ILE:HG13	7	0.49
(1,428)	1:60:A:THR:H	1:62:A:ASN:H	18	0.49
(1,393)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	6	0.49
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG21	9	0.49
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG22	9	0.49
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG23	9	0.49
(1,276)	1:42:A:GLU:HB3	1:48:A:GLU:HB3	19	0.49
(1,247)	1:83:A:GLU:HB3	1:85:A:HIS:HA	3	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	6	0.49
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	6	0.49
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	6	0.49
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	1	0.49
(1,88)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HG12	19	0.49
(1,88)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HG13	19	0.49
(1,61)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HA	18	0.49
(1,52)	1:40:A:PHE:HA	1:40:A:PHE:HD1	19	0.49
(1,15)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HA	15	0.49
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD2	16	0.48
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	16	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD11	1:79:A:PHE:HD1	4	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD11	1:79:A:PHE:HD2	4	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD12	1:79:A:PHE:HD1	4	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD12	1:79:A:PHE:HD2	4	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD13	1:79:A:PHE:HD1	4	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD13	1:79:A:PHE:HD2	4	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD21	1:79:A:PHE:HD1	4	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD21	1:79:A:PHE:HD2	4	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD22	1:79:A:PHE:HD1	4	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD22	1:79:A:PHE:HD2	4	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD23	1:79:A:PHE:HD1	4	0.48
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD23	1:79:A:PHE:HD2	4	0.48
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	1	0.48
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	1	0.48
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	1	0.48
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	1	0.48
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	1	0.48
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	1	0.48
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HB	5	0.48
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HB	5	0.48
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HB	5	0.48
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HB	5	0.48
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HB	5	0.48
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HB	5	0.48
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD11	1:17:A:ILE:HB	10	0.48
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD12	1:17:A:ILE:HB	10	0.48
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD13	1:17:A:ILE:HB	10	0.48
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD21	1:17:A:ILE:HB	10	0.48
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD22	1:17:A:ILE:HB	10	0.48
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD23	1:17:A:ILE:HB	10	0.48
(1,1323)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:HA2	14	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1323)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:HA2	16	0.48
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD2	14	0.48
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD3	14	0.48
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD2	14	0.48
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD3	14	0.48
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD2	14	0.48
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD3	14	0.48
(1,1305)	1:22:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	12	0.48
(1,1305)	1:22:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	15	0.48
(1,1282)	1:81:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	6	0.48
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD11	1:48:A:GLU:HA	5	0.48
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD12	1:48:A:GLU:HA	5	0.48
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD13	1:48:A:GLU:HA	5	0.48
(1,1264)	1:27:A:TRP:HZ3	1:81:A:ILE:HD12	15	0.48
(1,1248)	1:35:A:TYR:HE1	1:80:A:ILE:HG21	8	0.48
(1,1248)	1:35:A:TYR:HE2	1:80:A:ILE:HG21	8	0.48
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG11	23	0.48
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG12	23	0.48
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG13	23	0.48
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB1	1:62:A:ASN:HD22	3	0.48
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB2	1:62:A:ASN:HD22	3	0.48
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB3	1:62:A:ASN:HD22	3	0.48
(1,1184)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	1	0.48
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:HB2	10	0.48
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:HB2	10	0.48
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	21	0.48
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	21	0.48
(1,1097)	1:9:A:VAL:HB	1:82:A:GLY:H	8	0.48
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	12	0.48
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	1	0.48
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG21	1:85:A:HIS:H	15	0.48
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG22	1:85:A:HIS:H	15	0.48
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG23	1:85:A:HIS:H	15	0.48
(1,985)	1:41:A:LEU:HD21	1:52:A:ARG:H	14	0.48
(1,985)	1:41:A:LEU:HD22	1:52:A:ARG:H	14	0.48
(1,985)	1:41:A:LEU:HD23	1:52:A:ARG:H	14	0.48
(1,979)	1:95:A:PRO:HG2	1:96:A:MET:H	8	0.48
(1,979)	1:95:A:PRO:HG3	1:96:A:MET:H	8	0.48
(1,979)	1:95:A:PRO:HG2	1:96:A:MET:H	17	0.48
(1,979)	1:95:A:PRO:HG3	1:96:A:MET:H	17	0.48
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB1	4	0.48
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB2	4	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB3	4	0.48
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	19	0.48
(1,934)	1:14:A:LEU:H	1:85:A:HIS:H	9	0.48
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	11	0.48
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	2	0.48
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	20	0.48
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	17	0.48
(1,872)	1:21:A:ASN:H	1:27:A:TRP:H	1	0.48
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	4	0.48
(1,836)	1:77:A:LYS:HB3	1:80:A:ILE:H	14	0.48
(1,785)	1:61:A:GLU:H	1:64:A:GLU:H	12	0.48
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB1	8	0.48
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB2	8	0.48
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB3	8	0.48
(1,762)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:H	14	0.48
(1,762)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:H	14	0.48
(1,762)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:H	14	0.48
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	7	0.48
(1,727)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	18	0.48
(1,447)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:H	11	0.48
(1,447)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:H	11	0.48
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	10	0.48
(1,403)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:H	9	0.48
(1,247)	1:83:A:GLU:HB3	1:85:A:HIS:HA	18	0.48
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG21	10	0.48
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG22	10	0.48
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG23	10	0.48
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	18	0.48
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG2	20	0.48
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG3	20	0.48
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG2	20	0.48
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG3	20	0.48
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG2	20	0.48
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG3	20	0.48
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	11	0.48
(1,15)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HA	9	0.48
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD2	17	0.47
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD3	17	0.47
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	11	0.47
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	11	0.47
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	11	0.47
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	11	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	11	0.47
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	11	0.47
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	4	0.47
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	4	0.47
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD11	1:61:A:GLU:H	2	0.47
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD12	1:61:A:GLU:H	2	0.47
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD13	1:61:A:GLU:H	2	0.47
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD21	1:61:A:GLU:H	2	0.47
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD22	1:61:A:GLU:H	2	0.47
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD23	1:61:A:GLU:H	2	0.47
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD11	1:61:A:GLU:H	20	0.47
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD12	1:61:A:GLU:H	20	0.47
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD13	1:61:A:GLU:H	20	0.47
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD21	1:61:A:GLU:H	20	0.47
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD22	1:61:A:GLU:H	20	0.47
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD23	1:61:A:GLU:H	20	0.47
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HB	3	0.47
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HB	3	0.47
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HB	3	0.47
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HB	3	0.47
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HB	3	0.47
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HB	3	0.47
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB2	18	0.47
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB3	18	0.47
(1,1379)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	11	0.47
(1,1379)	1:20:A:HIS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	11	0.47
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	15	0.47
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	15	0.47
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD11	1:27:A:TRP:H	17	0.47
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD12	1:27:A:TRP:H	17	0.47
(1,1340)	1:17:A:ILE:HD13	1:27:A:TRP:H	17	0.47
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	1	0.47
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	1	0.47
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	23	0.47
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	23	0.47
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	23	0.47
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD11	1:48:A:GLU:HA	11	0.47
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD12	1:48:A:GLU:HA	11	0.47
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD13	1:48:A:GLU:HA	11	0.47
(1,1251)	1:30:A:LEU:HG	1:31:A:HIS:HD2	1	0.47
(1,1248)	1:35:A:TYR:HE1	1:80:A:ILE:HG21	1	0.47
(1,1248)	1:35:A:TYR:HE2	1:80:A:ILE:HG21	1	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	6	0.47
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:HA2	14	0.47
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:HA2	14	0.47
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE1	9	0.47
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE2	9	0.47
(1,1198)	1:12:A:TYR:HE1	1:81:A:ILE:HA	3	0.47
(1,1198)	1:12:A:TYR:HE2	1:81:A:ILE:HA	3	0.47
(1,1188)	1:30:A:LEU:HB2	1:31:A:HIS:HD2	17	0.47
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	7	0.47
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	10	0.47
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	12	0.47
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	12	0.47
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	18	0.47
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	18	0.47
(1,1102)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:H	14	0.47
(1,1096)	1:33:A:LYS:HA	1:82:A:GLY:H	2	0.47
(1,1065)	1:15:A:GLU:H	1:16:A:GLU:HB3	17	0.47
(1,1062)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:HB2	12	0.47
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	10	0.47
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	10	0.47
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	10	0.47
(1,979)	1:95:A:PRO:HG2	1:96:A:MET:H	12	0.47
(1,979)	1:95:A:PRO:HG3	1:96:A:MET:H	12	0.47
(1,979)	1:95:A:PRO:HG2	1:96:A:MET:H	13	0.47
(1,979)	1:95:A:PRO:HG3	1:96:A:MET:H	13	0.47
(1,955)	1:53:A:GLU:HB2	1:54:A:GLN:HE22	17	0.47
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	1	0.47
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	15	0.47
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG2	11	0.47
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG3	11	0.47
(1,792)	1:35:A:TYR:HA	1:80:A:ILE:H	14	0.47
(1,770)	1:49:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:H	5	0.47
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	23	0.47
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	14	0.47
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	21	0.47
(1,740)	1:34:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HD13	4	0.47
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB1	4	0.47
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB2	4	0.47
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB3	4	0.47
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB1	22	0.47
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB2	22	0.47
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB3	22	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,728)	1:21:A:ASN:HB2	1:27:A:TRP:H	7	0.47
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE2	16	0.47
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE3	16	0.47
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD1	6	0.47
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD2	6	0.47
(1,697)	1:81:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:H	16	0.47
(1,668)	1:60:A:THR:HB	1:62:A:ASN:H	4	0.47
(1,608)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	21	0.47
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	14	0.47
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	7	0.47
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	7	0.47
(1,440)	1:12:A:TYR:HD1	1:82:A:GLY:H	3	0.47
(1,440)	1:12:A:TYR:HD2	1:82:A:GLY:H	3	0.47
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG21	20	0.47
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG22	20	0.47
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG23	20	0.47
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	20	0.47
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	20	0.47
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	20	0.47
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	20	0.47
(1,193)	1:36:A:ASP:HB3	1:81:A:ILE:HG22	7	0.47
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	8	0.47
(1,61)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HA	4	0.47
(3,23)	1:54:A:GLN:H	1:51:A:LEU:O	3	0.46
(3,19)	1:40:A:PHE:O	1:44:A:HIS:H	6	0.46
(3,9)	1:70:A:THR:O	1:74:A:GLU:H	15	0.46
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	22	0.46
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	22	0.46
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	22	0.46
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	22	0.46
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	22	0.46
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	22	0.46
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD11	1:79:A:PHE:HD1	21	0.46
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD11	1:79:A:PHE:HD2	21	0.46
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD12	1:79:A:PHE:HD1	21	0.46
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD12	1:79:A:PHE:HD2	21	0.46
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD13	1:79:A:PHE:HD1	21	0.46
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD13	1:79:A:PHE:HD2	21	0.46
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD21	1:79:A:PHE:HD1	21	0.46
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD21	1:79:A:PHE:HD2	21	0.46
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD22	1:79:A:PHE:HD1	21	0.46
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD22	1:79:A:PHE:HD2	21	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD23	1:79:A:PHE:HD1	21	0.46
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD23	1:79:A:PHE:HD2	21	0.46
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	7	0.46
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	7	0.46
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	7	0.46
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	7	0.46
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	7	0.46
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	7	0.46
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	23	0.46
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	23	0.46
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	15	0.46
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	15	0.46
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	15	0.46
(1,1270)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HZ3	14	0.46
(1,1248)	1:35:A:TYR:HE1	1:80:A:ILE:HG21	14	0.46
(1,1248)	1:35:A:TYR:HE2	1:80:A:ILE:HG21	14	0.46
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG2	1:40:A:PHE:HD1	23	0.46
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG3	1:40:A:PHE:HD1	23	0.46
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE1	16	0.46
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE2	16	0.46
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	2	0.46
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	16	0.46
(1,1167)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HA	18	0.46
(1,1099)	1:32:A:HIS:HA	1:84:A:LEU:H	22	0.46
(1,1069)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HB2	14	0.46
(1,1044)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HA	16	0.46
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	16	0.46
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	16	0.46
(1,1028)	1:80:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:H	20	0.46
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	10	0.46
(1,1014)	1:60:A:THR:HG21	1:62:A:ASN:H	11	0.46
(1,1014)	1:60:A:THR:HG22	1:62:A:ASN:H	11	0.46
(1,1014)	1:60:A:THR:HG23	1:62:A:ASN:H	11	0.46
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	5	0.46
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	5	0.46
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	5	0.46
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	18	0.46
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	18	0.46
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	18	0.46
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB1	19	0.46
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB2	19	0.46
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB3	19	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB1	21	0.46
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB2	21	0.46
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB3	21	0.46
(1,911)	1:26:A:THR:HG21	1:56:A:GLY:H	1	0.46
(1,911)	1:26:A:THR:HG22	1:56:A:GLY:H	1	0.46
(1,911)	1:26:A:THR:HG23	1:56:A:GLY:H	1	0.46
(1,911)	1:26:A:THR:HG21	1:56:A:GLY:H	8	0.46
(1,911)	1:26:A:THR:HG22	1:56:A:GLY:H	8	0.46
(1,911)	1:26:A:THR:HG23	1:56:A:GLY:H	8	0.46
(1,911)	1:26:A:THR:HG21	1:56:A:GLY:H	9	0.46
(1,911)	1:26:A:THR:HG22	1:56:A:GLY:H	9	0.46
(1,911)	1:26:A:THR:HG23	1:56:A:GLY:H	9	0.46
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	7	0.46
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	21	0.46
(1,877)	1:22:A:HIS:HB3	1:25:A:SER:H	4	0.46
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	2	0.46
(1,872)	1:21:A:ASN:H	1:27:A:TRP:H	22	0.46
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG2	22	0.46
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG3	22	0.46
(1,792)	1:35:A:TYR:HA	1:80:A:ILE:H	11	0.46
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB1	12	0.46
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB2	12	0.46
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB3	12	0.46
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	19	0.46
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	19	0.46
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	19	0.46
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	23	0.46
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	23	0.46
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	23	0.46
(1,762)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:H	13	0.46
(1,762)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:H	13	0.46
(1,762)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:H	13	0.46
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	18	0.46
(1,737)	1:33:A:LYS:HG2	1:34:A:VAL:H	10	0.46
(1,737)	1:33:A:LYS:HG3	1:34:A:VAL:H	10	0.46
(1,696)	1:81:A:ILE:HG23	1:82:A:GLY:H	1	0.46
(1,668)	1:60:A:THR:HB	1:62:A:ASN:H	6	0.46
(1,668)	1:60:A:THR:HB	1:62:A:ASN:H	18	0.46
(1,637)	1:35:A:TYR:HB3	1:37:A:LEU:H	22	0.46
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	8	0.46
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	20	0.46
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	20	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	20	0.46
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	21	0.46
(1,440)	1:12:A:TYR:HD1	1:82:A:GLY:H	1	0.46
(1,440)	1:12:A:TYR:HD2	1:82:A:GLY:H	1	0.46
(1,440)	1:12:A:TYR:HD1	1:82:A:GLY:H	13	0.46
(1,440)	1:12:A:TYR:HD2	1:82:A:GLY:H	13	0.46
(1,439)	1:12:A:TYR:HD1	1:13:A:THR:H	2	0.46
(1,439)	1:12:A:TYR:HD2	1:13:A:THR:H	2	0.46
(1,332)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:H	14	0.46
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG21	22	0.46
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG22	22	0.46
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG23	22	0.46
(1,281)	1:53:A:GLU:HA	1:54:A:GLN:HG2	4	0.46
(1,254)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HA	23	0.46
(1,254)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HA	23	0.46
(1,254)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HA	23	0.46
(1,235)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	6	0.46
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	6	0.46
(1,190)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:HB1	23	0.46
(1,190)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:HB2	23	0.46
(1,190)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:HB3	23	0.46
(1,190)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:HB1	23	0.46
(1,190)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:HB2	23	0.46
(1,190)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:HB3	23	0.46
(1,190)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:HB1	23	0.46
(1,190)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:HB2	23	0.46
(1,190)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:HB3	23	0.46
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG2	15	0.46
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG3	15	0.46
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG2	21	0.46
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG3	21	0.46
(1,137)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HB	16	0.46
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG2	3	0.46
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG3	3	0.46
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	19	0.46
(1,91)	1:34:A:VAL:HA	1:80:A:ILE:HA	1	0.46
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG2	9	0.46
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG3	9	0.46
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG2	11	0.46
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG3	11	0.46
(1,59)	1:50:A:VAL:HA	1:53:A:GLU:HB3	6	0.46
(1,59)	1:50:A:VAL:HA	1:53:A:GLU:HB2	6	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD2	17	0.46
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD3	17	0.46
(1,26)	1:15:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	13	0.46
(1,26)	1:15:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	13	0.46
(1,15)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HA	17	0.46
(1,1505)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:HG2	8	0.45
(1,1505)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:HG3	8	0.45
(1,1456)	1:31:A:HIS:HE1	1:64:A:GLU:HB2	12	0.45
(1,1456)	1:31:A:HIS:HE1	1:64:A:GLU:HB3	12	0.45
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	23	0.45
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	23	0.45
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	23	0.45
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	23	0.45
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	23	0.45
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	23	0.45
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB2	10	0.45
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB3	10	0.45
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD11	1:55:A:ALA:HA	17	0.45
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD12	1:55:A:ALA:HA	17	0.45
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD13	1:55:A:ALA:HA	17	0.45
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD21	1:55:A:ALA:HA	17	0.45
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD22	1:55:A:ALA:HA	17	0.45
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD23	1:55:A:ALA:HA	17	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:H	2	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:H	2	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:H	2	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	2	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	2	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	2	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:H	3	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:H	3	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:H	3	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	3	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	3	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	3	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:H	4	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:H	4	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:H	4	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	4	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	4	0.45
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	4	0.45
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	20	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	20	0.45
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG11	1	0.45
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG12	1	0.45
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG13	1	0.45
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE1	13	0.45
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE2	13	0.45
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:HB2	18	0.45
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:HB2	18	0.45
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:HB2	22	0.45
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:HB2	22	0.45
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	4	0.45
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	9	0.45
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	9	0.45
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	9	0.45
(1,1068)	1:20:A:HIS:H	1:21:A:ASN:HD21	16	0.45
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:H	18	0.45
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:H	18	0.45
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:H	18	0.45
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG21	1:85:A:HIS:H	21	0.45
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG22	1:85:A:HIS:H	21	0.45
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG23	1:85:A:HIS:H	21	0.45
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB1	9	0.45
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB2	9	0.45
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB3	9	0.45
(1,911)	1:26:A:THR:HG21	1:56:A:GLY:H	3	0.45
(1,911)	1:26:A:THR:HG22	1:56:A:GLY:H	3	0.45
(1,911)	1:26:A:THR:HG23	1:56:A:GLY:H	3	0.45
(1,911)	1:26:A:THR:HG21	1:56:A:GLY:H	7	0.45
(1,911)	1:26:A:THR:HG22	1:56:A:GLY:H	7	0.45
(1,911)	1:26:A:THR:HG23	1:56:A:GLY:H	7	0.45
(1,911)	1:26:A:THR:HG21	1:56:A:GLY:H	12	0.45
(1,911)	1:26:A:THR:HG22	1:56:A:GLY:H	12	0.45
(1,911)	1:26:A:THR:HG23	1:56:A:GLY:H	12	0.45
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	3	0.45
(1,872)	1:21:A:ASN:H	1:27:A:TRP:H	18	0.45
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG2	6	0.45
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG3	6	0.45
(1,797)	1:34:A:VAL:HG21	1:82:A:GLY:H	12	0.45
(1,797)	1:34:A:VAL:HG22	1:82:A:GLY:H	12	0.45
(1,797)	1:34:A:VAL:HG23	1:82:A:GLY:H	12	0.45
(1,766)	1:52:A:ARG:H	1:53:A:GLU:HG2	7	0.45
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	5	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	8	0.45
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	4	0.45
(1,740)	1:34:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HD13	23	0.45
(1,727)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	7	0.45
(1,621)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HE2	20	0.45
(1,621)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HE3	20	0.45
(1,557)	1:16:A:GLU:H	1:16:A:GLU:HB3	4	0.45
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	23	0.45
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	14	0.45
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	20	0.45
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	2	0.45
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	2	0.45
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	19	0.45
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	1	0.45
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	1	0.45
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	1	0.45
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	5	0.45
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	5	0.45
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	5	0.45
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	10	0.45
(1,137)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HB	22	0.45
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG2	6	0.45
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG3	6	0.45
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG2	6	0.45
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG3	6	0.45
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG2	6	0.45
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG3	6	0.45
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	8	0.45
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG2	1	0.45
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG3	1	0.45
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD2	3	0.45
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD3	3	0.45
(1,26)	1:15:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	15	0.45
(1,26)	1:15:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	15	0.45
(3,9)	1:70:A:THR:O	1:74:A:GLU:H	6	0.44
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	16	0.44
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	16	0.44
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	16	0.44
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	16	0.44
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	16	0.44
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	16	0.44
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	17	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	17	0.44
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	17	0.44
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	17	0.44
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	17	0.44
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	17	0.44
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	18	0.44
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	18	0.44
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	18	0.44
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	18	0.44
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	18	0.44
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	18	0.44
(1,1496)	1:60:A:THR:HG21	1:64:A:GLU:HB2	12	0.44
(1,1496)	1:60:A:THR:HG21	1:64:A:GLU:HB3	12	0.44
(1,1496)	1:60:A:THR:HG22	1:64:A:GLU:HB2	12	0.44
(1,1496)	1:60:A:THR:HG22	1:64:A:GLU:HB3	12	0.44
(1,1496)	1:60:A:THR:HG23	1:64:A:GLU:HB2	12	0.44
(1,1496)	1:60:A:THR:HG23	1:64:A:GLU:HB3	12	0.44
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG21	23	0.44
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG22	23	0.44
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG23	23	0.44
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG21	23	0.44
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG22	23	0.44
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG23	23	0.44
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG21	23	0.44
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG22	23	0.44
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG23	23	0.44
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG21	23	0.44
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG22	23	0.44
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG23	23	0.44
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG21	23	0.44
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG22	23	0.44
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG23	23	0.44
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG21	23	0.44
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG22	23	0.44
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG23	23	0.44
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HB	6	0.44
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HB	6	0.44
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HB	6	0.44
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HB	6	0.44
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HB	6	0.44
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HB	6	0.44
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD11	1:57:A:GLY:H	8	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD12	1:57:A:GLY:H	8	0.44
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD13	1:57:A:GLY:H	8	0.44
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD21	1:57:A:GLY:H	8	0.44
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD22	1:57:A:GLY:H	8	0.44
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD23	1:57:A:GLY:H	8	0.44
(1,1323)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:HA2	6	0.44
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG2	1:52:A:ARG:HD2	20	0.44
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG2	1:52:A:ARG:HD3	20	0.44
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG3	1:52:A:ARG:HD2	20	0.44
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG3	1:52:A:ARG:HD3	20	0.44
(1,1306)	1:21:A:ASN:HB2	1:22:A:HIS:HD2	3	0.44
(1,1303)	1:22:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	17	0.44
(1,1303)	1:22:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	18	0.44
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	14	0.44
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD11	1:48:A:GLU:HA	10	0.44
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD12	1:48:A:GLU:HA	10	0.44
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD13	1:48:A:GLU:HA	10	0.44
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD11	1:48:A:GLU:HA	23	0.44
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD12	1:48:A:GLU:HA	23	0.44
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD13	1:48:A:GLU:HA	23	0.44
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE1	9	0.44
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE2	9	0.44
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE1	9	0.44
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE2	9	0.44
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE1	9	0.44
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE2	9	0.44
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE1	23	0.44
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE2	23	0.44
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE1	23	0.44
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE2	23	0.44
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE1	23	0.44
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE2	23	0.44
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	17	0.44
(1,1220)	1:12:A:TYR:HE1	1:27:A:TRP:HZ3	17	0.44
(1,1220)	1:12:A:TYR:HE2	1:27:A:TRP:HZ3	17	0.44
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD1	1:27:A:TRP:HH2	7	0.44
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD2	1:27:A:TRP:HH2	7	0.44
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE1	8	0.44
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE2	8	0.44
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG21	6	0.44
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG22	6	0.44
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG23	6	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	13	0.44
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD1	14	0.44
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD2	14	0.44
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HE1	21	0.44
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HE2	21	0.44
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HE1	21	0.44
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HE2	21	0.44
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HE1	21	0.44
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HE2	21	0.44
(1,1109)	1:16:A:GLU:HB3	1:18:A:LYS:H	1	0.44
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	18	0.44
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:H	12	0.44
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:H	12	0.44
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:H	12	0.44
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	2	0.44
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	2	0.44
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	2	0.44
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	8	0.44
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	8	0.44
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	8	0.44
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG2	1:19:A:LYS:H	19	0.44
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG3	1:19:A:LYS:H	19	0.44
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	17	0.44
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	17	0.44
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	21	0.44
(1,879)	1:22:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	4	0.44
(1,872)	1:21:A:ASN:H	1:27:A:TRP:H	6	0.44
(1,870)	1:21:A:ASN:H	1:26:A:THR:HA	12	0.44
(1,858)	1:12:A:TYR:HE1	1:13:A:THR:H	19	0.44
(1,858)	1:12:A:TYR:HE2	1:13:A:THR:H	19	0.44
(1,856)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:H	13	0.44
(1,854)	1:10:A:LYS:HA	1:12:A:TYR:H	13	0.44
(1,853)	1:12:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HA	21	0.44
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG2	13	0.44
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG3	13	0.44
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	15	0.44
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	15	0.44
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	15	0.44
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB1	2	0.44
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB2	2	0.44
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB3	2	0.44
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	5	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB1	6	0.44
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB2	6	0.44
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB3	6	0.44
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	10	0.44
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	10	0.44
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	12	0.44
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	12	0.44
(1,621)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HE2	9	0.44
(1,621)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HE3	9	0.44
(1,612)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HE2	11	0.44
(1,612)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HE3	11	0.44
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	3	0.44
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	9	0.44
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	9	0.44
(1,447)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:H	13	0.44
(1,447)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:H	13	0.44
(1,379)	1:22:A:HIS:H	1:24:A:LYS:H	6	0.44
(1,379)	1:22:A:HIS:H	1:24:A:LYS:H	11	0.44
(1,314)	1:70:A:THR:HG21	1:71:A:ASP:H	13	0.44
(1,314)	1:70:A:THR:HG22	1:71:A:ASP:H	13	0.44
(1,314)	1:70:A:THR:HG23	1:71:A:ASP:H	13	0.44
(1,247)	1:83:A:GLU:HB3	1:85:A:HIS:HA	8	0.44
(1,247)	1:83:A:GLU:HB3	1:85:A:HIS:HA	14	0.44
(1,235)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	16	0.44
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	19	0.44
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	19	0.44
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	19	0.44
(1,176)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HA	12	0.44
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	13	0.44
(1,139)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HB	21	0.44
(1,123)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HG2	4	0.44
(1,123)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HG3	4	0.44
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD2	21	0.44
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD3	21	0.44
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	7	0.44
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	7	0.44
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	16	0.44
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	16	0.44
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	18	0.44
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	18	0.44
(3,19)	1:40:A:PHE:O	1:44:A:HIS:H	14	0.43
(3,19)	1:40:A:PHE:O	1:44:A:HIS:H	18	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1559)	1:87:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HB2	3	0.43
(1,1559)	1:87:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HB3	3	0.43
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	6	0.43
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	6	0.43
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	5	0.43
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	5	0.43
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	5	0.43
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	5	0.43
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	5	0.43
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	5	0.43
(1,1383)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:HA2	3	0.43
(1,1383)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:HA3	3	0.43
(1,1378)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	13	0.43
(1,1378)	1:20:A:HIS:HB3	1:22:A:HIS:H	13	0.43
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD2	21	0.43
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD3	21	0.43
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	10	0.43
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	10	0.43
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	10	0.43
(1,1248)	1:35:A:TYR:HE1	1:80:A:ILE:HG21	20	0.43
(1,1248)	1:35:A:TYR:HE2	1:80:A:ILE:HG21	20	0.43
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD1	1:79:A:PHE:HA	8	0.43
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD2	1:79:A:PHE:HA	8	0.43
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD1	16	0.43
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD2	16	0.43
(1,1176)	1:11:A:TYR:HE1	1:83:A:GLU:HB2	1	0.43
(1,1176)	1:11:A:TYR:HE2	1:83:A:GLU:HB2	1	0.43
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	12	0.43
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	12	0.43
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	23	0.43
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	23	0.43
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	3	0.43
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:H	4	0.43
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:H	4	0.43
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:H	4	0.43
(1,1047)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HE2	3	0.43
(1,1047)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HE3	3	0.43
(1,1034)	1:85:A:HIS:HB2	1:87:A:ASP:H	3	0.43
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	15	0.43
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	15	0.43
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	15	0.43
(1,988)	1:33:A:LYS:H	1:83:A:GLU:HA	5	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,985)	1:41:A:LEU:HD21	1:52:A:ARG:H	18	0.43
(1,985)	1:41:A:LEU:HD22	1:52:A:ARG:H	18	0.43
(1,985)	1:41:A:LEU:HD23	1:52:A:ARG:H	18	0.43
(1,979)	1:95:A:PRO:HG2	1:96:A:MET:H	19	0.43
(1,979)	1:95:A:PRO:HG3	1:96:A:MET:H	19	0.43
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	1	0.43
(1,953)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HA	18	0.43
(1,897)	1:36:A:ASP:H	1:79:A:PHE:H	23	0.43
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	4	0.43
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	17	0.43
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	17	0.43
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	17	0.43
(1,836)	1:77:A:LYS:HB3	1:80:A:ILE:H	5	0.43
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG2	10	0.43
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG3	10	0.43
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB1	11	0.43
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB2	11	0.43
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB3	11	0.43
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB1	8	0.43
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB2	8	0.43
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB3	8	0.43
(1,762)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:H	23	0.43
(1,762)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:H	23	0.43
(1,762)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:H	23	0.43
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	8	0.43
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD1	1	0.43
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD2	1	0.43
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	17	0.43
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	17	0.43
(1,673)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:H	16	0.43
(1,673)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:H	16	0.43
(1,673)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:H	16	0.43
(1,637)	1:35:A:TYR:HB3	1:37:A:LEU:H	20	0.43
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	20	0.43
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	19	0.43
(1,276)	1:42:A:GLU:HB3	1:48:A:GLU:HB3	8	0.43
(1,232)	1:28:A:LEU:HB2	1:55:A:ALA:HA	19	0.43
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	10	0.43
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	12	0.43
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	14	0.43
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	15	0.43
(1,209)	1:14:A:LEU:HA	1:17:A:ILE:HB	15	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,209)	1:14:A:LEU:HA	1:17:A:ILE:HB	20	0.43
(1,190)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:HB1	9	0.43
(1,190)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:HB2	9	0.43
(1,190)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:HB3	9	0.43
(1,190)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:HB1	9	0.43
(1,190)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:HB2	9	0.43
(1,190)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:HB3	9	0.43
(1,190)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:HB1	9	0.43
(1,190)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:HB2	9	0.43
(1,190)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:HB3	9	0.43
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	11	0.43
(1,139)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HB	7	0.43
(1,99)	1:41:A:LEU:HG	1:48:A:GLU:HB2	10	0.43
(1,93)	1:81:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	1	0.43
(1,92)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HA	16	0.43
(1,70)	1:54:A:GLN:HG3	1:59:A:ALA:HA	23	0.43
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD2	23	0.43
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD3	23	0.43
(3,4)	1:41:A:LEU:O	1:44:A:HIS:H	21	0.42
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	20	0.42
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	20	0.42
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	3	0.42
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	3	0.42
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	3	0.42
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	3	0.42
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	3	0.42
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	3	0.42
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	17	0.42
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	17	0.42
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	17	0.42
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	17	0.42
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	17	0.42
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	17	0.42
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	19	0.42
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	19	0.42
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	19	0.42
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	19	0.42
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	19	0.42
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	19	0.42
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	3	0.42
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	3	0.42
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	3	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	3	0.42
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	3	0.42
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	3	0.42
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	16	0.42
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	16	0.42
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	16	0.42
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	16	0.42
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	16	0.42
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	16	0.42
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB2	13	0.42
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB3	13	0.42
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	7	0.42
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	7	0.42
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG2	3	0.42
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG3	3	0.42
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG2	3	0.42
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG3	3	0.42
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	13	0.42
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	13	0.42
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	23	0.42
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	23	0.42
(1,1330)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:HA	5	0.42
(1,1330)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:HA	5	0.42
(1,1330)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:HA	5	0.42
(1,1330)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:HA	6	0.42
(1,1330)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:HA	6	0.42
(1,1330)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:HA	6	0.42
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	19	0.42
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	19	0.42
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	19	0.42
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	21	0.42
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG11	13	0.42
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG12	13	0.42
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG13	13	0.42
(1,1232)	1:35:A:TYR:HB2	1:79:A:PHE:HD1	11	0.42
(1,1232)	1:35:A:TYR:HB2	1:79:A:PHE:HD2	11	0.42
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE1	3	0.42
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE2	3	0.42
(1,1220)	1:12:A:TYR:HE1	1:27:A:TRP:HZ3	10	0.42
(1,1220)	1:12:A:TYR:HE2	1:27:A:TRP:HZ3	10	0.42
(1,1189)	1:13:A:THR:HG21	1:85:A:HIS:HD2	20	0.42
(1,1189)	1:13:A:THR:HG22	1:85:A:HIS:HD2	20	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1189)	1:13:A:THR:HG23	1:85:A:HIS:HD2	20	0.42
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	3	0.42
(1,1176)	1:11:A:TYR:HE1	1:83:A:GLU:HB2	18	0.42
(1,1176)	1:11:A:TYR:HE2	1:83:A:GLU:HB2	18	0.42
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	2	0.42
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	2	0.42
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD1	1:81:A:ILE:HD12	5	0.42
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD2	1:81:A:ILE:HD12	5	0.42
(1,1134)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HA	5	0.42
(1,1125)	1:48:A:GLU:H	1:49:A:GLU:HB3	15	0.42
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	11	0.42
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	11	0.42
(1,1102)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:H	15	0.42
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	23	0.42
(1,1084)	1:29:A:ILE:HB	1:57:A:GLY:H	17	0.42
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	10	0.42
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	21	0.42
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD22	12	0.42
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD21	12	0.42
(1,1040)	1:16:A:GLU:HB3	1:19:A:LYS:H	22	0.42
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG21	1:85:A:HIS:H	16	0.42
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG22	1:85:A:HIS:H	16	0.42
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG23	1:85:A:HIS:H	16	0.42
(1,997)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HG21	6	0.42
(1,997)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HG22	6	0.42
(1,997)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HG23	6	0.42
(1,965)	1:62:A:ASN:HA	1:62:A:ASN:HD21	5	0.42
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB1	7	0.42
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB2	7	0.42
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB3	7	0.42
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB1	22	0.42
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB2	22	0.42
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB3	22	0.42
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	10	0.42
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	22	0.42
(1,953)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HA	2	0.42
(1,947)	1:62:A:ASN:HB2	1:62:A:ASN:HD22	13	0.42
(1,930)	1:34:A:VAL:H	1:84:A:LEU:H	8	0.42
(1,911)	1:26:A:THR:HG21	1:56:A:GLY:H	20	0.42
(1,911)	1:26:A:THR:HG22	1:56:A:GLY:H	20	0.42
(1,911)	1:26:A:THR:HG23	1:56:A:GLY:H	20	0.42
(1,894)	1:35:A:TYR:H	1:80:A:ILE:HA	9	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	23	0.42
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG2	1	0.42
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG3	1	0.42
(1,793)	1:35:A:TYR:HB3	1:80:A:ILE:H	17	0.42
(1,770)	1:49:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:H	3	0.42
(1,770)	1:49:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:H	15	0.42
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	19	0.42
(1,740)	1:34:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HD13	5	0.42
(1,697)	1:81:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:H	10	0.42
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	8	0.42
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	8	0.42
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	16	0.42
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	16	0.42
(1,668)	1:60:A:THR:HB	1:62:A:ASN:H	7	0.42
(1,637)	1:35:A:TYR:HB3	1:37:A:LEU:H	7	0.42
(1,622)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HG2	5	0.42
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	2	0.42
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	11	0.42
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	13	0.42
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	17	0.42
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	15	0.42
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	21	0.42
(1,570)	1:85:A:HIS:HB3	1:89:A:ARG:H	15	0.42
(1,568)	1:85:A:HIS:HB2	1:88:A:ASP:H	3	0.42
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	11	0.42
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	11	0.42
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	11	0.42
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	14	0.42
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	14	0.42
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	14	0.42
(1,440)	1:12:A:TYR:HD1	1:82:A:GLY:H	8	0.42
(1,440)	1:12:A:TYR:HD2	1:82:A:GLY:H	8	0.42
(1,431)	1:40:A:PHE:H	1:40:A:PHE:HD1	5	0.42
(1,428)	1:60:A:THR:H	1:62:A:ASN:H	8	0.42
(1,395)	1:9:A:VAL:H	1:10:A:LYS:H	22	0.42
(1,375)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:H	21	0.42
(1,360)	1:52:A:ARG:HA	1:54:A:GLN:H	13	0.42
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	2	0.42
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	2	0.42
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	11	0.42
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB1	14	0.42
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB2	14	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB3	14	0.42
(1,156)	1:41:A:LEU:HB2	1:48:A:GLU:HB2	20	0.42
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	2	0.42
(1,139)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HB	4	0.42
(1,139)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HB	9	0.42
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG2	5	0.42
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG3	5	0.42
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG2	5	0.42
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG3	5	0.42
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG2	5	0.42
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG3	5	0.42
(1,121)	1:79:A:PHE:HA	1:81:A:ILE:HG23	9	0.42
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG2	12	0.42
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG3	12	0.42
(1,69)	1:54:A:GLN:HB3	1:59:A:ALA:HA	17	0.42
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD2	7	0.42
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD3	7	0.42
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB1	11	0.42
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB2	11	0.42
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB3	11	0.42
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD2	5	0.42
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD3	5	0.42
(3,26)	1:53:A:GLU:H	1:49:A:GLU:O	2	0.41
(3,26)	1:53:A:GLU:H	1:49:A:GLU:O	17	0.41
(3,19)	1:40:A:PHE:O	1:44:A:HIS:H	17	0.41
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	10	0.41
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	10	0.41
(1,1516)	1:64:A:GLU:HG2	1:65:A:ASP:HA	14	0.41
(1,1516)	1:64:A:GLU:HG3	1:65:A:ASP:HA	14	0.41
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	12	0.41
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	12	0.41
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	12	0.41
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	12	0.41
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	12	0.41
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	12	0.41
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	13	0.41
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	13	0.41
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	13	0.41
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	13	0.41
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	13	0.41
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	13	0.41
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD11	1:55:A:ALA:H	20	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD12	1:55:A:ALA:H	20	0.41
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD13	1:55:A:ALA:H	20	0.41
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD21	1:55:A:ALA:H	20	0.41
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD22	1:55:A:ALA:H	20	0.41
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD23	1:55:A:ALA:H	20	0.41
(1,1330)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:HA	1	0.41
(1,1330)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:HA	1	0.41
(1,1330)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:HA	1	0.41
(1,1325)	1:10:A:LYS:HA	1:10:A:LYS:HE2	20	0.41
(1,1325)	1:10:A:LYS:HA	1:10:A:LYS:HE3	20	0.41
(1,1323)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:HA2	23	0.41
(1,1303)	1:22:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	20	0.41
(1,1282)	1:81:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	9	0.41
(1,1245)	1:17:A:ILE:HA	1:27:A:TRP:HH2	16	0.41
(1,1240)	1:13:A:THR:HA	1:85:A:HIS:HD2	12	0.41
(1,1232)	1:35:A:TYR:HB2	1:79:A:PHE:HD1	9	0.41
(1,1232)	1:35:A:TYR:HB2	1:79:A:PHE:HD2	9	0.41
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE1	1:16:A:GLU:HG2	7	0.41
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE1	1:16:A:GLU:HG3	7	0.41
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE2	1:16:A:GLU:HG2	7	0.41
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE2	1:16:A:GLU:HG3	7	0.41
(1,1202)	1:30:A:LEU:HA	1:31:A:HIS:HD2	8	0.41
(1,1202)	1:30:A:LEU:HA	1:31:A:HIS:HD2	21	0.41
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG21	2	0.41
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG22	2	0.41
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG23	2	0.41
(1,1184)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	6	0.41
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	14	0.41
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE1	11	0.41
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE2	11	0.41
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HD1	21	0.41
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HD2	21	0.41
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HD1	21	0.41
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HD2	21	0.41
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HD1	21	0.41
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HD2	21	0.41
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD1	1:17:A:ILE:HG21	6	0.41
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD2	1:17:A:ILE:HG21	6	0.41
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	19	0.41
(1,1081)	1:57:A:GLY:H	1:59:A:ALA:HB1	12	0.41
(1,1081)	1:57:A:GLY:H	1:59:A:ALA:HB2	12	0.41
(1,1081)	1:57:A:GLY:H	1:59:A:ALA:HB3	12	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	6	0.41
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	22	0.41
(1,1014)	1:60:A:THR:HG21	1:62:A:ASN:H	7	0.41
(1,1014)	1:60:A:THR:HG22	1:62:A:ASN:H	7	0.41
(1,1014)	1:60:A:THR:HG23	1:62:A:ASN:H	7	0.41
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:H	4	0.41
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:H	4	0.41
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:H	4	0.41
(1,979)	1:95:A:PRO:HG2	1:96:A:MET:H	23	0.41
(1,979)	1:95:A:PRO:HG3	1:96:A:MET:H	23	0.41
(1,967)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD21	23	0.41
(1,965)	1:62:A:ASN:HA	1:62:A:ASN:HD21	10	0.41
(1,955)	1:53:A:GLU:HB2	1:54:A:GLN:HE22	8	0.41
(1,911)	1:26:A:THR:HG21	1:56:A:GLY:H	11	0.41
(1,911)	1:26:A:THR:HG22	1:56:A:GLY:H	11	0.41
(1,911)	1:26:A:THR:HG23	1:56:A:GLY:H	11	0.41
(1,894)	1:35:A:TYR:H	1:80:A:ILE:HA	14	0.41
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	17	0.41
(1,877)	1:22:A:HIS:HB3	1:25:A:SER:H	2	0.41
(1,877)	1:22:A:HIS:HB3	1:25:A:SER:H	15	0.41
(1,870)	1:21:A:ASN:H	1:26:A:THR:HA	17	0.41
(1,843)	1:27:A:TRP:HA	1:38:A:THR:H	10	0.41
(1,797)	1:34:A:VAL:HG21	1:82:A:GLY:H	22	0.41
(1,797)	1:34:A:VAL:HG22	1:82:A:GLY:H	22	0.41
(1,797)	1:34:A:VAL:HG23	1:82:A:GLY:H	22	0.41
(1,793)	1:35:A:TYR:HB3	1:80:A:ILE:H	14	0.41
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB1	5	0.41
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB2	5	0.41
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB3	5	0.41
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	20	0.41
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	20	0.41
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	20	0.41
(1,777)	1:54:A:GLN:HG2	1:55:A:ALA:H	14	0.41
(1,770)	1:49:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:H	4	0.41
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	2	0.41
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	20	0.41
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD1	17	0.41
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD2	17	0.41
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	11	0.41
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	11	0.41
(1,668)	1:60:A:THR:HB	1:62:A:ASN:H	16	0.41
(1,637)	1:35:A:TYR:HB3	1:37:A:LEU:H	17	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	5	0.41
(1,532)	1:9:A:VAL:H	1:10:A:LYS:HA	6	0.41
(1,508)	1:61:A:GLU:H	1:61:A:GLU:HB3	4	0.41
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG21	14	0.41
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG22	14	0.41
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG23	14	0.41
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG21	15	0.41
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG22	15	0.41
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG23	15	0.41
(1,448)	1:30:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HE1	9	0.41
(1,448)	1:30:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HE2	9	0.41
(1,433)	1:22:A:HIS:H	1:22:A:HIS:HD2	3	0.41
(1,428)	1:60:A:THR:H	1:62:A:ASN:H	16	0.41
(1,393)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	11	0.41
(1,316)	1:70:A:THR:HB	1:71:A:ASP:H	21	0.41
(1,287)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HB	22	0.41
(1,279)	1:27:A:TRP:HE3	1:81:A:ILE:HD12	19	0.41
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG21	6	0.41
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG22	6	0.41
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG23	6	0.41
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	17	0.41
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	18	0.41
(1,193)	1:36:A:ASP:HB3	1:81:A:ILE:HG22	22	0.41
(1,176)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HA	5	0.41
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	16	0.41
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	16	0.41
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	16	0.41
(1,158)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG2	8	0.41
(1,158)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG2	8	0.41
(1,158)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG2	8	0.41
(1,158)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG3	8	0.41
(1,158)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG3	8	0.41
(1,158)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG3	8	0.41
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	20	0.41
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD1	4	0.41
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD2	4	0.41
(1,119)	1:27:A:TRP:HA	1:36:A:ASP:HB2	20	0.41
(1,99)	1:41:A:LEU:HG	1:48:A:GLU:HB2	14	0.41
(1,92)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HA	17	0.41
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD2	14	0.41
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD3	14	0.41
(1,16)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HA	17	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD2	11	0.4
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	11	0.4
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	7	0.4
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	7	0.4
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	7	0.4
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	7	0.4
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	7	0.4
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	7	0.4
(1,1456)	1:31:A:HIS:HE1	1:64:A:GLU:HB2	23	0.4
(1,1456)	1:31:A:HIS:HE1	1:64:A:GLU:HB3	23	0.4
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD11	1:55:A:ALA:H	2	0.4
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD12	1:55:A:ALA:H	2	0.4
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD13	1:55:A:ALA:H	2	0.4
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD21	1:55:A:ALA:H	2	0.4
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD22	1:55:A:ALA:H	2	0.4
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD23	1:55:A:ALA:H	2	0.4
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:HB2	14	0.4
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:HB3	14	0.4
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:HB2	14	0.4
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:HB3	14	0.4
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:HB2	14	0.4
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:HB3	14	0.4
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:HB2	14	0.4
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:HB3	14	0.4
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:HB2	14	0.4
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:HB3	14	0.4
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:HB2	14	0.4
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:HB3	14	0.4
(1,1407)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:H	3	0.4
(1,1407)	1:28:A:LEU:HB3	1:59:A:ALA:H	3	0.4
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	18	0.4
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	18	0.4
(1,1325)	1:10:A:LYS:HA	1:10:A:LYS:HE2	8	0.4
(1,1325)	1:10:A:LYS:HA	1:10:A:LYS:HE3	8	0.4
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD2	9	0.4
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD3	9	0.4
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD2	9	0.4
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD3	9	0.4
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD2	9	0.4
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD3	9	0.4
(1,1282)	1:81:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	2	0.4
(1,1282)	1:81:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	11	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1282)	1:81:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	15	0.4
(1,1282)	1:81:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	18	0.4
(1,1282)	1:81:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	22	0.4
(1,1227)	1:37:A:LEU:HA	1:40:A:PHE:HD1	5	0.4
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE1	4	0.4
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE2	4	0.4
(1,1183)	1:11:A:TYR:HD1	1:86:A:PRO:HD3	15	0.4
(1,1183)	1:11:A:TYR:HD2	1:86:A:PRO:HD3	15	0.4
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	5	0.4
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	5	0.4
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	5	0.4
(1,1148)	1:30:A:LEU:HB3	1:31:A:HIS:HD2	5	0.4
(1,1134)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HA	8	0.4
(1,1125)	1:48:A:GLU:H	1:49:A:GLU:HB3	6	0.4
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	16	0.4
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:H	5	0.4
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:H	5	0.4
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:H	5	0.4
(1,1044)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HA	15	0.4
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG21	1:85:A:HIS:H	9	0.4
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG22	1:85:A:HIS:H	9	0.4
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG23	1:85:A:HIS:H	9	0.4
(1,1031)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	10	0.4
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	17	0.4
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	17	0.4
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	17	0.4
(1,988)	1:33:A:LYS:H	1:83:A:GLU:HA	21	0.4
(1,985)	1:41:A:LEU:HD21	1:52:A:ARG:H	21	0.4
(1,985)	1:41:A:LEU:HD22	1:52:A:ARG:H	21	0.4
(1,985)	1:41:A:LEU:HD23	1:52:A:ARG:H	21	0.4
(1,967)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD21	2	0.4
(1,911)	1:26:A:THR:HG21	1:56:A:GLY:H	4	0.4
(1,911)	1:26:A:THR:HG22	1:56:A:GLY:H	4	0.4
(1,911)	1:26:A:THR:HG23	1:56:A:GLY:H	4	0.4
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	5	0.4
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	18	0.4
(1,858)	1:12:A:TYR:HE1	1:13:A:THR:H	7	0.4
(1,858)	1:12:A:TYR:HE2	1:13:A:THR:H	7	0.4
(1,858)	1:12:A:TYR:HE1	1:13:A:THR:H	23	0.4
(1,858)	1:12:A:TYR:HE2	1:13:A:THR:H	23	0.4
(1,836)	1:77:A:LYS:HB3	1:80:A:ILE:H	20	0.4
(1,836)	1:77:A:LYS:HB3	1:80:A:ILE:H	23	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,793)	1:35:A:TYR:HB3	1:80:A:ILE:H	3	0.4
(1,792)	1:35:A:TYR:HA	1:80:A:ILE:H	21	0.4
(1,788)	1:70:A:THR:HA	1:72:A:ALA:H	10	0.4
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB1	9	0.4
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB2	9	0.4
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB3	9	0.4
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB1	12	0.4
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB2	12	0.4
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB3	12	0.4
(1,728)	1:21:A:ASN:HB2	1:27:A:TRP:H	17	0.4
(1,622)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HG2	3	0.4
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	16	0.4
(1,541)	1:16:A:GLU:H	1:17:A:ILE:HG13	22	0.4
(1,539)	1:17:A:ILE:HD11	1:56:A:GLY:H	2	0.4
(1,539)	1:17:A:ILE:HD12	1:56:A:GLY:H	2	0.4
(1,539)	1:17:A:ILE:HD13	1:56:A:GLY:H	2	0.4
(1,491)	1:27:A:TRP:H	1:55:A:ALA:HB1	19	0.4
(1,491)	1:27:A:TRP:H	1:55:A:ALA:HB2	19	0.4
(1,491)	1:27:A:TRP:H	1:55:A:ALA:HB3	19	0.4
(1,485)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	23	0.4
(1,485)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	23	0.4
(1,485)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	23	0.4
(1,432)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HD2	8	0.4
(1,405)	1:62:A:ASN:H	1:64:A:GLU:H	4	0.4
(1,393)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	9	0.4
(1,332)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:H	22	0.4
(1,281)	1:53:A:GLU:HA	1:54:A:GLN:HG2	13	0.4
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	4	0.4
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	4	0.4
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	17	0.4
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	17	0.4
(1,247)	1:83:A:GLU:HB3	1:85:A:HIS:HA	2	0.4
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	4	0.4
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	22	0.4
(1,193)	1:36:A:ASP:HB3	1:81:A:ILE:HG22	9	0.4
(1,193)	1:36:A:ASP:HB3	1:81:A:ILE:HG22	14	0.4
(1,190)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:HB1	18	0.4
(1,190)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:HB2	18	0.4
(1,190)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:HB3	18	0.4
(1,190)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:HB1	18	0.4
(1,190)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:HB2	18	0.4
(1,190)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:HB3	18	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,190)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:HB1	18	0.4
(1,190)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:HB2	18	0.4
(1,190)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:HB3	18	0.4
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG2	8	0.4
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG3	8	0.4
(1,139)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HB	3	0.4
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG2	14	0.4
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG3	14	0.4
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG2	14	0.4
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG3	14	0.4
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG2	14	0.4
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG3	14	0.4
(1,123)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HG2	22	0.4
(1,123)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HG3	22	0.4
(1,91)	1:34:A:VAL:HA	1:80:A:ILE:HA	14	0.4
(1,89)	1:78:A:THR:HA	1:78:A:THR:HB	3	0.4
(1,15)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HA	14	0.4
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	1	0.39
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	1	0.39
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	23	0.39
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	23	0.39
(1,1456)	1:31:A:HIS:HE1	1:64:A:GLU:HB2	4	0.39
(1,1456)	1:31:A:HIS:HE1	1:64:A:GLU:HB3	4	0.39
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD11	1:62:A:ASN:H	8	0.39
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD12	1:62:A:ASN:H	8	0.39
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD13	1:62:A:ASN:H	8	0.39
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD21	1:62:A:ASN:H	8	0.39
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD22	1:62:A:ASN:H	8	0.39
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD23	1:62:A:ASN:H	8	0.39
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD11	1:61:A:GLU:H	10	0.39
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD12	1:61:A:GLU:H	10	0.39
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD13	1:61:A:GLU:H	10	0.39
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD21	1:61:A:GLU:H	10	0.39
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD22	1:61:A:GLU:H	10	0.39
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD23	1:61:A:GLU:H	10	0.39
(1,1323)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:HA2	4	0.39
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD2	15	0.39
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD3	15	0.39
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD2	15	0.39
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD3	15	0.39
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD2	15	0.39
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD3	15	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1303)	1:22:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	1	0.39
(1,1282)	1:81:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	10	0.39
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	15	0.39
(1,1216)	1:35:A:TYR:HD1	1:80:A:ILE:H	11	0.39
(1,1216)	1:35:A:TYR:HD2	1:80:A:ILE:H	11	0.39
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG21	22	0.39
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG22	22	0.39
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG23	22	0.39
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE1	18	0.39
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE2	18	0.39
(1,1188)	1:30:A:LEU:HB2	1:31:A:HIS:HD2	15	0.39
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE1	9	0.39
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE2	9	0.39
(1,1134)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HA	18	0.39
(1,1097)	1:9:A:VAL:HB	1:82:A:GLY:H	3	0.39
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	17	0.39
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG2	1:19:A:LYS:H	15	0.39
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG3	1:19:A:LYS:H	15	0.39
(1,1014)	1:60:A:THR:HG21	1:62:A:ASN:H	4	0.39
(1,1014)	1:60:A:THR:HG22	1:62:A:ASN:H	4	0.39
(1,1014)	1:60:A:THR:HG23	1:62:A:ASN:H	4	0.39
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:H	14	0.39
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:H	14	0.39
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:H	14	0.39
(1,1010)	1:52:A:ARG:H	1:55:A:ALA:HB1	17	0.39
(1,1010)	1:52:A:ARG:H	1:55:A:ALA:HB2	17	0.39
(1,1010)	1:52:A:ARG:H	1:55:A:ALA:HB3	17	0.39
(1,968)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE21	4	0.39
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	5	0.39
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	16	0.39
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB1	15	0.39
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB2	15	0.39
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB3	15	0.39
(1,954)	1:53:A:GLU:HG2	1:54:A:GLN:HE22	12	0.39
(1,954)	1:53:A:GLU:HG3	1:54:A:GLN:HE22	12	0.39
(1,950)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE22	14	0.39
(1,894)	1:35:A:TYR:H	1:80:A:ILE:HA	1	0.39
(1,879)	1:22:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	1	0.39
(1,879)	1:22:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	16	0.39
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	23	0.39
(1,877)	1:22:A:HIS:HB3	1:25:A:SER:H	23	0.39
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	2	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	2	0.39
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	2	0.39
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	7	0.39
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	7	0.39
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	7	0.39
(1,836)	1:77:A:LYS:HB3	1:80:A:ILE:H	19	0.39
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	10	0.39
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	10	0.39
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG2	7	0.39
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG3	7	0.39
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG2	16	0.39
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG3	16	0.39
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG2	2	0.39
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG3	2	0.39
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB1	21	0.39
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB2	21	0.39
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB3	21	0.39
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	1	0.39
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	1	0.39
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	1	0.39
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB1	20	0.39
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB2	20	0.39
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB3	20	0.39
(1,770)	1:49:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:H	22	0.39
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	14	0.39
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD1	15	0.39
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD2	15	0.39
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	9	0.39
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	9	0.39
(1,622)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HG2	1	0.39
(1,622)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HG2	23	0.39
(1,485)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	3	0.39
(1,485)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	3	0.39
(1,485)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	3	0.39
(1,485)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	18	0.39
(1,485)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	18	0.39
(1,485)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	18	0.39
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG21	22	0.39
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG22	22	0.39
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG23	22	0.39
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	19	0.39
(1,403)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:H	13	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,376)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:H	16	0.39
(1,351)	1:50:A:VAL:H	1:52:A:ARG:H	4	0.39
(1,325)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:H	2	0.39
(1,314)	1:70:A:THR:HG21	1:71:A:ASP:H	10	0.39
(1,314)	1:70:A:THR:HG22	1:71:A:ASP:H	10	0.39
(1,314)	1:70:A:THR:HG23	1:71:A:ASP:H	10	0.39
(1,262)	1:53:A:GLU:H	1:54:A:GLN:HG2	3	0.39
(1,247)	1:83:A:GLU:HB3	1:85:A:HIS:HA	20	0.39
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG21	23	0.39
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG22	23	0.39
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG23	23	0.39
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	3	0.39
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	3	0.39
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	3	0.39
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	8	0.39
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	22	0.39
(1,176)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HA	3	0.39
(1,156)	1:41:A:LEU:HB2	1:48:A:GLU:HB2	5	0.39
(1,121)	1:79:A:PHE:HA	1:81:A:ILE:HG23	14	0.39
(1,91)	1:34:A:VAL:HA	1:80:A:ILE:HA	9	0.39
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG2	22	0.39
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG3	22	0.39
(1,63)	1:28:A:LEU:HB3	1:55:A:ALA:HA	17	0.39
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB2	14	0.39
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB3	14	0.39
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB2	16	0.39
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB3	16	0.39
(1,51)	1:40:A:PHE:HA	1:43:A:GLU:HB3	4	0.39
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD2	2	0.39
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD3	2	0.39
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD2	15	0.39
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD3	15	0.39
(3,35)	1:83:A:GLU:H	1:10:A:LYS:O	9	0.38
(3,24)	1:55:A:ALA:H	1:52:A:ARG:O	11	0.38
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	9	0.38
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	9	0.38
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG2	12	0.38
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG3	12	0.38
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG2	12	0.38
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG3	12	0.38
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG2	12	0.38
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG3	12	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:H	22	0.38
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:H	22	0.38
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:H	22	0.38
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	22	0.38
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	22	0.38
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	22	0.38
(1,1305)	1:22:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	11	0.38
(1,1282)	1:81:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	4	0.38
(1,1282)	1:81:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	5	0.38
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	11	0.38
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD1	22	0.38
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD2	22	0.38
(1,1209)	1:31:A:HIS:HA	1:31:A:HIS:HD2	1	0.38
(1,1159)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HD12	16	0.38
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	16	0.38
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:H	7	0.38
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:H	7	0.38
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:H	7	0.38
(1,1062)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:HB2	15	0.38
(1,1014)	1:60:A:THR:HG21	1:62:A:ASN:H	6	0.38
(1,1014)	1:60:A:THR:HG22	1:62:A:ASN:H	6	0.38
(1,1014)	1:60:A:THR:HG23	1:62:A:ASN:H	6	0.38
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	8	0.38
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	8	0.38
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	8	0.38
(1,994)	1:61:A:GLU:HB2	1:62:A:ASN:HD22	8	0.38
(1,994)	1:61:A:GLU:HB3	1:62:A:ASN:HD22	8	0.38
(1,988)	1:33:A:LYS:H	1:83:A:GLU:HA	17	0.38
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	12	0.38
(1,955)	1:53:A:GLU:HB2	1:54:A:GLN:HE22	9	0.38
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	10	0.38
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	13	0.38
(1,868)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:HB2	20	0.38
(1,855)	1:12:A:TYR:H	1:82:A:GLY:HA2	13	0.38
(1,853)	1:12:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HA	15	0.38
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG2	12	0.38
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG3	12	0.38
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG2	13	0.38
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG3	13	0.38
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG2	23	0.38
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG3	23	0.38
(1,797)	1:34:A:VAL:HG21	1:82:A:GLY:H	23	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,797)	1:34:A:VAL:HG22	1:82:A:GLY:H	23	0.38
(1,797)	1:34:A:VAL:HG23	1:82:A:GLY:H	23	0.38
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB1	6	0.38
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB2	6	0.38
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB3	6	0.38
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	2	0.38
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	2	0.38
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	2	0.38
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB1	5	0.38
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB2	5	0.38
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB3	5	0.38
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	6	0.38
(1,762)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:H	12	0.38
(1,762)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:H	12	0.38
(1,762)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:H	12	0.38
(1,758)	1:44:A:HIS:H	1:48:A:GLU:HB3	14	0.38
(1,697)	1:81:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:H	5	0.38
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	18	0.38
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	18	0.38
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	23	0.38
(1,570)	1:85:A:HIS:HB3	1:89:A:ARG:H	14	0.38
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	8	0.38
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	8	0.38
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	8	0.38
(1,474)	1:9:A:VAL:HG21	1:10:A:LYS:H	2	0.38
(1,474)	1:9:A:VAL:HG22	1:10:A:LYS:H	2	0.38
(1,474)	1:9:A:VAL:HG23	1:10:A:LYS:H	2	0.38
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	12	0.38
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	12	0.38
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	20	0.38
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	20	0.38
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	19	0.38
(1,440)	1:12:A:TYR:HD1	1:82:A:GLY:H	18	0.38
(1,440)	1:12:A:TYR:HD2	1:82:A:GLY:H	18	0.38
(1,405)	1:62:A:ASN:H	1:64:A:GLU:H	7	0.38
(1,405)	1:62:A:ASN:H	1:64:A:GLU:H	13	0.38
(1,356)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:H	17	0.38
(1,316)	1:70:A:THR:HB	1:71:A:ASP:H	20	0.38
(1,262)	1:53:A:GLU:H	1:54:A:GLN:HG2	4	0.38
(1,247)	1:83:A:GLU:HB3	1:85:A:HIS:HA	11	0.38
(1,247)	1:83:A:GLU:HB3	1:85:A:HIS:HA	21	0.38
(1,241)	1:75:A:LEU:HG	1:78:A:THR:HB	16	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	6	0.38
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	6	0.38
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	6	0.38
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	11	0.38
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	11	0.38
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	11	0.38
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	6	0.38
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	19	0.38
(1,209)	1:14:A:LEU:HA	1:17:A:ILE:HB	13	0.38
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	7	0.38
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	9	0.38
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB1	5	0.38
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB2	5	0.38
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB3	5	0.38
(1,176)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HA	6	0.38
(1,159)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HB3	19	0.38
(1,159)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HB3	19	0.38
(1,159)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HB3	19	0.38
(1,128)	1:48:A:GLU:HG2	1:50:A:VAL:H	11	0.38
(1,128)	1:48:A:GLU:HG3	1:50:A:VAL:H	11	0.38
(1,92)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HA	20	0.38
(1,61)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HA	19	0.38
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB2	15	0.38
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB3	15	0.38
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD2	16	0.38
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD3	16	0.38
(3,19)	1:40:A:PHE:O	1:44:A:HIS:H	13	0.37
(3,4)	1:41:A:LEU:O	1:44:A:HIS:H	10	0.37
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD2	21	0.37
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD3	21	0.37
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	12	0.37
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	12	0.37
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	13	0.37
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	13	0.37
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	21	0.37
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	21	0.37
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	21	0.37
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	21	0.37
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	21	0.37
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	21	0.37
(1,1378)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	6	0.37
(1,1378)	1:20:A:HIS:HB3	1:22:A:HIS:H	6	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1325)	1:10:A:LYS:HA	1:10:A:LYS:HE2	21	0.37
(1,1325)	1:10:A:LYS:HA	1:10:A:LYS:HE3	21	0.37
(1,1306)	1:21:A:ASN:HB2	1:22:A:HIS:HD2	1	0.37
(1,1306)	1:21:A:ASN:HB2	1:22:A:HIS:HD2	22	0.37
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	9	0.37
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	9	0.37
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	9	0.37
(1,1282)	1:81:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	7	0.37
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	3	0.37
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD11	1:48:A:GLU:HA	17	0.37
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD12	1:48:A:GLU:HA	17	0.37
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD13	1:48:A:GLU:HA	17	0.37
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	12	0.37
(1,1266)	1:17:A:ILE:HG22	1:27:A:TRP:HZ3	23	0.37
(1,1245)	1:17:A:ILE:HA	1:27:A:TRP:HH2	1	0.37
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG11	7	0.37
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG12	7	0.37
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG13	7	0.37
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG11	17	0.37
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG12	17	0.37
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG13	17	0.37
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	14	0.37
(1,1232)	1:35:A:TYR:HB2	1:79:A:PHE:HD1	6	0.37
(1,1232)	1:35:A:TYR:HB2	1:79:A:PHE:HD2	6	0.37
(1,1221)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	19	0.37
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE1	15	0.37
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE2	15	0.37
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD1	1:27:A:TRP:HH2	19	0.37
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD2	1:27:A:TRP:HH2	19	0.37
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD1	1:27:A:TRP:HH2	22	0.37
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD2	1:27:A:TRP:HH2	22	0.37
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD1	1:79:A:PHE:HA	6	0.37
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD2	1:79:A:PHE:HA	6	0.37
(1,1189)	1:13:A:THR:HG21	1:85:A:HIS:HD2	12	0.37
(1,1189)	1:13:A:THR:HG22	1:85:A:HIS:HD2	12	0.37
(1,1189)	1:13:A:THR:HG23	1:85:A:HIS:HD2	12	0.37
(1,1168)	1:85:A:HIS:HB2	1:85:A:HIS:HD2	23	0.37
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HD1	15	0.37
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HD2	15	0.37
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HD1	15	0.37
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HD2	15	0.37
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HD1	15	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HD2	15	0.37
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:HD1	13	0.37
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:HD2	13	0.37
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:HD1	13	0.37
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:HD2	13	0.37
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:HD1	13	0.37
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:HD2	13	0.37
(1,1140)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HE3	3	0.37
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	2	0.37
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	2	0.37
(1,1102)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:H	11	0.37
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:H	14	0.37
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:H	14	0.37
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:H	14	0.37
(1,1044)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HA	3	0.37
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	12	0.37
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	12	0.37
(1,1024)	1:35:A:TYR:HA	1:79:A:PHE:H	8	0.37
(1,1024)	1:35:A:TYR:HA	1:79:A:PHE:H	9	0.37
(1,988)	1:33:A:LYS:H	1:83:A:GLU:HA	13	0.37
(1,985)	1:41:A:LEU:HD21	1:52:A:ARG:H	12	0.37
(1,985)	1:41:A:LEU:HD22	1:52:A:ARG:H	12	0.37
(1,985)	1:41:A:LEU:HD23	1:52:A:ARG:H	12	0.37
(1,968)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE21	13	0.37
(1,967)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD21	13	0.37
(1,924)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:HG21	8	0.37
(1,924)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:HG22	8	0.37
(1,924)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:HG23	8	0.37
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	7	0.37
(1,879)	1:22:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	19	0.37
(1,868)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:HB2	4	0.37
(1,868)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:HB2	11	0.37
(1,854)	1:10:A:LYS:HA	1:12:A:TYR:H	6	0.37
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	14	0.37
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	14	0.37
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	14	0.37
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	17	0.37
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	17	0.37
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG2	5	0.37
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG3	5	0.37
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG2	9	0.37
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG3	9	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,797)	1:34:A:VAL:HG21	1:82:A:GLY:H	8	0.37
(1,797)	1:34:A:VAL:HG22	1:82:A:GLY:H	8	0.37
(1,797)	1:34:A:VAL:HG23	1:82:A:GLY:H	8	0.37
(1,797)	1:34:A:VAL:HG21	1:82:A:GLY:H	16	0.37
(1,797)	1:34:A:VAL:HG22	1:82:A:GLY:H	16	0.37
(1,797)	1:34:A:VAL:HG23	1:82:A:GLY:H	16	0.37
(1,792)	1:35:A:TYR:HA	1:80:A:ILE:H	12	0.37
(1,792)	1:35:A:TYR:HA	1:80:A:ILE:H	17	0.37
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	18	0.37
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	18	0.37
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	18	0.37
(1,770)	1:49:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:H	1	0.37
(1,766)	1:52:A:ARG:H	1:53:A:GLU:HG2	4	0.37
(1,758)	1:44:A:HIS:H	1:48:A:GLU:HB3	19	0.37
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	6	0.37
(1,727)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	19	0.37
(1,697)	1:81:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:H	9	0.37
(1,673)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:H	1	0.37
(1,673)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:H	1	0.37
(1,673)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:H	1	0.37
(1,622)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HG2	20	0.37
(1,608)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	19	0.37
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	15	0.37
(1,474)	1:9:A:VAL:HG21	1:10:A:LYS:H	21	0.37
(1,474)	1:9:A:VAL:HG22	1:10:A:LYS:H	21	0.37
(1,474)	1:9:A:VAL:HG23	1:10:A:LYS:H	21	0.37
(1,446)	1:12:A:TYR:HE1	1:83:A:GLU:H	9	0.37
(1,446)	1:12:A:TYR:HE2	1:83:A:GLU:H	9	0.37
(1,445)	1:21:A:ASN:H	1:21:A:ASN:HD21	14	0.37
(1,405)	1:62:A:ASN:H	1:64:A:GLU:H	16	0.37
(1,393)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	10	0.37
(1,366)	1:52:A:ARG:HA	1:55:A:ALA:H	6	0.37
(1,360)	1:52:A:ARG:HA	1:54:A:GLN:H	4	0.37
(1,356)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:H	2	0.37
(1,332)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:H	5	0.37
(1,325)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:H	7	0.37
(1,302)	1:59:A:ALA:H	1:62:A:ASN:H	18	0.37
(1,274)	1:42:A:GLU:HB2	1:48:A:GLU:HB3	13	0.37
(1,234)	1:36:A:ASP:HB2	1:81:A:ILE:HG22	10	0.37
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG21	11	0.37
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG22	11	0.37
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG23	11	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG21	21	0.37
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG22	21	0.37
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG23	21	0.37
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	23	0.37
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	23	0.37
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	23	0.37
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	7	0.37
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	16	0.37
(1,167)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HB2	13	0.37
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	4	0.37
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	4	0.37
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	4	0.37
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	18	0.37
(1,128)	1:48:A:GLU:HG2	1:50:A:VAL:H	2	0.37
(1,128)	1:48:A:GLU:HG3	1:50:A:VAL:H	2	0.37
(1,128)	1:48:A:GLU:HG2	1:50:A:VAL:H	12	0.37
(1,128)	1:48:A:GLU:HG3	1:50:A:VAL:H	12	0.37
(1,128)	1:48:A:GLU:HG2	1:50:A:VAL:H	15	0.37
(1,128)	1:48:A:GLU:HG3	1:50:A:VAL:H	15	0.37
(1,128)	1:48:A:GLU:HG2	1:50:A:VAL:H	18	0.37
(1,128)	1:48:A:GLU:HG3	1:50:A:VAL:H	18	0.37
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG2	15	0.37
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG3	15	0.37
(1,91)	1:34:A:VAL:HA	1:80:A:ILE:HA	6	0.37
(1,61)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HA	2	0.37
(1,61)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HA	13	0.37
(1,51)	1:40:A:PHE:HA	1:43:A:GLU:HB3	15	0.37
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD2	19	0.37
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD3	19	0.37
(1,16)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HA	10	0.37
(3,19)	1:40:A:PHE:O	1:44:A:HIS:H	4	0.36
(3,9)	1:70:A:THR:O	1:74:A:GLU:H	5	0.36
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	11	0.36
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	11	0.36
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	22	0.36
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	22	0.36
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB2	21	0.36
(1,1522)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HB3	21	0.36
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	5	0.36
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	5	0.36
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	5	0.36
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	5	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	5	0.36
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	5	0.36
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	22	0.36
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	22	0.36
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	22	0.36
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	22	0.36
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	22	0.36
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	22	0.36
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD11	1:61:A:GLU:H	23	0.36
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD12	1:61:A:GLU:H	23	0.36
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD13	1:61:A:GLU:H	23	0.36
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD21	1:61:A:GLU:H	23	0.36
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD22	1:61:A:GLU:H	23	0.36
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD23	1:61:A:GLU:H	23	0.36
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	4	0.36
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	4	0.36
(1,1391)	1:24:A:LYS:HG2	1:25:A:SER:H	16	0.36
(1,1391)	1:24:A:LYS:HG3	1:25:A:SER:H	16	0.36
(1,1337)	1:30:A:LEU:HG	1:60:A:THR:HA	11	0.36
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	11	0.36
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	11	0.36
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	11	0.36
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	13	0.36
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	13	0.36
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	13	0.36
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	22	0.36
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	22	0.36
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	22	0.36
(1,1282)	1:81:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	3	0.36
(1,1282)	1:81:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	16	0.36
(1,1282)	1:81:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	23	0.36
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	17	0.36
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE1	1	0.36
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE2	1	0.36
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE1	1	0.36
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE2	1	0.36
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE1	1	0.36
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE2	1	0.36
(1,1245)	1:17:A:ILE:HA	1:27:A:TRP:HH2	11	0.36
(1,1236)	1:27:A:TRP:HD1	1:36:A:ASP:HB3	6	0.36
(1,1221)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	5	0.36
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE1	6	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE2	6	0.36
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD1	1:79:A:PHE:HA	1	0.36
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD2	1:79:A:PHE:HA	1	0.36
(1,1209)	1:31:A:HIS:HA	1:31:A:HIS:HD2	13	0.36
(1,1201)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:HA3	13	0.36
(1,1201)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:HA3	13	0.36
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD1	5	0.36
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD2	5	0.36
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG11	11	0.36
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG12	11	0.36
(1,1151)	1:27:A:TRP:HZ2	1:34:A:VAL:HG13	11	0.36
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:HE1	20	0.36
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:HE2	20	0.36
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:HE1	20	0.36
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:HE2	20	0.36
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:HE1	20	0.36
(1,1142)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:HE2	20	0.36
(1,1132)	1:33:A:LYS:HA	1:83:A:GLU:H	22	0.36
(1,1124)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB3	12	0.36
(1,1110)	1:15:A:GLU:HB2	1:18:A:LYS:H	16	0.36
(1,1110)	1:15:A:GLU:HB3	1:18:A:LYS:H	16	0.36
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	10	0.36
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	3	0.36
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	3	0.36
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	3	0.36
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG2	1:19:A:LYS:H	9	0.36
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG3	1:19:A:LYS:H	9	0.36
(1,1024)	1:35:A:TYR:HA	1:79:A:PHE:H	1	0.36
(1,1005)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:H	6	0.36
(1,1005)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:H	6	0.36
(1,1005)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:H	6	0.36
(1,979)	1:95:A:PRO:HG2	1:96:A:MET:H	15	0.36
(1,979)	1:95:A:PRO:HG3	1:96:A:MET:H	15	0.36
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB1	8	0.36
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB2	8	0.36
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB3	8	0.36
(1,897)	1:36:A:ASP:H	1:79:A:PHE:H	20	0.36
(1,872)	1:21:A:ASN:H	1:27:A:TRP:H	13	0.36
(1,853)	1:12:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HA	17	0.36
(1,853)	1:12:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HA	22	0.36
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	11	0.36
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	11	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG2	4	0.36
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG3	4	0.36
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG2	22	0.36
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG3	22	0.36
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG2	6	0.36
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG3	6	0.36
(1,793)	1:35:A:TYR:HB3	1:80:A:ILE:H	22	0.36
(1,792)	1:35:A:TYR:HA	1:80:A:ILE:H	2	0.36
(1,762)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:H	22	0.36
(1,762)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:H	22	0.36
(1,762)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:H	22	0.36
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	10	0.36
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	12	0.36
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD1	7	0.36
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD2	7	0.36
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	21	0.36
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	21	0.36
(1,654)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG2	18	0.36
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	4	0.36
(1,553)	1:13:A:THR:HG21	1:85:A:HIS:H	8	0.36
(1,553)	1:13:A:THR:HG22	1:85:A:HIS:H	8	0.36
(1,553)	1:13:A:THR:HG23	1:85:A:HIS:H	8	0.36
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	22	0.36
(1,539)	1:17:A:ILE:HD11	1:56:A:GLY:H	12	0.36
(1,539)	1:17:A:ILE:HD12	1:56:A:GLY:H	12	0.36
(1,539)	1:17:A:ILE:HD13	1:56:A:GLY:H	12	0.36
(1,539)	1:17:A:ILE:HD11	1:56:A:GLY:H	15	0.36
(1,539)	1:17:A:ILE:HD12	1:56:A:GLY:H	15	0.36
(1,539)	1:17:A:ILE:HD13	1:56:A:GLY:H	15	0.36
(1,517)	1:73:A:ARG:HA	1:77:A:LYS:H	12	0.36
(1,490)	1:27:A:TRP:H	1:55:A:ALA:HA	15	0.36
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG21	4	0.36
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG22	4	0.36
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG23	4	0.36
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG21	20	0.36
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG22	20	0.36
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG23	20	0.36
(1,436)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:H	22	0.36
(1,436)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:H	22	0.36
(1,428)	1:60:A:THR:H	1:62:A:ASN:H	6	0.36
(1,428)	1:60:A:THR:H	1:62:A:ASN:H	11	0.36
(1,395)	1:9:A:VAL:H	1:10:A:LYS:H	9	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,366)	1:52:A:ARG:HA	1:55:A:ALA:H	17	0.36
(1,351)	1:50:A:VAL:H	1:52:A:ARG:H	18	0.36
(1,248)	1:85:A:HIS:HB3	1:86:A:PRO:HA	12	0.36
(1,247)	1:83:A:GLU:HB3	1:85:A:HIS:HA	13	0.36
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	5	0.36
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	5	0.36
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	5	0.36
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	5	0.36
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	13	0.36
(1,207)	1:62:A:ASN:HB3	1:64:A:GLU:H	22	0.36
(1,176)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HA	10	0.36
(1,176)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HA	13	0.36
(1,169)	1:34:A:VAL:HA	1:35:A:TYR:HD1	22	0.36
(1,169)	1:34:A:VAL:HA	1:35:A:TYR:HD2	22	0.36
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	16	0.36
(1,52)	1:40:A:PHE:HA	1:40:A:PHE:HD1	22	0.36
(3,19)	1:40:A:PHE:O	1:44:A:HIS:H	7	0.35
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	14	0.35
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	14	0.35
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	18	0.35
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	18	0.35
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	4	0.35
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	4	0.35
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	4	0.35
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	4	0.35
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	4	0.35
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	4	0.35
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	14	0.35
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	14	0.35
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	14	0.35
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	14	0.35
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	14	0.35
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	14	0.35
(1,1472)	1:40:A:PHE:HD1	1:43:A:GLU:HB2	21	0.35
(1,1472)	1:40:A:PHE:HD1	1:43:A:GLU:HB3	21	0.35
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD11	1:61:A:GLU:H	5	0.35
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD12	1:61:A:GLU:H	5	0.35
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD13	1:61:A:GLU:H	5	0.35
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD21	1:61:A:GLU:H	5	0.35
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD22	1:61:A:GLU:H	5	0.35
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD23	1:61:A:GLU:H	5	0.35
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	14	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	14	0.35
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	14	0.35
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	14	0.35
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	14	0.35
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	14	0.35
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD1	1	0.35
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD2	1	0.35
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD1	1	0.35
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD2	1	0.35
(1,1304)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	23	0.35
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	18	0.35
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	18	0.35
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	18	0.35
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	9	0.35
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	13	0.35
(1,1221)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	1	0.35
(1,1216)	1:35:A:TYR:HD1	1:80:A:ILE:H	3	0.35
(1,1216)	1:35:A:TYR:HD2	1:80:A:ILE:H	3	0.35
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD1	13	0.35
(1,1191)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HD2	13	0.35
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE1	2	0.35
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE2	2	0.35
(1,1184)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	18	0.35
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE1	15	0.35
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE2	15	0.35
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HD1	13	0.35
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HD2	13	0.35
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HD1	13	0.35
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HD2	13	0.35
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HD1	13	0.35
(1,1146)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HD2	13	0.35
(1,1084)	1:29:A:ILE:HB	1:57:A:GLY:H	9	0.35
(1,1069)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HB2	6	0.35
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD11	1:20:A:HIS:H	4	0.35
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD12	1:20:A:HIS:H	4	0.35
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD13	1:20:A:HIS:H	4	0.35
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:H	15	0.35
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:H	15	0.35
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:H	15	0.35
(1,1052)	1:28:A:LEU:H	1:56:A:GLY:H	12	0.35
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	4	0.35
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	4	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1014)	1:60:A:THR:HG21	1:62:A:ASN:H	16	0.35
(1,1014)	1:60:A:THR:HG22	1:62:A:ASN:H	16	0.35
(1,1014)	1:60:A:THR:HG23	1:62:A:ASN:H	16	0.35
(1,987)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:H	7	0.35
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB1	20	0.35
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB2	20	0.35
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB3	20	0.35
(1,954)	1:53:A:GLU:HG2	1:54:A:GLN:HE22	9	0.35
(1,954)	1:53:A:GLU:HG3	1:54:A:GLN:HE22	9	0.35
(1,930)	1:34:A:VAL:H	1:84:A:LEU:H	20	0.35
(1,911)	1:26:A:THR:HG21	1:56:A:GLY:H	13	0.35
(1,911)	1:26:A:THR:HG22	1:56:A:GLY:H	13	0.35
(1,911)	1:26:A:THR:HG23	1:56:A:GLY:H	13	0.35
(1,894)	1:35:A:TYR:H	1:80:A:ILE:HA	6	0.35
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	23	0.35
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	22	0.35
(1,850)	1:11:A:TYR:H	1:83:A:GLU:H	9	0.35
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	22	0.35
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	22	0.35
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	22	0.35
(1,836)	1:77:A:LYS:HB3	1:80:A:ILE:H	4	0.35
(1,836)	1:77:A:LYS:HB3	1:80:A:ILE:H	11	0.35
(1,836)	1:77:A:LYS:HB3	1:80:A:ILE:H	21	0.35
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG2	2	0.35
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG3	2	0.35
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG2	10	0.35
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG3	10	0.35
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG2	11	0.35
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG3	11	0.35
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG2	18	0.35
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG3	18	0.35
(1,793)	1:35:A:TYR:HB3	1:80:A:ILE:H	2	0.35
(1,788)	1:70:A:THR:HA	1:72:A:ALA:H	12	0.35
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB1	22	0.35
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB2	22	0.35
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB3	22	0.35
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB1	6	0.35
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB2	6	0.35
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB3	6	0.35
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB1	22	0.35
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB2	22	0.35
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB3	22	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,762)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:H	15	0.35
(1,762)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:H	15	0.35
(1,762)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:H	15	0.35
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB1	12	0.35
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB2	12	0.35
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB3	12	0.35
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG21	20	0.35
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG22	20	0.35
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG23	20	0.35
(1,625)	1:29:A:ILE:H	1:29:A:ILE:HG22	16	0.35
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	9	0.35
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	13	0.35
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	13	0.35
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	13	0.35
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG21	2	0.35
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG22	2	0.35
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG23	2	0.35
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	18	0.35
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	18	0.35
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	15	0.35
(1,403)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:H	6	0.35
(1,375)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:H	2	0.35
(1,314)	1:70:A:THR:HG21	1:71:A:ASP:H	23	0.35
(1,314)	1:70:A:THR:HG22	1:71:A:ASP:H	23	0.35
(1,314)	1:70:A:THR:HG23	1:71:A:ASP:H	23	0.35
(1,276)	1:42:A:GLU:HB3	1:48:A:GLU:HB3	1	0.35
(1,235)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	9	0.35
(1,235)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	11	0.35
(1,235)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	12	0.35
(1,190)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:HB1	16	0.35
(1,190)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:HB2	16	0.35
(1,190)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:HB3	16	0.35
(1,190)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:HB1	16	0.35
(1,190)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:HB2	16	0.35
(1,190)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:HB3	16	0.35
(1,190)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:HB1	16	0.35
(1,190)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:HB2	16	0.35
(1,190)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:HB3	16	0.35
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG2	22	0.35
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG3	22	0.35
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	17	0.35
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	17	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	17	0.35
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD1	9	0.35
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD2	9	0.35
(1,15)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HA	4	0.35
(1,15)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HA	6	0.35
(1,15)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HA	20	0.35
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	10	0.34
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	10	0.34
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	13	0.34
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	13	0.34
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	13	0.34
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	13	0.34
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	13	0.34
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	13	0.34
(1,1502)	1:61:A:GLU:HG2	1:62:A:ASN:HB2	4	0.34
(1,1502)	1:61:A:GLU:HG3	1:62:A:ASN:HB2	4	0.34
(1,1502)	1:61:A:GLU:HG2	1:62:A:ASN:HB3	4	0.34
(1,1502)	1:61:A:GLU:HG3	1:62:A:ASN:HB3	4	0.34
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	16	0.34
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	16	0.34
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	16	0.34
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	16	0.34
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	16	0.34
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	16	0.34
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HB	4	0.34
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HB	4	0.34
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HB	4	0.34
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HB	4	0.34
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HB	4	0.34
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HB	4	0.34
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	18	0.34
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	18	0.34
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	18	0.34
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	18	0.34
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	18	0.34
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	18	0.34
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD11	1:57:A:GLY:H	16	0.34
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD12	1:57:A:GLY:H	16	0.34
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD13	1:57:A:GLY:H	16	0.34
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD21	1:57:A:GLY:H	16	0.34
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD22	1:57:A:GLY:H	16	0.34
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD23	1:57:A:GLY:H	16	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1407)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:H	7	0.34
(1,1407)	1:28:A:LEU:HB3	1:59:A:ALA:H	7	0.34
(1,1404)	1:28:A:LEU:HB2	1:55:A:ALA:HA	19	0.34
(1,1404)	1:28:A:LEU:HB3	1:55:A:ALA:HA	19	0.34
(1,1330)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:HA	10	0.34
(1,1330)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:HA	10	0.34
(1,1330)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:HA	10	0.34
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	1	0.34
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	2	0.34
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	5	0.34
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	6	0.34
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	9	0.34
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	11	0.34
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD11	1:48:A:GLU:HA	18	0.34
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD12	1:48:A:GLU:HA	18	0.34
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD13	1:48:A:GLU:HA	18	0.34
(1,1270)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HZ3	22	0.34
(1,1236)	1:27:A:TRP:HD1	1:36:A:ASP:HB3	13	0.34
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE1	1:16:A:GLU:HG2	1	0.34
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE1	1:16:A:GLU:HG3	1	0.34
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE2	1:16:A:GLU:HG2	1	0.34
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE2	1:16:A:GLU:HG3	1	0.34
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE1	23	0.34
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE2	23	0.34
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE1	8	0.34
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE2	8	0.34
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD1	1:81:A:ILE:HD12	15	0.34
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD2	1:81:A:ILE:HD12	15	0.34
(1,1144)	1:12:A:TYR:HE1	1:34:A:VAL:HG21	13	0.34
(1,1144)	1:12:A:TYR:HE1	1:34:A:VAL:HG22	13	0.34
(1,1144)	1:12:A:TYR:HE1	1:34:A:VAL:HG23	13	0.34
(1,1144)	1:12:A:TYR:HE2	1:34:A:VAL:HG21	13	0.34
(1,1144)	1:12:A:TYR:HE2	1:34:A:VAL:HG22	13	0.34
(1,1144)	1:12:A:TYR:HE2	1:34:A:VAL:HG23	13	0.34
(1,1134)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HA	11	0.34
(1,1107)	1:14:A:LEU:H	1:15:A:GLU:HB2	14	0.34
(1,1107)	1:14:A:LEU:H	1:15:A:GLU:HB3	14	0.34
(1,1096)	1:33:A:LYS:HA	1:82:A:GLY:H	5	0.34
(1,1096)	1:33:A:LYS:HA	1:82:A:GLY:H	21	0.34
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	6	0.34
(1,1071)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:PHE:H	5	0.34
(1,1045)	1:27:A:TRP:HB2	1:28:A:LEU:H	10	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG2	1:19:A:LYS:H	22	0.34
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG3	1:19:A:LYS:H	22	0.34
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	22	0.34
(1,1014)	1:60:A:THR:HG21	1:62:A:ASN:H	18	0.34
(1,1014)	1:60:A:THR:HG22	1:62:A:ASN:H	18	0.34
(1,1014)	1:60:A:THR:HG23	1:62:A:ASN:H	18	0.34
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:H	12	0.34
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:H	12	0.34
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:H	12	0.34
(1,1006)	1:11:A:TYR:H	1:11:A:TYR:HE1	8	0.34
(1,1006)	1:11:A:TYR:H	1:11:A:TYR:HE2	8	0.34
(1,991)	1:34:A:VAL:HB	1:83:A:GLU:H	6	0.34
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	7	0.34
(1,913)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:H	9	0.34
(1,909)	1:51:A:LEU:HA	1:55:A:ALA:H	17	0.34
(1,897)	1:36:A:ASP:H	1:79:A:PHE:H	5	0.34
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	18	0.34
(1,870)	1:21:A:ASN:H	1:26:A:THR:HA	22	0.34
(1,865)	1:17:A:ILE:HD11	1:19:A:LYS:H	7	0.34
(1,865)	1:17:A:ILE:HD12	1:19:A:LYS:H	7	0.34
(1,865)	1:17:A:ILE:HD13	1:19:A:LYS:H	7	0.34
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	20	0.34
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	20	0.34
(1,797)	1:34:A:VAL:HG21	1:82:A:GLY:H	21	0.34
(1,797)	1:34:A:VAL:HG22	1:82:A:GLY:H	21	0.34
(1,797)	1:34:A:VAL:HG23	1:82:A:GLY:H	21	0.34
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB1	4	0.34
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB2	4	0.34
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB3	4	0.34
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	21	0.34
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	21	0.34
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	21	0.34
(1,766)	1:52:A:ARG:H	1:53:A:GLU:HG2	1	0.34
(1,766)	1:52:A:ARG:H	1:53:A:GLU:HG2	15	0.34
(1,766)	1:52:A:ARG:H	1:53:A:GLU:HG2	16	0.34
(1,737)	1:33:A:LYS:HG2	1:34:A:VAL:H	20	0.34
(1,737)	1:33:A:LYS:HG3	1:34:A:VAL:H	20	0.34
(1,727)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	22	0.34
(1,711)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HD12	2	0.34
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	2	0.34
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	2	0.34
(1,668)	1:60:A:THR:HB	1:62:A:ASN:H	8	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,668)	1:60:A:THR:HB	1:62:A:ASN:H	10	0.34
(1,668)	1:60:A:THR:HB	1:62:A:ASN:H	21	0.34
(1,637)	1:35:A:TYR:HB3	1:37:A:LEU:H	19	0.34
(1,622)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HG2	13	0.34
(1,622)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HG2	18	0.34
(1,608)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	17	0.34
(1,602)	1:22:A:HIS:HB2	1:25:A:SER:H	23	0.34
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	1	0.34
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	19	0.34
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	1	0.34
(1,570)	1:85:A:HIS:HB3	1:89:A:ARG:H	10	0.34
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	10	0.34
(1,542)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:H	22	0.34
(1,539)	1:17:A:ILE:HD11	1:56:A:GLY:H	17	0.34
(1,539)	1:17:A:ILE:HD12	1:56:A:GLY:H	17	0.34
(1,539)	1:17:A:ILE:HD13	1:56:A:GLY:H	17	0.34
(1,449)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HD21	8	0.34
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	18	0.34
(1,440)	1:12:A:TYR:HD1	1:82:A:GLY:H	15	0.34
(1,440)	1:12:A:TYR:HD2	1:82:A:GLY:H	15	0.34
(1,375)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:H	1	0.34
(1,351)	1:50:A:VAL:H	1:52:A:ARG:H	5	0.34
(1,314)	1:70:A:THR:HG21	1:71:A:ASP:H	21	0.34
(1,314)	1:70:A:THR:HG22	1:71:A:ASP:H	21	0.34
(1,314)	1:70:A:THR:HG23	1:71:A:ASP:H	21	0.34
(1,287)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HB	3	0.34
(1,276)	1:42:A:GLU:HB3	1:48:A:GLU:HB3	13	0.34
(1,258)	1:40:A:PHE:H	1:41:A:LEU:HD21	22	0.34
(1,258)	1:40:A:PHE:H	1:41:A:LEU:HD22	22	0.34
(1,258)	1:40:A:PHE:H	1:41:A:LEU:HD23	22	0.34
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	1	0.34
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	1	0.34
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	1	0.34
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	2	0.34
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	2	0.34
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	2	0.34
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	3	0.34
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	9	0.34
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	23	0.34
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	14	0.34
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	14	0.34
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	14	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	7	0.34
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	17	0.34
(1,137)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HB	14	0.34
(1,123)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HG2	10	0.34
(1,123)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HG3	10	0.34
(1,92)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HA	4	0.34
(1,61)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HA	5	0.34
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD2	4	0.34
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD3	4	0.34
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD2	6	0.34
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD3	6	0.34
(3,19)	1:40:A:PHE:O	1:44:A:HIS:H	11	0.33
(1,1568)	1:94:A:LYS:HD2	1:95:A:PRO:HD2	1	0.33
(1,1568)	1:94:A:LYS:HD2	1:95:A:PRO:HD3	1	0.33
(1,1568)	1:94:A:LYS:HD3	1:95:A:PRO:HD2	1	0.33
(1,1568)	1:94:A:LYS:HD3	1:95:A:PRO:HD3	1	0.33
(1,1557)	1:86:A:PRO:HD2	1:89:A:ARG:HB2	14	0.33
(1,1557)	1:86:A:PRO:HD2	1:89:A:ARG:HB3	14	0.33
(1,1557)	1:86:A:PRO:HD3	1:89:A:ARG:HB2	14	0.33
(1,1557)	1:86:A:PRO:HD3	1:89:A:ARG:HB3	14	0.33
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	4	0.33
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	4	0.33
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD11	1:79:A:PHE:HD1	6	0.33
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD11	1:79:A:PHE:HD2	6	0.33
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD12	1:79:A:PHE:HD1	6	0.33
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD12	1:79:A:PHE:HD2	6	0.33
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD13	1:79:A:PHE:HD1	6	0.33
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD13	1:79:A:PHE:HD2	6	0.33
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD21	1:79:A:PHE:HD1	6	0.33
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD21	1:79:A:PHE:HD2	6	0.33
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD22	1:79:A:PHE:HD1	6	0.33
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD22	1:79:A:PHE:HD2	6	0.33
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD23	1:79:A:PHE:HD1	6	0.33
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD23	1:79:A:PHE:HD2	6	0.33
(1,1466)	1:37:A:LEU:HB2	1:79:A:PHE:HD1	3	0.33
(1,1466)	1:37:A:LEU:HB2	1:79:A:PHE:HD2	3	0.33
(1,1466)	1:37:A:LEU:HB3	1:79:A:PHE:HD1	3	0.33
(1,1466)	1:37:A:LEU:HB3	1:79:A:PHE:HD2	3	0.33
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD11	1:61:A:GLU:H	15	0.33
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD12	1:61:A:GLU:H	15	0.33
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD13	1:61:A:GLU:H	15	0.33
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD21	1:61:A:GLU:H	15	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD22	1:61:A:GLU:H	15	0.33
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD23	1:61:A:GLU:H	15	0.33
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HB	13	0.33
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HB	13	0.33
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HB	13	0.33
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HB	13	0.33
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HB	13	0.33
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HB	13	0.33
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	12	0.33
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	12	0.33
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	12	0.33
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HA	12	0.33
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HA	12	0.33
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HA	12	0.33
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD11	1:58:A:ASP:H	15	0.33
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD12	1:58:A:ASP:H	15	0.33
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD13	1:58:A:ASP:H	15	0.33
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD21	1:58:A:ASP:H	15	0.33
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD22	1:58:A:ASP:H	15	0.33
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD23	1:58:A:ASP:H	15	0.33
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:H	21	0.33
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:H	21	0.33
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:H	21	0.33
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	21	0.33
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	21	0.33
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	21	0.33
(1,1387)	1:22:A:HIS:HA	1:23:A:SER:HB2	2	0.33
(1,1387)	1:22:A:HIS:HA	1:23:A:SER:HB3	2	0.33
(1,1367)	1:14:A:LEU:HD11	1:17:A:ILE:HG12	14	0.33
(1,1367)	1:14:A:LEU:HD12	1:17:A:ILE:HG12	14	0.33
(1,1367)	1:14:A:LEU:HD13	1:17:A:ILE:HG12	14	0.33
(1,1367)	1:14:A:LEU:HD21	1:17:A:ILE:HG12	14	0.33
(1,1367)	1:14:A:LEU:HD22	1:17:A:ILE:HG12	14	0.33
(1,1367)	1:14:A:LEU:HD23	1:17:A:ILE:HG12	14	0.33
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD11	1:17:A:ILE:HB	22	0.33
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD12	1:17:A:ILE:HB	22	0.33
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD13	1:17:A:ILE:HB	22	0.33
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD21	1:17:A:ILE:HB	22	0.33
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD22	1:17:A:ILE:HB	22	0.33
(1,1366)	1:14:A:LEU:HD23	1:17:A:ILE:HB	22	0.33
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG2	5	0.33
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG3	5	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG2	5	0.33
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG3	5	0.33
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	3	0.33
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	4	0.33
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	7	0.33
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	8	0.33
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	10	0.33
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	12	0.33
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	13	0.33
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	15	0.33
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	16	0.33
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	17	0.33
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	18	0.33
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	19	0.33
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	20	0.33
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	21	0.33
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	22	0.33
(1,1317)	1:80:A:ILE:HA	1:80:A:ILE:HG22	23	0.33
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD2	18	0.33
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD3	18	0.33
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD2	18	0.33
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD3	18	0.33
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD2	18	0.33
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD3	18	0.33
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	19	0.33
(1,1307)	1:19:A:LYS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	19	0.33
(1,1303)	1:22:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:HD2	21	0.33
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	2	0.33
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	2	0.33
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	2	0.33
(1,1282)	1:81:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HD12	17	0.33
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	5	0.33
(1,1256)	1:12:A:TYR:HB3	1:27:A:TRP:HH2	5	0.33
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG11	19	0.33
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG12	19	0.33
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG13	19	0.33
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE1	2	0.33
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE2	2	0.33
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE1	15	0.33
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE2	15	0.33
(1,1184)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	2	0.33
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:HB2	4	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:HB2	4	0.33
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE1	4	0.33
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE2	4	0.33
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE1	7	0.33
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE2	7	0.33
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD1	1:17:A:ILE:HG21	16	0.33
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD2	1:17:A:ILE:HG21	16	0.33
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG11	1:82:A:GLY:H	6	0.33
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG12	1:82:A:GLY:H	6	0.33
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG13	1:82:A:GLY:H	6	0.33
(1,1083)	1:54:A:GLN:HB2	1:57:A:GLY:H	18	0.33
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	8	0.33
(1,1062)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:HB2	4	0.33
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	11	0.33
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	11	0.33
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	11	0.33
(1,1040)	1:16:A:GLU:HB3	1:19:A:LYS:H	7	0.33
(1,1024)	1:35:A:TYR:HA	1:79:A:PHE:H	23	0.33
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	7	0.33
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	7	0.33
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	7	0.33
(1,965)	1:62:A:ASN:HA	1:62:A:ASN:HD21	19	0.33
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB1	18	0.33
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB2	18	0.33
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB3	18	0.33
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	8	0.33
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	20	0.33
(1,911)	1:26:A:THR:HG21	1:56:A:GLY:H	14	0.33
(1,911)	1:26:A:THR:HG22	1:56:A:GLY:H	14	0.33
(1,911)	1:26:A:THR:HG23	1:56:A:GLY:H	14	0.33
(1,894)	1:35:A:TYR:H	1:80:A:ILE:HA	21	0.33
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	2	0.33
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	2	0.33
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	3	0.33
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	3	0.33
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG2	19	0.33
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG3	19	0.33
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG2	20	0.33
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG3	20	0.33
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG2	21	0.33
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG3	21	0.33
(1,792)	1:35:A:TYR:HA	1:80:A:ILE:H	20	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	22	0.33
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	22	0.33
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	22	0.33
(1,770)	1:49:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:H	12	0.33
(1,762)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:H	5	0.33
(1,762)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:H	5	0.33
(1,762)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:H	5	0.33
(1,737)	1:33:A:LYS:HG2	1:34:A:VAL:H	12	0.33
(1,737)	1:33:A:LYS:HG3	1:34:A:VAL:H	12	0.33
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB1	20	0.33
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB2	20	0.33
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB3	20	0.33
(1,727)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	4	0.33
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG21	6	0.33
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG22	6	0.33
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG23	6	0.33
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE2	20	0.33
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE3	20	0.33
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	7	0.33
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	7	0.33
(1,622)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HG2	11	0.33
(1,622)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HG2	16	0.33
(1,608)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	1	0.33
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	5	0.33
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	21	0.33
(1,495)	1:15:A:GLU:H	1:18:A:LYS:H	14	0.33
(1,474)	1:9:A:VAL:HG21	1:10:A:LYS:H	20	0.33
(1,474)	1:9:A:VAL:HG22	1:10:A:LYS:H	20	0.33
(1,474)	1:9:A:VAL:HG23	1:10:A:LYS:H	20	0.33
(1,467)	1:13:A:THR:H	1:16:A:GLU:HB3	2	0.33
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	5	0.33
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	5	0.33
(1,440)	1:12:A:TYR:HD1	1:82:A:GLY:H	17	0.33
(1,440)	1:12:A:TYR:HD2	1:82:A:GLY:H	17	0.33
(1,431)	1:40:A:PHE:H	1:40:A:PHE:HD1	23	0.33
(1,405)	1:62:A:ASN:H	1:64:A:GLU:H	11	0.33
(1,375)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:H	8	0.33
(1,316)	1:70:A:THR:HB	1:71:A:ASP:H	13	0.33
(1,279)	1:27:A:TRP:HE3	1:81:A:ILE:HD12	10	0.33
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	3	0.33
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	16	0.33
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	7	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	7	0.33
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	7	0.33
(1,152)	1:70:A:THR:HA	1:74:A:GLU:H	15	0.33
(1,137)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HB	3	0.33
(1,128)	1:48:A:GLU:HG2	1:50:A:VAL:H	9	0.33
(1,128)	1:48:A:GLU:HG3	1:50:A:VAL:H	9	0.33
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG2	21	0.33
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG3	21	0.33
(1,123)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HG2	11	0.33
(1,123)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HG3	11	0.33
(1,92)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HA	13	0.33
(1,74)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:H	19	0.33
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB2	7	0.33
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB3	7	0.33
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD2	9	0.33
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD3	9	0.33
(3,35)	1:83:A:GLU:H	1:10:A:LYS:O	13	0.32
(3,24)	1:55:A:ALA:H	1:52:A:ARG:O	18	0.32
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD11	1:62:A:ASN:H	6	0.32
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD12	1:62:A:ASN:H	6	0.32
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD13	1:62:A:ASN:H	6	0.32
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD21	1:62:A:ASN:H	6	0.32
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD22	1:62:A:ASN:H	6	0.32
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD23	1:62:A:ASN:H	6	0.32
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD11	1:61:A:GLU:H	6	0.32
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD12	1:61:A:GLU:H	6	0.32
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD13	1:61:A:GLU:H	6	0.32
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD21	1:61:A:GLU:H	6	0.32
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD22	1:61:A:GLU:H	6	0.32
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD23	1:61:A:GLU:H	6	0.32
(1,1427)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:H	23	0.32
(1,1427)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:H	23	0.32
(1,1427)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:H	23	0.32
(1,1427)	1:28:A:LEU:HD21	1:59:A:ALA:H	23	0.32
(1,1427)	1:28:A:LEU:HD22	1:59:A:ALA:H	23	0.32
(1,1427)	1:28:A:LEU:HD23	1:59:A:ALA:H	23	0.32
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD11	1:57:A:GLY:H	18	0.32
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD12	1:57:A:GLY:H	18	0.32
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD13	1:57:A:GLY:H	18	0.32
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD21	1:57:A:GLY:H	18	0.32
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD22	1:57:A:GLY:H	18	0.32
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD23	1:57:A:GLY:H	18	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:HE21	9	0.32
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:HE21	9	0.32
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:HE21	9	0.32
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD21	1:54:A:GLN:HE21	9	0.32
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD22	1:54:A:GLN:HE21	9	0.32
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD23	1:54:A:GLN:HE21	9	0.32
(1,1325)	1:10:A:LYS:HA	1:10:A:LYS:HE2	5	0.32
(1,1325)	1:10:A:LYS:HA	1:10:A:LYS:HE3	5	0.32
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:HA	22	0.32
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:HA	22	0.32
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:HA	22	0.32
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG2	1:52:A:ARG:HD2	16	0.32
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG2	1:52:A:ARG:HD3	16	0.32
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG3	1:52:A:ARG:HD2	16	0.32
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG3	1:52:A:ARG:HD3	16	0.32
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG2	1:52:A:ARG:HD2	21	0.32
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG2	1:52:A:ARG:HD3	21	0.32
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG3	1:52:A:ARG:HD2	21	0.32
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG3	1:52:A:ARG:HD3	21	0.32
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD2	10	0.32
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD3	10	0.32
(1,1306)	1:21:A:ASN:HB2	1:22:A:HIS:HD2	17	0.32
(1,1306)	1:21:A:ASN:HB2	1:22:A:HIS:HD2	18	0.32
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	17	0.32
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	17	0.32
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	17	0.32
(1,1273)	1:17:A:ILE:HB	1:27:A:TRP:HZ3	6	0.32
(1,1256)	1:12:A:TYR:HB3	1:27:A:TRP:HH2	12	0.32
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	22	0.32
(1,1220)	1:12:A:TYR:HE1	1:27:A:TRP:HZ3	21	0.32
(1,1220)	1:12:A:TYR:HE2	1:27:A:TRP:HZ3	21	0.32
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD1	1:27:A:TRP:HH2	6	0.32
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD2	1:27:A:TRP:HH2	6	0.32
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD1	1:27:A:TRP:HH2	8	0.32
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD2	1:27:A:TRP:HH2	8	0.32
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:HA2	15	0.32
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:HA2	15	0.32
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:HA2	23	0.32
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:HA2	23	0.32
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE1	1	0.32
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE2	1	0.32
(1,1184)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	13	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD1	13	0.32
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD2	13	0.32
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE2	1:12:A:TYR:HE1	4	0.32
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE2	1:12:A:TYR:HE2	4	0.32
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE3	1:12:A:TYR:HE1	4	0.32
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE3	1:12:A:TYR:HE2	4	0.32
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE1	1:81:A:ILE:HD12	22	0.32
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE2	1:81:A:ILE:HD12	22	0.32
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD1	1:81:A:ILE:HD12	17	0.32
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD2	1:81:A:ILE:HD12	17	0.32
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	21	0.32
(1,1051)	1:52:A:ARG:HB2	1:54:A:GLN:H	3	0.32
(1,1051)	1:52:A:ARG:HB3	1:54:A:GLN:H	3	0.32
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	4	0.32
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	4	0.32
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	4	0.32
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	17	0.32
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	17	0.32
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	17	0.32
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG2	1:19:A:LYS:H	7	0.32
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG3	1:19:A:LYS:H	7	0.32
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG2	1:19:A:LYS:H	12	0.32
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG3	1:19:A:LYS:H	12	0.32
(1,1024)	1:35:A:TYR:HA	1:79:A:PHE:H	13	0.32
(1,1003)	1:6:A:ASP:H	1:7:A:LYS:H	3	0.32
(1,987)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:H	11	0.32
(1,985)	1:41:A:LEU:HD21	1:52:A:ARG:H	15	0.32
(1,985)	1:41:A:LEU:HD22	1:52:A:ARG:H	15	0.32
(1,985)	1:41:A:LEU:HD23	1:52:A:ARG:H	15	0.32
(1,985)	1:41:A:LEU:HD21	1:52:A:ARG:H	22	0.32
(1,985)	1:41:A:LEU:HD22	1:52:A:ARG:H	22	0.32
(1,985)	1:41:A:LEU:HD23	1:52:A:ARG:H	22	0.32
(1,985)	1:41:A:LEU:HD21	1:52:A:ARG:H	23	0.32
(1,985)	1:41:A:LEU:HD22	1:52:A:ARG:H	23	0.32
(1,985)	1:41:A:LEU:HD23	1:52:A:ARG:H	23	0.32
(1,967)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD21	1	0.32
(1,967)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD21	20	0.32
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	23	0.32
(1,894)	1:35:A:TYR:H	1:80:A:ILE:HA	17	0.32
(1,894)	1:35:A:TYR:H	1:80:A:ILE:HA	22	0.32
(1,874)	1:20:A:HIS:HB3	1:22:A:HIS:H	5	0.32
(1,865)	1:17:A:ILE:HD11	1:19:A:LYS:H	10	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,865)	1:17:A:ILE:HD12	1:19:A:LYS:H	10	0.32
(1,865)	1:17:A:ILE:HD13	1:19:A:LYS:H	10	0.32
(1,865)	1:17:A:ILE:HD11	1:19:A:LYS:H	22	0.32
(1,865)	1:17:A:ILE:HD12	1:19:A:LYS:H	22	0.32
(1,865)	1:17:A:ILE:HD13	1:19:A:LYS:H	22	0.32
(1,858)	1:12:A:TYR:HE1	1:13:A:THR:H	20	0.32
(1,858)	1:12:A:TYR:HE2	1:13:A:THR:H	20	0.32
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	6	0.32
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	6	0.32
(1,805)	1:35:A:TYR:HB3	1:79:A:PHE:H	11	0.32
(1,805)	1:35:A:TYR:HB3	1:79:A:PHE:H	23	0.32
(1,782)	1:28:A:LEU:HA	1:57:A:GLY:H	12	0.32
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB1	10	0.32
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB2	10	0.32
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB3	10	0.32
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	14	0.32
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	14	0.32
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	14	0.32
(1,762)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:H	1	0.32
(1,762)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:H	1	0.32
(1,762)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:H	1	0.32
(1,729)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	1	0.32
(1,729)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	14	0.32
(1,711)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HD12	5	0.32
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	22	0.32
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	22	0.32
(1,622)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HG2	14	0.32
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	23	0.32
(1,568)	1:85:A:HIS:HB2	1:88:A:ASP:H	12	0.32
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	18	0.32
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	18	0.32
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	18	0.32
(1,485)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	5	0.32
(1,485)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	5	0.32
(1,485)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	5	0.32
(1,470)	1:13:A:THR:HA	1:15:A:GLU:H	14	0.32
(1,445)	1:21:A:ASN:H	1:21:A:ASN:HD21	12	0.32
(1,440)	1:12:A:TYR:HD1	1:82:A:GLY:H	10	0.32
(1,440)	1:12:A:TYR:HD2	1:82:A:GLY:H	10	0.32
(1,414)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:H	5	0.32
(1,393)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	19	0.32
(1,375)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:H	22	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,314)	1:70:A:THR:HG21	1:71:A:ASP:H	8	0.32
(1,314)	1:70:A:THR:HG22	1:71:A:ASP:H	8	0.32
(1,314)	1:70:A:THR:HG23	1:71:A:ASP:H	8	0.32
(1,314)	1:70:A:THR:HG21	1:71:A:ASP:H	20	0.32
(1,314)	1:70:A:THR:HG22	1:71:A:ASP:H	20	0.32
(1,314)	1:70:A:THR:HG23	1:71:A:ASP:H	20	0.32
(1,310)	1:65:A:ASP:HA	1:67:A:GLY:H	20	0.32
(1,267)	1:33:A:LYS:HG2	1:83:A:GLU:HA	4	0.32
(1,267)	1:33:A:LYS:HG3	1:83:A:GLU:HA	4	0.32
(1,267)	1:33:A:LYS:HG2	1:83:A:GLU:HA	5	0.32
(1,267)	1:33:A:LYS:HG3	1:83:A:GLU:HA	5	0.32
(1,247)	1:83:A:GLU:HB3	1:85:A:HIS:HA	22	0.32
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	4	0.32
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	14	0.32
(1,139)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HB	12	0.32
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD1	12	0.32
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD2	12	0.32
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD1	16	0.32
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD2	16	0.32
(1,99)	1:41:A:LEU:HG	1:48:A:GLU:HB2	4	0.32
(1,91)	1:34:A:VAL:HA	1:80:A:ILE:HA	21	0.32
(1,61)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HA	7	0.32
(1,61)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HA	17	0.32
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB2	12	0.32
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB3	12	0.32
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB2	19	0.32
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB3	19	0.32
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	22	0.32
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	22	0.32
(3,19)	1:40:A:PHE:O	1:44:A:HIS:H	8	0.31
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG2	15	0.31
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG3	15	0.31
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG2	15	0.31
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG3	15	0.31
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG2	15	0.31
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG3	15	0.31
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD11	1:79:A:PHE:HD1	1	0.31
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD11	1:79:A:PHE:HD2	1	0.31
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD12	1:79:A:PHE:HD1	1	0.31
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD12	1:79:A:PHE:HD2	1	0.31
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD13	1:79:A:PHE:HD1	1	0.31
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD13	1:79:A:PHE:HD2	1	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD21	1:79:A:PHE:HD1	1	0.31
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD21	1:79:A:PHE:HD2	1	0.31
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD22	1:79:A:PHE:HD1	1	0.31
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD22	1:79:A:PHE:HD2	1	0.31
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD23	1:79:A:PHE:HD1	1	0.31
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD23	1:79:A:PHE:HD2	1	0.31
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HB	11	0.31
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HB	11	0.31
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HB	11	0.31
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HB	11	0.31
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HB	11	0.31
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HB	11	0.31
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	10	0.31
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	10	0.31
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	10	0.31
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	10	0.31
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	10	0.31
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	10	0.31
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG12	1:84:A:LEU:H	3	0.31
(1,1438)	1:29:A:ILE:HG13	1:84:A:LEU:H	3	0.31
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD1	9	0.31
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD2	9	0.31
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD1	9	0.31
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD2	9	0.31
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD11	10	0.31
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD12	10	0.31
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD13	10	0.31
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD21	10	0.31
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD22	10	0.31
(1,1351)	1:12:A:TYR:H	1:14:A:LEU:HD23	10	0.31
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD2	2	0.31
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD3	2	0.31
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	23	0.31
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	23	0.31
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	23	0.31
(1,1273)	1:17:A:ILE:HB	1:27:A:TRP:HZ3	18	0.31
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE1	9	0.31
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE2	9	0.31
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE1	4	0.31
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE2	4	0.31
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE1	4	0.31
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE2	4	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE1	4	0.31
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE2	4	0.31
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG11	16	0.31
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG12	16	0.31
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG13	16	0.31
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	21	0.31
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	21	0.31
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD1	1:79:A:PHE:HA	3	0.31
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD2	1:79:A:PHE:HA	3	0.31
(1,1188)	1:30:A:LEU:HB2	1:31:A:HIS:HD2	6	0.31
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:HB2	11	0.31
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:HB2	11	0.31
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HE1	11	0.31
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:HE2	11	0.31
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HE1	11	0.31
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:HE2	11	0.31
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HE1	11	0.31
(1,1147)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:HE2	11	0.31
(1,1124)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB3	11	0.31
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	8	0.31
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	8	0.31
(1,1110)	1:15:A:GLU:HB2	1:18:A:LYS:H	3	0.31
(1,1110)	1:15:A:GLU:HB3	1:18:A:LYS:H	3	0.31
(1,1096)	1:33:A:LYS:HA	1:82:A:GLY:H	3	0.31
(1,1096)	1:33:A:LYS:HA	1:82:A:GLY:H	19	0.31
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	5	0.31
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	6	0.31
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	6	0.31
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	6	0.31
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	15	0.31
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	15	0.31
(1,1024)	1:35:A:TYR:HA	1:79:A:PHE:H	3	0.31
(1,1022)	1:72:A:ALA:HA	1:76:A:SER:H	21	0.31
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	2	0.31
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	2	0.31
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	2	0.31
(1,1003)	1:6:A:ASP:H	1:7:A:LYS:H	2	0.31
(1,988)	1:33:A:LYS:H	1:83:A:GLU:HA	4	0.31
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB1	3	0.31
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB2	3	0.31
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB3	3	0.31
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB1	14	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB2	14	0.31
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB3	14	0.31
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB1	16	0.31
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB2	16	0.31
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB3	16	0.31
(1,897)	1:36:A:ASP:H	1:79:A:PHE:H	3	0.31
(1,897)	1:36:A:ASP:H	1:79:A:PHE:H	8	0.31
(1,877)	1:22:A:HIS:HB3	1:25:A:SER:H	1	0.31
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	22	0.31
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	3	0.31
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	3	0.31
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	3	0.31
(1,836)	1:77:A:LYS:HB3	1:80:A:ILE:H	7	0.31
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	19	0.31
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	19	0.31
(1,793)	1:35:A:TYR:HB3	1:80:A:ILE:H	12	0.31
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB1	15	0.31
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB2	15	0.31
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB3	15	0.31
(1,762)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:H	2	0.31
(1,762)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:H	2	0.31
(1,762)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:H	2	0.31
(1,762)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:H	16	0.31
(1,762)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:H	16	0.31
(1,762)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:H	16	0.31
(1,728)	1:21:A:ASN:HB2	1:27:A:TRP:H	13	0.31
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD1	12	0.31
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD2	12	0.31
(1,711)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HD12	14	0.31
(1,690)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HD12	14	0.31
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	5	0.31
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	5	0.31
(1,668)	1:60:A:THR:HB	1:62:A:ASN:H	3	0.31
(1,637)	1:35:A:TYR:HB3	1:37:A:LEU:H	16	0.31
(1,637)	1:35:A:TYR:HB3	1:37:A:LEU:H	21	0.31
(1,622)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HG2	19	0.31
(1,602)	1:22:A:HIS:HB2	1:25:A:SER:H	2	0.31
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	6	0.31
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	7	0.31
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	9	0.31
(1,539)	1:17:A:ILE:HD11	1:56:A:GLY:H	6	0.31
(1,539)	1:17:A:ILE:HD12	1:56:A:GLY:H	6	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,539)	1:17:A:ILE:HD13	1:56:A:GLY:H	6	0.31
(1,490)	1:27:A:TRP:H	1:55:A:ALA:HA	19	0.31
(1,474)	1:9:A:VAL:HG21	1:10:A:LYS:H	15	0.31
(1,474)	1:9:A:VAL:HG22	1:10:A:LYS:H	15	0.31
(1,474)	1:9:A:VAL:HG23	1:10:A:LYS:H	15	0.31
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG21	7	0.31
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG22	7	0.31
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG23	7	0.31
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	21	0.31
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	21	0.31
(1,447)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:H	17	0.31
(1,447)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:H	17	0.31
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	13	0.31
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	22	0.31
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	23	0.31
(1,421)	1:10:A:LYS:H	1:83:A:GLU:H	4	0.31
(1,363)	1:52:A:ARG:H	1:55:A:ALA:H	15	0.31
(1,332)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:H	20	0.31
(1,314)	1:70:A:THR:HG21	1:71:A:ASP:H	12	0.31
(1,314)	1:70:A:THR:HG22	1:71:A:ASP:H	12	0.31
(1,314)	1:70:A:THR:HG23	1:71:A:ASP:H	12	0.31
(1,304)	1:59:A:ALA:HA	1:63:A:PHE:H	16	0.31
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG21	21	0.31
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG22	21	0.31
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG23	21	0.31
(1,241)	1:75:A:LEU:HG	1:78:A:THR:HB	23	0.31
(1,214)	1:81:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	21	0.31
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	4	0.31
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	9	0.31
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	9	0.31
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	9	0.31
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	9	0.31
(1,153)	1:70:A:THR:HA	1:73:A:ARG:HA	21	0.31
(1,130)	1:11:A:TYR:HA	1:83:A:GLU:HB3	8	0.31
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD2	22	0.31
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD3	22	0.31
(1,23)	1:52:A:ARG:HG2	1:53:A:GLU:HA	17	0.31
(1,23)	1:52:A:ARG:HG3	1:53:A:GLU:HA	17	0.31
(3,19)	1:40:A:PHE:O	1:44:A:HIS:H	20	0.3
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD2	2	0.3
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD3	2	0.3
(1,1549)	1:85:A:HIS:HA	1:89:A:ARG:HB2	15	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1549)	1:85:A:HIS:HA	1:89:A:ARG:HB3	15	0.3
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG2	1:75:A:LEU:H	5	0.3
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG3	1:75:A:LEU:H	5	0.3
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	16	0.3
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	16	0.3
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG2	6	0.3
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG3	6	0.3
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG2	6	0.3
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG3	6	0.3
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG2	6	0.3
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG3	6	0.3
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG2	11	0.3
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG3	11	0.3
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG2	11	0.3
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG3	11	0.3
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG2	11	0.3
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG3	11	0.3
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	10	0.3
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	10	0.3
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	10	0.3
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	10	0.3
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	10	0.3
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	10	0.3
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD11	1:61:A:GLU:H	18	0.3
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD12	1:61:A:GLU:H	18	0.3
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD13	1:61:A:GLU:H	18	0.3
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD21	1:61:A:GLU:H	18	0.3
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD22	1:61:A:GLU:H	18	0.3
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD23	1:61:A:GLU:H	18	0.3
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	7	0.3
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	7	0.3
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	7	0.3
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	7	0.3
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	7	0.3
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	7	0.3
(1,1433)	1:29:A:ILE:HG12	1:32:A:HIS:HA	2	0.3
(1,1433)	1:29:A:ILE:HG13	1:32:A:HIS:HA	2	0.3
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB2	15	0.3
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB3	15	0.3
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD1	11	0.3
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD2	11	0.3
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD1	11	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD2	11	0.3
(1,1337)	1:30:A:LEU:HG	1:60:A:THR:HA	4	0.3
(1,1337)	1:30:A:LEU:HG	1:60:A:THR:HA	9	0.3
(1,1323)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:HA2	15	0.3
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	3	0.3
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	3	0.3
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	3	0.3
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD11	1:48:A:GLU:HA	4	0.3
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD12	1:48:A:GLU:HA	4	0.3
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD13	1:48:A:GLU:HA	4	0.3
(1,1270)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HZ3	1	0.3
(1,1265)	1:27:A:TRP:HZ3	1:34:A:VAL:HG11	20	0.3
(1,1265)	1:27:A:TRP:HZ3	1:34:A:VAL:HG12	20	0.3
(1,1265)	1:27:A:TRP:HZ3	1:34:A:VAL:HG13	20	0.3
(1,1250)	1:78:A:THR:HG21	1:79:A:PHE:HZ	17	0.3
(1,1250)	1:78:A:THR:HG22	1:79:A:PHE:HZ	17	0.3
(1,1250)	1:78:A:THR:HG23	1:79:A:PHE:HZ	17	0.3
(1,1245)	1:17:A:ILE:HA	1:27:A:TRP:HH2	5	0.3
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD1	14	0.3
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD2	14	0.3
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD1	1:27:A:TRP:HH2	14	0.3
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD2	1:27:A:TRP:HH2	14	0.3
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE1	14	0.3
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE2	14	0.3
(1,1184)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	8	0.3
(1,1184)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	21	0.3
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD1	1:86:A:PRO:HD2	10	0.3
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD2	1:86:A:PRO:HD2	10	0.3
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD1	7	0.3
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD2	7	0.3
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD1	1:81:A:ILE:HD12	16	0.3
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD2	1:81:A:ILE:HD12	16	0.3
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	3	0.3
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	3	0.3
(1,1096)	1:33:A:LYS:HA	1:82:A:GLY:H	14	0.3
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	12	0.3
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:H	13	0.3
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:H	13	0.3
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:H	13	0.3
(1,1064)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:H	14	0.3
(1,1062)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:HB2	8	0.3
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG21	1:85:A:HIS:H	7	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG22	1:85:A:HIS:H	7	0.3
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG23	1:85:A:HIS:H	7	0.3
(1,1031)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	18	0.3
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	5	0.3
(1,1016)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:PHE:H	13	0.3
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	1	0.3
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	1	0.3
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	1	0.3
(1,987)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:H	14	0.3
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB1	2	0.3
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB2	2	0.3
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB3	2	0.3
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB1	5	0.3
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB2	5	0.3
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB3	5	0.3
(1,953)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HA	5	0.3
(1,930)	1:34:A:VAL:H	1:84:A:LEU:H	15	0.3
(1,924)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:HG21	6	0.3
(1,924)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:HG22	6	0.3
(1,924)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:HG23	6	0.3
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	13	0.3
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	21	0.3
(1,854)	1:10:A:LYS:HA	1:12:A:TYR:H	4	0.3
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	9	0.3
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	9	0.3
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	9	0.3
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	11	0.3
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	11	0.3
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	11	0.3
(1,836)	1:77:A:LYS:HB3	1:80:A:ILE:H	1	0.3
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	8	0.3
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	8	0.3
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	16	0.3
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	16	0.3
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	21	0.3
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	21	0.3
(1,797)	1:34:A:VAL:HG21	1:82:A:GLY:H	19	0.3
(1,797)	1:34:A:VAL:HG22	1:82:A:GLY:H	19	0.3
(1,797)	1:34:A:VAL:HG23	1:82:A:GLY:H	19	0.3
(1,797)	1:34:A:VAL:HG21	1:82:A:GLY:H	20	0.3
(1,797)	1:34:A:VAL:HG22	1:82:A:GLY:H	20	0.3
(1,797)	1:34:A:VAL:HG23	1:82:A:GLY:H	20	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,783)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:H	23	0.3
(1,766)	1:52:A:ARG:H	1:53:A:GLU:HG2	8	0.3
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB1	5	0.3
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB2	5	0.3
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB3	5	0.3
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG21	8	0.3
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG22	8	0.3
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG23	8	0.3
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	6	0.3
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	6	0.3
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	23	0.3
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	23	0.3
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	18	0.3
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	3	0.3
(1,555)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:HB2	13	0.3
(1,541)	1:16:A:GLU:H	1:17:A:ILE:HG13	9	0.3
(1,495)	1:15:A:GLU:H	1:18:A:LYS:H	3	0.3
(1,495)	1:15:A:GLU:H	1:18:A:LYS:H	16	0.3
(1,485)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	1	0.3
(1,485)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	1	0.3
(1,485)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	1	0.3
(1,485)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	14	0.3
(1,485)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	14	0.3
(1,485)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	14	0.3
(1,446)	1:12:A:TYR:HE1	1:83:A:GLU:H	11	0.3
(1,446)	1:12:A:TYR:HE2	1:83:A:GLU:H	11	0.3
(1,446)	1:12:A:TYR:HE1	1:83:A:GLU:H	12	0.3
(1,446)	1:12:A:TYR:HE2	1:83:A:GLU:H	12	0.3
(1,428)	1:60:A:THR:H	1:62:A:ASN:H	7	0.3
(1,414)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:H	14	0.3
(1,393)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	12	0.3
(1,376)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:H	15	0.3
(1,376)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:H	18	0.3
(1,351)	1:50:A:VAL:H	1:52:A:ARG:H	7	0.3
(1,347)	1:48:A:GLU:H	1:50:A:VAL:H	15	0.3
(1,325)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:H	21	0.3
(1,314)	1:70:A:THR:HG21	1:71:A:ASP:H	11	0.3
(1,314)	1:70:A:THR:HG22	1:71:A:ASP:H	11	0.3
(1,314)	1:70:A:THR:HG23	1:71:A:ASP:H	11	0.3
(1,297)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:H	8	0.3
(1,284)	1:45:A:PRO:HA	1:46:A:GLY:HA2	4	0.3
(1,284)	1:45:A:PRO:HA	1:46:A:GLY:HA3	4	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,274)	1:42:A:GLU:HB2	1:48:A:GLU:HB3	8	0.3
(1,247)	1:83:A:GLU:HB3	1:85:A:HIS:HA	17	0.3
(1,236)	1:95:A:PRO:HD3	1:96:A:MET:H	21	0.3
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG21	8	0.3
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG22	8	0.3
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG23	8	0.3
(1,209)	1:14:A:LEU:HA	1:17:A:ILE:HB	17	0.3
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	13	0.3
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB1	3	0.3
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB2	3	0.3
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB3	3	0.3
(1,161)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:H	18	0.3
(1,161)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:H	18	0.3
(1,161)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:H	18	0.3
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD1	21	0.3
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD2	21	0.3
(1,130)	1:11:A:TYR:HA	1:83:A:GLU:HB3	6	0.3
(1,121)	1:79:A:PHE:HA	1:81:A:ILE:HG23	3	0.3
(1,104)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HG21	8	0.3
(1,104)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HG22	8	0.3
(1,104)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HG23	8	0.3
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG2	7	0.3
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG3	7	0.3
(1,70)	1:54:A:GLN:HG3	1:59:A:ALA:HA	16	0.3
(1,61)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HA	15	0.3
(1,61)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HA	16	0.3
(1,21)	1:13:A:THR:HA	1:85:A:HIS:H	9	0.3
(1,15)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HA	21	0.3
(3,36)	1:90:A:SER:H	1:86:A:PRO:O	3	0.29
(3,6)	1:69:A:SER:O	1:72:A:ALA:H	23	0.29
(3,4)	1:41:A:LEU:O	1:44:A:HIS:H	17	0.29
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD2	18	0.29
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	18	0.29
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD2	21	0.29
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	21	0.29
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	3	0.29
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	3	0.29
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB2	9	0.29
(1,1524)	1:70:A:THR:HG21	1:73:A:ARG:HB3	9	0.29
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB2	9	0.29
(1,1524)	1:70:A:THR:HG22	1:73:A:ARG:HB3	9	0.29
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB2	9	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1524)	1:70:A:THR:HG23	1:73:A:ARG:HB3	9	0.29
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD11	1:62:A:ASN:H	11	0.29
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD12	1:62:A:ASN:H	11	0.29
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD13	1:62:A:ASN:H	11	0.29
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD21	1:62:A:ASN:H	11	0.29
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD22	1:62:A:ASN:H	11	0.29
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD23	1:62:A:ASN:H	11	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG21	15	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG22	15	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG23	15	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG21	15	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG22	15	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG23	15	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG21	15	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG22	15	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG23	15	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG21	15	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG22	15	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG23	15	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG21	15	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG22	15	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG23	15	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG21	15	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG22	15	0.29
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG23	15	0.29
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	8	0.29
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	8	0.29
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	8	0.29
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HA	8	0.29
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HA	8	0.29
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HA	8	0.29
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB2	5	0.29
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB3	5	0.29
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:HE21	18	0.29
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:HE21	18	0.29
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:HE21	18	0.29
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD21	1:54:A:GLN:HE21	18	0.29
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD22	1:54:A:GLN:HE21	18	0.29
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD23	1:54:A:GLN:HE21	18	0.29
(1,1407)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:H	14	0.29
(1,1407)	1:28:A:LEU:HB3	1:59:A:ALA:H	14	0.29
(1,1406)	1:28:A:LEU:HB2	1:57:A:GLY:H	3	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1406)	1:28:A:LEU:HB3	1:57:A:GLY:H	3	0.29
(1,1406)	1:28:A:LEU:HB2	1:57:A:GLY:H	7	0.29
(1,1406)	1:28:A:LEU:HB3	1:57:A:GLY:H	7	0.29
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB2	22	0.29
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB3	22	0.29
(1,1377)	1:20:A:HIS:H	1:56:A:GLY:HA2	5	0.29
(1,1377)	1:20:A:HIS:H	1:56:A:GLY:HA3	5	0.29
(1,1337)	1:30:A:LEU:HG	1:60:A:THR:HA	21	0.29
(1,1330)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:HA	4	0.29
(1,1330)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:HA	4	0.29
(1,1330)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:HA	4	0.29
(1,1325)	1:10:A:LYS:HA	1:10:A:LYS:HE2	12	0.29
(1,1325)	1:10:A:LYS:HA	1:10:A:LYS:HE3	12	0.29
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD2	4	0.29
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD3	4	0.29
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD2	4	0.29
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD3	4	0.29
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD2	4	0.29
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD3	4	0.29
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE1	16	0.29
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE2	16	0.29
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD1	11	0.29
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD2	11	0.29
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE1	3	0.29
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE2	3	0.29
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG21	20	0.29
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG22	20	0.29
(1,1194)	1:31:A:HIS:HE1	1:60:A:THR:HG23	20	0.29
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE1	11	0.29
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE2	11	0.29
(1,1183)	1:11:A:TYR:HD1	1:86:A:PRO:HD3	8	0.29
(1,1183)	1:11:A:TYR:HD2	1:86:A:PRO:HD3	8	0.29
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE2	1:12:A:TYR:HE1	15	0.29
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE2	1:12:A:TYR:HE2	15	0.29
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE3	1:12:A:TYR:HE1	15	0.29
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE3	1:12:A:TYR:HE2	15	0.29
(1,1152)	1:12:A:TYR:HE1	1:34:A:VAL:HG11	8	0.29
(1,1152)	1:12:A:TYR:HE1	1:34:A:VAL:HG12	8	0.29
(1,1152)	1:12:A:TYR:HE1	1:34:A:VAL:HG13	8	0.29
(1,1152)	1:12:A:TYR:HE2	1:34:A:VAL:HG11	8	0.29
(1,1152)	1:12:A:TYR:HE2	1:34:A:VAL:HG12	8	0.29
(1,1152)	1:12:A:TYR:HE2	1:34:A:VAL:HG13	8	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD11	1:20:A:HIS:H	8	0.29
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD12	1:20:A:HIS:H	8	0.29
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD13	1:20:A:HIS:H	8	0.29
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG2	1:19:A:LYS:H	3	0.29
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG3	1:19:A:LYS:H	3	0.29
(1,1027)	1:78:A:THR:HG21	1:80:A:ILE:H	3	0.29
(1,1027)	1:78:A:THR:HG22	1:80:A:ILE:H	3	0.29
(1,1027)	1:78:A:THR:HG23	1:80:A:ILE:H	3	0.29
(1,1025)	1:35:A:TYR:HE1	1:79:A:PHE:H	8	0.29
(1,1025)	1:35:A:TYR:HE2	1:79:A:PHE:H	8	0.29
(1,1003)	1:6:A:ASP:H	1:7:A:LYS:H	18	0.29
(1,987)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:H	8	0.29
(1,985)	1:41:A:LEU:HD21	1:52:A:ARG:H	1	0.29
(1,985)	1:41:A:LEU:HD22	1:52:A:ARG:H	1	0.29
(1,985)	1:41:A:LEU:HD23	1:52:A:ARG:H	1	0.29
(1,967)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD21	14	0.29
(1,965)	1:62:A:ASN:HA	1:62:A:ASN:HD21	8	0.29
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	2	0.29
(1,930)	1:34:A:VAL:H	1:84:A:LEU:H	21	0.29
(1,874)	1:20:A:HIS:HB3	1:22:A:HIS:H	3	0.29
(1,865)	1:17:A:ILE:HD11	1:19:A:LYS:H	9	0.29
(1,865)	1:17:A:ILE:HD12	1:19:A:LYS:H	9	0.29
(1,865)	1:17:A:ILE:HD13	1:19:A:LYS:H	9	0.29
(1,858)	1:12:A:TYR:HE1	1:13:A:THR:H	1	0.29
(1,858)	1:12:A:TYR:HE2	1:13:A:THR:H	1	0.29
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	15	0.29
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	15	0.29
(1,792)	1:35:A:TYR:HA	1:80:A:ILE:H	3	0.29
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	5	0.29
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	5	0.29
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	5	0.29
(1,770)	1:49:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:H	23	0.29
(1,766)	1:52:A:ARG:H	1:53:A:GLU:HG2	5	0.29
(1,762)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:H	7	0.29
(1,762)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:H	7	0.29
(1,762)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:H	7	0.29
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD1	10	0.29
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD2	10	0.29
(1,711)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HD12	22	0.29
(1,690)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HD12	8	0.29
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	4	0.29
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	4	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	13	0.29
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	13	0.29
(1,673)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:H	17	0.29
(1,673)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:H	17	0.29
(1,673)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:H	17	0.29
(1,668)	1:60:A:THR:HB	1:62:A:ASN:H	17	0.29
(1,637)	1:35:A:TYR:HB3	1:37:A:LEU:H	18	0.29
(1,622)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HG2	17	0.29
(1,612)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HE2	20	0.29
(1,612)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HE3	20	0.29
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	8	0.29
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	22	0.29
(1,445)	1:21:A:ASN:H	1:21:A:ASN:HD21	8	0.29
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	4	0.29
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	5	0.29
(1,432)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HD2	4	0.29
(1,421)	1:10:A:LYS:H	1:83:A:GLU:H	10	0.29
(1,405)	1:62:A:ASN:H	1:64:A:GLU:H	9	0.29
(1,379)	1:22:A:HIS:H	1:24:A:LYS:H	13	0.29
(1,379)	1:22:A:HIS:H	1:24:A:LYS:H	19	0.29
(1,356)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:H	6	0.29
(1,294)	1:12:A:TYR:HA	1:16:A:GLU:HB2	10	0.29
(1,281)	1:53:A:GLU:HA	1:54:A:GLN:HG2	6	0.29
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG2	3	0.29
(1,239)	1:84:A:LEU:HA	1:89:A:ARG:HG3	3	0.29
(1,235)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	10	0.29
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	5	0.29
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	12	0.29
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	21	0.29
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB1	4	0.29
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB2	4	0.29
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB3	4	0.29
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB1	10	0.29
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB2	10	0.29
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB3	10	0.29
(1,176)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HA	16	0.29
(1,128)	1:48:A:GLU:HG2	1:50:A:VAL:H	3	0.29
(1,128)	1:48:A:GLU:HG3	1:50:A:VAL:H	3	0.29
(1,128)	1:48:A:GLU:HG2	1:50:A:VAL:H	7	0.29
(1,128)	1:48:A:GLU:HG3	1:50:A:VAL:H	7	0.29
(1,128)	1:48:A:GLU:HG2	1:50:A:VAL:H	20	0.29
(1,128)	1:48:A:GLU:HG3	1:50:A:VAL:H	20	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,121)	1:79:A:PHE:HA	1:81:A:ILE:HG23	11	0.29
(1,63)	1:28:A:LEU:HB3	1:55:A:ALA:HA	2	0.29
(1,61)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HA	1	0.29
(3,35)	1:83:A:GLU:H	1:10:A:LYS:O	10	0.28
(3,26)	1:53:A:GLU:H	1:49:A:GLU:O	13	0.28
(3,19)	1:40:A:PHE:O	1:44:A:HIS:H	3	0.28
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD2	7	0.28
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	7	0.28
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	7	0.28
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	7	0.28
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	23	0.28
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	23	0.28
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	23	0.28
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	23	0.28
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	23	0.28
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	23	0.28
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD11	1:62:A:ASN:H	20	0.28
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD12	1:62:A:ASN:H	20	0.28
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD13	1:62:A:ASN:H	20	0.28
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD21	1:62:A:ASN:H	20	0.28
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD22	1:62:A:ASN:H	20	0.28
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD23	1:62:A:ASN:H	20	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	11	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	11	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	11	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	11	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	11	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	11	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	15	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	15	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	15	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	15	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	15	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	15	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	17	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	17	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	17	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	17	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	17	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	17	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	21	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	21	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	21	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	21	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	21	0.28
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	21	0.28
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD1	13	0.28
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD2	13	0.28
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD1	13	0.28
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD2	13	0.28
(1,1387)	1:22:A:HIS:HA	1:23:A:SER:HB2	23	0.28
(1,1387)	1:22:A:HIS:HA	1:23:A:SER:HB3	23	0.28
(1,1379)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:HD2	2	0.28
(1,1379)	1:20:A:HIS:HB3	1:22:A:HIS:HD2	2	0.28
(1,1378)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	12	0.28
(1,1378)	1:20:A:HIS:HB3	1:22:A:HIS:H	12	0.28
(1,1323)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:HA2	22	0.28
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD2	5	0.28
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD3	5	0.28
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD2	5	0.28
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD3	5	0.28
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD2	5	0.28
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD3	5	0.28
(1,1306)	1:21:A:ASN:HB2	1:22:A:HIS:HD2	12	0.28
(1,1255)	1:12:A:TYR:HE1	1:17:A:ILE:HG22	2	0.28
(1,1255)	1:12:A:TYR:HE2	1:17:A:ILE:HG22	2	0.28
(1,1255)	1:12:A:TYR:HE1	1:17:A:ILE:HG22	3	0.28
(1,1255)	1:12:A:TYR:HE2	1:17:A:ILE:HG22	3	0.28
(1,1255)	1:12:A:TYR:HE1	1:17:A:ILE:HG22	10	0.28
(1,1255)	1:12:A:TYR:HE2	1:17:A:ILE:HG22	10	0.28
(1,1250)	1:78:A:THR:HG21	1:79:A:PHE:HZ	13	0.28
(1,1250)	1:78:A:THR:HG22	1:79:A:PHE:HZ	13	0.28
(1,1250)	1:78:A:THR:HG23	1:79:A:PHE:HZ	13	0.28
(1,1245)	1:17:A:ILE:HA	1:27:A:TRP:HH2	4	0.28
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB1	1:62:A:ASN:HD22	9	0.28
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB2	1:62:A:ASN:HD22	9	0.28
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB3	1:62:A:ASN:HD22	9	0.28
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB1	1:62:A:ASN:HD22	17	0.28
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB2	1:62:A:ASN:HD22	17	0.28
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB3	1:62:A:ASN:HD22	17	0.28
(1,1227)	1:37:A:LEU:HA	1:40:A:PHE:HD1	23	0.28
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE1	13	0.28
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE2	13	0.28
(1,1221)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HD2	9	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1184)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	10	0.28
(1,1181)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG3	12	0.28
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE1	6	0.28
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE2	6	0.28
(1,1114)	1:25:A:SER:H	1:26:A:THR:HB	11	0.28
(1,1096)	1:33:A:LYS:HA	1:82:A:GLY:H	23	0.28
(1,1074)	1:21:A:ASN:HB2	1:56:A:GLY:H	9	0.28
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD22	14	0.28
(1,1072)	1:59:A:ALA:HA	1:62:A:ASN:HD21	14	0.28
(1,1062)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:HB2	18	0.28
(1,1044)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HA	5	0.28
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG2	1:19:A:LYS:H	11	0.28
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG3	1:19:A:LYS:H	11	0.28
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG21	1:85:A:HIS:H	10	0.28
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG22	1:85:A:HIS:H	10	0.28
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG23	1:85:A:HIS:H	10	0.28
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG21	1:85:A:HIS:H	17	0.28
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG22	1:85:A:HIS:H	17	0.28
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG23	1:85:A:HIS:H	17	0.28
(1,1031)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	1	0.28
(1,1031)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	22	0.28
(1,1024)	1:35:A:TYR:HA	1:79:A:PHE:H	11	0.28
(1,1014)	1:60:A:THR:HG21	1:62:A:ASN:H	17	0.28
(1,1014)	1:60:A:THR:HG22	1:62:A:ASN:H	17	0.28
(1,1014)	1:60:A:THR:HG23	1:62:A:ASN:H	17	0.28
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	9	0.28
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	9	0.28
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	9	0.28
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	12	0.28
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	12	0.28
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	12	0.28
(1,991)	1:34:A:VAL:HB	1:83:A:GLU:H	22	0.28
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	15	0.28
(1,953)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HA	8	0.28
(1,948)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD22	22	0.28
(1,911)	1:26:A:THR:HG21	1:56:A:GLY:H	15	0.28
(1,911)	1:26:A:THR:HG22	1:56:A:GLY:H	15	0.28
(1,911)	1:26:A:THR:HG23	1:56:A:GLY:H	15	0.28
(1,911)	1:26:A:THR:HG21	1:56:A:GLY:H	22	0.28
(1,911)	1:26:A:THR:HG22	1:56:A:GLY:H	22	0.28
(1,911)	1:26:A:THR:HG23	1:56:A:GLY:H	22	0.28
(1,894)	1:35:A:TYR:H	1:80:A:ILE:HA	11	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,876)	1:22:A:HIS:HA	1:24:A:LYS:H	3	0.28
(1,805)	1:35:A:TYR:HB3	1:79:A:PHE:H	1	0.28
(1,805)	1:35:A:TYR:HB3	1:79:A:PHE:H	9	0.28
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB1	7	0.28
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB2	7	0.28
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB3	7	0.28
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	7	0.28
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	7	0.28
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	7	0.28
(1,762)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:H	17	0.28
(1,762)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:H	17	0.28
(1,762)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:H	17	0.28
(1,737)	1:33:A:LYS:HG2	1:34:A:VAL:H	23	0.28
(1,737)	1:33:A:LYS:HG3	1:34:A:VAL:H	23	0.28
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD1	22	0.28
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD2	22	0.28
(1,622)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HG2	4	0.28
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	16	0.28
(1,477)	1:14:A:LEU:HA	1:18:A:LYS:H	14	0.28
(1,447)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:H	3	0.28
(1,447)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:H	3	0.28
(1,445)	1:21:A:ASN:H	1:21:A:ASN:HD21	23	0.28
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	1	0.28
(1,428)	1:60:A:THR:H	1:62:A:ASN:H	4	0.28
(1,395)	1:9:A:VAL:H	1:10:A:LYS:H	6	0.28
(1,394)	1:8:A:ASP:HA	1:9:A:VAL:H	8	0.28
(1,287)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HB	5	0.28
(1,274)	1:42:A:GLU:HB2	1:48:A:GLU:HB3	16	0.28
(1,241)	1:75:A:LEU:HG	1:78:A:THR:HB	11	0.28
(1,235)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	4	0.28
(1,198)	1:12:A:TYR:HD1	1:16:A:GLU:HB2	18	0.28
(1,198)	1:12:A:TYR:HD2	1:16:A:GLU:HB2	18	0.28
(1,193)	1:36:A:ASP:HB3	1:81:A:ILE:HG22	2	0.28
(1,193)	1:36:A:ASP:HB3	1:81:A:ILE:HG22	20	0.28
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB1	6	0.28
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB2	6	0.28
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB3	6	0.28
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD1	15	0.28
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD2	15	0.28
(1,137)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HB	5	0.28
(1,137)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HB	20	0.28
(1,130)	1:11:A:TYR:HA	1:83:A:GLU:HB3	13	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,99)	1:41:A:LEU:HG	1:48:A:GLU:HB2	3	0.28
(1,61)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HA	14	0.28
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD2	4	0.28
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD3	4	0.28
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD2	11	0.28
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD3	11	0.28
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD2	20	0.28
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD3	20	0.28
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD2	21	0.28
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD3	21	0.28
(3,39)	1:77:A:LYS:H	1:74:A:GLU:O	20	0.27
(3,6)	1:69:A:SER:O	1:72:A:ALA:H	10	0.27
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	2	0.27
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	2	0.27
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	19	0.27
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	19	0.27
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD11	1:61:A:GLU:H	13	0.27
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD12	1:61:A:GLU:H	13	0.27
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD13	1:61:A:GLU:H	13	0.27
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD21	1:61:A:GLU:H	13	0.27
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD22	1:61:A:GLU:H	13	0.27
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD23	1:61:A:GLU:H	13	0.27
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	20	0.27
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	20	0.27
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	20	0.27
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	20	0.27
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	20	0.27
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	20	0.27
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB2	3	0.27
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB3	3	0.27
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:HB2	6	0.27
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:HB3	6	0.27
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:HB2	6	0.27
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:HB3	6	0.27
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:HB2	6	0.27
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:HB3	6	0.27
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:HB2	6	0.27
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:HB3	6	0.27
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:HB2	6	0.27
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:HB3	6	0.27
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:HB2	6	0.27
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:HB3	6	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1407)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:H	6	0.27
(1,1407)	1:28:A:LEU:HB3	1:59:A:ALA:H	6	0.27
(1,1387)	1:22:A:HIS:HA	1:23:A:SER:HB2	22	0.27
(1,1387)	1:22:A:HIS:HA	1:23:A:SER:HB3	22	0.27
(1,1383)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:HA2	15	0.27
(1,1383)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:HA3	15	0.27
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD11	16	0.27
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD12	16	0.27
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD13	16	0.27
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD21	16	0.27
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD22	16	0.27
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD23	16	0.27
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	17	0.27
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	17	0.27
(1,1330)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:HA	12	0.27
(1,1330)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:HA	12	0.27
(1,1330)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:HA	12	0.27
(1,1270)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HZ3	23	0.27
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE1	15	0.27
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE2	15	0.27
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD1	1:79:A:PHE:HA	16	0.27
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD2	1:79:A:PHE:HA	16	0.27
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:HA2	1	0.27
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:HA2	1	0.27
(1,1205)	1:25:A:SER:H	1:26:A:THR:HA	10	0.27
(1,1203)	1:62:A:ASN:HA	1:62:A:ASN:HD22	22	0.27
(1,1202)	1:30:A:LEU:HA	1:31:A:HIS:HD2	9	0.27
(1,1201)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:HA3	3	0.27
(1,1201)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:HA3	3	0.27
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD1	1:86:A:PRO:HD2	2	0.27
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD2	1:86:A:PRO:HD2	2	0.27
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD1	10	0.27
(1,1164)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HD2	10	0.27
(1,1145)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HG21	3	0.27
(1,1145)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HG22	3	0.27
(1,1145)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HG23	3	0.27
(1,1116)	1:28:A:LEU:H	1:55:A:ALA:HA	2	0.27
(1,1116)	1:28:A:LEU:H	1:55:A:ALA:HA	19	0.27
(1,1107)	1:14:A:LEU:H	1:15:A:GLU:HB2	2	0.27
(1,1107)	1:14:A:LEU:H	1:15:A:GLU:HB3	2	0.27
(1,1106)	1:13:A:THR:H	1:15:A:GLU:H	14	0.27
(1,1099)	1:32:A:HIS:HA	1:84:A:LEU:H	21	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1096)	1:33:A:LYS:HA	1:82:A:GLY:H	8	0.27
(1,1070)	1:53:A:GLU:HG2	1:54:A:GLN:HE21	9	0.27
(1,1064)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:H	22	0.27
(1,1044)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HA	14	0.27
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	10	0.27
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	10	0.27
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	11	0.27
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	11	0.27
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG21	1:85:A:HIS:H	4	0.27
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG22	1:85:A:HIS:H	4	0.27
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG23	1:85:A:HIS:H	4	0.27
(1,1024)	1:35:A:TYR:HA	1:79:A:PHE:H	21	0.27
(1,930)	1:34:A:VAL:H	1:84:A:LEU:H	13	0.27
(1,897)	1:36:A:ASP:H	1:79:A:PHE:H	13	0.27
(1,894)	1:35:A:TYR:H	1:80:A:ILE:HA	2	0.27
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	8	0.27
(1,858)	1:12:A:TYR:HE1	1:13:A:THR:H	21	0.27
(1,858)	1:12:A:TYR:HE2	1:13:A:THR:H	21	0.27
(1,857)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:H	2	0.27
(1,854)	1:10:A:LYS:HA	1:12:A:TYR:H	15	0.27
(1,850)	1:11:A:TYR:H	1:83:A:GLU:H	22	0.27
(1,797)	1:34:A:VAL:HG21	1:82:A:GLY:H	18	0.27
(1,797)	1:34:A:VAL:HG22	1:82:A:GLY:H	18	0.27
(1,797)	1:34:A:VAL:HG23	1:82:A:GLY:H	18	0.27
(1,792)	1:35:A:TYR:HA	1:80:A:ILE:H	22	0.27
(1,742)	1:99:A:LEU:H	1:99:A:LEU:HG	5	0.27
(1,737)	1:33:A:LYS:HG2	1:34:A:VAL:H	19	0.27
(1,737)	1:33:A:LYS:HG3	1:34:A:VAL:H	19	0.27
(1,728)	1:21:A:ASN:HB2	1:27:A:TRP:H	16	0.27
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG21	21	0.27
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG22	21	0.27
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG23	21	0.27
(1,668)	1:60:A:THR:HB	1:62:A:ASN:H	19	0.27
(1,668)	1:60:A:THR:HB	1:62:A:ASN:H	23	0.27
(1,654)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG2	21	0.27
(1,608)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	2	0.27
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	17	0.27
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	1	0.27
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	1	0.27
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	1	0.27
(1,532)	1:9:A:VAL:H	1:10:A:LYS:HA	19	0.27
(1,491)	1:27:A:TRP:H	1:55:A:ALA:HB1	2	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,491)	1:27:A:TRP:H	1:55:A:ALA:HB2	2	0.27
(1,491)	1:27:A:TRP:H	1:55:A:ALA:HB3	2	0.27
(1,485)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	19	0.27
(1,485)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	19	0.27
(1,485)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	19	0.27
(1,474)	1:9:A:VAL:HG21	1:10:A:LYS:H	8	0.27
(1,474)	1:9:A:VAL:HG22	1:10:A:LYS:H	8	0.27
(1,474)	1:9:A:VAL:HG23	1:10:A:LYS:H	8	0.27
(1,440)	1:12:A:TYR:HD1	1:82:A:GLY:H	21	0.27
(1,440)	1:12:A:TYR:HD2	1:82:A:GLY:H	21	0.27
(1,428)	1:60:A:THR:H	1:62:A:ASN:H	21	0.27
(1,414)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:H	7	0.27
(1,356)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:H	18	0.27
(1,325)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:H	12	0.27
(1,248)	1:85:A:HIS:HB3	1:86:A:PRO:HA	3	0.27
(1,234)	1:36:A:ASP:HB2	1:81:A:ILE:HG22	5	0.27
(1,193)	1:36:A:ASP:HB3	1:81:A:ILE:HG22	16	0.27
(1,176)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HA	23	0.27
(1,144)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HD2	6	0.27
(1,144)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HD3	6	0.27
(1,137)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HB	23	0.27
(1,99)	1:41:A:LEU:HG	1:48:A:GLU:HB2	22	0.27
(1,91)	1:34:A:VAL:HA	1:80:A:ILE:HA	2	0.27
(1,91)	1:34:A:VAL:HA	1:80:A:ILE:HA	12	0.27
(1,74)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:H	5	0.27
(1,74)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:H	15	0.27
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD2	14	0.27
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD3	14	0.27
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	23	0.27
(1,27)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	23	0.27
(1,23)	1:52:A:ARG:HG2	1:53:A:GLU:HA	23	0.27
(1,23)	1:52:A:ARG:HG3	1:53:A:GLU:HA	23	0.27
(1,15)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HA	2	0.27
(3,19)	1:40:A:PHE:O	1:44:A:HIS:H	2	0.26
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD2	23	0.26
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD3	23	0.26
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD11	1:61:A:GLU:H	3	0.26
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD12	1:61:A:GLU:H	3	0.26
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD13	1:61:A:GLU:H	3	0.26
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD21	1:61:A:GLU:H	3	0.26
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD22	1:61:A:GLU:H	3	0.26
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD23	1:61:A:GLU:H	3	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG21	4	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG22	4	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG23	4	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG21	4	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG22	4	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG23	4	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG21	4	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG22	4	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG23	4	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG21	4	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG22	4	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG23	4	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG21	4	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG22	4	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG23	4	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG21	4	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG22	4	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG23	4	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG21	22	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG22	22	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG23	22	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG21	22	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG22	22	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG23	22	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG21	22	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG22	22	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG23	22	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG21	22	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG22	22	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG23	22	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG21	22	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG22	22	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG23	22	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG21	22	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG22	22	0.26
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG23	22	0.26
(1,1433)	1:29:A:ILE:HG12	1:32:A:HIS:HA	22	0.26
(1,1433)	1:29:A:ILE:HG13	1:32:A:HIS:HA	22	0.26
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB2	21	0.26
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB3	21	0.26
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:HB2	20	0.26
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:HB3	20	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:HB2	20	0.26
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:HB3	20	0.26
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:HB2	20	0.26
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:HB3	20	0.26
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:HB2	20	0.26
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:HB3	20	0.26
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:HB2	20	0.26
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:HB3	20	0.26
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:HB2	20	0.26
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:HB3	20	0.26
(1,1407)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:H	4	0.26
(1,1407)	1:28:A:LEU:HB3	1:59:A:ALA:H	4	0.26
(1,1406)	1:28:A:LEU:HB2	1:57:A:GLY:H	4	0.26
(1,1406)	1:28:A:LEU:HB3	1:57:A:GLY:H	4	0.26
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD1	14	0.26
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD2	14	0.26
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD1	14	0.26
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD2	14	0.26
(1,1382)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:HA2	14	0.26
(1,1382)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:HA3	14	0.26
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD11	21	0.26
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD12	21	0.26
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD13	21	0.26
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD21	21	0.26
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD22	21	0.26
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD23	21	0.26
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD11	22	0.26
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD12	22	0.26
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD13	22	0.26
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD21	22	0.26
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD22	22	0.26
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD23	22	0.26
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD11	23	0.26
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD12	23	0.26
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD13	23	0.26
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD21	23	0.26
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD22	23	0.26
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD23	23	0.26
(1,1323)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:HA2	13	0.26
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD2	1	0.26
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD3	1	0.26
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD2	1	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD3	1	0.26
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD2	1	0.26
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD3	1	0.26
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	21	0.26
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	21	0.26
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	21	0.26
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE1	14	0.26
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE2	14	0.26
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE1	22	0.26
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE2	22	0.26
(1,1250)	1:78:A:THR:HG21	1:79:A:PHE:HZ	5	0.26
(1,1250)	1:78:A:THR:HG22	1:79:A:PHE:HZ	5	0.26
(1,1250)	1:78:A:THR:HG23	1:79:A:PHE:HZ	5	0.26
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG11	18	0.26
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG12	18	0.26
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG13	18	0.26
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD1	1	0.26
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD2	1	0.26
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	12	0.26
(1,1224)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HZ3	7	0.26
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	19	0.26
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	19	0.26
(1,1188)	1:30:A:LEU:HB2	1:31:A:HIS:HD2	19	0.26
(1,1180)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:HB3	6	0.26
(1,1180)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:HB3	6	0.26
(1,1114)	1:25:A:SER:H	1:26:A:THR:HB	6	0.26
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	10	0.26
(1,1111)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	10	0.26
(1,1110)	1:15:A:GLU:HB2	1:18:A:LYS:H	18	0.26
(1,1110)	1:15:A:GLU:HB3	1:18:A:LYS:H	18	0.26
(1,1109)	1:16:A:GLU:HB3	1:18:A:LYS:H	15	0.26
(1,1096)	1:33:A:LYS:HA	1:82:A:GLY:H	22	0.26
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	1	0.26
(1,1085)	1:57:A:GLY:H	1:58:A:ASP:HA	17	0.26
(1,1064)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:H	12	0.26
(1,1064)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:H	20	0.26
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	4	0.26
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	4	0.26
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	22	0.26
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	22	0.26
(1,1024)	1:35:A:TYR:HA	1:79:A:PHE:H	2	0.26
(1,1014)	1:60:A:THR:HG21	1:62:A:ASN:H	13	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1014)	1:60:A:THR:HG22	1:62:A:ASN:H	13	0.26
(1,1014)	1:60:A:THR:HG23	1:62:A:ASN:H	13	0.26
(1,1005)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:H	19	0.26
(1,1005)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:H	19	0.26
(1,1005)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:H	19	0.26
(1,988)	1:33:A:LYS:H	1:83:A:GLU:HA	2	0.26
(1,979)	1:95:A:PRO:HG2	1:96:A:MET:H	7	0.26
(1,979)	1:95:A:PRO:HG3	1:96:A:MET:H	7	0.26
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB1	1	0.26
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB2	1	0.26
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB3	1	0.26
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	19	0.26
(1,940)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HA	8	0.26
(1,897)	1:36:A:ASP:H	1:79:A:PHE:H	10	0.26
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	11	0.26
(1,876)	1:22:A:HIS:HA	1:24:A:LYS:H	13	0.26
(1,858)	1:12:A:TYR:HE1	1:13:A:THR:H	22	0.26
(1,858)	1:12:A:TYR:HE2	1:13:A:THR:H	22	0.26
(1,836)	1:77:A:LYS:HB3	1:80:A:ILE:H	3	0.26
(1,836)	1:77:A:LYS:HB3	1:80:A:ILE:H	9	0.26
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG2	1	0.26
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG3	1	0.26
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG2	7	0.26
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG3	7	0.26
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	13	0.26
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	13	0.26
(1,804)	1:79:A:PHE:H	1:80:A:ILE:HB	16	0.26
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG2	17	0.26
(1,800)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HG3	17	0.26
(1,797)	1:34:A:VAL:HG21	1:82:A:GLY:H	3	0.26
(1,797)	1:34:A:VAL:HG22	1:82:A:GLY:H	3	0.26
(1,797)	1:34:A:VAL:HG23	1:82:A:GLY:H	3	0.26
(1,793)	1:35:A:TYR:HB3	1:80:A:ILE:H	21	0.26
(1,782)	1:28:A:LEU:HA	1:57:A:GLY:H	3	0.26
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	13	0.26
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	13	0.26
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	13	0.26
(1,770)	1:49:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:H	20	0.26
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB1	7	0.26
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB2	7	0.26
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB3	7	0.26
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD1	20	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD2	20	0.26
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	15	0.26
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	15	0.26
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	19	0.26
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	19	0.26
(1,668)	1:60:A:THR:HB	1:62:A:ASN:H	22	0.26
(1,637)	1:35:A:TYR:HB3	1:37:A:LEU:H	15	0.26
(1,557)	1:16:A:GLU:H	1:16:A:GLU:HB3	1	0.26
(1,532)	1:9:A:VAL:H	1:10:A:LYS:HA	10	0.26
(1,445)	1:21:A:ASN:H	1:21:A:ASN:HD21	5	0.26
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	16	0.26
(1,434)	1:19:A:LYS:H	1:21:A:ASN:H	7	0.26
(1,431)	1:40:A:PHE:H	1:40:A:PHE:HD1	17	0.26
(1,414)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:H	22	0.26
(1,405)	1:62:A:ASN:H	1:64:A:GLU:H	6	0.26
(1,394)	1:8:A:ASP:HA	1:9:A:VAL:H	1	0.26
(1,379)	1:22:A:HIS:H	1:24:A:LYS:H	16	0.26
(1,376)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:H	11	0.26
(1,356)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:H	13	0.26
(1,351)	1:50:A:VAL:H	1:52:A:ARG:H	12	0.26
(1,332)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:H	1	0.26
(1,314)	1:70:A:THR:HG21	1:71:A:ASP:H	6	0.26
(1,314)	1:70:A:THR:HG22	1:71:A:ASP:H	6	0.26
(1,314)	1:70:A:THR:HG23	1:71:A:ASP:H	6	0.26
(1,310)	1:65:A:ASP:HA	1:67:A:GLY:H	10	0.26
(1,310)	1:65:A:ASP:HA	1:67:A:GLY:H	17	0.26
(1,302)	1:59:A:ALA:H	1:62:A:ASN:H	16	0.26
(1,282)	1:29:A:ILE:HA	1:35:A:TYR:HD1	22	0.26
(1,282)	1:29:A:ILE:HA	1:35:A:TYR:HD2	22	0.26
(1,281)	1:53:A:GLU:HA	1:54:A:GLN:HG2	5	0.26
(1,276)	1:42:A:GLU:HB3	1:48:A:GLU:HB3	16	0.26
(1,254)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HA	18	0.26
(1,254)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HA	18	0.26
(1,254)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HA	18	0.26
(1,235)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	22	0.26
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG21	16	0.26
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG22	16	0.26
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG23	16	0.26
(1,193)	1:36:A:ASP:HB3	1:81:A:ILE:HG22	15	0.26
(1,193)	1:36:A:ASP:HB3	1:81:A:ILE:HG22	21	0.26
(1,145)	1:52:A:ARG:H	1:52:A:ARG:HD2	6	0.26
(1,145)	1:52:A:ARG:H	1:52:A:ARG:HD3	6	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,128)	1:48:A:GLU:HG2	1:50:A:VAL:H	6	0.26
(1,128)	1:48:A:GLU:HG3	1:50:A:VAL:H	6	0.26
(1,128)	1:48:A:GLU:HG2	1:50:A:VAL:H	13	0.26
(1,128)	1:48:A:GLU:HG3	1:50:A:VAL:H	13	0.26
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG2	8	0.26
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG3	8	0.26
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG2	8	0.26
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG3	8	0.26
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG2	8	0.26
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG3	8	0.26
(1,61)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HA	6	0.26
(1,59)	1:50:A:VAL:HA	1:53:A:GLU:HB3	2	0.26
(1,59)	1:50:A:VAL:HA	1:53:A:GLU:HB2	2	0.26
(1,51)	1:40:A:PHE:HA	1:43:A:GLU:HB3	9	0.26
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD2	5	0.26
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD3	5	0.26
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD2	19	0.26
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD3	19	0.26
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD2	20	0.26
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD3	20	0.26
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD2	23	0.26
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD3	23	0.26
(1,23)	1:52:A:ARG:HG2	1:53:A:GLU:HA	15	0.26
(1,23)	1:52:A:ARG:HG3	1:53:A:GLU:HA	15	0.26
(1,13)	1:10:A:LYS:HA	1:11:A:TYR:HD1	13	0.26
(1,13)	1:10:A:LYS:HA	1:11:A:TYR:HD2	13	0.26
(3,39)	1:77:A:LYS:H	1:74:A:GLU:O	5	0.25
(3,24)	1:55:A:ALA:H	1:52:A:ARG:O	6	0.25
(3,10)	1:19:A:LYS:H	1:16:A:GLU:O	9	0.25
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	8	0.25
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	8	0.25
(1,1465)	1:37:A:LEU:HB2	1:41:A:LEU:H	9	0.25
(1,1465)	1:37:A:LEU:HB3	1:41:A:LEU:H	9	0.25
(1,1465)	1:37:A:LEU:HB2	1:41:A:LEU:H	20	0.25
(1,1465)	1:37:A:LEU:HB3	1:41:A:LEU:H	20	0.25
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD11	1:64:A:GLU:H	21	0.25
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD12	1:64:A:GLU:H	21	0.25
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD13	1:64:A:GLU:H	21	0.25
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD21	1:64:A:GLU:H	21	0.25
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD22	1:64:A:GLU:H	21	0.25
(1,1455)	1:30:A:LEU:HD23	1:64:A:GLU:H	21	0.25
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HB	17	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HB	17	0.25
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HB	17	0.25
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HB	17	0.25
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HB	17	0.25
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HB	17	0.25
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HB	21	0.25
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HB	21	0.25
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HB	21	0.25
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HB	21	0.25
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HB	21	0.25
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HB	21	0.25
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:H	19	0.25
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:H	19	0.25
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:H	19	0.25
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	19	0.25
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	19	0.25
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	19	0.25
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD11	11	0.25
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD12	11	0.25
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD13	11	0.25
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD21	11	0.25
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD22	11	0.25
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD23	11	0.25
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HD2	22	0.25
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HD3	22	0.25
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HD2	22	0.25
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HD3	22	0.25
(1,1337)	1:30:A:LEU:HG	1:60:A:THR:HA	22	0.25
(1,1330)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:HA	7	0.25
(1,1330)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:HA	7	0.25
(1,1330)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:HA	7	0.25
(1,1330)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:HA	21	0.25
(1,1330)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:HA	21	0.25
(1,1330)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:HA	21	0.25
(1,1264)	1:27:A:TRP:HZ3	1:81:A:ILE:HD12	9	0.25
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE1	12	0.25
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE2	12	0.25
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE1	21	0.25
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE2	21	0.25
(1,1248)	1:35:A:TYR:HE1	1:80:A:ILE:HG21	2	0.25
(1,1248)	1:35:A:TYR:HE2	1:80:A:ILE:HG21	2	0.25
(1,1240)	1:13:A:THR:HA	1:85:A:HIS:HD2	3	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE1	1:16:A:GLU:HG2	19	0.25
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE1	1:16:A:GLU:HG3	19	0.25
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE2	1:16:A:GLU:HG2	19	0.25
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE2	1:16:A:GLU:HG3	19	0.25
(1,1218)	1:12:A:TYR:HE1	1:27:A:TRP:HH2	17	0.25
(1,1218)	1:12:A:TYR:HE2	1:27:A:TRP:HH2	17	0.25
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE1	20	0.25
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE2	20	0.25
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE1	22	0.25
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE2	22	0.25
(1,1216)	1:35:A:TYR:HD1	1:80:A:ILE:H	2	0.25
(1,1216)	1:35:A:TYR:HD2	1:80:A:ILE:H	2	0.25
(1,1216)	1:35:A:TYR:HD1	1:80:A:ILE:H	17	0.25
(1,1216)	1:35:A:TYR:HD2	1:80:A:ILE:H	17	0.25
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE1	13	0.25
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE2	13	0.25
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE1	17	0.25
(1,1204)	1:37:A:LEU:HA	1:79:A:PHE:HE2	17	0.25
(1,1189)	1:13:A:THR:HG21	1:85:A:HIS:HD2	21	0.25
(1,1189)	1:13:A:THR:HG22	1:85:A:HIS:HD2	21	0.25
(1,1189)	1:13:A:THR:HG23	1:85:A:HIS:HD2	21	0.25
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD1	5	0.25
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD2	5	0.25
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD1	1:17:A:ILE:HG21	5	0.25
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD2	1:17:A:ILE:HG21	5	0.25
(1,1134)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HA	20	0.25
(1,1083)	1:54:A:GLN:HB2	1:57:A:GLY:H	16	0.25
(1,1074)	1:21:A:ASN:HB2	1:56:A:GLY:H	17	0.25
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD11	1:20:A:HIS:H	21	0.25
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD12	1:20:A:HIS:H	21	0.25
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD13	1:20:A:HIS:H	21	0.25
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD11	1:20:A:HIS:H	23	0.25
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD12	1:20:A:HIS:H	23	0.25
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD13	1:20:A:HIS:H	23	0.25
(1,1044)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HA	19	0.25
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	7	0.25
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	7	0.25
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD2	1:19:A:LYS:H	8	0.25
(1,1041)	1:18:A:LYS:HD3	1:19:A:LYS:H	8	0.25
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	1	0.25
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	1	0.25
(1,1024)	1:35:A:TYR:HA	1:79:A:PHE:H	16	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1022)	1:72:A:ALA:HA	1:76:A:SER:H	17	0.25
(1,1022)	1:72:A:ALA:HA	1:76:A:SER:H	22	0.25
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	4	0.25
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	4	0.25
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	4	0.25
(1,1004)	1:11:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HD2	14	0.25
(1,1003)	1:6:A:ASP:H	1:7:A:LYS:H	21	0.25
(1,991)	1:34:A:VAL:HB	1:83:A:GLU:H	13	0.25
(1,990)	1:35:A:TYR:HE1	1:77:A:LYS:H	20	0.25
(1,990)	1:35:A:TYR:HE2	1:77:A:LYS:H	20	0.25
(1,987)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:H	21	0.25
(1,985)	1:41:A:LEU:HD21	1:52:A:ARG:H	16	0.25
(1,985)	1:41:A:LEU:HD22	1:52:A:ARG:H	16	0.25
(1,985)	1:41:A:LEU:HD23	1:52:A:ARG:H	16	0.25
(1,967)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD21	16	0.25
(1,930)	1:34:A:VAL:H	1:84:A:LEU:H	4	0.25
(1,924)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:HG21	2	0.25
(1,924)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:HG22	2	0.25
(1,924)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:HG23	2	0.25
(1,900)	1:38:A:THR:HG21	1:40:A:PHE:H	8	0.25
(1,900)	1:38:A:THR:HG22	1:40:A:PHE:H	8	0.25
(1,900)	1:38:A:THR:HG23	1:40:A:PHE:H	8	0.25
(1,900)	1:38:A:THR:HG21	1:40:A:PHE:H	9	0.25
(1,900)	1:38:A:THR:HG22	1:40:A:PHE:H	9	0.25
(1,900)	1:38:A:THR:HG23	1:40:A:PHE:H	9	0.25
(1,897)	1:36:A:ASP:H	1:79:A:PHE:H	12	0.25
(1,894)	1:35:A:TYR:H	1:80:A:ILE:HA	12	0.25
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	9	0.25
(1,872)	1:21:A:ASN:H	1:27:A:TRP:H	16	0.25
(1,868)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:HB2	15	0.25
(1,865)	1:17:A:ILE:HD11	1:19:A:LYS:H	16	0.25
(1,865)	1:17:A:ILE:HD12	1:19:A:LYS:H	16	0.25
(1,865)	1:17:A:ILE:HD13	1:19:A:LYS:H	16	0.25
(1,854)	1:10:A:LYS:HA	1:12:A:TYR:H	3	0.25
(1,850)	1:11:A:TYR:H	1:83:A:GLU:H	6	0.25
(1,836)	1:77:A:LYS:HB3	1:80:A:ILE:H	16	0.25
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	18	0.25
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	18	0.25
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	22	0.25
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	22	0.25
(1,799)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HB3	8	0.25
(1,797)	1:34:A:VAL:HG21	1:82:A:GLY:H	11	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,797)	1:34:A:VAL:HG22	1:82:A:GLY:H	11	0.25
(1,797)	1:34:A:VAL:HG23	1:82:A:GLY:H	11	0.25
(1,788)	1:70:A:THR:HA	1:72:A:ALA:H	23	0.25
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	17	0.25
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	17	0.25
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	17	0.25
(1,766)	1:52:A:ARG:H	1:53:A:GLU:HG2	6	0.25
(1,750)	1:36:A:ASP:H	1:81:A:ILE:HG23	13	0.25
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB1	3	0.25
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB2	3	0.25
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB3	3	0.25
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG21	4	0.25
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG22	4	0.25
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG23	4	0.25
(1,722)	1:24:A:LYS:HD2	1:25:A:SER:H	13	0.25
(1,722)	1:24:A:LYS:HD3	1:25:A:SER:H	13	0.25
(1,720)	1:18:A:LYS:HA	1:20:A:HIS:H	11	0.25
(1,622)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HG2	10	0.25
(1,608)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	8	0.25
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	10	0.25
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	18	0.25
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	20	0.25
(1,485)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	17	0.25
(1,485)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	17	0.25
(1,485)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	17	0.25
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	15	0.25
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	15	0.25
(1,445)	1:21:A:ASN:H	1:21:A:ASN:HD21	4	0.25
(1,445)	1:21:A:ASN:H	1:21:A:ASN:HD21	6	0.25
(1,445)	1:21:A:ASN:H	1:21:A:ASN:HD21	15	0.25
(1,445)	1:21:A:ASN:H	1:21:A:ASN:HD21	17	0.25
(1,445)	1:21:A:ASN:H	1:21:A:ASN:HD21	21	0.25
(1,428)	1:60:A:THR:H	1:62:A:ASN:H	23	0.25
(1,375)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:H	20	0.25
(1,363)	1:52:A:ARG:H	1:55:A:ALA:H	8	0.25
(1,356)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:H	19	0.25
(1,332)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:H	9	0.25
(1,328)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:H	16	0.25
(1,302)	1:59:A:ALA:H	1:62:A:ASN:H	8	0.25
(1,297)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:H	12	0.25
(1,279)	1:27:A:TRP:HE3	1:81:A:ILE:HD12	17	0.25
(1,269)	1:48:A:GLU:HB2	1:49:A:GLU:H	18	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,217)	1:34:A:VAL:HG11	1:84:A:LEU:HA	12	0.25
(1,217)	1:34:A:VAL:HG12	1:84:A:LEU:HA	12	0.25
(1,217)	1:34:A:VAL:HG13	1:84:A:LEU:HA	12	0.25
(1,209)	1:14:A:LEU:HA	1:17:A:ILE:HB	5	0.25
(1,209)	1:14:A:LEU:HA	1:17:A:ILE:HB	8	0.25
(1,207)	1:62:A:ASN:HB3	1:64:A:GLU:H	10	0.25
(1,207)	1:62:A:ASN:HB3	1:64:A:GLU:H	19	0.25
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB1	22	0.25
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB2	22	0.25
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB3	22	0.25
(1,137)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HB	17	0.25
(1,137)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HB	19	0.25
(1,119)	1:27:A:TRP:HA	1:36:A:ASP:HB2	1	0.25
(1,72)	1:60:A:THR:HA	1:62:A:ASN:H	8	0.25
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB2	17	0.25
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB3	17	0.25
(1,51)	1:40:A:PHE:HA	1:43:A:GLU:HB3	7	0.25
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD2	15	0.25
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD3	15	0.25
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD2	1	0.25
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD3	1	0.25
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD2	17	0.25
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD3	17	0.25
(1,26)	1:15:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	16	0.25
(1,26)	1:15:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	16	0.25
(3,24)	1:55:A:ALA:H	1:52:A:ARG:O	22	0.24
(3,9)	1:70:A:THR:O	1:74:A:GLU:H	21	0.24
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD2	2	0.24
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	2	0.24
(1,1549)	1:85:A:HIS:HA	1:89:A:ARG:HB2	8	0.24
(1,1549)	1:85:A:HIS:HA	1:89:A:ARG:HB3	8	0.24
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG2	1:75:A:LEU:H	16	0.24
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG3	1:75:A:LEU:H	16	0.24
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	5	0.24
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	5	0.24
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB2	5	0.24
(1,1500)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:HB3	5	0.24
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD11	1:57:A:GLY:H	1	0.24
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD12	1:57:A:GLY:H	1	0.24
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD13	1:57:A:GLY:H	1	0.24
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD21	1:57:A:GLY:H	1	0.24
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD22	1:57:A:GLY:H	1	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD23	1:57:A:GLY:H	1	0.24
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:HE21	12	0.24
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:HE21	12	0.24
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:HE21	12	0.24
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD21	1:54:A:GLN:HE21	12	0.24
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD22	1:54:A:GLN:HE21	12	0.24
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD23	1:54:A:GLN:HE21	12	0.24
(1,1377)	1:20:A:HIS:H	1:56:A:GLY:HA2	12	0.24
(1,1377)	1:20:A:HIS:H	1:56:A:GLY:HA3	12	0.24
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD11	6	0.24
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD12	6	0.24
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD13	6	0.24
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD21	6	0.24
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD22	6	0.24
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD23	6	0.24
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD11	20	0.24
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD12	20	0.24
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD13	20	0.24
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD21	20	0.24
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD22	20	0.24
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD23	20	0.24
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:HA	9	0.24
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:HA	9	0.24
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:HA	9	0.24
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:HA	20	0.24
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:HA	20	0.24
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:HA	20	0.24
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	20	0.24
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD11	1:48:A:GLU:HA	13	0.24
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD12	1:48:A:GLU:HA	13	0.24
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD13	1:48:A:GLU:HA	13	0.24
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE1	1	0.24
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE2	1	0.24
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE1	10	0.24
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE2	10	0.24
(1,1250)	1:78:A:THR:HG21	1:79:A:PHE:HZ	20	0.24
(1,1250)	1:78:A:THR:HG22	1:79:A:PHE:HZ	20	0.24
(1,1250)	1:78:A:THR:HG23	1:79:A:PHE:HZ	20	0.24
(1,1236)	1:27:A:TRP:HD1	1:36:A:ASP:HB3	23	0.24
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE1	11	0.24
(1,1217)	1:31:A:HIS:HD2	1:35:A:TYR:HE2	11	0.24
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE1	9	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE2	9	0.24
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE1	16	0.24
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE2	16	0.24
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD1	1:79:A:PHE:HA	4	0.24
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD2	1:79:A:PHE:HA	4	0.24
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD1	1:79:A:PHE:HA	10	0.24
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD2	1:79:A:PHE:HA	10	0.24
(1,1196)	1:12:A:TYR:HA	1:12:A:TYR:HE1	10	0.24
(1,1196)	1:12:A:TYR:HA	1:12:A:TYR:HE2	10	0.24
(1,1176)	1:11:A:TYR:HE1	1:83:A:GLU:HB2	12	0.24
(1,1176)	1:11:A:TYR:HE2	1:83:A:GLU:HB2	12	0.24
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD1	3	0.24
(1,1170)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HD2	3	0.24
(1,1143)	1:12:A:TYR:HD1	1:34:A:VAL:HG21	8	0.24
(1,1143)	1:12:A:TYR:HD1	1:34:A:VAL:HG22	8	0.24
(1,1143)	1:12:A:TYR:HD1	1:34:A:VAL:HG23	8	0.24
(1,1143)	1:12:A:TYR:HD2	1:34:A:VAL:HG21	8	0.24
(1,1143)	1:12:A:TYR:HD2	1:34:A:VAL:HG22	8	0.24
(1,1143)	1:12:A:TYR:HD2	1:34:A:VAL:HG23	8	0.24
(1,1126)	1:60:A:THR:H	1:61:A:GLU:HB3	4	0.24
(1,1107)	1:14:A:LEU:H	1:15:A:GLU:HB2	15	0.24
(1,1107)	1:14:A:LEU:H	1:15:A:GLU:HB3	15	0.24
(1,1102)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:H	17	0.24
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	14	0.24
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD11	1:20:A:HIS:H	12	0.24
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD12	1:20:A:HIS:H	12	0.24
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD13	1:20:A:HIS:H	12	0.24
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:H	10	0.24
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:H	10	0.24
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:H	10	0.24
(1,1064)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:H	5	0.24
(1,1062)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:HB2	22	0.24
(1,1047)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HE2	5	0.24
(1,1047)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HE3	5	0.24
(1,1044)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HA	4	0.24
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	6	0.24
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	6	0.24
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	15	0.24
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	15	0.24
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	23	0.24
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	23	0.24
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG21	1:85:A:HIS:H	18	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG22	1:85:A:HIS:H	18	0.24
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG23	1:85:A:HIS:H	18	0.24
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG21	1:85:A:HIS:H	20	0.24
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG22	1:85:A:HIS:H	20	0.24
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG23	1:85:A:HIS:H	20	0.24
(1,1032)	1:9:A:VAL:HG11	1:83:A:GLU:H	21	0.24
(1,1032)	1:9:A:VAL:HG12	1:83:A:GLU:H	21	0.24
(1,1032)	1:9:A:VAL:HG13	1:83:A:GLU:H	21	0.24
(1,1031)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	13	0.24
(1,1024)	1:35:A:TYR:HA	1:79:A:PHE:H	12	0.24
(1,1022)	1:72:A:ALA:HA	1:76:A:SER:H	2	0.24
(1,1003)	1:6:A:ASP:H	1:7:A:LYS:H	4	0.24
(1,990)	1:35:A:TYR:HE1	1:77:A:LYS:H	22	0.24
(1,990)	1:35:A:TYR:HE2	1:77:A:LYS:H	22	0.24
(1,988)	1:33:A:LYS:H	1:83:A:GLU:HA	19	0.24
(1,987)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:H	20	0.24
(1,979)	1:95:A:PRO:HG2	1:96:A:MET:H	5	0.24
(1,979)	1:95:A:PRO:HG3	1:96:A:MET:H	5	0.24
(1,961)	1:53:A:GLU:HB2	1:54:A:GLN:HE21	17	0.24
(1,940)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HA	15	0.24
(1,897)	1:36:A:ASP:H	1:79:A:PHE:H	1	0.24
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	8	0.24
(1,876)	1:22:A:HIS:HA	1:24:A:LYS:H	1	0.24
(1,872)	1:21:A:ASN:H	1:27:A:TRP:H	12	0.24
(1,872)	1:21:A:ASN:H	1:27:A:TRP:H	15	0.24
(1,855)	1:12:A:TYR:H	1:82:A:GLY:HA2	15	0.24
(1,853)	1:12:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HA	20	0.24
(1,836)	1:77:A:LYS:HB3	1:80:A:ILE:H	15	0.24
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	4	0.24
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	4	0.24
(1,799)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HB3	14	0.24
(1,797)	1:34:A:VAL:HG21	1:82:A:GLY:H	7	0.24
(1,797)	1:34:A:VAL:HG22	1:82:A:GLY:H	7	0.24
(1,797)	1:34:A:VAL:HG23	1:82:A:GLY:H	7	0.24
(1,782)	1:28:A:LEU:HA	1:57:A:GLY:H	7	0.24
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	3	0.24
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	3	0.24
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	3	0.24
(1,770)	1:49:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:H	9	0.24
(1,762)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:H	21	0.24
(1,762)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:H	21	0.24
(1,762)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:H	21	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG21	10	0.24
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG22	10	0.24
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG23	10	0.24
(1,720)	1:18:A:LYS:HA	1:20:A:HIS:H	5	0.24
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD1	18	0.24
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD2	18	0.24
(1,668)	1:60:A:THR:HB	1:62:A:ASN:H	13	0.24
(1,533)	1:22:A:HIS:H	1:26:A:THR:HA	8	0.24
(1,496)	1:17:A:ILE:HA	1:20:A:HIS:H	4	0.24
(1,445)	1:21:A:ASN:H	1:21:A:ASN:HD21	3	0.24
(1,445)	1:21:A:ASN:H	1:21:A:ASN:HD21	18	0.24
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	2	0.24
(1,441)	1:54:A:GLN:HE21	1:62:A:ASN:HD22	11	0.24
(1,440)	1:12:A:TYR:HD1	1:82:A:GLY:H	19	0.24
(1,440)	1:12:A:TYR:HD2	1:82:A:GLY:H	19	0.24
(1,428)	1:60:A:THR:H	1:62:A:ASN:H	13	0.24
(1,405)	1:62:A:ASN:H	1:64:A:GLU:H	2	0.24
(1,363)	1:52:A:ARG:H	1:55:A:ALA:H	6	0.24
(1,316)	1:70:A:THR:HB	1:71:A:ASP:H	23	0.24
(1,310)	1:65:A:ASP:HA	1:67:A:GLY:H	11	0.24
(1,304)	1:59:A:ALA:HA	1:63:A:PHE:H	1	0.24
(1,281)	1:53:A:GLU:HA	1:54:A:GLN:HG2	9	0.24
(1,281)	1:53:A:GLU:HA	1:54:A:GLN:HG2	12	0.24
(1,281)	1:53:A:GLU:HA	1:54:A:GLN:HG2	16	0.24
(1,267)	1:33:A:LYS:HG2	1:83:A:GLU:HA	18	0.24
(1,267)	1:33:A:LYS:HG3	1:83:A:GLU:HA	18	0.24
(1,247)	1:83:A:GLU:HB3	1:85:A:HIS:HA	7	0.24
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG21	7	0.24
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG22	7	0.24
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG23	7	0.24
(1,209)	1:14:A:LEU:HA	1:17:A:ILE:HB	2	0.24
(1,184)	1:9:A:VAL:HG21	1:83:A:GLU:HB2	9	0.24
(1,184)	1:9:A:VAL:HG22	1:83:A:GLU:HB2	9	0.24
(1,184)	1:9:A:VAL:HG23	1:83:A:GLU:HB2	9	0.24
(1,173)	1:60:A:THR:HB	1:61:A:GLU:HB3	4	0.24
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG2	4	0.24
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG3	4	0.24
(1,152)	1:70:A:THR:HA	1:74:A:GLU:H	23	0.24
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD1	5	0.24
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD2	5	0.24
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD1	7	0.24
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD2	7	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD1	8	0.24
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD2	8	0.24
(1,133)	1:9:A:VAL:H	1:9:A:VAL:HB	21	0.24
(1,128)	1:48:A:GLU:HG2	1:50:A:VAL:H	17	0.24
(1,128)	1:48:A:GLU:HG3	1:50:A:VAL:H	17	0.24
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG2	17	0.24
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG3	17	0.24
(1,121)	1:79:A:PHE:HA	1:81:A:ILE:HG23	19	0.24
(1,119)	1:27:A:TRP:HA	1:36:A:ASP:HB2	21	0.24
(1,91)	1:34:A:VAL:HA	1:80:A:ILE:HA	17	0.24
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB2	1	0.24
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB3	1	0.24
(1,15)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HA	1	0.24
(3,27)	1:62:A:ASN:H	1:59:A:ALA:O	8	0.23
(3,16)	1:72:A:ALA:O	1:76:A:SER:H	15	0.23
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD2	10	0.23
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	10	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG21	3	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG22	3	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG23	3	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG21	3	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG22	3	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG23	3	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG21	3	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG22	3	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG23	3	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG21	3	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG22	3	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG23	3	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG21	3	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG22	3	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG23	3	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG21	3	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG22	3	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG23	3	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG21	6	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG22	6	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG23	6	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG21	6	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG22	6	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG23	6	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG21	6	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG22	6	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG23	6	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG21	6	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG22	6	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG23	6	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG21	6	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG22	6	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG23	6	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG21	6	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG22	6	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG23	6	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG21	18	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG22	18	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG23	18	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG21	18	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG22	18	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG23	18	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG21	18	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG22	18	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG23	18	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG21	18	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG22	18	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG23	18	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG21	18	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG22	18	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG23	18	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG21	18	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG22	18	0.23
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG23	18	0.23
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HB	16	0.23
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HB	16	0.23
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HB	16	0.23
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HB	16	0.23
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HB	16	0.23
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HB	16	0.23
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB2	7	0.23
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB3	7	0.23
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD11	8	0.23
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD12	8	0.23
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD13	8	0.23
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD21	8	0.23
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD22	8	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD23	8	0.23
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD11	12	0.23
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD12	12	0.23
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD13	12	0.23
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD21	12	0.23
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD22	12	0.23
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD23	12	0.23
(1,1330)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:HA	22	0.23
(1,1330)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:HA	22	0.23
(1,1330)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:HA	22	0.23
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:HA	18	0.23
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:HA	18	0.23
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:HA	18	0.23
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG21	1:81:A:ILE:HD12	20	0.23
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG22	1:81:A:ILE:HD12	20	0.23
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG23	1:81:A:ILE:HD12	20	0.23
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	15	0.23
(1,1273)	1:17:A:ILE:HB	1:27:A:TRP:HZ3	5	0.23
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE1	3	0.23
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE2	3	0.23
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE1	11	0.23
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE2	11	0.23
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE1	18	0.23
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE2	18	0.23
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG11	4	0.23
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG12	4	0.23
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG13	4	0.23
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	2	0.23
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	4	0.23
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB1	1:62:A:ASN:HD22	1	0.23
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB2	1:62:A:ASN:HD22	1	0.23
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB3	1:62:A:ASN:HD22	1	0.23
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG2	1:40:A:PHE:HD1	17	0.23
(1,1228)	1:39:A:LYS:HG3	1:40:A:PHE:HD1	17	0.23
(1,1216)	1:35:A:TYR:HD1	1:80:A:ILE:H	12	0.23
(1,1216)	1:35:A:TYR:HD2	1:80:A:ILE:H	12	0.23
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE1	1	0.23
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE2	1	0.23
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE1	5	0.23
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE2	5	0.23
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD1	1:79:A:PHE:HA	15	0.23
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD2	1:79:A:PHE:HA	15	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1202)	1:30:A:LEU:HA	1:31:A:HIS:HD2	11	0.23
(1,1196)	1:12:A:TYR:HA	1:12:A:TYR:HE1	2	0.23
(1,1196)	1:12:A:TYR:HA	1:12:A:TYR:HE2	2	0.23
(1,1188)	1:30:A:LEU:HB2	1:31:A:HIS:HD2	7	0.23
(1,1156)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	3	0.23
(1,1156)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	3	0.23
(1,1156)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	3	0.23
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:HD1	21	0.23
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:HD2	21	0.23
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:HD1	21	0.23
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:HD2	21	0.23
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:HD1	21	0.23
(1,1141)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:HD2	21	0.23
(1,1114)	1:25:A:SER:H	1:26:A:THR:HB	21	0.23
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	20	0.23
(1,1112)	1:18:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	20	0.23
(1,1096)	1:33:A:LYS:HA	1:82:A:GLY:H	1	0.23
(1,1069)	1:54:A:GLN:HE22	1:62:A:ASN:HB2	12	0.23
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	13	0.23
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	13	0.23
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	18	0.23
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	18	0.23
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG2	1:82:A:GLY:H	16	0.23
(1,1030)	1:33:A:LYS:HG3	1:82:A:GLY:H	16	0.23
(1,1003)	1:6:A:ASP:H	1:7:A:LYS:H	7	0.23
(1,987)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:H	10	0.23
(1,986)	1:14:A:LEU:HD21	1:15:A:GLU:H	10	0.23
(1,986)	1:14:A:LEU:HD22	1:15:A:GLU:H	10	0.23
(1,986)	1:14:A:LEU:HD23	1:15:A:GLU:H	10	0.23
(1,985)	1:41:A:LEU:HD21	1:52:A:ARG:H	9	0.23
(1,985)	1:41:A:LEU:HD22	1:52:A:ARG:H	9	0.23
(1,985)	1:41:A:LEU:HD23	1:52:A:ARG:H	9	0.23
(1,979)	1:95:A:PRO:HG2	1:96:A:MET:H	3	0.23
(1,979)	1:95:A:PRO:HG3	1:96:A:MET:H	3	0.23
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB1	10	0.23
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB2	10	0.23
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB3	10	0.23
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB1	9	0.23
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB2	9	0.23
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB3	9	0.23
(1,956)	1:54:A:GLN:HB2	1:54:A:GLN:HE22	6	0.23
(1,955)	1:53:A:GLU:HB2	1:54:A:GLN:HE22	16	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,897)	1:36:A:ASP:H	1:79:A:PHE:H	2	0.23
(1,879)	1:22:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	2	0.23
(1,857)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:H	17	0.23
(1,856)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:H	5	0.23
(1,853)	1:12:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HA	12	0.23
(1,850)	1:11:A:TYR:H	1:83:A:GLU:H	19	0.23
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG2	6	0.23
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG3	6	0.23
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	5	0.23
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	5	0.23
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	23	0.23
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	23	0.23
(1,797)	1:34:A:VAL:HG21	1:82:A:GLY:H	4	0.23
(1,797)	1:34:A:VAL:HG22	1:82:A:GLY:H	4	0.23
(1,797)	1:34:A:VAL:HG23	1:82:A:GLY:H	4	0.23
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	4	0.23
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	4	0.23
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	4	0.23
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB1	10	0.23
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB2	10	0.23
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB3	10	0.23
(1,762)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:H	9	0.23
(1,762)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:H	9	0.23
(1,762)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:H	9	0.23
(1,737)	1:33:A:LYS:HG2	1:34:A:VAL:H	15	0.23
(1,737)	1:33:A:LYS:HG3	1:34:A:VAL:H	15	0.23
(1,708)	1:27:A:TRP:HA	1:27:A:TRP:HE1	8	0.23
(1,690)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HD12	20	0.23
(1,637)	1:35:A:TYR:HB3	1:37:A:LEU:H	3	0.23
(1,637)	1:35:A:TYR:HB3	1:37:A:LEU:H	14	0.23
(1,622)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HG2	15	0.23
(1,608)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	4	0.23
(1,573)	1:40:A:PHE:HB2	1:41:A:LEU:H	1	0.23
(1,573)	1:40:A:PHE:HB2	1:41:A:LEU:H	6	0.23
(1,495)	1:15:A:GLU:H	1:18:A:LYS:H	5	0.23
(1,495)	1:15:A:GLU:H	1:18:A:LYS:H	15	0.23
(1,467)	1:13:A:THR:H	1:16:A:GLU:HB3	7	0.23
(1,448)	1:30:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HE1	11	0.23
(1,448)	1:30:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HE2	11	0.23
(1,445)	1:21:A:ASN:H	1:21:A:ASN:HD21	2	0.23
(1,445)	1:21:A:ASN:H	1:21:A:ASN:HD21	20	0.23
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	7	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,428)	1:60:A:THR:H	1:62:A:ASN:H	3	0.23
(1,428)	1:60:A:THR:H	1:62:A:ASN:H	10	0.23
(1,405)	1:62:A:ASN:H	1:64:A:GLU:H	17	0.23
(1,405)	1:62:A:ASN:H	1:64:A:GLU:H	22	0.23
(1,395)	1:9:A:VAL:H	1:10:A:LYS:H	10	0.23
(1,376)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:H	17	0.23
(1,366)	1:52:A:ARG:HA	1:55:A:ALA:H	3	0.23
(1,351)	1:50:A:VAL:H	1:52:A:ARG:H	14	0.23
(1,332)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:H	11	0.23
(1,332)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:H	17	0.23
(1,276)	1:42:A:GLU:HB3	1:48:A:GLU:HB3	14	0.23
(1,274)	1:42:A:GLU:HB2	1:48:A:GLU:HB3	14	0.23
(1,267)	1:33:A:LYS:HG2	1:83:A:GLU:HA	9	0.23
(1,267)	1:33:A:LYS:HG3	1:83:A:GLU:HA	9	0.23
(1,262)	1:53:A:GLU:H	1:54:A:GLN:HG2	13	0.23
(1,235)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	18	0.23
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG21	9	0.23
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG22	9	0.23
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG23	9	0.23
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG21	18	0.23
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG22	18	0.23
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG23	18	0.23
(1,209)	1:14:A:LEU:HA	1:17:A:ILE:HB	12	0.23
(1,137)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HB	15	0.23
(1,131)	1:9:A:VAL:HB	1:82:A:GLY:HA2	22	0.23
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG2	12	0.23
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG3	12	0.23
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG2	13	0.23
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG3	13	0.23
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG2	13	0.23
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG3	13	0.23
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG2	13	0.23
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG3	13	0.23
(1,123)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HG2	7	0.23
(1,123)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HG3	7	0.23
(1,121)	1:79:A:PHE:HA	1:81:A:ILE:HG23	23	0.23
(1,91)	1:34:A:VAL:HA	1:80:A:ILE:HA	11	0.23
(1,88)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HG12	22	0.23
(1,88)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HG13	22	0.23
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB2	2	0.23
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB3	2	0.23
(1,51)	1:40:A:PHE:HA	1:43:A:GLU:HB3	6	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD2	10	0.23
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD3	10	0.23
(3,9)	1:70:A:THR:O	1:74:A:GLU:H	3	0.22
(3,9)	1:70:A:THR:O	1:74:A:GLU:H	22	0.22
(1,1562)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HB2	8	0.22
(1,1562)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HB3	8	0.22
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	21	0.22
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	21	0.22
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD11	1:62:A:ASN:H	14	0.22
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD12	1:62:A:ASN:H	14	0.22
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD13	1:62:A:ASN:H	14	0.22
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD21	1:62:A:ASN:H	14	0.22
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD22	1:62:A:ASN:H	14	0.22
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD23	1:62:A:ASN:H	14	0.22
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG21	5	0.22
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG22	5	0.22
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG23	5	0.22
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG21	5	0.22
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG22	5	0.22
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG23	5	0.22
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG21	5	0.22
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG22	5	0.22
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG23	5	0.22
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG21	5	0.22
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG22	5	0.22
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG23	5	0.22
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG21	5	0.22
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG22	5	0.22
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG23	5	0.22
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG21	5	0.22
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG22	5	0.22
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG23	5	0.22
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD11	1:57:A:GLY:H	9	0.22
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD12	1:57:A:GLY:H	9	0.22
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD13	1:57:A:GLY:H	9	0.22
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD21	1:57:A:GLY:H	9	0.22
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD22	1:57:A:GLY:H	9	0.22
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD23	1:57:A:GLY:H	9	0.22
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:HE21	16	0.22
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:HE21	16	0.22
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:HE21	16	0.22
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD21	1:54:A:GLN:HE21	16	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD22	1:54:A:GLN:HE21	16	0.22
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD23	1:54:A:GLN:HE21	16	0.22
(1,1407)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:H	22	0.22
(1,1407)	1:28:A:LEU:HB3	1:59:A:ALA:H	22	0.22
(1,1406)	1:28:A:LEU:HB2	1:57:A:GLY:H	12	0.22
(1,1406)	1:28:A:LEU:HB3	1:57:A:GLY:H	12	0.22
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD1	3	0.22
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD2	3	0.22
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD1	3	0.22
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD2	3	0.22
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD1	16	0.22
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD2	16	0.22
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD1	16	0.22
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD2	16	0.22
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB2	4	0.22
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB3	4	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD11	4	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD12	4	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD13	4	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD21	4	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD22	4	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD23	4	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD11	15	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD12	15	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD13	15	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD21	15	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD22	15	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD23	15	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD11	18	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD12	18	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD13	18	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD21	18	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD22	18	0.22
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD23	18	0.22
(1,1337)	1:30:A:LEU:HG	1:60:A:THR:HA	1	0.22
(1,1337)	1:30:A:LEU:HG	1:60:A:THR:HA	13	0.22
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:HA	16	0.22
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:HA	16	0.22
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:HA	16	0.22
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG21	1:81:A:ILE:HD12	7	0.22
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG22	1:81:A:ILE:HD12	7	0.22
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG23	1:81:A:ILE:HD12	7	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	4	0.22
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	4	0.22
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	4	0.22
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD11	1:48:A:GLU:HA	19	0.22
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD12	1:48:A:GLU:HA	19	0.22
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD13	1:48:A:GLU:HA	19	0.22
(1,1270)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HZ3	8	0.22
(1,1268)	1:16:A:GLU:HB3	1:27:A:TRP:HZ3	13	0.22
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE1	4	0.22
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE2	4	0.22
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE1	6	0.22
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE2	6	0.22
(1,1255)	1:12:A:TYR:HE1	1:17:A:ILE:HG22	6	0.22
(1,1255)	1:12:A:TYR:HE2	1:17:A:ILE:HG22	6	0.22
(1,1246)	1:12:A:TYR:HB2	1:27:A:TRP:HH2	9	0.22
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	3	0.22
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	23	0.22
(1,1184)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	17	0.22
(1,1114)	1:25:A:SER:H	1:26:A:THR:HB	8	0.22
(1,1114)	1:25:A:SER:H	1:26:A:THR:HB	9	0.22
(1,1109)	1:16:A:GLU:HB3	1:18:A:LYS:H	3	0.22
(1,1107)	1:14:A:LEU:H	1:15:A:GLU:HB2	22	0.22
(1,1107)	1:14:A:LEU:H	1:15:A:GLU:HB3	22	0.22
(1,1099)	1:32:A:HIS:HA	1:84:A:LEU:H	5	0.22
(1,1096)	1:33:A:LYS:HA	1:82:A:GLY:H	17	0.22
(1,1083)	1:54:A:GLN:HB2	1:57:A:GLY:H	1	0.22
(1,1076)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG3	14	0.22
(1,1064)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:H	13	0.22
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG2	1:19:A:LYS:H	5	0.22
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG3	1:19:A:LYS:H	5	0.22
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG2	1:19:A:LYS:H	16	0.22
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG3	1:19:A:LYS:H	16	0.22
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	17	0.22
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	17	0.22
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	19	0.22
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	19	0.22
(1,1024)	1:35:A:TYR:HA	1:79:A:PHE:H	17	0.22
(1,1011)	1:59:A:ALA:H	1:60:A:THR:HB	12	0.22
(1,1003)	1:6:A:ASP:H	1:7:A:LYS:H	5	0.22
(1,1003)	1:6:A:ASP:H	1:7:A:LYS:H	23	0.22
(1,997)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HG21	8	0.22
(1,997)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HG22	8	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,997)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HG23	8	0.22
(1,991)	1:34:A:VAL:HB	1:83:A:GLU:H	8	0.22
(1,987)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:H	9	0.22
(1,956)	1:54:A:GLN:HB2	1:54:A:GLN:HE22	11	0.22
(1,956)	1:54:A:GLN:HB2	1:54:A:GLN:HE22	17	0.22
(1,930)	1:34:A:VAL:H	1:84:A:LEU:H	17	0.22
(1,897)	1:36:A:ASP:H	1:79:A:PHE:H	21	0.22
(1,861)	1:12:A:TYR:HD1	1:17:A:ILE:H	10	0.22
(1,861)	1:12:A:TYR:HD2	1:17:A:ILE:H	10	0.22
(1,858)	1:12:A:TYR:HE1	1:13:A:THR:H	16	0.22
(1,858)	1:12:A:TYR:HE2	1:13:A:THR:H	16	0.22
(1,854)	1:10:A:LYS:HA	1:12:A:TYR:H	19	0.22
(1,854)	1:10:A:LYS:HA	1:12:A:TYR:H	22	0.22
(1,853)	1:12:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HA	7	0.22
(1,805)	1:35:A:TYR:HB3	1:79:A:PHE:H	3	0.22
(1,797)	1:34:A:VAL:HG21	1:82:A:GLY:H	9	0.22
(1,797)	1:34:A:VAL:HG22	1:82:A:GLY:H	9	0.22
(1,797)	1:34:A:VAL:HG23	1:82:A:GLY:H	9	0.22
(1,788)	1:70:A:THR:HA	1:72:A:ALA:H	2	0.22
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	9	0.22
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	9	0.22
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	9	0.22
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB1	11	0.22
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB2	11	0.22
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB3	11	0.22
(1,770)	1:49:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:H	7	0.22
(1,766)	1:52:A:ARG:H	1:53:A:GLU:HG2	18	0.22
(1,762)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:H	6	0.22
(1,762)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:H	6	0.22
(1,762)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:H	6	0.22
(1,737)	1:33:A:LYS:HG2	1:34:A:VAL:H	1	0.22
(1,737)	1:33:A:LYS:HG3	1:34:A:VAL:H	1	0.22
(1,737)	1:33:A:LYS:HG2	1:34:A:VAL:H	3	0.22
(1,737)	1:33:A:LYS:HG3	1:34:A:VAL:H	3	0.22
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE2	7	0.22
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE3	7	0.22
(1,637)	1:35:A:TYR:HB3	1:37:A:LEU:H	1	0.22
(1,600)	1:26:A:THR:HG21	1:27:A:TRP:H	6	0.22
(1,600)	1:26:A:THR:HG22	1:27:A:TRP:H	6	0.22
(1,600)	1:26:A:THR:HG23	1:27:A:TRP:H	6	0.22
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	13	0.22
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	22	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,573)	1:40:A:PHE:HB2	1:41:A:LEU:H	4	0.22
(1,536)	1:18:A:LYS:H	1:20:A:HIS:H	4	0.22
(1,485)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	6	0.22
(1,485)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	6	0.22
(1,485)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	6	0.22
(1,474)	1:9:A:VAL:HG21	1:10:A:LYS:H	12	0.22
(1,474)	1:9:A:VAL:HG22	1:10:A:LYS:H	12	0.22
(1,474)	1:9:A:VAL:HG23	1:10:A:LYS:H	12	0.22
(1,470)	1:13:A:THR:HA	1:15:A:GLU:H	20	0.22
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	1	0.22
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	1	0.22
(1,428)	1:60:A:THR:H	1:62:A:ASN:H	9	0.22
(1,414)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:H	4	0.22
(1,395)	1:9:A:VAL:H	1:10:A:LYS:H	13	0.22
(1,393)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	13	0.22
(1,381)	1:22:A:HIS:H	1:25:A:SER:H	4	0.22
(1,375)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:H	14	0.22
(1,366)	1:52:A:ARG:HA	1:55:A:ALA:H	23	0.22
(1,363)	1:52:A:ARG:H	1:55:A:ALA:H	2	0.22
(1,363)	1:52:A:ARG:H	1:55:A:ALA:H	14	0.22
(1,351)	1:50:A:VAL:H	1:52:A:ARG:H	15	0.22
(1,325)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:H	4	0.22
(1,314)	1:70:A:THR:HG21	1:71:A:ASP:H	22	0.22
(1,314)	1:70:A:THR:HG22	1:71:A:ASP:H	22	0.22
(1,314)	1:70:A:THR:HG23	1:71:A:ASP:H	22	0.22
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG21	10	0.22
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG22	10	0.22
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG23	10	0.22
(1,254)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HA	15	0.22
(1,254)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HA	15	0.22
(1,254)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HA	15	0.22
(1,240)	1:75:A:LEU:HG	1:79:A:PHE:HD1	17	0.22
(1,240)	1:75:A:LEU:HG	1:79:A:PHE:HD2	17	0.22
(1,238)	1:103:A:VAL:HA	1:104:A:ASP:H	12	0.22
(1,234)	1:36:A:ASP:HB2	1:81:A:ILE:HG22	18	0.22
(1,229)	1:11:A:TYR:HB3	1:86:A:PRO:HD2	13	0.22
(1,221)	1:11:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG21	8	0.22
(1,221)	1:11:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG22	8	0.22
(1,221)	1:11:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG23	8	0.22
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB1	20	0.22
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB2	20	0.22
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB3	20	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,145)	1:52:A:ARG:H	1:52:A:ARG:HD2	22	0.22
(1,145)	1:52:A:ARG:H	1:52:A:ARG:HD3	22	0.22
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG2	3	0.22
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG3	3	0.22
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG2	3	0.22
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG3	3	0.22
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG2	3	0.22
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG3	3	0.22
(1,119)	1:27:A:TRP:HA	1:36:A:ASP:HB2	3	0.22
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	10	0.22
(1,92)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HA	15	0.22
(1,69)	1:54:A:GLN:HB3	1:59:A:ALA:HA	9	0.22
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB2	13	0.22
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB3	13	0.22
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD2	7	0.22
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD3	7	0.22
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD2	11	0.22
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD3	11	0.22
(1,16)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HA	4	0.22
(1,15)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HA	22	0.22
(1,14)	1:10:A:LYS:HA	1:83:A:GLU:H	9	0.22
(3,10)	1:19:A:LYS:H	1:16:A:GLU:O	17	0.21
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB2	1:89:A:ARG:HG2	19	0.21
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB2	1:89:A:ARG:HG3	19	0.21
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB3	1:89:A:ARG:HG2	19	0.21
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB3	1:89:A:ARG:HG3	19	0.21
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	20	0.21
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	20	0.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG21	13	0.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG22	13	0.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG23	13	0.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG21	13	0.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG22	13	0.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG23	13	0.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG21	13	0.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG22	13	0.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG23	13	0.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG21	13	0.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG22	13	0.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG23	13	0.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG21	13	0.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG22	13	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG23	13	0.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG21	13	0.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG22	13	0.21
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG23	13	0.21
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	13	0.21
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	13	0.21
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	13	0.21
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	13	0.21
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	13	0.21
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	13	0.21
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB2	19	0.21
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB3	19	0.21
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD11	1:55:A:ALA:H	8	0.21
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD12	1:55:A:ALA:H	8	0.21
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD13	1:55:A:ALA:H	8	0.21
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD21	1:55:A:ALA:H	8	0.21
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD22	1:55:A:ALA:H	8	0.21
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD23	1:55:A:ALA:H	8	0.21
(1,1383)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:HA2	18	0.21
(1,1383)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:HA3	18	0.21
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:HA	21	0.21
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:HA	21	0.21
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:HA	21	0.21
(1,1306)	1:21:A:ASN:HB2	1:22:A:HIS:HD2	20	0.21
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG21	1:81:A:ILE:HD12	2	0.21
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG22	1:81:A:ILE:HD12	2	0.21
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG23	1:81:A:ILE:HD12	2	0.21
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE1	5	0.21
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE2	5	0.21
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE1	23	0.21
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE2	23	0.21
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE1	14	0.21
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE2	14	0.21
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE1	14	0.21
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE2	14	0.21
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE1	14	0.21
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE2	14	0.21
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE1	15	0.21
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE2	15	0.21
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE1	15	0.21
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE2	15	0.21
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE1	15	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE2	15	0.21
(1,1242)	1:16:A:GLU:HG2	1:27:A:TRP:HH2	18	0.21
(1,1242)	1:16:A:GLU:HG3	1:27:A:TRP:HH2	18	0.21
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD1	3	0.21
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD2	3	0.21
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	16	0.21
(1,1232)	1:35:A:TYR:HB2	1:79:A:PHE:HD1	12	0.21
(1,1232)	1:35:A:TYR:HB2	1:79:A:PHE:HD2	12	0.21
(1,1224)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HZ3	17	0.21
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	15	0.21
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	15	0.21
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:HB2	5	0.21
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:HB2	5	0.21
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD1	1:86:A:PRO:HD2	11	0.21
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD2	1:86:A:PRO:HD2	11	0.21
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE1	7	0.21
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE2	7	0.21
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE1	1:81:A:ILE:HD12	10	0.21
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE2	1:81:A:ILE:HD12	10	0.21
(1,1149)	1:30:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HE1	8	0.21
(1,1149)	1:30:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HE2	8	0.21
(1,1109)	1:16:A:GLU:HB3	1:18:A:LYS:H	16	0.21
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	7	0.21
(1,1083)	1:54:A:GLN:HB2	1:57:A:GLY:H	3	0.21
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	9	0.21
(1,1056)	1:60:A:THR:HG21	1:61:A:GLU:H	19	0.21
(1,1056)	1:60:A:THR:HG22	1:61:A:GLU:H	19	0.21
(1,1056)	1:60:A:THR:HG23	1:61:A:GLU:H	19	0.21
(1,1052)	1:28:A:LEU:H	1:56:A:GLY:H	15	0.21
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG2	1:19:A:LYS:H	18	0.21
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG3	1:19:A:LYS:H	18	0.21
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	3	0.21
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	3	0.21
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD2	19	0.21
(1,1037)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HD3	19	0.21
(1,1022)	1:72:A:ALA:HA	1:76:A:SER:H	4	0.21
(1,967)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD21	15	0.21
(1,900)	1:38:A:THR:HG21	1:40:A:PHE:H	10	0.21
(1,900)	1:38:A:THR:HG22	1:40:A:PHE:H	10	0.21
(1,900)	1:38:A:THR:HG23	1:40:A:PHE:H	10	0.21
(1,897)	1:36:A:ASP:H	1:79:A:PHE:H	9	0.21
(1,894)	1:35:A:TYR:H	1:80:A:ILE:HA	18	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,884)	1:29:A:ILE:H	1:60:A:THR:H	9	0.21
(1,879)	1:22:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	15	0.21
(1,877)	1:22:A:HIS:HB3	1:25:A:SER:H	3	0.21
(1,876)	1:22:A:HIS:HA	1:24:A:LYS:H	19	0.21
(1,875)	1:22:A:HIS:HB2	1:24:A:LYS:H	4	0.21
(1,868)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:HB2	14	0.21
(1,854)	1:10:A:LYS:HA	1:12:A:TYR:H	2	0.21
(1,850)	1:11:A:TYR:H	1:83:A:GLU:H	20	0.21
(1,836)	1:77:A:LYS:HB3	1:80:A:ILE:H	6	0.21
(1,836)	1:77:A:LYS:HB3	1:80:A:ILE:H	8	0.21
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG2	9	0.21
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG3	9	0.21
(1,806)	1:77:A:LYS:HB3	1:79:A:PHE:H	13	0.21
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB1	1	0.21
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB2	1	0.21
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB3	1	0.21
(1,766)	1:52:A:ARG:H	1:53:A:GLU:HG2	23	0.21
(1,763)	1:51:A:LEU:H	1:54:A:GLN:HG2	10	0.21
(1,762)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:H	4	0.21
(1,762)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:H	4	0.21
(1,762)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:H	4	0.21
(1,737)	1:33:A:LYS:HG2	1:34:A:VAL:H	13	0.21
(1,737)	1:33:A:LYS:HG3	1:34:A:VAL:H	13	0.21
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD1	11	0.21
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD2	11	0.21
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD1	13	0.21
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD2	13	0.21
(1,693)	1:79:A:PHE:H	1:80:A:ILE:HA	16	0.21
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG23	3	0.21
(1,689)	1:81:A:ILE:H	1:81:A:ILE:HG22	3	0.21
(1,668)	1:60:A:THR:HB	1:62:A:ASN:H	1	0.21
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	4	0.21
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	12	0.21
(1,532)	1:9:A:VAL:H	1:10:A:LYS:HA	13	0.21
(1,495)	1:15:A:GLU:H	1:18:A:LYS:H	18	0.21
(1,485)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	7	0.21
(1,485)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	7	0.21
(1,485)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	7	0.21
(1,485)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	8	0.21
(1,485)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	8	0.21
(1,485)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	8	0.21
(1,478)	1:15:A:GLU:HA	1:18:A:LYS:H	16	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,474)	1:9:A:VAL:HG21	1:10:A:LYS:H	11	0.21
(1,474)	1:9:A:VAL:HG22	1:10:A:LYS:H	11	0.21
(1,474)	1:9:A:VAL:HG23	1:10:A:LYS:H	11	0.21
(1,471)	1:13:A:THR:HA	1:16:A:GLU:H	4	0.21
(1,471)	1:13:A:THR:HA	1:16:A:GLU:H	7	0.21
(1,470)	1:13:A:THR:HA	1:15:A:GLU:H	4	0.21
(1,470)	1:13:A:THR:HA	1:15:A:GLU:H	22	0.21
(1,445)	1:21:A:ASN:H	1:21:A:ASN:HD21	1	0.21
(1,445)	1:21:A:ASN:H	1:21:A:ASN:HD21	11	0.21
(1,445)	1:21:A:ASN:H	1:21:A:ASN:HD21	22	0.21
(1,428)	1:60:A:THR:H	1:62:A:ASN:H	17	0.21
(1,428)	1:60:A:THR:H	1:62:A:ASN:H	22	0.21
(1,394)	1:8:A:ASP:HA	1:9:A:VAL:H	14	0.21
(1,363)	1:52:A:ARG:H	1:55:A:ALA:H	19	0.21
(1,356)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:H	11	0.21
(1,351)	1:50:A:VAL:H	1:52:A:ARG:H	16	0.21
(1,351)	1:50:A:VAL:H	1:52:A:ARG:H	19	0.21
(1,351)	1:50:A:VAL:H	1:52:A:ARG:H	20	0.21
(1,351)	1:50:A:VAL:H	1:52:A:ARG:H	23	0.21
(1,314)	1:70:A:THR:HG21	1:71:A:ASP:H	2	0.21
(1,314)	1:70:A:THR:HG22	1:71:A:ASP:H	2	0.21
(1,314)	1:70:A:THR:HG23	1:71:A:ASP:H	2	0.21
(1,287)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HB	2	0.21
(1,287)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HB	13	0.21
(1,281)	1:53:A:GLU:HA	1:54:A:GLN:HG2	18	0.21
(1,262)	1:53:A:GLU:H	1:54:A:GLN:HG2	17	0.21
(1,190)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:HB1	13	0.21
(1,190)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:HB2	13	0.21
(1,190)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:HB3	13	0.21
(1,190)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:HB1	13	0.21
(1,190)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:HB2	13	0.21
(1,190)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:HB3	13	0.21
(1,190)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:HB1	13	0.21
(1,190)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:HB2	13	0.21
(1,190)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:HB3	13	0.21
(1,169)	1:34:A:VAL:HA	1:35:A:TYR:HD1	9	0.21
(1,169)	1:34:A:VAL:HA	1:35:A:TYR:HD2	9	0.21
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD1	10	0.21
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD2	10	0.21
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD1	18	0.21
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD2	18	0.21
(1,128)	1:48:A:GLU:HG2	1:50:A:VAL:H	16	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,128)	1:48:A:GLU:HG3	1:50:A:VAL:H	16	0.21
(1,107)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:GLU:H	22	0.21
(1,92)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HA	11	0.21
(1,88)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HG12	16	0.21
(1,88)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HG13	16	0.21
(1,59)	1:50:A:VAL:HA	1:53:A:GLU:HB3	19	0.21
(1,59)	1:50:A:VAL:HA	1:53:A:GLU:HB2	19	0.21
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB2	9	0.21
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB3	9	0.21
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD2	16	0.21
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD3	16	0.21
(1,23)	1:52:A:ARG:HG2	1:53:A:GLU:HA	9	0.21
(1,23)	1:52:A:ARG:HG3	1:53:A:GLU:HA	9	0.21
(3,33)	1:78:A:THR:H	1:75:A:LEU:O	20	0.2
(3,24)	1:55:A:ALA:H	1:52:A:ARG:O	23	0.2
(3,19)	1:40:A:PHE:O	1:44:A:HIS:H	19	0.2
(3,16)	1:72:A:ALA:O	1:76:A:SER:H	2	0.2
(3,10)	1:19:A:LYS:H	1:16:A:GLU:O	22	0.2
(3,4)	1:41:A:LEU:O	1:44:A:HIS:H	2	0.2
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB2	1:98:A:THR:H	1	0.2
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB3	1:98:A:THR:H	1	0.2
(1,1562)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HB2	14	0.2
(1,1562)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HB3	14	0.2
(1,1543)	1:83:A:GLU:HB3	1:84:A:LEU:HB2	16	0.2
(1,1543)	1:83:A:GLU:HB3	1:84:A:LEU:HB3	16	0.2
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG2	1:75:A:LEU:H	11	0.2
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG3	1:75:A:LEU:H	11	0.2
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	15	0.2
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	15	0.2
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD11	1:55:A:ALA:H	11	0.2
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD12	1:55:A:ALA:H	11	0.2
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD13	1:55:A:ALA:H	11	0.2
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD21	1:55:A:ALA:H	11	0.2
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD22	1:55:A:ALA:H	11	0.2
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD23	1:55:A:ALA:H	11	0.2
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:HE21	11	0.2
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:HE21	11	0.2
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:HE21	11	0.2
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD21	1:54:A:GLN:HE21	11	0.2
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD22	1:54:A:GLN:HE21	11	0.2
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD23	1:54:A:GLN:HE21	11	0.2
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:HE21	15	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:HE21	15	0.2
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:HE21	15	0.2
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD21	1:54:A:GLN:HE21	15	0.2
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD22	1:54:A:GLN:HE21	15	0.2
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD23	1:54:A:GLN:HE21	15	0.2
(1,1406)	1:28:A:LEU:HB2	1:57:A:GLY:H	10	0.2
(1,1406)	1:28:A:LEU:HB3	1:57:A:GLY:H	10	0.2
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB2	19	0.2
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB3	19	0.2
(1,1383)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:HA2	13	0.2
(1,1383)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:HA3	13	0.2
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	19	0.2
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	19	0.2
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD11	3	0.2
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD12	3	0.2
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD13	3	0.2
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD21	3	0.2
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD22	3	0.2
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD23	3	0.2
(1,1330)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:HA	14	0.2
(1,1330)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:HA	14	0.2
(1,1330)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:HA	14	0.2
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:HA	12	0.2
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:HA	12	0.2
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:HA	12	0.2
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG21	1:81:A:ILE:HD12	12	0.2
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG22	1:81:A:ILE:HD12	12	0.2
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG23	1:81:A:ILE:HD12	12	0.2
(1,1255)	1:12:A:TYR:HE1	1:17:A:ILE:HG22	9	0.2
(1,1255)	1:12:A:TYR:HE2	1:17:A:ILE:HG22	9	0.2
(1,1252)	1:31:A:HIS:HA	1:31:A:HIS:HE1	14	0.2
(1,1242)	1:16:A:GLU:HG2	1:27:A:TRP:HH2	19	0.2
(1,1242)	1:16:A:GLU:HG3	1:27:A:TRP:HH2	19	0.2
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD1	5	0.2
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD2	5	0.2
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	7	0.2
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	8	0.2
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	9	0.2
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	10	0.2
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	22	0.2
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE1	1:16:A:GLU:HG2	9	0.2
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE1	1:16:A:GLU:HG3	9	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE2	1:16:A:GLU:HG2	9	0.2
(1,1225)	1:12:A:TYR:HE2	1:16:A:GLU:HG3	9	0.2
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD1	1:27:A:TRP:HH2	20	0.2
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD2	1:27:A:TRP:HH2	20	0.2
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD1	22	0.2
(1,1213)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HD2	22	0.2
(1,1209)	1:31:A:HIS:HA	1:31:A:HIS:HD2	7	0.2
(1,1201)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:HA3	12	0.2
(1,1201)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:HA3	12	0.2
(1,1176)	1:11:A:TYR:HE1	1:83:A:GLU:HB2	11	0.2
(1,1176)	1:11:A:TYR:HE2	1:83:A:GLU:HB2	11	0.2
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE1	14	0.2
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE2	14	0.2
(1,1167)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HA	17	0.2
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE1	1:81:A:ILE:HD12	6	0.2
(1,1160)	1:12:A:TYR:HE2	1:81:A:ILE:HD12	6	0.2
(1,1134)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HA	23	0.2
(1,1096)	1:33:A:LYS:HA	1:82:A:GLY:H	6	0.2
(1,1062)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:HB2	1	0.2
(1,1047)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HE2	12	0.2
(1,1047)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HE3	12	0.2
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG2	1:19:A:LYS:H	14	0.2
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG3	1:19:A:LYS:H	14	0.2
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	2	0.2
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	2	0.2
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	16	0.2
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	16	0.2
(1,1032)	1:9:A:VAL:HG11	1:83:A:GLU:H	12	0.2
(1,1032)	1:9:A:VAL:HG12	1:83:A:GLU:H	12	0.2
(1,1032)	1:9:A:VAL:HG13	1:83:A:GLU:H	12	0.2
(1,1024)	1:35:A:TYR:HA	1:79:A:PHE:H	5	0.2
(1,1022)	1:72:A:ALA:HA	1:76:A:SER:H	7	0.2
(1,1021)	1:76:A:SER:H	1:77:A:LYS:HB2	13	0.2
(1,1006)	1:11:A:TYR:H	1:11:A:TYR:HE1	5	0.2
(1,1006)	1:11:A:TYR:H	1:11:A:TYR:HE2	5	0.2
(1,1006)	1:11:A:TYR:H	1:11:A:TYR:HE1	6	0.2
(1,1006)	1:11:A:TYR:H	1:11:A:TYR:HE2	6	0.2
(1,1003)	1:6:A:ASP:H	1:7:A:LYS:H	13	0.2
(1,1003)	1:6:A:ASP:H	1:7:A:LYS:H	17	0.2
(1,991)	1:34:A:VAL:HB	1:83:A:GLU:H	17	0.2
(1,986)	1:14:A:LEU:HD21	1:15:A:GLU:H	9	0.2
(1,986)	1:14:A:LEU:HD22	1:15:A:GLU:H	9	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,986)	1:14:A:LEU:HD23	1:15:A:GLU:H	9	0.2
(1,956)	1:54:A:GLN:HB2	1:54:A:GLN:HE22	13	0.2
(1,940)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HA	16	0.2
(1,894)	1:35:A:TYR:H	1:80:A:ILE:HA	7	0.2
(1,879)	1:22:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	17	0.2
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	14	0.2
(1,877)	1:22:A:HIS:HB3	1:25:A:SER:H	5	0.2
(1,877)	1:22:A:HIS:HB3	1:25:A:SER:H	19	0.2
(1,862)	1:17:A:ILE:HG22	1:18:A:LYS:H	23	0.2
(1,861)	1:12:A:TYR:HD1	1:17:A:ILE:H	9	0.2
(1,861)	1:12:A:TYR:HD2	1:17:A:ILE:H	9	0.2
(1,853)	1:12:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HA	23	0.2
(1,846)	1:39:A:LYS:H	1:41:A:LEU:HG	11	0.2
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	4	0.2
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	4	0.2
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	4	0.2
(1,826)	1:102:A:THR:HG21	1:103:A:VAL:H	1	0.2
(1,826)	1:102:A:THR:HG22	1:103:A:VAL:H	1	0.2
(1,826)	1:102:A:THR:HG23	1:103:A:VAL:H	1	0.2
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	7	0.2
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	7	0.2
(1,804)	1:79:A:PHE:H	1:80:A:ILE:HB	23	0.2
(1,792)	1:35:A:TYR:HA	1:80:A:ILE:H	10	0.2
(1,792)	1:35:A:TYR:HA	1:80:A:ILE:H	18	0.2
(1,788)	1:70:A:THR:HA	1:72:A:ALA:H	4	0.2
(1,783)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:H	16	0.2
(1,782)	1:28:A:LEU:HA	1:57:A:GLY:H	4	0.2
(1,782)	1:28:A:LEU:HA	1:57:A:GLY:H	15	0.2
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	16	0.2
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	16	0.2
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	16	0.2
(1,766)	1:52:A:ARG:H	1:53:A:GLU:HG2	3	0.2
(1,759)	1:48:A:GLU:H	1:49:A:GLU:HA	2	0.2
(1,759)	1:48:A:GLU:H	1:49:A:GLU:HA	15	0.2
(1,758)	1:44:A:HIS:H	1:48:A:GLU:HB3	21	0.2
(1,729)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	6	0.2
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD1	19	0.2
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD2	19	0.2
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD1	21	0.2
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD2	21	0.2
(1,697)	1:81:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:H	21	0.2
(1,668)	1:60:A:THR:HB	1:62:A:ASN:H	20	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,625)	1:29:A:ILE:H	1:29:A:ILE:HG22	5	0.2
(1,539)	1:17:A:ILE:HD11	1:56:A:GLY:H	21	0.2
(1,539)	1:17:A:ILE:HD12	1:56:A:GLY:H	21	0.2
(1,539)	1:17:A:ILE:HD13	1:56:A:GLY:H	21	0.2
(1,532)	1:9:A:VAL:H	1:10:A:LYS:HA	11	0.2
(1,515)	1:61:A:GLU:HA	1:65:A:ASP:H	5	0.2
(1,515)	1:61:A:GLU:HA	1:65:A:ASP:H	12	0.2
(1,485)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	21	0.2
(1,485)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	21	0.2
(1,485)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	21	0.2
(1,477)	1:14:A:LEU:HA	1:18:A:LYS:H	8	0.2
(1,470)	1:13:A:THR:HA	1:15:A:GLU:H	9	0.2
(1,467)	1:13:A:THR:H	1:16:A:GLU:HB3	4	0.2
(1,436)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:H	11	0.2
(1,436)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:H	11	0.2
(1,414)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:H	3	0.2
(1,393)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	18	0.2
(1,375)	1:20:A:HIS:HA	1:22:A:HIS:H	19	0.2
(1,366)	1:52:A:ARG:HA	1:55:A:ALA:H	13	0.2
(1,363)	1:52:A:ARG:H	1:55:A:ALA:H	23	0.2
(1,351)	1:50:A:VAL:H	1:52:A:ARG:H	6	0.2
(1,351)	1:50:A:VAL:H	1:52:A:ARG:H	10	0.2
(1,332)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:H	23	0.2
(1,297)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:H	13	0.2
(1,296)	1:40:A:PHE:HA	1:44:A:HIS:H	4	0.2
(1,281)	1:53:A:GLU:HA	1:54:A:GLN:HG2	22	0.2
(1,254)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HA	5	0.2
(1,254)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HA	5	0.2
(1,254)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HA	5	0.2
(1,221)	1:11:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG21	13	0.2
(1,221)	1:11:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG22	13	0.2
(1,221)	1:11:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG23	13	0.2
(1,195)	1:80:A:ILE:HA	1:81:A:ILE:HG22	23	0.2
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB1	2	0.2
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB2	2	0.2
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB3	2	0.2
(1,176)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HA	15	0.2
(1,146)	1:52:A:ARG:HD2	1:53:A:GLU:H	13	0.2
(1,146)	1:52:A:ARG:HD3	1:53:A:GLU:H	13	0.2
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD1	1	0.2
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD2	1	0.2
(1,133)	1:9:A:VAL:H	1:9:A:VAL:HB	3	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,123)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HG2	19	0.2
(1,123)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HG3	19	0.2
(1,119)	1:27:A:TRP:HA	1:36:A:ASP:HB2	13	0.2
(1,92)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HA	14	0.2
(1,56)	1:47:A:GLY:H	1:48:A:GLU:HA	3	0.2
(1,51)	1:40:A:PHE:HA	1:43:A:GLU:HB3	16	0.2
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD2	22	0.2
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD3	22	0.2
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB1	12	0.2
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB2	12	0.2
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB3	12	0.2
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB1	21	0.2
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB2	21	0.2
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB3	21	0.2
(3,4)	1:41:A:LEU:O	1:44:A:HIS:H	23	0.19
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB2	1:98:A:THR:H	15	0.19
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB3	1:98:A:THR:H	15	0.19
(1,1559)	1:87:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HB2	15	0.19
(1,1559)	1:87:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HB3	15	0.19
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG2	1:75:A:LEU:H	3	0.19
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG3	1:75:A:LEU:H	3	0.19
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG2	1:75:A:LEU:H	17	0.19
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG3	1:75:A:LEU:H	17	0.19
(1,1514)	1:64:A:GLU:HB2	1:66:A:VAL:H	21	0.19
(1,1514)	1:64:A:GLU:HB3	1:66:A:VAL:H	21	0.19
(1,1503)	1:62:A:ASN:H	1:63:A:PHE:HB2	8	0.19
(1,1503)	1:62:A:ASN:H	1:63:A:PHE:HB3	8	0.19
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD11	1:61:A:GLU:H	11	0.19
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD12	1:61:A:GLU:H	11	0.19
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD13	1:61:A:GLU:H	11	0.19
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD21	1:61:A:GLU:H	11	0.19
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD22	1:61:A:GLU:H	11	0.19
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD23	1:61:A:GLU:H	11	0.19
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HB	22	0.19
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HB	22	0.19
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HB	22	0.19
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HB	22	0.19
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HB	22	0.19
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HB	22	0.19
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD11	1:57:A:GLY:H	13	0.19
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD12	1:57:A:GLY:H	13	0.19
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD13	1:57:A:GLY:H	13	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD21	1:57:A:GLY:H	13	0.19
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD22	1:57:A:GLY:H	13	0.19
(1,1425)	1:28:A:LEU:HD23	1:57:A:GLY:H	13	0.19
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD11	1:55:A:ALA:H	5	0.19
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD12	1:55:A:ALA:H	5	0.19
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD13	1:55:A:ALA:H	5	0.19
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD21	1:55:A:ALA:H	5	0.19
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD22	1:55:A:ALA:H	5	0.19
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD23	1:55:A:ALA:H	5	0.19
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:H	10	0.19
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:H	10	0.19
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:H	10	0.19
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	10	0.19
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	10	0.19
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	10	0.19
(1,1404)	1:28:A:LEU:HB2	1:55:A:ALA:HA	8	0.19
(1,1404)	1:28:A:LEU:HB3	1:55:A:ALA:HA	8	0.19
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB2	1:27:A:TRP:H	4	0.19
(1,1380)	1:20:A:HIS:HB3	1:27:A:TRP:H	4	0.19
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	5	0.19
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	5	0.19
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	5	0.19
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD21	1:15:A:GLU:H	5	0.19
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD22	1:15:A:GLU:H	5	0.19
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD23	1:15:A:GLU:H	5	0.19
(1,1330)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:HA	15	0.19
(1,1330)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:HA	15	0.19
(1,1330)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:HA	15	0.19
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE1	2	0.19
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE2	2	0.19
(1,1248)	1:35:A:TYR:HE1	1:80:A:ILE:HG21	10	0.19
(1,1248)	1:35:A:TYR:HE2	1:80:A:ILE:HG21	10	0.19
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD1	9	0.19
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD2	9	0.19
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	11	0.19
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	15	0.19
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	19	0.19
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE1	5	0.19
(1,1226)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:HE2	5	0.19
(1,1224)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HZ3	13	0.19
(1,1218)	1:12:A:TYR:HE1	1:27:A:TRP:HH2	23	0.19
(1,1218)	1:12:A:TYR:HE2	1:27:A:TRP:HH2	23	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD1	1:79:A:PHE:HA	2	0.19
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD2	1:79:A:PHE:HA	2	0.19
(1,1202)	1:30:A:LEU:HA	1:31:A:HIS:HD2	12	0.19
(1,1201)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:HA3	17	0.19
(1,1201)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:HA3	17	0.19
(1,1198)	1:12:A:TYR:HE1	1:81:A:ILE:HA	23	0.19
(1,1198)	1:12:A:TYR:HE2	1:81:A:ILE:HA	23	0.19
(1,1180)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:HB3	20	0.19
(1,1180)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:HB3	20	0.19
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE1	10	0.19
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE2	10	0.19
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE1	3	0.19
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE2	3	0.19
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD1	1:17:A:ILE:HG21	13	0.19
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD2	1:17:A:ILE:HG21	13	0.19
(1,1132)	1:33:A:LYS:HA	1:83:A:GLU:H	14	0.19
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG11	1:82:A:GLY:H	12	0.19
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG12	1:82:A:GLY:H	12	0.19
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG13	1:82:A:GLY:H	12	0.19
(1,1125)	1:48:A:GLU:H	1:49:A:GLU:HB3	9	0.19
(1,1124)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB3	8	0.19
(1,1109)	1:16:A:GLU:HB3	1:18:A:LYS:H	14	0.19
(1,1099)	1:32:A:HIS:HA	1:84:A:LEU:H	17	0.19
(1,1099)	1:32:A:HIS:HA	1:84:A:LEU:H	20	0.19
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	8	0.19
(1,1090)	1:60:A:THR:HB	1:63:A:PHE:H	12	0.19
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	17	0.19
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	17	0.19
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	17	0.19
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	15	0.19
(1,1052)	1:28:A:LEU:H	1:56:A:GLY:H	19	0.19
(1,1044)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HA	10	0.19
(1,1044)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HA	12	0.19
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG2	1:19:A:LYS:H	6	0.19
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG3	1:19:A:LYS:H	6	0.19
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	5	0.19
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	5	0.19
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	9	0.19
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	9	0.19
(1,1031)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	9	0.19
(1,1024)	1:35:A:TYR:HA	1:79:A:PHE:H	6	0.19
(1,1022)	1:72:A:ALA:HA	1:76:A:SER:H	3	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1005)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:H	21	0.19
(1,1005)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:H	21	0.19
(1,1005)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:H	21	0.19
(1,990)	1:35:A:TYR:HE1	1:77:A:LYS:H	14	0.19
(1,990)	1:35:A:TYR:HE2	1:77:A:LYS:H	14	0.19
(1,990)	1:35:A:TYR:HE1	1:77:A:LYS:H	23	0.19
(1,990)	1:35:A:TYR:HE2	1:77:A:LYS:H	23	0.19
(1,985)	1:41:A:LEU:HD21	1:52:A:ARG:H	2	0.19
(1,985)	1:41:A:LEU:HD22	1:52:A:ARG:H	2	0.19
(1,985)	1:41:A:LEU:HD23	1:52:A:ARG:H	2	0.19
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB1	13	0.19
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB2	13	0.19
(1,963)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HB3	13	0.19
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB1	7	0.19
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB2	7	0.19
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB3	7	0.19
(1,953)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HA	13	0.19
(1,940)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HA	14	0.19
(1,900)	1:38:A:THR:HG21	1:40:A:PHE:H	17	0.19
(1,900)	1:38:A:THR:HG22	1:40:A:PHE:H	17	0.19
(1,900)	1:38:A:THR:HG23	1:40:A:PHE:H	17	0.19
(1,897)	1:36:A:ASP:H	1:79:A:PHE:H	4	0.19
(1,878)	1:23:A:SER:HA	1:26:A:THR:H	20	0.19
(1,877)	1:22:A:HIS:HB3	1:25:A:SER:H	17	0.19
(1,876)	1:22:A:HIS:HA	1:24:A:LYS:H	23	0.19
(1,872)	1:21:A:ASN:H	1:27:A:TRP:H	23	0.19
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	2	0.19
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	17	0.19
(1,861)	1:12:A:TYR:HD1	1:17:A:ILE:H	4	0.19
(1,861)	1:12:A:TYR:HD2	1:17:A:ILE:H	4	0.19
(1,856)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:H	19	0.19
(1,856)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:H	23	0.19
(1,839)	1:12:A:TYR:H	1:34:A:VAL:HG21	22	0.19
(1,839)	1:12:A:TYR:H	1:34:A:VAL:HG22	22	0.19
(1,839)	1:12:A:TYR:H	1:34:A:VAL:HG23	22	0.19
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG2	12	0.19
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG3	12	0.19
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	9	0.19
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	9	0.19
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	12	0.19
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	12	0.19
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB1	16	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB2	16	0.19
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB3	16	0.19
(1,766)	1:52:A:ARG:H	1:53:A:GLU:HG2	10	0.19
(1,737)	1:33:A:LYS:HG2	1:34:A:VAL:H	2	0.19
(1,737)	1:33:A:LYS:HG3	1:34:A:VAL:H	2	0.19
(1,721)	1:24:A:LYS:H	1:38:A:THR:HG21	6	0.19
(1,721)	1:24:A:LYS:H	1:38:A:THR:HG22	6	0.19
(1,721)	1:24:A:LYS:H	1:38:A:THR:HG23	6	0.19
(1,663)	1:63:A:PHE:HA	1:65:A:ASP:H	14	0.19
(1,614)	1:18:A:LYS:H	1:18:A:LYS:HG2	13	0.19
(1,614)	1:18:A:LYS:H	1:18:A:LYS:HG3	13	0.19
(1,602)	1:22:A:HIS:HB2	1:25:A:SER:H	17	0.19
(1,602)	1:22:A:HIS:HB2	1:25:A:SER:H	19	0.19
(1,570)	1:85:A:HIS:HB3	1:89:A:ARG:H	22	0.19
(1,563)	1:69:A:SER:HA	1:71:A:ASP:H	2	0.19
(1,549)	1:16:A:GLU:H	1:16:A:GLU:HB2	7	0.19
(1,490)	1:27:A:TRP:H	1:55:A:ALA:HA	23	0.19
(1,485)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	4	0.19
(1,485)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	4	0.19
(1,485)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	4	0.19
(1,485)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	11	0.19
(1,485)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	11	0.19
(1,485)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	11	0.19
(1,485)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	12	0.19
(1,485)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	12	0.19
(1,485)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	12	0.19
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD2	6	0.19
(1,459)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HD3	6	0.19
(1,436)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:H	16	0.19
(1,436)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:H	16	0.19
(1,432)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HD2	18	0.19
(1,366)	1:52:A:ARG:HA	1:55:A:ALA:H	15	0.19
(1,358)	1:52:A:ARG:H	1:54:A:GLN:H	3	0.19
(1,351)	1:50:A:VAL:H	1:52:A:ARG:H	8	0.19
(1,347)	1:48:A:GLU:H	1:50:A:VAL:H	18	0.19
(1,302)	1:59:A:ALA:H	1:62:A:ASN:H	6	0.19
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG21	8	0.19
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG22	8	0.19
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG23	8	0.19
(1,291)	1:102:A:THR:HB	1:103:A:VAL:H	22	0.19
(1,287)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HB	1	0.19
(1,281)	1:53:A:GLU:HA	1:54:A:GLN:HG2	17	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,254)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HA	13	0.19
(1,254)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HA	13	0.19
(1,254)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HA	13	0.19
(1,224)	1:37:A:LEU:H	1:38:A:THR:HG21	10	0.19
(1,224)	1:37:A:LEU:H	1:38:A:THR:HG22	10	0.19
(1,224)	1:37:A:LEU:H	1:38:A:THR:HG23	10	0.19
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB1	7	0.19
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB2	7	0.19
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB3	7	0.19
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB1	17	0.19
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB2	17	0.19
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB3	17	0.19
(1,176)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HA	18	0.19
(1,158)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG2	13	0.19
(1,158)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG2	13	0.19
(1,158)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG2	13	0.19
(1,158)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG3	13	0.19
(1,158)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG3	13	0.19
(1,158)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG3	13	0.19
(1,152)	1:70:A:THR:HA	1:74:A:GLU:H	12	0.19
(1,137)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HB	13	0.19
(1,128)	1:48:A:GLU:HG2	1:50:A:VAL:H	1	0.19
(1,128)	1:48:A:GLU:HG3	1:50:A:VAL:H	1	0.19
(1,128)	1:48:A:GLU:HG2	1:50:A:VAL:H	4	0.19
(1,128)	1:48:A:GLU:HG3	1:50:A:VAL:H	4	0.19
(1,128)	1:48:A:GLU:HG2	1:50:A:VAL:H	19	0.19
(1,128)	1:48:A:GLU:HG3	1:50:A:VAL:H	19	0.19
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG2	10	0.19
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG3	10	0.19
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG2	10	0.19
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG3	10	0.19
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG2	10	0.19
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG3	10	0.19
(1,99)	1:41:A:LEU:HG	1:48:A:GLU:HB2	13	0.19
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG2	4	0.19
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG3	4	0.19
(1,59)	1:50:A:VAL:HA	1:53:A:GLU:HB3	22	0.19
(1,59)	1:50:A:VAL:HA	1:53:A:GLU:HB2	22	0.19
(1,56)	1:47:A:GLY:H	1:48:A:GLU:HA	4	0.19
(1,17)	1:12:A:TYR:HA	1:13:A:THR:HG21	2	0.19
(1,17)	1:12:A:TYR:HA	1:13:A:THR:HG22	2	0.19
(1,17)	1:12:A:TYR:HA	1:13:A:THR:HG23	2	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(3,16)	1:72:A:ALA:O	1:76:A:SER:H	21	0.18
(3,4)	1:41:A:LEU:O	1:44:A:HIS:H	7	0.18
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB2	1:98:A:THR:H	2	0.18
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB3	1:98:A:THR:H	2	0.18
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB2	1:98:A:THR:H	10	0.18
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB3	1:98:A:THR:H	10	0.18
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB2	1:98:A:THR:H	12	0.18
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB3	1:98:A:THR:H	12	0.18
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD2	1	0.18
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	1	0.18
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD2	17	0.18
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	17	0.18
(1,1540)	1:75:A:LEU:HD11	1:78:A:THR:H	5	0.18
(1,1540)	1:75:A:LEU:HD12	1:78:A:THR:H	5	0.18
(1,1540)	1:75:A:LEU:HD13	1:78:A:THR:H	5	0.18
(1,1540)	1:75:A:LEU:HD21	1:78:A:THR:H	5	0.18
(1,1540)	1:75:A:LEU:HD22	1:78:A:THR:H	5	0.18
(1,1540)	1:75:A:LEU:HD23	1:78:A:THR:H	5	0.18
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG2	1:75:A:LEU:H	14	0.18
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG3	1:75:A:LEU:H	14	0.18
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD11	1:62:A:ASN:H	13	0.18
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD12	1:62:A:ASN:H	13	0.18
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD13	1:62:A:ASN:H	13	0.18
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD21	1:62:A:ASN:H	13	0.18
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD22	1:62:A:ASN:H	13	0.18
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD23	1:62:A:ASN:H	13	0.18
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD11	1:62:A:ASN:H	18	0.18
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD12	1:62:A:ASN:H	18	0.18
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD13	1:62:A:ASN:H	18	0.18
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD21	1:62:A:ASN:H	18	0.18
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD22	1:62:A:ASN:H	18	0.18
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD23	1:62:A:ASN:H	18	0.18
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:HE21	6	0.18
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:HE21	6	0.18
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:HE21	6	0.18
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD21	1:54:A:GLN:HE21	6	0.18
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD22	1:54:A:GLN:HE21	6	0.18
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD23	1:54:A:GLN:HE21	6	0.18
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:HE21	23	0.18
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:HE21	23	0.18
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:HE21	23	0.18
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD21	1:54:A:GLN:HE21	23	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD22	1:54:A:GLN:HE21	23	0.18
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD23	1:54:A:GLN:HE21	23	0.18
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:H	17	0.18
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:H	17	0.18
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:H	17	0.18
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD21	1:54:A:GLN:H	17	0.18
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD22	1:54:A:GLN:H	17	0.18
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD23	1:54:A:GLN:H	17	0.18
(1,1406)	1:28:A:LEU:HB2	1:57:A:GLY:H	15	0.18
(1,1406)	1:28:A:LEU:HB3	1:57:A:GLY:H	15	0.18
(1,1405)	1:28:A:LEU:HB2	1:56:A:GLY:H	12	0.18
(1,1405)	1:28:A:LEU:HB3	1:56:A:GLY:H	12	0.18
(1,1404)	1:28:A:LEU:HB2	1:55:A:ALA:HA	15	0.18
(1,1404)	1:28:A:LEU:HB3	1:55:A:ALA:HA	15	0.18
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD1	17	0.18
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD2	17	0.18
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD1	17	0.18
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD2	17	0.18
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD11	2	0.18
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD12	2	0.18
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD13	2	0.18
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD21	2	0.18
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD22	2	0.18
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD23	2	0.18
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD11	5	0.18
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD12	5	0.18
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD13	5	0.18
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD21	5	0.18
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD22	5	0.18
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD23	5	0.18
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD11	7	0.18
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD12	7	0.18
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD13	7	0.18
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD21	7	0.18
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD22	7	0.18
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD23	7	0.18
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG2	16	0.18
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG3	16	0.18
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG2	16	0.18
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG3	16	0.18
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:HA	7	0.18
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:HA	7	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:HA	7	0.18
(1,1306)	1:21:A:ASN:HB2	1:22:A:HIS:HD2	21	0.18
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	21	0.18
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	21	0.18
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	21	0.18
(1,1268)	1:16:A:GLU:HB3	1:27:A:TRP:HZ3	23	0.18
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE1	17	0.18
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE2	17	0.18
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG11	2	0.18
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG12	2	0.18
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG13	2	0.18
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD1	16	0.18
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD2	16	0.18
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	6	0.18
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	17	0.18
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	20	0.18
(1,1224)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HZ3	22	0.18
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD1	1:27:A:TRP:HH2	10	0.18
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD2	1:27:A:TRP:HH2	10	0.18
(1,1206)	1:35:A:TYR:HD1	1:77:A:LYS:HA	22	0.18
(1,1206)	1:35:A:TYR:HD2	1:77:A:LYS:HA	22	0.18
(1,1198)	1:12:A:TYR:HE1	1:81:A:ILE:HA	12	0.18
(1,1198)	1:12:A:TYR:HE2	1:81:A:ILE:HA	12	0.18
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD1	1:86:A:PRO:HD2	4	0.18
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD2	1:86:A:PRO:HD2	4	0.18
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD1	1:86:A:PRO:HD2	6	0.18
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD2	1:86:A:PRO:HD2	6	0.18
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE2	1:12:A:TYR:HE1	17	0.18
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE2	1:12:A:TYR:HE2	17	0.18
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE3	1:12:A:TYR:HE1	17	0.18
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE3	1:12:A:TYR:HE2	17	0.18
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG11	1:82:A:GLY:H	2	0.18
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG12	1:82:A:GLY:H	2	0.18
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG13	1:82:A:GLY:H	2	0.18
(1,1109)	1:16:A:GLU:HB3	1:18:A:LYS:H	6	0.18
(1,1096)	1:33:A:LYS:HA	1:82:A:GLY:H	12	0.18
(1,1085)	1:57:A:GLY:H	1:58:A:ASP:HA	7	0.18
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:H	1	0.18
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:H	1	0.18
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:H	1	0.18
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:H	3	0.18
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:H	3	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:H	3	0.18
(1,1064)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:H	4	0.18
(1,1064)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:H	6	0.18
(1,1062)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:HB2	19	0.18
(1,1044)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HA	6	0.18
(1,1044)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HA	8	0.18
(1,1024)	1:35:A:TYR:HA	1:79:A:PHE:H	14	0.18
(1,1022)	1:72:A:ALA:HA	1:76:A:SER:H	16	0.18
(1,1014)	1:60:A:THR:HG21	1:62:A:ASN:H	3	0.18
(1,1014)	1:60:A:THR:HG22	1:62:A:ASN:H	3	0.18
(1,1014)	1:60:A:THR:HG23	1:62:A:ASN:H	3	0.18
(1,1014)	1:60:A:THR:HG21	1:62:A:ASN:H	8	0.18
(1,1014)	1:60:A:THR:HG22	1:62:A:ASN:H	8	0.18
(1,1014)	1:60:A:THR:HG23	1:62:A:ASN:H	8	0.18
(1,1014)	1:60:A:THR:HG21	1:62:A:ASN:H	20	0.18
(1,1014)	1:60:A:THR:HG22	1:62:A:ASN:H	20	0.18
(1,1014)	1:60:A:THR:HG23	1:62:A:ASN:H	20	0.18
(1,985)	1:41:A:LEU:HD21	1:52:A:ARG:H	5	0.18
(1,985)	1:41:A:LEU:HD22	1:52:A:ARG:H	5	0.18
(1,985)	1:41:A:LEU:HD23	1:52:A:ARG:H	5	0.18
(1,958)	1:54:A:GLN:HA	1:54:A:GLN:HE21	11	0.18
(1,900)	1:38:A:THR:HG21	1:40:A:PHE:H	1	0.18
(1,900)	1:38:A:THR:HG22	1:40:A:PHE:H	1	0.18
(1,900)	1:38:A:THR:HG23	1:40:A:PHE:H	1	0.18
(1,900)	1:38:A:THR:HG21	1:40:A:PHE:H	18	0.18
(1,900)	1:38:A:THR:HG22	1:40:A:PHE:H	18	0.18
(1,900)	1:38:A:THR:HG23	1:40:A:PHE:H	18	0.18
(1,877)	1:22:A:HIS:HB3	1:25:A:SER:H	22	0.18
(1,868)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:HB2	3	0.18
(1,862)	1:17:A:ILE:HG22	1:18:A:LYS:H	5	0.18
(1,861)	1:12:A:TYR:HD1	1:17:A:ILE:H	7	0.18
(1,861)	1:12:A:TYR:HD2	1:17:A:ILE:H	7	0.18
(1,857)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:H	4	0.18
(1,842)	1:38:A:THR:H	1:39:A:LYS:HG2	20	0.18
(1,842)	1:38:A:THR:H	1:39:A:LYS:HG3	20	0.18
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG2	8	0.18
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG3	8	0.18
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	14	0.18
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	14	0.18
(1,816)	1:95:A:PRO:HD2	1:96:A:MET:H	15	0.18
(1,799)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HB3	15	0.18
(1,793)	1:35:A:TYR:HB3	1:80:A:ILE:H	18	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,792)	1:35:A:TYR:HA	1:80:A:ILE:H	7	0.18
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB1	1	0.18
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB2	1	0.18
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB3	1	0.18
(1,755)	1:43:A:GLU:HB3	1:44:A:HIS:H	13	0.18
(1,737)	1:33:A:LYS:HG2	1:34:A:VAL:H	8	0.18
(1,737)	1:33:A:LYS:HG3	1:34:A:VAL:H	8	0.18
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB1	1	0.18
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB2	1	0.18
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB3	1	0.18
(1,731)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HG11	23	0.18
(1,731)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HG12	23	0.18
(1,731)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HG13	23	0.18
(1,625)	1:29:A:ILE:H	1:29:A:ILE:HG22	23	0.18
(1,584)	1:42:A:GLU:HG2	1:43:A:GLU:H	11	0.18
(1,584)	1:42:A:GLU:HG3	1:43:A:GLU:H	11	0.18
(1,563)	1:69:A:SER:HA	1:71:A:ASP:H	7	0.18
(1,539)	1:17:A:ILE:HD11	1:56:A:GLY:H	18	0.18
(1,539)	1:17:A:ILE:HD12	1:56:A:GLY:H	18	0.18
(1,539)	1:17:A:ILE:HD13	1:56:A:GLY:H	18	0.18
(1,485)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	16	0.18
(1,485)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	16	0.18
(1,485)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	16	0.18
(1,471)	1:13:A:THR:HA	1:16:A:GLU:H	18	0.18
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG21	10	0.18
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG22	10	0.18
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG23	10	0.18
(1,440)	1:12:A:TYR:HD1	1:82:A:GLY:H	16	0.18
(1,440)	1:12:A:TYR:HD2	1:82:A:GLY:H	16	0.18
(1,440)	1:12:A:TYR:HD1	1:82:A:GLY:H	22	0.18
(1,440)	1:12:A:TYR:HD2	1:82:A:GLY:H	22	0.18
(1,439)	1:12:A:TYR:HD1	1:13:A:THR:H	10	0.18
(1,439)	1:12:A:TYR:HD2	1:13:A:THR:H	10	0.18
(1,433)	1:22:A:HIS:H	1:22:A:HIS:HD2	11	0.18
(1,421)	1:10:A:LYS:H	1:83:A:GLU:H	2	0.18
(1,405)	1:62:A:ASN:H	1:64:A:GLU:H	10	0.18
(1,405)	1:62:A:ASN:H	1:64:A:GLU:H	14	0.18
(1,394)	1:8:A:ASP:HA	1:9:A:VAL:H	3	0.18
(1,386)	1:34:A:VAL:H	1:82:A:GLY:H	2	0.18
(1,376)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:H	21	0.18
(1,356)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:H	4	0.18
(1,344)	1:87:A:ASP:H	1:89:A:ARG:H	3	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,328)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:H	19	0.18
(1,314)	1:70:A:THR:HG21	1:71:A:ASP:H	5	0.18
(1,314)	1:70:A:THR:HG22	1:71:A:ASP:H	5	0.18
(1,314)	1:70:A:THR:HG23	1:71:A:ASP:H	5	0.18
(1,310)	1:65:A:ASP:HA	1:67:A:GLY:H	6	0.18
(1,281)	1:53:A:GLU:HA	1:54:A:GLN:HG2	10	0.18
(1,247)	1:83:A:GLU:HB3	1:85:A:HIS:HA	23	0.18
(1,238)	1:103:A:VAL:HA	1:104:A:ASP:H	3	0.18
(1,236)	1:95:A:PRO:HD3	1:96:A:MET:H	1	0.18
(1,236)	1:95:A:PRO:HD3	1:96:A:MET:H	17	0.18
(1,236)	1:95:A:PRO:HD3	1:96:A:MET:H	22	0.18
(1,235)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	19	0.18
(1,209)	1:14:A:LEU:HA	1:17:A:ILE:HB	19	0.18
(1,209)	1:14:A:LEU:HA	1:17:A:ILE:HB	23	0.18
(1,207)	1:62:A:ASN:HB3	1:64:A:GLU:H	8	0.18
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB1	15	0.18
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB2	15	0.18
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB3	15	0.18
(1,152)	1:70:A:THR:HA	1:74:A:GLU:H	6	0.18
(1,139)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HB	2	0.18
(1,137)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HB	11	0.18
(1,133)	1:9:A:VAL:H	1:9:A:VAL:HB	14	0.18
(1,128)	1:48:A:GLU:HG2	1:50:A:VAL:H	22	0.18
(1,128)	1:48:A:GLU:HG3	1:50:A:VAL:H	22	0.18
(1,88)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HG12	14	0.18
(1,88)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HG13	14	0.18
(1,66)	1:54:A:GLN:H	1:55:A:ALA:HA	3	0.18
(1,15)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HA	23	0.18
(1,1559)	1:87:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HB2	8	0.17
(1,1559)	1:87:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HB3	8	0.17
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG2	1:75:A:LEU:H	4	0.17
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG3	1:75:A:LEU:H	4	0.17
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG2	1:75:A:LEU:H	20	0.17
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG3	1:75:A:LEU:H	20	0.17
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB2	17	0.17
(1,1529)	1:72:A:ALA:H	1:73:A:ARG:HB3	17	0.17
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD11	1:61:A:GLU:H	17	0.17
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD12	1:61:A:GLU:H	17	0.17
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD13	1:61:A:GLU:H	17	0.17
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD21	1:61:A:GLU:H	17	0.17
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD22	1:61:A:GLU:H	17	0.17
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD23	1:61:A:GLU:H	17	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB2	4	0.17
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB3	4	0.17
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD11	1:55:A:ALA:HA	2	0.17
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD12	1:55:A:ALA:HA	2	0.17
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD13	1:55:A:ALA:HA	2	0.17
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD21	1:55:A:ALA:HA	2	0.17
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD22	1:55:A:ALA:HA	2	0.17
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD23	1:55:A:ALA:HA	2	0.17
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD11	1:55:A:ALA:HA	20	0.17
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD12	1:55:A:ALA:HA	20	0.17
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD13	1:55:A:ALA:HA	20	0.17
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD21	1:55:A:ALA:HA	20	0.17
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD22	1:55:A:ALA:HA	20	0.17
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD23	1:55:A:ALA:HA	20	0.17
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:HB2	5	0.17
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:HB3	5	0.17
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:HB2	5	0.17
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:HB3	5	0.17
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:HB2	5	0.17
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:HB3	5	0.17
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:HB2	5	0.17
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:HB3	5	0.17
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:HB2	5	0.17
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:HB3	5	0.17
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:HB2	5	0.17
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:HB3	5	0.17
(1,1407)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:H	20	0.17
(1,1407)	1:28:A:LEU:HB3	1:59:A:ALA:H	20	0.17
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD1	15	0.17
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD2	15	0.17
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD1	15	0.17
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD2	15	0.17
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD1	18	0.17
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD2	18	0.17
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD1	18	0.17
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD2	18	0.17
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD1	22	0.17
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD2	22	0.17
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD1	22	0.17
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD2	22	0.17
(1,1399)	1:28:A:LEU:HB2	1:29:A:ILE:H	10	0.17
(1,1399)	1:28:A:LEU:HB3	1:29:A:ILE:H	10	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1391)	1:24:A:LYS:HG2	1:25:A:SER:H	19	0.17
(1,1391)	1:24:A:LYS:HG3	1:25:A:SER:H	19	0.17
(1,1382)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:HA2	7	0.17
(1,1382)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:HA3	7	0.17
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	8	0.17
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	8	0.17
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	8	0.17
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD21	1:15:A:GLU:H	8	0.17
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD22	1:15:A:GLU:H	8	0.17
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD23	1:15:A:GLU:H	8	0.17
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD11	1	0.17
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD12	1	0.17
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD13	1	0.17
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD21	1	0.17
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD22	1	0.17
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD23	1	0.17
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD11	17	0.17
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD12	17	0.17
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD13	17	0.17
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD21	17	0.17
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD22	17	0.17
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD23	17	0.17
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD11	19	0.17
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD12	19	0.17
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD13	19	0.17
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD21	19	0.17
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD22	19	0.17
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD23	19	0.17
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HD2	6	0.17
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HD3	6	0.17
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HD2	6	0.17
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HD3	6	0.17
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG2	8	0.17
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HG3	8	0.17
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG2	8	0.17
(1,1348)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HG3	8	0.17
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD11	1:48:A:GLU:HA	20	0.17
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD12	1:48:A:GLU:HA	20	0.17
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD13	1:48:A:GLU:HA	20	0.17
(1,1272)	1:12:A:TYR:HA	1:27:A:TRP:HZ3	2	0.17
(1,1264)	1:27:A:TRP:HZ3	1:81:A:ILE:HD12	23	0.17
(1,1255)	1:12:A:TYR:HE1	1:17:A:ILE:HG22	8	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1255)	1:12:A:TYR:HE2	1:17:A:ILE:HG22	8	0.17
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG11	9	0.17
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG12	9	0.17
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG13	9	0.17
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	21	0.17
(1,1236)	1:27:A:TRP:HD1	1:36:A:ASP:HB3	20	0.17
(1,1220)	1:12:A:TYR:HE1	1:27:A:TRP:HZ3	7	0.17
(1,1220)	1:12:A:TYR:HE2	1:27:A:TRP:HZ3	7	0.17
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:HA2	4	0.17
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:HA2	4	0.17
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:HA2	6	0.17
(1,1207)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:HA2	6	0.17
(1,1196)	1:12:A:TYR:HA	1:12:A:TYR:HE1	6	0.17
(1,1196)	1:12:A:TYR:HA	1:12:A:TYR:HE2	6	0.17
(1,1189)	1:13:A:THR:HG21	1:85:A:HIS:HD2	23	0.17
(1,1189)	1:13:A:THR:HG22	1:85:A:HIS:HD2	23	0.17
(1,1189)	1:13:A:THR:HG23	1:85:A:HIS:HD2	23	0.17
(1,1183)	1:11:A:TYR:HD1	1:86:A:PRO:HD3	21	0.17
(1,1183)	1:11:A:TYR:HD2	1:86:A:PRO:HD3	21	0.17
(1,1176)	1:11:A:TYR:HE1	1:83:A:GLU:HB2	4	0.17
(1,1176)	1:11:A:TYR:HE2	1:83:A:GLU:HB2	4	0.17
(1,1159)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HD12	23	0.17
(1,1154)	1:30:A:LEU:HG	1:35:A:TYR:HE1	22	0.17
(1,1154)	1:30:A:LEU:HG	1:35:A:TYR:HE2	22	0.17
(1,1152)	1:12:A:TYR:HE1	1:34:A:VAL:HG11	13	0.17
(1,1152)	1:12:A:TYR:HE1	1:34:A:VAL:HG12	13	0.17
(1,1152)	1:12:A:TYR:HE1	1:34:A:VAL:HG13	13	0.17
(1,1152)	1:12:A:TYR:HE2	1:34:A:VAL:HG11	13	0.17
(1,1152)	1:12:A:TYR:HE2	1:34:A:VAL:HG12	13	0.17
(1,1152)	1:12:A:TYR:HE2	1:34:A:VAL:HG13	13	0.17
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD1	1:17:A:ILE:HG21	14	0.17
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD2	1:17:A:ILE:HG21	14	0.17
(1,1125)	1:48:A:GLU:H	1:49:A:GLU:HB3	13	0.17
(1,1114)	1:25:A:SER:H	1:26:A:THR:HB	7	0.17
(1,1113)	1:24:A:LYS:H	1:25:A:SER:HA	4	0.17
(1,1109)	1:16:A:GLU:HB3	1:18:A:LYS:H	18	0.17
(1,1099)	1:32:A:HIS:HA	1:84:A:LEU:H	6	0.17
(1,1099)	1:32:A:HIS:HA	1:84:A:LEU:H	13	0.17
(1,1097)	1:9:A:VAL:HB	1:82:A:GLY:H	22	0.17
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	10	0.17
(1,1085)	1:57:A:GLY:H	1:58:A:ASP:HA	3	0.17
(1,1085)	1:57:A:GLY:H	1:58:A:ASP:HA	4	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1085)	1:57:A:GLY:H	1:58:A:ASP:HA	9	0.17
(1,1082)	1:26:A:THR:HG21	1:57:A:GLY:H	19	0.17
(1,1082)	1:26:A:THR:HG22	1:57:A:GLY:H	19	0.17
(1,1082)	1:26:A:THR:HG23	1:57:A:GLY:H	19	0.17
(1,1080)	1:18:A:LYS:HA	1:56:A:GLY:H	2	0.17
(1,1077)	1:51:A:LEU:H	1:52:A:ARG:HB2	4	0.17
(1,1077)	1:51:A:LEU:H	1:52:A:ARG:HB3	4	0.17
(1,1077)	1:51:A:LEU:H	1:52:A:ARG:HB2	5	0.17
(1,1077)	1:51:A:LEU:H	1:52:A:ARG:HB3	5	0.17
(1,1077)	1:51:A:LEU:H	1:52:A:ARG:HB2	18	0.17
(1,1077)	1:51:A:LEU:H	1:52:A:ARG:HB3	18	0.17
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD11	1:20:A:HIS:H	5	0.17
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD12	1:20:A:HIS:H	5	0.17
(1,1067)	1:17:A:ILE:HD13	1:20:A:HIS:H	5	0.17
(1,1064)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:H	11	0.17
(1,1064)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:H	15	0.17
(1,1064)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:H	17	0.17
(1,1064)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:H	19	0.17
(1,1064)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:H	21	0.17
(1,1064)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:H	23	0.17
(1,1045)	1:27:A:TRP:HB2	1:28:A:LEU:H	7	0.17
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG2	1:19:A:LYS:H	21	0.17
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG3	1:19:A:LYS:H	21	0.17
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	10	0.17
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	10	0.17
(1,1031)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	3	0.17
(1,1014)	1:60:A:THR:HG21	1:62:A:ASN:H	21	0.17
(1,1014)	1:60:A:THR:HG22	1:62:A:ASN:H	21	0.17
(1,1014)	1:60:A:THR:HG23	1:62:A:ASN:H	21	0.17
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	3	0.17
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	3	0.17
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	3	0.17
(1,1011)	1:59:A:ALA:H	1:60:A:THR:HB	18	0.17
(1,1006)	1:11:A:TYR:H	1:11:A:TYR:HE1	2	0.17
(1,1006)	1:11:A:TYR:H	1:11:A:TYR:HE2	2	0.17
(1,1006)	1:11:A:TYR:H	1:11:A:TYR:HE1	7	0.17
(1,1006)	1:11:A:TYR:H	1:11:A:TYR:HE2	7	0.17
(1,1006)	1:11:A:TYR:H	1:11:A:TYR:HE1	22	0.17
(1,1006)	1:11:A:TYR:H	1:11:A:TYR:HE2	22	0.17
(1,1003)	1:6:A:ASP:H	1:7:A:LYS:H	10	0.17
(1,1003)	1:6:A:ASP:H	1:7:A:LYS:H	12	0.17
(1,991)	1:34:A:VAL:HB	1:83:A:GLU:H	19	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,988)	1:33:A:LYS:H	1:83:A:GLU:HA	20	0.17
(1,956)	1:54:A:GLN:HB2	1:54:A:GLN:HE22	4	0.17
(1,953)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HA	20	0.17
(1,941)	1:86:A:PRO:HA	1:88:A:ASP:H	10	0.17
(1,940)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HA	22	0.17
(1,939)	1:86:A:PRO:HD3	1:88:A:ASP:H	10	0.17
(1,879)	1:22:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	13	0.17
(1,868)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:HB2	6	0.17
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	15	0.17
(1,854)	1:10:A:LYS:HA	1:12:A:TYR:H	5	0.17
(1,853)	1:12:A:TYR:H	1:85:A:HIS:HA	2	0.17
(1,844)	1:27:A:TRP:HD1	1:38:A:THR:H	10	0.17
(1,842)	1:38:A:THR:H	1:39:A:LYS:HG2	12	0.17
(1,842)	1:38:A:THR:H	1:39:A:LYS:HG3	12	0.17
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG2	2	0.17
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG3	2	0.17
(1,793)	1:35:A:TYR:HB3	1:80:A:ILE:H	7	0.17
(1,783)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:H	8	0.17
(1,783)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:H	10	0.17
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB1	18	0.17
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB2	18	0.17
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB3	18	0.17
(1,708)	1:27:A:TRP:HA	1:27:A:TRP:HE1	16	0.17
(1,697)	1:81:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:H	3	0.17
(1,668)	1:60:A:THR:HB	1:62:A:ASN:H	2	0.17
(1,654)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG2	8	0.17
(1,654)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG2	20	0.17
(1,625)	1:29:A:ILE:H	1:29:A:ILE:HG22	4	0.17
(1,625)	1:29:A:ILE:H	1:29:A:ILE:HG22	15	0.17
(1,625)	1:29:A:ILE:H	1:29:A:ILE:HG22	18	0.17
(1,602)	1:22:A:HIS:HB2	1:25:A:SER:H	22	0.17
(1,573)	1:40:A:PHE:HB2	1:41:A:LEU:H	3	0.17
(1,570)	1:85:A:HIS:HB3	1:89:A:ARG:H	9	0.17
(1,555)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:HB2	23	0.17
(1,517)	1:73:A:ARG:HA	1:77:A:LYS:H	2	0.17
(1,482)	1:27:A:TRP:HB3	1:28:A:LEU:H	10	0.17
(1,471)	1:13:A:THR:HA	1:16:A:GLU:H	16	0.17
(1,428)	1:60:A:THR:H	1:62:A:ASN:H	19	0.17
(1,403)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:H	3	0.17
(1,395)	1:9:A:VAL:H	1:10:A:LYS:H	19	0.17
(1,376)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:H	2	0.17
(1,358)	1:52:A:ARG:H	1:54:A:GLN:H	4	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,328)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:H	5	0.17
(1,328)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:H	22	0.17
(1,314)	1:70:A:THR:HG21	1:71:A:ASP:H	3	0.17
(1,314)	1:70:A:THR:HG22	1:71:A:ASP:H	3	0.17
(1,314)	1:70:A:THR:HG23	1:71:A:ASP:H	3	0.17
(1,310)	1:65:A:ASP:HA	1:67:A:GLY:H	23	0.17
(1,297)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:H	14	0.17
(1,291)	1:102:A:THR:HB	1:103:A:VAL:H	19	0.17
(1,281)	1:53:A:GLU:HA	1:54:A:GLN:HG2	7	0.17
(1,272)	1:48:A:GLU:HB2	1:49:A:GLU:HA	18	0.17
(1,272)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:HA	18	0.17
(1,262)	1:53:A:GLU:H	1:54:A:GLN:HG2	1	0.17
(1,262)	1:53:A:GLU:H	1:54:A:GLN:HG2	7	0.17
(1,262)	1:53:A:GLU:H	1:54:A:GLN:HG2	21	0.17
(1,234)	1:36:A:ASP:HB2	1:81:A:ILE:HG22	9	0.17
(1,194)	1:81:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:HD12	13	0.17
(1,154)	1:70:A:THR:H	1:70:A:THR:HB	20	0.17
(1,145)	1:52:A:ARG:H	1:52:A:ARG:HD2	1	0.17
(1,145)	1:52:A:ARG:H	1:52:A:ARG:HD3	1	0.17
(1,139)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HB	8	0.17
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD1	2	0.17
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD2	2	0.17
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG2	2	0.17
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG3	2	0.17
(1,123)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HG2	9	0.17
(1,123)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HG3	9	0.17
(1,91)	1:34:A:VAL:HA	1:80:A:ILE:HA	20	0.17
(1,91)	1:34:A:VAL:HA	1:80:A:ILE:HA	22	0.17
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG2	10	0.17
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG3	10	0.17
(1,74)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:H	1	0.17
(1,59)	1:50:A:VAL:HA	1:53:A:GLU:HB3	18	0.17
(1,59)	1:50:A:VAL:HA	1:53:A:GLU:HB2	18	0.17
(1,51)	1:40:A:PHE:HA	1:43:A:GLU:HB3	8	0.17
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB1	6	0.17
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB2	6	0.17
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB3	6	0.17
(1,17)	1:12:A:TYR:HA	1:13:A:THR:HG21	14	0.17
(1,17)	1:12:A:TYR:HA	1:13:A:THR:HG22	14	0.17
(1,17)	1:12:A:TYR:HA	1:13:A:THR:HG23	14	0.17
(1,15)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HA	5	0.17
(1,15)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HA	18	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(3,27)	1:62:A:ASN:H	1:59:A:ALA:O	4	0.16
(3,6)	1:69:A:SER:O	1:72:A:ALA:H	2	0.16
(3,6)	1:69:A:SER:O	1:72:A:ALA:H	6	0.16
(3,4)	1:41:A:LEU:O	1:44:A:HIS:H	5	0.16
(3,4)	1:41:A:LEU:O	1:44:A:HIS:H	14	0.16
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG2	3	0.16
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG3	3	0.16
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG2	3	0.16
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG3	3	0.16
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG2	3	0.16
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG3	3	0.16
(1,1464)	1:37:A:LEU:HB2	1:40:A:PHE:HD1	3	0.16
(1,1464)	1:37:A:LEU:HB3	1:40:A:PHE:HD1	3	0.16
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG21	21	0.16
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG22	21	0.16
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HG23	21	0.16
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG21	21	0.16
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG22	21	0.16
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HG23	21	0.16
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG21	21	0.16
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG22	21	0.16
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HG23	21	0.16
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG21	21	0.16
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG22	21	0.16
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HG23	21	0.16
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG21	21	0.16
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG22	21	0.16
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HG23	21	0.16
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG21	21	0.16
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG22	21	0.16
(1,1450)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HG23	21	0.16
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	19	0.16
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	19	0.16
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	19	0.16
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	19	0.16
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	19	0.16
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	19	0.16
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD11	1:55:A:ALA:H	10	0.16
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD12	1:55:A:ALA:H	10	0.16
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD13	1:55:A:ALA:H	10	0.16
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD21	1:55:A:ALA:H	10	0.16
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD22	1:55:A:ALA:H	10	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD23	1:55:A:ALA:H	10	0.16
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD11	1:55:A:ALA:H	14	0.16
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD12	1:55:A:ALA:H	14	0.16
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD13	1:55:A:ALA:H	14	0.16
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD21	1:55:A:ALA:H	14	0.16
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD22	1:55:A:ALA:H	14	0.16
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD23	1:55:A:ALA:H	14	0.16
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD11	1:55:A:ALA:H	15	0.16
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD12	1:55:A:ALA:H	15	0.16
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD13	1:55:A:ALA:H	15	0.16
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD21	1:55:A:ALA:H	15	0.16
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD22	1:55:A:ALA:H	15	0.16
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD23	1:55:A:ALA:H	15	0.16
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:HE21	8	0.16
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:HE21	8	0.16
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:HE21	8	0.16
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD21	1:54:A:GLN:HE21	8	0.16
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD22	1:54:A:GLN:HE21	8	0.16
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD23	1:54:A:GLN:HE21	8	0.16
(1,1399)	1:28:A:LEU:HB2	1:29:A:ILE:H	2	0.16
(1,1399)	1:28:A:LEU:HB3	1:29:A:ILE:H	2	0.16
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	3	0.16
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	3	0.16
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	3	0.16
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD21	1:15:A:GLU:H	3	0.16
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD22	1:15:A:GLU:H	3	0.16
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD23	1:15:A:GLU:H	3	0.16
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD11	13	0.16
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD12	13	0.16
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD13	13	0.16
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD21	13	0.16
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD22	13	0.16
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD23	13	0.16
(1,1337)	1:30:A:LEU:HG	1:60:A:THR:HA	16	0.16
(1,1330)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:HA	11	0.16
(1,1330)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:HA	11	0.16
(1,1330)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:HA	11	0.16
(1,1325)	1:10:A:LYS:HA	1:10:A:LYS:HE2	19	0.16
(1,1325)	1:10:A:LYS:HA	1:10:A:LYS:HE3	19	0.16
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:HA	5	0.16
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:HA	5	0.16
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:HA	5	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG21	1:81:A:ILE:HD12	15	0.16
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG22	1:81:A:ILE:HD12	15	0.16
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG23	1:81:A:ILE:HD12	15	0.16
(1,1292)	1:81:A:ILE:HB	1:81:A:ILE:HD12	3	0.16
(1,1292)	1:81:A:ILE:HB	1:81:A:ILE:HD12	16	0.16
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	1	0.16
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	1	0.16
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	1	0.16
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	6	0.16
(1,1249)	1:35:A:TYR:HE1	1:79:A:PHE:HB2	8	0.16
(1,1249)	1:35:A:TYR:HE1	1:79:A:PHE:HB3	8	0.16
(1,1249)	1:35:A:TYR:HE2	1:79:A:PHE:HB2	8	0.16
(1,1249)	1:35:A:TYR:HE2	1:79:A:PHE:HB3	8	0.16
(1,1247)	1:30:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD1	23	0.16
(1,1247)	1:30:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD2	23	0.16
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD1	18	0.16
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD2	18	0.16
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	5	0.16
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	20	0.16
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB1	1:62:A:ASN:HD22	19	0.16
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB2	1:62:A:ASN:HD22	19	0.16
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB3	1:62:A:ASN:HD22	19	0.16
(1,1201)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:HA3	11	0.16
(1,1201)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:HA3	11	0.16
(1,1196)	1:12:A:TYR:HA	1:12:A:TYR:HE1	19	0.16
(1,1196)	1:12:A:TYR:HA	1:12:A:TYR:HE2	19	0.16
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG11	1:82:A:GLY:H	13	0.16
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG12	1:82:A:GLY:H	13	0.16
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG13	1:82:A:GLY:H	13	0.16
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG11	1:82:A:GLY:H	19	0.16
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG12	1:82:A:GLY:H	19	0.16
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG13	1:82:A:GLY:H	19	0.16
(1,1123)	1:37:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:H	13	0.16
(1,1118)	1:34:A:VAL:H	1:81:A:ILE:H	3	0.16
(1,1110)	1:15:A:GLU:HB2	1:18:A:LYS:H	4	0.16
(1,1110)	1:15:A:GLU:HB3	1:18:A:LYS:H	4	0.16
(1,1110)	1:15:A:GLU:HB2	1:18:A:LYS:H	6	0.16
(1,1110)	1:15:A:GLU:HB3	1:18:A:LYS:H	6	0.16
(1,1109)	1:16:A:GLU:HB3	1:18:A:LYS:H	10	0.16
(1,1106)	1:13:A:THR:H	1:15:A:GLU:H	22	0.16
(1,1095)	1:35:A:TYR:H	1:82:A:GLY:H	20	0.16
(1,1090)	1:60:A:THR:HB	1:63:A:PHE:H	8	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	8	0.16
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:TYR:H	23	0.16
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:TYR:H	23	0.16
(1,1066)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:TYR:H	23	0.16
(1,1064)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:H	16	0.16
(1,1047)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HE2	8	0.16
(1,1047)	1:7:A:LYS:H	1:7:A:LYS:HE3	8	0.16
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG2	1:19:A:LYS:H	8	0.16
(1,1042)	1:16:A:GLU:HG3	1:19:A:LYS:H	8	0.16
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	8	0.16
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	8	0.16
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	12	0.16
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	12	0.16
(1,1032)	1:9:A:VAL:HG11	1:83:A:GLU:H	2	0.16
(1,1032)	1:9:A:VAL:HG12	1:83:A:GLU:H	2	0.16
(1,1032)	1:9:A:VAL:HG13	1:83:A:GLU:H	2	0.16
(1,1022)	1:72:A:ALA:HA	1:76:A:SER:H	1	0.16
(1,1014)	1:60:A:THR:HG21	1:62:A:ASN:H	2	0.16
(1,1014)	1:60:A:THR:HG22	1:62:A:ASN:H	2	0.16
(1,1014)	1:60:A:THR:HG23	1:62:A:ASN:H	2	0.16
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	22	0.16
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	22	0.16
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	22	0.16
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:H	20	0.16
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:H	20	0.16
(1,1012)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:H	20	0.16
(1,1006)	1:11:A:TYR:H	1:11:A:TYR:HE1	13	0.16
(1,1006)	1:11:A:TYR:H	1:11:A:TYR:HE2	13	0.16
(1,997)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HG21	2	0.16
(1,997)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HG22	2	0.16
(1,997)	1:77:A:LYS:H	1:78:A:THR:HG23	2	0.16
(1,988)	1:33:A:LYS:H	1:83:A:GLU:HA	11	0.16
(1,955)	1:53:A:GLU:HB2	1:54:A:GLN:HE22	7	0.16
(1,939)	1:86:A:PRO:HD3	1:88:A:ASP:H	7	0.16
(1,897)	1:36:A:ASP:H	1:79:A:PHE:H	17	0.16
(1,877)	1:22:A:HIS:HB3	1:25:A:SER:H	13	0.16
(1,876)	1:22:A:HIS:HA	1:24:A:LYS:H	2	0.16
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	12	0.16
(1,870)	1:21:A:ASN:H	1:26:A:THR:HA	1	0.16
(1,868)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:HB2	7	0.16
(1,862)	1:17:A:ILE:HG22	1:18:A:LYS:H	20	0.16
(1,856)	1:10:A:LYS:HG2	1:12:A:TYR:H	20	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,855)	1:12:A:TYR:H	1:82:A:GLY:HA2	20	0.16
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG2	10	0.16
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG3	10	0.16
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG2	21	0.16
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG3	21	0.16
(1,826)	1:102:A:THR:HG21	1:103:A:VAL:H	15	0.16
(1,826)	1:102:A:THR:HG22	1:103:A:VAL:H	15	0.16
(1,826)	1:102:A:THR:HG23	1:103:A:VAL:H	15	0.16
(1,804)	1:79:A:PHE:H	1:80:A:ILE:HB	15	0.16
(1,788)	1:70:A:THR:HA	1:72:A:ALA:H	3	0.16
(1,788)	1:70:A:THR:HA	1:72:A:ALA:H	15	0.16
(1,785)	1:61:A:GLU:H	1:64:A:GLU:H	9	0.16
(1,782)	1:28:A:LEU:HA	1:57:A:GLY:H	16	0.16
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB1	4	0.16
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB2	4	0.16
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB3	4	0.16
(1,770)	1:49:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:H	21	0.16
(1,766)	1:52:A:ARG:H	1:53:A:GLU:HG2	13	0.16
(1,759)	1:48:A:GLU:H	1:49:A:GLU:HA	14	0.16
(1,670)	1:60:A:THR:HG21	1:63:A:PHE:H	12	0.16
(1,670)	1:60:A:THR:HG22	1:63:A:PHE:H	12	0.16
(1,670)	1:60:A:THR:HG23	1:63:A:PHE:H	12	0.16
(1,637)	1:35:A:TYR:HB3	1:37:A:LEU:H	12	0.16
(1,625)	1:29:A:ILE:H	1:29:A:ILE:HG22	1	0.16
(1,625)	1:29:A:ILE:H	1:29:A:ILE:HG22	3	0.16
(1,625)	1:29:A:ILE:H	1:29:A:ILE:HG22	12	0.16
(1,625)	1:29:A:ILE:H	1:29:A:ILE:HG22	21	0.16
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	2	0.16
(1,573)	1:40:A:PHE:HB2	1:41:A:LEU:H	8	0.16
(1,555)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:HB2	15	0.16
(1,550)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:HG21	7	0.16
(1,539)	1:17:A:ILE:HD11	1:56:A:GLY:H	8	0.16
(1,539)	1:17:A:ILE:HD12	1:56:A:GLY:H	8	0.16
(1,539)	1:17:A:ILE:HD13	1:56:A:GLY:H	8	0.16
(1,532)	1:9:A:VAL:H	1:10:A:LYS:HA	18	0.16
(1,495)	1:15:A:GLU:H	1:18:A:LYS:H	23	0.16
(1,490)	1:27:A:TRP:H	1:55:A:ALA:HA	3	0.16
(1,490)	1:27:A:TRP:H	1:55:A:ALA:HA	16	0.16
(1,477)	1:14:A:LEU:HA	1:18:A:LYS:H	5	0.16
(1,474)	1:9:A:VAL:HG21	1:10:A:LYS:H	1	0.16
(1,474)	1:9:A:VAL:HG22	1:10:A:LYS:H	1	0.16
(1,474)	1:9:A:VAL:HG23	1:10:A:LYS:H	1	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,474)	1:9:A:VAL:HG21	1:10:A:LYS:H	14	0.16
(1,474)	1:9:A:VAL:HG22	1:10:A:LYS:H	14	0.16
(1,474)	1:9:A:VAL:HG23	1:10:A:LYS:H	14	0.16
(1,474)	1:9:A:VAL:HG21	1:10:A:LYS:H	19	0.16
(1,474)	1:9:A:VAL:HG22	1:10:A:LYS:H	19	0.16
(1,474)	1:9:A:VAL:HG23	1:10:A:LYS:H	19	0.16
(1,470)	1:13:A:THR:HA	1:15:A:GLU:H	2	0.16
(1,437)	1:12:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:H	9	0.16
(1,437)	1:12:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:H	9	0.16
(1,405)	1:62:A:ASN:H	1:64:A:GLU:H	3	0.16
(1,405)	1:62:A:ASN:H	1:64:A:GLU:H	20	0.16
(1,403)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:H	8	0.16
(1,393)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	2	0.16
(1,393)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	23	0.16
(1,351)	1:50:A:VAL:H	1:52:A:ARG:H	9	0.16
(1,328)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:H	23	0.16
(1,310)	1:65:A:ASP:HA	1:67:A:GLY:H	7	0.16
(1,304)	1:59:A:ALA:HA	1:63:A:PHE:H	18	0.16
(1,297)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:H	16	0.16
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG21	4	0.16
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG22	4	0.16
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG23	4	0.16
(1,281)	1:53:A:GLU:HA	1:54:A:GLN:HG2	1	0.16
(1,262)	1:53:A:GLU:H	1:54:A:GLN:HG2	12	0.16
(1,254)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HA	6	0.16
(1,254)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HA	6	0.16
(1,254)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HA	6	0.16
(1,236)	1:95:A:PRO:HD3	1:96:A:MET:H	11	0.16
(1,236)	1:95:A:PRO:HD3	1:96:A:MET:H	16	0.16
(1,235)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	20	0.16
(1,193)	1:36:A:ASP:HB3	1:81:A:ILE:HG22	12	0.16
(1,176)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HA	14	0.16
(1,176)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HA	20	0.16
(1,157)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:H	23	0.16
(1,156)	1:41:A:LEU:HB2	1:48:A:GLU:HB2	10	0.16
(1,145)	1:52:A:ARG:H	1:52:A:ARG:HD2	13	0.16
(1,145)	1:52:A:ARG:H	1:52:A:ARG:HD3	13	0.16
(1,121)	1:79:A:PHE:HA	1:81:A:ILE:HG23	17	0.16
(1,91)	1:34:A:VAL:HA	1:80:A:ILE:HA	7	0.16
(1,91)	1:34:A:VAL:HA	1:80:A:ILE:HA	13	0.16
(1,82)	1:74:A:GLU:HA	1:74:A:GLU:HG3	23	0.16
(1,61)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HA	12	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,59)	1:50:A:VAL:HA	1:53:A:GLU:HB3	17	0.16
(1,59)	1:50:A:VAL:HA	1:53:A:GLU:HB2	17	0.16
(1,35)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HG21	8	0.16
(1,35)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HG22	8	0.16
(1,35)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HG23	8	0.16
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB1	19	0.16
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB2	19	0.16
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB3	19	0.16
(1,15)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HA	16	0.16
(3,24)	1:55:A:ALA:H	1:52:A:ARG:O	15	0.15
(3,24)	1:55:A:ALA:H	1:52:A:ARG:O	17	0.15
(3,19)	1:40:A:PHE:O	1:44:A:HIS:H	16	0.15
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB2	1:98:A:THR:H	13	0.15
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB3	1:98:A:THR:H	13	0.15
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB2	1:98:A:THR:H	14	0.15
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB3	1:98:A:THR:H	14	0.15
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB2	1:89:A:ARG:HG2	10	0.15
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB2	1:89:A:ARG:HG3	10	0.15
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB3	1:89:A:ARG:HG2	10	0.15
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB3	1:89:A:ARG:HG3	10	0.15
(1,1465)	1:37:A:LEU:HB2	1:41:A:LEU:H	13	0.15
(1,1465)	1:37:A:LEU:HB3	1:41:A:LEU:H	13	0.15
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD11	1:62:A:ASN:H	9	0.15
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD12	1:62:A:ASN:H	9	0.15
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD13	1:62:A:ASN:H	9	0.15
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD21	1:62:A:ASN:H	9	0.15
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD22	1:62:A:ASN:H	9	0.15
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD23	1:62:A:ASN:H	9	0.15
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD11	1:61:A:GLU:H	21	0.15
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD12	1:61:A:GLU:H	21	0.15
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD13	1:61:A:GLU:H	21	0.15
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD21	1:61:A:GLU:H	21	0.15
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD22	1:61:A:GLU:H	21	0.15
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD23	1:61:A:GLU:H	21	0.15
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD1	6	0.15
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD2	6	0.15
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD1	6	0.15
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD2	6	0.15
(1,1399)	1:28:A:LEU:HB2	1:29:A:ILE:H	14	0.15
(1,1399)	1:28:A:LEU:HB3	1:29:A:ILE:H	14	0.15
(1,1399)	1:28:A:LEU:HB2	1:29:A:ILE:H	17	0.15
(1,1399)	1:28:A:LEU:HB3	1:29:A:ILE:H	17	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1393)	1:25:A:SER:H	1:25:A:SER:HB2	19	0.15
(1,1393)	1:25:A:SER:H	1:25:A:SER:HB3	19	0.15
(1,1387)	1:22:A:HIS:HA	1:23:A:SER:HB2	21	0.15
(1,1387)	1:22:A:HIS:HA	1:23:A:SER:HB3	21	0.15
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB2	1	0.15
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB3	1	0.15
(1,1383)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:HA2	10	0.15
(1,1383)	1:21:A:ASN:HA	1:56:A:GLY:HA3	10	0.15
(1,1365)	1:14:A:LEU:HD11	1:17:A:ILE:H	14	0.15
(1,1365)	1:14:A:LEU:HD12	1:17:A:ILE:H	14	0.15
(1,1365)	1:14:A:LEU:HD13	1:17:A:ILE:H	14	0.15
(1,1365)	1:14:A:LEU:HD21	1:17:A:ILE:H	14	0.15
(1,1365)	1:14:A:LEU:HD22	1:17:A:ILE:H	14	0.15
(1,1365)	1:14:A:LEU:HD23	1:17:A:ILE:H	14	0.15
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	19	0.15
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	19	0.15
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	19	0.15
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD21	1:15:A:GLU:H	19	0.15
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD22	1:15:A:GLU:H	19	0.15
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD23	1:15:A:GLU:H	19	0.15
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD11	14	0.15
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD12	14	0.15
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD13	14	0.15
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD21	14	0.15
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD22	14	0.15
(1,1359)	1:14:A:LEU:H	1:14:A:LEU:HD23	14	0.15
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	5	0.15
(1,1346)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:VAL:H	5	0.15
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:HA	1	0.15
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:HA	1	0.15
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:HA	1	0.15
(1,1312)	1:52:A:ARG:HD2	1:53:A:GLU:HB3	10	0.15
(1,1312)	1:52:A:ARG:HD3	1:53:A:GLU:HB3	10	0.15
(1,1292)	1:81:A:ILE:HB	1:81:A:ILE:HD12	5	0.15
(1,1292)	1:81:A:ILE:HB	1:81:A:ILE:HD12	17	0.15
(1,1292)	1:81:A:ILE:HB	1:81:A:ILE:HD12	23	0.15
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	11	0.15
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	11	0.15
(1,1289)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	11	0.15
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	7	0.15
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	7	0.15
(1,1287)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	7	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD11	1:48:A:GLU:HA	15	0.15
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD12	1:48:A:GLU:HA	15	0.15
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD13	1:48:A:GLU:HA	15	0.15
(1,1255)	1:12:A:TYR:HE1	1:17:A:ILE:HG22	23	0.15
(1,1255)	1:12:A:TYR:HE2	1:17:A:ILE:HG22	23	0.15
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE1	21	0.15
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:TYR:HE2	21	0.15
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE1	21	0.15
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:TYR:HE2	21	0.15
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE1	21	0.15
(1,1254)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:TYR:HE2	21	0.15
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG11	6	0.15
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG12	6	0.15
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG13	6	0.15
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD1	7	0.15
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD2	7	0.15
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD1	12	0.15
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD2	12	0.15
(1,1232)	1:35:A:TYR:HB2	1:79:A:PHE:HD1	2	0.15
(1,1232)	1:35:A:TYR:HB2	1:79:A:PHE:HD2	2	0.15
(1,1216)	1:35:A:TYR:HD1	1:80:A:ILE:H	14	0.15
(1,1216)	1:35:A:TYR:HD2	1:80:A:ILE:H	14	0.15
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD1	1:27:A:TRP:HH2	12	0.15
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD2	1:27:A:TRP:HH2	12	0.15
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE1	15	0.15
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE2	15	0.15
(1,1206)	1:35:A:TYR:HD1	1:77:A:LYS:HA	23	0.15
(1,1206)	1:35:A:TYR:HD2	1:77:A:LYS:HA	23	0.15
(1,1196)	1:12:A:TYR:HA	1:12:A:TYR:HE1	18	0.15
(1,1196)	1:12:A:TYR:HA	1:12:A:TYR:HE2	18	0.15
(1,1188)	1:30:A:LEU:HB2	1:31:A:HIS:HD2	20	0.15
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD1	1:17:A:ILE:HG21	12	0.15
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD2	1:17:A:ILE:HG21	12	0.15
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG11	1:82:A:GLY:H	22	0.15
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG12	1:82:A:GLY:H	22	0.15
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG13	1:82:A:GLY:H	22	0.15
(1,1126)	1:60:A:THR:H	1:61:A:GLU:HB3	9	0.15
(1,1124)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB3	20	0.15
(1,1109)	1:16:A:GLU:HB3	1:18:A:LYS:H	9	0.15
(1,1096)	1:33:A:LYS:HA	1:82:A:GLY:H	7	0.15
(1,1085)	1:57:A:GLY:H	1:58:A:ASP:HA	8	0.15
(1,1085)	1:57:A:GLY:H	1:58:A:ASP:HA	21	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1085)	1:57:A:GLY:H	1:58:A:ASP:HA	22	0.15
(1,1062)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:HB2	16	0.15
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD21	1:53:A:GLU:H	10	0.15
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD22	1:53:A:GLU:H	10	0.15
(1,1049)	1:41:A:LEU:HD23	1:53:A:GLU:H	10	0.15
(1,1044)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HA	13	0.15
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	7	0.15
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	7	0.15
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG21	1:85:A:HIS:H	6	0.15
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG22	1:85:A:HIS:H	6	0.15
(1,1033)	1:34:A:VAL:HG23	1:85:A:HIS:H	6	0.15
(1,1031)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	12	0.15
(1,1021)	1:76:A:SER:H	1:77:A:LYS:HB2	1	0.15
(1,1014)	1:60:A:THR:HG21	1:62:A:ASN:H	23	0.15
(1,1014)	1:60:A:THR:HG22	1:62:A:ASN:H	23	0.15
(1,1014)	1:60:A:THR:HG23	1:62:A:ASN:H	23	0.15
(1,1003)	1:6:A:ASP:H	1:7:A:LYS:H	15	0.15
(1,985)	1:41:A:LEU:HD21	1:52:A:ARG:H	7	0.15
(1,985)	1:41:A:LEU:HD22	1:52:A:ARG:H	7	0.15
(1,985)	1:41:A:LEU:HD23	1:52:A:ARG:H	7	0.15
(1,985)	1:41:A:LEU:HD21	1:52:A:ARG:H	11	0.15
(1,985)	1:41:A:LEU:HD22	1:52:A:ARG:H	11	0.15
(1,985)	1:41:A:LEU:HD23	1:52:A:ARG:H	11	0.15
(1,962)	1:54:A:GLN:HB3	1:54:A:GLN:HE21	14	0.15
(1,954)	1:53:A:GLU:HG2	1:54:A:GLN:HE22	3	0.15
(1,954)	1:53:A:GLU:HG3	1:54:A:GLN:HE22	3	0.15
(1,940)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HA	21	0.15
(1,934)	1:14:A:LEU:H	1:85:A:HIS:H	8	0.15
(1,900)	1:38:A:THR:HG21	1:40:A:PHE:H	3	0.15
(1,900)	1:38:A:THR:HG22	1:40:A:PHE:H	3	0.15
(1,900)	1:38:A:THR:HG23	1:40:A:PHE:H	3	0.15
(1,900)	1:38:A:THR:HG21	1:40:A:PHE:H	4	0.15
(1,900)	1:38:A:THR:HG22	1:40:A:PHE:H	4	0.15
(1,900)	1:38:A:THR:HG23	1:40:A:PHE:H	4	0.15
(1,897)	1:36:A:ASP:H	1:79:A:PHE:H	14	0.15
(1,876)	1:22:A:HIS:HA	1:24:A:LYS:H	18	0.15
(1,850)	1:11:A:TYR:H	1:83:A:GLU:H	13	0.15
(1,836)	1:77:A:LYS:HB3	1:80:A:ILE:H	13	0.15
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG2	15	0.15
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG3	15	0.15
(1,797)	1:34:A:VAL:HG21	1:82:A:GLY:H	1	0.15
(1,797)	1:34:A:VAL:HG22	1:82:A:GLY:H	1	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,797)	1:34:A:VAL:HG23	1:82:A:GLY:H	1	0.15
(1,797)	1:34:A:VAL:HG21	1:82:A:GLY:H	14	0.15
(1,797)	1:34:A:VAL:HG22	1:82:A:GLY:H	14	0.15
(1,797)	1:34:A:VAL:HG23	1:82:A:GLY:H	14	0.15
(1,793)	1:35:A:TYR:HB3	1:80:A:ILE:H	5	0.15
(1,785)	1:61:A:GLU:H	1:64:A:GLU:H	8	0.15
(1,755)	1:43:A:GLU:HB3	1:44:A:HIS:H	23	0.15
(1,737)	1:33:A:LYS:HG2	1:34:A:VAL:H	11	0.15
(1,737)	1:33:A:LYS:HG3	1:34:A:VAL:H	11	0.15
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB1	10	0.15
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB2	10	0.15
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB3	10	0.15
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE2	18	0.15
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE3	18	0.15
(1,654)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG2	23	0.15
(1,637)	1:35:A:TYR:HB3	1:37:A:LEU:H	10	0.15
(1,625)	1:29:A:ILE:H	1:29:A:ILE:HG22	8	0.15
(1,625)	1:29:A:ILE:H	1:29:A:ILE:HG22	13	0.15
(1,625)	1:29:A:ILE:H	1:29:A:ILE:HG22	20	0.15
(1,573)	1:40:A:PHE:HB2	1:41:A:LEU:H	9	0.15
(1,553)	1:13:A:THR:HG21	1:85:A:HIS:H	12	0.15
(1,553)	1:13:A:THR:HG22	1:85:A:HIS:H	12	0.15
(1,553)	1:13:A:THR:HG23	1:85:A:HIS:H	12	0.15
(1,540)	1:17:A:ILE:HD11	1:57:A:GLY:H	5	0.15
(1,540)	1:17:A:ILE:HD12	1:57:A:GLY:H	5	0.15
(1,540)	1:17:A:ILE:HD13	1:57:A:GLY:H	5	0.15
(1,517)	1:73:A:ARG:HA	1:77:A:LYS:H	21	0.15
(1,494)	1:12:A:TYR:H	1:84:A:LEU:HA	16	0.15
(1,485)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	13	0.15
(1,485)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	13	0.15
(1,485)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	13	0.15
(1,473)	1:9:A:VAL:H	1:9:A:VAL:HG11	3	0.15
(1,473)	1:9:A:VAL:H	1:9:A:VAL:HG12	3	0.15
(1,473)	1:9:A:VAL:H	1:9:A:VAL:HG13	3	0.15
(1,471)	1:13:A:THR:HA	1:16:A:GLU:H	1	0.15
(1,471)	1:13:A:THR:HA	1:16:A:GLU:H	3	0.15
(1,447)	1:12:A:TYR:HE1	1:82:A:GLY:H	14	0.15
(1,447)	1:12:A:TYR:HE2	1:82:A:GLY:H	14	0.15
(1,421)	1:10:A:LYS:H	1:83:A:GLU:H	3	0.15
(1,405)	1:62:A:ASN:H	1:64:A:GLU:H	23	0.15
(1,393)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	20	0.15
(1,379)	1:22:A:HIS:H	1:24:A:LYS:H	17	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,376)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:H	1	0.15
(1,366)	1:52:A:ARG:HA	1:55:A:ALA:H	2	0.15
(1,356)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:H	14	0.15
(1,356)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:H	16	0.15
(1,325)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:H	3	0.15
(1,325)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:H	13	0.15
(1,296)	1:40:A:PHE:HA	1:44:A:HIS:H	18	0.15
(1,283)	1:41:A:LEU:HA	1:48:A:GLU:HA	19	0.15
(1,238)	1:103:A:VAL:HA	1:104:A:ASP:H	4	0.15
(1,236)	1:95:A:PRO:HD3	1:96:A:MET:H	14	0.15
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG21	22	0.15
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG22	22	0.15
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG23	22	0.15
(1,190)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:HB1	1	0.15
(1,190)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:HB2	1	0.15
(1,190)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:HB3	1	0.15
(1,190)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:HB1	1	0.15
(1,190)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:HB2	1	0.15
(1,190)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:HB3	1	0.15
(1,190)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:HB1	1	0.15
(1,190)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:HB2	1	0.15
(1,190)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:HB3	1	0.15
(1,176)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HA	21	0.15
(1,174)	1:69:A:SER:HB3	1:71:A:ASP:H	16	0.15
(1,154)	1:70:A:THR:H	1:70:A:THR:HB	21	0.15
(1,145)	1:52:A:ARG:H	1:52:A:ARG:HD2	3	0.15
(1,145)	1:52:A:ARG:H	1:52:A:ARG:HD3	3	0.15
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD1	22	0.15
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD2	22	0.15
(1,133)	1:9:A:VAL:H	1:9:A:VAL:HB	1	0.15
(1,131)	1:9:A:VAL:HB	1:82:A:GLY:HA2	9	0.15
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG2	21	0.15
(1,125)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HG3	21	0.15
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG2	21	0.15
(1,125)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HG3	21	0.15
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG2	21	0.15
(1,125)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HG3	21	0.15
(1,121)	1:79:A:PHE:HA	1:81:A:ILE:HG23	4	0.15
(1,115)	1:41:A:LEU:HB3	1:51:A:LEU:HB2	22	0.15
(1,115)	1:41:A:LEU:HB3	1:51:A:LEU:HB3	22	0.15
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG2	3	0.15
(1,86)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HG3	3	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,64)	1:52:A:ARG:HA	1:55:A:ALA:HA	6	0.15
(1,59)	1:50:A:VAL:HA	1:53:A:GLU:HB3	13	0.15
(1,59)	1:50:A:VAL:HA	1:53:A:GLU:HB2	13	0.15
(1,51)	1:40:A:PHE:HA	1:43:A:GLU:HB3	19	0.15
(1,51)	1:40:A:PHE:HA	1:43:A:GLU:HB3	21	0.15
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD2	9	0.15
(1,36)	1:24:A:LYS:HA	1:24:A:LYS:HD3	9	0.15
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB1	2	0.15
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB2	2	0.15
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB3	2	0.15
(1,26)	1:15:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE2	9	0.15
(1,26)	1:15:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HE3	9	0.15
(1,6)	1:7:A:LYS:HA	1:7:A:LYS:HE2	3	0.15
(1,6)	1:7:A:LYS:HA	1:7:A:LYS:HE3	3	0.15
(3,39)	1:77:A:LYS:H	1:74:A:GLU:O	6	0.14
(3,35)	1:83:A:GLU:H	1:10:A:LYS:O	17	0.14
(3,24)	1:55:A:ALA:H	1:52:A:ARG:O	5	0.14
(3,24)	1:55:A:ALA:H	1:52:A:ARG:O	16	0.14
(3,16)	1:72:A:ALA:O	1:76:A:SER:H	4	0.14
(3,10)	1:19:A:LYS:H	1:16:A:GLU:O	7	0.14
(3,6)	1:69:A:SER:O	1:72:A:ALA:H	12	0.14
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB2	1:98:A:THR:H	21	0.14
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB3	1:98:A:THR:H	21	0.14
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB2	1:89:A:ARG:HG2	12	0.14
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB2	1:89:A:ARG:HG3	12	0.14
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB3	1:89:A:ARG:HG2	12	0.14
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB3	1:89:A:ARG:HG3	12	0.14
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD2	4	0.14
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	4	0.14
(1,1543)	1:83:A:GLU:HB3	1:84:A:LEU:HB2	9	0.14
(1,1543)	1:83:A:GLU:HB3	1:84:A:LEU:HB3	9	0.14
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG2	2	0.14
(1,1525)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HG3	2	0.14
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG2	2	0.14
(1,1525)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HG3	2	0.14
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG2	2	0.14
(1,1525)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HG3	2	0.14
(1,1523)	1:70:A:THR:HB	1:71:A:ASP:HB2	20	0.14
(1,1523)	1:70:A:THR:HB	1:71:A:ASP:HB3	20	0.14
(1,1514)	1:64:A:GLU:HB2	1:66:A:VAL:H	12	0.14
(1,1514)	1:64:A:GLU:HB3	1:66:A:VAL:H	12	0.14
(1,1496)	1:60:A:THR:HG21	1:64:A:GLU:HB2	9	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1496)	1:60:A:THR:HG21	1:64:A:GLU:HB3	9	0.14
(1,1496)	1:60:A:THR:HG22	1:64:A:GLU:HB2	9	0.14
(1,1496)	1:60:A:THR:HG22	1:64:A:GLU:HB3	9	0.14
(1,1496)	1:60:A:THR:HG23	1:64:A:GLU:HB2	9	0.14
(1,1496)	1:60:A:THR:HG23	1:64:A:GLU:HB3	9	0.14
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD11	1:61:A:GLU:H	4	0.14
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD12	1:61:A:GLU:H	4	0.14
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD13	1:61:A:GLU:H	4	0.14
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD21	1:61:A:GLU:H	4	0.14
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD22	1:61:A:GLU:H	4	0.14
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD23	1:61:A:GLU:H	4	0.14
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB2	20	0.14
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB3	20	0.14
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD11	1:55:A:ALA:H	4	0.14
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD12	1:55:A:ALA:H	4	0.14
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD13	1:55:A:ALA:H	4	0.14
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD21	1:55:A:ALA:H	4	0.14
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD22	1:55:A:ALA:H	4	0.14
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD23	1:55:A:ALA:H	4	0.14
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:H	20	0.14
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:H	20	0.14
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:H	20	0.14
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD21	1:54:A:GLN:H	20	0.14
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD22	1:54:A:GLN:H	20	0.14
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD23	1:54:A:GLN:H	20	0.14
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:H	12	0.14
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:H	12	0.14
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:H	12	0.14
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	12	0.14
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	12	0.14
(1,1413)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	12	0.14
(1,1406)	1:28:A:LEU:HB2	1:57:A:GLY:H	5	0.14
(1,1406)	1:28:A:LEU:HB3	1:57:A:GLY:H	5	0.14
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD1	21	0.14
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD2	21	0.14
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD1	21	0.14
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD2	21	0.14
(1,1393)	1:25:A:SER:H	1:25:A:SER:HB2	12	0.14
(1,1393)	1:25:A:SER:H	1:25:A:SER:HB3	12	0.14
(1,1387)	1:22:A:HIS:HA	1:23:A:SER:HB2	11	0.14
(1,1387)	1:22:A:HIS:HA	1:23:A:SER:HB3	11	0.14
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:HA	14	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:HA	14	0.14
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:HA	14	0.14
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:HA	17	0.14
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:HA	17	0.14
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:HA	17	0.14
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG2	1:52:A:ARG:HD2	22	0.14
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG2	1:52:A:ARG:HD3	22	0.14
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG3	1:52:A:ARG:HD2	22	0.14
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG3	1:52:A:ARG:HD3	22	0.14
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD2	7	0.14
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD3	7	0.14
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD2	7	0.14
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD3	7	0.14
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD2	7	0.14
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD3	7	0.14
(1,1292)	1:81:A:ILE:HB	1:81:A:ILE:HD12	4	0.14
(1,1281)	1:36:A:ASP:HB2	1:81:A:ILE:HD12	8	0.14
(1,1281)	1:36:A:ASP:HB3	1:81:A:ILE:HD12	8	0.14
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD11	1:48:A:GLU:HA	9	0.14
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD12	1:48:A:GLU:HA	9	0.14
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD13	1:48:A:GLU:HA	9	0.14
(1,1250)	1:78:A:THR:HG21	1:79:A:PHE:HZ	11	0.14
(1,1250)	1:78:A:THR:HG22	1:79:A:PHE:HZ	11	0.14
(1,1250)	1:78:A:THR:HG23	1:79:A:PHE:HZ	11	0.14
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG11	15	0.14
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG12	15	0.14
(1,1244)	1:27:A:TRP:HH2	1:34:A:VAL:HG13	15	0.14
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	18	0.14
(1,1236)	1:27:A:TRP:HD1	1:36:A:ASP:HB3	18	0.14
(1,1235)	1:27:A:TRP:HD1	1:81:A:ILE:HG23	8	0.14
(1,1224)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HZ3	19	0.14
(1,1218)	1:12:A:TYR:HE1	1:27:A:TRP:HH2	1	0.14
(1,1218)	1:12:A:TYR:HE2	1:27:A:TRP:HH2	1	0.14
(1,1216)	1:35:A:TYR:HD1	1:80:A:ILE:H	21	0.14
(1,1216)	1:35:A:TYR:HD2	1:80:A:ILE:H	21	0.14
(1,1209)	1:31:A:HIS:HA	1:31:A:HIS:HD2	3	0.14
(1,1209)	1:31:A:HIS:HA	1:31:A:HIS:HD2	16	0.14
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD1	1:86:A:PRO:HD2	8	0.14
(1,1174)	1:11:A:TYR:HD2	1:86:A:PRO:HD2	8	0.14
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE1	16	0.14
(1,1169)	1:40:A:PHE:HB3	1:79:A:PHE:HE2	16	0.14
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE2	1:12:A:TYR:HE1	11	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE2	1:12:A:TYR:HE2	11	0.14
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE3	1:12:A:TYR:HE1	11	0.14
(1,1166)	1:10:A:LYS:HE3	1:12:A:TYR:HE2	11	0.14
(1,1156)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	16	0.14
(1,1156)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	16	0.14
(1,1156)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	16	0.14
(1,1149)	1:30:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HE1	3	0.14
(1,1149)	1:30:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HE2	3	0.14
(1,1140)	1:17:A:ILE:HG21	1:27:A:TRP:HE3	23	0.14
(1,1134)	1:54:A:GLN:HE21	1:59:A:ALA:HA	6	0.14
(1,1124)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB3	23	0.14
(1,1097)	1:9:A:VAL:HB	1:82:A:GLY:H	1	0.14
(1,1085)	1:57:A:GLY:H	1:58:A:ASP:HA	20	0.14
(1,1083)	1:54:A:GLN:HB2	1:57:A:GLY:H	5	0.14
(1,1080)	1:18:A:LYS:HA	1:56:A:GLY:H	19	0.14
(1,1052)	1:28:A:LEU:H	1:56:A:GLY:H	23	0.14
(1,1040)	1:16:A:GLU:HB3	1:19:A:LYS:H	6	0.14
(1,1014)	1:60:A:THR:HG21	1:62:A:ASN:H	10	0.14
(1,1014)	1:60:A:THR:HG22	1:62:A:ASN:H	10	0.14
(1,1014)	1:60:A:THR:HG23	1:62:A:ASN:H	10	0.14
(1,1014)	1:60:A:THR:HG21	1:62:A:ASN:H	19	0.14
(1,1014)	1:60:A:THR:HG22	1:62:A:ASN:H	19	0.14
(1,1014)	1:60:A:THR:HG23	1:62:A:ASN:H	19	0.14
(1,987)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:H	6	0.14
(1,985)	1:41:A:LEU:HD21	1:52:A:ARG:H	17	0.14
(1,985)	1:41:A:LEU:HD22	1:52:A:ARG:H	17	0.14
(1,985)	1:41:A:LEU:HD23	1:52:A:ARG:H	17	0.14
(1,967)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD21	21	0.14
(1,965)	1:62:A:ASN:HA	1:62:A:ASN:HD21	14	0.14
(1,964)	1:54:A:GLN:HB2	1:54:A:GLN:HE21	6	0.14
(1,955)	1:53:A:GLU:HB2	1:54:A:GLN:HE22	21	0.14
(1,953)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HA	6	0.14
(1,941)	1:86:A:PRO:HA	1:88:A:ASP:H	7	0.14
(1,900)	1:38:A:THR:HG21	1:40:A:PHE:H	14	0.14
(1,900)	1:38:A:THR:HG22	1:40:A:PHE:H	14	0.14
(1,900)	1:38:A:THR:HG23	1:40:A:PHE:H	14	0.14
(1,900)	1:38:A:THR:HG21	1:40:A:PHE:H	16	0.14
(1,900)	1:38:A:THR:HG22	1:40:A:PHE:H	16	0.14
(1,900)	1:38:A:THR:HG23	1:40:A:PHE:H	16	0.14
(1,900)	1:38:A:THR:HG21	1:40:A:PHE:H	19	0.14
(1,900)	1:38:A:THR:HG22	1:40:A:PHE:H	19	0.14
(1,900)	1:38:A:THR:HG23	1:40:A:PHE:H	19	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,900)	1:38:A:THR:HG21	1:40:A:PHE:H	22	0.14
(1,900)	1:38:A:THR:HG22	1:40:A:PHE:H	22	0.14
(1,900)	1:38:A:THR:HG23	1:40:A:PHE:H	22	0.14
(1,897)	1:36:A:ASP:H	1:79:A:PHE:H	16	0.14
(1,879)	1:22:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	23	0.14
(1,862)	1:17:A:ILE:HG22	1:18:A:LYS:H	12	0.14
(1,862)	1:17:A:ILE:HG22	1:18:A:LYS:H	18	0.14
(1,857)	1:13:A:THR:H	1:17:A:ILE:H	12	0.14
(1,855)	1:12:A:TYR:H	1:82:A:GLY:HA2	3	0.14
(1,855)	1:12:A:TYR:H	1:82:A:GLY:HA2	11	0.14
(1,826)	1:102:A:THR:HG21	1:103:A:VAL:H	17	0.14
(1,826)	1:102:A:THR:HG22	1:103:A:VAL:H	17	0.14
(1,826)	1:102:A:THR:HG23	1:103:A:VAL:H	17	0.14
(1,816)	1:95:A:PRO:HD2	1:96:A:MET:H	8	0.14
(1,799)	1:89:A:ARG:H	1:89:A:ARG:HB3	3	0.14
(1,797)	1:34:A:VAL:HG21	1:82:A:GLY:H	10	0.14
(1,797)	1:34:A:VAL:HG22	1:82:A:GLY:H	10	0.14
(1,797)	1:34:A:VAL:HG23	1:82:A:GLY:H	10	0.14
(1,788)	1:70:A:THR:HA	1:72:A:ALA:H	6	0.14
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB1	15	0.14
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB2	15	0.14
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB3	15	0.14
(1,759)	1:48:A:GLU:H	1:49:A:GLU:HA	21	0.14
(1,737)	1:33:A:LYS:HG2	1:34:A:VAL:H	6	0.14
(1,737)	1:33:A:LYS:HG3	1:34:A:VAL:H	6	0.14
(1,737)	1:33:A:LYS:HG2	1:34:A:VAL:H	21	0.14
(1,737)	1:33:A:LYS:HG3	1:34:A:VAL:H	21	0.14
(1,731)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HG11	1	0.14
(1,731)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HG12	1	0.14
(1,731)	1:28:A:LEU:H	1:34:A:VAL:HG13	1	0.14
(1,723)	1:24:A:LYS:HB3	1:25:A:SER:H	11	0.14
(1,723)	1:24:A:LYS:HB3	1:25:A:SER:H	16	0.14
(1,719)	1:19:A:LYS:HG2	1:20:A:HIS:H	20	0.14
(1,719)	1:19:A:LYS:HG3	1:20:A:HIS:H	20	0.14
(1,708)	1:27:A:TRP:HA	1:27:A:TRP:HE1	10	0.14
(1,673)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:H	14	0.14
(1,673)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:H	14	0.14
(1,673)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:H	14	0.14
(1,622)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HG2	12	0.14
(1,617)	1:16:A:GLU:H	1:16:A:GLU:HG2	18	0.14
(1,617)	1:16:A:GLU:H	1:16:A:GLU:HG3	18	0.14
(1,581)	1:42:A:GLU:H	1:42:A:GLU:HB3	23	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,573)	1:40:A:PHE:HB2	1:41:A:LEU:H	12	0.14
(1,555)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:HB2	18	0.14
(1,553)	1:13:A:THR:HG21	1:85:A:HIS:H	10	0.14
(1,553)	1:13:A:THR:HG22	1:85:A:HIS:H	10	0.14
(1,553)	1:13:A:THR:HG23	1:85:A:HIS:H	10	0.14
(1,552)	1:13:A:THR:HG21	1:16:A:GLU:H	6	0.14
(1,552)	1:13:A:THR:HG22	1:16:A:GLU:H	6	0.14
(1,552)	1:13:A:THR:HG23	1:16:A:GLU:H	6	0.14
(1,543)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:HG13	3	0.14
(1,532)	1:9:A:VAL:H	1:10:A:LYS:HA	16	0.14
(1,532)	1:9:A:VAL:H	1:10:A:LYS:HA	20	0.14
(1,528)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:H	9	0.14
(1,491)	1:27:A:TRP:H	1:55:A:ALA:HB1	15	0.14
(1,491)	1:27:A:TRP:H	1:55:A:ALA:HB2	15	0.14
(1,491)	1:27:A:TRP:H	1:55:A:ALA:HB3	15	0.14
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG21	1	0.14
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG22	1	0.14
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG23	1	0.14
(1,442)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HE22	10	0.14
(1,432)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HD2	1	0.14
(1,428)	1:60:A:THR:H	1:62:A:ASN:H	1	0.14
(1,405)	1:62:A:ASN:H	1:64:A:GLU:H	19	0.14
(1,395)	1:9:A:VAL:H	1:10:A:LYS:H	16	0.14
(1,395)	1:9:A:VAL:H	1:10:A:LYS:H	18	0.14
(1,386)	1:34:A:VAL:H	1:82:A:GLY:H	22	0.14
(1,363)	1:52:A:ARG:H	1:55:A:ALA:H	9	0.14
(1,358)	1:52:A:ARG:H	1:54:A:GLN:H	13	0.14
(1,356)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:H	5	0.14
(1,351)	1:50:A:VAL:H	1:52:A:ARG:H	1	0.14
(1,328)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:H	14	0.14
(1,297)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:H	19	0.14
(1,262)	1:53:A:GLU:H	1:54:A:GLN:HG2	18	0.14
(1,238)	1:103:A:VAL:HA	1:104:A:ASP:H	2	0.14
(1,236)	1:95:A:PRO:HD3	1:96:A:MET:H	2	0.14
(1,236)	1:95:A:PRO:HD3	1:96:A:MET:H	19	0.14
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG21	12	0.14
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG22	12	0.14
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG23	12	0.14
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG21	15	0.14
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG22	15	0.14
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG23	15	0.14
(1,209)	1:14:A:LEU:HA	1:17:A:ILE:HB	1	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB1	11	0.14
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB2	11	0.14
(1,191)	1:28:A:LEU:HB2	1:59:A:ALA:HB3	11	0.14
(1,176)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HA	17	0.14
(1,169)	1:34:A:VAL:HA	1:35:A:TYR:HD1	11	0.14
(1,169)	1:34:A:VAL:HA	1:35:A:TYR:HD2	11	0.14
(1,156)	1:41:A:LEU:HB2	1:48:A:GLU:HB2	11	0.14
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD1	14	0.14
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD2	14	0.14
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD1	19	0.14
(1,138)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:HD2	19	0.14
(1,132)	1:8:A:ASP:HA	1:9:A:VAL:HB	4	0.14
(1,119)	1:27:A:TRP:HA	1:36:A:ASP:HB2	6	0.14
(1,104)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HG21	2	0.14
(1,104)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HG22	2	0.14
(1,104)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:HG23	2	0.14
(1,99)	1:41:A:LEU:HG	1:48:A:GLU:HB2	8	0.14
(1,92)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HA	3	0.14
(1,91)	1:34:A:VAL:HA	1:80:A:ILE:HA	18	0.14
(1,63)	1:28:A:LEU:HB3	1:55:A:ALA:HA	20	0.14
(1,56)	1:47:A:GLY:H	1:48:A:GLU:HA	10	0.14
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG2	18	0.14
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG3	18	0.14
(1,23)	1:52:A:ARG:HG2	1:53:A:GLU:HA	20	0.14
(1,23)	1:52:A:ARG:HG3	1:53:A:GLU:HA	20	0.14
(1,17)	1:12:A:TYR:HA	1:13:A:THR:HG21	15	0.14
(1,17)	1:12:A:TYR:HA	1:13:A:THR:HG22	15	0.14
(1,17)	1:12:A:TYR:HA	1:13:A:THR:HG23	15	0.14
(3,24)	1:55:A:ALA:H	1:52:A:ARG:O	4	0.13
(3,19)	1:40:A:PHE:O	1:44:A:HIS:H	22	0.13
(3,14)	1:71:A:ASP:O	1:75:A:LEU:H	17	0.13
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB2	1:98:A:THR:H	3	0.13
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB3	1:98:A:THR:H	3	0.13
(1,1568)	1:94:A:LYS:HD2	1:95:A:PRO:HD2	13	0.13
(1,1568)	1:94:A:LYS:HD2	1:95:A:PRO:HD3	13	0.13
(1,1568)	1:94:A:LYS:HD3	1:95:A:PRO:HD2	13	0.13
(1,1568)	1:94:A:LYS:HD3	1:95:A:PRO:HD3	13	0.13
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB2	1:89:A:ARG:HG2	18	0.13
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB2	1:89:A:ARG:HG3	18	0.13
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB3	1:89:A:ARG:HG2	18	0.13
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB3	1:89:A:ARG:HG3	18	0.13
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG2	1:75:A:LEU:H	22	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG3	1:75:A:LEU:H	22	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD11	1:62:A:ASN:H	2	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD12	1:62:A:ASN:H	2	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD13	1:62:A:ASN:H	2	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD21	1:62:A:ASN:H	2	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD22	1:62:A:ASN:H	2	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD23	1:62:A:ASN:H	2	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD11	1:62:A:ASN:H	4	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD12	1:62:A:ASN:H	4	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD13	1:62:A:ASN:H	4	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD21	1:62:A:ASN:H	4	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD22	1:62:A:ASN:H	4	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD23	1:62:A:ASN:H	4	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD11	1:62:A:ASN:H	7	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD12	1:62:A:ASN:H	7	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD13	1:62:A:ASN:H	7	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD21	1:62:A:ASN:H	7	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD22	1:62:A:ASN:H	7	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD23	1:62:A:ASN:H	7	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD11	1:62:A:ASN:H	19	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD12	1:62:A:ASN:H	19	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD13	1:62:A:ASN:H	19	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD21	1:62:A:ASN:H	19	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD22	1:62:A:ASN:H	19	0.13
(1,1452)	1:30:A:LEU:HD23	1:62:A:ASN:H	19	0.13
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB2	22	0.13
(1,1431)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:HB3	22	0.13
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD11	1:55:A:ALA:HA	10	0.13
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD12	1:55:A:ALA:HA	10	0.13
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD13	1:55:A:ALA:HA	10	0.13
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD21	1:55:A:ALA:HA	10	0.13
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD22	1:55:A:ALA:HA	10	0.13
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD23	1:55:A:ALA:HA	10	0.13
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:HE21	21	0.13
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:HE21	21	0.13
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:HE21	21	0.13
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD21	1:54:A:GLN:HE21	21	0.13
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD22	1:54:A:GLN:HE21	21	0.13
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD23	1:54:A:GLN:HE21	21	0.13
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:HB2	10	0.13
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:HB3	10	0.13
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:HB2	10	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:HB3	10	0.13
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:HB2	10	0.13
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:HB3	10	0.13
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:HB2	10	0.13
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:HB3	10	0.13
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:HB2	10	0.13
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:HB3	10	0.13
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:HB2	10	0.13
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:HB3	10	0.13
(1,1391)	1:24:A:LYS:HG2	1:25:A:SER:H	4	0.13
(1,1391)	1:24:A:LYS:HG3	1:25:A:SER:H	4	0.13
(1,1391)	1:24:A:LYS:HG2	1:25:A:SER:H	13	0.13
(1,1391)	1:24:A:LYS:HG3	1:25:A:SER:H	13	0.13
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB2	13	0.13
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB3	13	0.13
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB2	18	0.13
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB3	18	0.13
(1,1335)	1:30:A:LEU:HB3	1:60:A:THR:HA	19	0.13
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:HA	10	0.13
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:HA	10	0.13
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:HA	10	0.13
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD2	8	0.13
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD3	8	0.13
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD2	9	0.13
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD3	9	0.13
(1,1298)	1:80:A:ILE:HG21	1:80:A:ILE:HG12	15	0.13
(1,1298)	1:80:A:ILE:HG21	1:80:A:ILE:HG13	15	0.13
(1,1292)	1:81:A:ILE:HB	1:81:A:ILE:HD12	7	0.13
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	2	0.13
(1,1255)	1:12:A:TYR:HE1	1:17:A:ILE:HG22	4	0.13
(1,1255)	1:12:A:TYR:HE2	1:17:A:ILE:HG22	4	0.13
(1,1255)	1:12:A:TYR:HE1	1:17:A:ILE:HG22	5	0.13
(1,1255)	1:12:A:TYR:HE2	1:17:A:ILE:HG22	5	0.13
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	1	0.13
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	13	0.13
(1,1236)	1:27:A:TRP:HD1	1:36:A:ASP:HB3	11	0.13
(1,1196)	1:12:A:TYR:HA	1:12:A:TYR:HE1	14	0.13
(1,1196)	1:12:A:TYR:HA	1:12:A:TYR:HE2	14	0.13
(1,1189)	1:13:A:THR:HG21	1:85:A:HIS:HD2	16	0.13
(1,1189)	1:13:A:THR:HG22	1:85:A:HIS:HD2	16	0.13
(1,1189)	1:13:A:THR:HG23	1:85:A:HIS:HD2	16	0.13
(1,1184)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	4	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1179)	1:12:A:TYR:HE1	1:81:A:ILE:HB	23	0.13
(1,1179)	1:12:A:TYR:HE2	1:81:A:ILE:HB	23	0.13
(1,1167)	1:31:A:HIS:HD2	1:60:A:THR:HA	5	0.13
(1,1124)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HB3	1	0.13
(1,1123)	1:37:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:H	8	0.13
(1,1115)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HA	18	0.13
(1,1110)	1:15:A:GLU:HB2	1:18:A:LYS:H	7	0.13
(1,1110)	1:15:A:GLU:HB3	1:18:A:LYS:H	7	0.13
(1,1109)	1:16:A:GLU:HB3	1:18:A:LYS:H	17	0.13
(1,1097)	1:9:A:VAL:HB	1:82:A:GLY:H	2	0.13
(1,1085)	1:57:A:GLY:H	1:58:A:ASP:HA	10	0.13
(1,1085)	1:57:A:GLY:H	1:58:A:ASP:HA	16	0.13
(1,1085)	1:57:A:GLY:H	1:58:A:ASP:HA	19	0.13
(1,1064)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:H	1	0.13
(1,1064)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:H	2	0.13
(1,1064)	1:15:A:GLU:H	1:17:A:ILE:H	3	0.13
(1,1051)	1:52:A:ARG:HB2	1:54:A:GLN:H	13	0.13
(1,1051)	1:52:A:ARG:HB3	1:54:A:GLN:H	13	0.13
(1,1021)	1:76:A:SER:H	1:77:A:LYS:HB2	7	0.13
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	21	0.13
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	21	0.13
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	21	0.13
(1,1003)	1:6:A:ASP:H	1:7:A:LYS:H	8	0.13
(1,991)	1:34:A:VAL:HB	1:83:A:GLU:H	3	0.13
(1,990)	1:35:A:TYR:HE1	1:77:A:LYS:H	17	0.13
(1,990)	1:35:A:TYR:HE2	1:77:A:LYS:H	17	0.13
(1,988)	1:33:A:LYS:H	1:83:A:GLU:HA	3	0.13
(1,988)	1:33:A:LYS:H	1:83:A:GLU:HA	18	0.13
(1,964)	1:54:A:GLN:HB2	1:54:A:GLN:HE21	17	0.13
(1,955)	1:53:A:GLU:HB2	1:54:A:GLN:HE22	5	0.13
(1,940)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HA	7	0.13
(1,930)	1:34:A:VAL:H	1:84:A:LEU:H	11	0.13
(1,915)	1:18:A:LYS:HA	1:57:A:GLY:H	2	0.13
(1,900)	1:38:A:THR:HG21	1:40:A:PHE:H	7	0.13
(1,900)	1:38:A:THR:HG22	1:40:A:PHE:H	7	0.13
(1,900)	1:38:A:THR:HG23	1:40:A:PHE:H	7	0.13
(1,900)	1:38:A:THR:HG21	1:40:A:PHE:H	23	0.13
(1,900)	1:38:A:THR:HG22	1:40:A:PHE:H	23	0.13
(1,900)	1:38:A:THR:HG23	1:40:A:PHE:H	23	0.13
(1,894)	1:35:A:TYR:H	1:80:A:ILE:HA	13	0.13
(1,866)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	16	0.13
(1,862)	1:17:A:ILE:HG22	1:18:A:LYS:H	19	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,850)	1:11:A:TYR:H	1:83:A:GLU:H	16	0.13
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG2	18	0.13
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG3	18	0.13
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG2	23	0.13
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG3	23	0.13
(1,816)	1:95:A:PRO:HD2	1:96:A:MET:H	4	0.13
(1,816)	1:95:A:PRO:HD2	1:96:A:MET:H	13	0.13
(1,804)	1:79:A:PHE:H	1:80:A:ILE:HB	5	0.13
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG2	20	0.13
(1,798)	1:84:A:LEU:H	1:89:A:ARG:HG3	20	0.13
(1,792)	1:35:A:TYR:HA	1:80:A:ILE:H	8	0.13
(1,788)	1:70:A:THR:HA	1:72:A:ALA:H	1	0.13
(1,783)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:H	7	0.13
(1,762)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:H	8	0.13
(1,762)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:H	8	0.13
(1,762)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:H	8	0.13
(1,759)	1:48:A:GLU:H	1:49:A:GLU:HA	17	0.13
(1,723)	1:24:A:LYS:HB3	1:25:A:SER:H	4	0.13
(1,720)	1:18:A:LYS:HA	1:20:A:HIS:H	3	0.13
(1,708)	1:27:A:TRP:HA	1:27:A:TRP:HE1	12	0.13
(1,708)	1:27:A:TRP:HA	1:27:A:TRP:HE1	13	0.13
(1,697)	1:81:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:H	7	0.13
(1,654)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG2	6	0.13
(1,625)	1:29:A:ILE:H	1:29:A:ILE:HG22	6	0.13
(1,625)	1:29:A:ILE:H	1:29:A:ILE:HG22	10	0.13
(1,625)	1:29:A:ILE:H	1:29:A:ILE:HG22	19	0.13
(1,620)	1:15:A:GLU:H	1:15:A:GLU:HB2	18	0.13
(1,620)	1:15:A:GLU:H	1:15:A:GLU:HB3	18	0.13
(1,617)	1:16:A:GLU:H	1:16:A:GLU:HG2	16	0.13
(1,617)	1:16:A:GLU:H	1:16:A:GLU:HG3	16	0.13
(1,608)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	22	0.13
(1,595)	1:48:A:GLU:HB3	1:49:A:GLU:H	14	0.13
(1,573)	1:40:A:PHE:HB2	1:41:A:LEU:H	13	0.13
(1,555)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:HB2	6	0.13
(1,490)	1:27:A:TRP:H	1:55:A:ALA:HA	18	0.13
(1,485)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	20	0.13
(1,485)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	20	0.13
(1,485)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	20	0.13
(1,478)	1:15:A:GLU:HA	1:18:A:LYS:H	18	0.13
(1,473)	1:9:A:VAL:H	1:9:A:VAL:HG11	21	0.13
(1,473)	1:9:A:VAL:H	1:9:A:VAL:HG12	21	0.13
(1,473)	1:9:A:VAL:H	1:9:A:VAL:HG13	21	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,471)	1:13:A:THR:HA	1:16:A:GLU:H	5	0.13
(1,470)	1:13:A:THR:HA	1:15:A:GLU:H	1	0.13
(1,398)	1:7:A:LYS:HA	1:8:A:ASP:H	13	0.13
(1,393)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	15	0.13
(1,376)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:H	8	0.13
(1,356)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:H	20	0.13
(1,351)	1:50:A:VAL:H	1:52:A:ARG:H	17	0.13
(1,325)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:H	16	0.13
(1,302)	1:59:A:ALA:H	1:62:A:ASN:H	4	0.13
(1,302)	1:59:A:ALA:H	1:62:A:ASN:H	23	0.13
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG21	17	0.13
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG22	17	0.13
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG23	17	0.13
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE1	12	0.13
(1,278)	1:40:A:PHE:HA	1:79:A:PHE:HE2	12	0.13
(1,269)	1:48:A:GLU:HB2	1:49:A:GLU:H	11	0.13
(1,236)	1:95:A:PRO:HD3	1:96:A:MET:H	4	0.13
(1,236)	1:95:A:PRO:HD3	1:96:A:MET:H	7	0.13
(1,236)	1:95:A:PRO:HD3	1:96:A:MET:H	12	0.13
(1,236)	1:95:A:PRO:HD3	1:96:A:MET:H	13	0.13
(1,236)	1:95:A:PRO:HD3	1:96:A:MET:H	20	0.13
(1,236)	1:95:A:PRO:HD3	1:96:A:MET:H	23	0.13
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG21	5	0.13
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG22	5	0.13
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG23	5	0.13
(1,154)	1:70:A:THR:H	1:70:A:THR:HB	23	0.13
(1,136)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:H	14	0.13
(1,133)	1:9:A:VAL:H	1:9:A:VAL:HB	7	0.13
(1,132)	1:8:A:ASP:HA	1:9:A:VAL:HB	6	0.13
(1,126)	1:48:A:GLU:HG2	1:51:A:LEU:H	3	0.13
(1,126)	1:48:A:GLU:HG3	1:51:A:LEU:H	3	0.13
(1,121)	1:79:A:PHE:HA	1:81:A:ILE:HG23	13	0.13
(1,88)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HG12	4	0.13
(1,88)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HG13	4	0.13
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD2	3	0.13
(1,85)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:LYS:HD3	3	0.13
(1,61)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HA	9	0.13
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB1	15	0.13
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB2	15	0.13
(1,34)	1:21:A:ASN:HA	1:55:A:ALA:HB3	15	0.13
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG2	19	0.13
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG3	19	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,15)	1:11:A:TYR:HA	1:85:A:HIS:HA	3	0.13
(3,39)	1:77:A:LYS:H	1:74:A:GLU:O	3	0.12
(3,39)	1:77:A:LYS:H	1:74:A:GLU:O	16	0.12
(3,26)	1:53:A:GLU:H	1:49:A:GLU:O	19	0.12
(3,24)	1:55:A:ALA:H	1:52:A:ARG:O	13	0.12
(3,19)	1:40:A:PHE:O	1:44:A:HIS:H	9	0.12
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB2	1:98:A:THR:H	17	0.12
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB3	1:98:A:THR:H	17	0.12
(1,1570)	1:95:A:PRO:HB2	1:97:A:GLU:H	20	0.12
(1,1570)	1:95:A:PRO:HB3	1:97:A:GLU:H	20	0.12
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD2	12	0.12
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD3	12	0.12
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD2	18	0.12
(1,1552)	1:85:A:HIS:HE1	1:86:A:PRO:HD3	18	0.12
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG2	1:75:A:LEU:H	1	0.12
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG3	1:75:A:LEU:H	1	0.12
(1,1523)	1:70:A:THR:HB	1:71:A:ASP:HB2	21	0.12
(1,1523)	1:70:A:THR:HB	1:71:A:ASP:HB3	21	0.12
(1,1514)	1:64:A:GLU:HB2	1:66:A:VAL:H	18	0.12
(1,1514)	1:64:A:GLU:HB3	1:66:A:VAL:H	18	0.12
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD11	1:31:A:HIS:HD2	1	0.12
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD12	1:31:A:HIS:HD2	1	0.12
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD13	1:31:A:HIS:HD2	1	0.12
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD21	1:31:A:HIS:HD2	1	0.12
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD22	1:31:A:HIS:HD2	1	0.12
(1,1442)	1:30:A:LEU:HD23	1:31:A:HIS:HD2	1	0.12
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD11	1:55:A:ALA:HA	5	0.12
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD12	1:55:A:ALA:HA	5	0.12
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD13	1:55:A:ALA:HA	5	0.12
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD21	1:55:A:ALA:HA	5	0.12
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD22	1:55:A:ALA:HA	5	0.12
(1,1423)	1:28:A:LEU:HD23	1:55:A:ALA:HA	5	0.12
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:HB2	7	0.12
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD11	1:37:A:LEU:HB3	7	0.12
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:HB2	7	0.12
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD12	1:37:A:LEU:HB3	7	0.12
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:HB2	7	0.12
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD13	1:37:A:LEU:HB3	7	0.12
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:HB2	7	0.12
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:HB3	7	0.12
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:HB2	7	0.12
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:HB3	7	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:HB2	7	0.12
(1,1414)	1:28:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:HB3	7	0.12
(1,1404)	1:28:A:LEU:HB2	1:55:A:ALA:HA	12	0.12
(1,1404)	1:28:A:LEU:HB3	1:55:A:ALA:HA	12	0.12
(1,1399)	1:28:A:LEU:HB2	1:29:A:ILE:H	4	0.12
(1,1399)	1:28:A:LEU:HB3	1:29:A:ILE:H	4	0.12
(1,1399)	1:28:A:LEU:HB2	1:29:A:ILE:H	5	0.12
(1,1399)	1:28:A:LEU:HB3	1:29:A:ILE:H	5	0.12
(1,1387)	1:22:A:HIS:HA	1:23:A:SER:HB2	10	0.12
(1,1387)	1:22:A:HIS:HA	1:23:A:SER:HB3	10	0.12
(1,1387)	1:22:A:HIS:HA	1:23:A:SER:HB2	20	0.12
(1,1387)	1:22:A:HIS:HA	1:23:A:SER:HB3	20	0.12
(1,1378)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	23	0.12
(1,1378)	1:20:A:HIS:HB3	1:22:A:HIS:H	23	0.12
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD11	9	0.12
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD12	9	0.12
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD13	9	0.12
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD21	9	0.12
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD22	9	0.12
(1,1355)	1:13:A:THR:H	1:14:A:LEU:HD23	9	0.12
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HD2	1	0.12
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HD3	1	0.12
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HD2	1	0.12
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HD3	1	0.12
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HD2	10	0.12
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE1	1:86:A:PRO:HD3	10	0.12
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HD2	10	0.12
(1,1349)	1:11:A:TYR:HE2	1:86:A:PRO:HD3	10	0.12
(1,1330)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:HA	13	0.12
(1,1330)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:HA	13	0.12
(1,1330)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:HA	13	0.12
(1,1330)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:HA	20	0.12
(1,1330)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:HA	20	0.12
(1,1330)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:HA	20	0.12
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD2	22	0.12
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD3	22	0.12
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG21	1:81:A:ILE:HD12	23	0.12
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG22	1:81:A:ILE:HD12	23	0.12
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG23	1:81:A:ILE:HD12	23	0.12
(1,1298)	1:80:A:ILE:HG21	1:80:A:ILE:HG12	4	0.12
(1,1298)	1:80:A:ILE:HG21	1:80:A:ILE:HG13	4	0.12
(1,1298)	1:80:A:ILE:HG21	1:80:A:ILE:HG12	20	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1298)	1:80:A:ILE:HG21	1:80:A:ILE:HG13	20	0.12
(1,1298)	1:80:A:ILE:HG21	1:80:A:ILE:HG12	23	0.12
(1,1298)	1:80:A:ILE:HG21	1:80:A:ILE:HG13	23	0.12
(1,1292)	1:81:A:ILE:HB	1:81:A:ILE:HD12	2	0.12
(1,1292)	1:81:A:ILE:HB	1:81:A:ILE:HD12	10	0.12
(1,1292)	1:81:A:ILE:HB	1:81:A:ILE:HD12	15	0.12
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD11	1:48:A:GLU:HA	8	0.12
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD12	1:48:A:GLU:HA	8	0.12
(1,1274)	1:41:A:LEU:HD13	1:48:A:GLU:HA	8	0.12
(1,1265)	1:27:A:TRP:HZ3	1:34:A:VAL:HG11	14	0.12
(1,1265)	1:27:A:TRP:HZ3	1:34:A:VAL:HG12	14	0.12
(1,1265)	1:27:A:TRP:HZ3	1:34:A:VAL:HG13	14	0.12
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE1	8	0.12
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE2	8	0.12
(1,1249)	1:35:A:TYR:HE1	1:79:A:PHE:HB2	6	0.12
(1,1249)	1:35:A:TYR:HE1	1:79:A:PHE:HB3	6	0.12
(1,1249)	1:35:A:TYR:HE2	1:79:A:PHE:HB2	6	0.12
(1,1249)	1:35:A:TYR:HE2	1:79:A:PHE:HB3	6	0.12
(1,1238)	1:63:A:PHE:H	1:64:A:GLU:HA	14	0.12
(1,1220)	1:12:A:TYR:HE1	1:27:A:TRP:HZ3	9	0.12
(1,1220)	1:12:A:TYR:HE2	1:27:A:TRP:HZ3	9	0.12
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD1	1:27:A:TRP:HH2	11	0.12
(1,1215)	1:12:A:TYR:HD2	1:27:A:TRP:HH2	11	0.12
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD1	1:79:A:PHE:HA	19	0.12
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD2	1:79:A:PHE:HA	19	0.12
(1,1209)	1:31:A:HIS:HA	1:31:A:HIS:HD2	4	0.12
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:HB2	23	0.12
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:HB2	23	0.12
(1,1168)	1:85:A:HIS:HB2	1:85:A:HIS:HD2	10	0.12
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE1	13	0.12
(1,1163)	1:40:A:PHE:HB2	1:79:A:PHE:HE2	13	0.12
(1,1149)	1:30:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HE1	9	0.12
(1,1149)	1:30:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HE2	9	0.12
(1,1149)	1:30:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HE1	15	0.12
(1,1149)	1:30:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HE2	15	0.12
(1,1110)	1:15:A:GLU:HB2	1:18:A:LYS:H	9	0.12
(1,1110)	1:15:A:GLU:HB3	1:18:A:LYS:H	9	0.12
(1,1107)	1:14:A:LEU:H	1:15:A:GLU:HB2	19	0.12
(1,1107)	1:14:A:LEU:H	1:15:A:GLU:HB3	19	0.12
(1,1107)	1:14:A:LEU:H	1:15:A:GLU:HB2	20	0.12
(1,1107)	1:14:A:LEU:H	1:15:A:GLU:HB3	20	0.12
(1,1097)	1:9:A:VAL:HB	1:82:A:GLY:H	13	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1085)	1:57:A:GLY:H	1:58:A:ASP:HA	2	0.12
(1,1085)	1:57:A:GLY:H	1:58:A:ASP:HA	15	0.12
(1,1074)	1:21:A:ASN:HB2	1:56:A:GLY:H	15	0.12
(1,1051)	1:52:A:ARG:HB2	1:54:A:GLN:H	4	0.12
(1,1051)	1:52:A:ARG:HB3	1:54:A:GLN:H	4	0.12
(1,1045)	1:27:A:TRP:HB2	1:28:A:LEU:H	9	0.12
(1,1032)	1:9:A:VAL:HG11	1:83:A:GLU:H	16	0.12
(1,1032)	1:9:A:VAL:HG12	1:83:A:GLU:H	16	0.12
(1,1032)	1:9:A:VAL:HG13	1:83:A:GLU:H	16	0.12
(1,1031)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:GLY:H	6	0.12
(1,1024)	1:35:A:TYR:HA	1:79:A:PHE:H	10	0.12
(1,1021)	1:76:A:SER:H	1:77:A:LYS:HB2	3	0.12
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD11	1:63:A:PHE:H	16	0.12
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD12	1:63:A:PHE:H	16	0.12
(1,1013)	1:30:A:LEU:HD13	1:63:A:PHE:H	16	0.12
(1,1005)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:TYR:H	4	0.12
(1,1005)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:TYR:H	4	0.12
(1,1005)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:TYR:H	4	0.12
(1,988)	1:33:A:LYS:H	1:83:A:GLU:HA	23	0.12
(1,967)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD21	3	0.12
(1,967)	1:62:A:ASN:H	1:62:A:ASN:HD21	6	0.12
(1,964)	1:54:A:GLN:HB2	1:54:A:GLN:HE21	11	0.12
(1,908)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:H	12	0.12
(1,908)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:H	12	0.12
(1,908)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:H	12	0.12
(1,900)	1:38:A:THR:HG21	1:40:A:PHE:H	12	0.12
(1,900)	1:38:A:THR:HG22	1:40:A:PHE:H	12	0.12
(1,900)	1:38:A:THR:HG23	1:40:A:PHE:H	12	0.12
(1,900)	1:38:A:THR:HG21	1:40:A:PHE:H	13	0.12
(1,900)	1:38:A:THR:HG22	1:40:A:PHE:H	13	0.12
(1,900)	1:38:A:THR:HG23	1:40:A:PHE:H	13	0.12
(1,897)	1:36:A:ASP:H	1:79:A:PHE:H	7	0.12
(1,897)	1:36:A:ASP:H	1:79:A:PHE:H	11	0.12
(1,894)	1:35:A:TYR:H	1:80:A:ILE:HA	20	0.12
(1,879)	1:22:A:HIS:H	1:27:A:TRP:H	22	0.12
(1,877)	1:22:A:HIS:HB3	1:25:A:SER:H	18	0.12
(1,862)	1:17:A:ILE:HG22	1:18:A:LYS:H	6	0.12
(1,861)	1:12:A:TYR:HD1	1:17:A:ILE:H	2	0.12
(1,861)	1:12:A:TYR:HD2	1:17:A:ILE:H	2	0.12
(1,855)	1:12:A:TYR:H	1:82:A:GLY:HA2	19	0.12
(1,854)	1:10:A:LYS:HA	1:12:A:TYR:H	17	0.12
(1,836)	1:77:A:LYS:HB3	1:80:A:ILE:H	12	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG2	11	0.12
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG3	11	0.12
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB2	1	0.12
(1,817)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:SER:HB3	1	0.12
(1,816)	1:95:A:PRO:HD2	1:96:A:MET:H	2	0.12
(1,797)	1:34:A:VAL:HG21	1:82:A:GLY:H	5	0.12
(1,797)	1:34:A:VAL:HG22	1:82:A:GLY:H	5	0.12
(1,797)	1:34:A:VAL:HG23	1:82:A:GLY:H	5	0.12
(1,792)	1:35:A:TYR:HA	1:80:A:ILE:H	5	0.12
(1,792)	1:35:A:TYR:HA	1:80:A:ILE:H	13	0.12
(1,788)	1:70:A:THR:HA	1:72:A:ALA:H	14	0.12
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	6	0.12
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	6	0.12
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	6	0.12
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB1	23	0.12
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB2	23	0.12
(1,775)	1:54:A:GLN:H	1:59:A:ALA:HB3	23	0.12
(1,774)	1:54:A:GLN:H	1:55:A:ALA:HB1	3	0.12
(1,774)	1:54:A:GLN:H	1:55:A:ALA:HB2	3	0.12
(1,774)	1:54:A:GLN:H	1:55:A:ALA:HB3	3	0.12
(1,764)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:H	19	0.12
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB1	21	0.12
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB2	21	0.12
(1,734)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:HB3	21	0.12
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG21	3	0.12
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG22	3	0.12
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG23	3	0.12
(1,711)	1:27:A:TRP:HE1	1:81:A:ILE:HD12	11	0.12
(1,668)	1:60:A:THR:HB	1:62:A:ASN:H	15	0.12
(1,654)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG2	1	0.12
(1,654)	1:54:A:GLN:H	1:54:A:GLN:HG2	15	0.12
(1,625)	1:29:A:ILE:H	1:29:A:ILE:HG22	14	0.12
(1,622)	1:10:A:LYS:H	1:10:A:LYS:HG2	7	0.12
(1,602)	1:22:A:HIS:HB2	1:25:A:SER:H	1	0.12
(1,602)	1:22:A:HIS:HB2	1:25:A:SER:H	3	0.12
(1,583)	1:41:A:LEU:HD11	1:42:A:GLU:H	22	0.12
(1,583)	1:41:A:LEU:HD12	1:42:A:GLU:H	22	0.12
(1,583)	1:41:A:LEU:HD13	1:42:A:GLU:H	22	0.12
(1,581)	1:42:A:GLU:H	1:42:A:GLU:HB3	7	0.12
(1,580)	1:41:A:LEU:HB2	1:42:A:GLU:H	7	0.12
(1,580)	1:41:A:LEU:HB2	1:42:A:GLU:H	10	0.12
(1,563)	1:69:A:SER:HA	1:71:A:ASP:H	1	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,552)	1:13:A:THR:HG21	1:16:A:GLU:H	3	0.12
(1,552)	1:13:A:THR:HG22	1:16:A:GLU:H	3	0.12
(1,552)	1:13:A:THR:HG23	1:16:A:GLU:H	3	0.12
(1,532)	1:9:A:VAL:H	1:10:A:LYS:HA	4	0.12
(1,531)	1:81:A:ILE:H	1:82:A:GLY:HA2	3	0.12
(1,531)	1:81:A:ILE:H	1:82:A:GLY:HA2	15	0.12
(1,528)	1:75:A:LEU:HA	1:78:A:THR:H	11	0.12
(1,508)	1:61:A:GLU:H	1:61:A:GLU:HB3	3	0.12
(1,495)	1:15:A:GLU:H	1:18:A:LYS:H	6	0.12
(1,481)	1:22:A:HIS:H	1:26:A:THR:H	4	0.12
(1,432)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HD2	17	0.12
(1,428)	1:60:A:THR:H	1:62:A:ASN:H	2	0.12
(1,428)	1:60:A:THR:H	1:62:A:ASN:H	20	0.12
(1,414)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:H	6	0.12
(1,403)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:H	15	0.12
(1,393)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	7	0.12
(1,390)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:H	7	0.12
(1,376)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:H	22	0.12
(1,356)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:H	12	0.12
(1,351)	1:50:A:VAL:H	1:52:A:ARG:H	2	0.12
(1,349)	1:50:A:VAL:HA	1:52:A:ARG:H	18	0.12
(1,328)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:H	17	0.12
(1,325)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:H	17	0.12
(1,325)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:H	18	0.12
(1,314)	1:70:A:THR:HG21	1:71:A:ASP:H	15	0.12
(1,314)	1:70:A:THR:HG22	1:71:A:ASP:H	15	0.12
(1,314)	1:70:A:THR:HG23	1:71:A:ASP:H	15	0.12
(1,297)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:H	3	0.12
(1,297)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:H	4	0.12
(1,291)	1:102:A:THR:HB	1:103:A:VAL:H	20	0.12
(1,258)	1:40:A:PHE:H	1:41:A:LEU:HD21	17	0.12
(1,258)	1:40:A:PHE:H	1:41:A:LEU:HD22	17	0.12
(1,258)	1:40:A:PHE:H	1:41:A:LEU:HD23	17	0.12
(1,254)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HA	14	0.12
(1,254)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HA	14	0.12
(1,254)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HA	14	0.12
(1,254)	1:41:A:LEU:HD21	1:48:A:GLU:HA	20	0.12
(1,254)	1:41:A:LEU:HD22	1:48:A:GLU:HA	20	0.12
(1,254)	1:41:A:LEU:HD23	1:48:A:GLU:HA	20	0.12
(1,248)	1:85:A:HIS:HB3	1:86:A:PRO:HA	8	0.12
(1,248)	1:85:A:HIS:HB3	1:86:A:PRO:HA	13	0.12
(1,245)	1:11:A:TYR:HE1	1:85:A:HIS:HA	15	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,245)	1:11:A:TYR:HE2	1:85:A:HIS:HA	15	0.12
(1,236)	1:95:A:PRO:HD3	1:96:A:MET:H	8	0.12
(1,236)	1:95:A:PRO:HD3	1:96:A:MET:H	18	0.12
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG21	17	0.12
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG22	17	0.12
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG23	17	0.12
(1,174)	1:69:A:SER:HB3	1:71:A:ASP:H	19	0.12
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG2	16	0.12
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG3	16	0.12
(1,146)	1:52:A:ARG:HD2	1:53:A:GLU:H	1	0.12
(1,146)	1:52:A:ARG:HD3	1:53:A:GLU:H	1	0.12
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG2	9	0.12
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG3	9	0.12
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG2	13	0.12
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG3	13	0.12
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG2	23	0.12
(1,127)	1:42:A:GLU:H	1:48:A:GLU:HG3	23	0.12
(1,74)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:H	10	0.12
(1,74)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:H	23	0.12
(1,51)	1:40:A:PHE:HA	1:43:A:GLU:HB3	22	0.12
(1,17)	1:12:A:TYR:HA	1:13:A:THR:HG21	4	0.12
(1,17)	1:12:A:TYR:HA	1:13:A:THR:HG22	4	0.12
(1,17)	1:12:A:TYR:HA	1:13:A:THR:HG23	4	0.12
(3,38)	1:43:A:GLU:H	1:40:A:PHE:O	2	0.11
(3,16)	1:72:A:ALA:O	1:76:A:SER:H	16	0.11
(3,10)	1:19:A:LYS:H	1:16:A:GLU:O	15	0.11
(2,5)	2:400:A:HEM:FE	1:68:A:HIS:NE2	23	0.11
(2,1)	2:400:A:HEM:HAB	1:28:A:LEU:HD11	19	0.11
(2,1)	2:400:A:HEM:HAB	1:28:A:LEU:HD12	19	0.11
(2,1)	2:400:A:HEM:HAB	1:28:A:LEU:HD13	19	0.11
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB2	1:98:A:THR:H	7	0.11
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB3	1:98:A:THR:H	7	0.11
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB2	1:98:A:THR:H	18	0.11
(1,1574)	1:97:A:GLU:HB3	1:98:A:THR:H	18	0.11
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB2	1:89:A:ARG:HG2	23	0.11
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB2	1:89:A:ARG:HG3	23	0.11
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB3	1:89:A:ARG:HG2	23	0.11
(1,1564)	1:88:A:ASP:HB3	1:89:A:ARG:HG3	23	0.11
(1,1562)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HB2	15	0.11
(1,1562)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HB3	15	0.11
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG2	1:75:A:LEU:H	2	0.11
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG3	1:75:A:LEU:H	2	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1514)	1:64:A:GLU:HB2	1:66:A:VAL:H	20	0.11
(1,1514)	1:64:A:GLU:HB3	1:66:A:VAL:H	20	0.11
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD11	1:79:A:PHE:HD1	10	0.11
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD11	1:79:A:PHE:HD2	10	0.11
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD12	1:79:A:PHE:HD1	10	0.11
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD12	1:79:A:PHE:HD2	10	0.11
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD13	1:79:A:PHE:HD1	10	0.11
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD13	1:79:A:PHE:HD2	10	0.11
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD21	1:79:A:PHE:HD1	10	0.11
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD21	1:79:A:PHE:HD2	10	0.11
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD22	1:79:A:PHE:HD1	10	0.11
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD22	1:79:A:PHE:HD2	10	0.11
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD23	1:79:A:PHE:HD1	10	0.11
(1,1468)	1:37:A:LEU:HD23	1:79:A:PHE:HD2	10	0.11
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD11	1:61:A:GLU:H	16	0.11
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD12	1:61:A:GLU:H	16	0.11
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD13	1:61:A:GLU:H	16	0.11
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD21	1:61:A:GLU:H	16	0.11
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD22	1:61:A:GLU:H	16	0.11
(1,1451)	1:30:A:LEU:HD23	1:61:A:GLU:H	16	0.11
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HB	7	0.11
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HB	7	0.11
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HB	7	0.11
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HB	7	0.11
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HB	7	0.11
(1,1449)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HB	7	0.11
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD11	1:60:A:THR:HA	14	0.11
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD12	1:60:A:THR:HA	14	0.11
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD13	1:60:A:THR:HA	14	0.11
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD21	1:60:A:THR:HA	14	0.11
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD22	1:60:A:THR:HA	14	0.11
(1,1448)	1:30:A:LEU:HD23	1:60:A:THR:HA	14	0.11
(1,1433)	1:29:A:ILE:HG12	1:32:A:HIS:HA	8	0.11
(1,1433)	1:29:A:ILE:HG13	1:32:A:HIS:HA	8	0.11
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD11	1:55:A:ALA:H	7	0.11
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD12	1:55:A:ALA:H	7	0.11
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD13	1:55:A:ALA:H	7	0.11
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD21	1:55:A:ALA:H	7	0.11
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD22	1:55:A:ALA:H	7	0.11
(1,1422)	1:28:A:LEU:HD23	1:55:A:ALA:H	7	0.11
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:HE21	1	0.11
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:HE21	1	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:HE21	1	0.11
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD21	1:54:A:GLN:HE21	1	0.11
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD22	1:54:A:GLN:HE21	1	0.11
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD23	1:54:A:GLN:HE21	1	0.11
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:HE21	3	0.11
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:HE21	3	0.11
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:HE21	3	0.11
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD21	1:54:A:GLN:HE21	3	0.11
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD22	1:54:A:GLN:HE21	3	0.11
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD23	1:54:A:GLN:HE21	3	0.11
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:HE21	22	0.11
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:HE21	22	0.11
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:HE21	22	0.11
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD21	1:54:A:GLN:HE21	22	0.11
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD22	1:54:A:GLN:HE21	22	0.11
(1,1421)	1:28:A:LEU:HD23	1:54:A:GLN:HE21	22	0.11
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD11	1:54:A:GLN:H	2	0.11
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD12	1:54:A:GLN:H	2	0.11
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD13	1:54:A:GLN:H	2	0.11
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD21	1:54:A:GLN:H	2	0.11
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD22	1:54:A:GLN:H	2	0.11
(1,1419)	1:28:A:LEU:HD23	1:54:A:GLN:H	2	0.11
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB2	12	0.11
(1,1385)	1:22:A:HIS:H	1:23:A:SER:HB3	12	0.11
(1,1378)	1:20:A:HIS:HB2	1:22:A:HIS:H	10	0.11
(1,1378)	1:20:A:HIS:HB3	1:22:A:HIS:H	10	0.11
(1,1331)	1:53:A:GLU:HA	1:53:A:GLU:HG2	12	0.11
(1,1323)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:GLY:HA2	19	0.11
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:HA	2	0.11
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:HA	2	0.11
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:HA	2	0.11
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:HA	13	0.11
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:HA	13	0.11
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:HA	13	0.11
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:HA	23	0.11
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:HA	23	0.11
(1,1316)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:HA	23	0.11
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD2	3	0.11
(1,1313)	1:26:A:THR:HG21	1:52:A:ARG:HD3	3	0.11
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD2	3	0.11
(1,1313)	1:26:A:THR:HG22	1:52:A:ARG:HD3	3	0.11
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD2	3	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1313)	1:26:A:THR:HG23	1:52:A:ARG:HD3	3	0.11
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD2	5	0.11
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD3	5	0.11
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD2	19	0.11
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD3	19	0.11
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD2	20	0.11
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD3	20	0.11
(1,1298)	1:80:A:ILE:HG21	1:80:A:ILE:HG12	8	0.11
(1,1298)	1:80:A:ILE:HG21	1:80:A:ILE:HG13	8	0.11
(1,1292)	1:81:A:ILE:HB	1:81:A:ILE:HD12	9	0.11
(1,1292)	1:81:A:ILE:HB	1:81:A:ILE:HD12	11	0.11
(1,1292)	1:81:A:ILE:HB	1:81:A:ILE:HD12	18	0.11
(1,1292)	1:81:A:ILE:HB	1:81:A:ILE:HD12	22	0.11
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE1	19	0.11
(1,1263)	1:11:A:TYR:HA	1:11:A:TYR:HE2	19	0.11
(1,1255)	1:12:A:TYR:HE1	1:17:A:ILE:HG22	21	0.11
(1,1255)	1:12:A:TYR:HE2	1:17:A:ILE:HG22	21	0.11
(1,1252)	1:31:A:HIS:HA	1:31:A:HIS:HE1	23	0.11
(1,1247)	1:30:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD1	8	0.11
(1,1247)	1:30:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD2	8	0.11
(1,1242)	1:16:A:GLU:HG2	1:27:A:TRP:HH2	16	0.11
(1,1242)	1:16:A:GLU:HG3	1:27:A:TRP:HH2	16	0.11
(1,1223)	1:12:A:TYR:HD1	1:27:A:TRP:HZ3	17	0.11
(1,1223)	1:12:A:TYR:HD2	1:27:A:TRP:HZ3	17	0.11
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE1	19	0.11
(1,1214)	1:40:A:PHE:HD1	1:79:A:PHE:HE2	19	0.11
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD1	1:79:A:PHE:HA	20	0.11
(1,1211)	1:35:A:TYR:HD2	1:79:A:PHE:HA	20	0.11
(1,1209)	1:31:A:HIS:HA	1:31:A:HIS:HD2	18	0.11
(1,1203)	1:62:A:ASN:HA	1:62:A:ASN:HD22	10	0.11
(1,1202)	1:30:A:LEU:HA	1:31:A:HIS:HD2	20	0.11
(1,1198)	1:12:A:TYR:HE1	1:81:A:ILE:HA	13	0.11
(1,1198)	1:12:A:TYR:HE2	1:81:A:ILE:HA	13	0.11
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE1	10	0.11
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE2	10	0.11
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE1	17	0.11
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE2	17	0.11
(1,1188)	1:30:A:LEU:HB2	1:31:A:HIS:HD2	16	0.11
(1,1168)	1:85:A:HIS:HB2	1:85:A:HIS:HD2	20	0.11
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD1	1:81:A:ILE:HD12	9	0.11
(1,1158)	1:12:A:TYR:HD2	1:81:A:ILE:HD12	9	0.11
(1,1150)	1:12:A:TYR:HD1	1:34:A:VAL:HG11	8	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1150)	1:12:A:TYR:HD1	1:34:A:VAL:HG12	8	0.11
(1,1150)	1:12:A:TYR:HD1	1:34:A:VAL:HG13	8	0.11
(1,1150)	1:12:A:TYR:HD2	1:34:A:VAL:HG11	8	0.11
(1,1150)	1:12:A:TYR:HD2	1:34:A:VAL:HG12	8	0.11
(1,1150)	1:12:A:TYR:HD2	1:34:A:VAL:HG13	8	0.11
(1,1150)	1:12:A:TYR:HD1	1:34:A:VAL:HG11	13	0.11
(1,1150)	1:12:A:TYR:HD1	1:34:A:VAL:HG12	13	0.11
(1,1150)	1:12:A:TYR:HD1	1:34:A:VAL:HG13	13	0.11
(1,1150)	1:12:A:TYR:HD2	1:34:A:VAL:HG11	13	0.11
(1,1150)	1:12:A:TYR:HD2	1:34:A:VAL:HG12	13	0.11
(1,1150)	1:12:A:TYR:HD2	1:34:A:VAL:HG13	13	0.11
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD1	1:17:A:ILE:HG21	23	0.11
(1,1139)	1:12:A:TYR:HD2	1:17:A:ILE:HG21	23	0.11
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG11	1:82:A:GLY:H	11	0.11
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG12	1:82:A:GLY:H	11	0.11
(1,1131)	1:34:A:VAL:HG13	1:82:A:GLY:H	11	0.11
(1,1107)	1:14:A:LEU:H	1:15:A:GLU:HB2	4	0.11
(1,1107)	1:14:A:LEU:H	1:15:A:GLU:HB3	4	0.11
(1,1097)	1:9:A:VAL:HB	1:82:A:GLY:H	20	0.11
(1,1096)	1:33:A:LYS:HA	1:82:A:GLY:H	13	0.11
(1,1096)	1:33:A:LYS:HA	1:82:A:GLY:H	20	0.11
(1,1085)	1:57:A:GLY:H	1:58:A:ASP:HA	11	0.11
(1,1081)	1:57:A:GLY:H	1:59:A:ALA:HB1	9	0.11
(1,1081)	1:57:A:GLY:H	1:59:A:ALA:HB2	9	0.11
(1,1081)	1:57:A:GLY:H	1:59:A:ALA:HB3	9	0.11
(1,1074)	1:21:A:ASN:HB2	1:56:A:GLY:H	18	0.11
(1,1073)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:HB3	10	0.11
(1,1062)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:HB2	11	0.11
(1,1045)	1:27:A:TRP:HB2	1:28:A:LEU:H	6	0.11
(1,1040)	1:16:A:GLU:HB3	1:19:A:LYS:H	15	0.11
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	14	0.11
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	14	0.11
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG2	21	0.11
(1,1038)	1:19:A:LYS:H	1:19:A:LYS:HG3	21	0.11
(1,1036)	1:17:A:ILE:H	1:18:A:LYS:HG2	6	0.11
(1,1036)	1:17:A:ILE:H	1:18:A:LYS:HG3	6	0.11
(1,1021)	1:76:A:SER:H	1:77:A:LYS:HB2	17	0.11
(1,1021)	1:76:A:SER:H	1:77:A:LYS:HB2	22	0.11
(1,988)	1:33:A:LYS:H	1:83:A:GLU:HA	1	0.11
(1,988)	1:33:A:LYS:H	1:83:A:GLU:HA	7	0.11
(1,982)	1:103:A:VAL:H	1:104:A:ASP:HA	22	0.11
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB1	13	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB2	13	0.11
(1,957)	1:54:A:GLN:HE22	1:59:A:ALA:HB3	13	0.11
(1,955)	1:53:A:GLU:HB2	1:54:A:GLN:HE22	15	0.11
(1,942)	1:21:A:ASN:HA	1:21:A:ASN:HD22	1	0.11
(1,942)	1:21:A:ASN:HA	1:21:A:ASN:HD21	1	0.11
(1,942)	1:21:A:ASN:HA	1:21:A:ASN:HD22	2	0.11
(1,942)	1:21:A:ASN:HA	1:21:A:ASN:HD21	2	0.11
(1,942)	1:21:A:ASN:HA	1:21:A:ASN:HD22	18	0.11
(1,942)	1:21:A:ASN:HA	1:21:A:ASN:HD21	18	0.11
(1,940)	1:88:A:ASP:H	1:89:A:ARG:HA	2	0.11
(1,915)	1:18:A:LYS:HA	1:57:A:GLY:H	20	0.11
(1,909)	1:51:A:LEU:HA	1:55:A:ALA:H	8	0.11
(1,900)	1:38:A:THR:HG21	1:40:A:PHE:H	2	0.11
(1,900)	1:38:A:THR:HG22	1:40:A:PHE:H	2	0.11
(1,900)	1:38:A:THR:HG23	1:40:A:PHE:H	2	0.11
(1,900)	1:38:A:THR:HG21	1:40:A:PHE:H	6	0.11
(1,900)	1:38:A:THR:HG22	1:40:A:PHE:H	6	0.11
(1,900)	1:38:A:THR:HG23	1:40:A:PHE:H	6	0.11
(1,873)	1:21:A:ASN:H	1:56:A:GLY:H	3	0.11
(1,872)	1:21:A:ASN:H	1:27:A:TRP:H	2	0.11
(1,870)	1:21:A:ASN:H	1:26:A:THR:HA	19	0.11
(1,868)	1:20:A:HIS:H	1:27:A:TRP:HB2	22	0.11
(1,862)	1:17:A:ILE:HG22	1:18:A:LYS:H	11	0.11
(1,855)	1:12:A:TYR:H	1:82:A:GLY:HA2	14	0.11
(1,854)	1:10:A:LYS:HA	1:12:A:TYR:H	1	0.11
(1,843)	1:27:A:TRP:HA	1:38:A:THR:H	9	0.11
(1,836)	1:77:A:LYS:HB3	1:80:A:ILE:H	18	0.11
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG2	17	0.11
(1,834)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:LYS:HG3	17	0.11
(1,816)	1:95:A:PRO:HD2	1:96:A:MET:H	23	0.11
(1,809)	1:23:A:SER:HA	1:25:A:SER:H	16	0.11
(1,788)	1:70:A:THR:HA	1:72:A:ALA:H	22	0.11
(1,783)	1:29:A:ILE:H	1:58:A:ASP:H	4	0.11
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB1	13	0.11
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB2	13	0.11
(1,781)	1:55:A:ALA:H	1:59:A:ALA:HB3	13	0.11
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	12	0.11
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	12	0.11
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	12	0.11
(1,764)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:H	18	0.11
(1,762)	1:41:A:LEU:HD21	1:51:A:LEU:H	3	0.11
(1,762)	1:41:A:LEU:HD22	1:51:A:LEU:H	3	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,762)	1:41:A:LEU:HD23	1:51:A:LEU:H	3	0.11
(1,759)	1:48:A:GLU:H	1:49:A:GLU:HA	9	0.11
(1,748)	1:36:A:ASP:H	1:79:A:PHE:HA	1	0.11
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG21	7	0.11
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG22	7	0.11
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG23	7	0.11
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG21	18	0.11
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG22	18	0.11
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG23	18	0.11
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE2	19	0.11
(1,717)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:LYS:HE3	19	0.11
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD1	8	0.11
(1,716)	1:10:A:LYS:H	1:12:A:TYR:HD2	8	0.11
(1,708)	1:27:A:TRP:HA	1:27:A:TRP:HE1	1	0.11
(1,708)	1:27:A:TRP:HA	1:27:A:TRP:HE1	18	0.11
(1,668)	1:60:A:THR:HB	1:62:A:ASN:H	14	0.11
(1,582)	1:41:A:LEU:HB3	1:42:A:GLU:H	11	0.11
(1,581)	1:42:A:GLU:H	1:42:A:GLU:HB3	10	0.11
(1,580)	1:41:A:LEU:HB2	1:42:A:GLU:H	14	0.11
(1,573)	1:40:A:PHE:HB2	1:41:A:LEU:H	2	0.11
(1,570)	1:85:A:HIS:HB3	1:89:A:ARG:H	4	0.11
(1,570)	1:85:A:HIS:HB3	1:89:A:ARG:H	16	0.11
(1,552)	1:13:A:THR:HG21	1:16:A:GLU:H	18	0.11
(1,552)	1:13:A:THR:HG22	1:16:A:GLU:H	18	0.11
(1,552)	1:13:A:THR:HG23	1:16:A:GLU:H	18	0.11
(1,510)	1:61:A:GLU:H	1:63:A:PHE:H	12	0.11
(1,495)	1:15:A:GLU:H	1:18:A:LYS:H	4	0.11
(1,495)	1:15:A:GLU:H	1:18:A:LYS:H	20	0.11
(1,485)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	2	0.11
(1,485)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	2	0.11
(1,485)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	2	0.11
(1,485)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	15	0.11
(1,485)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	15	0.11
(1,485)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	15	0.11
(1,478)	1:15:A:GLU:HA	1:18:A:LYS:H	3	0.11
(1,471)	1:13:A:THR:HA	1:16:A:GLU:H	2	0.11
(1,470)	1:13:A:THR:HA	1:15:A:GLU:H	15	0.11
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG21	5	0.11
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG22	5	0.11
(1,464)	1:13:A:THR:H	1:13:A:THR:HG23	5	0.11
(1,429)	1:13:A:THR:H	1:16:A:GLU:H	16	0.11
(1,405)	1:62:A:ASN:H	1:64:A:GLU:H	18	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,395)	1:9:A:VAL:H	1:10:A:LYS:H	11	0.11
(1,394)	1:8:A:ASP:HA	1:9:A:VAL:H	5	0.11
(1,394)	1:8:A:ASP:HA	1:9:A:VAL:H	21	0.11
(1,360)	1:52:A:ARG:HA	1:54:A:GLN:H	11	0.11
(1,356)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:H	22	0.11
(1,351)	1:50:A:VAL:H	1:52:A:ARG:H	22	0.11
(1,325)	1:74:A:GLU:H	1:77:A:LYS:H	22	0.11
(1,308)	1:64:A:GLU:HA	1:66:A:VAL:H	14	0.11
(1,304)	1:59:A:ALA:HA	1:63:A:PHE:H	3	0.11
(1,302)	1:59:A:ALA:H	1:62:A:ASN:H	13	0.11
(1,297)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:H	10	0.11
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG21	13	0.11
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG22	13	0.11
(1,295)	1:12:A:TYR:HA	1:34:A:VAL:HG23	13	0.11
(1,274)	1:42:A:GLU:HB2	1:48:A:GLU:HB3	21	0.11
(1,262)	1:53:A:GLU:H	1:54:A:GLN:HG2	16	0.11
(1,245)	1:11:A:TYR:HE1	1:85:A:HIS:HA	19	0.11
(1,245)	1:11:A:TYR:HE2	1:85:A:HIS:HA	19	0.11
(1,238)	1:103:A:VAL:HA	1:104:A:ASP:H	13	0.11
(1,176)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HA	2	0.11
(1,174)	1:69:A:SER:HB3	1:71:A:ASP:H	9	0.11
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG2	19	0.11
(1,168)	1:74:A:GLU:HA	1:77:A:LYS:HG3	19	0.11
(1,159)	1:70:A:THR:HG21	1:74:A:GLU:HB3	16	0.11
(1,159)	1:70:A:THR:HG22	1:74:A:GLU:HB3	16	0.11
(1,159)	1:70:A:THR:HG23	1:74:A:GLU:HB3	16	0.11
(1,136)	1:78:A:THR:HB	1:79:A:PHE:H	22	0.11
(1,132)	1:8:A:ASP:HA	1:9:A:VAL:HB	11	0.11
(1,123)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HG2	2	0.11
(1,123)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HG3	2	0.11
(1,121)	1:79:A:PHE:HA	1:81:A:ILE:HG23	5	0.11
(1,92)	1:77:A:LYS:HA	1:80:A:ILE:HA	21	0.11
(1,74)	1:61:A:GLU:HA	1:64:A:GLU:H	3	0.11
(1,64)	1:52:A:ARG:HA	1:55:A:ALA:HA	23	0.11
(1,63)	1:28:A:LEU:HB3	1:55:A:ALA:HA	11	0.11
(1,59)	1:50:A:VAL:HA	1:53:A:GLU:HB3	1	0.11
(1,59)	1:50:A:VAL:HA	1:53:A:GLU:HB2	1	0.11
(1,51)	1:40:A:PHE:HA	1:43:A:GLU:HB3	3	0.11
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD2	18	0.11
(1,28)	1:18:A:LYS:HA	1:18:A:LYS:HD3	18	0.11
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG2	3	0.11
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG3	3	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG2	6	0.11
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG3	6	0.11
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG2	9	0.11
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG3	9	0.11
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG2	16	0.11
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG3	16	0.11
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG2	21	0.11
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG3	21	0.11
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG2	22	0.11
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG3	22	0.11
(1,21)	1:13:A:THR:HA	1:85:A:HIS:H	8	0.11
(1,17)	1:12:A:TYR:HA	1:13:A:THR:HG21	22	0.11
(1,17)	1:12:A:TYR:HA	1:13:A:THR:HG22	22	0.11
(1,17)	1:12:A:TYR:HA	1:13:A:THR:HG23	22	0.11
(1,10)	1:10:A:LYS:HA	1:11:A:TYR:HB2	15	0.11
(1,6)	1:7:A:LYS:HA	1:7:A:LYS:HE2	8	0.11
(1,6)	1:7:A:LYS:HA	1:7:A:LYS:HE3	8	0.11
(3,9)	1:70:A:THR:O	1:74:A:GLU:H	20	0.1
(3,6)	1:69:A:SER:O	1:72:A:ALA:H	14	0.1
(2,5)	2:400:A:HEM:FE	1:68:A:HIS:NE2	15	0.1
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD2	20	0.1
(1,1551)	1:85:A:HIS:HD2	1:86:A:PRO:HD3	20	0.1
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG2	1:75:A:LEU:H	21	0.1
(1,1535)	1:74:A:GLU:HG3	1:75:A:LEU:H	21	0.1
(1,1505)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:HG2	13	0.1
(1,1505)	1:62:A:ASN:HA	1:64:A:GLU:HG3	13	0.1
(1,1427)	1:28:A:LEU:HD11	1:59:A:ALA:H	13	0.1
(1,1427)	1:28:A:LEU:HD12	1:59:A:ALA:H	13	0.1
(1,1427)	1:28:A:LEU:HD13	1:59:A:ALA:H	13	0.1
(1,1427)	1:28:A:LEU:HD21	1:59:A:ALA:H	13	0.1
(1,1427)	1:28:A:LEU:HD22	1:59:A:ALA:H	13	0.1
(1,1427)	1:28:A:LEU:HD23	1:59:A:ALA:H	13	0.1
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD11	1:58:A:ASP:H	12	0.1
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD12	1:58:A:ASP:H	12	0.1
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD13	1:58:A:ASP:H	12	0.1
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD21	1:58:A:ASP:H	12	0.1
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD22	1:58:A:ASP:H	12	0.1
(1,1426)	1:28:A:LEU:HD23	1:58:A:ASP:H	12	0.1
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD1	12	0.1
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB2	1:35:A:TYR:HD2	12	0.1
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD1	12	0.1
(1,1403)	1:28:A:LEU:HB3	1:35:A:TYR:HD2	12	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1393)	1:25:A:SER:H	1:25:A:SER:HB2	3	0.1
(1,1393)	1:25:A:SER:H	1:25:A:SER:HB3	3	0.1
(1,1387)	1:22:A:HIS:HA	1:23:A:SER:HB2	6	0.1
(1,1387)	1:22:A:HIS:HA	1:23:A:SER:HB3	6	0.1
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD11	1:15:A:GLU:H	2	0.1
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD12	1:15:A:GLU:H	2	0.1
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD13	1:15:A:GLU:H	2	0.1
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD21	1:15:A:GLU:H	2	0.1
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD22	1:15:A:GLU:H	2	0.1
(1,1363)	1:14:A:LEU:HD23	1:15:A:GLU:H	2	0.1
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG2	1:52:A:ARG:HD2	10	0.1
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG2	1:52:A:ARG:HD3	10	0.1
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG3	1:52:A:ARG:HD2	10	0.1
(1,1314)	1:48:A:GLU:HG3	1:52:A:ARG:HD3	10	0.1
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD2	11	0.1
(1,1311)	1:52:A:ARG:HA	1:52:A:ARG:HD3	11	0.1
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG21	1:81:A:ILE:HD12	14	0.1
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG22	1:81:A:ILE:HD12	14	0.1
(1,1302)	1:34:A:VAL:HG23	1:81:A:ILE:HD12	14	0.1
(1,1298)	1:80:A:ILE:HG21	1:80:A:ILE:HG12	3	0.1
(1,1298)	1:80:A:ILE:HG21	1:80:A:ILE:HG13	3	0.1
(1,1277)	1:42:A:GLU:HA	1:48:A:GLU:HA	18	0.1
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD1	2	0.1
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD2	2	0.1
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD1	17	0.1
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD2	17	0.1
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD1	21	0.1
(1,1241)	1:28:A:LEU:H	1:35:A:TYR:HD2	21	0.1
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB1	1:62:A:ASN:HD22	4	0.1
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB2	1:62:A:ASN:HD22	4	0.1
(1,1234)	1:59:A:ALA:HB3	1:62:A:ASN:HD22	4	0.1
(1,1206)	1:35:A:TYR:HD1	1:77:A:LYS:HA	21	0.1
(1,1206)	1:35:A:TYR:HD2	1:77:A:LYS:HA	21	0.1
(1,1203)	1:62:A:ASN:HA	1:62:A:ASN:HD22	5	0.1
(1,1196)	1:12:A:TYR:HA	1:12:A:TYR:HE1	5	0.1
(1,1196)	1:12:A:TYR:HA	1:12:A:TYR:HE2	5	0.1
(1,1196)	1:12:A:TYR:HA	1:12:A:TYR:HE1	20	0.1
(1,1196)	1:12:A:TYR:HA	1:12:A:TYR:HE2	20	0.1
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE1	21	0.1
(1,1190)	1:10:A:LYS:HG3	1:12:A:TYR:HE2	21	0.1
(1,1176)	1:11:A:TYR:HE1	1:83:A:GLU:HB2	8	0.1
(1,1176)	1:11:A:TYR:HE2	1:83:A:GLU:HB2	8	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD1	1:83:A:GLU:HB2	17	0.1
(1,1175)	1:11:A:TYR:HD2	1:83:A:GLU:HB2	17	0.1
(1,1125)	1:48:A:GLU:H	1:49:A:GLU:HB3	1	0.1
(1,1024)	1:35:A:TYR:HA	1:79:A:PHE:H	7	0.1
(1,1006)	1:11:A:TYR:H	1:11:A:TYR:HE1	19	0.1
(1,1006)	1:11:A:TYR:H	1:11:A:TYR:HE2	19	0.1
(1,1003)	1:6:A:ASP:H	1:7:A:LYS:H	11	0.1
(1,994)	1:61:A:GLU:HB2	1:62:A:ASN:HD22	22	0.1
(1,994)	1:61:A:GLU:HB3	1:62:A:ASN:HD22	22	0.1
(1,985)	1:41:A:LEU:HD21	1:52:A:ARG:H	3	0.1
(1,985)	1:41:A:LEU:HD22	1:52:A:ARG:H	3	0.1
(1,985)	1:41:A:LEU:HD23	1:52:A:ARG:H	3	0.1
(1,942)	1:21:A:ASN:HA	1:21:A:ASN:HD22	21	0.1
(1,942)	1:21:A:ASN:HA	1:21:A:ASN:HD21	21	0.1
(1,931)	1:33:A:LYS:HA	1:84:A:LEU:H	22	0.1
(1,900)	1:38:A:THR:HG21	1:40:A:PHE:H	5	0.1
(1,900)	1:38:A:THR:HG22	1:40:A:PHE:H	5	0.1
(1,900)	1:38:A:THR:HG23	1:40:A:PHE:H	5	0.1
(1,897)	1:36:A:ASP:H	1:79:A:PHE:H	19	0.1
(1,897)	1:36:A:ASP:H	1:79:A:PHE:H	22	0.1
(1,840)	1:26:A:THR:HG21	1:38:A:THR:H	10	0.1
(1,840)	1:26:A:THR:HG22	1:38:A:THR:H	10	0.1
(1,840)	1:26:A:THR:HG23	1:38:A:THR:H	10	0.1
(1,833)	1:15:A:GLU:HB2	1:16:A:GLU:H	14	0.1
(1,833)	1:15:A:GLU:HB3	1:16:A:GLU:H	14	0.1
(1,816)	1:95:A:PRO:HD2	1:96:A:MET:H	12	0.1
(1,788)	1:70:A:THR:HA	1:72:A:ALA:H	21	0.1
(1,778)	1:26:A:THR:HG21	1:55:A:ALA:H	8	0.1
(1,778)	1:26:A:THR:HG22	1:55:A:ALA:H	8	0.1
(1,778)	1:26:A:THR:HG23	1:55:A:ALA:H	8	0.1
(1,766)	1:52:A:ARG:H	1:53:A:GLU:HG2	19	0.1
(1,755)	1:43:A:GLU:HB3	1:44:A:HIS:H	14	0.1
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG21	9	0.1
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG22	9	0.1
(1,724)	1:25:A:SER:H	1:38:A:THR:HG23	9	0.1
(1,723)	1:24:A:LYS:HB3	1:25:A:SER:H	13	0.1
(1,637)	1:35:A:TYR:HB3	1:37:A:LEU:H	4	0.1
(1,625)	1:29:A:ILE:H	1:29:A:ILE:HG22	7	0.1
(1,625)	1:29:A:ILE:H	1:29:A:ILE:HG22	9	0.1
(1,583)	1:41:A:LEU:HD11	1:42:A:GLU:H	21	0.1
(1,583)	1:41:A:LEU:HD12	1:42:A:GLU:H	21	0.1
(1,583)	1:41:A:LEU:HD13	1:42:A:GLU:H	21	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,580)	1:41:A:LEU:HB2	1:42:A:GLU:H	22	0.1
(1,555)	1:12:A:TYR:H	1:83:A:GLU:HB2	2	0.1
(1,428)	1:60:A:THR:H	1:62:A:ASN:H	15	0.1
(1,414)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:H	2	0.1
(1,414)	1:29:A:ILE:H	1:59:A:ALA:H	10	0.1
(1,393)	1:8:A:ASP:HB2	1:9:A:VAL:H	16	0.1
(1,356)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:H	1	0.1
(1,356)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:H	3	0.1
(1,356)	1:50:A:VAL:H	1:53:A:GLU:H	23	0.1
(1,349)	1:50:A:VAL:HA	1:52:A:ARG:H	4	0.1
(1,328)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:H	9	0.1
(1,328)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:H	11	0.1
(1,328)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:H	13	0.1
(1,328)	1:76:A:SER:H	1:78:A:THR:H	15	0.1
(1,302)	1:59:A:ALA:H	1:62:A:ASN:H	21	0.1
(1,287)	1:21:A:ASN:HA	1:26:A:THR:HB	19	0.1
(1,279)	1:27:A:TRP:HE3	1:81:A:ILE:HD12	5	0.1
(1,238)	1:103:A:VAL:HA	1:104:A:ASP:H	6	0.1
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG21	14	0.1
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG22	14	0.1
(1,225)	1:26:A:THR:HB	1:38:A:THR:HG23	14	0.1
(1,194)	1:81:A:ILE:HG22	1:81:A:ILE:HD12	12	0.1
(1,176)	1:21:A:ASN:H	1:22:A:HIS:HA	11	0.1
(1,119)	1:27:A:TRP:HA	1:36:A:ASP:HB2	11	0.1
(1,82)	1:74:A:GLU:HA	1:74:A:GLU:HG3	7	0.1
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB2	20	0.1
(1,58)	1:49:A:GLU:HA	1:52:A:ARG:HB3	20	0.1
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG2	5	0.1
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG3	5	0.1
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG2	13	0.1
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG3	13	0.1
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG2	17	0.1
(1,24)	1:15:A:GLU:HA	1:15:A:GLU:HG3	17	0.1

10 Dihedral-angle violation analysis

No dihedral-angle restraints found