



Full wwPDB EM Validation Report ⓘ

Mar 6, 2026 – 07:32 PM UTC

PDB ID : 5H64 / pdb_00005h64
EMDB ID : EMD-6668
Title : Cryo-EM structure of mTORC1
Authors : Yang, H.; Wang, J.; Liu, M.; Chen, X.; Huang, M.; Tan, D.; Dong, M.; Wong, C.C.L.; Wang, J.; Xu, Y.; Wang, H.
Deposited on : 2016-11-10
Resolution : 4.40 Å(reported)

This is a Full wwPDB EM Validation Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at validation@mail.wwpdb.org

A user guide is available at

<https://www.wwpdb.org/validation/2017/EMValidationReportHelp>
with specific help available everywhere you see the ⓘ symbol.

The types of validation reports are described at

<http://www.wwpdb.org/validation/2017/FAQs#types>.

The following versions of software and data (see [references ⓘ](#)) were used in the production of this report:

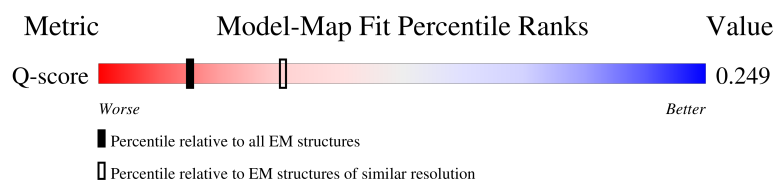
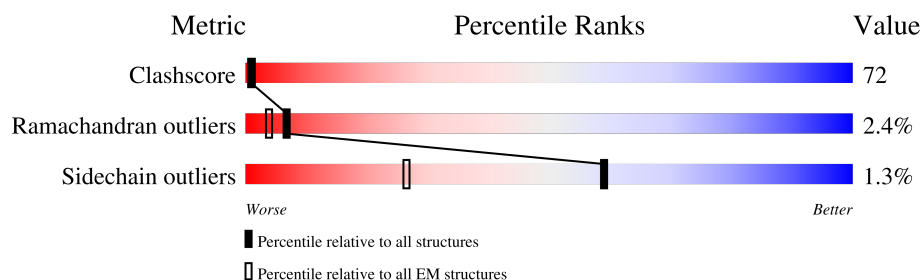
EMDB validation analysis : 0.0.1.dev132
MolProbity : 4-5-2 with Phenix2.0
Percentile statistics : 20250101.v01 (using entries in the PDB archive January 1st 2025)
EM percentile statistics : 202505.v01 (Using data in the EMDB archive up until May 2025)
MapQ : 1.9.13
Ideal geometry (proteins) : Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA) : Parkinson et al. (1996)
Validation Pipeline (wwPDB-VP) : 2.49

1 Overall quality at a glance

The following experimental techniques were used to determine the structure:
ELECTRON MICROSCOPY

The reported resolution of this entry is 4.40 Å.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	EM structures (#Entries)	Similar EM resolution (#Entries, resolution range(Å))
Clashscore	229148	23984	-
Ramachandran outliers	224038	23583	-
Sidechain outliers	223484	23102	-
Q-score	-	25397	3132 (3.91 - 4.90)

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the map. The red, orange, yellow and green segments of the bar indicate the fraction of residues that contain outliers for ≥ 3 , 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria respectively. A grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions $\leq 5\%$. The upper red bar (where present) indicates the fraction of residues that have poor fit to the EM map (all-atom inclusion $< 40\%$). The numeric value is given above the bar.

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A	2549	
1	a	2549	
2	B	1335	
2	b	1335	

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Length	Quality of chain
3	C	326	6% 13% 83% • •
3	c	326	7% 13% 83% • •

2 Entry composition

There are 3 unique types of molecules in this entry. The entry contains 45252 atoms, of which 0 are hydrogens and 0 are deuteriums.

In the tables below, the AltConf column contains the number of residues with at least one atom in alternate conformation and the Trace column contains the number of residues modelled with at most 2 atoms.

- Molecule 1 is a protein called Serine/threonine-protein kinase mTOR.

Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf	Trace
1	A	2101	Total	C	N	O	S	0	0
			15617	9886	2788	2849	94		
1	a	2101	Total	C	N	O	S	0	0
			15617	9886	2788	2849	94		

- Molecule 2 is a protein called Regulatory-associated protein of mTOR.

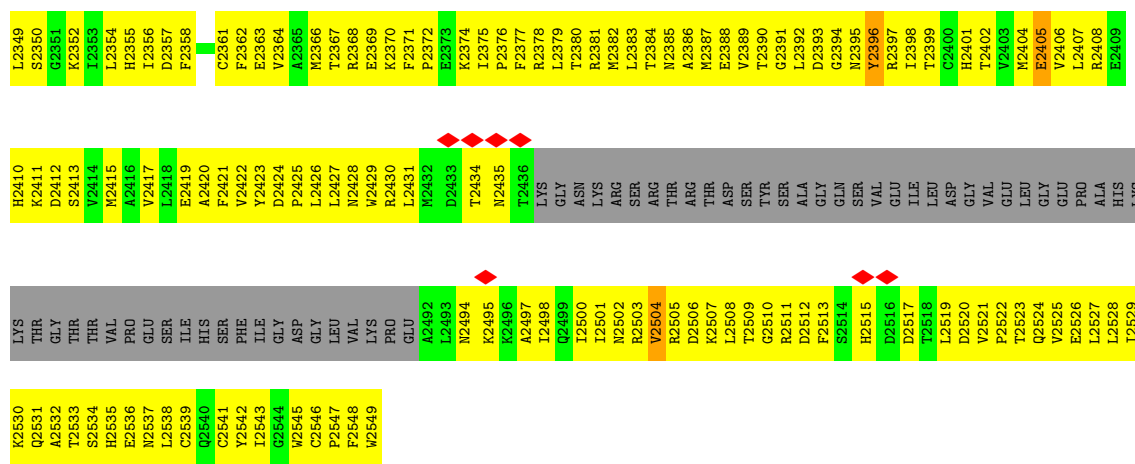
Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf	Trace
2	B	797	Total	C	N	O	S	0	0
			4553	2817	832	894	10		
2	b	797	Total	C	N	O	S	0	0
			4553	2817	832	894	10		

- Molecule 3 is a protein called Target of rapamycin complex subunit LST8.

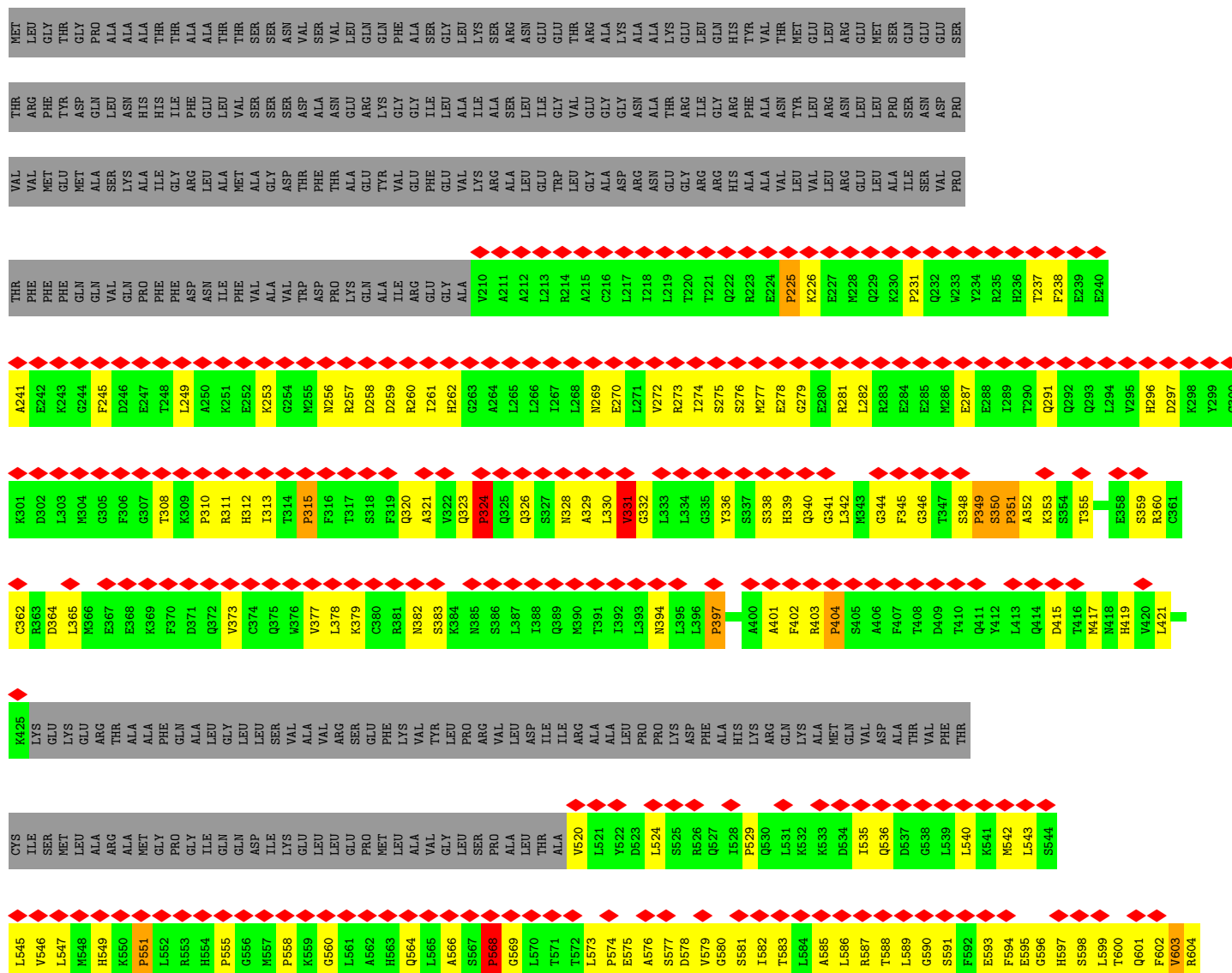
Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf	Trace
3	C	317	Total	C	N	O	S	0	0
			2456	1526	436	476	18		
3	c	317	Total	C	N	O	S	0	0
			2456	1526	436	476	18		

L1423	L1360	L1284	V1217	S1153	S1093	M1031	V971	R910	A849	P788	P728	H505
Q1424	F1363	R1285	K1218	R1154	I1094	D1032	V972	D911	D1052	D789	F729	C806
P1426	M1364	R1286	G1219	I1155	K1095	E1033	Q973	A912	T851	I871	L730	A607
A1428	E1365	H1157	L1221	H1157	L1096	L1036	T1036	A914	G852	N791	R731	D608
A1429	H1366	P1158	L1222	P1158	L1097	T1037	T975	V915	H853	G793	M732	H609
A1430	S1367	I1159	ALA	I1159	A1099	M1038	F977	S916	V855	V794	L734	F610
G1430	D1368	V1160	ASP	V1160	I1100	R1039	F978	L917	E856	V796	L735	L611
G1431	G1369	R1161	GLU	R1161	Q1101	E1040	F979	S918	P857	A677	Q736	N612
V1432	G1370	T1162	GLU	T1162	L1102	K980	F980	E919	H858	L737	L738	S613
P1371	P1371	L1163	GLU	L1163	F1103	W1042	S981	S920	R859	L739	T739	E614
E1434	P1372	P1167	ASP	P1167	G1104	L1043	K921	K921	V861	L679	E740	H615
E1435	P1373	E1168	PRD	E1168	A1105	M1044	G983	S922	K860	D680	L741	K616
A1436	L1374	L1169	LEU	L1169	M1106	N1045	L984	S923	P862	E881	E742	E817
M1437	R1375	L1170	LEU	L1170	L1107	K985	K985	Q924	T863	E882	L743	E818
K1438	D1376	T1171	TYR	T1171	D1108	S1047	Q987	D925	L864	L682	L683	R619
H1439	L1377	L1172	GLN	L1172	D1109	I1048	V987	S926	L865	F883	G744	M620
F1440	M1378	A1173	HIS	A1173	Y1110	Q1049	Q988	S927	E866	F884	G745	
G1441	Q1307	M1174	ARG	M1174	L1111	S1050	F989	ASP	A806	D684	I746	
E1442	A1309	L1175	MET	L1175	L1112	T1051	L990	TYR	V867	A886	G747	
E1443	V1381	T1176	LEU	T1176	L1113	I1052	P991	SER	L868	H686	R748	
E1444	L1382	S1178	ARG	S1178	L1114	I1053	Q992	THR	L869	L687	L749	
I1445	G1384	S1179	SER	S1179	L1115	L1054	M994	SER	N870	A688	K750	
Q1446	R1385	S1179	GLY	S1179	P1116	L1055	M994	SER	F871	Q889	E751	
A1447	E1386	L1180	GLN	L1180	P1117	L1056	P995	GLU	L872	Q890	Q752	
T1448	A1387	V1181	ASP	V1181	L1118	E1057	T996	L935	K873	S753	L756	
W1449	L1388	F1182	ALA	F1182	K1120	Q1058	F997	V936	T874	A754	L757	
Y1450	K1389	Q1183	LEU	Q1183	L1121	I1059	L998	N937	E875	L629	L758	
E1451	C1390	G1185	ALA	G1185	F1122	V1060	N999	M938	Q876	E830	L759	
L1452	R1391	V1186	SER	V1186	D1123	I1062	V1000	G939	N877	L693	Q694	
L1453	A1392	K1186	GLY	K1186	L1124	L1063	I1001	N940	Q879	A895	L760	
H1454	Y1393	K1187	PRO	K1187	P1125	G1064	R1002	L943	T880	L696	L761	
E1455	A1394	Y1188	VAL	Y1188	E1126	G1065	C1004	D944	R881	F821	L700	
W1456	L1395	Q1396	GLU	Q1396	P1126	E1066	D1005	E945	R882	L822	S762	
A1459	D1332	I1190	THR	I1190	A1127	F1067	G1006	F946	E883	I823	N763	
V1461	E1336	F1191	GLY	F1191	P1128	K1068	A1007	Y947	V887	L824	A764	
A1462	L1337	L1192	PRO	L1192	L1129	L1069	I1008	P948	V887	N825	A765	
Y1463	I1338	P1193		P1193	P1130	I1070	R1009	A949	L888	D826	L766	
D1464	R1339	N1196		N1196	S1131	L1071	E1010	V950	G889	N827	L767	
E1465	S1340	K1197		K1197	K1132	P1072	F1011	S951	L890	L828	L768	
K1466	I1341	V1198		V1198	L1133	Q1073	L1012	M952	L891	Q829	R769	
M1467	E1342	L1199		L1199	A1134	L1074	F1013	V953	G892	D830	P770	
D1468	L1343				A1135	T1075	Q1014	A954	A893	S831	Y771	
	A1344	H1202		H1202	L1136	P1076	Q1015	L955	L894	H772	L710	
	L1345	R1203		R1203	E1137	H1077	L1016	M956	D895	I712	A711	
D1472	M1264	I1263		I1263	T1138	M1078	G1017	R957	L833	I713	C713	
P1474	L1265	M1264		M1264	L1139	L1079	M1018	F959	P896	T714	T715	
E1475	Q1266	L1266		L1266	D1140	R1080	L1019	R960	K898	V715	Q650	
L1476	K1267	Q1207		Q1207	R1141	V1081	V1020	D961	H899	V851	V852	
	A1268	L1142		L1142	L1143	F1082	S1021	Q962	K900	R777	G716	
	V1275	T1143		T1143	E1144	M1083	F1022	S963	V839	A778	R717	
	S1276	S1145		S1145	L1145	H1084	V1023	L964	N902	L718	L719	
	D1279	L1212		L1212	L1146	S1087	K1025	S965	L841	S720	S721	
	W1280	I1213		I1213	F1147	G1088	H1026	R966	N842	L781	L782	
	L1281	C1214		C1214	P1149	G1089	I1027	H967	T843	N722	S657	
	E1282	R1215		R1215	T1149	I1090	A1028	H968	L844	P723	K658	
	W1283	I1216		I1216	L1151	V1092	P1029	T969	G845	A724	L859	
					A1152		Y1030	M970	Q908	F726	L860	
									S909	V726	V661	
										V662	G663	
										I664	T665	
										D666	P667	

E2288	A1486	A1548	P1609	A1669	G1729	H1790	GLU	H1910	L1973	A2034	W2101	K2166	V2227	E2288
H2289	L1487	V1549	E1610	H1670	H1730	H1791	SER	F1911	Y1974	S2035	D2102	Q2167	I2228	H2289
A2290	G1488	L1550	R1611	K1671	A1731	A1792	GLU	D1912	P1975	L2036	L2103	R2168	P2229	A2290
V2291	E1489	A1551	R1612	T1672	I1732	H1793	ALA	Y1913	L1976	R2037	Y2104	P2169	L2230	V2291
N2292	W1490	L1552	E1613	L1673	A1733	A1794	GLU	G1914	T1977	Y2038	H2105	R2170	S2231	N2292
N2293	H1553	H1553	I1614	V1674	A1734	V1795	SER	H1915	V1978	T2039	H2106	K2171	T2232	N2293
T2294	Q1491	Q1554	I1615	L1675	T1735	M1796	THR	W1916	A1979	G2040	V2107	L2172	N2233	T2294
A2295	L1493	D1555	R1616	L1676	L1736	M1797	GLU	P1917	S1980	E2041	F2108	T2173	G2234	A2295
G2296	H1494	L1556	Q1617	L1677	D1736	F1798	ASN	L1918	R1981	R2042	R2109	T2174	S2235	G2296
D2297	F1557	F1557	I1618	G1678	Q1737	E1799	SER	V1919	S1982	W2043	R2110	K2175	L2237	D2297
D2298	Q1496	Q1558	W1619	V1679	Q1738	A1800	PRO	N1920	S1982	N2044	R2111	G2176	I2237	D2298
L2299	Q1497	L1559	W1620	D1680	H1739	V1801	THR	E1921	T1985	W2044	I2111	S2177	G2238	L2299
A2300	C1498	A1560	E1621	P1681	K1740	L1802	PRO	A1922	T1985	M2047	Q2114	S2178	Q2238	A2300
K2301	E1499	Q1561	R1622	S1682	Q1741	H1803	SER	L1923	R1987	F2048	L2115	M2179	H2239	K2301
L2302	K1500	Q1562	L1623	R1683	E1742	Y1804	PRO	E1924	R1988	W2049	Q2116	G2179	H2240	L2302
L2303	W1501	C1563	Q1624	Q1684	L1743	K1805	LEU	V1925	N1989	V2050	Q2117	H2180	C2243	L2303
W2304	I1502	I1564	G1625	L1685	H1744	H1806	GLN	G1926	A1990	L2051	L2118	F2182	D2244	W2304
L2305	L1503	D1565	C1626	D1686	K1745	Q1807		V1927	A1991	E2052	T2119	W2183	T2245	L2305
K2306	L1503	K1566	Q1627	D1687	L1746	N1808		K1928	N1992	P2053	S2120	F2184	L2246	K2306
S2307	D1506	A1567	R1628	H1688	M1747	Q1809		A1929	K1993	L2054	L2121	L2186	H2247	S2307
P2308	E1507	R1568	I1629	L1689	A1748	A1810		I1931	N1994	H2055	E2122	L2187	A2248	P2308
S2309	L1507	D1569	W1630	P1690	R1749	K1811		A1932	K1995	A2056	L2123	L2188	L2249	S2309
E2310	Q1509	T1570	E1631	T1691	C1750	R1812		I1933	L1996	W2057	Q2124	K2188	I2250	E2310
		L1571	D1632	V1692	F1751	E1813		Q1934	N1997	W2057	Y2125	H2189	R2251	E2310
		D1572	W1633	H1693	L1752	K1814		L1935	K1998	H2058	V2126	E2190	D2252	E2310
		A1573	Q1634	Q1695	K1753	L1754		W1935	C1999	E2059	S2127	D2191	Y2253	E2310
		E1574	I1635	P1694	L1754	G1755		L1936	E2000	R2060	P2128	L2192	R2254	E2310
		L1575	I1636	V1696	E1756	L1757		Q1937	H2001	G2061	Q2128	K2193	E2255	E2310
		A1516	L1637	V1697	Q1758	Q1758		L1942	S2002	P2062	L2129	Q2194	K2257	E2310
		A1517	M1638	L1698	Q1759	H1814		L1943	T2004	L2064	L2130	L2195	K2258	E2310
		M1578	W1639	A1699	L1759	L1759		L1944	L2005	K2066	M2132	E1916	L2259	E2310
		A1579	I1640	A1699	M1760	M1760		L1945	V2006	E2067	C2133	R2197	L2260	E2310
		G1580	S1641	Y1700	L1761	L1761		L1946	Q2007	N2071	R2134	M2199	L2261	E2310
		E1581	L1642	M1701	Q1762	G1763		L1947	Q2008	R2076	D2135	L2201	N2262	E2310
		S1582	Y1643	K1702	I1763	I1764		L1948	A2009	D2077	L2136	Q2200	I2263	E2310
		L1523	V1644	M1703	M1704	M1765		P1949	M2010	L2078	E2137	L2204	E2264	E2310
		Q1524	S1645	M1705	W1705	I1764		P1950	M2011	R2076	L2138	V2205	H2265	E2310
		Q1525	P1646	S1707	E1766	I1765		P1951	V2012	D2077	A2139	N2206	R2266	E2310
		R1585	H1647	S1707	E1766	E1766		L1952	E2014	L2078	V2140	T2207	I2267	E2310
		D1527	E1648	A1708	S1767	S1767		L1953	E2015	R2079	G2142	L2208	M2268	E2310
		G1588	D1649	R1709	T1768	T1768		L1954	E2016	E2080	P2141	L2209	L2269	E2310
		A1589	M1650	K1710	I1769	I1769		P1955	E2017	A2081	T2143	A2210	R2270	E2310
		M1590	R1651	I1711	P1770	P1770		L1956	L2016	L2081	P2146	A2211	G2271	E2310
		V1591	T1652	D1712	K1771	K1771		L1957	L2017	R2082	N2147	D2210	A2272	E2310
		S1592	W1653	A1713	L1772	L1772		L1958	E2018	Q2082	I2151	D2211	A2273	E2310
		C1593	L1654	F1714	Q1773	Q1773		L1959	E2019	W2084	R2152	D2212	P2273	E2310
		H1594	K1655	Q1715	Q1774	Q1774		L1960	E2020	C2085	Q2153	P2213	D2274	E2310
		M1595	Y1656	H1716	Y1775	Y1775		L1961	L2021	L2086	T2154	T2214	Y2275	E2310
		L1596	A1657	M1717	Y1776	Y1776		L1962	L2022	R2087	R2155	S2215	D2276	E2310
		S1597	S1658	Q1718	Y1776	Y1776		Q1959	L2023	W2088	Q2156	S2216	H2277	E2310
		E1598	L1659	H1719	F1720	F1720		L1960	H2024	W2089	S2155	L2216	L2278	E2310
		L1599	C1660	F1720	G1661	G1661		L1963	E2025	K2090	P2158	R2217	L2279	E2310
		E1600	K1662	Q1722	H1782	H1782		L1964	M2026	W2094	S2159	N2219	M2281	E2310
		K1601	S1663	T1723	D1783	D1783		L1965	W2027	V2095	L2220	S2221	Q2282	E2310
		V1602	G1664	M1724	I1784	I1784		L1966	H2028	C2095	S2160	L2221	K2283	E2310
		I1603	R1665	Q1725	S1785	S1785		Y1967	E2029	D2096	Q2161	I2223	V2284	E2310
		Q1604	L1666	Q1726	W1786	W1786		H1968	G2030	L2097	L2162	Q2224	E2285	E2310
		Y1605	A1667	Q1727	Y1787	Y1787		Q1970	E2032	Q2099	I2163	R2225	V2286	E2310
		K1606	L1668	A1728	K1788	K1788		A1971	E2033	A2100	T2164	Y2225	F2287	E2310
					A1789	A1789		L1972			S2165	A2226		E2310



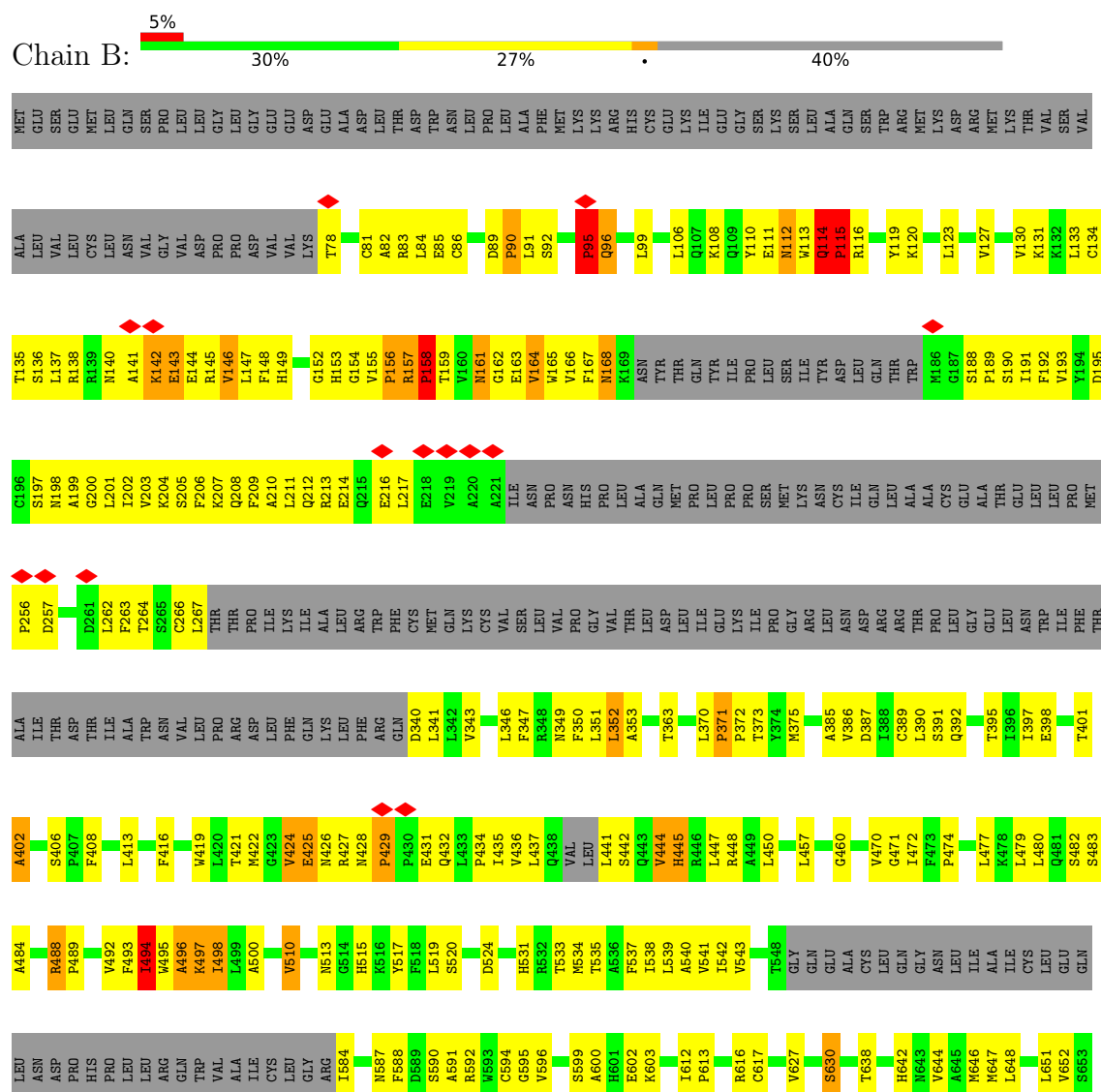
• Molecule 1: Serine/threonine-protein kinase mTOR



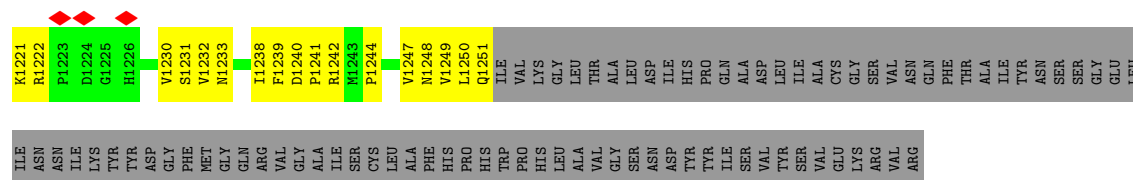
K1422	L1423	Q1424	Q1425	P1426	E1427	A1428	A1429	A1430	G1431	G1432	L1433	E1434	Y1435	A1436	M1437	K1438	H1439	F1440	G1441	E1442	L1443	E1444	I1445	E1446	M1447	T1448	Y1449	K1450	E1451	K1452	L1453	H1454	E1455	W1456	A1459	L1460	Y1461	A1462	Y1463	D1464	K1465	M1466	M1467	D1468	D1472	P1473	P1474	E1475	L1476	M1477	L1478	L1479	S1418	L1419	M1481	R1482	C1483	L1484												
M1359	L1360	F1363	E1364	E1365	H1366	S1367	D1368	K1369	G1370	P1371	R1301	S1302	C1303	W1304	D1375	L1306	G1307	Q1308	A1309	Y1310	A1314	R1315	D1316	F1322	W1326	S1327	E1328	L1329	D1332	Q1333	Q1334	D1335	E1336	L1337	K1338	E1401	L1402	S1340	T1341	E1342	L1343	A1344	L1345	T1346	S1347	Q1348	D1349	I1350	A1351	T1354	Q1355	T1356	L1357	N1421	L1484															
V1217	K1218	G1219	Y1220	L1221	L1222	ALA	ASP	GLU	GLU	GLU	GLY	ASP	PRO	LEU	ILE	TYR	GLN	HIS	ARG	MET	LEU	ALA	ALA	LEU	ALA	LEU	GLY	GLY	VAL	GLY	THR	PRO	M1255	K1256	K1257	L1258	H1259	T1262	I1263	H1264	L1265	Q1266	K1267	A1268	V1276	K1277	D1278	D1279	W1280	L1281	E1282																			
S1153	R1154	I1155	I1156	H1157	I1158	V1159	V1160	R1161	T1162	L1163	P1167	E1168	L1169	R1170	S1171	A1172	A1173	M1174	D1175	L1176	S1177	S1178	L1179	L1180	V1181	F1182	Q1183	L1184	G1185	K1186	K1187	Y1188	I1189	F1191	T1192	P1193	N1196	K1197	V1198	L1199	H1202	R1203	I1204	N1205	H1206	Q1207	R1208	Y1209	D1210	V1211	L1212	L1213	C1214	R1215	L1216															
S1093	I1094	K1095	L1096	H1097	A1098	A1099	I1100	Q1101	L1102	F1103	G1104	A1105	N1106	L1107	D1108	L1109	Y1110	H1111	H1112	L1113	L1114	L1115	P1116	P1117	L1118	V1119	K1120	F1121	F1122	L1123	A1124	E1125	E1126	A1127	P1128	L1129	P1130	S1131	R1132	K1133	A1134	A1135	L1136	E1137	T1138	V1139	R1140	R1141	L1142	T1143	E1144	S1145	L1146	D1147	F1148	T1149	D1150	Y1151	A1152											
M1031	D1032	E1033	T1036	L1037	M1038	R1039	E1040	F1041	M1042	L1043	M1044	M1045	T1046	S1047	Q1048	Q1049	S1050	T1051	I1052	I1053	L1054	L1055	M994	I1056	E1057	Q1058	I1059	V1060	V1061	I1062	L1063	G1064	G1065	E1066	F1067	K1068	L1069	Y1070	E1010	F1011	L1012	Q1073	L1074	L1075	I1076	P1077	H1077	M1078	L1079	R1080	F1081	F1082	S1083	H1084	S1087	P1088	G1089	R1090	L1091	P1092	Y1030									
V971	V972	Q973	A974	S913	T975	T976	V915	S916	S917	F979	S918	E919	K980	S981	S920	L982	K983	S922	S923	Q924	R925	L864	L865	E866	F989	R867	L868	L869	N870	F871	L872	K873	T874	E875	Q876	N877	Q878	T880	R881	R882	E883	R886	R887	L888	G889	L828	L890	Q829	G891	L892	D830	S831	S832	L833	L834	A835	R836	R837	Q838	V839	N901	N902	L841	L842	G904	M905	L906	D907	T969	N970
R910	D911	A912	T851	G852	R853	V854	S855	E856	P857	R858	R859	K860	R861	R862	T863	L864	L865	E866	F989	R867	L868	L869	N870	F871	L872	K873	T874	E875	Q876	N877	Q878	T880	R881	R882	E883	R886	R887	L888	G889	L828	L890	Q829	G891	L892	D830	S831	S832	L833	L834	A835	R836	R837	Q838	V839	N901	N902	L841	L842	G904	M905	L906	D907	T969	N970						
P728	F729	D730	R731	K732	Y733	L734	I735	I795	H796	I797	S798	V799	L799	L799	T739	E740	A741	E742	H743	G744	G745	I746	G747	R748	I749	K750	E751	Q752	S753	A754	R755	L756	R757	G758	H759	L760	A761	S762	I763	A764	P765	V766	L767	I768	R769	Q770	R771	M772	A711	I712	C713	T714	V715	Q716	R717	L718	S719	L720	K721	S722	N723	K724	L725	V726	G727					
H605	C606	A607	D608	D609	F610	L611	N612	S613	E614	H615	K616	E617	I618	R619	M620	A623	R624	S627	R628	L629	T631	P632	S633	I634	H635	L636	I637	S638	G639	H640	A641	H642	V643	V644	T647	A648	V649	Q650	V651	V652	A653	D654	V655	L656	S657	K658	L659	A724	L660	V661	G662	I664	T665	D666	P667															

V2286	F2287	H2288	H2289	V2290	V2291	N2292	N2293	T2294	A2295	G2296	D2297	L2298	A2299	A2300	K2301	L2302	L2303	W2304	L2305	K2306	S2307	P2308	S2309	S2310	E2311	V2312	W2313	F2314	D2315	R2316	R2317	R2318	N2319	V2320	T2321	R2322	S2323	L2324	A2325	R2326	T2327	N2328	S2329	N2330	V2332	L2334	G2335	L2336	G2337	D2338	R2339	H2340	P2341	M2342	N2343	L2344	M2345	L2346	
Y2225	A2226	V2227	I2228	P2229	L2230	S2231	T2232	A2233	S2234	G2235	L2236	L2237	G2238	W2239	H2242	C2243	D2244	T2245	L2246	H2247	A2248	L2249	I2250	R2251	D2252	Y2253	R2254	F2255	E2256	K2257	L2258	I2259	L2260	L2261	N2262	I2263	E2264	H2265	R2266	I2267	M2268	L2269	R2270	M2271	A2272	P2273	D2274	Y2275	G2276	H2277	R2278	T2279	H2280	P2281	Q2282	L2283	V2284	E2285	
I2163	T2164	K2165	K2166	T2167	R2168	P2169	R2170	K2171	L2172	T2173	L2174	M2175	S2176	S2177	Q2114	L2115	Q2116	Q2117	L2118	T2119	S2120	L2121	E2122	L2123	Q2124	Y2125	D2191	L2192	R2193	Q2194	D2195	E2196	R2197	V2198	M2199	Q2200	L2201	L2204	V2205	R2206	T2207	L2208	L2209	D2212	T2213	S2215	L2216	R2217	L2218	Q2154	N2219	L2220	S2221	L2222	Q2223	R2224			
L2097	T2098	Q2099	A2100	W2101	D2102	L2103	Y2104	Y2105	H2106	V2107	L2108	R2109	R2110	I2111	Q2114	L2115	Q2116	Q2117	L2118	T2119	S2120	L2121	E2122	L2123	Q2124	Y2125	D2191	L2192	R2193	Q2194	D2195	E2196	R2197	V2198	M2199	Q2200	L2201	L2204	V2205	R2206	T2207	L2208	L2209	D2212	T2213	S2215	L2216	R2217	L2218	Q2154	N2219	L2220	S2221	L2222	Q2223	R2224			
E2032	E2033	A2034	S2035	P2036	L2037	V2038	F2039	G2040	E2041	R2042	N2043	V2044	W2047	F2048	E2049	V2050	L2051	E2052	P2053	L2054	H2055	A2056	M2057	N2058	E2059	L2060	G2061	P2062	T2063	L2064	L2065	V2066	E2067	N2071	G2075	R2076	D2077	L2078	M2079	E2080	A2081	Q2082	E2083	W2084	C2085	R2086	K2087	L2088	M2089	K2090	S2091	G2092	N2093	V2094	K2095	D2096			
L1972	I1973	P1974	Y1975	L1976	T1977	V1978	A1979	S1980	K1981	S1982	T1983	L1984	T1985	A1986	R1987	H1988	N1989	A1990	A1991	N1992	K1993	L1994	L1995	K1996	N1997	N1998	C1999	E2000	H2001	S2002	N2003	T2004	L2005	V2006	Q2007	Q2008	A2009	M2010	V2012	S2013	E2014	E2015	L2016	L2017	R2018	V2019	A2020	L2021	L2022	W2023	H2024	E2025	M2026	V2027	H2028	E2029	G2030	L2031	
L1909	W1910	F1911	D1912	Y1913	G1914	H1915	W1916	P1917	D1918	V1919	A1920	E1921	A1922	L1923	L1924	E1925	G1926	V1927	K1928	A1929	Q1930	I1931	I1932	D1933	T1934	W1935	L1936	Q1937	V1938	T1939	Q1940	I1941	L1942	I1943	A1944	R1945	D1947	T1948	P1949	F1950	L1951	L1952	G1953	R1954	L1955	L1956	Q1959	L1960	D1963	I1964	Y1967	H1968	P1969	Q1970	A1971				
SER	GLU	SER	GLU	ALA	GLU	SER	THR	GLU	ASN	SER	PRO	THR	PRO	SER	PRO	LEU	GLN	K1867	K1868	V1869	T1870	E1871	D1872	L1873	S1874	K1875	L1876	L1877	L1878	M1879	Y1880	V1882	P1883	A1884	V1885	Q1886	G1887	F1888	F1889	R1890	S1891	I1892	S1893	L1894	S1895	R1896	G1897	N1898	N1899	L1900	Q1901	D1902	T1903	L1904	R1905	V1906	L1907	T1908	
A1789	W1790	H1791	A1792	W1793	A1794	V1795	M1796	N1797	F1798	F1799	A1800	L1801	L1802	H1803	L1804	K1805	H1806	N1807	N1808	Q1809	A1810	R1811	D1812	E1813	K1814	L1815	ARG	ALA	ALA	GLY	SER	GLY	ASN	ASN	ILE	THR	THR	ALA	THR	THR	ALA	ALA	ALA	THR	ALA	ALA	THR	THR	THR	THR	THR	GLU	GLY	SER	ASN				
A1728	Q1729	H1730	A1731	I1732	A1733	T1734	E1735	D1736	Q1737	Q1738	H1739	K1740	Q1741	E1742	L1743	H1744	K1745	L1746	M1747	A1748	R1749	C1750	F1751	L1752	K1753	L1754	G1755	E1756	W1757	Q1758	L1759	M1760	L1761	Q1762	G1763	I1764	E1765	E1766	S1767	T1768	I1769	P1770	K1771	W1772	L1773	Q1774	Y1775	Y1776	S1777	T1780	E1781	H1782	D1783	R1784	S1785	W1786	Y1787	K1788	
L1683	A1689	K1670	K1671	L1672	L1673	V1674	L1675	L1676	L1677	Q1678	V1679	D1680	P1681	S1682	L1683	Q1684	L1685	D1686	H1687	P1688	L1689	P1690	T1691	V1692	H1693	P1694	Q1695	V1696	T1697	V1698	A1699	Y1700	M1701	K1702	N1703	M1704	W1705	K1706	S1707	E1708	R1709	K1710	I1711	D1712	W1713	A1714	Q1715	H1716	M1717	S1718	H1719	F1720	V1721	Q1722	T1723	M1724	R1725	Q1726	Q1727
R1547	A1548	V1549	L1550	A1551	L1552	H1553	Q1554	D1555	L1556	F1557	Q1558	L1559	A1560	Q1561	Q1562	C1563	I1564	D1565	K1566	A1567	D1568	D1569	L1570	L1571	D1572	A1573	E1574	L1575	T1576	A1577	M1578	A1579	G1580	S1582	Y1583	S1584	R1585	A1586	Y1587	G1588	A1589	M1590	V1591	C1592	C1593	H1594	M1595	L1596	S1597	E1598	L1599	E1600	E1601	V1602	L1603	A1544	Y1605	K1606	
E1485	A1486	L1487	G1488	E1489	W1490	G1491	Q1492	L1493	L1494	Q1495	Q1496	C1497	G1498	E1499	K1500	T1501	T1502	L1503	V1504	R1505	D1506	E1507	T1508	L1509	M1512	A1513	R1514	L1515	T1516	A1517	A1518	A1519	A1520	W1521	G1524	Q1525	W1526	D1527	S1528	M1529	E1530	E1531	Y1532	T1533	C1534	M1535	L1536	P1537	R1538	D1539	L1540	E1541	D1542	G1543	A1544	Y1546			

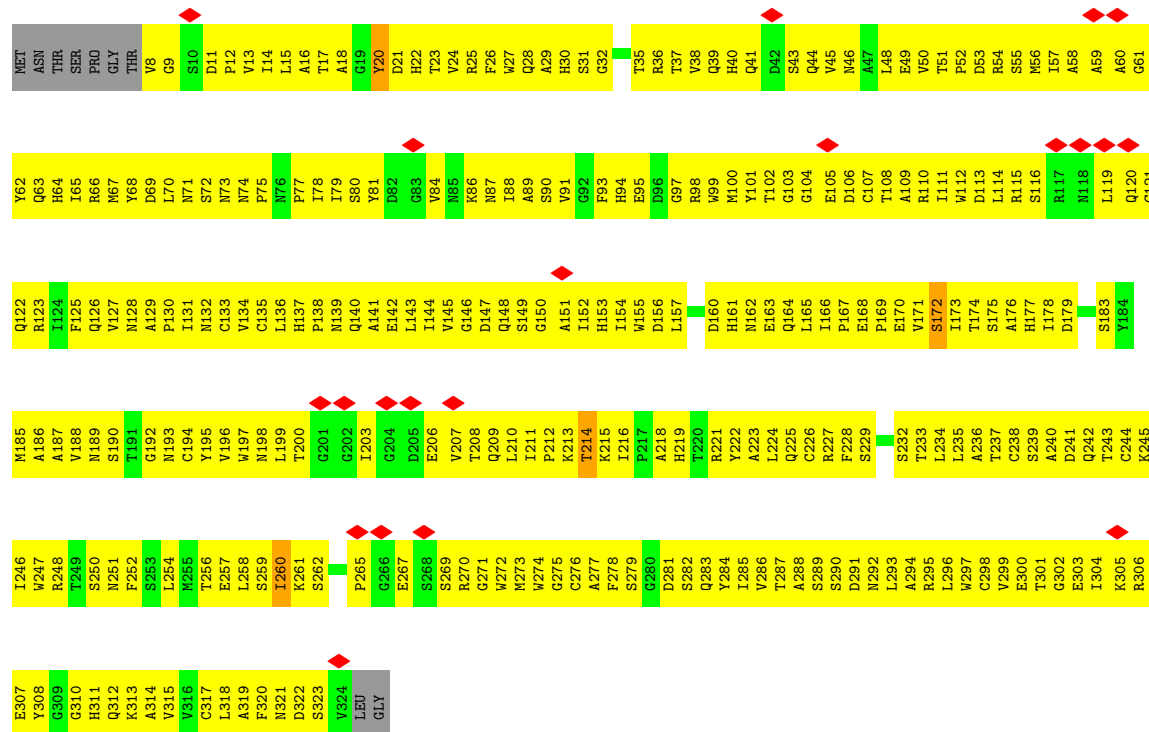
- Molecule 2: Regulatory-associated protein of mTOR



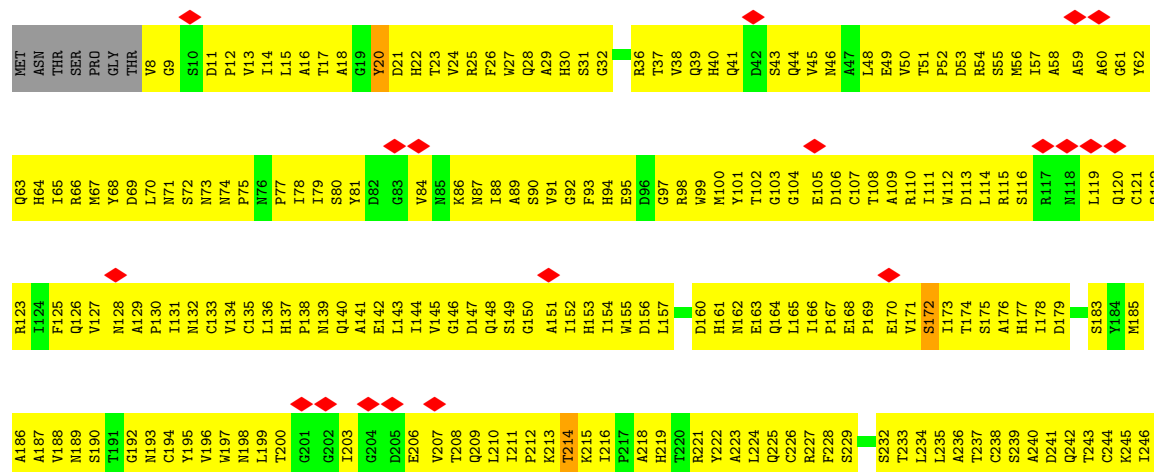




• Molecule 3: Target of rapamycin complex subunit LST8



• Molecule 3: Target of rapamycin complex subunit LST8





4 Experimental information

Property	Value	Source
EM reconstruction method	SINGLE PARTICLE	Depositor
Imposed symmetry	POINT, C2	Depositor
Number of particles used	115039	Depositor
Resolution determination method	FSC 0.143 CUT-OFF	Depositor
CTF correction method	PHASE FLIPPING AND AMPLITUDE CORRECTION	Depositor
Microscope	FEI TITAN KRIOS	Depositor
Voltage (kV)	300	Depositor
Electron dose ($e^-/\text{\AA}^2$)	8.25	Depositor
Minimum defocus (nm)	1500	Depositor
Maximum defocus (nm)	2500	Depositor
Magnification	22500	Depositor
Image detector	GATAN K2 SUMMIT (4k x 4k)	Depositor
Maximum map value	0.066	Depositor
Minimum map value	-0.020	Depositor
Average map value	0.000	Depositor
Map value standard deviation	0.002	Depositor
Recommended contour level	0.0142	Depositor
Map size (Å)	391.962, 391.962, 391.962	wwPDB
Map dimensions	300, 300, 300	wwPDB
Map angles (°)	90.0, 90.0, 90.0	wwPDB
Pixel spacing (Å)	1.30654, 1.30654, 1.30654	Depositor

5 Model quality

5.1 Standard geometry

The Z score for a bond length (or angle) is the number of standard deviations the observed value is removed from the expected value. A bond length (or angle) with $|Z| > 5$ is considered an outlier worth inspection. RMSZ is the root-mean-square of all Z scores of the bond lengths (or angles).

Mol	Chain	Bond lengths		Bond angles	
		RMSZ	$\# Z > 5$	RMSZ	$\# Z > 5$
1	A	0.59	1/15910 (0.0%)	0.95	58/21634 (0.3%)
1	a	0.59	1/15910 (0.0%)	0.95	58/21634 (0.3%)
2	B	0.44	1/4567 (0.0%)	1.00	32/6217 (0.5%)
2	b	0.44	1/4567 (0.0%)	1.00	32/6217 (0.5%)
3	C	0.43	0/2514	0.77	0/3426
3	c	0.43	0/2514	0.77	0/3426
All	All	0.55	4/45982 (0.0%)	0.95	180/62554 (0.3%)

Chiral center outliers are detected by calculating the chiral volume of a chiral center and verifying if the center is modelled as a planar moiety or with the opposite hand. A planarity outlier is detected by checking planarity of atoms in a peptide group, atoms in a mainchain group or atoms of a sidechain that are expected to be planar.

Mol	Chain	#Chirality outliers	#Planarity outliers
1	A	0	47
1	a	0	46
2	B	0	14
2	b	0	14
3	C	0	4
3	c	0	4
All	All	0	129

All (4) bond length outliers are listed below:

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(Å)	Ideal(Å)
1	A	886	ARG	CA-C	-6.56	1.43	1.52
1	a	886	ARG	CA-C	-6.56	1.43	1.52
2	b	115	PRO	N-CD	5.20	1.55	1.47
2	B	115	PRO	N-CD	5.19	1.55	1.47

All (180) bond angle outliers are listed below:

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
1	A	1087	SER	CA-C-N	16.64	140.64	119.84
1	A	1087	SER	C-N-CA	16.64	140.64	119.84
1	a	1087	SER	CA-C-N	16.60	140.59	119.84
1	a	1087	SER	C-N-CA	16.60	140.59	119.84
2	b	363	THR	CA-C-N	15.85	139.66	119.84
2	b	363	THR	C-N-CA	15.85	139.66	119.84
2	B	363	THR	CA-C-N	15.83	139.63	119.84
2	B	363	THR	C-N-CA	15.83	139.63	119.84
2	b	157	ARG	CA-C-N	13.35	136.53	119.84
2	b	157	ARG	C-N-CA	13.35	136.53	119.84
2	B	157	ARG	CA-C-N	13.32	136.49	119.84
2	B	157	ARG	C-N-CA	13.32	136.49	119.84
2	B	114	GLN	CA-C-N	12.35	135.27	119.84
2	B	114	GLN	C-N-CA	12.35	135.27	119.84
2	b	114	GLN	CA-C-N	12.32	135.24	119.84
2	b	114	GLN	C-N-CA	12.32	135.24	119.84
2	B	114	GLN	C-N-CD	-10.63	81.41	125.00
2	b	114	GLN	C-N-CD	-10.63	81.41	125.00
2	b	115	PRO	CA-N-CD	-10.44	97.38	112.00
2	B	115	PRO	CA-N-CD	-10.43	97.39	112.00
1	a	1688	PRO	CA-C-N	-10.01	107.19	121.20
1	a	1688	PRO	C-N-CA	-10.01	107.19	121.20
1	A	1688	PRO	CA-C-N	-10.01	107.19	121.20
1	A	1688	PRO	C-N-CA	-10.01	107.19	121.20
2	B	158	PRO	CA-N-CD	-9.48	98.72	112.00
2	b	158	PRO	CA-N-CD	-9.48	98.73	112.00
1	A	915	VAL	CA-C-N	9.22	138.29	121.70
1	A	915	VAL	C-N-CA	9.22	138.29	121.70
1	a	915	VAL	CA-C-N	9.21	138.28	121.70
1	a	915	VAL	C-N-CA	9.21	138.28	121.70
2	B	352	LEU	CA-C-N	8.80	137.54	121.70
2	B	352	LEU	C-N-CA	8.80	137.54	121.70
2	b	352	LEU	CA-C-N	8.80	137.54	121.70
2	b	352	LEU	C-N-CA	8.80	137.54	121.70
1	A	225	PRO	CA-C-N	8.35	136.74	121.70
1	A	225	PRO	C-N-CA	8.35	136.74	121.70
1	a	225	PRO	CA-C-N	8.34	136.71	121.70
1	a	225	PRO	C-N-CA	8.34	136.71	121.70
1	a	1047	SER	N-CA-C	8.01	122.87	113.18
1	A	1047	SER	N-CA-C	8.00	122.86	113.18
1	a	225	PRO	N-CA-CB	7.84	111.48	103.25
1	A	225	PRO	N-CA-CB	7.83	111.48	103.25
1	A	350	SER	CA-C-N	7.82	129.61	119.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
1	A	350	SER	C-N-CA	7.82	129.61	119.84
1	a	350	SER	CA-C-N	7.79	129.58	119.84
1	a	350	SER	C-N-CA	7.79	129.58	119.84
1	a	1190	ILE	CA-C-N	7.57	135.33	121.70
1	a	1190	ILE	C-N-CA	7.57	135.33	121.70
1	A	555	PRO	N-CA-CB	7.56	111.19	103.25
1	A	1190	ILE	CA-C-N	7.55	135.28	121.70
1	A	1190	ILE	C-N-CA	7.55	135.28	121.70
1	A	606	CYS	N-CA-C	-7.54	98.28	108.24
1	a	606	CYS	N-CA-C	-7.54	98.29	108.24
1	a	555	PRO	N-CA-CB	7.51	111.13	103.25
2	B	156	PRO	N-CA-CB	7.50	111.13	103.25
2	b	156	PRO	N-CA-CB	7.50	111.13	103.25
1	a	1113	LEU	CA-CB-CG	-7.50	90.05	116.30
1	A	1113	LEU	CA-CB-CG	-7.50	90.06	116.30
1	A	558	PRO	N-CA-CB	7.48	110.44	103.41
1	a	1387	ALA	CA-C-N	-7.47	111.70	121.79
1	a	1387	ALA	C-N-CA	-7.47	111.70	121.79
2	B	424	VAL	N-CA-C	-7.46	103.02	110.62
2	b	424	VAL	N-CA-C	-7.45	103.02	110.62
1	A	1387	ALA	CA-C-N	-7.45	111.73	121.79
1	A	1387	ALA	C-N-CA	-7.45	111.73	121.79
1	a	558	PRO	N-CA-CB	7.43	110.39	103.41
1	a	529	PRO	N-CA-CB	7.20	110.83	102.33
1	A	529	PRO	N-CA-CB	7.18	110.80	102.33
2	B	878	PRO	N-CA-CB	7.18	110.89	103.00
2	b	878	PRO	N-CA-CB	7.17	110.89	103.00
2	B	510	VAL	CA-C-N	7.06	134.41	121.70
2	B	510	VAL	C-N-CA	7.06	134.41	121.70
2	b	510	VAL	CA-C-N	7.06	134.41	121.70
2	b	510	VAL	C-N-CA	7.06	134.41	121.70
2	b	256	PRO	N-CA-CB	7.06	110.77	103.00
2	B	256	PRO	N-CA-CB	7.00	110.69	103.00
1	A	551	PRO	N-CA-CB	6.94	110.54	103.25
1	a	551	PRO	N-CA-CB	6.92	110.52	103.25
1	A	351	PRO	N-CA-CB	6.89	110.48	103.25
1	a	351	PRO	N-CA-CB	6.87	110.47	103.25
1	a	1609	PRO	N-CA-CB	6.79	110.29	102.88
1	A	1609	PRO	N-CA-CB	6.78	110.27	102.88
1	A	397	PRO	N-CA-CB	6.71	110.30	103.25
1	a	397	PRO	N-CA-CB	6.70	110.29	103.25
1	a	404	PRO	N-CA-CB	6.65	110.23	103.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
1	A	404	PRO	N-CA-CB	6.64	110.23	103.25
1	A	231	PRO	N-CA-CB	6.62	110.20	103.25
1	A	310	PRO	N-CA-CB	6.62	110.54	103.39
1	a	310	PRO	N-CA-CB	6.62	110.54	103.39
1	a	231	PRO	N-CA-CB	6.61	110.19	103.25
1	A	660	LEU	CA-C-N	6.54	128.51	121.97
1	A	660	LEU	C-N-CA	6.54	128.51	121.97
1	a	660	LEU	CA-C-N	6.54	128.50	121.97
1	a	660	LEU	C-N-CA	6.54	128.50	121.97
2	B	879	PRO	N-CA-CB	6.45	110.02	103.25
1	a	324	PRO	N-CA-CB	6.45	110.02	103.25
2	b	879	PRO	N-CA-CB	6.43	110.00	103.25
1	A	324	PRO	N-CA-CB	6.42	109.99	103.25
1	a	1124	ALA	CA-C-N	-6.41	111.83	119.84
1	a	1124	ALA	C-N-CA	-6.41	111.83	119.84
1	A	1124	ALA	CA-C-N	-6.38	111.87	119.84
1	A	1124	ALA	C-N-CA	-6.38	111.87	119.84
1	a	574	PRO	N-CA-CB	6.29	109.85	103.25
1	A	574	PRO	N-CA-CB	6.26	109.82	103.25
1	A	1328	GLU	CB-CA-C	-6.14	109.50	116.63
1	a	1605	TYR	N-CA-C	6.13	120.60	111.96
1	A	1605	TYR	N-CA-C	6.13	120.60	111.96
1	a	1328	GLU	CB-CA-C	-6.10	109.55	116.63
1	a	315	PRO	N-CA-CB	5.99	109.92	103.33
1	A	315	PRO	N-CA-CB	5.97	109.89	103.33
1	a	1309	ALA	N-CA-C	-5.80	104.18	112.13
1	A	2232	THR	N-CA-C	-5.80	104.96	111.28
1	A	1309	ALA	N-CA-C	-5.79	104.19	112.13
1	a	2232	THR	N-CA-C	-5.79	104.97	111.28
1	A	568	PRO	N-CA-CB	5.77	109.31	103.25
1	a	568	PRO	N-CA-CB	5.77	109.31	103.25
1	A	349	PRO	N-CA-CB	5.74	109.80	103.26
1	a	349	PRO	N-CA-CB	5.72	109.78	103.26
2	b	375	MET	CB-CA-C	-5.65	110.04	116.54
2	B	375	MET	CB-CA-C	-5.62	110.08	116.54
1	a	2128	PRO	N-CA-C	-5.61	106.55	113.84
2	B	352	LEU	CA-C-O	-5.60	114.55	120.71
1	A	2128	PRO	N-CA-C	-5.59	106.57	113.84
2	b	352	LEU	CA-C-O	-5.59	114.56	120.71
1	a	245	PHE	N-CA-C	5.57	117.73	108.99
2	b	406	SER	CA-C-N	5.57	126.80	119.84
2	b	406	SER	C-N-CA	5.57	126.80	119.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	B	406	SER	CA-C-N	5.56	126.79	119.84
2	B	406	SER	C-N-CA	5.56	126.79	119.84
1	A	245	PHE	N-CA-C	5.55	117.71	108.99
2	b	1160	ASP	CA-C-N	-5.54	118.51	123.33
2	b	1160	ASP	C-N-CA	-5.54	118.51	123.33
2	B	1160	ASP	CA-C-N	-5.54	118.51	123.33
2	B	1160	ASP	C-N-CA	-5.54	118.51	123.33
1	a	1384	GLY	N-CA-C	-5.49	106.14	112.50
1	A	1384	GLY	N-CA-C	-5.46	106.17	112.50
1	a	859	ARG	CA-C-N	5.44	131.93	121.54
1	a	859	ARG	C-N-CA	5.44	131.93	121.54
1	A	1681	PRO	CA-C-N	-5.44	113.18	121.66
1	A	1681	PRO	C-N-CA	-5.44	113.18	121.66
1	a	1681	PRO	CA-C-N	-5.43	113.19	121.66
1	a	1681	PRO	C-N-CA	-5.43	113.19	121.66
1	A	859	ARG	CA-C-N	5.43	131.91	121.54
1	A	859	ARG	C-N-CA	5.43	131.91	121.54
2	B	510	VAL	CA-C-O	-5.38	114.05	120.78
2	b	510	VAL	CA-C-O	-5.38	114.06	120.78
2	b	887	SER	CB-CA-C	-5.37	110.36	116.54
2	B	887	SER	CB-CA-C	-5.36	110.38	116.54
2	B	371	PRO	CA-C-N	5.33	126.51	119.84
2	B	371	PRO	C-N-CA	5.33	126.51	119.84
2	b	371	PRO	CA-C-N	5.33	126.50	119.84
2	b	371	PRO	C-N-CA	5.33	126.50	119.84
1	a	262	HIS	N-CA-C	5.28	117.72	111.33
1	A	262	HIS	N-CA-C	5.27	117.71	111.33
2	b	510	VAL	CB-CA-C	5.27	119.93	111.29
2	B	510	VAL	CB-CA-C	5.24	119.88	111.29
2	B	114	GLN	N-CA-C	5.22	121.34	109.81
1	A	757	LEU	CA-CB-CG	-5.21	98.06	116.30
1	a	757	LEU	CA-CB-CG	-5.21	98.06	116.30
2	b	114	GLN	N-CA-C	5.21	121.32	109.81
1	A	988	GLN	N-CA-C	-5.21	99.71	110.80
1	a	988	GLN	N-CA-C	-5.19	99.74	110.80
1	a	876	GLN	CA-C-N	-5.19	111.63	121.54
1	a	876	GLN	C-N-CA	-5.19	111.63	121.54
1	A	876	GLN	CA-C-N	-5.19	111.63	121.54
1	A	876	GLN	C-N-CA	-5.19	111.63	121.54
2	b	112	ASN	CA-C-N	5.15	130.83	121.41
2	b	112	ASN	C-N-CA	5.15	130.83	121.41
2	B	112	ASN	CA-C-N	5.13	130.80	121.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
2	B	112	ASN	C-N-CA	5.13	130.80	121.41
1	a	1268	ALA	CB-CA-C	-5.06	110.72	116.54
1	A	1622	ARG	CA-C-N	-5.05	113.32	120.89
1	A	1622	ARG	C-N-CA	-5.05	113.32	120.89
1	A	1268	ALA	CB-CA-C	-5.04	110.74	116.54
1	a	1622	ARG	CA-C-N	-5.03	113.34	120.89
1	a	1622	ARG	C-N-CA	-5.03	113.34	120.89
1	a	1316	ASP	CA-C-N	5.02	130.73	121.70
1	a	1316	ASP	C-N-CA	5.02	130.73	121.70
1	A	1316	ASP	CA-C-N	5.00	130.70	121.70
1	A	1316	ASP	C-N-CA	5.00	130.70	121.70

There are no chirality outliers.

All (129) planarity outliers are listed below:

Mol	Chain	Res	Type	Group
1	A	1025	SER	Peptide
1	A	1028	ARG	Peptide
1	A	1067	PHE	Peptide
1	A	1075	ILE	Peptide
1	A	1082	PHE	Peptide
1	A	1087	SER	Peptide
1	A	1109	ASP	Peptide
1	A	1124	ALA	Peptide
1	A	1125	PRO	Peptide
1	A	1148	PHE	Peptide
1	A	1310	TYR	Peptide
1	A	1444	GLU	Peptide
1	A	1472	ASP	Peptide
1	A	1582	SER	Peptide
1	A	1605	TYR	Peptide
1	A	1732	ILE	Peptide
1	A	1762	GLN	Peptide
1	A	1787	TYR	Peptide
1	A	1809	GLN	Peptide
1	A	1895	SER	Peptide
1	A	1899	ASN	Peptide
1	A	1950	ARG	Peptide
1	A	2127	SER	Peptide
1	A	226	LYS	Peptide
1	A	257	ARG	Peptide
1	A	260	ARG	Peptide

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Group
1	A	261	ILE	Peptide
1	A	275	SER	Peptide
1	A	324	PRO	Peptide
1	A	331	VAL	Peptide
1	A	352	ALA	Peptide
1	A	603	VAL	Peptide
1	A	628	ARG	Peptide
1	A	714	THR	Peptide
1	A	716	GLY	Peptide
1	A	718	LEU	Peptide
1	A	776	LEU	Peptide
1	A	836	LYS	Peptide
1	A	856	GLU	Peptide
1	A	857	PRO	Peptide
1	A	874	THR	Peptide
1	A	899	HIS	Peptide
1	A	900	LYS	Peptide
1	A	914	ALA	Peptide
1	A	970	MET	Peptide
1	A	989	PHE	Peptide
1	A	990	LEU	Peptide
2	B	1070	VAL	Peptide
2	B	1096	TRP	Peptide
2	B	114	GLN	Peptide
2	B	157	ARG	Peptide
2	B	161	ASN	Peptide
2	B	343	VAL	Peptide
2	B	371	PRO	Peptide
2	B	408	PHE	Peptide
2	B	429	PRO	Peptide
2	B	445	HIS	Peptide
2	B	474	PRO	Peptide
2	B	494	ILE	Peptide
2	B	498	ILE	Peptide
2	B	644	VAL	Peptide
3	C	172	SER	Peptide
3	C	20	TYR	Peptide
3	C	214	THR	Peptide
3	C	260	ILE	Peptide
1	a	1025	SER	Peptide
1	a	1028	ARG	Peptide
1	a	1067	PHE	Peptide

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Group
1	a	1075	ILE	Peptide
1	a	1082	PHE	Peptide
1	a	1087	SER	Peptide
1	a	1109	ASP	Peptide
1	a	1124	ALA	Peptide
1	a	1125	PRO	Peptide
1	a	1148	PHE	Peptide
1	a	1310	TYR	Peptide
1	a	1444	GLU	Peptide
1	a	1472	ASP	Peptide
1	a	1582	SER	Peptide
1	a	1605	TYR	Peptide
1	a	1732	ILE	Peptide
1	a	1762	GLN	Peptide
1	a	1787	TYR	Peptide
1	a	1895	SER	Peptide
1	a	1899	ASN	Peptide
1	a	1950	ARG	Peptide
1	a	2127	SER	Peptide
1	a	226	LYS	Peptide
1	a	257	ARG	Peptide
1	a	260	ARG	Peptide
1	a	261	ILE	Peptide
1	a	275	SER	Peptide
1	a	324	PRO	Peptide
1	a	331	VAL	Peptide
1	a	352	ALA	Peptide
1	a	603	VAL	Peptide
1	a	628	ARG	Peptide
1	a	714	THR	Peptide
1	a	716	GLY	Peptide
1	a	718	LEU	Peptide
1	a	776	LEU	Peptide
1	a	836	LYS	Peptide
1	a	856	GLU	Peptide
1	a	857	PRO	Peptide
1	a	874	THR	Peptide
1	a	899	HIS	Peptide
1	a	900	LYS	Peptide
1	a	914	ALA	Peptide
1	a	970	MET	Peptide
1	a	989	PHE	Peptide

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Group
1	a	990	LEU	Peptide
2	b	1070	VAL	Peptide
2	b	1096	TRP	Peptide
2	b	114	GLN	Peptide
2	b	157	ARG	Peptide
2	b	161	ASN	Peptide
2	b	343	VAL	Peptide
2	b	371	PRO	Peptide
2	b	408	PHE	Peptide
2	b	429	PRO	Peptide
2	b	445	HIS	Peptide
2	b	474	PRO	Peptide
2	b	494	ILE	Peptide
2	b	498	ILE	Peptide
2	b	644	VAL	Peptide
3	c	172	SER	Peptide
3	c	20	TYR	Peptide
3	c	214	THR	Peptide
3	c	260	ILE	Peptide

5.2 Too-close contacts

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in the chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes within the asymmetric unit, whereas Symm-Clashes lists symmetry-related clashes.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes	Symm-Clashes
1	A	15617	0	14621	2342	0
1	a	15617	0	14621	2337	0
2	B	4553	0	2926	344	0
2	b	4553	0	2926	344	0
3	C	2456	0	2341	432	0
3	c	2456	0	2341	428	0
All	All	45252	0	39776	6158	0

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 72.

All (6158) close contacts within the same asymmetric unit are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
2:B:89:ASP:HB3	2:B:153:HIS:CB	1.53	1.38
2:B:82:ALA:O	2:B:115:PRO:HB2	1.24	1.36
2:b:89:ASP:HB3	2:b:153:HIS:CB	1.53	1.35
2:b:82:ALA:O	2:b:115:PRO:HB2	1.24	1.26
2:b:111:GLU:HA	2:b:114:GLN:HA	1.27	1.14
2:B:111:GLU:HA	2:B:114:GLN:HA	1.27	1.09
2:B:142:LYS:O	2:B:143:GLU:O	1.73	1.07
1:A:912:ALA:O	1:A:1622:ARG:NH2	1.88	1.06
1:a:912:ALA:O	1:a:1622:ARG:NH2	1.88	1.05
2:b:89:ASP:CB	2:b:153:HIS:CB	2.35	1.05
2:b:142:LYS:O	2:b:143:GLU:O	1.73	1.05
2:B:89:ASP:CB	2:B:153:HIS:CB	2.35	1.04
3:C:173:ILE:HA	3:C:189:ASN:HA	1.38	1.04
1:a:1019:LEU:HA	1:a:1022:PHE:HD2	1.24	1.03
1:A:1150:ASP:HA	1:a:731:ARG:HD3	1.37	1.03
2:B:89:ASP:HB2	2:B:152:GLY:O	1.58	1.03
2:b:89:ASP:HB2	2:b:152:GLY:O	1.58	1.03
2:B:156:PRO:O	2:B:158:PRO:HD3	1.59	1.02
2:b:424:VAL:O	2:b:426:ASN:CG	1.97	1.02
1:A:731:ARG:HD3	1:a:1150:ASP:HA	1.40	1.01
1:A:2192:LEU:HB2	1:A:2229:PRO:HG3	1.42	1.01
1:a:2192:LEU:HB2	1:a:2229:PRO:HG3	1.42	1.01
2:b:156:PRO:O	2:b:158:PRO:HD3	1.59	1.00
3:c:173:ILE:HA	3:c:189:ASN:HA	1.38	1.00
1:A:975:ILE:O	1:A:979:PHE:N	1.95	1.00
1:A:1941:GLN:HG3	1:A:2197:ARG:HE	1.23	1.00
1:a:1941:GLN:HG3	1:a:2197:ARG:HE	1.22	1.00
2:B:424:VAL:O	2:B:426:ASN:CG	1.97	0.99
2:b:89:ASP:HB3	2:b:153:HIS:CA	1.92	0.99
2:b:89:ASP:CB	2:b:153:HIS:CA	2.41	0.99
2:B:89:ASP:HB2	2:B:152:GLY:C	1.87	0.99
2:B:89:ASP:HB3	2:B:153:HIS:CA	1.92	0.98
1:a:975:ILE:O	1:a:979:PHE:N	1.95	0.98
2:B:89:ASP:CB	2:B:153:HIS:CA	2.41	0.98
1:A:1019:LEU:HA	1:A:1022:PHE:HD2	1.24	0.97
2:b:89:ASP:HB2	2:b:152:GLY:C	1.88	0.97
1:A:1148:PHE:HE2	1:A:1183:GLN:HB2	1.29	0.97
1:A:1797:ASN:HB2	1:A:1884:ALA:HB2	1.47	0.97
1:a:1148:PHE:HE2	1:a:1183:GLN:HB2	1.29	0.96
1:a:1797:ASN:HB2	1:a:1884:ALA:HB2	1.47	0.95
1:a:1581:GLU:HG2	1:a:1584:SER:HB2	1.48	0.95
1:a:2289:HIS:O	1:a:2293:ASN:ND2	2.00	0.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:2310:SER:O	1:a:2314:PHE:N	2.00	0.95
1:A:2310:SER:O	1:A:2314:PHE:N	2.00	0.94
1:A:1102:LEU:O	1:A:1141:ARG:NH2	2.01	0.94
1:A:1581:GLU:HG2	1:A:1584:SER:HB2	1.48	0.94
1:a:1102:LEU:O	1:a:1141:ARG:NH2	2.01	0.94
2:b:1181:ILE:HB	2:b:1193:TYR:HB2	1.50	0.94
1:A:2289:HIS:O	1:A:2293:ASN:ND2	2.00	0.93
2:b:210:ALA:O	2:b:214:GLU:N	2.01	0.93
1:a:2128:PRO:HA	1:a:2131:LEU:HB3	1.49	0.93
1:A:2128:PRO:HA	1:A:2131:LEU:HB3	1.49	0.93
1:a:2189:HIS:HA	1:a:2233:ASN:HB3	1.50	0.93
1:a:1199:LEU:HD22	1:a:1204:ILE:HD12	1.52	0.92
1:a:1726:GLN:O	1:a:1730:HIS:ND1	2.03	0.92
2:B:1181:ILE:HB	2:B:1193:TYR:HB2	1.49	0.92
2:B:210:ALA:O	2:B:214:GLU:N	2.01	0.92
1:A:673:TYR:HA	1:A:676:LEU:HB2	1.50	0.92
1:a:673:TYR:HA	1:a:676:LEU:HB2	1.50	0.91
1:A:2189:HIS:HA	1:A:2233:ASN:HB3	1.50	0.91
1:A:545:LEU:O	1:A:549:HIS:CB	2.19	0.91
1:A:1901:GLN:HE21	1:A:1905:ARG:HH21	1.16	0.91
1:a:1090:ARG:HD2	1:a:1094:ILE:HG13	1.53	0.91
1:a:545:LEU:O	1:a:549:HIS:CB	2.19	0.91
1:A:1199:LEU:HD22	1:A:1204:ILE:HD12	1.52	0.91
1:A:1090:ARG:HD2	1:A:1094:ILE:HG13	1.53	0.90
2:B:162:GLY:O	2:B:166:VAL:N	2.04	0.90
2:b:162:GLY:O	2:b:166:VAL:N	2.04	0.90
1:A:1601:GLU:OE1	1:A:1619:TRP:NE1	2.04	0.90
1:A:1875:LYS:O	1:A:1879:MET:N	2.05	0.90
3:c:239:SER:OG	3:c:241:ASP:OD1	1.89	0.90
1:a:1601:GLU:OE1	1:a:1619:TRP:NE1	2.04	0.90
1:A:1726:GLN:O	1:A:1730:HIS:ND1	2.03	0.90
1:a:1340:SER:O	1:a:1344:ALA:N	2.05	0.89
2:B:89:ASP:CB	2:B:153:HIS:N	2.36	0.89
2:b:207:LYS:O	2:b:211:LEU:N	2.05	0.89
2:B:206:PHE:O	2:B:210:ALA:N	2.06	0.89
1:A:1340:SER:O	1:A:1344:ALA:N	2.05	0.89
3:c:9:GLY:HA2	3:c:71:ASN:HA	1.55	0.89
3:c:60:ALA:HA	3:c:65:ILE:HA	1.54	0.89
2:b:89:ASP:CB	2:b:153:HIS:N	2.36	0.89
1:A:722:ASN:O	1:A:726:VAL:N	2.06	0.89
1:a:701:ASN:HB3	1:a:704:VAL:HB	1.55	0.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:909:SER:H	1:A:1568:ARG:HH22	0.90	0.89
1:a:1581:GLU:HG3	1:a:1586:ALA:HB3	1.55	0.89
3:C:239:SER:OG	3:C:241:ASP:OD1	1.89	0.88
1:a:1181:VAL:HG12	1:a:1216:ILE:HD12	1.55	0.88
3:c:188:VAL:HG11	3:c:225:GLN:HA	1.56	0.88
2:B:95:PRO:O	2:B:96:GLN:HB2	1.73	0.88
3:C:60:ALA:HA	3:C:65:ILE:HA	1.54	0.88
1:A:1584:SER:O	1:A:1587:TYR:N	2.05	0.88
3:C:198:ASN:HB2	3:C:211:ILE:HB	1.54	0.88
1:A:1181:VAL:HG12	1:A:1216:ILE:HD12	1.55	0.88
2:B:207:LYS:O	2:B:211:LEU:N	2.05	0.88
3:C:188:VAL:HG11	3:C:225:GLN:HA	1.56	0.88
1:a:722:ASN:O	1:a:726:VAL:N	2.06	0.88
1:a:1391:ARG:HH21	1:a:1395:LYS:HE3	1.39	0.88
1:a:2502:ASN:OD1	1:a:2505:ARG:NH2	2.07	0.88
1:A:1551:ALA:HB3	1:A:1560:ALA:HB2	1.56	0.88
2:B:422:MET:CG	2:B:434:PRO:HG2	2.04	0.88
2:b:82:ALA:O	2:b:115:PRO:CB	2.18	0.88
1:A:1581:GLU:HG3	1:A:1586:ALA:HB3	1.55	0.87
2:B:82:ALA:O	2:B:115:PRO:CB	2.18	0.87
1:a:909:SER:H	1:a:1568:ARG:HH22	0.90	0.87
1:a:1875:LYS:O	1:a:1879:MET:N	2.05	0.87
2:b:95:PRO:O	2:b:96:GLN:HB2	1.73	0.87
2:b:206:PHE:O	2:b:210:ALA:N	2.06	0.87
1:A:1495:GLN:O	1:A:1499:GLU:N	2.08	0.87
3:c:198:ASN:HB2	3:c:211:ILE:HB	1.54	0.87
1:A:755:ARG:NH2	2:b:479:LEU:O	2.07	0.87
1:a:1495:GLN:O	1:a:1499:GLU:N	2.08	0.87
3:C:225:GLN:H	3:C:238:CYS:HB2	1.40	0.87
3:C:239:SER:HB3	3:C:243:THR:H	1.40	0.87
3:c:239:SER:HB3	3:c:243:THR:H	1.40	0.87
2:B:111:GLU:CA	2:B:114:GLN:HA	2.05	0.87
1:a:1584:SER:O	1:a:1587:TYR:N	2.05	0.87
1:a:1028:ARG:O	1:a:1031:MET:N	2.07	0.86
1:a:2084:TRP:HA	1:a:2087:LYS:HD2	1.57	0.86
1:a:2378:ARG:NH2	1:a:2545:TRP:O	2.08	0.86
1:A:1557:PHE:O	1:A:1561:GLN:N	2.08	0.86
1:a:1483:CYS:O	1:a:1487:LEU:N	2.08	0.86
1:A:2378:ARG:NH2	1:A:2545:TRP:O	2.08	0.86
1:A:2415:MET:HE1	1:A:2505:ARG:HH11	1.40	0.86
3:C:244:CYS:HB3	3:C:258:LEU:HB2	1.57	0.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:c:285:ILE:HG23	3:c:297:TRP:HB2	1.56	0.86
1:a:1551:ALA:HB3	1:a:1560:ALA:HB2	1.56	0.86
1:a:2214:THR:O	1:a:2218:LYS:N	2.07	0.86
1:a:2415:MET:HE1	1:a:2505:ARG:HH11	1.40	0.86
1:A:701:ASN:HB3	1:A:704:VAL:HB	1.55	0.86
1:a:2007:GLN:O	1:a:2011:MET:N	2.09	0.86
1:A:2084:TRP:HA	1:A:2087:LYS:HD2	1.57	0.86
1:a:2408:ARG:NH2	1:a:2519:LEU:O	2.09	0.86
1:A:2228:ILE:HB	1:A:2236:LEU:HB2	1.58	0.86
3:C:9:GLY:HA2	3:C:71:ASN:HA	1.55	0.86
1:a:1557:PHE:O	1:a:1561:GLN:N	2.08	0.86
1:a:735:ILE:H	1:a:738:LEU:HD12	1.41	0.86
1:a:908:GLN:O	1:a:912:ALA:N	2.09	0.86
1:a:1901:GLN:HE21	1:a:1905:ARG:HH21	1.16	0.86
3:c:225:GLN:H	3:c:238:CYS:HB2	1.40	0.86
1:A:908:GLN:O	1:A:912:ALA:N	2.09	0.85
1:A:2502:ASN:OD1	1:A:2505:ARG:NH2	2.07	0.85
1:A:1391:ARG:HH21	1:A:1395:LYS:HE3	1.39	0.85
1:A:1483:CYS:O	1:A:1487:LEU:N	2.08	0.85
1:A:2066:LYS:HB2	1:A:2125:TYR:HB3	1.58	0.85
1:a:788:PRO:O	1:a:791:ASN:N	2.09	0.85
1:A:1028:ARG:O	1:A:1031:MET:N	2.07	0.85
1:A:1148:PHE:CE2	1:A:1183:GLN:HB2	2.10	0.85
1:a:1148:PHE:CE2	1:a:1183:GLN:HB2	2.10	0.85
1:a:1075:ILE:H	1:a:1078:MET:HG2	1.41	0.85
1:A:2214:THR:O	1:A:2218:LYS:N	2.07	0.85
1:a:2066:LYS:HB2	1:a:2125:TYR:HB3	1.57	0.85
2:b:422:MET:CG	2:b:434:PRO:HG2	2.04	0.85
1:A:788:PRO:O	1:A:791:ASN:N	2.09	0.85
2:b:1242:ARG:HA	2:b:1247:VAL:HA	1.59	0.85
3:c:154:ILE:HB	3:c:163:GLU:HB2	1.59	0.85
1:A:909:SER:H	1:A:1568:ARG:NH2	1.74	0.85
3:C:285:ILE:HG23	3:C:297:TRP:HB2	1.56	0.84
1:A:1382:LEU:O	1:A:1386:ARG:N	2.10	0.84
1:A:735:ILE:H	1:A:738:LEU:HD12	1.41	0.84
1:A:1677:LEU:HB3	1:A:1679:VAL:HG22	1.57	0.84
2:b:89:ASP:CG	2:b:153:HIS:N	2.36	0.84
1:A:1075:ILE:H	1:A:1078:MET:HG2	1.41	0.84
1:A:2343:ASN:ND2	1:A:2357:ASP:OD2	2.11	0.84
1:a:1021:SER:HA	1:a:1024:LYS:HD2	1.59	0.84
1:A:1449:TRP:O	1:A:1453:LEU:N	2.10	0.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:1287:LEU:O	1:a:1291:LEU:N	2.09	0.84
1:A:1287:LEU:O	1:A:1291:LEU:N	2.09	0.84
3:C:154:ILE:HB	3:C:163:GLU:HB2	1.59	0.84
2:B:1147:VAL:HB	2:B:1162:PRO:HB2	1.58	0.84
1:a:1677:LEU:HB3	1:a:1679:VAL:HG22	1.57	0.84
1:a:2228:ILE:HB	1:a:2236:LEU:HB2	1.58	0.84
1:a:2343:ASN:ND2	1:a:2357:ASP:OD2	2.11	0.84
2:b:111:GLU:CA	2:b:114:GLN:HA	2.05	0.84
1:A:836:LYS:HB3	1:A:840:ALA:HB2	1.60	0.84
2:B:781:PHE:O	2:B:1249:VAL:N	2.11	0.84
1:a:1449:TRP:O	1:a:1453:LEU:N	2.10	0.84
1:A:2408:ARG:NH2	1:A:2519:LEU:O	2.09	0.84
1:a:909:SER:H	1:a:1568:ARG:NH2	1.74	0.84
1:a:1063:LEU:O	1:a:1070:TYR:OH	1.96	0.84
1:a:2341:PRO:HG2	1:a:2549:TRP:HE3	1.43	0.84
1:a:1043:VAL:O	1:a:1080:ARG:NH2	2.11	0.84
2:B:89:ASP:CG	2:B:153:HIS:N	2.36	0.83
1:a:1444:GLU:HG3	1:a:1449:TRP:HE1	1.42	0.83
1:A:1344:ALA:O	1:A:1348:GLN:N	2.11	0.83
1:A:2007:GLN:O	1:A:2011:MET:N	2.09	0.83
1:a:1382:LEU:O	1:a:1386:ARG:N	2.10	0.83
1:a:1309:ALA:HB3	1:a:1310:TYR:HA	1.59	0.83
3:c:244:CYS:HB3	3:c:258:LEU:HB2	1.57	0.83
1:A:1021:SER:HA	1:A:1024:LYS:HD2	1.59	0.83
3:C:98:ARG:NE	3:C:113:ASP:OD1	2.11	0.83
2:B:1242:ARG:HA	2:B:1247:VAL:HA	1.59	0.83
1:A:864:LEU:HA	1:A:867:VAL:HB	1.61	0.83
3:c:12:PRO:HA	3:c:54:ARG:HH12	1.44	0.83
1:A:1063:LEU:O	1:A:1070:TYR:OH	1.96	0.83
1:a:1891:SER:O	1:a:1895:SER:N	2.12	0.83
1:A:1046:THR:O	1:A:1080:ARG:NH1	2.12	0.83
1:a:836:LYS:HB3	1:a:840:ALA:HB2	1.60	0.83
1:a:1390:CYS:O	1:a:1394:ALA:N	2.12	0.83
1:A:2230:LEU:HG	1:A:2235:GLY:HA2	1.61	0.83
2:B:111:GLU:HA	2:B:114:GLN:CA	2.09	0.83
1:a:864:LEU:HA	1:a:867:VAL:HB	1.61	0.83
2:b:781:PHE:O	2:b:1249:VAL:N	2.11	0.83
2:b:1147:VAL:HB	2:b:1162:PRO:HB2	1.58	0.83
1:A:743:HIS:O	1:A:750:LYS:NZ	2.12	0.82
1:A:2341:PRO:HG2	1:A:2549:TRP:HE3	1.43	0.82
1:a:902:ASN:O	1:a:906:ILE:N	2.12	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1444:GLU:HG3	1:A:1449:TRP:HE1	1.41	0.82
1:a:960:ARG:HB3	1:a:979:PHE:CZ	2.14	0.82
1:a:1878:LEU:HD11	1:a:1918:ASP:HB2	1.61	0.82
1:A:1014:GLN:O	1:A:1018:MET:N	2.12	0.82
1:A:1043:VAL:O	1:A:1080:ARG:NH2	2.11	0.82
1:A:1623:LEU:O	1:A:1626:CYS:N	2.12	0.82
3:c:98:ARG:NE	3:c:113:ASP:OD1	2.11	0.82
1:A:1632:ASP:OD1	1:A:1632:ASP:N	2.11	0.82
1:a:869:LEU:HB3	1:a:873:LYS:HE3	1.62	0.82
1:a:1046:THR:O	1:a:1080:ARG:NH1	2.12	0.82
1:a:1139:VAL:HG22	1:a:1176:THR:HA	1.62	0.82
1:A:2185:LEU:N	1:A:2237:ILE:O	2.12	0.82
3:C:12:PRO:HA	3:C:54:ARG:HH12	1.44	0.82
1:a:743:HIS:O	1:a:750:LYS:NZ	2.12	0.82
2:b:111:GLU:HA	2:b:114:GLN:CA	2.09	0.82
1:A:869:LEU:HB3	1:A:873:LYS:HE3	1.62	0.82
1:A:1139:VAL:HG22	1:A:1176:THR:HA	1.62	0.82
1:A:1150:ASP:OD1	1:a:731:ARG:NH1	2.12	0.82
1:A:1309:ALA:HB3	1:A:1310:TYR:HA	1.59	0.82
2:B:165:TRP:O	2:B:213:ARG:NH1	2.13	0.82
1:a:2053:PRO:O	1:a:2057:MET:N	2.12	0.82
2:b:165:TRP:O	2:b:213:ARG:NH1	2.13	0.82
1:A:1930:ILE:HD11	1:A:1934:THR:HG21	1.62	0.82
1:a:790:PRO:O	1:a:793:GLY:N	2.13	0.82
1:a:1930:ILE:HD11	1:a:1934:THR:HG21	1.62	0.82
1:A:1390:CYS:O	1:A:1394:ALA:N	2.12	0.81
1:A:2381:ARG:NE	1:A:2548:PHE:O	2.12	0.81
1:A:790:PRO:O	1:A:793:GLY:N	2.13	0.81
1:a:1014:GLN:O	1:a:1018:MET:N	2.12	0.81
1:a:2381:ARG:NE	1:a:2548:PHE:O	2.12	0.81
2:b:538:ILE:O	2:b:542:ILE:N	2.10	0.81
1:A:902:ASN:O	1:A:906:ILE:N	2.12	0.81
1:A:2053:PRO:O	1:A:2057:MET:N	2.12	0.81
1:A:2190:GLU:N	1:A:2233:ASN:O	2.13	0.81
1:a:2094:VAL:O	1:a:2098:THR:N	2.12	0.81
1:A:2277:HIS:O	3:C:87:ASN:ND2	2.13	0.81
1:a:1490:TRP:O	1:a:1494:HIS:N	2.13	0.81
1:a:2277:HIS:O	3:c:87:ASN:ND2	2.13	0.81
1:a:2347:ASP:OD2	1:a:2350:SER:N	2.13	0.81
2:b:1183:ALA:HB3	2:b:1191:ARG:HB2	1.63	0.81
1:A:742:GLU:O	1:A:746:ILE:N	2.13	0.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:921:LYS:HA	1:A:924:GLN:HB2	1.63	0.81
1:A:960:ARG:HB3	1:A:979:PHE:CZ	2.14	0.81
1:A:1410:PRO:HG3	1:A:1440:PHE:HB3	1.63	0.81
1:A:2347:ASP:OD2	1:A:2350:SER:N	2.13	0.81
1:a:2169:PRO:HB3	1:a:2187:LYS:HG2	1.63	0.81
1:A:1343:LEU:O	1:A:1347:SER:N	2.14	0.81
1:A:2169:PRO:HB3	1:A:2187:LYS:HG2	1.63	0.81
3:C:218:ALA:HB1	3:C:237:THR:HG21	1.62	0.81
1:a:1344:ALA:O	1:a:1348:GLN:N	2.11	0.81
1:a:2230:LEU:HG	1:a:2235:GLY:HA2	1.61	0.81
1:A:859:ARG:HA	1:A:861:TYR:CZ	2.16	0.81
1:A:2363:GLU:O	1:A:2367:THR:N	2.12	0.81
1:a:742:GLU:O	1:a:746:ILE:N	2.13	0.81
2:b:142:LYS:O	2:b:143:GLU:C	2.24	0.81
3:c:218:ALA:HB1	3:c:237:THR:HG21	1.62	0.81
1:A:2336:LEU:HD21	1:A:2339:ARG:HH21	1.46	0.80
1:A:731:ARG:NH1	1:a:1150:ASP:OD1	2.13	0.80
1:A:833:LEU:HA	1:A:836:LYS:HB2	1.62	0.80
1:A:642:HIS:HB3	1:A:643:VAL:HG23	1.63	0.80
2:B:538:ILE:O	2:B:542:ILE:N	2.10	0.80
1:A:771:TYR:CE1	1:a:1112:HIS:HB3	2.17	0.80
1:A:1400:LYS:HD3	1:A:1416:LEU:HA	1.63	0.80
2:B:191:ILE:N	2:B:263:PHE:O	2.13	0.80
1:a:1623:LEU:O	1:a:1626:CYS:N	2.12	0.80
1:A:1478:LEU:O	1:A:1482:ARG:N	2.14	0.80
1:A:1667:ALA:O	1:A:1671:LYS:N	2.12	0.80
1:A:1793:TRP:O	1:A:1797:ASN:ND2	2.15	0.80
1:A:1878:LEU:HD11	1:A:1918:ASP:HB2	1.61	0.80
1:A:1891:SER:O	1:A:1895:SER:N	2.12	0.80
1:a:921:LYS:HA	1:a:924:GLN:HB2	1.63	0.80
1:a:1259:HIS:O	1:a:1263:ILE:N	2.13	0.80
1:a:1915:HIS:HA	1:a:1952:LEU:HB2	1.63	0.80
2:b:135:THR:HA	2:b:138:ARG:HB2	1.64	0.80
1:A:1170:ARG:HE	1:A:1204:ILE:HG12	1.45	0.80
1:A:1626:CYS:HB3	1:A:1628:ARG:HG3	1.64	0.80
2:B:135:THR:HA	2:B:138:ARG:HB2	1.64	0.80
1:a:833:LEU:HA	1:a:836:LYS:HB2	1.62	0.80
1:a:1343:LEU:O	1:a:1347:SER:N	2.14	0.80
1:a:1632:ASP:N	1:a:1632:ASP:OD1	2.11	0.80
1:A:837:ARG:O	1:A:840:ALA:N	2.14	0.80
2:B:1193:TYR:HA	2:B:1216:LYS:HA	1.62	0.80

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:C:24:VAL:N	3:C:38:VAL:O	2.13	0.80
1:a:1793:TRP:O	1:a:1797:ASN:ND2	2.15	0.80
1:a:2336:LEU:HD21	1:a:2339:ARG:HH21	1.46	0.80
2:b:191:ILE:N	2:b:263:PHE:O	2.13	0.80
2:b:1193:TYR:HA	2:b:1216:LYS:HA	1.62	0.80
1:a:657:SER:HB3	1:a:673:TYR:CE2	2.17	0.80
1:a:1039:ARG:HA	1:a:1042:TRP:HD1	1.47	0.80
1:a:2185:LEU:N	1:a:2237:ILE:O	2.12	0.80
2:B:483:SER:H	1:a:755:ARG:HH22	1.31	0.79
1:A:657:SER:HB3	1:A:673:TYR:CE2	2.17	0.79
1:a:1170:ARG:HE	1:a:1204:ILE:HG12	1.45	0.79
1:a:1478:LEU:O	1:a:1482:ARG:N	2.14	0.79
1:A:949:ALA:O	1:A:953:VAL:N	2.15	0.79
1:A:1336:GLU:O	1:A:1340:SER:N	2.12	0.79
1:a:859:ARG:HA	1:a:861:TYR:CZ	2.16	0.79
1:a:1917:PRO:O	1:a:1921:GLU:N	2.16	0.79
1:a:2190:GLU:N	1:a:2233:ASN:O	2.13	0.79
1:A:908:GLN:HB2	1:A:1568:ARG:NH2	1.97	0.79
2:B:1183:ALA:HB3	2:B:1191:ARG:HB2	1.63	0.79
3:C:65:ILE:HB	3:C:81:TYR:HD2	1.48	0.79
1:a:837:ARG:O	1:a:840:ALA:N	2.15	0.79
1:a:1336:GLU:O	1:a:1340:SER:N	2.12	0.79
1:a:2195:ASP:HA	1:a:2198:VAL:HB	1.63	0.79
1:a:1393:TYR:HA	1:a:1419:ILE:HD11	1.64	0.79
1:A:981:SER:O	1:A:985:LYS:N	2.13	0.79
1:A:1804:TYR:O	1:A:1808:ASN:N	2.15	0.79
1:a:642:HIS:HB3	1:a:643:VAL:HG23	1.62	0.79
1:A:826:ASP:HA	1:A:829:GLN:CD	2.07	0.79
1:A:1464:ASP:OD1	1:A:1480:ARG:NE	2.14	0.79
1:A:1042:TRP:O	1:A:1080:ARG:NH1	2.15	0.79
1:A:2195:ASP:HA	1:A:2198:VAL:HB	1.64	0.79
2:B:85:GLU:HB3	2:B:148:PHE:HA	1.65	0.79
1:A:948:PRO:O	1:A:952:MET:N	2.12	0.79
1:A:1915:HIS:HA	1:A:1952:LEU:HB2	1.63	0.79
2:B:142:LYS:O	2:B:143:GLU:C	2.24	0.79
2:B:202:ILE:O	2:B:205:SER:OG	2.00	0.79
1:a:593:GLU:O	1:a:597:HIS:N	2.16	0.79
1:a:948:PRO:O	1:a:952:MET:N	2.12	0.79
1:a:1956:LEU:HA	1:a:1959:GLN:HB3	1.63	0.79
3:c:113:ASP:O	3:c:116:SER:OG	2.01	0.79
1:A:1956:LEU:HA	1:A:1959:GLN:HB3	1.63	0.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
2:B:479:LEU:O	1:a:755:ARG:NH2	2.15	0.79
1:a:1042:TRP:O	1:a:1080:ARG:NH1	2.15	0.79
1:A:740:GLU:HA	1:A:743:HIS:HD2	1.48	0.78
1:A:2340:HIS:HB3	1:A:2545:TRP:CD1	2.18	0.78
1:a:1400:LYS:HD3	1:a:1416:LEU:HA	1.63	0.78
1:a:1444:GLU:HG3	1:a:1449:TRP:NE1	1.98	0.78
1:a:1585:ARG:O	1:a:1589:ALA:N	2.13	0.78
3:c:65:ILE:HB	3:c:81:TYR:HD2	1.48	0.78
1:a:908:GLN:HB2	1:a:1568:ARG:NH2	1.97	0.78
1:a:1042:TRP:HB2	1:a:1077:HIS:CE1	2.19	0.78
1:a:1304:TRP:O	1:a:1308:GLN:N	2.16	0.78
1:A:1042:TRP:HB2	1:A:1077:HIS:CE1	2.19	0.78
1:A:2005:LEU:O	1:A:2009:ALA:N	2.14	0.78
1:A:2102:ASP:O	1:A:2106:HIS:N	2.13	0.78
1:a:970:MET:HB3	1:a:972:VAL:H	1.48	0.78
2:b:85:GLU:HB3	2:b:148:PHE:HA	1.64	0.78
1:A:1705:TRP:HZ2	1:A:1760:ASN:HD22	1.31	0.78
3:C:123:ARG:NH1	3:C:157:LEU:O	2.16	0.78
1:a:683:PHE:HA	1:a:686:HIS:HD2	1.47	0.78
1:a:909:SER:N	1:a:1568:ARG:HH22	1.76	0.78
1:A:2094:VAL:O	1:A:2098:THR:N	2.12	0.78
1:A:2279:THR:N	1:A:2282:GLN:OE1	2.17	0.78
2:B:153:HIS:O	2:B:155:VAL:N	2.17	0.78
3:C:225:GLN:O	3:C:238:CYS:N	2.11	0.78
1:a:596:GLY:HA2	1:a:599:LEU:HB2	1.66	0.78
1:a:1356:THR:O	1:a:1391:ARG:NH1	2.15	0.78
1:A:520:VAL:O	1:A:524:LEU:N	2.15	0.78
1:A:606:CYS:HB3	1:A:607:ALA:HA	1.66	0.78
1:A:1354:THR:O	1:A:1358:LEU:N	2.15	0.78
1:a:1410:PRO:HG3	1:a:1440:PHE:HB3	1.63	0.78
1:a:1626:CYS:HB3	1:a:1628:ARG:HG3	1.64	0.78
1:a:2340:HIS:HB3	1:a:2545:TRP:CD1	2.18	0.78
1:A:672:ARG:O	1:A:676:LEU:N	2.17	0.78
1:A:683:PHE:HA	1:A:686:HIS:HD2	1.47	0.78
1:A:1446:GLN:O	1:A:1450:TYR:N	2.14	0.78
2:b:202:ILE:O	2:b:205:SER:OG	2.00	0.78
2:b:203:VAL:HA	2:b:206:PHE:HD2	1.48	0.78
3:c:196:VAL:N	3:c:214:THR:O	2.17	0.78
1:A:1444:GLU:HG3	1:A:1449:TRP:NE1	1.98	0.78
1:A:1567:ALA:HA	1:A:1570:LEU:HD12	1.66	0.78
2:B:1095:VAL:O	2:B:1116:SER:N	2.14	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:826:ASP:HA	1:a:829:GLN:CD	2.07	0.78
1:a:902:ASN:HA	1:a:905:MET:HB2	1.66	0.78
1:a:1275:VAL:O	1:a:1279:ASP:N	2.16	0.78
3:c:123:ARG:NH1	3:c:157:LEU:O	2.16	0.78
3:c:172:SER:HB3	3:c:190:SER:HB3	1.66	0.78
1:A:598:SER:O	1:A:602:PHE:N	2.15	0.78
1:A:2028:HIS:CG	1:A:2115:LEU:HD11	2.19	0.78
1:A:2229:PRO:HA	1:A:2235:GLY:HA3	1.66	0.78
1:a:1804:TYR:O	1:a:1808:ASN:N	2.15	0.78
1:A:1039:ARG:HA	1:A:1042:TRP:HD1	1.47	0.77
3:C:196:VAL:N	3:C:214:THR:O	2.17	0.77
1:A:596:GLY:HA2	1:A:599:LEU:HB2	1.66	0.77
1:A:1275:VAL:O	1:A:1279:ASP:N	2.16	0.77
1:A:1393:TYR:HA	1:A:1419:ILE:HD11	1.64	0.77
1:A:1490:TRP:O	1:A:1494:HIS:N	2.13	0.77
1:a:1354:THR:O	1:a:1358:LEU:N	2.15	0.77
1:A:1259:HIS:O	1:A:1263:ILE:N	2.13	0.77
1:A:1549:VAL:O	1:A:1553:HIS:N	2.17	0.77
1:A:2333:ILE:HA	1:A:2507:LYS:HD3	1.66	0.77
3:C:172:SER:HB3	3:C:190:SER:HB3	1.66	0.77
1:A:1917:PRO:O	1:A:1921:GLU:N	2.16	0.77
1:A:1991:ALA:O	1:A:1995:LEU:N	2.14	0.77
2:b:1050:ASP:O	2:b:1054:GLY:N	2.17	0.77
1:A:1304:TRP:O	1:A:1308:GLN:N	2.16	0.77
1:A:1360:LEU:N	1:A:1391:ARG:HH22	1.82	0.77
2:B:89:ASP:HB2	2:B:153:HIS:N	1.99	0.77
1:a:1527:ASP:HA	1:a:1530:GLU:HB3	1.66	0.77
1:A:308:THR:O	1:A:312:HIS:N	2.18	0.77
1:a:308:THR:O	1:a:312:HIS:N	2.18	0.77
1:a:606:CYS:HB3	1:a:607:ALA:HA	1.66	0.77
1:a:1595:MET:O	1:a:1599:LEU:N	2.16	0.77
1:A:593:GLU:O	1:A:597:HIS:N	2.16	0.77
1:A:721:MET:HB3	1:A:725:PHE:HE2	1.49	0.77
1:A:1551:ALA:O	1:A:1556:LEU:N	2.15	0.77
1:a:740:GLU:HA	1:a:743:HIS:HD2	1.48	0.77
1:A:1598:GLU:HA	1:A:1601:GLU:CD	2.10	0.77
1:a:1765:ASN:O	1:a:1768:THR:OG1	2.03	0.77
1:a:1991:ALA:O	1:a:1995:LEU:N	2.14	0.77
1:A:1148:PHE:HB2	1:A:1184:LEU:HD12	1.66	0.77
1:a:960:ARG:HH21	1:a:978:ILE:HG22	1.50	0.77
1:A:908:GLN:NE2	1:A:1568:ARG:O	2.18	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:C:113:ASP:O	3:C:116:SER:OG	2.01	0.77
1:a:1594:HIS:O	1:a:1597:SER:OG	2.03	0.77
1:a:2028:HIS:CG	1:a:2115:LEU:HD11	2.19	0.77
1:a:2279:THR:N	1:a:2282:GLN:OE1	2.17	0.77
3:c:24:VAL:N	3:c:38:VAL:O	2.13	0.77
1:A:1112:HIS:HB3	1:a:771:TYR:CE1	2.20	0.76
1:A:1527:ASP:HA	1:A:1530:GLU:HB3	1.66	0.76
2:B:203:VAL:HA	2:B:206:PHE:HD2	1.48	0.76
2:B:1050:ASP:O	2:B:1054:GLY:N	2.18	0.76
1:a:1106:ASN:HB3	1:a:1107:LEU:HB2	1.67	0.76
1:a:1360:LEU:N	1:a:1391:ARG:HH22	1.82	0.76
1:a:1549:VAL:O	1:a:1553:HIS:N	2.17	0.76
1:A:320:GLN:O	1:A:324:PRO:N	2.19	0.76
1:A:1007:ALA:HA	1:A:1008:ILE:HB	1.67	0.76
1:a:981:SER:O	1:a:985:LYS:N	2.13	0.76
1:a:1598:GLU:HA	1:a:1601:GLU:CD	2.10	0.76
1:a:2229:PRO:HA	1:a:2235:GLY:HA3	1.67	0.76
1:a:2431:LEU:O	1:a:2435:ASN:N	2.15	0.76
1:A:717:ARG:HH12	1:A:748:ARG:HD2	1.50	0.76
1:A:970:MET:HB3	1:A:972:VAL:H	1.48	0.76
1:A:1187:LYS:HA	1:A:1190:ILE:HD12	1.67	0.76
1:A:2065:LEU:HB2	1:A:2125:TYR:HA	1.68	0.76
1:a:269:ASN:O	1:a:273:ARG:N	2.16	0.76
1:a:654:ASP:HB3	1:a:658:LYS:HE3	1.68	0.76
1:A:1356:THR:O	1:A:1391:ARG:NH1	2.15	0.76
1:A:1585:ARG:O	1:A:1589:ALA:N	2.13	0.76
1:a:1187:LYS:HA	1:a:1190:ILE:HD12	1.67	0.76
1:a:2363:GLU:O	1:a:2367:THR:N	2.12	0.76
2:b:592:ARG:O	2:b:596:VAL:N	2.19	0.76
1:A:909:SER:N	1:A:1568:ARG:HH22	1.76	0.76
1:A:2523:THR:O	1:A:2527:LEU:N	2.14	0.76
1:a:1988:HIS:O	1:a:1992:ASN:ND2	2.19	0.76
1:a:2223:GLN:HB2	1:a:2354:LEU:HD13	1.68	0.76
1:A:2223:GLN:HB2	1:A:2354:LEU:HD13	1.68	0.76
1:a:714:THR:H	1:a:717:ARG:HH21	1.31	0.76
1:a:2395:ASN:O	1:a:2399:THR:N	2.14	0.76
2:b:153:HIS:O	2:b:155:VAL:N	2.17	0.76
1:A:902:ASN:HA	1:A:905:MET:HB2	1.66	0.76
1:A:1594:HIS:O	1:A:1597:SER:OG	2.03	0.76
1:a:787:ASP:HB2	1:a:828:LEU:HD13	1.66	0.76
1:a:2065:LEU:HB2	1:a:2125:TYR:HA	1.68	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:c:62:TYR:CE1	3:c:86:LYS:HA	2.21	0.76
1:A:787:ASP:HB2	1:A:828:LEU:HD13	1.66	0.76
1:a:863:THR:O	1:a:867:VAL:N	2.16	0.76
1:a:1567:ALA:HA	1:a:1570:LEU:HD12	1.66	0.76
1:A:281:ARG:CB	1:A:282:LEU:C	2.59	0.75
1:A:1988:HIS:O	1:A:1992:ASN:ND2	2.19	0.75
2:B:495:TRP:C	2:B:497:LYS:H	1.94	0.75
1:a:641:ALA:HA	1:a:642:HIS:CG	2.21	0.75
1:a:788:PRO:HD3	1:a:828:LEU:HD22	1.68	0.75
1:A:1082:PHE:HZ	1:A:1114:LEU:HD23	1.52	0.75
1:A:1177:LEU:HA	1:A:1180:LEU:HD12	1.68	0.75
1:a:672:ARG:O	1:a:676:LEU:N	2.17	0.75
1:a:1092:VAL:HG13	1:a:1095:LYS:HD2	1.68	0.75
1:a:1177:LEU:HA	1:a:1180:LEU:HD12	1.68	0.75
1:a:1705:TRP:HZ2	1:a:1760:ASN:HD22	1.31	0.75
1:a:2333:ILE:HA	1:a:2507:LYS:HD3	1.66	0.75
1:a:2340:HIS:CE1	1:a:2342:SER:HB2	2.21	0.75
2:b:114:GLN:O	2:b:115:PRO:HG3	1.86	0.75
2:b:1095:VAL:O	2:b:1116:SER:N	2.14	0.75
1:A:1043:VAL:N	1:A:1077:HIS:HE1	1.84	0.75
2:B:165:TRP:HB3	2:B:213:ARG:NE	2.01	0.75
1:a:281:ARG:CB	1:a:282:LEU:C	2.59	0.75
1:a:394:ASN:O	1:a:397:PRO:N	2.19	0.75
1:a:1082:PHE:HZ	1:a:1114:LEU:HD23	1.51	0.75
1:A:633:SER:O	1:A:637:ILE:N	2.19	0.75
1:A:1765:ASN:O	1:A:1768:THR:OG1	2.03	0.75
1:A:2028:HIS:CD2	1:A:2115:LEU:HD11	2.21	0.75
1:a:320:GLN:O	1:a:324:PRO:N	2.19	0.75
1:a:1667:ALA:O	1:a:1671:LYS:N	2.12	0.75
2:b:165:TRP:HB3	2:b:213:ARG:NE	2.01	0.75
1:A:1106:ASN:HB3	1:A:1107:LEU:HB2	1.67	0.75
2:B:114:GLN:O	2:B:115:PRO:HG3	1.86	0.75
1:a:633:SER:O	1:a:637:ILE:N	2.19	0.75
1:a:1007:ALA:HA	1:a:1008:ILE:HB	1.67	0.75
1:A:755:ARG:HH22	2:b:483:SER:H	1.32	0.75
1:A:960:ARG:HH21	1:A:978:ILE:HG22	1.50	0.75
3:C:62:TYR:CE1	3:C:86:LYS:HA	2.21	0.75
1:a:610:PHE:O	1:a:614:GLU:N	2.19	0.75
1:a:717:ARG:HH12	1:a:748:ARG:HD2	1.51	0.75
1:a:908:GLN:NE2	1:a:1568:ARG:O	2.18	0.75
3:c:225:GLN:O	3:c:238:CYS:N	2.11	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1112:HIS:HB3	1:a:771:TYR:CZ	2.22	0.75
1:a:960:ARG:NH1	1:a:979:PHE:HA	2.02	0.75
1:a:1043:VAL:N	1:a:1077:HIS:HE1	1.84	0.75
1:a:1148:PHE:HB2	1:a:1184:LEU:HD12	1.66	0.75
1:A:641:ALA:HA	1:A:642:HIS:CG	2.21	0.75
1:A:2340:HIS:CE1	1:A:2342:SER:HB2	2.21	0.75
1:a:721:MET:HB3	1:a:725:PHE:HE2	1.49	0.75
1:a:1596:LEU:O	1:a:1600:GLU:N	2.17	0.75
1:a:2028:HIS:CD2	1:a:2115:LEU:HD11	2.21	0.75
1:a:2379:LEU:O	1:a:2384:THR:OG1	2.05	0.75
1:A:394:ASN:O	1:A:397:PRO:N	2.19	0.75
1:A:662:VAL:O	1:A:665:THR:OG1	2.04	0.75
1:A:1655:LYS:HA	1:A:1658:SER:HB3	1.68	0.75
2:B:895:GLN:N	2:B:900:ASP:O	2.20	0.75
1:A:1473:ASP:HB2	1:A:1476:LEU:HG	1.69	0.74
1:A:1886:GLN:O	1:A:1890:ARG:N	2.20	0.74
1:a:768:ILE:HA	1:a:771:TYR:CD2	2.22	0.74
1:a:1655:LYS:HA	1:a:1658:SER:HB3	1.68	0.74
1:A:714:THR:H	1:A:717:ARG:HH21	1.31	0.74
1:A:1262:THR:O	1:A:1266:GLN:N	2.16	0.74
1:A:1521:TRP:HB2	1:A:1529:MET:SD	2.27	0.74
1:a:761:VAL:O	1:a:764:ALA:N	2.20	0.74
1:a:1026:HIS:HB2	1:a:1031:MET:HE2	1.69	0.74
1:A:2379:LEU:O	1:A:2384:THR:OG1	2.05	0.74
1:a:1262:THR:O	1:a:1266:GLN:N	2.16	0.74
2:b:495:TRP:C	2:b:497:LYS:H	1.94	0.74
1:A:1103:PHE:CE1	1:A:1140:ASP:HB3	2.23	0.74
1:A:1417:ILE:HA	1:A:1420:ASN:HD22	1.52	0.74
1:a:1571:LEU:HD12	1:a:1574:GLU:HB3	1.70	0.74
3:c:189:ASN:OD1	3:c:192:GLY:N	2.20	0.74
1:A:768:ILE:HA	1:A:771:TYR:CD2	2.22	0.74
1:A:1067:PHE:HB2	1:A:1070:TYR:CE1	2.23	0.74
2:B:1069:ARG:N	2:B:1087:ALA:O	2.19	0.74
3:C:111:ILE:HB	3:C:123:ARG:HB2	1.69	0.74
1:a:1417:ILE:HA	1:a:1420:ASN:HD22	1.52	0.74
1:a:1475:GLU:O	1:a:1479:GLY:N	2.19	0.74
1:a:1674:VAL:O	1:a:1678:GLY:N	2.14	0.74
2:b:588:PHE:HA	2:b:591:ALA:HB3	1.70	0.74
1:A:865:LEU:N	1:A:910:ARG:HH21	1.84	0.74
1:A:1595:MET:O	1:A:1599:LEU:N	2.16	0.74
3:c:109:ALA:N	3:c:125:PHE:O	2.15	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1393:TYR:O	1:A:1397:LEU:N	2.16	0.74
1:a:595:GLU:O	1:a:599:LEU:N	2.21	0.74
1:a:662:VAL:O	1:a:665:THR:OG1	2.04	0.74
1:a:982:LEU:O	1:a:986:CYS:N	2.21	0.74
1:a:2141:PRO:HB3	1:a:2236:LEU:HD13	1.69	0.74
2:b:895:GLN:N	2:b:900:ASP:O	2.20	0.74
2:b:1069:ARG:N	2:b:1087:ALA:O	2.19	0.74
1:A:654:ASP:HB3	1:A:658:LYS:HE3	1.68	0.74
1:A:1626:CYS:HB3	1:A:1628:ARG:CG	2.18	0.74
1:A:2141:PRO:HB3	1:A:2236:LEU:HD13	1.69	0.74
3:c:213:LYS:NZ	3:c:250:SER:O	2.21	0.74
1:A:1630:VAL:O	1:A:1633:TRP:N	2.20	0.74
1:A:1906:VAL:HG13	1:A:1923:LEU:HD22	1.70	0.74
2:B:213:ARG:O	2:B:217:LEU:HD11	1.87	0.74
2:B:706:THR:HA	2:B:778:ILE:HA	1.70	0.74
3:C:194:CYS:O	3:C:216:ILE:N	2.19	0.74
3:C:213:LYS:NZ	3:C:250:SER:O	2.21	0.74
1:a:865:LEU:N	1:a:910:ARG:HH21	1.84	0.74
1:a:1521:TRP:HB2	1:a:1529:MET:SD	2.27	0.74
1:a:1626:CYS:HB3	1:a:1628:ARG:CG	2.18	0.74
1:a:2102:ASP:O	1:a:2106:HIS:N	2.13	0.74
1:A:583:THR:O	1:A:587:ARG:N	2.21	0.73
3:C:132:ASN:ND2	3:C:147:ASP:O	2.21	0.73
3:C:260:ILE:HD11	3:C:272:TRP:C	2.13	0.73
1:a:949:ALA:O	1:a:953:VAL:N	2.15	0.73
1:a:1529:MET:HE3	1:a:1550:LEU:HD21	1.70	0.73
2:b:426:ASN:HA	2:b:431:GLU:CD	2.13	0.73
1:A:960:ARG:NH1	1:A:979:PHE:HA	2.02	0.73
1:A:1163:LEU:HD22	1:A:1202:HIS:HB2	1.70	0.73
1:A:1571:LEU:HD12	1:A:1574:GLU:HB3	1.70	0.73
3:C:189:ASN:OD1	3:C:192:GLY:N	2.20	0.73
1:a:583:THR:O	1:a:587:ARG:N	2.21	0.73
1:a:1659:LEU:O	1:a:1663:SER:N	2.21	0.73
1:a:1795:VAL:O	1:a:1799:GLU:N	2.20	0.73
1:a:1995:LEU:O	1:a:1999:CYS:N	2.21	0.73
1:A:594:PHE:HZ	1:A:628:ARG:HD3	1.52	0.73
1:A:702:ASP:HA	1:A:705:PHE:HD2	1.54	0.73
1:A:1060:VAL:O	1:A:1064:GLY:N	2.19	0.73
1:a:2005:LEU:O	1:a:2009:ALA:N	2.14	0.73
1:a:2127:SER:OG	1:a:2130:LEU:N	2.18	0.73
2:b:213:ARG:O	2:b:217:LEU:HD11	1.87	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:788:PRO:HD3	1:A:828:LEU:HD22	1.68	0.73
1:A:1472:ASP:OD1	1:A:1477:MET:N	2.21	0.73
2:B:146:VAL:N	2:B:188:SER:O	2.21	0.73
1:a:950:VAL:O	1:a:954:ALA:N	2.20	0.73
1:a:1103:PHE:CE1	1:a:1140:ASP:HB3	2.23	0.73
1:a:2130:LEU:O	1:a:2133:CYS:N	2.21	0.73
1:a:2218:LYS:NZ	1:a:2402:THR:OG1	2.21	0.73
1:a:2302:LEU:O	1:a:2306:LYS:N	2.18	0.73
1:a:2411:LYS:HB2	1:a:2508:LEU:HD13	1.69	0.73
3:c:194:CYS:O	3:c:216:ILE:N	2.19	0.73
1:A:269:ASN:O	1:A:273:ARG:N	2.16	0.73
1:A:1536:ILE:O	1:A:1547:ARG:NH2	2.22	0.73
1:A:1659:LEU:O	1:A:1663:SER:N	2.21	0.73
2:B:426:ASN:HA	2:B:431:GLU:CD	2.13	0.73
1:a:520:VAL:O	1:a:524:LEU:N	2.15	0.73
1:a:1630:VAL:O	1:a:1633:TRP:N	2.20	0.73
1:a:1941:GLN:HA	1:a:2197:ARG:HH21	1.53	0.73
2:b:146:VAL:N	2:b:188:SER:O	2.21	0.73
1:A:597:HIS:O	1:A:600:THR:OG1	2.06	0.73
1:A:761:VAL:O	1:A:764:ALA:N	2.20	0.73
1:A:1047:SER:N	1:A:1048:ILE:HA	2.04	0.73
1:A:1092:VAL:HG13	1:A:1095:LYS:HD2	1.68	0.73
3:C:67:MET:SD	3:C:81:TYR:OH	2.44	0.73
3:C:151:ALA:HB1	3:C:164:GLN:HE21	1.52	0.73
1:a:1446:GLN:O	1:a:1450:TYR:N	2.14	0.73
1:a:1871:GLU:HA	1:a:1874:SER:HB2	1.71	0.73
2:b:793:TYR:HA	2:b:800:ILE:HA	1.71	0.73
2:b:810:GLN:HA	2:b:881:SER:HA	1.70	0.73
1:A:934:MET:O	1:A:938:MET:N	2.21	0.73
1:A:1475:GLU:O	1:A:1479:GLY:N	2.19	0.73
1:A:1634:GLN:O	1:A:1638:MET:N	2.16	0.73
1:A:2127:SER:OG	1:A:2130:LEU:N	2.18	0.73
1:A:2431:LEU:O	1:A:2435:ASN:N	2.15	0.73
1:A:2005:LEU:HG	1:A:2138:LEU:HD12	1.69	0.73
1:a:683:PHE:HA	1:a:686:HIS:CD2	2.24	0.73
3:c:151:ALA:HB1	3:c:164:GLN:HE21	1.52	0.73
1:A:1202:HIS:HD2	1:A:1204:ILE:HD11	1.54	0.73
2:B:588:PHE:HA	2:B:591:ALA:HB3	1.70	0.73
2:B:793:TYR:HA	2:B:800:ILE:HA	1.71	0.73
1:a:702:ASP:HA	1:a:705:PHE:HD2	1.54	0.73
1:a:1041:PHE:HA	1:a:1044:MET:HB2	1.71	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
2:b:266:CYS:HB2	2:b:435:ILE:H	1.54	0.73
2:b:495:TRP:O	2:b:497:LYS:N	2.21	0.73
3:c:165:LEU:HD22	3:c:210:LEU:HD13	1.70	0.73
1:A:1464:ASP:O	1:A:1468:ASP:N	2.22	0.73
1:a:1424:GLN:NE2	1:a:1583:TYR:O	2.22	0.73
1:a:1473:ASP:HB2	1:a:1476:LEU:HG	1.69	0.73
1:a:1536:ILE:O	1:a:1547:ARG:NH2	2.22	0.73
1:A:683:PHE:HA	1:A:686:HIS:CD2	2.24	0.72
2:B:200:GLY:O	2:B:204:LYS:N	2.19	0.72
1:a:594:PHE:HZ	1:a:628:ARG:HD3	1.52	0.72
1:a:598:SER:O	1:a:602:PHE:N	2.15	0.72
1:a:1067:PHE:HB2	1:a:1070:TYR:CE1	2.23	0.72
1:a:1464:ASP:OD1	1:a:1480:ARG:NE	2.14	0.72
1:a:2523:THR:O	1:a:2527:LEU:N	2.14	0.72
2:b:533:THR:O	2:b:537:PHE:N	2.21	0.72
2:b:805:ASN:HA	2:b:888:LEU:HA	1.71	0.72
3:c:227:ARG:NH1	3:c:276:CYS:O	2.22	0.72
3:c:260:ILE:HD11	3:c:272:TRP:C	2.13	0.72
1:A:982:LEU:O	1:A:986:CYS:N	2.21	0.72
3:C:65:ILE:HD12	3:C:81:TYR:HB2	1.70	0.72
3:c:11:ASP:O	3:c:54:ARG:NH2	2.22	0.72
1:A:635:HIS:O	1:A:638:SER:OG	2.07	0.72
1:A:2311:GLU:OE1	1:A:2311:GLU:N	2.20	0.72
1:A:2366:MET:HE2	1:A:2374:LYS:HA	1.71	0.72
1:a:597:HIS:O	1:a:600:THR:OG1	2.06	0.72
2:b:134:CYS:O	2:b:138:ARG:N	2.21	0.72
1:A:1758:GLN:O	1:A:1762:GLN:N	2.20	0.72
1:A:1941:GLN:HA	1:A:2197:ARG:HH21	1.53	0.72
1:A:2130:LEU:O	1:A:2133:CYS:N	2.21	0.72
1:A:2506:ASP:HB3	1:A:2512:ASP:HA	1.70	0.72
3:C:11:ASP:O	3:C:54:ARG:NH2	2.22	0.72
3:C:63:GLN:HA	3:C:84:VAL:HB	1.72	0.72
3:C:298:CYS:O	3:C:302:GLY:N	2.18	0.72
1:a:1202:HIS:HD2	1:a:1204:ILE:HD11	1.54	0.72
1:a:1461:VAL:HA	1:a:1464:ASP:HB2	1.72	0.72
1:a:1634:GLN:O	1:a:1638:MET:N	2.16	0.72
1:a:2506:ASP:HB3	1:a:2512:ASP:HA	1.70	0.72
2:b:198:ASN:O	2:b:202:ILE:N	2.16	0.72
2:b:809:THR:N	2:b:882:SER:O	2.22	0.72
1:A:729:PHE:HD1	1:A:732:LYS:HE3	1.54	0.72
1:A:771:TYR:CZ	1:a:1112:HIS:HB3	2.23	0.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:863:THR:O	1:A:867:VAL:N	2.16	0.72
1:A:1026:HIS:HB2	1:A:1031:MET:HE2	1.69	0.72
1:A:1994:ILE:O	1:A:1998:MET:N	2.22	0.72
1:A:2411:LYS:HB2	1:A:2508:LEU:HD13	1.69	0.72
2:B:805:ASN:HA	2:B:888:LEU:HA	1.71	0.72
1:a:415:ASP:O	1:a:419:HIS:N	2.19	0.72
1:a:729:PHE:HD1	1:a:732:LYS:HE3	1.54	0.72
2:b:811:ILE:N	2:b:880:ALA:O	2.17	0.72
1:A:1540:THR:HB	1:A:1543:GLY:H	1.55	0.72
1:A:1694:PRO:HB3	1:A:1720:PHE:HZ	1.55	0.72
1:A:1871:GLU:HA	1:A:1874:SER:HB2	1.71	0.72
1:A:2375:ILE:HG23	1:A:2532:ALA:HA	1.71	0.72
3:c:65:ILE:HD12	3:c:81:TYR:HB2	1.70	0.72
3:C:168:GLU:OE1	3:C:189:ASN:ND2	2.23	0.72
3:C:227:ARG:NH1	3:C:276:CYS:O	2.22	0.72
1:a:1163:LEU:HD22	1:a:1202:HIS:HB2	1.70	0.72
2:b:89:ASP:HB2	2:b:153:HIS:N	1.99	0.72
1:A:990:LEU:HD22	1:A:1030:TYR:HE2	1.55	0.72
1:A:1424:GLN:NE2	1:A:1583:TYR:O	2.22	0.72
1:A:2218:LYS:NZ	1:A:2402:THR:OG1	2.21	0.72
2:B:134:CYS:O	2:B:138:ARG:N	2.21	0.72
1:a:1022:PHE:O	1:a:1025:SER:OG	2.07	0.72
1:a:1393:TYR:O	1:a:1397:LEU:N	2.16	0.72
1:a:1416:LEU:O	1:a:1419:ILE:HG22	1.89	0.72
1:a:2005:LEU:HG	1:a:2138:LEU:HD12	1.69	0.72
2:b:133:LEU:O	2:b:137:LEU:N	2.23	0.72
2:b:200:GLY:O	2:b:204:LYS:N	2.19	0.72
3:c:132:ASN:ND2	3:c:147:ASP:O	2.21	0.72
1:A:1043:VAL:HG23	1:A:1077:HIS:CE1	2.25	0.72
1:A:1163:LEU:HD21	1:A:1198:VAL:HG13	1.70	0.72
1:A:2213:PRO:O	1:A:2217:ARG:N	2.18	0.72
2:B:712:PRO:O	2:B:716:ARG:N	2.23	0.72
3:C:165:LEU:HD22	3:C:210:LEU:HD13	1.70	0.72
1:A:901:VAL:O	1:A:905:MET:N	2.18	0.72
1:A:1461:VAL:HA	1:A:1464:ASP:HB2	1.72	0.72
1:A:1674:VAL:O	1:A:1678:GLY:N	2.14	0.72
2:B:133:LEU:O	2:B:137:LEU:N	2.23	0.72
3:c:168:GLU:OE1	3:c:189:ASN:ND2	2.22	0.72
1:A:764:ALA:O	1:A:768:ILE:N	2.23	0.71
1:A:2395:ASN:O	1:A:2399:THR:N	2.14	0.71
1:a:1163:LEU:HD21	1:a:1198:VAL:HG13	1.70	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:1631:GLU:H	1:a:1631:GLU:CD	1.96	0.71
1:a:1906:VAL:HG13	1:a:1923:LEU:HD22	1.70	0.71
1:A:610:PHE:O	1:A:614:GLU:N	2.19	0.71
1:A:1003:VAL:O	1:A:1007:ALA:N	2.21	0.71
1:A:1529:MET:HE3	1:A:1550:LEU:HD21	1.70	0.71
1:A:1887:GLY:O	1:A:1891:SER:N	2.23	0.71
2:B:95:PRO:O	2:B:96:GLN:CB	2.38	0.71
2:B:592:ARG:O	2:B:596:VAL:N	2.19	0.71
2:B:810:GLN:HA	2:B:881:SER:HA	1.70	0.71
3:C:109:ALA:N	3:C:125:PHE:O	2.15	0.71
1:a:990:LEU:HD22	1:a:1030:TYR:HE2	1.55	0.71
1:a:1003:VAL:O	1:a:1007:ALA:N	2.21	0.71
2:b:95:PRO:O	2:b:96:GLN:CB	2.38	0.71
3:c:63:GLN:HA	3:c:84:VAL:HB	1.72	0.71
1:A:1041:PHE:HA	1:A:1044:MET:HB2	1.71	0.71
1:A:1416:LEU:O	1:A:1419:ILE:HG22	1.89	0.71
1:a:877:ASN:O	1:a:880:THR:OG1	2.05	0.71
1:a:894:LEU:HD22	1:a:898:LYS:HZ1	1.55	0.71
1:a:1436:ALA:O	1:a:1440:PHE:N	2.23	0.71
1:a:1994:ILE:O	1:a:1998:MET:N	2.23	0.71
3:c:111:ILE:HB	3:c:123:ARG:HB2	1.69	0.71
2:B:89:ASP:CB	2:B:152:GLY:C	2.63	0.71
2:B:266:CYS:HB2	2:B:435:ILE:H	1.54	0.71
2:B:1149:ILE:O	2:B:1159:GLN:N	2.23	0.71
1:a:901:VAL:O	1:a:905:MET:N	2.18	0.71
1:a:913:SER:O	1:a:1622:ARG:NH1	2.24	0.71
1:a:1043:VAL:HG23	1:a:1077:HIS:CE1	2.25	0.71
1:a:1472:ASP:OD1	1:a:1477:MET:N	2.21	0.71
2:b:706:THR:HA	2:b:778:ILE:HA	1.70	0.71
1:A:1995:LEU:O	1:A:1999:CYS:N	2.21	0.71
1:A:2244:ASP:O	1:A:2346:LEU:N	2.22	0.71
2:B:809:THR:N	2:B:882:SER:O	2.22	0.71
1:a:635:HIS:O	1:a:638:SER:OG	2.07	0.71
1:a:1694:PRO:HB3	1:a:1720:PHE:HZ	1.55	0.71
1:a:1887:GLY:O	1:a:1891:SER:N	2.23	0.71
2:b:1190:ILE:N	2:b:1220:GLN:O	2.20	0.71
3:c:58:ALA:HA	3:c:67:MET:HA	1.72	0.71
1:A:378:LEU:O	1:A:382:ASN:N	2.24	0.71
1:A:1631:GLU:H	1:A:1631:GLU:CD	1.96	0.71
1:a:2375:ILE:HG23	1:a:2532:ALA:HA	1.71	0.71
1:A:913:SER:O	1:A:1622:ARG:NH1	2.24	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:2419:GLU:HG2	1:A:2501:ILE:HD13	1.73	0.71
1:a:272:VAL:O	1:a:276:SER:N	2.24	0.71
1:a:1310:TYR:O	1:a:1314:ALA:N	2.17	0.71
1:a:2244:ASP:O	1:a:2346:LEU:N	2.22	0.71
1:A:1436:ALA:O	1:A:1440:PHE:N	2.23	0.71
1:A:2340:HIS:HE1	1:A:2342:SER:HB2	1.56	0.71
1:a:1047:SER:N	1:a:1048:ILE:HA	2.04	0.71
1:A:649:VAL:HA	1:A:652:VAL:HB	1.72	0.71
1:A:1177:LEU:HB3	1:A:1209:TYR:CE1	2.26	0.71
1:A:1473:ASP:O	1:A:1476:LEU:N	2.24	0.71
2:B:495:TRP:O	2:B:497:LYS:N	2.21	0.71
2:B:811:ILE:N	2:B:880:ALA:O	2.17	0.71
2:b:201:LEU:HA	2:b:204:LYS:HD2	1.73	0.71
1:a:649:VAL:HA	1:a:652:VAL:HB	1.72	0.70
1:a:703:GLN:O	1:a:707:ILE:N	2.24	0.70
1:a:1464:ASP:O	1:a:1468:ASP:N	2.22	0.70
1:a:2340:HIS:N	1:a:2343:ASN:OD1	2.24	0.70
1:a:378:LEU:O	1:a:382:ASN:N	2.24	0.70
1:a:769:ARG:HH22	1:a:800:ALA:HB1	1.57	0.70
1:a:881:ARG:NH1	1:a:888:LEU:HD21	2.06	0.70
1:a:1039:ARG:O	1:a:1077:HIS:NE2	2.24	0.70
1:a:1111:LEU:HA	1:a:1114:LEU:HB2	1.72	0.70
1:A:844:LEU:O	1:A:847:LEU:N	2.25	0.70
2:B:1040:VAL:HA	2:B:1046:ILE:HG23	1.74	0.70
2:B:1190:ILE:N	2:B:1220:GLN:O	2.20	0.70
1:a:719:SER:O	1:a:722:ASN:N	2.23	0.70
1:a:2172:LEU:N	1:a:2184:PHE:O	2.21	0.70
1:a:2340:HIS:HE1	1:a:2342:SER:HB2	1.56	0.70
3:c:198:ASN:N	3:c:211:ILE:O	2.22	0.70
3:C:198:ASN:N	3:C:211:ILE:O	2.22	0.70
1:a:764:ALA:O	1:a:768:ILE:N	2.23	0.70
1:a:1901:GLN:O	1:a:1905:ARG:HG2	1.92	0.70
1:a:2427:LEU:O	1:a:2430:ARG:NE	2.21	0.70
2:b:1149:ILE:O	2:b:1159:GLN:N	2.23	0.70
1:A:1753:LYS:O	1:A:1757:TRP:N	2.17	0.70
1:A:2408:ARG:NH1	1:A:2524:GLN:OE1	2.24	0.70
1:a:2120:SER:HA	1:a:2161:GLN:HA	1.72	0.70
2:B:731:THR:O	2:B:735:LEU:N	2.24	0.70
3:C:100:MET:HE2	3:C:114:LEU:HD21	1.73	0.70
3:C:248:ARG:O	3:C:252:PHE:N	2.22	0.70
1:a:1672:THR:O	1:a:1676:LEU:N	2.22	0.70

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:2366:MET:HE2	1:a:2374:LYS:HA	1.71	0.70
2:b:484:ALA:O	2:b:488:ARG:N	2.25	0.70
2:b:731:THR:O	2:b:735:LEU:N	2.24	0.70
1:A:2120:SER:HA	1:A:2161:GLN:HA	1.72	0.70
1:A:2163:ILE:HB	1:A:2169:PRO:HG2	1.73	0.70
2:B:1181:ILE:N	2:B:1193:TYR:O	2.24	0.70
1:a:707:ILE:HA	1:a:710:LEU:HD12	1.74	0.70
1:a:2341:PRO:HG2	1:a:2549:TRP:CE3	2.27	0.70
1:A:1484:LEU:HD23	1:A:1487:LEU:HD12	1.73	0.70
1:A:1650:MET:HA	1:A:1653:TRP:HD1	1.57	0.70
1:A:2172:LEU:N	1:A:2184:PHE:O	2.21	0.70
1:A:2339:ARG:NH1	1:A:2343:ASN:O	2.25	0.70
1:a:1177:LEU:HB3	1:a:1209:TYR:CE1	2.26	0.70
1:a:1540:THR:HB	1:a:1543:GLY:H	1.55	0.70
1:a:1886:GLN:O	1:a:1890:ARG:N	2.20	0.70
1:a:2339:ARG:NH1	1:a:2343:ASN:O	2.25	0.70
2:b:1181:ILE:N	2:b:1193:TYR:O	2.24	0.70
1:A:1795:VAL:O	1:A:1799:GLU:N	2.20	0.70
2:B:90:PRO:CG	2:B:96:GLN:OE1	2.40	0.70
1:a:1039:ARG:NH1	1:a:1073:GLN:OE1	2.25	0.70
1:a:1404:PHE:HB2	1:a:1412:ILE:HG21	1.74	0.70
1:a:2419:GLU:HG2	1:a:2501:ILE:HD13	1.73	0.70
1:A:719:SER:O	1:A:722:ASN:N	2.23	0.70
1:A:1776:TYR:HB2	1:A:1793:TRP:CD1	2.27	0.70
1:A:1901:GLN:O	1:A:1905:ARG:HG2	1.92	0.70
2:B:201:LEU:HA	2:B:204:LYS:HD2	1.73	0.70
2:B:533:THR:O	2:B:537:PHE:N	2.20	0.70
3:C:271:GLY:HA3	3:C:289:SER:HB3	1.74	0.70
1:a:2075:GLY:HA2	1:a:2078:LEU:HD22	1.74	0.70
1:a:2408:ARG:NH1	1:a:2524:GLN:OE1	2.25	0.70
1:a:2522:PRO:O	1:a:2526:GLU:N	2.21	0.70
1:A:595:GLU:O	1:A:599:LEU:N	2.21	0.69
1:A:2063:GLN:N	1:A:2067:GLU:OE1	2.22	0.69
1:a:1450:TYR:HB2	1:a:1459:ALA:HB2	1.75	0.69
1:a:1637:LEU:O	1:a:1641:SER:N	2.24	0.69
1:a:1758:GLN:O	1:a:1762:GLN:N	2.20	0.69
1:A:1111:LEU:HA	1:A:1114:LEU:HB2	1.72	0.69
3:C:183:SER:O	3:C:199:LEU:N	2.24	0.69
3:C:296:LEU:O	3:C:304:ILE:HA	1.92	0.69
1:a:1776:TYR:HB2	1:a:1793:TRP:CD1	2.27	0.69
1:a:1969:PRO:HA	1:a:1972:LEU:HD12	1.73	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:2037:LEU:HB3	1:a:2043:ASN:HB3	1.74	0.69
3:c:36:ARG:NH2	3:c:69:ASP:O	2.25	0.69
3:c:37:THR:N	3:c:74:ASN:OD1	2.24	0.69
3:c:100:MET:HE2	3:c:114:LEU:HD21	1.74	0.69
3:c:248:ARG:O	3:c:252:PHE:N	2.22	0.69
1:A:754:ALA:O	1:A:758:GLY:N	2.25	0.69
1:A:881:ARG:NH1	1:A:888:LEU:HD21	2.06	0.69
1:A:1673:LEU:HD23	1:A:1676:LEU:HD12	1.74	0.69
1:A:2075:GLY:HA2	1:A:2078:LEU:HD22	1.74	0.69
2:B:89:ASP:HB2	2:B:153:HIS:CA	2.22	0.69
3:C:36:ARG:NH2	3:C:69:ASP:O	2.25	0.69
3:C:58:ALA:HA	3:C:67:MET:HA	1.72	0.69
1:a:1473:ASP:O	1:a:1476:LEU:N	2.24	0.69
1:a:1551:ALA:O	1:a:1556:LEU:N	2.15	0.69
1:a:1650:MET:HA	1:a:1653:TRP:HD1	1.57	0.69
1:a:2163:ILE:HB	1:a:2169:PRO:HG2	1.73	0.69
1:a:2275:TYR:O	1:a:2283:LYS:NZ	2.24	0.69
2:b:90:PRO:CG	2:b:96:GLN:OE1	2.40	0.69
1:A:2340:HIS:N	1:A:2343:ASN:OD1	2.24	0.69
2:B:198:ASN:O	2:B:202:ILE:N	2.16	0.69
1:a:1419:ILE:O	1:a:1423:LEU:N	2.25	0.69
3:c:298:CYS:O	3:c:302:GLY:N	2.18	0.69
1:A:703:GLN:O	1:A:707:ILE:N	2.24	0.69
1:A:1310:TYR:O	1:A:1314:ALA:N	2.17	0.69
1:A:1450:TYR:HB2	1:A:1459:ALA:HB2	1.75	0.69
1:A:1890:ARG:O	1:A:1893:SER:OG	2.10	0.69
2:B:484:ALA:O	2:B:488:ARG:N	2.25	0.69
1:a:1484:LEU:HD23	1:a:1487:LEU:HD12	1.73	0.69
3:c:248:ARG:HE	3:c:251:ASN:HD22	1.41	0.69
1:A:1135:ALA:O	1:A:1138:THR:OG1	2.10	0.69
1:a:844:LEU:O	1:a:847:LEU:N	2.25	0.69
1:a:1496:GLN:O	1:a:1500:LYS:N	2.23	0.69
1:a:2155:SER:H	1:a:2175:MET:HB3	1.58	0.69
2:b:712:PRO:O	2:b:716:ARG:N	2.23	0.69
1:A:272:VAL:O	1:A:276:SER:N	2.24	0.69
1:A:908:GLN:HE22	1:A:1568:ARG:C	2.01	0.69
1:A:1404:PHE:HB2	1:A:1412:ILE:HG21	1.74	0.69
1:A:1637:LEU:O	1:A:1641:SER:N	2.24	0.69
1:A:2105:TYR:O	1:A:2109:ARG:N	2.25	0.69
3:C:94:HIS:HB2	3:C:101:TYR:CE2	2.28	0.69
1:a:736:GLN:CD	1:a:782:LYS:HG2	2.18	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:2311:GLU:OE1	1:a:2311:GLU:N	2.20	0.69
2:b:1040:VAL:HA	2:b:1046:ILE:HG23	1.74	0.69
2:b:1151:ASP:N	2:b:1157:LYS:O	2.18	0.69
3:c:296:LEU:O	3:c:304:ILE:HA	1.92	0.69
1:A:717:ARG:HH22	1:A:748:ARG:NH1	1.91	0.69
1:A:736:GLN:CD	1:A:782:LYS:HG2	2.18	0.69
1:A:740:GLU:HA	1:A:743:HIS:CD2	2.27	0.69
1:A:769:ARG:HH22	1:A:800:ALA:HB1	1.57	0.69
1:A:957:ARG:HH11	1:A:992:GLN:HB3	1.58	0.69
1:A:988:GLN:HB2	1:A:989:PHE:HB3	1.75	0.69
1:A:1022:PHE:O	1:A:1025:SER:OG	2.07	0.69
1:A:1420:ASN:O	1:A:1425:GLN:N	2.22	0.69
1:A:1672:THR:O	1:A:1676:LEU:N	2.22	0.69
3:C:28:GLN:CG	3:C:31:SER:HB3	2.23	0.69
3:C:84:VAL:HG21	3:C:88:ILE:HD11	1.75	0.69
3:C:172:SER:O	3:C:190:SER:N	2.21	0.69
1:a:875:GLU:HG2	1:a:1618:ILE:HG12	1.75	0.69
1:a:988:GLN:HB2	1:a:989:PHE:HB3	1.75	0.69
1:a:1060:VAL:O	1:a:1064:GLY:N	2.20	0.69
1:a:1660:CYS:O	1:a:1663:SER:OG	2.07	0.69
1:a:1994:ILE:HA	1:a:1997:ASN:HB2	1.75	0.69
1:a:2213:PRO:O	1:a:2217:ARG:N	2.18	0.69
2:b:149:HIS:HA	2:b:192:PHE:HB2	1.74	0.69
3:c:185:MET:N	3:c:197:TRP:O	2.23	0.69
1:A:707:ILE:HA	1:A:710:LEU:HD12	1.74	0.69
1:A:877:ASN:O	1:A:880:THR:OG1	2.05	0.69
1:A:2083:GLU:O	1:A:2087:LYS:N	2.16	0.69
1:A:2424:ASP:O	1:A:2428:ASN:N	2.26	0.69
1:A:2427:LEU:O	1:A:2430:ARG:NE	2.21	0.69
3:C:23:THR:HA	3:C:39:GLN:HA	1.74	0.69
3:C:152:ILE:HD12	3:C:165:LEU:HD23	1.74	0.69
3:C:153:HIS:HD2	3:C:162:ASN:HD21	1.41	0.69
3:C:248:ARG:HE	3:C:251:ASN:HD22	1.41	0.69
1:a:908:GLN:HE22	1:a:1568:ARG:C	2.01	0.69
1:a:1199:LEU:O	1:a:1203:ARG:N	2.26	0.69
1:a:1753:LYS:O	1:a:1757:TRP:N	2.17	0.69
1:a:1890:ARG:O	1:a:1893:SER:OG	2.10	0.69
1:a:2063:GLN:N	1:a:2067:GLU:OE1	2.22	0.69
1:a:2161:GLN:O	1:a:2171:LYS:N	2.26	0.69
2:b:89:ASP:HB2	2:b:153:HIS:CA	2.23	0.69
1:A:777:LYS:O	1:A:779:LEU:N	2.23	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1132:ARG:HE	1:A:1168:GLU:HB3	1.58	0.69
1:A:1419:ILE:O	1:A:1423:LEU:N	2.25	0.69
1:a:575:GLU:O	1:a:579:VAL:N	2.24	0.69
1:a:754:ALA:O	1:a:758:GLY:N	2.26	0.69
3:c:152:ILE:HD12	3:c:165:LEU:HD23	1.74	0.69
1:A:692:ASN:O	1:A:696:LEU:HG	1.94	0.68
1:A:863:THR:O	1:A:866:GLU:N	2.26	0.68
1:A:1039:ARG:NH1	1:A:1073:GLN:OE1	2.25	0.68
1:A:1596:LEU:O	1:A:1600:GLU:N	2.17	0.68
1:A:1660:CYS:O	1:A:1663:SER:OG	2.07	0.68
1:a:2083:GLU:HG3	1:a:2087:LYS:HE3	1.75	0.68
3:c:279:SER:OG	3:c:281:ASP:OD1	2.09	0.68
1:A:875:GLU:HG2	1:A:1618:ILE:HG12	1.75	0.68
1:A:1337:LEU:O	1:A:1341:ILE:N	2.17	0.68
3:C:154:ILE:N	3:C:163:GLU:O	2.18	0.68
1:a:717:ARG:HH22	1:a:748:ARG:NH1	1.91	0.68
1:a:968:HIS:O	1:a:971:VAL:HG23	1.93	0.68
1:A:735:ILE:N	1:A:738:LEU:HD12	2.07	0.68
1:A:968:HIS:O	1:A:971:VAL:HG23	1.93	0.68
1:A:1039:ARG:O	1:A:1077:HIS:NE2	2.24	0.68
1:A:2161:GLN:O	1:A:2171:LYS:N	2.26	0.68
1:a:934:MET:O	1:a:938:MET:N	2.21	0.68
1:a:2152:ARG:HB2	1:a:2177:SER:HB3	1.74	0.68
1:A:1281:LEU:O	1:A:1285:ARG:N	2.21	0.68
1:A:2172:LEU:O	1:A:2184:PHE:N	2.26	0.68
1:A:2275:TYR:O	1:A:2283:LYS:NZ	2.24	0.68
1:a:1020:VAL:HG12	1:a:1024:LYS:HE3	1.75	0.68
1:a:1297:SER:O	1:a:1301:ARG:N	2.22	0.68
1:a:1673:LEU:HD23	1:a:1676:LEU:HD12	1.74	0.68
3:c:23:THR:HA	3:c:39:GLN:HA	1.74	0.68
1:A:281:ARG:CB	1:A:282:LEU:O	2.42	0.68
1:A:542:MET:O	1:A:546:VAL:N	2.27	0.68
1:A:851:THR:HA	1:A:854:VAL:HB	1.75	0.68
1:A:1587:TYR:OH	1:A:1628:ARG:NE	2.26	0.68
1:A:2341:PRO:HG2	1:A:2549:TRP:CE3	2.27	0.68
1:a:542:MET:O	1:a:546:VAL:N	2.27	0.68
1:a:1276:SER:O	1:a:1280:TRP:N	2.21	0.68
3:c:291:ASP:OD2	3:c:295:ARG:NH1	2.27	0.68
1:A:1019:LEU:HA	1:A:1022:PHE:CD2	2.17	0.68
1:A:2083:GLU:HG3	1:A:2087:LYS:HE3	1.75	0.68
1:A:2274:ASP:OD1	3:C:22:HIS:NE2	2.26	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:2339:ARG:NH1	1:A:2356:ILE:O	2.27	0.68
1:a:740:GLU:HA	1:a:743:HIS:CD2	2.27	0.68
1:a:1135:ALA:O	1:a:1138:THR:OG1	2.10	0.68
3:c:172:SER:O	3:c:190:SER:N	2.21	0.68
3:c:271:GLY:HA3	3:c:289:SER:HB3	1.74	0.68
3:c:279:SER:HB3	3:c:284:TYR:HB2	1.76	0.68
1:A:2076:ARG:HG3	1:A:2077:ASP:H	1.59	0.68
2:B:749:GLY:O	2:B:753:ALA:N	2.23	0.68
3:C:37:THR:N	3:C:74:ASN:OD1	2.24	0.68
3:C:291:ASP:OD2	3:C:295:ARG:NH1	2.27	0.68
1:a:2424:ASP:O	1:a:2428:ASN:N	2.26	0.68
3:c:84:VAL:HG21	3:c:88:ILE:HD11	1.75	0.68
3:c:104:GLY:HA3	3:c:110:ARG:HH12	1.59	0.68
1:A:816:TRP:N	1:A:819:GLU:OE2	2.22	0.68
1:A:1484:LEU:O	1:A:1489:GLU:N	2.27	0.68
1:A:1969:PRO:HA	1:A:1972:LEU:HD12	1.73	0.68
1:A:2522:PRO:O	1:A:2526:GLU:N	2.21	0.68
1:a:690:ALA:HA	1:a:693:LEU:HD12	1.76	0.68
1:a:777:LYS:HZ2	1:a:821:PHE:HB2	1.59	0.68
1:a:1215:ARG:O	1:a:1219:GLY:N	2.27	0.68
1:a:1484:LEU:O	1:a:1489:GLU:N	2.27	0.68
1:a:1788:LYS:O	1:a:1792:ALA:N	2.25	0.68
3:c:94:HIS:HB2	3:c:101:TYR:CE2	2.28	0.68
1:A:870:ASN:HA	1:A:873:LYS:HD2	1.75	0.68
1:A:950:VAL:O	1:A:954:ALA:N	2.20	0.68
1:A:1724:MET:O	1:A:1728:ALA:N	2.27	0.68
1:A:1944:ALA:O	1:A:1987:ARG:NH1	2.26	0.68
1:A:2495:LYS:HA	1:A:2498:ILE:HD12	1.75	0.68
3:C:22:HIS:HA	3:C:40:HIS:O	1.93	0.68
3:C:104:GLY:HA3	3:C:110:ARG:HH12	1.59	0.68
3:c:28:GLN:CG	3:c:31:SER:HB3	2.23	0.68
3:c:67:MET:SD	3:c:81:TYR:OH	2.44	0.68
1:A:1046:THR:HB	1:A:1049:GLN:H	1.58	0.68
1:A:2037:LEU:HB3	1:A:2043:ASN:HB3	1.74	0.68
1:A:2302:LEU:O	1:A:2306:LYS:N	2.18	0.68
2:B:149:HIS:HA	2:B:192:PHE:HB2	1.74	0.68
1:a:822:ILE:O	1:a:825:MET:N	2.27	0.68
1:a:957:ARG:HH11	1:a:992:GLN:HB3	1.58	0.68
1:a:1039:ARG:HA	1:a:1042:TRP:CD1	2.29	0.68
1:a:1066:GLU:N	1:a:1070:TYR:OH	2.22	0.68
1:a:1132:ARG:HE	1:a:1168:GLU:HB3	1.58	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:1170:ARG:NE	1:a:1204:ILE:HG12	2.09	0.68
1:a:2083:GLU:O	1:a:2087:LYS:N	2.16	0.68
1:a:2172:LEU:O	1:a:2184:PHE:N	2.26	0.68
2:b:193:VAL:HG11	2:b:199:ALA:HA	1.76	0.68
2:b:1074:GLU:HB3	2:b:1083:LEU:HB2	1.75	0.68
1:A:659:LEU:N	1:A:660:LEU:HA	2.08	0.67
1:A:1496:GLN:O	1:A:1500:LYS:N	2.23	0.67
1:A:1615:ILE:O	1:A:1619:TRP:N	2.19	0.67
1:A:1787:TYR:CD1	1:A:1894:LEU:HB2	2.29	0.67
1:A:2152:ARG:HB2	1:A:2177:SER:HB3	1.74	0.67
1:A:2155:SER:H	1:A:2175:MET:HB3	1.58	0.67
2:B:1074:GLU:HB3	2:B:1083:LEU:HB2	1.75	0.67
3:C:155:TRP:HA	3:C:161:HIS:O	1.95	0.67
1:a:777:LYS:C	1:a:779:LEU:H	2.03	0.67
1:a:1096:LEU:HD13	1:a:1133:LYS:HD2	1.75	0.67
2:b:84:LEU:N	2:b:116:ARG:O	2.25	0.67
3:c:67:MET:O	3:c:77:PRO:HA	1.94	0.67
1:A:1199:LEU:O	1:A:1203:ARG:N	2.26	0.67
1:A:2053:PRO:HA	1:A:2056:ALA:HB3	1.76	0.67
1:a:1046:THR:C	1:a:1048:ILE:HA	2.19	0.67
1:a:1944:ALA:O	1:a:1987:ARG:NH1	2.26	0.67
1:a:2076:ARG:HG3	1:a:2077:ASP:H	1.59	0.67
1:a:2105:TYR:O	1:a:2109:ARG:N	2.25	0.67
3:c:22:HIS:HA	3:c:40:HIS:O	1.93	0.67
1:A:988:GLN:CB	1:A:989:PHE:HB3	2.25	0.67
1:a:281:ARG:CB	1:a:282:LEU:O	2.42	0.67
1:a:659:LEU:N	1:a:660:LEU:HA	2.08	0.67
1:a:692:ASN:O	1:a:696:LEU:HG	1.94	0.67
1:a:957:ARG:NH1	1:a:992:GLN:HB3	2.10	0.67
1:a:990:LEU:O	1:a:1030:TYR:OH	2.12	0.67
1:a:1587:TYR:OH	1:a:1628:ARG:NE	2.26	0.67
1:a:2339:ARG:NH1	1:a:2356:ILE:O	2.27	0.67
1:A:957:ARG:NH1	1:A:992:GLN:HB3	2.10	0.67
1:A:1039:ARG:HA	1:A:1042:TRP:CD1	2.29	0.67
1:A:1892:ILE:HG21	1:A:1930:ILE:HG13	1.75	0.67
3:C:67:MET:O	3:C:77:PRO:HA	1.94	0.67
3:C:111:ILE:HD11	3:C:155:TRP:HH2	1.60	0.67
1:a:735:ILE:N	1:a:738:LEU:HD12	2.08	0.67
1:a:1585:ARG:HD2	1:a:1588:GLY:HA3	1.77	0.67
2:b:920:SER:HB3	2:b:929:MET:HB2	1.76	0.67
1:A:865:LEU:HD22	1:A:906:ILE:HB	1.75	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1974:TYR:O	1:A:1978:VAL:N	2.25	0.67
1:A:2217:ARG:O	1:A:2219:ASN:ND2	2.27	0.67
1:a:736:GLN:O	1:a:739:THR:OG1	2.12	0.67
1:a:781:LEU:HD11	1:a:824:ILE:HD12	1.77	0.67
1:a:851:THR:HA	1:a:854:VAL:HB	1.75	0.67
1:a:863:THR:O	1:a:866:GLU:N	2.26	0.67
1:a:1631:GLU:OE1	1:a:1631:GLU:N	2.27	0.67
3:c:155:TRP:HA	3:c:161:HIS:O	1.95	0.67
1:A:1057:GLU:HB3	1:A:1101:GLN:HE22	1.60	0.67
1:A:1433:LEU:HD13	1:A:1453:LEU:HD11	1.76	0.67
1:A:1776:TYR:HB2	1:A:1793:TRP:HD1	1.60	0.67
1:A:2504:VAL:O	1:A:2508:LEU:N	2.23	0.67
3:C:50:VAL:HG22	3:C:57:ILE:HB	1.77	0.67
1:a:714:THR:H	1:a:717:ARG:NH2	1.93	0.67
1:a:1892:ILE:HG21	1:a:1930:ILE:HG13	1.75	0.67
1:a:2426:LEU:O	1:a:2429:TRP:NE1	2.28	0.67
1:a:2495:LYS:HA	1:a:2498:ILE:HD12	1.75	0.67
1:A:1046:THR:C	1:A:1048:ILE:HA	2.19	0.67
1:A:1096:LEU:HD13	1:A:1133:LYS:HD2	1.75	0.67
1:A:1994:ILE:HA	1:A:1997:ASN:HB2	1.75	0.67
2:B:1160:ASP:OD1	2:B:1161:ILE:N	2.28	0.67
3:C:24:VAL:HB	3:C:38:VAL:HB	1.77	0.67
1:a:2053:PRO:HA	1:a:2056:ALA:HB3	1.76	0.67
2:b:749:GLY:O	2:b:753:ALA:N	2.23	0.67
3:c:24:VAL:HB	3:c:38:VAL:HB	1.77	0.67
3:c:50:VAL:HG22	3:c:57:ILE:HB	1.77	0.67
1:A:1020:VAL:HG12	1:A:1024:LYS:HE3	1.75	0.67
1:A:1215:ARG:O	1:A:1219:GLY:N	2.27	0.67
2:B:84:LEU:N	2:B:116:ARG:O	2.25	0.67
1:a:336:TYR:O	1:a:340:GLN:N	2.20	0.67
1:a:1050:SER:HB2	1:a:1090:ARG:NH2	2.10	0.67
1:a:1057:GLU:HB3	1:a:1101:GLN:HE22	1.60	0.67
1:a:1420:ASN:O	1:a:1425:GLN:N	2.22	0.67
1:a:1521:TRP:HD1	1:a:1529:MET:HE1	1.60	0.67
1:a:1787:TYR:CD1	1:a:1894:LEU:HB2	2.29	0.67
1:a:2217:ARG:O	1:a:2219:ASN:ND2	2.27	0.67
1:a:2535:HIS:O	1:a:2539:CYS:N	2.23	0.67
2:b:1175:ASP:HB2	2:b:1180:LEU:HB2	1.77	0.67
3:c:93:PHE:HA	3:c:100:MET:HA	1.77	0.67
1:A:690:ALA:HA	1:A:693:LEU:HD12	1.76	0.67
1:A:1930:ILE:HG21	1:A:1935:TRP:HE1	1.60	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:870:ASN:HA	1:a:873:LYS:HD2	1.75	0.67
1:a:1550:LEU:O	1:a:1554:GLN:N	2.25	0.67
1:a:1808:ASN:O	1:a:1812:ASP:N	2.27	0.67
1:a:2411:LYS:O	1:a:2415:MET:HG2	1.95	0.67
1:A:623:ALA:HB1	1:A:635:HIS:HE1	1.60	0.67
1:A:781:LEU:HD11	1:A:824:ILE:HD12	1.77	0.67
1:A:1876:THR:HA	1:A:1879:MET:HE2	1.77	0.67
2:B:193:VAL:HG11	2:B:199:ALA:HA	1.76	0.67
1:a:1433:LEU:HD13	1:a:1453:LEU:HD11	1.76	0.67
1:A:1491:GLY:O	1:A:1495:GLN:N	2.16	0.66
1:a:1988:HIS:HD2	1:a:1992:ASN:HD21	1.42	0.66
1:a:2185:LEU:HD13	1:a:2239:TRP:HB2	1.75	0.66
2:b:513:ASN:O	2:b:517:TYR:N	2.21	0.66
3:c:153:HIS:HD2	3:c:162:ASN:HD21	1.41	0.66
1:A:336:TYR:O	1:A:340:GLN:N	2.20	0.66
1:A:338:SER:O	1:A:342:LEU:N	2.29	0.66
1:A:736:GLN:O	1:A:739:THR:OG1	2.12	0.66
1:A:822:ILE:O	1:A:825:MET:N	2.27	0.66
1:A:1808:ASN:O	1:A:1812:ASP:N	2.27	0.66
1:A:1952:LEU:HA	1:A:1955:ARG:NH1	2.10	0.66
1:A:2185:LEU:HD13	1:A:2239:TRP:HB2	1.75	0.66
1:a:1363:PHE:O	1:a:1367:SER:N	2.28	0.66
1:a:1615:ILE:O	1:a:1619:TRP:N	2.19	0.66
1:a:1952:LEU:HA	1:a:1955:ARG:NH1	2.11	0.66
2:b:1160:ASP:OD1	2:b:1161:ILE:N	2.28	0.66
3:c:111:ILE:HD11	3:c:155:TRP:HH2	1.60	0.66
1:A:714:THR:H	1:A:717:ARG:NH2	1.93	0.66
1:A:857:PRO:O	1:A:861:TYR:OH	2.13	0.66
1:A:990:LEU:O	1:A:1030:TYR:OH	2.12	0.66
1:A:1170:ARG:NE	1:A:1204:ILE:HG12	2.09	0.66
1:A:1385:GLU:HB3	1:A:1396:ALA:HB2	1.77	0.66
1:A:1988:HIS:HD2	1:A:1992:ASN:HD21	1.42	0.66
1:A:2411:LYS:O	1:A:2415:MET:HG2	1.95	0.66
1:A:2426:LEU:O	1:A:2429:TRP:NE1	2.28	0.66
2:B:920:SER:HB3	2:B:929:MET:HB2	1.76	0.66
3:C:279:SER:OG	3:C:281:ASP:OD1	2.09	0.66
1:a:338:SER:O	1:a:342:LEU:N	2.29	0.66
1:a:623:ALA:HB1	1:a:635:HIS:HE1	1.60	0.66
1:a:865:LEU:HD22	1:a:906:ILE:HB	1.75	0.66
1:a:1609:PRO:C	1:a:1611:ARG:H	2.03	0.66
2:b:1181:ILE:O	2:b:1193:TYR:N	2.21	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:c:61:GLY:N	3:c:64:HIS:O	2.27	0.66
3:c:183:SER:O	3:c:199:LEU:N	2.24	0.66
1:A:776:LEU:HD23	1:A:780:ILE:HD12	1.77	0.66
1:A:1019:LEU:HD23	1:A:1022:PHE:CD2	2.30	0.66
1:A:1060:VAL:HA	1:A:1063:LEU:HD12	1.77	0.66
1:A:1276:SER:O	1:A:1280:TRP:N	2.21	0.66
1:A:1705:TRP:CE3	1:A:1710:LYS:HB2	2.31	0.66
1:A:2201:LEU:HD13	1:A:2417:VAL:HG11	1.77	0.66
1:a:1019:LEU:HD23	1:a:1022:PHE:CD2	2.30	0.66
1:a:1046:THR:HB	1:a:1049:GLN:H	1.58	0.66
1:a:1776:TYR:HB2	1:a:1793:TRP:HD1	1.60	0.66
1:a:2421:PHE:HA	1:a:2424:ASP:HB2	1.77	0.66
1:A:641:ALA:HA	1:A:642:HIS:ND1	2.11	0.66
1:A:1143:THR:O	1:A:1183:GLN:NE2	2.28	0.66
1:a:1143:THR:O	1:a:1183:GLN:NE2	2.28	0.66
1:a:2322:ARG:O	1:a:2325:ALA:N	2.29	0.66
1:A:415:ASP:O	1:A:419:HIS:N	2.19	0.66
1:A:575:GLU:O	1:A:579:VAL:N	2.24	0.66
1:A:697:PHE:HA	1:A:708:ARG:HD2	1.76	0.66
1:A:1450:TYR:HA	1:A:1453:LEU:HB2	1.78	0.66
1:A:2421:PHE:HA	1:A:2424:ASP:HB2	1.77	0.66
3:C:93:PHE:HA	3:C:100:MET:HA	1.76	0.66
1:a:973:GLN:O	1:a:976:THR:OG1	2.11	0.66
1:a:1109:ASP:O	1:a:1111:LEU:N	2.29	0.66
1:a:1337:LEU:O	1:a:1341:ILE:N	2.17	0.66
1:a:1417:ILE:HA	1:a:1420:ASN:ND2	2.10	0.66
1:a:1705:TRP:CE3	1:a:1710:LYS:HB2	2.31	0.66
1:a:1876:THR:HA	1:a:1879:MET:HE2	1.77	0.66
1:a:2274:ASP:OD1	3:c:22:HIS:NE2	2.26	0.66
3:c:242:GLN:HB2	3:c:260:ILE:HG13	1.77	0.66
1:A:716:GLY:O	1:A:718:LEU:N	2.27	0.66
3:C:279:SER:HB3	3:C:284:TYR:HB2	1.76	0.66
1:a:716:GLY:O	1:a:718:LEU:N	2.27	0.66
1:A:1297:SER:O	1:A:1301:ARG:N	2.23	0.66
1:A:1743:LEU:O	1:A:1747:MET:N	2.21	0.66
1:A:1776:TYR:O	1:A:1780:THR:N	2.20	0.66
1:A:1776:TYR:HB3	1:A:1793:TRP:HB2	1.78	0.66
1:A:2322:ARG:O	1:A:2325:ALA:N	2.29	0.66
3:C:136:LEU:HG	3:C:140:GLN:HA	1.77	0.66
1:a:988:GLN:CB	1:a:989:PHE:HB3	2.25	0.66
1:a:2201:LEU:HD13	1:a:2417:VAL:HG11	1.77	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:960:ARG:NH2	1:A:978:ILE:HG22	2.10	0.66
1:A:1428:ALA:HB2	1:A:2395:ASN:HD21	1.61	0.66
1:A:1631:GLU:N	1:A:1631:GLU:OE1	2.27	0.66
1:A:1756:GLU:HA	1:A:1759:LEU:HD12	1.78	0.66
3:C:46:ASN:HB2	3:C:60:ALA:HB3	1.78	0.66
3:C:242:GLN:HB2	3:C:260:ILE:HG13	1.77	0.66
1:a:1140:ASP:O	1:a:1143:THR:OG1	2.14	0.66
1:a:1562:GLN:O	1:a:1566:LYS:NZ	2.28	0.66
1:a:1756:GLU:HA	1:a:1759:LEU:HD12	1.78	0.66
1:a:1776:TYR:HB3	1:a:1793:TRP:HB2	1.78	0.66
1:a:2005:LEU:HD12	1:a:2137:GLU:HG3	1.77	0.66
3:c:192:GLY:O	3:c:219:HIS:N	2.23	0.66
3:c:225:GLN:N	3:c:238:CYS:HB2	2.10	0.66
1:A:777:LYS:C	1:A:779:LEU:H	2.03	0.66
1:A:1873:LEU:O	1:A:1877:LEU:N	2.23	0.66
2:B:513:ASN:O	2:B:517:TYR:N	2.21	0.66
1:a:865:LEU:HA	1:a:910:ARG:HE	1.61	0.66
1:a:1870:THR:O	1:a:1874:SER:N	2.27	0.66
2:b:114:GLN:O	2:b:115:PRO:CG	2.23	0.66
2:b:651:LEU:O	2:b:655:GLY:N	2.28	0.66
1:A:768:ILE:HA	1:A:771:TYR:HD2	1.60	0.65
1:A:833:LEU:HA	1:A:836:LYS:HD2	1.77	0.65
1:A:1382:LEU:HA	1:A:1385:GLU:HB2	1.78	0.65
3:C:152:ILE:HB	3:C:165:LEU:HB3	1.77	0.65
1:a:833:LEU:HA	1:a:836:LYS:HD2	1.77	0.65
1:a:1138:THR:C	1:a:1142:LEU:HG	2.21	0.65
1:a:1139:VAL:HA	1:a:1142:LEU:HB2	1.79	0.65
1:a:1629:ILE:HG22	1:a:1630:VAL:H	1.61	0.65
1:a:1766:GLU:OE1	1:a:1804:TYR:OH	2.13	0.65
3:c:165:LEU:HG	3:c:167:PRO:HD3	1.77	0.65
3:c:168:GLU:HB2	3:c:195:TYR:CE2	2.32	0.65
1:A:1056:ILE:HA	1:A:1059:ILE:HD12	1.78	0.65
1:A:1138:THR:C	1:A:1142:LEU:HG	2.21	0.65
1:A:1188:TYR:OH	1:A:1213:ILE:O	2.14	0.65
1:A:2094:VAL:HG12	1:A:2098:THR:HB	1.78	0.65
1:a:917:LEU:O	1:a:918:SER:OG	2.14	0.65
1:a:960:ARG:NH2	1:a:978:ILE:HG22	2.10	0.65
1:a:999:ASN:O	1:a:1003:VAL:N	2.22	0.65
1:a:1491:GLY:O	1:a:1495:GLN:N	2.16	0.65
1:a:2374:LYS:O	1:a:2531:GLN:NE2	2.26	0.65
1:A:714:THR:N	1:A:717:ARG:HH21	1.94	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1585:ARG:HD2	1:A:1588:GLY:HA3	1.77	0.65
1:A:1752:LEU:HD22	1:A:1786:TRP:CH2	2.32	0.65
1:A:1788:LYS:O	1:A:1792:ALA:N	2.25	0.65
1:A:2535:HIS:O	1:A:2539:CYS:N	2.23	0.65
2:B:1175:ASP:HB2	2:B:1180:LEU:HB2	1.77	0.65
1:a:641:ALA:HA	1:a:642:HIS:ND1	2.11	0.65
1:a:714:THR:HB	1:a:715:VAL:HG23	1.79	0.65
1:a:1019:LEU:HA	1:a:1022:PHE:CD2	2.17	0.65
3:c:88:ILE:HA	3:c:104:GLY:HA2	1.78	0.65
3:c:132:ASN:ND2	3:c:172:SER:OG	2.29	0.65
1:A:1050:SER:HB2	1:A:1090:ARG:NH2	2.10	0.65
1:A:1646:PRO:HA	1:A:1653:TRP:HE1	1.60	0.65
1:A:2005:LEU:HD12	1:A:2137:GLU:HG3	1.77	0.65
1:A:2382:MET:O	1:A:2386:ALA:N	2.29	0.65
1:a:697:PHE:HA	1:a:708:ARG:HD2	1.76	0.65
1:a:1050:SER:HA	1:a:1053:ILE:HD12	1.77	0.65
1:a:1302:SER:HA	1:a:1305:ALA:HB3	1.79	0.65
1:a:1382:LEU:HA	1:a:1385:GLU:HB2	1.78	0.65
1:a:1930:ILE:HG21	1:a:1935:TRP:HE1	1.60	0.65
3:c:152:ILE:HB	3:c:165:LEU:HB3	1.77	0.65
3:c:154:ILE:N	3:c:163:GLU:O	2.18	0.65
1:A:865:LEU:HA	1:A:910:ARG:HE	1.61	0.65
1:A:1427:GLU:HG3	1:A:2395:ASN:OD1	1.97	0.65
1:A:2332:TYR:OH	1:A:2503:ARG:NH2	2.29	0.65
2:B:352:LEU:HB3	2:B:353:ALA:HB3	1.78	0.65
1:a:577:SER:O	1:a:581:SER:N	2.25	0.65
1:a:727:MET:HG3	1:a:760:LEU:HD13	1.78	0.65
1:a:777:LYS:HD2	1:a:821:PHE:CD2	2.32	0.65
1:a:1725:GLN:HB3	1:a:1747:MET:HE1	1.78	0.65
1:a:2311:GLU:HG2	1:a:2312:VAL:H	1.61	0.65
1:A:1050:SER:HA	1:A:1053:ILE:HD12	1.77	0.65
1:A:1067:PHE:HB3	1:A:1069:LEU:H	1.61	0.65
1:A:1139:VAL:HA	1:A:1142:LEU:HB2	1.79	0.65
1:A:1521:TRP:HD1	1:A:1529:MET:HE1	1.60	0.65
1:A:1744:HIS:O	1:A:1748:ALA:N	2.23	0.65
1:A:1789:ALA:HA	1:A:1792:ALA:HB3	1.78	0.65
1:A:2311:GLU:HG2	1:A:2312:VAL:H	1.61	0.65
3:C:132:ASN:ND2	3:C:172:SER:OG	2.29	0.65
1:a:714:THR:N	1:a:717:ARG:HH21	1.94	0.65
1:a:846:GLN:O	1:a:850:SER:N	2.25	0.65
1:a:1450:TYR:HA	1:a:1453:LEU:HB2	1.77	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:c:25:ARG:HD3	3:c:310:GLY:HA3	1.78	0.65
3:C:185:MET:N	3:C:197:TRP:O	2.23	0.65
1:a:829:GLN:O	1:a:832:SER:OG	2.14	0.65
1:a:954:ALA:O	1:a:992:GLN:NE2	2.29	0.65
1:a:1283:TRP:O	1:a:1287:LEU:N	2.19	0.65
1:a:1724:MET:O	1:a:1728:ALA:N	2.27	0.65
1:a:2132:MET:O	1:a:2134:ARG:HG2	1.96	0.65
1:a:2332:TYR:OH	1:a:2503:ARG:NH2	2.29	0.65
1:a:2502:ASN:O	1:a:2506:ASP:N	2.20	0.65
3:c:136:LEU:HG	3:c:140:GLN:HA	1.77	0.65
3:c:226:CYS:HB2	3:c:235:LEU:HD11	1.79	0.65
1:A:777:LYS:HD2	1:A:821:PHE:CD2	2.32	0.65
1:A:1049:GLN:O	1:A:1053:ILE:N	2.22	0.65
1:A:1140:ASP:O	1:A:1143:THR:OG1	2.14	0.65
2:B:422:MET:O	2:B:425:GLU:HB3	1.96	0.65
2:B:904:GLY:HA2	2:B:918:PRO:HA	1.78	0.65
3:C:111:ILE:HD11	3:C:155:TRP:CH2	2.32	0.65
3:C:219:HIS:CE1	3:C:239:SER:HB2	2.32	0.65
1:a:900:LYS:O	1:a:903:ILE:N	2.29	0.65
1:a:2382:MET:O	1:a:2386:ALA:N	2.29	0.65
2:b:422:MET:CG	2:b:434:PRO:CG	2.74	0.65
3:c:46:ASN:HB2	3:c:60:ALA:HB3	1.78	0.65
1:A:954:ALA:O	1:A:992:GLN:NE2	2.29	0.65
1:a:604:ARG:HD3	1:a:616:LYS:HD3	1.79	0.65
1:a:768:ILE:HA	1:a:771:TYR:HD2	1.60	0.65
1:a:776:LEU:HD23	1:a:780:ILE:HD12	1.77	0.65
1:a:816:TRP:N	1:a:819:GLU:OE2	2.22	0.65
1:a:1056:ILE:HA	1:a:1059:ILE:HD12	1.78	0.65
1:a:1188:TYR:OH	1:a:1213:ILE:O	2.14	0.65
2:b:422:MET:O	2:b:425:GLU:HB3	1.96	0.65
1:A:846:GLN:O	1:A:850:SER:N	2.25	0.65
1:A:905:MET:O	1:A:1568:ARG:NH2	2.30	0.65
1:A:1054:LEU:HD11	1:A:1090:ARG:NH1	2.12	0.65
1:A:1434:GLU:HA	1:A:1437:MET:SD	2.37	0.65
1:A:1597:SER:O	1:A:1601:GLU:HG3	1.97	0.65
2:B:750:GLY:HA2	2:B:753:ALA:HB3	1.78	0.65
3:C:61:GLY:N	3:C:64:HIS:O	2.27	0.65
3:C:165:LEU:HG	3:C:167:PRO:HD3	1.77	0.65
1:a:1011:PHE:O	1:a:1015:GLN:N	2.21	0.65
3:c:174:THR:N	3:c:188:VAL:O	2.30	0.65
1:A:577:SER:O	1:A:581:SER:N	2.25	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:721:MET:HB3	1:A:725:PHE:CE2	2.32	0.64
1:A:861:TYR:HD2	1:A:898:LYS:HZ3	1.40	0.64
1:A:1283:TRP:O	1:A:1287:LEU:N	2.19	0.64
1:A:2057:MET:O	1:A:2060:ARG:HG2	1.98	0.64
3:C:31:SER:O	3:C:306:ARG:NH1	2.30	0.64
3:C:88:ILE:HA	3:C:104:GLY:HA2	1.78	0.64
3:C:227:ARG:N	3:C:236:ALA:O	2.30	0.64
1:a:668:ASP:HA	1:a:671:ILE:HB	1.79	0.64
1:a:1060:VAL:HA	1:a:1063:LEU:HD12	1.77	0.64
1:a:1306:LEU:O	1:a:1310:TYR:N	2.29	0.64
1:a:1434:GLU:HA	1:a:1437:MET:SD	2.37	0.64
1:A:893:ALA:O	1:A:896:PRO:HD2	1.97	0.64
1:A:1363:PHE:O	1:A:1367:SER:N	2.28	0.64
1:A:1770:PRO:O	1:A:1774:GLN:N	2.21	0.64
1:A:2132:MET:O	1:A:2134:ARG:HG2	1.96	0.64
3:C:224:LEU:HD11	3:C:272:TRP:HE3	1.61	0.64
1:a:1427:GLU:HG3	1:a:2395:ASN:OD1	1.97	0.64
2:b:750:GLY:HA2	2:b:753:ALA:HB3	1.78	0.64
3:c:31:SER:O	3:c:306:ARG:NH1	2.30	0.64
3:c:224:LEU:HD11	3:c:272:TRP:HE3	1.61	0.64
3:c:227:ARG:N	3:c:236:ALA:O	2.30	0.64
1:A:727:MET:HG3	1:A:760:LEU:HD13	1.78	0.64
1:A:1531:GLU:O	1:A:1535:MET:HG3	1.97	0.64
1:A:1725:GLN:HB3	1:A:1747:MET:HE1	1.78	0.64
1:A:2327:MET:HG3	1:A:2355:HIS:CD2	2.32	0.64
3:C:65:ILE:O	3:C:80:SER:HA	1.98	0.64
3:C:168:GLU:HB2	3:C:195:TYR:CE2	2.32	0.64
1:a:978:ILE:O	1:a:981:SER:OG	2.08	0.64
1:a:1419:ILE:HA	1:a:1422:LYS:HB2	1.78	0.64
1:a:1428:ALA:HB2	1:a:2395:ASN:HD21	1.61	0.64
1:a:1533:THR:HA	1:a:1536:ILE:HD12	1.79	0.64
3:c:20:TYR:HD2	3:c:313:LYS:HD2	1.62	0.64
1:A:1011:PHE:O	1:A:1015:GLN:N	2.21	0.64
1:A:1302:SER:O	1:A:1306:LEU:N	2.27	0.64
1:A:1417:ILE:HA	1:A:1420:ASN:ND2	2.10	0.64
1:A:2038:TYR:HB2	1:A:2047:MET:SD	2.38	0.64
2:B:422:MET:CG	2:B:434:PRO:CG	2.74	0.64
1:a:1054:LEU:HD11	1:a:1090:ARG:NH1	2.12	0.64
1:a:1646:PRO:HA	1:a:1653:TRP:HE1	1.60	0.64
1:a:1789:ALA:HA	1:a:1792:ALA:HB3	1.78	0.64
1:a:2327:MET:HG3	1:a:2355:HIS:CD2	2.32	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:2427:LEU:HB3	1:a:2430:ARG:NE	2.12	0.64
3:c:106:ASP:OD2	3:c:108:THR:OG1	2.16	0.64
1:A:999:ASN:O	1:A:1003:VAL:N	2.22	0.64
1:A:1329:LEU:O	1:A:1332:ASP:N	2.31	0.64
1:A:1609:PRO:C	1:A:1611:ARG:H	2.03	0.64
3:C:192:GLY:O	3:C:219:HIS:N	2.23	0.64
2:b:347:PHE:HA	2:b:350:PHE:CG	2.33	0.64
3:c:64:HIS:HD2	3:c:66:ARG:HG3	1.62	0.64
1:A:594:PHE:CZ	1:A:628:ARG:HD3	2.32	0.64
1:A:600:THR:O	1:A:604:ARG:N	2.30	0.64
1:A:973:GLN:HB3	1:A:977:PHE:HE2	1.63	0.64
1:A:1066:GLU:N	1:A:1070:TYR:OH	2.22	0.64
1:A:1306:LEU:O	1:A:1310:TYR:N	2.29	0.64
1:A:1967:TYR:HB2	1:A:1968:HIS:CE1	2.32	0.64
1:A:2374:LYS:O	1:A:2531:GLN:NE2	2.26	0.64
3:C:25:ARG:HD3	3:C:310:GLY:HA3	1.78	0.64
1:a:1281:LEU:O	1:a:1285:ARG:N	2.21	0.64
1:a:1333:GLN:O	1:a:1337:LEU:N	2.18	0.64
1:a:1385:GLU:HB3	1:a:1396:ALA:HB2	1.77	0.64
3:c:14:ILE:O	3:c:320:PHE:HA	1.98	0.64
3:c:65:ILE:HB	3:c:81:TYR:CD2	2.33	0.64
1:A:2017:ILE:HG12	1:A:2230:LEU:HB3	1.78	0.64
1:A:2198:VAL:O	1:A:2201:LEU:HB3	1.98	0.64
3:C:100:MET:HB3	3:C:112:TRP:HB2	1.80	0.64
1:a:1804:TYR:HA	1:a:1807:GLN:HB3	1.80	0.64
1:a:2311:GLU:HA	1:a:2314:PHE:HB3	1.80	0.64
3:c:195:TYR:HA	3:c:215:LYS:HA	1.80	0.64
1:A:1302:SER:HA	1:A:1305:ALA:HB3	1.79	0.64
1:A:1533:THR:HA	1:A:1536:ILE:HD12	1.79	0.64
1:A:2427:LEU:HB3	1:A:2430:ARG:NE	2.12	0.64
1:a:893:ALA:O	1:a:896:PRO:HD2	1.97	0.64
1:a:905:MET:O	1:a:1568:ARG:NH2	2.30	0.64
1:a:1531:GLU:O	1:a:1535:MET:HG3	1.97	0.64
1:a:1752:LEU:HD22	1:a:1786:TRP:CH2	2.32	0.64
1:a:1967:TYR:HB2	1:a:1968:HIS:CE1	2.32	0.64
1:a:2178:ASN:ND2	1:a:2180:HIS:HD2	1.96	0.64
2:b:1087:ALA:HA	2:b:1093:ILE:HA	1.79	0.64
3:c:111:ILE:HD11	3:c:155:TRP:CH2	2.32	0.64
3:c:219:HIS:CE1	3:c:239:SER:HB2	2.32	0.64
1:A:604:ARG:HD3	1:A:616:LYS:HD3	1.79	0.64
1:A:714:THR:HB	1:A:715:VAL:HG23	1.79	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:917:LEU:O	1:A:918:SER:OG	2.14	0.64
1:A:2111:ILE:HA	1:A:2114:GLN:HB2	1.80	0.64
3:C:174:THR:N	3:C:188:VAL:O	2.30	0.64
1:a:1040:GLU:O	1:a:1044:MET:N	2.28	0.64
1:a:1067:PHE:HB3	1:a:1069:LEU:H	1.61	0.64
1:a:1155:ILE:HB	1:a:1187:LYS:NZ	2.13	0.64
1:a:1159:ILE:HG12	1:a:1177:LEU:HD21	1.80	0.64
1:a:1329:LEU:O	1:a:1332:ASP:N	2.31	0.64
1:a:1412:ILE:O	1:a:1416:LEU:N	2.31	0.64
1:a:1597:SER:O	1:a:1601:GLU:HG3	1.97	0.64
1:a:1654:LEU:O	1:a:1658:SER:N	2.19	0.64
1:A:601:GLN:NE2	1:A:641:ALA:O	2.31	0.64
1:A:1804:TYR:HA	1:A:1807:GLN:HB3	1.80	0.64
1:a:832:SER:HB2	1:a:836:LYS:HE3	1.80	0.64
1:a:2057:MET:O	1:a:2060:ARG:HG2	1.98	0.64
1:a:2115:LEU:HB3	1:a:2168:ARG:HH22	1.63	0.64
1:A:829:GLN:O	1:A:832:SER:OG	2.14	0.63
1:A:1155:ILE:HB	1:A:1187:LYS:NZ	2.13	0.63
1:A:1666:LEU:O	1:A:1670:HIS:N	2.18	0.63
1:A:1976:LEU:O	1:A:1980:SER:N	2.30	0.63
1:A:2178:ASN:ND2	1:A:2180:HIS:HD2	1.96	0.63
2:B:347:PHE:HA	2:B:350:PHE:CG	2.33	0.63
3:C:106:ASP:OD2	3:C:108:THR:OG1	2.16	0.63
3:C:147:ASP:OD1	3:C:151:ALA:N	2.28	0.63
1:a:791:ASN:HA	1:a:797:ASN:ND2	2.13	0.63
1:a:1745:LYS:HG2	1:a:1783:ASP:CG	2.24	0.63
1:a:2017:ILE:HG12	1:a:2230:LEU:HB3	1.79	0.63
1:a:2242:HIS:HA	1:a:2348:ARG:NH1	2.13	0.63
3:c:131:ILE:HG23	3:c:145:VAL:HG13	1.80	0.63
1:A:730:LEU:HG	1:A:742:GLU:OE1	1.99	0.63
1:A:1021:SER:HA	1:A:1024:LYS:CD	2.27	0.63
1:A:2242:HIS:HA	1:A:2348:ARG:NH1	2.13	0.63
2:B:789:ARG:N	2:B:803:SER:O	2.32	0.63
2:B:1181:ILE:O	2:B:1193:TYR:N	2.21	0.63
3:C:195:TYR:HA	3:C:215:LYS:HA	1.80	0.63
1:a:721:MET:HB3	1:a:725:PHE:CE2	2.32	0.63
1:a:1657:ALA:O	1:a:1661:GLY:N	2.24	0.63
1:a:1976:LEU:O	1:a:1980:SER:N	2.30	0.63
3:c:65:ILE:O	3:c:80:SER:HA	1.97	0.63
3:c:147:ASP:OD1	3:c:151:ALA:N	2.28	0.63
1:A:832:SER:HB2	1:A:836:LYS:HE3	1.81	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1103:PHE:CD1	1:A:1140:ASP:HB3	2.33	0.63
1:A:1747:MET:O	1:A:1751:PHE:N	2.26	0.63
1:a:601:GLN:NE2	1:a:641:ALA:O	2.31	0.63
1:a:817:VAL:HG12	1:a:818:ASP:H	1.63	0.63
2:b:1127:MET:N	2:b:1141:SER:O	2.31	0.63
1:A:755:ARG:HH12	2:b:482:SER:C	2.06	0.63
1:A:845:GLY:O	1:A:849:ALA:N	2.23	0.63
1:A:973:GLN:O	1:A:976:THR:OG1	2.11	0.63
1:A:1412:ILE:O	1:A:1416:LEU:N	2.31	0.63
1:A:1419:ILE:HA	1:A:1422:LYS:HB2	1.78	0.63
1:A:1550:LEU:O	1:A:1554:GLN:N	2.25	0.63
2:B:203:VAL:HA	2:B:206:PHE:CD2	2.32	0.63
3:C:225:GLN:N	3:C:238:CYS:HB2	2.10	0.63
1:a:1885:VAL:HA	1:a:1888:PHE:HD2	1.63	0.63
1:a:2198:VAL:O	1:a:2201:LEU:HB3	1.98	0.63
2:b:106:LEU:O	2:b:110:TYR:N	2.26	0.63
2:b:904:GLY:HA2	2:b:918:PRO:HA	1.78	0.63
1:A:746:ILE:HG23	1:A:749:ILE:HB	1.81	0.63
1:A:1109:ASP:O	1:A:1111:LEU:N	2.29	0.63
1:A:1128:PRO:O	1:A:1131:SER:OG	2.15	0.63
1:A:1190:ILE:HB	1:A:1191:PHE:CD2	2.33	0.63
1:A:1575:LEU:O	1:A:1578:MET:N	2.22	0.63
1:A:1629:ILE:HG22	1:A:1630:VAL:H	1.61	0.63
1:A:1988:HIS:CD2	1:A:1992:ASN:HD21	2.17	0.63
1:A:2115:LEU:HB3	1:A:2168:ARG:HH22	1.63	0.63
1:A:2425:PRO:HA	1:A:2428:ASN:HD22	1.64	0.63
3:C:36:ARG:HH11	3:C:74:ASN:H	1.45	0.63
3:C:64:HIS:HD2	3:C:66:ARG:HG3	1.62	0.63
3:C:262:SER:HB3	3:C:270:ARG:NH1	2.14	0.63
1:a:1974:TYR:O	1:a:1978:VAL:N	2.25	0.63
1:a:2008:GLN:HA	1:a:2011:MET:HB3	1.80	0.63
1:a:2425:PRO:HA	1:a:2428:ASN:HD22	1.64	0.63
1:A:1569:ASP:O	1:A:1572:ASP:HB2	1.99	0.63
1:A:1649:ASP:HB3	1:A:1653:TRP:HE1	1.63	0.63
1:A:2285:GLU:O	1:A:2289:HIS:N	2.24	0.63
2:B:920:SER:O	2:B:929:MET:N	2.24	0.63
2:B:1151:ASP:N	2:B:1157:LYS:O	2.18	0.63
3:C:65:ILE:HB	3:C:81:TYR:CD2	2.33	0.63
3:C:285:ILE:HB	3:C:299:VAL:HG22	1.81	0.63
1:a:582:ILE:O	1:a:586:LEU:N	2.26	0.63
1:a:777:LYS:NZ	1:a:821:PHE:HB2	2.14	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:857:PRO:O	1:a:861:TYR:OH	2.14	0.63
1:a:2094:VAL:HG12	1:a:2098:THR:HB	1.78	0.63
2:b:203:VAL:HA	2:b:206:PHE:CD2	2.32	0.63
2:b:352:LEU:HB3	2:b:353:ALA:HB3	1.78	0.63
3:c:36:ARG:HH11	3:c:74:ASN:H	1.45	0.63
1:A:273:ARG:O	1:A:277:MET:N	2.32	0.63
1:A:1514:ARG:HA	1:A:1536:ILE:HD11	1.81	0.63
1:A:1628:ARG:HB2	1:A:1633:TRP:HE1	1.64	0.63
1:A:2311:GLU:HA	1:A:2314:PHE:HB3	1.80	0.63
1:a:730:LEU:HG	1:a:742:GLU:OE1	1.99	0.63
1:a:1649:ASP:HB3	1:a:1653:TRP:HE1	1.63	0.63
1:a:1873:LEU:O	1:a:1877:LEU:N	2.23	0.63
2:b:789:ARG:N	2:b:803:SER:O	2.32	0.63
2:b:1149:ILE:N	2:b:1160:ASP:O	2.31	0.63
3:c:111:ILE:O	3:c:122:GLN:N	2.32	0.63
3:c:285:ILE:HB	3:c:299:VAL:HG22	1.81	0.63
1:A:582:ILE:O	1:A:586:LEU:N	2.26	0.63
1:A:729:PHE:HA	1:A:732:LYS:HG3	1.80	0.63
1:A:791:ASN:HA	1:A:797:ASN:ND2	2.13	0.63
2:B:96:GLN:HB3	2:B:99:LEU:HB3	1.81	0.63
2:B:146:VAL:O	2:B:190:SER:N	2.32	0.63
2:B:1149:ILE:N	2:B:1160:ASP:O	2.31	0.63
3:C:20:TYR:HD2	3:C:313:LYS:HD2	1.62	0.63
1:A:573:LEU:O	1:A:575:GLU:N	2.28	0.63
1:A:624:ARG:HH12	1:A:639:GLY:HA3	1.64	0.63
1:A:1885:VAL:HA	1:A:1888:PHE:HD2	1.64	0.63
3:C:131:ILE:HG23	3:C:145:VAL:HG13	1.80	0.63
3:C:226:CYS:HB2	3:C:235:LEU:HD11	1.79	0.63
1:A:1112:HIS:HE1	1:a:767:LEU:HD22	1.63	0.62
1:A:1138:THR:O	1:A:1142:LEU:N	2.27	0.62
1:A:2008:GLN:HA	1:A:2011:MET:HB3	1.80	0.62
2:B:1145:ARG:HB3	2:B:1165:ALA:O	1.99	0.62
1:a:594:PHE:CZ	1:a:628:ARG:HD3	2.32	0.62
1:a:1628:ARG:HB2	1:a:1633:TRP:HE1	1.64	0.62
1:a:1938:VAL:HG12	1:a:1941:GLN:HB2	1.81	0.62
1:a:2038:TYR:HB2	1:a:2047:MET:SD	2.38	0.62
2:b:148:PHE:N	2:b:190:SER:O	2.31	0.62
1:A:1345:LEU:O	1:A:1349:ASP:N	2.32	0.62
1:a:865:LEU:HB3	1:a:906:ILE:HG21	1.81	0.62
1:a:1190:ILE:HB	1:a:1191:PHE:CD2	2.33	0.62
1:a:1575:LEU:O	1:a:1578:MET:N	2.22	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:2111:ILE:HA	1:a:2114:GLN:HB2	1.80	0.62
1:a:2526:GLU:O	1:a:2530:LYS:HG2	1.99	0.62
2:b:89:ASP:CB	2:b:153:HIS:HA	2.29	0.62
3:c:100:MET:HB3	3:c:112:TRP:HB2	1.80	0.62
1:A:1040:GLU:O	1:A:1044:MET:N	2.28	0.62
1:A:1159:ILE:HG12	1:A:1177:LEU:HD21	1.80	0.62
1:A:1562:GLN:O	1:A:1566:LYS:NZ	2.28	0.62
1:A:1745:LYS:HG2	1:A:1783:ASP:CG	2.24	0.62
2:B:89:ASP:CG	2:B:153:HIS:CB	2.72	0.62
2:B:422:MET:CG	2:B:434:PRO:CD	2.77	0.62
2:B:1240:ASP:HA	2:B:1249:VAL:HA	1.81	0.62
3:C:41:GLN:H	3:C:66:ARG:CZ	2.13	0.62
1:a:788:PRO:HA	1:a:791:ASN:ND2	2.15	0.62
2:b:1240:ASP:HA	2:b:1249:VAL:HA	1.81	0.62
1:A:788:PRO:HA	1:A:791:ASN:ND2	2.15	0.62
1:A:973:GLN:HG3	1:A:1011:PHE:CE1	2.34	0.62
1:A:978:ILE:O	1:A:981:SER:OG	2.08	0.62
1:A:1015:GLN:O	1:A:1019:LEU:N	2.22	0.62
1:A:1148:PHE:HZ	1:A:1180:LEU:O	1.82	0.62
1:a:600:THR:O	1:a:604:ARG:N	2.30	0.62
2:b:96:GLN:HB3	2:b:99:LEU:HB3	1.81	0.62
3:c:185:MET:HB2	3:c:199:LEU:HD11	1.82	0.62
3:c:262:SER:HB3	3:c:270:ARG:NH1	2.14	0.62
2:B:148:PHE:N	2:B:190:SER:O	2.31	0.62
1:a:973:GLN:HG3	1:a:1011:PHE:CE1	2.34	0.62
1:a:1012:LEU:O	1:a:1016:LEU:N	2.30	0.62
1:a:1132:ARG:HG2	1:a:1172:THR:HG21	1.82	0.62
1:a:1776:TYR:O	1:a:1780:THR:N	2.20	0.62
1:a:2280:LEU:O	1:a:2284:VAL:N	2.28	0.62
1:A:763:ASN:O	1:A:767:LEU:N	2.32	0.62
1:A:777:LYS:NZ	1:A:821:PHE:HB2	2.14	0.62
1:A:1012:LEU:O	1:A:1016:LEU:N	2.30	0.62
1:A:1487:LEU:O	1:A:1665:ARG:NH1	2.32	0.62
1:A:1766:GLU:OE1	1:A:1804:TYR:OH	2.13	0.62
1:A:1938:VAL:HG12	1:A:1941:GLN:HB2	1.81	0.62
1:A:2344:LEU:HB2	1:A:2354:LEU:O	2.00	0.62
1:a:853:TYR:O	1:a:856:GLU:N	2.22	0.62
1:a:1042:TRP:CH2	1:a:1059:ILE:HG21	2.35	0.62
1:a:1103:PHE:CD1	1:a:1140:ASP:HB3	2.33	0.62
1:a:1128:PRO:O	1:a:1131:SER:OG	2.15	0.62
1:A:668:ASP:HA	1:A:671:ILE:HB	1.79	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:909:SER:O	1:A:913:SER:N	2.31	0.62
1:A:1659:LEU:HD23	1:A:1662:LYS:HD3	1.81	0.62
3:C:14:ILE:O	3:C:320:PHE:HA	1.98	0.62
3:C:90:SER:O	3:C:103:GLY:N	2.33	0.62
3:C:111:ILE:O	3:C:122:GLN:N	2.32	0.62
1:a:273:ARG:O	1:a:277:MET:N	2.32	0.62
1:a:1390:CYS:C	1:a:1393:TYR:H	2.08	0.62
1:a:2285:GLU:O	1:a:2289:HIS:N	2.24	0.62
1:A:747:GLY:HA2	1:A:750:LYS:NZ	2.15	0.62
1:A:865:LEU:HB3	1:A:906:ILE:HG21	1.81	0.62
1:A:865:LEU:HD13	1:A:906:ILE:HD12	1.81	0.62
1:A:1132:ARG:HG2	1:A:1172:THR:HG21	1.82	0.62
1:A:1578:MET:O	1:A:1581:GLU:N	2.32	0.62
1:A:1657:ALA:O	1:A:1661:GLY:N	2.24	0.62
1:A:2526:GLU:O	1:A:2530:LYS:HG2	1.99	0.62
1:a:865:LEU:HD13	1:a:906:ILE:HD12	1.81	0.62
1:a:1067:PHE:HB2	1:a:1070:TYR:CD1	2.35	0.62
1:a:1110:TYR:H	1:a:1112:HIS:CD2	2.18	0.62
1:a:1212:LEU:HD23	1:a:1215:ARG:HD2	1.82	0.62
1:a:2501:ILE:HG22	1:a:2505:ARG:NH1	2.15	0.62
1:a:2504:VAL:O	1:a:2508:LEU:N	2.23	0.62
2:b:146:VAL:O	2:b:190:SER:N	2.32	0.62
3:c:21:ASP:HA	3:c:313:LYS:HG3	1.82	0.62
3:c:297:TRP:CE3	3:c:304:ILE:HG13	2.34	0.62
1:A:699:ALA:O	1:A:701:ASN:ND2	2.33	0.62
2:B:89:ASP:CB	2:B:153:HIS:HA	2.29	0.62
2:B:1087:ALA:HA	2:B:1093:ILE:HA	1.79	0.62
3:C:297:TRP:CE3	3:C:304:ILE:HG13	2.34	0.62
1:a:699:ALA:O	1:a:701:ASN:ND2	2.33	0.62
1:a:1148:PHE:HZ	1:a:1180:LEU:O	1.82	0.62
1:a:1378:ASN:HA	1:a:1381:VAL:HB	1.80	0.62
1:a:1681:PRO:HG2	1:a:1683:ARG:HB2	1.82	0.62
1:A:900:LYS:O	1:A:903:ILE:N	2.29	0.62
1:A:1042:TRP:CH2	1:A:1059:ILE:HG21	2.35	0.62
1:A:1181:VAL:HB	1:A:1212:LEU:HD13	1.82	0.62
3:C:279:SER:O	3:C:282:SER:N	2.28	0.62
1:a:1020:VAL:O	1:a:1024:LYS:N	2.25	0.62
1:a:1977:THR:O	1:a:1980:SER:OG	2.08	0.62
2:b:422:MET:CG	2:b:434:PRO:CD	2.77	0.62
3:c:152:ILE:O	3:c:164:GLN:HA	2.00	0.62
1:A:706:GLU:O	1:A:709:GLU:HB2	2.00	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:993:VAL:O	1:A:996:THR:OG1	2.10	0.61
1:A:1110:TYR:H	1:A:1112:HIS:CD2	2.18	0.61
1:A:2505:ARG:HA	1:A:2508:LEU:HB2	1.82	0.61
2:B:482:SER:C	1:a:755:ARG:HH12	2.07	0.61
3:C:152:ILE:O	3:C:164:GLN:HA	2.00	0.61
1:a:746:ILE:HG23	1:a:749:ILE:HB	1.81	0.61
1:a:973:GLN:HB3	1:a:977:PHE:HE2	1.63	0.61
1:a:1021:SER:HA	1:a:1024:LYS:CD	2.27	0.61
1:a:1487:LEU:O	1:a:1665:ARG:NH1	2.32	0.61
1:A:817:VAL:H	1:A:819:GLU:HG3	1.64	0.61
1:A:1009:ARG:HA	1:A:1012:LEU:HD12	1.82	0.61
1:A:1028:ARG:HG3	1:A:1029:PRO:HA	1.83	0.61
1:A:1212:LEU:HD23	1:A:1215:ARG:HD2	1.82	0.61
1:A:1445:ILE:O	1:A:1449:TRP:HD1	1.84	0.61
1:A:1681:PRO:HG2	1:A:1683:ARG:HB2	1.82	0.61
1:a:688:ALA:HA	1:a:691:GLU:CD	2.26	0.61
1:a:1514:ARG:HA	1:a:1536:ILE:HD11	1.81	0.61
3:c:102:THR:OG1	3:c:112:TRP:NE1	2.34	0.61
1:A:817:VAL:HG12	1:A:818:ASP:H	1.63	0.61
1:A:1211:VAL:HG12	1:A:1215:ARG:NE	2.15	0.61
1:A:1333:GLN:O	1:A:1337:LEU:N	2.18	0.61
1:A:1623:LEU:HD21	1:A:1633:TRP:CE2	2.36	0.61
1:A:2501:ILE:HG22	1:A:2505:ARG:NH1	2.15	0.61
3:C:44:GLN:NE2	3:C:46:ASN:OD1	2.34	0.61
3:C:59:ALA:O	3:C:66:ARG:N	2.33	0.61
3:C:221:ARG:HB2	3:C:241:ASP:HB3	1.82	0.61
1:a:624:ARG:HH12	1:a:639:GLY:HA3	1.64	0.61
1:a:859:ARG:HA	1:a:861:TYR:CE1	2.35	0.61
1:a:1009:ARG:HA	1:a:1012:LEU:HD12	1.82	0.61
1:a:1569:ASP:O	1:a:1572:ASP:HB2	1.99	0.61
1:a:1679:VAL:HG21	1:a:1690:PRO:HG3	1.82	0.61
2:b:89:ASP:CG	2:b:153:HIS:CB	2.72	0.61
3:c:41:GLN:H	3:c:66:ARG:CZ	2.13	0.61
1:A:1067:PHE:HB2	1:A:1070:TYR:CD1	2.35	0.61
1:A:1119:VAL:O	1:A:1161:ARG:NH1	2.34	0.61
1:A:2332:TYR:O	1:A:2507:LYS:NZ	2.34	0.61
3:C:28:GLN:HG2	3:C:31:SER:HB3	1.82	0.61
3:C:185:MET:HB2	3:C:199:LEU:HD11	1.82	0.61
1:a:237:THR:O	1:a:241:ALA:N	2.31	0.61
1:a:270:GLU:O	1:a:274:ILE:N	2.30	0.61
1:a:806:ALA:O	1:a:809:SER:OG	2.17	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:1028:ARG:HG3	1:a:1029:PRO:HA	1.83	0.61
1:a:1341:ILE:O	1:a:1345:LEU:N	2.30	0.61
1:A:853:TYR:O	1:A:856:GLU:N	2.22	0.61
1:A:894:LEU:HD22	1:A:898:LYS:HZ1	1.65	0.61
1:A:2218:LYS:O	1:A:2322:ARG:NH1	2.33	0.61
3:C:285:ILE:O	3:C:297:TRP:N	2.23	0.61
1:a:706:GLU:O	1:a:709:GLU:HB2	2.00	0.61
1:a:909:SER:O	1:a:913:SER:N	2.31	0.61
1:a:1119:VAL:O	1:a:1161:ARG:NH1	2.34	0.61
1:a:1424:GLN:NE2	1:a:1584:SER:OG	2.34	0.61
1:A:353:LYS:O	1:A:355:THR:N	2.33	0.61
1:A:761:VAL:O	1:A:765:PRO:HD2	2.01	0.61
1:A:859:ARG:HA	1:A:861:TYR:CE1	2.35	0.61
1:A:1631:GLU:O	1:A:1634:GLN:HB2	2.01	0.61
1:A:1724:MET:HB3	1:A:1743:LEU:HD21	1.82	0.61
2:B:106:LEU:O	2:B:110:TYR:N	2.26	0.61
1:a:729:PHE:HA	1:a:732:LYS:HG3	1.80	0.61
1:a:1659:LEU:HD23	1:a:1662:LYS:HD3	1.81	0.61
1:a:1743:LEU:O	1:a:1747:MET:N	2.21	0.61
1:a:2172:LEU:HD23	1:a:2184:PHE:HB2	1.83	0.61
1:a:2344:LEU:HB2	1:a:2354:LEU:O	2.00	0.61
2:b:1145:ARG:HB3	2:b:1165:ALA:O	1.99	0.61
1:A:604:ARG:NH1	1:A:616:LYS:HB3	2.16	0.61
1:A:1378:ASN:HA	1:A:1381:VAL:HB	1.80	0.61
1:A:1390:CYS:C	1:A:1393:TYR:H	2.08	0.61
1:A:1915:HIS:HB3	1:A:1950:ARG:HB3	1.82	0.61
2:B:651:LEU:O	2:B:655:GLY:N	2.28	0.61
1:a:339:HIS:HA	1:a:342:LEU:CB	2.31	0.61
1:a:604:ARG:NH1	1:a:616:LYS:HB3	2.16	0.61
1:a:817:VAL:H	1:a:819:GLU:HG3	1.64	0.61
1:a:970:MET:HE1	1:a:973:GLN:HB2	1.81	0.61
1:a:1211:VAL:HG12	1:a:1215:ARG:NE	2.15	0.61
1:a:1988:HIS:CD2	1:a:1992:ASN:HD21	2.17	0.61
2:b:120:LYS:HD2	2:b:123:LEU:HD11	1.83	0.61
2:b:217:LEU:HD13	2:b:257:ASP:N	2.15	0.61
3:c:173:ILE:HD13	3:c:187:ALA:HB1	1.82	0.61
3:c:221:ARG:HB2	3:c:241:ASP:HB3	1.82	0.61
1:A:977:PHE:O	1:A:980:LYS:HB3	2.01	0.61
1:A:1679:VAL:HG21	1:A:1690:PRO:HG3	1.82	0.61
1:A:1878:LEU:HA	1:A:1881:THR:HB	1.82	0.61
1:A:2052:GLU:O	1:A:2056:ALA:N	2.24	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:1181:VAL:HB	1:a:1212:LEU:HD13	1.82	0.61
1:a:1378:ASN:O	1:a:1382:LEU:HG	2.01	0.61
1:a:2083:GLU:HG3	1:a:2087:LYS:HG3	1.83	0.61
1:a:2372:PRO:HB2	1:a:2374:LYS:HE2	1.83	0.61
3:c:28:GLN:HG2	3:c:31:SER:HB3	1.82	0.61
1:A:668:ASP:OD1	1:A:671:ILE:HD12	2.01	0.61
1:A:1020:VAL:O	1:A:1024:LYS:N	2.25	0.61
1:A:1338:ILE:O	1:A:1342:GLU:N	2.22	0.61
1:A:2526:GLU:OE2	1:A:2530:LYS:HD3	2.00	0.61
2:B:120:LYS:HD2	2:B:123:LEU:HD11	1.83	0.61
2:B:782:GLU:OE2	2:B:1222:ARG:NH1	2.30	0.61
1:a:765:PRO:O	1:a:769:ARG:N	2.29	0.61
1:a:1345:LEU:O	1:a:1349:ASP:N	2.32	0.61
1:a:2505:ARG:HA	1:a:2508:LEU:HB2	1.82	0.61
3:c:44:GLN:NE2	3:c:46:ASN:OD1	2.34	0.61
1:A:811:LEU:HD11	1:A:829:GLN:HE22	1.66	0.61
1:A:1783:ASP:OD2	1:A:1786:TRP:HB2	2.01	0.61
1:A:1892:ILE:HA	1:A:1895:SER:HB2	1.82	0.61
1:a:1015:GLN:O	1:a:1019:LEU:N	2.22	0.61
1:a:1132:ARG:O	1:a:1136:LEU:HG	2.01	0.61
1:a:1139:VAL:HG13	1:a:1179:SER:HB3	1.82	0.61
1:a:1631:GLU:O	1:a:1634:GLN:HB2	2.01	0.61
2:b:89:ASP:CB	2:b:152:GLY:C	2.63	0.61
2:b:901:LEU:N	2:b:921:HIS:O	2.28	0.61
3:c:59:ALA:O	3:c:66:ARG:N	2.33	0.61
3:c:239:SER:N	3:c:273:MET:O	2.32	0.61
1:A:921:LYS:HE3	1:A:1627:GLN:NE2	2.16	0.60
1:A:1139:VAL:HG13	1:A:1179:SER:HB3	1.82	0.60
1:A:2364:VAL:HA	1:A:2367:THR:HB	1.82	0.60
3:C:21:ASP:HA	3:C:313:LYS:HG3	1.82	0.60
1:a:668:ASP:OD1	1:a:671:ILE:HD12	2.01	0.60
1:a:709:GLU:OE1	1:a:741:LEU:HD12	2.01	0.60
1:a:1783:ASP:OD2	1:a:1786:TRP:HB2	2.01	0.60
1:a:1915:HIS:HB3	1:a:1950:ARG:HB3	1.82	0.60
1:a:2218:LYS:O	1:a:2322:ARG:NH1	2.33	0.60
1:a:2526:GLU:OE2	1:a:2530:LYS:HD3	2.00	0.60
3:c:90:SER:O	3:c:103:GLY:N	2.33	0.60
1:A:639:GLY:N	1:A:640:HIS:O	2.35	0.60
1:A:791:ASN:HA	1:A:797:ASN:HD21	1.66	0.60
1:A:1110:TYR:O	1:A:1113:LEU:N	2.34	0.60
2:B:197:SER:O	2:B:199:ALA:N	2.34	0.60

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
2:B:1127:MET:N	2:B:1141:SER:O	2.31	0.60
3:C:173:ILE:HD13	3:C:187:ALA:HB1	1.82	0.60
1:a:701:ASN:O	1:a:705:PHE:N	2.28	0.60
1:a:747:GLY:HA2	1:a:750:LYS:NZ	2.15	0.60
1:a:837:ARG:HH12	1:a:1611:ARG:C	2.08	0.60
1:a:1578:MET:O	1:a:1581:GLU:N	2.32	0.60
1:a:1969:PRO:HG2	1:a:1970:GLN:HE21	1.67	0.60
1:a:2430:ARG:O	1:a:2434:THR:N	2.25	0.60
2:b:142:LYS:C	2:b:143:GLU:O	2.45	0.60
1:A:339:HIS:HA	1:A:342:LEU:CB	2.31	0.60
1:A:709:GLU:OE1	1:A:741:LEU:HD12	2.01	0.60
1:A:779:LEU:O	1:A:783:LEU:N	2.34	0.60
1:A:837:ARG:HH12	1:A:1611:ARG:C	2.08	0.60
1:A:970:MET:HE1	1:A:973:GLN:HB2	1.82	0.60
1:A:1016:LEU:O	1:A:1020:VAL:HG23	2.01	0.60
1:A:1054:LEU:HD11	1:A:1090:ARG:HH12	1.67	0.60
1:A:1517:ALA:HA	1:A:1529:MET:HG3	1.83	0.60
1:A:1559:LEU:O	1:A:1563:CYS:N	2.33	0.60
1:A:2008:GLN:HB3	1:A:2136:LEU:HD23	1.83	0.60
2:B:217:LEU:HD13	2:B:257:ASP:N	2.15	0.60
1:a:353:LYS:O	1:a:355:THR:N	2.33	0.60
1:a:777:LYS:O	1:a:779:LEU:N	2.23	0.60
1:a:1747:MET:HA	1:a:1750:CYS:HB2	1.82	0.60
1:a:1747:MET:O	1:a:1751:PHE:N	2.26	0.60
1:a:1792:ALA:O	1:a:1796:MET:N	2.26	0.60
1:a:1878:LEU:HA	1:a:1881:THR:HB	1.82	0.60
2:b:197:SER:O	2:b:199:ALA:N	2.34	0.60
1:A:1189:GLN:HA	1:A:1192:ILE:HG13	1.83	0.60
1:A:1378:ASN:O	1:A:1382:LEU:HG	2.01	0.60
1:A:1424:GLN:NE2	1:A:1584:SER:OG	2.34	0.60
1:A:1684:GLN:HB3	1:A:1686:ASP:H	1.67	0.60
1:A:1747:MET:HA	1:A:1750:CYS:HB2	1.82	0.60
3:C:130:PRO:HG2	3:C:148:GLN:CB	2.31	0.60
1:a:628:ARG:HD2	1:a:635:HIS:NE2	2.16	0.60
1:a:921:LYS:HE3	1:a:1627:GLN:NE2	2.16	0.60
1:a:1541:HIS:CE1	1:a:1592:SER:HB3	2.37	0.60
1:a:1712:ASP:HA	1:a:1715:GLN:HB3	1.83	0.60
1:a:1755:GLY:O	1:a:1759:LEU:HG	2.01	0.60
1:a:2055:HIS:O	1:a:2059:GLU:N	2.34	0.60
1:a:2407:LEU:O	1:a:2411:LYS:N	2.35	0.60
2:b:1086:THR:O	2:b:1094:ARG:N	2.29	0.60

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:c:46:ASN:ND2	3:c:87:ASN:OD1	2.27	0.60
3:c:132:ASN:ND2	3:c:173:ILE:O	2.34	0.60
1:A:341:GLY:O	1:A:345:PHE:N	2.35	0.60
1:A:346:GLY:O	1:A:349:PRO:N	2.34	0.60
1:A:600:THR:C	1:A:604:ARG:HG3	2.27	0.60
1:A:1132:ARG:O	1:A:1136:LEU:HG	2.01	0.60
1:A:1541:HIS:CE1	1:A:1592:SER:HB3	2.37	0.60
2:B:398:GLU:O	2:B:402:ALA:N	2.35	0.60
1:a:771:TYR:HB2	1:a:783:LEU:HD21	1.83	0.60
1:a:779:LEU:O	1:a:783:LEU:N	2.34	0.60
1:a:784:LYS:HZ3	1:a:821:PHE:C	2.09	0.60
1:a:921:LYS:O	1:a:925:ASP:N	2.35	0.60
1:a:1080:ARG:HA	1:a:1083:MET:HG2	1.82	0.60
1:a:1302:SER:O	1:a:1306:LEU:N	2.27	0.60
3:c:289:SER:HB2	3:c:291:ASP:CG	2.26	0.60
1:A:270:GLU:O	1:A:274:ILE:N	2.30	0.60
1:A:688:ALA:HA	1:A:691:GLU:CD	2.26	0.60
1:A:1341:ILE:O	1:A:1345:LEU:N	2.30	0.60
1:A:2172:LEU:HD23	1:A:2184:PHE:HB2	1.83	0.60
1:A:2300:ALA:HA	1:A:2303:LEU:HD12	1.83	0.60
1:a:811:LEU:HD11	1:a:829:GLN:HE22	1.66	0.60
1:a:1054:LEU:HD11	1:a:1090:ARG:HH12	1.67	0.60
1:a:1212:LEU:HA	1:a:1215:ARG:HD2	1.84	0.60
1:a:1517:ALA:HA	1:a:1529:MET:HG3	1.83	0.60
1:a:1657:ALA:HA	1:a:1660:CYS:HB2	1.84	0.60
1:a:1684:GLN:HB3	1:a:1686:ASP:H	1.67	0.60
2:b:596:VAL:O	2:b:600:ALA:N	2.32	0.60
3:c:290:SER:HA	3:c:314:ALA:HB1	1.83	0.60
1:A:806:ALA:O	1:A:809:SER:OG	2.17	0.60
1:A:1108:ASP:CG	1:A:1146:LEU:HD12	2.27	0.60
1:A:1564:ILE:O	1:A:1568:ARG:N	2.24	0.60
1:A:1969:PRO:HG2	1:A:1970:GLN:HE21	1.67	0.60
1:A:2052:GLU:HA	1:A:2055:HIS:HD2	1.66	0.60
3:C:239:SER:N	3:C:273:MET:O	2.32	0.60
1:a:632:PRO:HA	1:a:635:HIS:HB2	1.83	0.60
1:a:763:ASN:O	1:a:767:LEU:N	2.32	0.60
1:a:1020:VAL:O	1:a:1024:LYS:HG3	2.02	0.60
3:c:14:ILE:HD13	3:c:70:LEU:HD13	1.83	0.60
1:A:632:PRO:HA	1:A:635:HIS:HB2	1.83	0.60
1:A:921:LYS:O	1:A:925:ASP:N	2.35	0.60
1:A:2055:HIS:O	1:A:2059:GLU:N	2.34	0.60

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:C:244:CYS:N	3:C:258:LEU:O	2.30	0.60
1:a:581:SER:O	1:a:585:ALA:N	2.34	0.60
1:a:761:VAL:O	1:a:765:PRO:HD2	2.01	0.60
1:a:976:THR:HA	1:a:979:PHE:CD2	2.37	0.60
1:a:977:PHE:O	1:a:980:LYS:HB3	2.01	0.60
1:a:1138:THR:O	1:a:1142:LEU:N	2.27	0.60
1:a:1181:VAL:HG11	1:a:1212:LEU:HB3	1.84	0.60
1:a:1666:LEU:O	1:a:1670:HIS:N	2.18	0.60
1:a:1892:ILE:HA	1:a:1895:SER:HB2	1.82	0.60
1:a:2223:GLN:HE21	1:a:2352:LYS:HD3	1.67	0.60
1:a:2340:HIS:O	1:a:2343:ASN:N	2.31	0.60
1:A:889:GLY:O	1:A:893:ALA:N	2.25	0.60
1:A:976:THR:HA	1:A:979:PHE:CD2	2.37	0.60
1:A:1020:VAL:HG13	1:A:1062:ALA:HB2	1.84	0.60
1:A:1170:ARG:HG2	1:A:1202:HIS:CD2	2.37	0.60
1:A:1383:LEU:HA	1:A:1386:ARG:HB2	1.83	0.60
1:A:1712:ASP:HA	1:A:1715:GLN:HB3	1.83	0.60
1:A:2083:GLU:HG3	1:A:2087:LYS:HG3	1.83	0.60
1:A:2214:THR:HA	1:A:2217:ARG:HB2	1.83	0.60
1:A:2310:SER:OG	1:A:2311:GLU:OE1	2.18	0.60
1:A:2407:LEU:O	1:A:2411:LYS:N	2.35	0.60
2:B:788:ARG:HA	2:B:804:PHE:HA	1.84	0.60
3:C:289:SER:HB2	3:C:291:ASP:CG	2.26	0.60
3:c:229:SER:OG	3:c:233:THR:N	2.35	0.60
1:A:628:ARG:HD2	1:A:635:HIS:NE2	2.16	0.60
1:A:961:ASP:HA	1:A:964:LEU:HD12	1.84	0.60
1:A:975:ILE:O	1:A:978:ILE:N	2.35	0.60
2:B:142:LYS:C	2:B:143:GLU:O	2.45	0.60
3:C:229:SER:OG	3:C:233:THR:N	2.35	0.60
1:a:329:ALA:HA	1:a:330:LEU:C	2.26	0.60
3:c:130:PRO:HG2	3:c:148:GLN:CB	2.31	0.60
1:A:329:ALA:HA	1:A:330:LEU:C	2.26	0.59
1:A:1755:GLY:O	1:A:1759:LEU:HG	2.01	0.59
1:A:2081:ALA:HB3	1:A:2104:TYR:CE1	2.37	0.59
2:B:1140:SER:OG	2:B:1150:TRP:NE1	2.34	0.59
3:C:132:ASN:ND2	3:C:173:ILE:O	2.34	0.59
1:a:1189:GLN:HA	1:a:1192:ILE:HG13	1.83	0.59
1:a:1383:LEU:HA	1:a:1386:ARG:HB2	1.83	0.59
1:a:1564:ILE:O	1:a:1568:ARG:N	2.24	0.59
1:a:1724:MET:HB3	1:a:1743:LEU:HD21	1.82	0.59
2:b:782:GLU:OE2	2:b:1222:ARG:NH1	2.30	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:636:LEU:HB2	1:A:672:ARG:NH1	2.17	0.59
1:A:1020:VAL:O	1:A:1024:LYS:HG3	2.02	0.59
1:A:1910:TRP:CZ2	1:A:1956:LEU:HB3	2.37	0.59
2:B:590:SER:O	2:B:594:CYS:N	2.35	0.59
3:C:123:ARG:NH2	3:C:160:ASP:OD1	2.36	0.59
3:C:189:ASN:CG	3:C:193:ASN:H	2.10	0.59
1:a:341:GLY:O	1:a:345:PHE:N	2.35	0.59
1:a:346:GLY:O	1:a:349:PRO:N	2.34	0.59
1:a:600:THR:C	1:a:604:ARG:HG3	2.27	0.59
1:a:736:GLN:HB2	1:a:782:LYS:HE2	1.83	0.59
1:a:1450:TYR:HB3	1:a:1455:GLU:O	2.02	0.59
1:a:2364:VAL:HA	1:a:2367:THR:HB	1.82	0.59
1:A:746:ILE:O	1:A:750:LYS:HG3	2.02	0.59
1:A:774:PRO:HA	1:a:1079:LEU:CD2	2.32	0.59
1:A:972:VAL:O	1:A:976:THR:HG23	2.02	0.59
1:A:1450:TYR:HB3	1:A:1455:GLU:O	2.02	0.59
1:A:2340:HIS:O	1:A:2343:ASN:N	2.31	0.59
2:B:370:LEU:HA	1:a:802:ILE:HD12	1.84	0.59
2:B:612:ILE:O	2:B:616:ARG:N	2.29	0.59
3:C:67:MET:HB2	3:C:79:ILE:H	1.67	0.59
1:a:623:ALA:HB1	1:a:635:HIS:CE1	2.37	0.59
1:a:785:ASP:O	1:a:788:PRO:HD2	2.02	0.59
1:a:791:ASN:HA	1:a:797:ASN:HD21	1.66	0.59
1:a:1445:ILE:O	1:a:1449:TRP:HD1	1.84	0.59
1:a:1941:GLN:HG3	1:a:2197:ARG:NE	2.06	0.59
1:a:2008:GLN:HB3	1:a:2136:LEU:HD23	1.83	0.59
1:a:2300:ALA:HA	1:a:2303:LEU:HD12	1.83	0.59
2:b:612:ILE:O	2:b:616:ARG:N	2.29	0.59
3:c:123:ARG:NH2	3:c:160:ASP:OD1	2.36	0.59
3:c:189:ASN:CG	3:c:193:ASN:H	2.10	0.59
1:A:771:TYR:HB2	1:A:783:LEU:HD21	1.83	0.59
1:A:2372:PRO:HB2	1:A:2374:LYS:HE2	1.83	0.59
3:C:219:HIS:NE2	3:C:239:SER:HB2	2.17	0.59
3:C:262:SER:HB3	3:C:270:ARG:CZ	2.33	0.59
1:a:1070:TYR:O	1:a:1074:LEU:HG	2.02	0.59
1:a:1605:TYR:N	1:a:1606:LYS:O	2.35	0.59
1:a:2052:GLU:HA	1:a:2055:HIS:CD2	2.38	0.59
1:a:2302:LEU:HD12	1:a:2303:LEU:N	2.16	0.59
2:b:1057:LEU:HB2	2:b:1104:LYS:HE2	1.84	0.59
1:A:952:MET:O	1:A:956:MET:HG2	2.03	0.59
1:A:988:GLN:CG	1:A:989:PHE:HB3	2.33	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1359:ASN:C	1:A:1391:ARG:HH22	2.11	0.59
1:A:1562:GLN:HA	1:A:1565:ASP:CG	2.28	0.59
1:A:1605:TYR:N	1:A:1606:LYS:O	2.36	0.59
1:A:1654:LEU:O	1:A:1658:SER:N	2.19	0.59
1:a:889:GLY:O	1:a:893:ALA:N	2.25	0.59
1:a:1020:VAL:HG13	1:a:1062:ALA:HB2	1.84	0.59
1:a:1433:LEU:HA	1:a:1436:ALA:HB3	1.85	0.59
1:a:1623:LEU:HD21	1:a:1633:TRP:CE2	2.36	0.59
1:a:1910:TRP:CZ2	1:a:1956:LEU:HB3	2.37	0.59
2:b:398:GLU:O	2:b:402:ALA:N	2.35	0.59
3:c:32:GLY:N	3:c:306:ARG:HD3	2.16	0.59
1:A:1045:ASN:HB3	1:A:1046:THR:HG23	1.85	0.59
1:A:1657:ALA:HA	1:A:1660:CYS:HB2	1.84	0.59
1:A:2252:ASP:HA	1:A:2255:GLU:OE2	2.03	0.59
1:A:2302:LEU:HD12	1:A:2303:LEU:N	2.16	0.59
2:B:392:GLN:O	2:B:395:THR:N	2.36	0.59
2:B:596:VAL:O	2:B:600:ALA:N	2.32	0.59
3:C:32:GLY:N	3:C:306:ARG:HD3	2.16	0.59
3:C:127:VAL:HG21	3:C:131:ILE:HG12	1.85	0.59
1:a:845:GLY:O	1:a:849:ALA:N	2.23	0.59
1:a:1110:TYR:O	1:a:1113:LEU:N	2.34	0.59
1:a:1566:LYS:O	1:a:1570:LEU:HG	2.03	0.59
1:a:1969:PRO:HB2	1:a:1973:ILE:HG23	1.85	0.59
1:a:2052:GLU:HA	1:a:2055:HIS:HD2	1.66	0.59
3:c:238:CYS:SG	3:c:275:GLY:HA2	2.42	0.59
1:A:353:LYS:C	1:A:355:THR:H	2.11	0.59
1:A:1080:ARG:HA	1:A:1083:MET:HG2	1.82	0.59
1:A:1212:LEU:HA	1:A:1215:ARG:HD2	1.84	0.59
1:A:2052:GLU:HA	1:A:2055:HIS:CD2	2.38	0.59
1:A:2246:LEU:HB2	1:A:2346:LEU:HD11	1.84	0.59
3:C:14:ILE:HD13	3:C:70:LEU:HD13	1.83	0.59
1:a:746:ILE:O	1:a:750:LYS:HG3	2.02	0.59
1:a:975:ILE:O	1:a:978:ILE:N	2.35	0.59
1:a:1108:ASP:CG	1:a:1146:LEU:HD12	2.27	0.59
1:a:1138:THR:OG1	1:a:1139:VAL:N	2.35	0.59
1:a:1596:LEU:O	1:a:1600:GLU:HG3	2.03	0.59
1:A:417:MET:O	1:A:421:LEU:N	2.32	0.59
1:A:1181:VAL:HG11	1:A:1212:LEU:HB3	1.84	0.59
1:A:2285:GLU:OE2	3:C:290:SER:OG	2.20	0.59
2:B:778:ILE:O	2:B:1251:GLN:N	2.32	0.59
3:C:46:ASN:ND2	3:C:87:ASN:OD1	2.27	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:599:LEU:HA	1:a:602:PHE:HB2	1.85	0.59
1:a:961:ASP:HA	1:a:964:LEU:HD12	1.84	0.59
1:a:1016:LEU:O	1:a:1020:VAL:HG23	2.01	0.59
1:a:1562:GLN:HA	1:a:1565:ASP:CG	2.28	0.59
1:a:1747:MET:HE2	1:a:1751:PHE:HE2	1.68	0.59
1:a:2252:ASP:HA	1:a:2255:GLU:OE2	2.03	0.59
2:b:392:GLN:O	2:b:395:THR:N	2.36	0.59
3:c:279:SER:O	3:c:282:SER:N	2.28	0.59
1:A:581:SER:O	1:A:585:ALA:N	2.34	0.59
1:A:785:ASP:O	1:A:788:PRO:HD2	2.02	0.59
1:A:1070:TYR:O	1:A:1074:LEU:HG	2.02	0.59
1:A:1571:LEU:HG	1:A:1575:LEU:HD23	1.84	0.59
2:B:349:ASN:O	2:B:353:ALA:HB3	2.03	0.59
1:a:636:LEU:HB2	1:a:672:ARG:NH1	2.17	0.59
1:a:771:TYR:C	1:a:774:PRO:HD2	2.28	0.59
1:a:972:VAL:O	1:a:976:THR:HG23	2.02	0.59
1:a:2152:ARG:O	1:a:2177:SER:N	2.32	0.59
1:a:2285:GLU:OE2	3:c:290:SER:OG	2.20	0.59
2:b:539:LEU:O	2:b:543:VAL:N	2.36	0.59
2:b:590:SER:O	2:b:594:CYS:N	2.35	0.59
3:c:244:CYS:N	3:c:258:LEU:O	2.30	0.59
3:c:269:SER:O	3:c:271:GLY:N	2.36	0.59
1:A:736:GLN:HB2	1:A:782:LYS:HE2	1.84	0.59
2:B:213:ARG:HA	2:B:217:LEU:HD21	1.85	0.59
1:a:747:GLY:HA2	1:a:750:LYS:HD2	1.85	0.59
1:a:908:GLN:NE2	1:a:1572:ASP:OD1	2.36	0.59
1:a:1602:VAL:O	1:a:1605:TYR:N	2.35	0.59
2:b:809:THR:O	2:b:882:SER:N	2.36	0.59
3:c:219:HIS:NE2	3:c:239:SER:HB2	2.17	0.59
1:A:623:ALA:HB1	1:A:635:HIS:CE1	2.37	0.58
1:A:771:TYR:C	1:A:774:PRO:HD2	2.28	0.58
1:A:908:GLN:NE2	1:A:1572:ASP:OD1	2.36	0.58
1:A:1130:PRO:O	1:A:1134:ALA:N	2.36	0.58
1:A:1210:ASP:HA	1:A:1213:ILE:HD12	1.84	0.58
1:A:1737:GLN:O	1:A:1741:GLN:N	2.31	0.58
1:A:1787:TYR:HD1	1:A:1894:LEU:HB2	1.67	0.58
2:B:426:ASN:HA	2:B:431:GLU:OE2	2.02	0.58
3:C:238:CYS:SG	3:C:275:GLY:HA2	2.42	0.58
3:C:290:SER:HA	3:C:314:ALA:HB1	1.83	0.58
1:a:793:GLY:O	1:a:797:ASN:ND2	2.36	0.58
1:a:966:HIS:HB3	1:a:968:HIS:NE2	2.19	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:1142:LEU:HD22	1:a:1180:LEU:HD21	1.85	0.58
1:a:1571:LEU:HG	1:a:1575:LEU:HD23	1.84	0.58
1:a:2214:THR:HA	1:a:2217:ARG:HB2	1.83	0.58
3:c:67:MET:HB2	3:c:79:ILE:H	1.67	0.58
3:c:242:GLN:HE21	3:c:261:LYS:HA	1.68	0.58
1:A:775:ILE:HG22	1:A:776:LEU:N	2.18	0.58
1:A:793:GLY:O	1:A:797:ASN:ND2	2.36	0.58
1:A:1092:VAL:HG11	1:A:1130:PRO:HB3	1.85	0.58
1:A:2321:THR:O	1:A:2324:LEU:HB3	2.03	0.58
3:C:64:HIS:HA	3:C:81:TYR:O	2.02	0.58
1:a:701:ASN:CB	1:a:704:VAL:HB	2.31	0.58
1:a:855:VAL:HG22	1:a:864:LEU:HD13	1.84	0.58
1:a:988:GLN:CG	1:a:989:PHE:HB3	2.33	0.58
1:a:1068:LYS:HB3	2:b:429:PRO:HD3	1.85	0.58
1:a:1210:ASP:HA	1:a:1213:ILE:HD12	1.84	0.58
1:a:1450:TYR:O	1:a:1454:HIS:N	2.36	0.58
2:b:426:ASN:HA	2:b:431:GLU:OE2	2.02	0.58
2:b:432:GLN:O	2:b:434:PRO:HD3	2.03	0.58
3:c:272:TRP:HB2	3:c:274:TRP:NE1	2.18	0.58
1:A:609:HIS:HB2	1:A:612:ASN:H	1.68	0.58
1:A:747:GLY:HA2	1:A:750:LYS:HD2	1.85	0.58
1:A:966:HIS:HB3	1:A:968:HIS:NE2	2.18	0.58
1:A:1142:LEU:HD22	1:A:1180:LEU:HD21	1.85	0.58
1:A:1206:HIS:HB3	1:A:1207:GLN:CG	2.33	0.58
1:a:609:HIS:HB2	1:a:612:ASN:H	1.68	0.58
1:a:1787:TYR:HD1	1:a:1894:LEU:HB2	1.67	0.58
1:a:2189:HIS:CA	1:a:2233:ASN:HB3	2.30	0.58
1:a:2311:GLU:HG2	1:a:2312:VAL:N	2.18	0.58
1:a:2321:THR:O	1:a:2324:LEU:HB3	2.03	0.58
2:b:201:LEU:O	2:b:205:SER:N	2.30	0.58
2:b:800:ILE:O	2:b:811:ILE:HA	2.03	0.58
2:b:1141:SER:HA	2:b:1147:VAL:HG13	1.84	0.58
1:A:701:ASN:O	1:A:705:PHE:N	2.28	0.58
1:A:1382:LEU:O	1:A:1386:ARG:HG3	2.03	0.58
1:A:1433:LEU:HA	1:A:1436:ALA:HB3	1.85	0.58
1:A:1695:GLN:O	1:A:1699:ALA:N	2.36	0.58
1:A:1747:MET:HE2	1:A:1751:PHE:HE2	1.68	0.58
2:B:432:GLN:O	2:B:434:PRO:HD3	2.03	0.58
2:B:539:LEU:O	2:B:543:VAL:N	2.36	0.58
2:B:781:PHE:HB3	2:B:1249:VAL:HB	1.85	0.58
1:a:573:LEU:O	1:a:575:GLU:N	2.28	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:639:GLY:N	1:a:640:HIS:O	2.35	0.58
1:a:2345:MET:O	1:a:2354:LEU:N	2.27	0.58
2:b:349:ASN:O	2:b:353:ALA:HB3	2.03	0.58
2:b:788:ARG:HA	2:b:804:PHE:HA	1.84	0.58
3:c:127:VAL:HG21	3:c:131:ILE:HG12	1.85	0.58
1:A:765:PRO:O	1:A:769:ARG:N	2.29	0.58
1:A:855:VAL:HG22	1:A:864:LEU:HD13	1.84	0.58
1:A:1119:VAL:HA	1:A:1122:PHE:HD2	1.68	0.58
1:A:1602:VAL:O	1:A:1605:TYR:N	2.35	0.58
1:A:1644:VAL:HG12	1:A:1645:SER:O	2.04	0.58
1:A:1969:PRO:HB2	1:A:1973:ILE:HG23	1.85	0.58
2:B:809:THR:O	2:B:882:SER:N	2.36	0.58
3:C:272:TRP:HB2	3:C:274:TRP:NE1	2.18	0.58
1:a:1170:ARG:HG2	1:a:1202:HIS:CD2	2.37	0.58
1:a:1967:TYR:HB2	1:a:1968:HIS:ND1	2.19	0.58
1:a:2081:ALA:HB3	1:a:2104:TYR:CE1	2.37	0.58
1:a:2205:VAL:HA	1:a:2208:LEU:HD12	1.85	0.58
2:b:1140:SER:OG	2:b:1150:TRP:NE1	2.34	0.58
3:c:229:SER:N	3:c:234:LEU:O	2.30	0.58
1:A:2162:VAL:HG22	1:A:2170:ARG:HG2	1.85	0.58
1:a:952:MET:O	1:a:956:MET:HG2	2.03	0.58
1:a:1092:VAL:HG11	1:a:1130:PRO:HB3	1.85	0.58
2:b:1169:VAL:HA	2:b:1185:LEU:HA	1.86	0.58
3:c:274:TRP:CD1	3:c:289:SER:HA	2.38	0.58
1:A:704:VAL:O	1:A:708:ARG:NH1	2.37	0.58
1:A:1163:LEU:HD21	1:A:1198:VAL:CG1	2.33	0.58
1:A:1906:VAL:O	1:A:1910:TRP:N	2.23	0.58
1:A:2223:GLN:HE21	1:A:2352:LYS:HD3	1.67	0.58
2:B:397:ILE:O	2:B:401:THR:N	2.34	0.58
2:B:531:HIS:O	2:B:535:THR:N	2.34	0.58
2:B:800:ILE:O	2:B:811:ILE:HA	2.03	0.58
3:C:29:ALA:HB1	3:C:296:LEU:HD22	1.86	0.58
3:C:143:LEU:N	3:C:155:TRP:O	2.37	0.58
1:a:1028:ARG:O	1:a:1030:TYR:N	2.37	0.58
1:a:1359:ASN:C	1:a:1391:ARG:HH22	2.11	0.58
1:a:1717:MET:HB3	1:a:1754:LEU:HD21	1.85	0.58
1:a:2004:THR:OG1	1:a:2137:GLU:OE2	2.17	0.58
1:A:811:LEU:O	1:A:814:ARG:NE	2.37	0.58
1:A:1138:THR:OG1	1:A:1139:VAL:N	2.35	0.58
1:A:1346:THR:O	1:A:1350:ILE:N	2.37	0.58
1:A:1450:TYR:O	1:A:1454:HIS:N	2.36	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1533:THR:O	1:A:1547:ARG:NH2	2.37	0.58
1:A:1566:LYS:O	1:A:1570:LEU:HG	2.03	0.58
1:A:1717:MET:HB3	1:A:1754:LEU:HD21	1.86	0.58
1:A:2189:HIS:CA	1:A:2233:ASN:HB3	2.30	0.58
1:A:2205:VAL:HA	1:A:2208:LEU:HD12	1.85	0.58
1:A:2526:GLU:HA	1:A:2529:ILE:HD12	1.86	0.58
1:a:611:LEU:HB3	1:a:615:HIS:CD2	2.39	0.58
1:a:717:ARG:NH2	1:a:748:ARG:NH1	2.51	0.58
1:a:1190:ILE:HB	1:a:1191:PHE:CG	2.38	0.58
1:a:1382:LEU:O	1:a:1386:ARG:HG3	2.03	0.58
1:a:1628:ARG:CB	1:a:1633:TRP:HE1	2.17	0.58
1:a:2044:VAL:HG11	1:a:2088:TYR:CE2	2.39	0.58
1:a:2246:LEU:HB2	1:a:2346:LEU:HD11	1.84	0.58
1:a:2344:LEU:HA	1:a:2356:ILE:HG12	1.84	0.58
3:c:64:HIS:HA	3:c:81:TYR:O	2.02	0.58
3:c:262:SER:HB3	3:c:270:ARG:CZ	2.33	0.58
1:A:633:SER:O	1:A:672:ARG:NH2	2.37	0.58
1:A:1028:ARG:O	1:A:1030:TYR:N	2.37	0.58
1:A:1870:THR:O	1:A:1874:SER:N	2.27	0.58
1:a:417:MET:O	1:a:421:LEU:N	2.32	0.58
1:a:775:ILE:HG22	1:a:776:LEU:N	2.18	0.58
1:a:784:LYS:HB3	1:a:824:ILE:HG22	1.86	0.58
1:a:1206:HIS:HB3	1:a:1207:GLN:CG	2.33	0.58
1:A:1096:LEU:HA	1:A:1099:ALA:HB3	1.85	0.58
1:A:1742:GLU:HG3	1:A:1745:LYS:HD2	1.86	0.58
1:A:2044:VAL:HG11	1:A:2088:TYR:CE2	2.39	0.58
1:A:2344:LEU:HA	1:A:2356:ILE:HG12	1.84	0.58
2:B:1057:LEU:HB2	2:B:1104:LYS:HE2	1.84	0.58
2:B:1086:THR:O	2:B:1094:ARG:N	2.29	0.58
2:B:1141:SER:HA	2:B:1147:VAL:HG13	1.84	0.58
1:a:633:SER:O	1:a:672:ARG:NH2	2.37	0.58
1:a:1018:MET:O	1:a:1021:SER:OG	2.17	0.58
1:a:1096:LEU:HA	1:a:1099:ALA:HB3	1.85	0.58
1:a:1119:VAL:HA	1:a:1122:PHE:HD2	1.68	0.58
1:a:1409:THR:O	1:a:1413:LEU:HG	2.04	0.58
1:a:1533:THR:O	1:a:1547:ARG:NH2	2.37	0.58
1:a:1644:VAL:HG12	1:a:1645:SER:O	2.04	0.58
1:a:1742:GLU:HG3	1:a:1745:LYS:HD2	1.86	0.58
1:A:1581:GLU:OE2	1:A:1584:SER:N	2.35	0.57
1:A:1869:VAL:O	1:A:1873:LEU:N	2.29	0.57
3:C:274:TRP:CD1	3:C:289:SER:HA	2.38	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:1770:PRO:O	1:a:1774:GLN:N	2.21	0.57
1:a:2162:VAL:HG22	1:a:2170:ARG:HG2	1.85	0.57
1:a:2393:ASP:OD1	1:a:2397:ARG:NH1	2.33	0.57
2:b:213:ARG:HA	2:b:217:LEU:HD21	1.85	0.57
3:c:27:TRP:CD2	3:c:308:TYR:HB3	2.39	0.57
1:A:973:GLN:O	1:A:976:THR:N	2.37	0.57
1:A:1596:LEU:O	1:A:1600:GLU:HG3	2.03	0.57
1:A:2123:LEU:HG	1:A:2131:LEU:HB2	1.85	0.57
1:A:2338:ASP:OD2	1:A:2343:ASN:ND2	2.38	0.57
1:a:704:VAL:O	1:a:708:ARG:NH1	2.37	0.57
1:a:781:LEU:O	1:a:784:LYS:N	2.37	0.57
1:a:811:LEU:O	1:a:814:ARG:NE	2.37	0.57
1:a:1045:ASN:HB3	1:a:1046:THR:HG23	1.85	0.57
1:a:1049:GLN:O	1:a:1053:ILE:N	2.22	0.57
1:a:1070:TYR:O	1:a:1074:LEU:N	2.37	0.57
1:a:1258:LEU:O	1:a:1262:THR:N	2.33	0.57
1:a:2123:LEU:HG	1:a:2131:LEU:HB2	1.85	0.57
1:a:2174:LEU:O	1:a:2182:PHE:N	2.29	0.57
3:c:285:ILE:O	3:c:297:TRP:N	2.23	0.57
1:A:373:VAL:O	1:A:377:VAL:N	2.34	0.57
1:A:599:LEU:HA	1:A:602:PHE:HB2	1.85	0.57
1:A:1719:HIS:O	1:A:1722:GLN:HB2	2.03	0.57
1:A:2250:ILE:O	1:A:2253:TYR:HB3	2.05	0.57
1:A:2304:TRP:HA	1:A:2313:TRP:CD1	2.39	0.57
1:a:1163:LEU:HD21	1:a:1198:VAL:CG1	2.33	0.57
1:a:1209:TYR:CE2	1:a:1213:ILE:HD11	2.39	0.57
1:a:1581:GLU:OE2	1:a:1584:SER:N	2.35	0.57
2:b:671:VAL:O	2:b:675:GLU:N	2.35	0.57
1:A:1070:TYR:O	1:A:1074:LEU:N	2.37	0.57
1:A:1209:TYR:CE2	1:A:1213:ILE:HD11	2.39	0.57
1:A:1217:VAL:HA	1:A:1220:TYR:HD2	1.70	0.57
1:A:1378:ASN:ND2	1:A:1403:GLU:HG3	2.20	0.57
1:A:1967:TYR:HB2	1:A:1968:HIS:ND1	2.19	0.57
1:A:2249:LEU:HA	1:A:2252:ASP:HB2	1.86	0.57
2:B:201:LEU:O	2:B:205:SER:N	2.30	0.57
3:C:57:ILE:O	3:C:68:TYR:N	2.25	0.57
3:C:200:THR:HB	3:C:209:GLN:H	1.68	0.57
2:b:920:SER:O	2:b:929:MET:N	2.24	0.57
2:b:1194:ASP:N	2:b:1215:VAL:O	2.36	0.57
1:A:717:ARG:NH2	1:A:748:ARG:NH1	2.51	0.57
1:A:993:VAL:HB	1:A:1030:TYR:OH	2.04	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1628:ARG:CB	1:A:1633:TRP:HE1	2.17	0.57
1:A:1977:THR:O	1:A:1980:SER:OG	2.08	0.57
1:A:2152:ARG:O	1:A:2177:SER:N	2.32	0.57
1:A:2154:GLN:HB3	1:A:2175:MET:HG3	1.87	0.57
1:A:2280:LEU:O	1:A:2284:VAL:N	2.28	0.57
1:a:1172:THR:O	1:a:1176:THR:HG23	2.05	0.57
1:a:1217:VAL:HA	1:a:1220:TYR:HD2	1.70	0.57
1:a:1346:THR:O	1:a:1350:ILE:N	2.37	0.57
1:a:1719:HIS:O	1:a:1722:GLN:HB2	2.03	0.57
1:a:1737:GLN:O	1:a:1741:GLN:N	2.31	0.57
1:a:2141:PRO:HB2	1:a:2184:PHE:HE2	1.70	0.57
1:a:2338:ASP:OD2	1:a:2343:ASN:ND2	2.38	0.57
3:c:269:SER:C	3:c:271:GLY:H	2.11	0.57
1:A:744:SER:C	1:A:747:GLY:H	2.13	0.57
1:A:781:LEU:HD13	1:A:821:PHE:HD1	1.69	0.57
1:A:1409:THR:O	1:A:1413:LEU:HG	2.04	0.57
1:A:1481:MET:HE2	1:A:1493:LEU:HD12	1.87	0.57
1:A:1659:LEU:HA	1:A:1662:LYS:HB2	1.87	0.57
1:a:781:LEU:HD12	1:a:821:PHE:HB3	1.87	0.57
1:a:973:GLN:O	1:a:976:THR:N	2.37	0.57
1:a:993:VAL:HB	1:a:1030:TYR:OH	2.04	0.57
1:a:2018:ARG:NH1	1:a:2067:GLU:OE2	2.38	0.57
1:a:2366:MET:HA	1:a:2372:PRO:HB3	1.86	0.57
2:b:1091:GLY:O	2:b:1120:PRO:HA	2.05	0.57
1:A:765:PRO:HA	1:A:768:ILE:HB	1.87	0.57
1:A:781:LEU:HD12	1:A:821:PHE:HB3	1.87	0.57
1:A:1190:ILE:HB	1:A:1191:PHE:CG	2.38	0.57
1:A:1258:LEU:O	1:A:1262:THR:N	2.33	0.57
1:A:2339:ARG:NH2	1:A:2355:HIS:HB3	2.18	0.57
1:a:1031:MET:O	1:a:1033:GLU:N	2.38	0.57
1:a:2197:ARG:NH1	1:a:2424:ASP:OD2	2.38	0.57
1:a:2250:ILE:O	1:a:2253:TYR:HB3	2.05	0.57
1:a:2339:ARG:NH2	1:a:2355:HIS:HB3	2.19	0.57
3:c:63:GLN:N	3:c:86:LYS:O	2.38	0.57
3:c:137:HIS:HE1	3:c:203:ILE:HD13	1.69	0.57
1:A:781:LEU:O	1:A:784:LYS:N	2.37	0.57
1:A:2141:PRO:HB2	1:A:2184:PHE:HE2	1.70	0.57
1:A:2197:ARG:NH1	1:A:2424:ASP:OD2	2.38	0.57
2:B:901:LEU:N	2:B:921:HIS:O	2.28	0.57
2:B:1190:ILE:HB	2:B:1220:GLN:HB2	1.87	0.57
3:C:63:GLN:N	3:C:86:LYS:O	2.38	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:C:132:ASN:N	3:C:146:GLY:O	2.27	0.57
3:C:269:SER:O	3:C:271:GLY:N	2.36	0.57
3:C:284:TYR:HE1	3:C:305:LYS:HZ1	1.50	0.57
1:a:1100:ILE:O	1:a:1103:PHE:N	2.37	0.57
1:a:1119:VAL:HA	1:a:1122:PHE:CD2	2.40	0.57
1:a:1481:MET:HE2	1:a:1493:LEU:HD12	1.87	0.57
1:a:1744:HIS:O	1:a:1748:ALA:N	2.23	0.57
1:a:2024:HIS:CD2	1:a:2025:GLU:HG3	2.40	0.57
1:a:2115:LEU:O	1:a:2117:GLN:N	2.36	0.57
1:a:2526:GLU:HA	1:a:2529:ILE:HD12	1.86	0.57
2:b:195:ASP:OD2	2:b:199:ALA:N	2.38	0.57
1:A:1018:MET:O	1:A:1021:SER:OG	2.17	0.57
1:A:1052:ILE:HG12	1:A:1055:LEU:HD12	1.87	0.57
1:A:1100:ILE:O	1:A:1103:PHE:N	2.37	0.57
1:A:1973:ILE:HG13	1:A:1974:TYR:H	1.70	0.57
3:C:102:THR:OG1	3:C:112:TRP:NE1	2.33	0.57
1:a:781:LEU:HD13	1:a:821:PHE:HD1	1.69	0.57
1:a:2140:VAL:N	1:a:2151:ILE:O	2.37	0.57
2:b:89:ASP:HB3	2:b:153:HIS:HA	1.85	0.57
3:c:14:ILE:HG21	3:c:70:LEU:HD22	1.87	0.57
3:c:224:LEU:HD13	3:c:274:TRP:CE3	2.40	0.57
1:A:1019:LEU:O	1:A:1023:VAL:HG23	2.05	0.57
1:A:1092:VAL:HG12	1:A:1096:LEU:HG	1.87	0.57
1:A:1172:THR:O	1:A:1176:THR:HG23	2.05	0.57
1:A:1431:GLY:HA3	1:A:2394:GLY:HA2	1.87	0.57
1:A:1643:VAL:HG22	1:A:1644:VAL:HG23	1.86	0.57
1:A:1988:HIS:HA	1:A:1991:ALA:HB3	1.87	0.57
1:A:2038:TYR:O	1:A:2042:ARG:HD3	2.05	0.57
2:B:1091:GLY:O	2:B:1120:PRO:HA	2.05	0.57
3:C:14:ILE:HG21	3:C:70:LEU:HD22	1.87	0.57
3:C:137:HIS:HE1	3:C:203:ILE:HD13	1.69	0.57
1:a:948:PRO:O	1:a:952:MET:HG2	2.04	0.57
1:a:960:ARG:HH22	1:a:982:LEU:HG	1.70	0.57
1:a:1095:LYS:O	1:a:1099:ALA:N	2.26	0.57
1:a:1581:GLU:HG2	1:a:1584:SER:CB	2.31	0.57
1:a:1936:LEU:HA	1:a:1939:ILE:HG13	1.87	0.57
1:a:2154:GLN:HB3	1:a:2175:MET:HG3	1.87	0.57
1:a:2285:GLU:HA	1:a:2288:GLU:OE1	2.05	0.57
1:a:2304:TRP:HA	1:a:2313:TRP:CD1	2.39	0.57
1:a:2427:LEU:HB3	1:a:2430:ARG:CZ	2.35	0.57
1:a:2526:GLU:O	1:a:2530:LYS:N	2.29	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:c:200:THR:HB	3:c:209:GLN:H	1.68	0.57
1:A:238:PHE:HA	1:A:241:ALA:HB3	1.87	0.56
1:A:611:LEU:HB3	1:A:615:HIS:CD2	2.39	0.56
1:A:1174:MET:HE1	1:A:1209:TYR:H	1.70	0.56
1:A:1982:SER:HB3	1:A:1988:HIS:ND1	2.20	0.56
2:B:195:ASP:OD2	2:B:199:ALA:N	2.38	0.56
3:C:224:LEU:HD13	3:C:274:TRP:CE3	2.40	0.56
3:C:269:SER:C	3:C:271:GLY:H	2.11	0.56
1:a:817:VAL:HG12	1:a:818:ASP:N	2.20	0.56
1:a:1052:ILE:HG12	1:a:1055:LEU:HD12	1.86	0.56
1:a:1115:LEU:HD12	1:a:1151:TYR:CG	2.40	0.56
1:a:1378:ASN:ND2	1:a:1403:GLU:HG3	2.20	0.56
1:a:1742:GLU:O	1:a:1746:LEU:N	2.35	0.56
1:a:1871:GLU:HA	1:a:1874:SER:CB	2.35	0.56
2:b:1190:ILE:HB	2:b:1220:GLN:HB2	1.87	0.56
1:A:948:PRO:O	1:A:952:MET:HG2	2.04	0.56
1:A:1068:LYS:HB3	2:B:429:PRO:HD3	1.85	0.56
1:A:1769:ILE:HD13	1:A:1804:TYR:CE2	2.40	0.56
1:A:2290:ALA:O	1:A:2294:THR:HG23	2.05	0.56
2:B:165:TRP:HB3	2:B:213:ARG:CZ	2.35	0.56
2:B:483:SER:N	1:a:755:ARG:HH22	2.00	0.56
1:a:768:ILE:HG23	1:a:783:LEU:HD22	1.87	0.56
1:a:919:GLU:H	1:a:1627:GLN:HB2	1.70	0.56
1:a:944:ASP:OD2	1:a:1368:ASP:HA	2.05	0.56
1:a:1643:VAL:HG22	1:a:1644:VAL:HG23	1.86	0.56
1:a:1900:LEU:HD12	1:a:1903:THR:HB	1.87	0.56
2:b:781:PHE:HB3	2:b:1249:VAL:HB	1.85	0.56
3:c:143:LEU:N	3:c:155:TRP:O	2.37	0.56
1:A:655:VAL:HA	1:A:658:LYS:HB2	1.87	0.56
1:A:775:ILE:HG22	1:A:776:LEU:H	1.70	0.56
1:A:923:SER:O	1:A:927:SER:N	2.38	0.56
1:A:1079:LEU:CD2	1:a:774:PRO:HA	2.34	0.56
1:A:1115:LEU:HD12	1:A:1151:TYR:CG	2.40	0.56
1:A:1218:LYS:O	1:A:1222:LEU:N	2.38	0.56
1:A:1586:ALA:O	1:A:1590:MET:HG2	2.05	0.56
1:A:1715:GLN:OE1	1:A:1719:HIS:NE2	2.39	0.56
1:A:2018:ARG:NH1	1:A:2067:GLU:OE2	2.38	0.56
1:A:2141:PRO:HD3	1:A:2153:ILE:HD11	1.87	0.56
1:A:2311:GLU:HG2	1:A:2312:VAL:N	2.18	0.56
1:A:2366:MET:HA	1:A:2372:PRO:HB3	1.86	0.56
2:B:352:LEU:HB3	2:B:353:ALA:CB	2.36	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:C:242:GLN:HE21	3:C:261:LYS:HA	1.68	0.56
3:C:279:SER:C	3:C:282:SER:H	2.13	0.56
1:a:744:SER:C	1:a:747:GLY:H	2.13	0.56
1:a:923:SER:O	1:a:927:SER:N	2.38	0.56
1:a:993:VAL:O	1:a:996:THR:OG1	2.10	0.56
1:a:1092:VAL:HG12	1:a:1096:LEU:HG	1.87	0.56
1:a:1211:VAL:O	1:a:1215:ARG:HG3	2.05	0.56
1:a:1463:TYR:O	1:a:1467:MET:N	2.24	0.56
1:a:1484:LEU:HA	1:a:1487:LEU:HB2	1.86	0.56
1:a:1564:ILE:HG22	1:a:1568:ARG:HG3	1.88	0.56
1:a:1597:SER:HA	1:a:1600:GLU:OE1	2.04	0.56
1:a:1655:LYS:O	1:a:1659:LEU:HG	2.05	0.56
1:a:1738:GLN:HA	1:a:1741:GLN:HB3	1.87	0.56
1:a:1769:ILE:HD13	1:a:1804:TYR:CE2	2.40	0.56
1:a:2010:MET:O	1:a:2014:GLU:N	2.33	0.56
1:a:2231:SER:OG	1:a:2234:SER:N	2.39	0.56
1:a:2269:LEU:HD22	1:a:2273:PRO:HA	1.87	0.56
2:b:537:PHE:O	2:b:540:ALA:N	2.38	0.56
3:c:108:THR:HG22	3:c:126:GLN:HG3	1.88	0.56
3:c:128:ASN:H	3:c:153:HIS:CE1	2.24	0.56
3:c:151:ALA:CB	3:c:164:GLN:HE21	2.19	0.56
3:c:244:CYS:N	3:c:273:MET:HE3	2.21	0.56
3:c:260:ILE:HD13	3:c:287:THR:HG21	1.87	0.56
1:A:768:ILE:HG23	1:A:783:LEU:HD22	1.87	0.56
1:A:944:ASP:OD2	1:A:1368:ASP:HA	2.05	0.56
1:A:1484:LEU:HA	1:A:1487:LEU:HB2	1.86	0.56
1:A:1938:VAL:O	1:A:1942:LEU:HG	2.05	0.56
1:A:2253:TYR:OH	1:A:2301:LYS:HD3	2.06	0.56
1:A:2299:LEU:HD23	1:A:2386:ALA:HB2	1.87	0.56
2:B:537:PHE:O	2:B:540:ALA:N	2.38	0.56
2:B:1168:CYS:O	2:B:1186:GLY:N	2.36	0.56
2:B:1169:VAL:HA	2:B:1185:LEU:HA	1.86	0.56
3:C:69:ASP:H	3:C:75:PRO:HG3	1.70	0.56
1:a:1973:ILE:HG13	1:a:1974:TYR:H	1.70	0.56
1:a:2310:SER:OG	1:a:2311:GLU:OE1	2.18	0.56
1:a:2380:THR:OG1	1:a:2547:PRO:O	2.19	0.56
3:c:239:SER:H	3:c:273:MET:HB3	1.71	0.56
3:c:239:SER:O	3:c:272:TRP:HB3	2.06	0.56
1:A:817:VAL:HG12	1:A:818:ASP:N	2.20	0.56
1:A:919:GLU:H	1:A:1627:GLN:HB2	1.70	0.56
1:A:1113:LEU:HD21	1:a:771:TYR:HD1	1.70	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1119:VAL:HA	1:A:1122:PHE:CD2	2.40	0.56
1:A:1463:TYR:O	1:A:1467:MET:N	2.24	0.56
1:A:2214:THR:HG22	1:A:2218:LYS:HE2	1.87	0.56
1:A:2231:SER:OG	1:A:2234:SER:N	2.39	0.56
1:A:2501:ILE:HG22	1:A:2505:ARG:HH12	1.71	0.56
3:C:239:SER:O	3:C:272:TRP:HB3	2.06	0.56
1:a:960:ARG:HD3	1:a:979:PHE:CE1	2.41	0.56
1:a:1715:GLN:OE1	1:a:1719:HIS:NE2	2.39	0.56
1:a:1881:THR:O	1:a:1884:ALA:HB3	2.06	0.56
1:a:2253:TYR:OH	1:a:2301:LYS:HD3	2.06	0.56
3:c:239:SER:N	3:c:273:MET:HB3	2.21	0.56
1:A:249:LEU:O	1:A:253:LYS:N	2.39	0.56
1:A:1597:SER:HA	1:A:1600:GLU:OE1	2.04	0.56
1:A:1936:LEU:HA	1:A:1939:ILE:HG13	1.87	0.56
1:A:2285:GLU:HA	1:A:2288:GLU:OE1	2.05	0.56
1:A:2380:THR:OG1	1:A:2547:PRO:O	2.19	0.56
1:A:2427:LEU:HB3	1:A:2430:ARG:CZ	2.35	0.56
3:C:27:TRP:CD2	3:C:308:TYR:HB3	2.39	0.56
3:C:244:CYS:N	3:C:273:MET:HE3	2.21	0.56
3:C:260:ILE:HD13	3:C:287:THR:HG21	1.87	0.56
1:a:1135:ALA:HB1	1:a:1176:THR:HG21	1.88	0.56
1:a:1752:LEU:HD22	1:a:1786:TRP:HH2	1.71	0.56
1:a:1985:THR:OG1	1:a:1989:ASN:OD1	2.24	0.56
2:b:492:VAL:C	2:b:494:ILE:H	2.13	0.56
1:A:612:ASN:O	1:A:616:LYS:HG3	2.06	0.56
1:A:701:ASN:CB	1:A:704:VAL:HB	2.31	0.56
1:A:784:LYS:HB3	1:A:824:ILE:HG22	1.86	0.56
2:B:482:SER:N	1:a:755:ARG:NH2	2.53	0.56
1:a:1716:HIS:HA	1:a:1719:HIS:HD2	1.71	0.56
1:a:2038:TYR:O	1:a:2042:ARG:HD3	2.05	0.56
1:A:712:ILE:HG23	1:A:715:VAL:H	1.71	0.56
1:A:1031:MET:O	1:A:1033:GLU:N	2.38	0.56
1:A:1564:ILE:HG22	1:A:1568:ARG:HG3	1.88	0.56
1:A:1871:GLU:HA	1:A:1874:SER:CB	2.35	0.56
1:A:2024:HIS:CD2	1:A:2025:GLU:HG3	2.40	0.56
1:A:2097:LEU:O	1:A:2100:ALA:HB3	2.06	0.56
1:A:2269:LEU:HD22	1:A:2273:PRO:HA	1.87	0.56
2:B:161:ASN:HB2	2:B:209:PHE:CZ	2.41	0.56
3:C:128:ASN:H	3:C:153:HIS:CE1	2.24	0.56
3:C:239:SER:H	3:C:273:MET:HB3	1.71	0.56
1:a:655:VAL:HA	1:a:658:LYS:HB2	1.87	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:765:PRO:HA	1:a:768:ILE:HB	1.87	0.56
1:a:1191:PHE:N	1:a:1193:PRO:HD2	2.21	0.56
1:a:2290:ALA:O	1:a:2294:THR:HG23	2.05	0.56
2:b:457:LEU:O	2:b:460:GLY:N	2.39	0.56
1:A:1191:PHE:N	1:A:1193:PRO:HD2	2.21	0.56
1:A:1716:HIS:HA	1:A:1719:HIS:HD2	1.71	0.56
1:A:1742:GLU:O	1:A:1746:LEU:N	2.35	0.56
1:A:1941:GLN:HG3	1:A:2197:ARG:NE	2.06	0.56
2:B:492:VAL:C	2:B:494:ILE:H	2.13	0.56
3:C:94:HIS:N	3:C:99:TRP:O	2.39	0.56
3:C:101:TYR:CE1	3:C:111:ILE:HG23	2.41	0.56
1:a:1019:LEU:O	1:a:1023:VAL:HG23	2.05	0.56
1:a:1693:HIS:HB2	1:a:1696:VAL:HB	1.88	0.56
1:a:1717:MET:O	1:a:1721:VAL:N	2.22	0.56
1:a:1933:ASP:HA	1:a:1936:LEU:HD12	1.88	0.56
1:a:1938:VAL:O	1:a:1942:LEU:HG	2.05	0.56
3:c:29:ALA:HB1	3:c:296:LEU:HD22	1.86	0.56
1:A:1135:ALA:HB1	1:A:1176:THR:HG21	1.88	0.56
1:A:1473:ASP:HB3	1:A:1475:GLU:OE1	2.06	0.56
1:A:1481:MET:HE1	1:A:1497:CYS:HB2	1.88	0.56
1:A:1728:ALA:O	1:A:1732:ILE:HG13	2.06	0.56
1:A:2511:ARG:HG2	1:A:2515:HIS:HA	1.87	0.56
2:B:148:PHE:C	2:B:192:PHE:HD2	2.14	0.56
3:C:101:TYR:HE1	3:C:111:ILE:HG23	1.71	0.56
3:C:298:CYS:H	3:C:303:GLU:H	1.53	0.56
1:a:775:ILE:HG22	1:a:776:LEU:H	1.70	0.56
1:a:1016:LEU:HD22	1:a:1042:TRP:CZ3	2.41	0.56
1:a:1028:ARG:O	1:a:1031:MET:HG2	2.06	0.56
1:a:1389:LYS:O	1:a:1393:TYR:N	2.39	0.56
1:a:1431:GLY:HA3	1:a:2394:GLY:HA2	1.87	0.56
1:a:1481:MET:HE1	1:a:1497:CYS:HB2	1.88	0.56
1:a:1586:ALA:O	1:a:1590:MET:HG2	2.05	0.56
1:a:2128:PRO:O	1:a:2132:MET:N	2.39	0.56
1:a:2299:LEU:HD23	1:a:2386:ALA:HB2	1.88	0.56
1:A:359:SER:O	1:A:362:CYS:N	2.39	0.55
1:A:1738:GLN:HA	1:A:1741:GLN:HB3	1.87	0.55
1:A:1881:THR:O	1:A:1884:ALA:HB3	2.06	0.55
1:A:2098:THR:HA	1:A:2101:TRP:HD1	1.71	0.55
1:A:2535:HIS:HA	1:A:2538:LEU:HB2	1.88	0.55
3:C:108:THR:HG22	3:C:126:GLN:HG3	1.88	0.55
1:a:249:LEU:O	1:a:253:LYS:N	2.39	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:582:ILE:HA	1:a:585:ALA:HB3	1.89	0.55
1:a:1988:HIS:HA	1:a:1991:ALA:HB3	1.87	0.55
1:a:2141:PRO:HD3	1:a:2153:ILE:HD11	1.87	0.55
1:A:237:THR:O	1:A:241:ALA:N	2.30	0.55
1:A:768:ILE:HA	1:A:771:TYR:CE2	2.40	0.55
1:A:960:ARG:HH22	1:A:982:LEU:HG	1.70	0.55
1:A:972:VAL:CG1	1:A:975:ILE:HB	2.37	0.55
1:A:1028:ARG:O	1:A:1031:MET:HG2	2.06	0.55
1:A:1132:ARG:NE	1:A:1168:GLU:HB3	2.21	0.55
1:A:1211:VAL:O	1:A:1215:ARG:HG3	2.06	0.55
1:A:1501:TRP:CH2	1:A:1509:GLN:HA	2.42	0.55
1:A:1655:LYS:O	1:A:1659:LEU:HG	2.05	0.55
1:A:1807:GLN:O	1:A:1811:ARG:HG2	2.05	0.55
1:A:2130:LEU:HA	1:A:2133:CYS:SG	2.47	0.55
1:A:2502:ASN:O	1:A:2506:ASP:N	2.20	0.55
1:A:2511:ARG:HA	1:A:2517:ASP:O	2.06	0.55
1:a:972:VAL:CG1	1:a:975:ILE:HB	2.37	0.55
1:a:1434:GLU:O	1:a:1437:MET:HB2	2.06	0.55
1:a:1659:LEU:HA	1:a:1662:LYS:HB2	1.87	0.55
1:a:2005:LEU:N	1:a:2137:GLU:OE2	2.39	0.55
1:a:2098:THR:HA	1:a:2101:TRP:HD1	1.72	0.55
1:a:2535:HIS:HA	1:a:2538:LEU:HB2	1.88	0.55
3:c:94:HIS:N	3:c:99:TRP:O	2.39	0.55
1:A:784:LYS:HZ3	1:A:821:PHE:C	2.14	0.55
1:A:975:ILE:HA	1:A:978:ILE:HB	1.89	0.55
1:A:1433:LEU:O	1:A:1437:MET:N	2.29	0.55
1:A:1434:GLU:O	1:A:1437:MET:HB2	2.06	0.55
1:A:1693:HIS:HB2	1:A:1696:VAL:HB	1.88	0.55
1:A:2005:LEU:N	1:A:2137:GLU:OE2	2.39	0.55
3:C:151:ALA:CB	3:C:164:GLN:HE21	2.19	0.55
1:a:957:ARG:NH1	1:a:993:VAL:HG23	2.22	0.55
1:a:1218:LYS:O	1:a:1222:LEU:N	2.38	0.55
1:a:1716:HIS:HA	1:a:1719:HIS:CD2	2.42	0.55
1:a:1807:GLN:O	1:a:1811:ARG:HG2	2.05	0.55
1:a:2511:ARG:HG2	1:a:2515:HIS:HA	1.87	0.55
2:b:397:ILE:O	2:b:401:THR:N	2.34	0.55
1:A:802:ILE:HD12	2:b:370:LEU:HA	1.88	0.55
1:A:960:ARG:HD3	1:A:979:PHE:CE1	2.41	0.55
1:A:1109:ASP:C	1:A:1111:LEU:H	2.14	0.55
1:A:1719:HIS:HA	1:A:1722:GLN:OE1	2.07	0.55
2:B:793:TYR:CG	2:B:800:ILE:HG22	2.41	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:612:ASN:O	1:a:616:LYS:HG3	2.06	0.55
1:a:712:ILE:HG23	1:a:715:VAL:H	1.71	0.55
1:a:768:ILE:HA	1:a:771:TYR:CE2	2.40	0.55
1:a:936:VAL:O	1:a:940:ASN:N	2.39	0.55
1:a:1132:ARG:NE	1:a:1168:GLU:HB3	2.21	0.55
1:a:1695:GLN:O	1:a:1699:ALA:N	2.36	0.55
1:a:1906:VAL:O	1:a:1910:TRP:N	2.23	0.55
1:a:1973:ILE:O	1:a:1977:THR:N	2.26	0.55
1:a:2249:LEU:HA	1:a:2252:ASP:HB2	1.86	0.55
1:a:2511:ARG:HA	1:a:2517:ASP:O	2.06	0.55
2:b:1152:THR:HA	2:b:1156:MET:HA	1.88	0.55
1:A:878:GLN:CD	1:A:1625:GLY:HA3	2.31	0.55
1:A:1450:TYR:HD1	1:A:1453:LEU:HD12	1.72	0.55
1:A:2174:LEU:O	1:A:2182:PHE:N	2.29	0.55
3:C:239:SER:N	3:C:273:MET:HB3	2.21	0.55
1:a:763:ASN:C	1:a:767:LEU:HG	2.32	0.55
1:a:1421:ASN:C	1:a:1424:GLN:H	2.15	0.55
1:a:1594:HIS:O	1:a:1598:GLU:HG2	2.07	0.55
1:a:1669:ALA:O	1:a:1673:LEU:N	2.32	0.55
2:b:161:ASN:HB2	2:b:209:PHE:CZ	2.41	0.55
3:c:101:TYR:CE1	3:c:111:ILE:HG23	2.41	0.55
3:c:101:TYR:HE1	3:c:111:ILE:HG23	1.71	0.55
3:c:298:CYS:H	3:c:303:GLU:H	1.52	0.55
1:A:907:ASP:O	1:A:911:ASP:N	2.32	0.55
1:A:1041:PHE:HA	1:A:1044:MET:CB	2.37	0.55
1:A:1391:ARG:O	1:A:1396:ALA:N	2.39	0.55
2:B:671:VAL:O	2:B:675:GLU:N	2.35	0.55
1:a:1450:TYR:HD1	1:a:1453:LEU:HD12	1.72	0.55
2:b:165:TRP:HB3	2:b:213:ARG:CZ	2.35	0.55
2:b:352:LEU:HB3	2:b:353:ALA:CB	2.36	0.55
2:b:793:TYR:CG	2:b:800:ILE:HG22	2.41	0.55
3:c:20:TYR:O	3:c:22:HIS:N	2.39	0.55
3:c:132:ASN:N	3:c:146:GLY:O	2.27	0.55
1:A:891:LEU:O	1:A:894:LEU:N	2.40	0.55
1:A:1350:ILE:N	1:A:1351:ALA:HA	2.21	0.55
1:A:1532:TYR:O	1:A:1536:ILE:N	2.39	0.55
1:A:1649:ASP:HB3	1:A:1653:TRP:NE1	2.21	0.55
1:A:1808:ASN:CG	1:A:1873:LEU:HD21	2.32	0.55
1:A:1900:LEU:HD12	1:A:1903:THR:HB	1.87	0.55
1:A:1985:THR:HG23	1:A:1989:ASN:HD21	1.72	0.55
1:A:2212:ASP:HB3	1:A:2215:SER:HB2	1.89	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
2:B:654:ASP:O	2:B:658:MET:N	2.37	0.55
2:B:957:THR:N	2:B:1036:PRO:O	2.39	0.55
3:C:229:SER:N	3:C:234:LEU:O	2.31	0.55
1:a:238:PHE:HA	1:a:241:ALA:HB3	1.87	0.55
1:a:1042:TRP:CE3	1:a:1056:ILE:HG12	2.42	0.55
1:a:1110:TYR:O	1:a:1114:LEU:HG	2.07	0.55
1:a:1174:MET:HE1	1:a:1209:TYR:H	1.70	0.55
1:a:1982:SER:HB3	1:a:1988:HIS:ND1	2.20	0.55
3:c:292:ASN:O	3:c:311:HIS:HB2	2.06	0.55
1:A:582:ILE:HA	1:A:585:ALA:HB3	1.88	0.55
1:A:936:VAL:O	1:A:940:ASN:N	2.39	0.55
1:A:957:ARG:NH1	1:A:993:VAL:HG23	2.22	0.55
1:A:1110:TYR:O	1:A:1114:LEU:HG	2.07	0.55
1:A:2082:GLN:HE21	1:A:2086:ARG:HH12	1.55	0.55
1:A:2345:MET:O	1:A:2354:LEU:N	2.27	0.55
1:a:1295:SER:HA	1:a:1296:SER:C	2.31	0.55
1:a:1473:ASP:HB3	1:a:1475:GLU:OE1	2.06	0.55
1:a:1559:LEU:O	1:a:1563:CYS:N	2.33	0.55
1:a:2052:GLU:O	1:a:2056:ALA:N	2.24	0.55
1:a:2097:LEU:O	1:a:2100:ALA:HB3	2.06	0.55
1:a:2163:ILE:N	1:a:2169:PRO:O	2.40	0.55
1:a:2212:ASP:HB3	1:a:2215:SER:HB2	1.89	0.55
3:c:195:TYR:HB3	3:c:197:TRP:HE1	1.72	0.55
1:A:723:PRO:HA	1:A:726:VAL:HB	1.88	0.55
1:A:1042:TRP:CE3	1:A:1056:ILE:HG12	2.42	0.55
1:A:2152:ARG:N	1:A:2177:SER:OG	2.39	0.55
3:C:89:ALA:H	3:C:104:GLY:HA2	1.71	0.55
3:C:292:ASN:O	3:C:311:HIS:HB2	2.06	0.55
1:a:359:SER:O	1:a:362:CYS:N	2.39	0.55
1:a:660:LEU:O	1:a:661:VAL:HG23	2.07	0.55
1:a:732:LYS:HD3	1:a:734:LEU:O	2.07	0.55
1:a:1096:LEU:HD21	1:a:1130:PRO:HA	1.88	0.55
1:a:1719:HIS:HA	1:a:1722:GLN:OE1	2.07	0.55
1:a:2501:ILE:HG22	1:a:2505:ARG:HH12	1.71	0.55
1:A:1096:LEU:HD21	1:A:1130:PRO:HA	1.88	0.55
1:A:1295:SER:HA	1:A:1296:SER:C	2.32	0.55
1:A:1389:LYS:O	1:A:1393:TYR:N	2.39	0.55
1:A:1787:TYR:HA	1:A:1894:LEU:HD12	1.89	0.55
1:A:2100:ALA:HA	1:A:2103:LEU:HD12	1.89	0.55
1:A:2115:LEU:O	1:A:2117:GLN:N	2.36	0.55
1:A:2163:ILE:N	1:A:2169:PRO:O	2.40	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:2430:ARG:O	1:A:2434:THR:N	2.25	0.55
2:B:1037:CYS:SG	2:B:1051:TRP:HB3	2.47	0.55
3:C:28:GLN:HG3	3:C:31:SER:HB3	1.89	0.55
3:C:52:PRO:O	3:C:323:SER:OG	2.25	0.55
3:C:297:TRP:CD2	3:C:304:ILE:HG13	2.42	0.55
1:a:353:LYS:C	1:a:355:THR:H	2.11	0.55
1:a:878:GLN:CD	1:a:1625:GLY:HA3	2.31	0.55
1:a:920:SER:O	1:a:923:SER:OG	2.21	0.55
1:a:957:ARG:O	1:a:960:ARG:HB2	2.07	0.55
1:a:1798:PHE:O	1:a:1802:LEU:HG	2.07	0.55
1:a:2048:PHE:CE1	1:a:2085:CYS:HB3	2.42	0.55
1:a:2100:ALA:HA	1:a:2103:LEU:HD12	1.89	0.55
1:a:2152:ARG:N	1:a:2177:SER:OG	2.39	0.55
1:a:2512:ASP:N	1:a:2512:ASP:OD1	2.40	0.55
3:c:69:ASP:HB3	3:c:72:SER:OG	2.07	0.55
3:c:139:ASN:HD22	3:c:203:ILE:HG23	1.72	0.55
1:A:836:LYS:O	1:A:837:ARG:O	2.25	0.54
1:A:1016:LEU:HD22	1:A:1042:TRP:CZ3	2.41	0.54
1:A:1057:GLU:HB3	1:A:1101:GLN:NE2	2.21	0.54
1:A:1594:HIS:O	1:A:1598:GLU:HG2	2.07	0.54
1:A:1792:ALA:O	1:A:1796:MET:N	2.26	0.54
1:A:2105:TYR:HA	1:A:2108:PHE:HB3	1.89	0.54
1:A:2317:ARG:NH1	1:A:2388:GLU:HA	2.22	0.54
3:C:129:ALA:HB3	3:C:147:ASP:CG	2.33	0.54
3:C:286:VAL:HA	3:C:295:ARG:O	2.08	0.54
1:a:934:MET:O	1:a:937:ASN:N	2.40	0.54
1:a:1808:ASN:CG	1:a:1873:LEU:HD21	2.32	0.54
1:a:2140:VAL:HG11	1:a:2182:PHE:CD2	2.42	0.54
3:c:28:GLN:HG3	3:c:31:SER:HB3	1.89	0.54
3:c:69:ASP:H	3:c:75:PRO:HG3	1.70	0.54
3:c:89:ALA:H	3:c:104:GLY:HA2	1.71	0.54
1:A:732:LYS:HD3	1:A:734:LEU:O	2.07	0.54
1:A:751:GLU:OE2	1:A:793:GLY:HA2	2.07	0.54
1:A:878:GLN:HG2	1:A:915:VAL:HG22	1.89	0.54
1:A:976:THR:HA	1:A:979:PHE:HD2	1.72	0.54
1:A:1002:ARG:HA	1:A:1005:ASP:HB2	1.88	0.54
1:A:1786:TRP:HZ3	1:A:1789:ALA:H	1.55	0.54
1:A:1798:PHE:O	1:A:1802:LEU:HG	2.07	0.54
1:A:2406:VAL:HG12	1:A:2410:HIS:HD2	1.72	0.54
3:C:95:GLU:H	3:C:140:GLN:HE21	1.54	0.54
3:C:176:ALA:HA	3:C:187:ALA:HA	1.89	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:751:GLU:OE2	1:a:793:GLY:HA2	2.07	0.54
1:a:1207:GLN:O	1:a:1211:VAL:N	2.34	0.54
1:a:1501:TRP:CD2	1:a:1532:TYR:HE1	2.26	0.54
1:a:1728:ALA:O	1:a:1732:ILE:HG13	2.06	0.54
1:a:1959:GLN:O	1:a:1963:ASP:N	2.38	0.54
1:a:2082:GLN:HE21	1:a:2086:ARG:HH12	1.55	0.54
1:a:2130:LEU:HA	1:a:2133:CYS:SG	2.47	0.54
1:a:2506:ASP:O	1:a:2512:ASP:N	2.40	0.54
2:b:792:SER:O	2:b:801:GLY:N	2.39	0.54
3:c:129:ALA:HB3	3:c:147:ASP:CG	2.33	0.54
3:c:271:GLY:HA2	3:c:290:SER:H	1.72	0.54
1:A:604:ARG:HD3	1:A:616:LYS:CD	2.37	0.54
1:A:697:PHE:CE1	1:A:708:ARG:HG3	2.42	0.54
1:A:755:ARG:NH2	2:b:482:SER:N	2.55	0.54
1:A:1000:VAL:HG11	1:A:1019:LEU:HD21	1.90	0.54
1:A:1932:ILE:HD13	1:A:1968:HIS:HE1	1.72	0.54
1:A:1933:ASP:HA	1:A:1936:LEU:HD12	1.88	0.54
1:A:1985:THR:OG1	1:A:1989:ASN:OD1	2.24	0.54
2:B:457:LEU:O	2:B:460:GLY:N	2.39	0.54
1:a:836:LYS:O	1:a:837:ARG:O	2.25	0.54
1:a:975:ILE:HA	1:a:978:ILE:HB	1.89	0.54
1:a:2406:VAL:HG12	1:a:2410:HIS:HD2	1.73	0.54
2:b:148:PHE:C	2:b:192:PHE:HD2	2.14	0.54
2:b:1232:VAL:HA	2:b:1239:PHE:CD1	2.42	0.54
1:A:1095:LYS:O	1:A:1099:ALA:N	2.26	0.54
1:A:1103:PHE:O	1:A:1106:ASN:ND2	2.40	0.54
1:A:1558:SER:O	1:A:1561:GLN:HB3	2.08	0.54
1:A:1700:TYR:CE2	1:A:1704:MET:HB2	2.42	0.54
3:C:69:ASP:HB3	3:C:72:SER:OG	2.07	0.54
1:a:894:LEU:O	1:a:897:TYR:N	2.40	0.54
1:a:968:HIS:H	1:a:971:VAL:HG22	1.71	0.54
1:a:1111:LEU:HD23	1:a:1114:LEU:HD12	1.90	0.54
1:a:1487:LEU:C	1:a:1665:ARG:HH12	2.15	0.54
1:a:1697:THR:O	1:a:1701:MET:HG3	2.08	0.54
1:a:1787:TYR:HA	1:a:1894:LEU:HD12	1.88	0.54
1:a:2214:THR:HG22	1:a:2218:LYS:HE2	1.87	0.54
3:c:52:PRO:O	3:c:323:SER:OG	2.25	0.54
1:A:660:LEU:O	1:A:661:VAL:HG23	2.07	0.54
1:A:1154:ARG:HG3	1:a:732:LYS:O	2.07	0.54
1:A:1369:LYS:N	1:A:1370:GLY:HA3	2.22	0.54
1:A:1716:HIS:HA	1:A:1719:HIS:CD2	2.42	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1752:LEU:HD22	1:A:1786:TRP:HH2	1.71	0.54
1:A:2048:PHE:CE1	1:A:2085:CYS:HB3	2.42	0.54
1:A:2140:VAL:HG11	1:A:2182:PHE:CD2	2.42	0.54
2:B:903:SER:N	2:B:919:HIS:O	2.40	0.54
2:B:1152:THR:HA	2:B:1156:MET:HA	1.88	0.54
3:C:143:LEU:O	3:C:155:TRP:N	2.29	0.54
1:a:712:ILE:HA	1:a:713:CYS:C	2.32	0.54
1:a:857:PRO:HB2	1:a:858:TYR:CD2	2.43	0.54
1:a:935:LEU:HA	1:a:938:MET:HB2	1.90	0.54
1:a:1103:PHE:O	1:a:1106:ASN:ND2	2.40	0.54
1:a:1501:TRP:CH2	1:a:1509:GLN:HA	2.42	0.54
1:a:1558:SER:O	1:a:1561:GLN:HB3	2.08	0.54
1:a:1598:GLU:CD	1:a:1640:ARG:HH21	2.16	0.54
1:a:1786:TRP:HZ3	1:a:1789:ALA:H	1.55	0.54
1:a:2246:LEU:HA	1:a:2249:LEU:HD12	1.89	0.54
2:b:515:HIS:O	2:b:519:LEU:N	2.38	0.54
3:c:288:ALA:HB2	3:c:318:LEU:HG	1.90	0.54
1:A:547:LEU:O	1:A:551:PRO:N	2.41	0.54
1:A:655:VAL:HA	1:A:658:LYS:HD2	1.88	0.54
1:A:657:SER:O	1:A:660:LEU:HD22	2.08	0.54
1:A:763:ASN:C	1:A:767:LEU:HG	2.31	0.54
1:A:769:ARG:HH22	1:A:800:ALA:CB	2.21	0.54
1:A:1385:GLU:O	1:A:1392:ALA:HB1	2.08	0.54
1:A:1595:MET:HE3	1:A:1635:LYS:O	2.06	0.54
1:A:1771:LYS:HA	1:A:1774:GLN:HB3	1.90	0.54
1:A:2423:TYR:C	1:A:2428:ASN:HD21	2.16	0.54
3:C:139:ASN:HD22	3:C:203:ILE:HG23	1.72	0.54
3:C:177:HIS:ND1	3:C:227:ARG:HA	2.23	0.54
1:a:697:PHE:HA	1:a:708:ARG:HH11	1.72	0.54
1:a:957:ARG:HD2	1:a:992:GLN:CG	2.38	0.54
1:a:1618:ILE:O	1:a:1622:ARG:N	2.24	0.54
1:a:1700:TYR:CE2	1:a:1704:MET:HB2	2.42	0.54
1:a:2075:GLY:HA2	1:a:2078:LEU:HD13	1.90	0.54
1:a:2317:ARG:NH1	1:a:2388:GLU:HA	2.22	0.54
1:A:934:MET:O	1:A:937:ASN:N	2.40	0.54
1:A:968:HIS:H	1:A:971:VAL:HG22	1.71	0.54
1:A:1420:ASN:HB2	1:A:1429:ALA:HB2	1.90	0.54
1:A:1421:ASN:C	1:A:1424:GLN:H	2.15	0.54
1:A:2075:GLY:HA2	1:A:2078:LEU:HD13	1.90	0.54
2:B:1130:ASP:H	2:B:1139:MET:HB3	1.72	0.54
1:a:636:LEU:HB3	1:a:672:ARG:HD3	1.89	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:655:VAL:HA	1:a:658:LYS:HD2	1.88	0.54
1:a:777:LYS:C	1:a:779:LEU:N	2.65	0.54
1:a:891:LEU:O	1:a:894:LEU:N	2.40	0.54
1:a:1130:PRO:O	1:a:1134:ALA:N	2.36	0.54
1:a:1633:TRP:O	1:a:1637:LEU:N	2.28	0.54
2:b:1148:ARG:HB3	2:b:1158:VAL:HG13	1.90	0.54
3:c:177:HIS:ND1	3:c:227:ARG:HA	2.23	0.54
1:A:712:ILE:HA	1:A:713:CYS:C	2.32	0.54
1:A:920:SER:N	1:A:1627:GLN:OE1	2.39	0.54
1:A:1207:GLN:O	1:A:1211:VAL:N	2.34	0.54
1:A:1413:LEU:HA	1:A:1416:LEU:HB3	1.90	0.54
1:A:1500:LYS:HD3	1:A:1503:LEU:HD12	1.90	0.54
1:A:1501:TRP:CD2	1:A:1532:TYR:HE1	2.26	0.54
1:A:2023:TRP:CE3	1:A:2058:MET:HG2	2.43	0.54
1:A:2115:LEU:HB3	1:A:2168:ARG:NH2	2.22	0.54
3:C:20:TYR:O	3:C:22:HIS:N	2.40	0.54
1:a:373:VAL:O	1:a:377:VAL:N	2.34	0.54
1:a:547:LEU:O	1:a:551:PRO:N	2.41	0.54
1:a:604:ARG:HD3	1:a:616:LYS:CD	2.37	0.54
1:a:1158:PRO:HA	1:a:1161:ARG:HG3	1.89	0.54
1:a:1595:MET:HE3	1:a:1635:LYS:O	2.06	0.54
1:a:2247:HIS:HB2	1:a:2341:PRO:C	2.33	0.54
3:c:100:MET:HG2	3:c:102:THR:HG23	1.90	0.54
3:c:297:TRP:CD2	3:c:304:ILE:HG13	2.42	0.54
1:A:697:PHE:HA	1:A:708:ARG:HH11	1.73	0.54
1:A:763:ASN:O	1:A:767:LEU:HG	2.08	0.54
1:A:857:PRO:HB2	1:A:858:TYR:CD2	2.43	0.54
1:A:1152:ALA:HA	1:A:1187:LYS:HZ2	1.73	0.54
1:A:1717:MET:O	1:A:1721:VAL:N	2.22	0.54
2:B:515:HIS:O	2:B:519:LEU:N	2.38	0.54
3:C:50:VAL:HA	3:C:57:ILE:HA	1.90	0.54
3:C:271:GLY:HA2	3:C:290:SER:H	1.72	0.54
1:a:1050:SER:HB2	1:a:1090:ARG:HH21	1.73	0.54
1:a:1057:GLU:HB3	1:a:1101:GLN:NE2	2.21	0.54
1:a:1513:ALA:O	1:a:1517:ALA:N	2.23	0.54
1:a:1932:ILE:HD13	1:a:1968:HIS:HE1	1.72	0.54
1:a:2027:TRP:CE2	1:a:2078:LEU:HD23	2.43	0.54
2:b:1037:CYS:SG	2:b:1051:TRP:HB3	2.47	0.54
2:b:1232:VAL:HG23	2:b:1239:PHE:CZ	2.42	0.54
3:c:50:VAL:HA	3:c:57:ILE:HA	1.90	0.54
3:c:284:TYR:HA	3:c:298:CYS:HA	1.90	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1111:LEU:HD23	1:A:1114:LEU:HD12	1.89	0.54
1:A:1697:THR:O	1:A:1701:MET:HG3	2.07	0.54
1:A:2048:PHE:HE1	1:A:2085:CYS:HB3	1.73	0.54
1:A:2265:HIS:CE1	1:A:2269:LEU:HG	2.43	0.54
1:A:2506:ASP:O	1:A:2512:ASP:N	2.40	0.54
2:B:1232:VAL:HG23	2:B:1239:PHE:CZ	2.42	0.54
3:C:151:ALA:HA	3:C:166:ILE:HG12	1.90	0.54
1:a:657:SER:O	1:a:660:LEU:HD22	2.08	0.54
1:a:697:PHE:CE1	1:a:708:ARG:HG3	2.42	0.54
1:a:1000:VAL:HG11	1:a:1019:LEU:HD21	1.90	0.54
1:a:1420:ASN:HB2	1:a:1429:ALA:HB2	1.90	0.54
1:a:1532:TYR:O	1:a:1536:ILE:N	2.39	0.54
1:a:1569:ASP:HA	1:a:1572:ASP:OD2	2.08	0.54
1:a:1941:GLN:CG	1:a:2197:ARG:HE	2.09	0.54
1:a:2038:TYR:O	1:a:2042:ARG:HA	2.08	0.54
1:a:2115:LEU:HB3	1:a:2168:ARG:NH2	2.22	0.54
3:c:176:ALA:HA	3:c:187:ALA:HA	1.89	0.54
3:c:279:SER:C	3:c:282:SER:H	2.13	0.54
1:A:636:LEU:HB3	1:A:672:ARG:HD3	1.89	0.53
1:A:957:ARG:HD2	1:A:992:GLN:CG	2.38	0.53
1:A:1598:GLU:CD	1:A:1640:ARG:HH21	2.15	0.53
1:A:1933:ASP:HA	1:A:1936:LEU:HB2	1.90	0.53
1:A:2027:TRP:CE2	1:A:2078:LEU:HD23	2.43	0.53
2:B:416:PHE:HA	2:B:419:TRP:CG	2.43	0.53
2:B:1148:ARG:HB3	2:B:1158:VAL:HG23	1.90	0.53
1:a:947:TYR:HB2	1:a:950:VAL:HG23	1.89	0.53
1:a:1067:PHE:HB2	1:a:1070:TYR:CZ	2.43	0.53
1:a:1459:ALA:HA	1:a:1462:ALA:HB3	1.90	0.53
1:a:1649:ASP:HB3	1:a:1653:TRP:NE1	2.21	0.53
1:a:1749:ARG:O	1:a:1753:LYS:N	2.32	0.53
2:b:531:HIS:O	2:b:535:THR:N	2.34	0.53
1:A:1077:HIS:O	1:A:1080:ARG:N	2.41	0.53
1:A:1092:VAL:HG11	1:A:1130:PRO:CG	2.38	0.53
1:A:1513:ALA:HA	1:A:1516:ALA:HB3	1.90	0.53
1:A:1718:GLN:HA	1:A:1721:VAL:HB	1.91	0.53
1:A:2247:HIS:HB2	1:A:2341:PRO:C	2.33	0.53
1:A:2325:ALA:O	1:A:2328:SER:HB2	2.08	0.53
1:A:2402:THR:O	1:A:2405:GLU:HB3	2.09	0.53
2:B:195:ASP:OD2	2:B:202:ILE:HD12	2.08	0.53
2:B:1232:VAL:HA	2:B:1239:PHE:CD1	2.42	0.53
3:C:15:LEU:HD23	3:C:308:TYR:CE2	2.43	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:C:288:ALA:HB2	3:C:318:LEU:HG	1.90	0.53
1:a:878:GLN:HG2	1:a:915:VAL:HG22	1.89	0.53
1:a:1109:ASP:C	1:a:1111:LEU:H	2.14	0.53
1:a:1413:LEU:HA	1:a:1416:LEU:HB3	1.90	0.53
1:a:1446:GLN:HA	1:a:1449:TRP:HB2	1.90	0.53
1:a:1771:LYS:HA	1:a:1774:GLN:HB3	1.90	0.53
1:a:2057:MET:HA	1:a:2060:ARG:NH1	2.23	0.53
1:a:2535:HIS:HA	1:a:2538:LEU:HD12	1.90	0.53
3:c:13:VAL:HG13	3:c:320:PHE:CE1	2.43	0.53
1:A:628:ARG:O	1:A:632:PRO:HD3	2.08	0.53
1:A:1158:PRO:HA	1:A:1161:ARG:HG3	1.89	0.53
1:A:1619:TRP:O	1:A:1623:LEU:N	2.26	0.53
1:A:2140:VAL:N	1:A:2151:ILE:O	2.37	0.53
1:A:2199:MET:HE3	1:A:2225:TYR:CE2	2.44	0.53
1:A:2419:GLU:HA	1:A:2422:VAL:HB	1.91	0.53
1:A:2535:HIS:HA	1:A:2538:LEU:HD12	1.90	0.53
3:C:89:ALA:HB2	3:C:105:GLU:HG2	1.90	0.53
3:C:135:CYS:SG	3:C:144:ILE:HB	2.49	0.53
3:C:195:TYR:HB3	3:C:197:TRP:HE1	1.72	0.53
1:a:628:ARG:O	1:a:632:PRO:HD3	2.08	0.53
1:a:697:PHE:HA	1:a:708:ARG:NH1	2.24	0.53
1:a:727:MET:HE2	1:a:760:LEU:HB3	1.91	0.53
1:a:1092:VAL:HG11	1:a:1130:PRO:HG3	1.91	0.53
1:a:1170:ARG:O	1:a:1174:MET:N	2.29	0.53
1:a:1391:ARG:O	1:a:1396:ALA:N	2.39	0.53
1:a:1619:TRP:O	1:a:1623:LEU:N	2.26	0.53
1:a:1869:VAL:O	1:a:1873:LEU:N	2.29	0.53
1:a:2023:TRP:CE3	1:a:2058:MET:HG2	2.43	0.53
1:a:2105:TYR:HA	1:a:2108:PHE:HB3	1.89	0.53
1:a:2193:ARG:NH1	1:a:2426:LEU:HB3	2.24	0.53
1:a:2199:MET:HE3	1:a:2225:TYR:CE2	2.44	0.53
2:b:957:THR:N	2:b:1036:PRO:O	2.39	0.53
2:b:1230:VAL:HA	2:b:1241:PRO:HA	1.91	0.53
1:A:747:GLY:HA3	1:A:792:PRO:HB2	1.91	0.53
1:A:830:ASP:OD1	1:A:867:VAL:HG22	2.09	0.53
1:A:972:VAL:O	1:A:972:VAL:HG12	2.08	0.53
1:A:1069:LEU:HA	1:A:1072:PRO:HD2	1.91	0.53
1:A:1487:LEU:C	1:A:1665:ARG:HH12	2.15	0.53
1:A:1633:TRP:O	1:A:1637:LEU:N	2.28	0.53
2:B:1194:ASP:N	2:B:1215:VAL:O	2.36	0.53
1:a:1117:PRO:O	1:a:1121:LEU:HG	2.09	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:1605:TYR:HD1	1:a:1615:ILE:HD12	1.72	0.53
1:a:1670:HIS:HA	1:a:1673:LEU:HD12	1.90	0.53
1:a:1747:MET:HE2	1:a:1751:PHE:CE2	2.43	0.53
1:a:2254:ARG:O	1:a:2258:LYS:N	2.42	0.53
2:b:903:SER:N	2:b:919:HIS:O	2.40	0.53
3:c:17:THR:HG22	3:c:311:HIS:CE1	2.43	0.53
3:c:95:GLU:H	3:c:140:GLN:HE21	1.54	0.53
1:A:777:LYS:C	1:A:779:LEU:N	2.65	0.53
1:A:1115:LEU:HA	1:A:1118:ILE:HD12	1.91	0.53
1:A:1136:LEU:O	1:A:1139:VAL:N	2.41	0.53
1:A:1684:GLN:HB2	1:A:1687:HIS:CD2	2.44	0.53
1:A:1797:ASN:CB	1:A:1884:ALA:HB2	2.32	0.53
1:A:1911:PHE:CE2	1:A:1945:ARG:HD2	2.44	0.53
1:A:2057:MET:HA	1:A:2060:ARG:NH1	2.24	0.53
1:A:2246:LEU:HA	1:A:2249:LEU:HD12	1.89	0.53
3:C:153:HIS:CD2	3:C:162:ASN:HD21	2.25	0.53
1:a:747:GLY:HA3	1:a:792:PRO:HB2	1.91	0.53
1:a:972:VAL:O	1:a:972:VAL:HG12	2.08	0.53
1:a:1001:ILE:HG12	1:a:1038:MET:SD	2.49	0.53
1:a:1002:ARG:HA	1:a:1005:ASP:HB2	1.88	0.53
1:a:1092:VAL:HG11	1:a:1130:PRO:CG	2.38	0.53
1:a:1350:ILE:N	1:a:1351:ALA:HA	2.21	0.53
1:a:1369:LYS:N	1:a:1370:GLY:HA3	2.22	0.53
1:a:1617:GLN:O	1:a:1621:GLU:N	2.31	0.53
1:a:1985:THR:HA	1:a:1988:HIS:CE1	2.43	0.53
1:a:1985:THR:HG23	1:a:1989:ASN:HD21	1.72	0.53
2:b:447:LEU:O	2:b:450:LEU:N	2.37	0.53
2:b:790:ALA:O	2:b:803:SER:N	2.40	0.53
2:b:1130:ASP:H	2:b:1139:MET:HB3	1.72	0.53
3:c:20:TYR:HB2	3:c:313:LYS:HB3	1.91	0.53
1:A:560:GLY:O	1:A:564:GLN:N	2.42	0.53
1:A:1031:MET:C	1:A:1033:GLU:H	2.17	0.53
1:A:1092:VAL:HG11	1:A:1130:PRO:HG3	1.91	0.53
1:A:1334:GLN:O	1:A:1338:ILE:N	2.27	0.53
1:A:1605:TYR:HD1	1:A:1615:ILE:HD12	1.72	0.53
1:A:1747:MET:HE2	1:A:1751:PHE:CE2	2.43	0.53
1:A:2135:ASP:OD1	1:A:2154:GLN:HG3	2.09	0.53
1:A:2209:LEU:HD13	1:A:2220:LEU:HB2	1.90	0.53
2:B:114:GLN:O	2:B:115:PRO:CG	2.23	0.53
3:C:17:THR:HG22	3:C:311:HIS:CE1	2.43	0.53
1:a:723:PRO:HA	1:a:726:VAL:HB	1.88	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:754:ALA:HB1	1:a:758:GLY:HA3	1.91	0.53
1:a:960:ARG:NH2	1:a:982:LEU:HG	2.23	0.53
1:a:1385:GLU:O	1:a:1392:ALA:HB1	2.08	0.53
1:a:1870:THR:HA	1:a:1873:LEU:HD23	1.90	0.53
1:a:2419:GLU:HA	1:a:2422:VAL:HB	1.90	0.53
3:c:15:LEU:HD23	3:c:308:TYR:CE2	2.43	0.53
1:A:717:ARG:NH1	1:A:748:ARG:HD2	2.22	0.53
1:A:841:LEU:HA	1:A:844:LEU:HD11	1.91	0.53
1:A:957:ARG:O	1:A:960:ARG:HB2	2.07	0.53
1:A:1459:ALA:HA	1:A:1462:ALA:HB3	1.90	0.53
1:A:1633:TRP:HA	1:A:1636:ILE:HD12	1.91	0.53
1:A:1941:GLN:CG	1:A:2197:ARG:HE	2.09	0.53
3:C:284:TYR:HA	3:C:298:CYS:HA	1.90	0.53
1:a:733:MET:SD	1:a:739:THR:HG21	2.49	0.53
1:a:830:ASP:OD1	1:a:867:VAL:HG22	2.09	0.53
1:a:1050:SER:O	1:a:1053:ILE:HB	2.09	0.53
1:a:1152:ALA:HA	1:a:1187:LYS:HZ2	1.73	0.53
1:a:1513:ALA:HA	1:a:1516:ALA:HB3	1.90	0.53
1:a:1684:GLN:HB2	1:a:1687:HIS:CD2	2.44	0.53
1:a:1911:PHE:CE2	1:a:1945:ARG:HD2	2.44	0.53
1:a:2265:HIS:CE1	1:a:2269:LEU:HG	2.43	0.53
1:a:2325:ALA:O	1:a:2328:SER:HB2	2.08	0.53
2:b:131:LYS:HA	2:b:134:CYS:SG	2.49	0.53
3:c:286:VAL:HA	3:c:295:ARG:O	2.08	0.53
1:A:733:MET:SD	1:A:739:THR:HG21	2.49	0.53
1:A:960:ARG:NH2	1:A:982:LEU:HG	2.23	0.53
1:A:1390:CYS:HA	1:A:1393:TYR:CD2	2.44	0.53
1:A:1566:LYS:O	1:A:1570:LEU:N	2.36	0.53
1:A:1704:MET:HE3	1:A:1713:ALA:N	2.23	0.53
1:A:1870:THR:HA	1:A:1873:LEU:HD23	1.90	0.53
1:A:2038:TYR:O	1:A:2042:ARG:HA	2.08	0.53
3:C:57:ILE:N	3:C:68:TYR:O	2.39	0.53
1:a:976:THR:HA	1:a:979:PHE:HB2	1.91	0.53
1:a:1077:HIS:O	1:a:1080:ARG:N	2.41	0.53
1:a:1338:ILE:O	1:a:1342:GLU:N	2.22	0.53
1:a:1584:SER:O	1:a:1586:ALA:N	2.42	0.53
1:a:1797:ASN:CB	1:a:1884:ALA:HB2	2.32	0.53
1:a:1920:ASN:HB2	1:a:1952:LEU:HD23	1.91	0.53
1:a:2048:PHE:HE1	1:a:2085:CYS:HB3	1.73	0.53
1:a:2402:THR:O	1:a:2405:GLU:HB3	2.09	0.53
3:c:89:ALA:HB2	3:c:105:GLU:HG2	1.90	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:c:151:ALA:HA	3:c:166:ILE:HG12	1.90	0.53
3:c:189:ASN:ND2	3:c:193:ASN:H	2.07	0.53
3:c:284:TYR:C	3:c:299:VAL:HG23	2.34	0.53
3:c:301:THR:HB	3:c:303:GLU:HG2	1.90	0.53
1:A:704:VAL:O	1:A:708:ARG:HG2	2.09	0.53
1:A:750:LYS:HD3	1:A:793:GLY:HA3	1.91	0.53
1:A:947:TYR:HB2	1:A:950:VAL:HG23	1.89	0.53
1:A:1050:SER:HB2	1:A:1090:ARG:HH21	1.73	0.53
1:A:1891:SER:O	1:A:1894:LEU:N	2.42	0.53
1:A:1993:LYS:O	1:A:1996:LYS:HB3	2.09	0.53
2:B:791:SER:HA	2:B:802:VAL:HA	1.91	0.53
3:C:41:GLN:H	3:C:66:ARG:NH1	2.07	0.53
1:a:757:LEU:O	1:a:761:VAL:N	2.36	0.53
1:a:1136:LEU:O	1:a:1139:VAL:N	2.41	0.53
1:a:1163:LEU:CD2	1:a:1202:HIS:HB2	2.38	0.53
1:a:1500:LYS:HD3	1:a:1503:LEU:HD12	1.90	0.53
1:a:1613:GLU:HA	1:a:1616:ARG:NH1	2.24	0.53
1:a:1703:ASN:O	1:a:1707:SER:N	2.41	0.53
1:a:1704:MET:HE3	1:a:1713:ALA:N	2.23	0.53
1:a:2135:ASP:OD1	1:a:2154:GLN:HG3	2.09	0.53
1:a:2340:HIS:HB3	1:a:2545:TRP:CG	2.44	0.53
1:A:740:GLU:CA	1:A:743:HIS:HD2	2.21	0.53
1:A:779:LEU:HA	1:A:782:LYS:HB2	1.90	0.53
1:A:1067:PHE:HB2	1:A:1070:TYR:CZ	2.43	0.53
1:A:1185:GLY:O	1:A:1188:TYR:HB3	2.09	0.53
1:A:1342:GLU:O	1:A:1346:THR:N	2.32	0.53
1:A:1446:GLN:HA	1:A:1449:TRP:HB2	1.90	0.53
1:A:1754:LEU:O	1:A:1758:GLN:N	2.31	0.53
1:A:1985:THR:HA	1:A:1988:HIS:CE1	2.43	0.53
1:A:2193:ARG:NH1	1:A:2426:LEU:HB3	2.24	0.53
2:B:919:HIS:HA	2:B:931:ASP:HA	1.90	0.53
3:C:13:VAL:HG13	3:C:320:PHE:CE1	2.44	0.53
1:a:704:VAL:O	1:a:708:ARG:HG2	2.09	0.53
1:a:1031:MET:C	1:a:1033:GLU:H	2.17	0.53
1:a:1784:ARG:HD3	1:a:1790:TRP:HZ2	1.74	0.53
2:b:205:SER:O	2:b:209:PHE:N	2.37	0.53
2:b:416:PHE:HA	2:b:419:TRP:CG	2.43	0.53
2:b:791:SER:HA	2:b:802:VAL:HA	1.91	0.53
1:A:755:ARG:HH22	2:b:483:SER:N	2.05	0.52
1:A:767:LEU:HD22	1:a:1112:HIS:HE1	1.73	0.52
1:A:970:MET:HB3	1:A:972:VAL:N	2.22	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1050:SER:O	1:A:1053:ILE:HB	2.09	0.52
1:A:1584:SER:O	1:A:1586:ALA:N	2.42	0.52
1:A:1617:GLN:O	1:A:1621:GLU:N	2.31	0.52
1:A:2523:THR:HG22	1:A:2527:LEU:HG	1.90	0.52
1:a:706:GLU:O	1:a:710:LEU:HG	2.09	0.52
1:a:763:ASN:O	1:a:767:LEU:HG	2.08	0.52
1:a:918:SER:HB2	1:a:921:LYS:HD2	1.91	0.52
1:a:971:VAL:O	1:a:971:VAL:HG12	2.09	0.52
1:a:976:THR:HA	1:a:979:PHE:HD2	1.72	0.52
1:a:2209:LEU:HD13	1:a:2220:LEU:HB2	1.90	0.52
3:c:57:ILE:N	3:c:68:TYR:O	2.39	0.52
1:A:668:ASP:O	1:A:672:ARG:N	2.26	0.52
1:A:754:ALA:HB1	1:A:758:GLY:HA3	1.91	0.52
1:A:976:THR:HA	1:A:979:PHE:HB2	1.91	0.52
1:A:1117:PRO:O	1:A:1121:LEU:HG	2.09	0.52
1:A:1571:LEU:HD11	1:A:1589:ALA:HB1	1.92	0.52
1:A:1613:GLU:HA	1:A:1616:ARG:NH1	2.24	0.52
1:A:1691:THR:HG21	1:A:1724:MET:HE1	1.91	0.52
1:A:1784:ARG:HD3	1:A:1790:TRP:HZ2	1.74	0.52
2:B:131:LYS:HA	2:B:134:CYS:SG	2.49	0.52
2:B:482:SER:N	1:a:755:ARG:HH22	2.06	0.52
3:C:15:LEU:HD11	3:C:286:VAL:HG11	1.91	0.52
3:C:152:ILE:N	3:C:165:LEU:O	2.29	0.52
3:C:284:TYR:C	3:C:299:VAL:HG23	2.34	0.52
1:a:779:LEU:HA	1:a:782:LYS:HB2	1.90	0.52
1:a:2423:TYR:C	1:a:2428:ASN:HD21	2.16	0.52
2:b:156:PRO:O	2:b:158:PRO:CD	2.46	0.52
2:b:919:HIS:HA	2:b:931:ASP:HA	1.90	0.52
3:c:41:GLN:H	3:c:66:ARG:NH1	2.07	0.52
3:c:213:LYS:HD3	3:c:252:PHE:HE2	1.74	0.52
1:A:935:LEU:HA	1:A:938:MET:HB2	1.90	0.52
1:A:943:LEU:CD2	1:A:951:SER:HB2	2.40	0.52
1:A:1939:ILE:HA	1:A:1942:LEU:HD12	1.91	0.52
1:A:2004:THR:OG1	1:A:2137:GLU:OE2	2.17	0.52
2:B:89:ASP:HB3	2:B:153:HIS:HA	1.85	0.52
3:C:100:MET:HG2	3:C:102:THR:HG23	1.90	0.52
1:a:830:ASP:O	1:a:833:LEU:N	2.43	0.52
1:a:1512:MET:O	1:a:1516:ALA:N	2.25	0.52
1:a:1521:TRP:CZ2	1:a:1642:LEU:HD21	2.45	0.52
1:a:1532:TYR:O	1:a:1536:ILE:HG13	2.09	0.52
1:a:1933:ASP:HA	1:a:1936:LEU:HB2	1.90	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:c:21:ASP:HB3	3:c:311:HIS:HD2	1.74	0.52
3:c:237:THR:O	3:c:244:CYS:HA	2.10	0.52
3:c:276:CYS:HB2	3:c:285:ILE:HD11	1.92	0.52
1:A:1001:ILE:HG12	1:A:1038:MET:SD	2.49	0.52
1:A:1472:ASP:OD1	1:A:1476:LEU:HB2	2.09	0.52
1:A:1532:TYR:O	1:A:1536:ILE:HG13	2.10	0.52
1:A:1691:THR:HG23	1:A:1720:PHE:HE1	1.74	0.52
1:A:2086:ARG:HA	1:A:2089:MET:HG3	1.91	0.52
1:A:2129:LYS:O	1:A:2132:MET:HE2	2.09	0.52
1:A:2223:GLN:NE2	1:A:2352:LYS:HD3	2.24	0.52
1:A:2254:ARG:O	1:A:2258:LYS:N	2.42	0.52
3:C:130:PRO:HG2	3:C:148:GLN:HB2	1.91	0.52
3:C:301:THR:HB	3:C:303:GLU:HG2	1.90	0.52
1:a:578:ASP:HA	1:a:582:ILE:H	1.75	0.52
1:a:596:GLY:O	1:a:600:THR:N	2.34	0.52
1:a:743:HIS:HB2	1:a:789:ASP:HB3	1.91	0.52
1:a:750:LYS:HD3	1:a:793:GLY:HA3	1.91	0.52
1:a:814:ARG:HB3	1:a:815:LYS:HA	1.92	0.52
1:a:1472:ASP:OD1	1:a:1476:LEU:HB2	2.09	0.52
1:a:1630:VAL:HG13	1:a:1656:TYR:CE1	2.45	0.52
1:a:1891:SER:O	1:a:1894:LEU:N	2.42	0.52
1:a:2013:SER:HA	1:a:2016:LEU:HD12	1.92	0.52
3:c:54:ARG:HD2	3:c:323:SER:H	1.74	0.52
1:A:746:ILE:O	1:A:749:ILE:N	2.43	0.52
1:A:894:LEU:O	1:A:897:TYR:N	2.40	0.52
1:A:1691:THR:HG23	1:A:1720:PHE:CE1	2.45	0.52
1:A:2340:HIS:HB3	1:A:2545:TRP:CG	2.44	0.52
1:A:2541:CYS:HB2	1:A:2547:PRO:HG3	1.91	0.52
1:a:970:MET:HB3	1:a:972:VAL:N	2.22	0.52
1:a:1078:MET:HB3	1:a:1110:TYR:CZ	2.45	0.52
1:a:1115:LEU:HA	1:a:1118:ILE:HD12	1.91	0.52
1:a:1691:THR:HG23	1:a:1720:PHE:HE1	1.74	0.52
1:a:1999:CYS:O	1:a:2003:ASN:HB2	2.10	0.52
1:a:2082:GLN:NE2	1:a:2086:ARG:HH12	2.07	0.52
1:a:2129:LYS:O	1:a:2132:MET:HE2	2.09	0.52
1:a:2223:GLN:NE2	1:a:2352:LYS:HD3	2.24	0.52
1:a:2523:THR:HG22	1:a:2527:LEU:HG	1.90	0.52
1:A:1107:LEU:HD23	1:A:1145:SER:OG	2.10	0.52
1:A:1670:HIS:HA	1:A:1673:LEU:HD12	1.90	0.52
1:A:2523:THR:HA	1:A:2526:GLU:HB3	1.91	0.52
2:B:670:LEU:O	2:B:674:TYR:N	2.34	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:C:213:LYS:HD3	3:C:252:PHE:HE2	1.75	0.52
3:C:237:THR:O	3:C:244:CYS:HA	2.10	0.52
1:a:746:ILE:O	1:a:749:ILE:N	2.43	0.52
1:a:1009:ARG:O	1:a:1012:LEU:HB2	2.10	0.52
1:a:1041:PHE:HA	1:a:1044:MET:CB	2.37	0.52
1:a:1060:VAL:HA	1:a:1063:LEU:HB2	1.92	0.52
1:a:1207:GLN:O	1:a:1211:VAL:HG23	2.10	0.52
1:a:1390:CYS:HA	1:a:1393:TYR:CD2	2.44	0.52
1:a:1415:SER:O	1:a:1418:SER:OG	2.28	0.52
1:a:1571:LEU:HD11	1:a:1589:ALA:HB1	1.92	0.52
1:a:1718:GLN:HA	1:a:1721:VAL:HB	1.91	0.52
1:a:2115:LEU:C	1:a:2117:GLN:H	2.18	0.52
1:a:2266:ARG:HG2	1:a:2270:ARG:HH22	1.74	0.52
2:b:778:ILE:O	2:b:1251:GLN:N	2.32	0.52
1:A:706:GLU:O	1:A:710:LEU:HG	2.09	0.52
1:A:887:VAL:O	1:A:891:LEU:HG	2.10	0.52
1:A:971:VAL:O	1:A:971:VAL:HG12	2.09	0.52
1:A:1009:ARG:O	1:A:1012:LEU:HB2	2.10	0.52
1:A:1630:VAL:HG13	1:A:1656:TYR:CE1	2.45	0.52
1:A:2266:ARG:HG2	1:A:2270:ARG:HH22	1.74	0.52
1:A:2397:ARG:HG2	1:A:2401:HIS:NE2	2.25	0.52
1:A:2512:ASP:N	1:A:2512:ASP:OD1	2.40	0.52
2:B:210:ALA:HA	2:B:213:ARG:HB2	1.92	0.52
1:a:769:ARG:HH22	1:a:800:ALA:CB	2.21	0.52
1:a:795:ILE:O	1:a:799:LEU:HG	2.10	0.52
1:a:887:VAL:O	1:a:891:LEU:HG	2.10	0.52
1:a:1649:ASP:CG	1:a:1652:THR:HB	2.35	0.52
1:a:1993:LYS:O	1:a:1996:LYS:HB3	2.09	0.52
1:a:2332:TYR:CZ	1:a:2507:LYS:HE2	2.45	0.52
2:b:161:ASN:O	2:b:164:VAL:HB	2.10	0.52
2:b:195:ASP:OD2	2:b:202:ILE:HD12	2.08	0.52
3:c:135:CYS:SG	3:c:144:ILE:HB	2.49	0.52
3:c:153:HIS:CD2	3:c:162:ASN:HD21	2.25	0.52
1:A:727:MET:HE2	1:A:760:LEU:HB3	1.91	0.52
1:A:743:HIS:O	1:A:747:GLY:N	2.43	0.52
1:A:755:ARG:HH12	2:b:483:SER:N	2.07	0.52
1:A:788:PRO:CD	1:A:828:LEU:HD22	2.40	0.52
1:A:918:SER:HB2	1:A:921:LYS:HD2	1.91	0.52
1:A:1170:ARG:O	1:A:1174:MET:N	2.29	0.52
1:A:1920:ASN:HB2	1:A:1952:LEU:HD23	1.91	0.52
1:A:2082:GLN:NE2	1:A:2086:ARG:HH12	2.07	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:2253:TYR:CZ	1:A:2257:LYS:HG2	2.45	0.52
2:B:790:ALA:O	2:B:803:SER:N	2.40	0.52
3:C:36:ARG:NH1	3:C:74:ASN:H	2.08	0.52
3:C:189:ASN:ND2	3:C:193:ASN:H	2.07	0.52
3:C:276:CYS:HB2	3:C:285:ILE:HD11	1.92	0.52
3:C:291:ASP:O	3:C:293:LEU:HG	2.10	0.52
1:a:943:LEU:CD2	1:a:951:SER:HB2	2.40	0.52
1:a:1566:LYS:O	1:a:1570:LEU:N	2.36	0.52
1:a:1790:TRP:C	1:a:1891:SER:HB3	2.35	0.52
1:a:1901:GLN:HE21	1:a:1905:ARG:NH2	1.97	0.52
2:b:801:GLY:HA3	2:b:892:VAL:HG21	1.92	0.52
3:c:130:PRO:HG2	3:c:148:GLN:HB2	1.91	0.52
1:A:578:ASP:HA	1:A:582:ILE:H	1.75	0.52
1:A:1078:MET:HB3	1:A:1110:TYR:CZ	2.45	0.52
1:A:1113:LEU:HD21	1:a:771:TYR:CD1	2.45	0.52
1:A:1521:TRP:CZ2	1:A:1642:LEU:HD21	2.45	0.52
1:A:1669:ALA:O	1:A:1673:LEU:N	2.32	0.52
1:A:1720:PHE:O	1:A:1724:MET:HG2	2.10	0.52
1:A:1874:SER:HB3	1:A:1916:TRP:CH2	2.45	0.52
1:A:2115:LEU:C	1:A:2117:GLN:H	2.18	0.52
1:A:2245:THR:HB	1:A:2341:PRO:O	2.10	0.52
1:A:2387:MET:HB2	1:A:2391:GLY:HA3	1.92	0.52
1:A:2393:ASP:OD1	1:A:2397:ARG:NH1	2.33	0.52
1:A:2526:GLU:O	1:A:2530:LYS:N	2.29	0.52
2:B:1230:VAL:HA	2:B:1241:PRO:HA	1.91	0.52
3:C:20:TYR:HB2	3:C:313:LYS:HB3	1.91	0.52
3:C:21:ASP:HB3	3:C:311:HIS:HD2	1.74	0.52
1:a:908:GLN:OE1	1:a:1568:ARG:HB3	2.09	0.52
1:a:1185:GLY:O	1:a:1188:TYR:HB3	2.09	0.52
1:a:1562:GLN:HA	1:a:1565:ASP:OD2	2.10	0.52
1:a:1900:LEU:HB2	1:a:1937:GLN:HE22	1.75	0.52
1:a:2055:HIS:HB3	1:a:2082:GLN:NE2	2.25	0.52
1:a:2245:THR:HB	1:a:2341:PRO:O	2.10	0.52
1:a:2494:ASN:O	1:a:2498:ILE:HG13	2.09	0.52
1:a:2523:THR:HA	1:a:2526:GLU:HB3	1.91	0.52
2:b:534:MET:HA	2:b:537:PHE:HA	1.92	0.52
1:A:596:GLY:O	1:A:600:THR:N	2.34	0.52
1:A:777:LYS:HZ2	1:A:821:PHE:HB2	1.75	0.52
1:A:1188:TYR:OH	1:A:1217:VAL:HG23	2.10	0.52
1:A:1546:TYR:O	1:A:1550:LEU:N	2.37	0.52
1:A:1569:ASP:HA	1:A:1572:ASP:OD2	2.08	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1999:CYS:O	1:A:2003:ASN:HB2	2.10	0.52
1:A:2108:PHE:O	1:A:2111:ILE:N	2.43	0.52
1:A:2253:TYR:HB2	1:A:2302:LEU:HD23	1.92	0.52
1:A:2332:TYR:CZ	1:A:2507:LYS:HE2	2.45	0.52
2:B:148:PHE:O	2:B:192:PHE:HD2	1.93	0.52
1:a:560:GLY:O	1:a:564:GLN:N	2.42	0.52
1:a:743:HIS:O	1:a:747:GLY:N	2.43	0.52
1:a:1107:LEU:HD23	1:a:1145:SER:OG	2.10	0.52
1:a:1637:LEU:HA	1:a:1640:ARG:HB2	1.92	0.52
1:a:1720:PHE:O	1:a:1724:MET:HG2	2.10	0.52
1:a:2140:VAL:O	1:a:2143:THR:OG1	2.21	0.52
1:a:2154:GLN:OE1	1:a:2177:SER:HA	2.11	0.52
1:a:2387:MET:HB2	1:a:2391:GLY:HA3	1.92	0.52
2:b:210:ALA:HA	2:b:213:ARG:HB2	1.92	0.52
2:b:1172:LEU:HA	2:b:1183:ALA:HA	1.92	0.52
3:c:15:LEU:HD23	3:c:308:TYR:HE2	1.75	0.52
3:c:36:ARG:NH1	3:c:74:ASN:H	2.08	0.52
1:A:712:ILE:HG23	1:A:715:VAL:N	2.25	0.51
1:A:1060:VAL:HA	1:A:1063:LEU:HB2	1.92	0.51
1:A:1551:ALA:CB	1:A:1560:ALA:HB2	2.34	0.51
1:A:1562:GLN:HA	1:A:1565:ASP:OD2	2.10	0.51
1:A:1611:ARG:C	1:A:1613:GLU:H	2.18	0.51
1:A:2013:SER:HA	1:A:2016:LEU:HD12	1.92	0.51
2:B:1050:ASP:HB2	2:B:1105:ASN:HD21	1.75	0.51
3:C:257:GLU:OE2	3:C:259:SER:HB2	2.10	0.51
1:a:1633:TRP:HA	1:a:1636:ILE:HD12	1.91	0.51
1:a:1910:TRP:NE1	1:a:1953:VAL:HG13	2.25	0.51
1:a:1939:ILE:HA	1:a:1942:LEU:HD12	1.91	0.51
1:a:2335:GLY:HA3	1:a:2362:PHE:HA	1.91	0.51
1:a:2366:MET:HE1	1:a:2531:GLN:HE22	1.75	0.51
1:A:743:HIS:HB2	1:A:789:ASP:HB3	1.91	0.51
1:A:757:LEU:HD23	1:A:760:LEU:HD12	1.92	0.51
1:A:1028:ARG:HD3	1:A:1032:ASP:OD2	2.11	0.51
1:A:1445:ILE:C	1:A:1449:TRP:HD1	2.18	0.51
1:A:1649:ASP:CG	1:A:1652:THR:HB	2.35	0.51
1:A:2048:PHE:O	1:A:2052:GLU:N	2.41	0.51
1:A:2335:GLY:HA3	1:A:2362:PHE:HA	1.91	0.51
1:A:2366:MET:HE1	1:A:2531:GLN:HE22	1.75	0.51
1:A:2494:ASN:O	1:A:2498:ILE:HG13	2.09	0.51
2:B:498:ILE:O	2:B:500:ALA:N	2.43	0.51
2:B:801:GLY:HA3	2:B:892:VAL:HG11	1.92	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:C:15:LEU:HD23	3:C:308:TYR:HE2	1.75	0.51
1:a:588:THR:N	1:a:589:LEU:HA	2.25	0.51
1:a:685:ALA:HA	1:a:688:ALA:HB3	1.92	0.51
1:a:841:LEU:HA	1:a:844:LEU:HD11	1.91	0.51
1:a:1069:LEU:HA	1:a:1072:PRO:HD2	1.91	0.51
1:a:1188:TYR:HE1	1:a:1213:ILE:HA	1.75	0.51
1:a:1445:ILE:C	1:a:1449:TRP:HD1	2.18	0.51
1:a:1874:SER:HB3	1:a:1916:TRP:CH2	2.45	0.51
1:a:1932:ILE:HD11	1:a:1964:ILE:HA	1.92	0.51
1:a:2253:TYR:CZ	1:a:2257:LYS:HG2	2.45	0.51
3:c:15:LEU:HD11	3:c:286:VAL:HG11	1.91	0.51
1:A:615:HIS:HA	1:A:618:ILE:HD12	1.92	0.51
1:A:624:ARG:HD3	1:A:636:LEU:HD23	1.93	0.51
1:A:814:ARG:HB3	1:A:815:LYS:HA	1.92	0.51
1:A:970:MET:CB	1:A:972:VAL:H	2.20	0.51
1:A:1784:ARG:O	1:A:1790:TRP:NE1	2.41	0.51
1:A:1790:TRP:C	1:A:1891:SER:HB3	2.35	0.51
2:B:534:MET:HA	2:B:537:PHE:HA	1.92	0.51
2:B:648:LEU:O	2:B:652:VAL:N	2.44	0.51
1:a:364:ASP:CB	1:a:401:ALA:HB1	2.41	0.51
1:a:647:THR:O	1:a:650:GLN:HB2	2.11	0.51
1:a:712:ILE:HG23	1:a:715:VAL:N	2.25	0.51
1:a:1090:ARG:HG3	1:a:1090:ARG:O	2.11	0.51
1:a:1991:ALA:O	1:a:1994:ILE:N	2.44	0.51
1:a:2183:VAL:HG12	1:a:2239:TRP:HB3	1.92	0.51
2:b:143:GLU:HB3	2:b:145:ARG:O	2.10	0.51
3:c:57:ILE:O	3:c:68:TYR:N	2.25	0.51
3:c:224:LEU:HD11	3:c:272:TRP:CE3	2.44	0.51
1:A:878:GLN:NE2	1:A:1621:GLU:O	2.42	0.51
1:A:918:SER:OG	1:A:921:LYS:HB2	2.10	0.51
1:A:989:PHE:HB2	1:A:990:LEU:HG	1.92	0.51
1:A:1900:LEU:HB2	1:A:1937:GLN:HE22	1.75	0.51
1:A:1936:LEU:HD11	1:A:1968:HIS:CE1	2.45	0.51
1:A:1991:ALA:O	1:A:1994:ILE:N	2.44	0.51
1:A:2136:LEU:C	1:A:2138:LEU:H	2.19	0.51
1:A:2213:PRO:O	1:A:2216:LEU:HB3	2.11	0.51
1:A:2376:PRO:HD3	1:A:2531:GLN:CG	2.41	0.51
2:B:161:ASN:HB2	2:B:209:PHE:CE1	2.46	0.51
2:B:1183:ALA:N	2:B:1191:ARG:O	2.36	0.51
1:a:640:HIS:CD2	1:a:672:ARG:HG2	2.46	0.51
1:a:725:PHE:C	1:a:728:PRO:HD2	2.36	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:907:ASP:O	1:a:911:ASP:N	2.32	0.51
1:a:989:PHE:HB2	1:a:990:LEU:HG	1.92	0.51
1:a:1014:GLN:C	1:a:1018:MET:HG2	2.36	0.51
1:a:2086:ARG:HA	1:a:2089:MET:HG3	1.91	0.51
1:a:2124:GLN:HA	1:a:2128:PRO:HG3	1.93	0.51
1:a:2397:ARG:HG2	1:a:2401:HIS:NE2	2.25	0.51
2:b:498:ILE:O	2:b:500:ALA:N	2.43	0.51
2:b:1069:ARG:HB2	2:b:1087:ALA:HB3	1.93	0.51
3:c:257:GLU:OE2	3:c:259:SER:HB2	2.10	0.51
3:c:291:ASP:O	3:c:293:LEU:HG	2.10	0.51
1:A:576:ALA:O	1:A:580:GLY:N	2.40	0.51
1:A:865:LEU:HD21	1:A:903:ILE:HG12	1.93	0.51
1:A:1014:GLN:C	1:A:1018:MET:HG2	2.36	0.51
1:A:1393:TYR:HB3	1:A:1423:LEU:HD13	1.92	0.51
1:A:1512:MET:O	1:A:1516:ALA:N	2.25	0.51
1:A:1901:GLN:OE1	1:A:2413:SER:OG	2.16	0.51
1:A:2128:PRO:O	1:A:2132:MET:N	2.39	0.51
1:A:2183:VAL:HG12	1:A:2239:TRP:HB3	1.92	0.51
2:B:267:LEU:HA	2:B:347:PHE:CG	2.46	0.51
2:B:688:GLU:O	2:B:692:TYR:N	2.44	0.51
2:B:1172:LEU:HA	2:B:1182:VAL:O	2.11	0.51
3:C:59:ALA:N	3:C:66:ARG:O	2.33	0.51
1:a:576:ALA:O	1:a:580:GLY:N	2.40	0.51
1:a:1188:TYR:OH	1:a:1217:VAL:HG23	2.10	0.51
1:a:1193:PRO:O	1:a:1197:LYS:NZ	2.38	0.51
1:a:2108:PHE:O	1:a:2111:ILE:N	2.43	0.51
2:b:161:ASN:HB2	2:b:209:PHE:CE1	2.46	0.51
2:b:1168:CYS:O	2:b:1186:GLY:N	2.36	0.51
2:b:1172:LEU:HA	2:b:1182:VAL:O	2.11	0.51
3:c:36:ARG:HB2	3:c:74:ASN:OD1	2.11	0.51
3:c:179:ASP:HB2	3:c:232:SER:OG	2.11	0.51
1:A:655:VAL:O	1:A:659:LEU:HG	2.11	0.51
1:A:679:LEU:HB3	1:A:680:ASP:HA	1.92	0.51
1:A:795:ILE:O	1:A:799:LEU:HG	2.10	0.51
1:A:1003:VAL:HG12	1:A:1015:GLN:NE2	2.26	0.51
1:A:1092:VAL:HG13	1:A:1095:LYS:HB2	1.93	0.51
1:A:1188:TYR:CE1	1:A:1213:ILE:HA	2.46	0.51
1:A:1395:LYS:O	1:A:1398:HIS:HB3	2.11	0.51
1:A:1618:ILE:O	1:A:1622:ARG:N	2.24	0.51
1:A:1720:PHE:O	1:A:1724:MET:N	2.37	0.51
1:A:2010:MET:O	1:A:2014:GLU:HG3	2.11	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:2055:HIS:HB3	1:A:2082:GLN:NE2	2.25	0.51
1:A:2407:LEU:O	1:A:2410:HIS:N	2.44	0.51
1:A:2511:ARG:CG	1:A:2515:HIS:HA	2.41	0.51
3:C:81:TYR:CE1	3:C:114:LEU:HD22	2.46	0.51
1:a:1048:ILE:H	1:a:1084:HIS:HE1	1.58	0.51
1:a:1491:GLY:O	1:a:1495:GLN:HG3	2.10	0.51
1:a:1691:THR:HG23	1:a:1720:PHE:CE1	2.45	0.51
1:a:2005:LEU:HB2	1:a:2137:GLU:CD	2.36	0.51
1:a:2213:PRO:O	1:a:2216:LEU:HB3	2.11	0.51
1:a:2376:PRO:HD3	1:a:2531:GLN:CG	2.41	0.51
2:b:148:PHE:O	2:b:192:PHE:HD2	1.93	0.51
2:b:1094:ARG:HG2	2:b:1118:MET:HB2	1.93	0.51
1:A:588:THR:N	1:A:589:LEU:HA	2.25	0.51
1:A:908:GLN:OE1	1:A:1568:ARG:HB3	2.09	0.51
1:A:1573:ALA:O	1:A:1576:THR:OG1	2.29	0.51
1:A:1932:ILE:HD11	1:A:1964:ILE:HA	1.92	0.51
2:B:1101:ASP:HA	2:B:1104:LYS:HG2	1.93	0.51
3:C:54:ARG:HD2	3:C:323:SER:H	1.74	0.51
1:a:615:HIS:HA	1:a:618:ILE:HD12	1.92	0.51
1:a:757:LEU:HD23	1:a:760:LEU:HD12	1.92	0.51
1:a:829:GLN:O	1:a:833:LEU:HG	2.10	0.51
1:a:918:SER:OG	1:a:921:LYS:HB2	2.10	0.51
1:a:1341:ILE:HA	1:a:1344:ALA:HB3	1.93	0.51
1:a:1428:ALA:HB2	1:a:2395:ASN:ND2	2.26	0.51
1:a:2173:THR:HA	1:a:2183:VAL:HA	1.93	0.51
1:a:2511:ARG:CG	1:a:2515:HIS:HA	2.41	0.51
2:b:267:LEU:HA	2:b:347:PHE:CG	2.46	0.51
3:c:267:GLU:O	3:c:269:SER:N	2.44	0.51
1:A:636:LEU:HD11	1:A:656:LEU:HD13	1.93	0.51
1:A:717:ARG:HH22	1:A:748:ARG:HD2	1.76	0.51
1:A:829:GLN:O	1:A:833:LEU:HG	2.10	0.51
1:A:872:LEU:HD22	1:A:876:GLN:O	2.11	0.51
1:A:920:SER:OG	1:A:1627:GLN:NE2	2.43	0.51
1:A:1087:SER:OG	1:A:1088:PRO:HA	2.11	0.51
1:A:1188:TYR:HE1	1:A:1213:ILE:HA	1.75	0.51
1:A:1207:GLN:O	1:A:1211:VAL:HG23	2.10	0.51
1:A:1491:GLY:O	1:A:1495:GLN:HG3	2.10	0.51
1:A:1749:ARG:O	1:A:1753:LYS:HG2	2.11	0.51
1:A:2008:GLN:HA	1:A:2011:MET:HE2	1.93	0.51
1:A:2154:GLN:OE1	1:A:2177:SER:HA	2.10	0.51
2:B:96:GLN:HB3	2:B:99:LEU:CB	2.41	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:C:267:GLU:O	3:C:269:SER:N	2.44	0.51
1:a:624:ARG:HD3	1:a:636:LEU:HD23	1.92	0.51
1:a:1595:MET:SD	1:a:1635:LYS:HB3	2.51	0.51
1:a:1661:GLY:HA2	1:a:1666:LEU:HD23	1.92	0.51
1:a:1805:LYS:O	1:a:1808:ASN:HB3	2.11	0.51
1:a:1936:LEU:HD11	1:a:1968:HIS:CE1	2.45	0.51
2:b:1050:ASP:HB2	2:b:1105:ASN:HD21	1.75	0.51
2:b:1101:ASP:HA	2:b:1104:LYS:HG2	1.93	0.51
3:c:95:GLU:H	3:c:140:GLN:NE2	2.09	0.51
1:A:697:PHE:HA	1:A:708:ARG:NH1	2.24	0.51
1:A:732:LYS:HZ2	1:A:738:LEU:HD13	1.76	0.51
1:A:755:ARG:HH22	2:b:482:SER:N	2.08	0.51
1:A:1415:SER:O	1:A:1418:SER:OG	2.27	0.51
1:A:1684:GLN:H	1:A:1687:HIS:CD2	2.29	0.51
1:A:1980:SER:OG	1:A:2010:MET:HE1	2.11	0.51
1:A:1988:HIS:CD2	1:A:1992:ASN:ND2	2.79	0.51
1:A:2005:LEU:HB2	1:A:2137:GLU:CD	2.36	0.51
1:A:2170:ARG:HB2	1:A:2186:LEU:HB3	1.92	0.51
1:A:2173:THR:HA	1:A:2183:VAL:HA	1.93	0.51
2:B:385:ALA:O	2:B:389:CYS:N	2.35	0.51
2:B:792:SER:O	2:B:801:GLY:N	2.39	0.51
1:a:313:ILE:CB	1:a:321:ALA:HB1	2.41	0.51
1:a:1003:VAL:HG12	1:a:1015:GLN:NE2	2.26	0.51
1:a:1087:SER:OG	1:a:1088:PRO:HA	2.11	0.51
1:a:1092:VAL:HG13	1:a:1095:LYS:HB2	1.93	0.51
1:a:1188:TYR:CE1	1:a:1213:ILE:HA	2.46	0.51
1:a:1382:LEU:HD23	1:a:1385:GLU:OE1	2.11	0.51
1:a:1385:GLU:CD	1:a:1396:ALA:HA	2.36	0.51
1:a:1691:THR:HG21	1:a:1724:MET:HE1	1.91	0.51
1:a:2010:MET:O	1:a:2014:GLU:HG3	2.11	0.51
1:a:2013:SER:HA	1:a:2016:LEU:HB2	1.93	0.51
3:c:289:SER:O	3:c:315:VAL:N	2.44	0.51
1:A:698:VAL:HG11	1:a:1191:PHE:HE1	1.76	0.51
1:A:713:CYS:O	1:A:714:THR:OG1	2.27	0.51
1:A:725:PHE:C	1:A:728:PRO:HD2	2.36	0.51
1:A:1090:ARG:HG3	1:A:1090:ARG:O	2.11	0.51
1:A:1159:ILE:CG2	1:A:1198:VAL:HG11	2.41	0.51
1:A:1637:LEU:HA	1:A:1640:ARG:HB2	1.92	0.51
1:A:1910:TRP:NE1	1:A:1953:VAL:HG13	2.25	0.51
1:A:2077:ASP:HA	1:A:2080:GLU:HB3	1.93	0.51
1:A:2107:VAL:O	1:A:2110:ARG:HB2	2.11	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:2295:ALA:O	1:A:2381:ARG:NH1	2.35	0.51
1:A:2376:PRO:HD3	1:A:2531:GLN:HG2	1.93	0.51
2:B:895:GLN:HB3	2:B:898:SER:O	2.11	0.51
3:C:91:VAL:HA	3:C:102:THR:HG22	1.93	0.51
1:a:997:PHE:O	1:a:1000:VAL:N	2.44	0.51
1:a:1393:TYR:HB3	1:a:1423:LEU:HD13	1.92	0.51
1:a:1551:ALA:CB	1:a:1560:ALA:HB2	2.34	0.51
1:a:1920:ASN:O	1:a:1924:VAL:HG23	2.11	0.51
1:a:2048:PHE:HB3	1:a:2052:GLU:CD	2.36	0.51
2:b:492:VAL:O	2:b:494:ILE:N	2.42	0.51
2:b:688:GLU:O	2:b:692:TYR:N	2.44	0.51
2:b:789:ARG:HB2	2:b:890:ASN:HA	1.93	0.51
3:c:59:ALA:N	3:c:66:ARG:O	2.33	0.51
1:A:717:ARG:HH12	1:A:748:ARG:CD	2.23	0.50
1:A:830:ASP:O	1:A:833:LEU:N	2.43	0.50
1:A:997:PHE:O	1:A:1000:VAL:N	2.44	0.50
1:A:1135:ALA:O	1:A:1139:VAL:HG23	2.11	0.50
2:B:143:GLU:HB3	2:B:145:ARG:O	2.10	0.50
2:B:1042:ASP:C	2:B:1044:ASP:H	2.19	0.50
2:B:1069:ARG:HB2	2:B:1087:ALA:HB3	1.93	0.50
3:C:36:ARG:HB2	3:C:74:ASN:OD1	2.11	0.50
3:C:238:CYS:HA	3:C:273:MET:CG	2.42	0.50
1:a:349:PRO:N	1:a:350:SER:HA	2.27	0.50
1:a:594:PHE:HA	1:a:597:HIS:CD2	2.46	0.50
1:a:710:LEU:HD23	1:a:741:LEU:HD11	1.93	0.50
1:a:1159:ILE:CG2	1:a:1198:VAL:HG11	2.41	0.50
1:a:1395:LYS:O	1:a:1398:HIS:HB3	2.11	0.50
1:a:1944:ALA:C	1:a:1987:ARG:HH12	2.20	0.50
1:a:1988:HIS:CD2	1:a:1992:ASN:ND2	2.79	0.50
1:a:2170:ARG:HB2	1:a:2186:LEU:HB3	1.92	0.50
2:b:648:LEU:O	2:b:652:VAL:N	2.44	0.50
3:c:66:ARG:HB3	3:c:68:TYR:CE2	2.46	0.50
3:c:238:CYS:HA	3:c:273:MET:CG	2.41	0.50
3:c:295:ARG:HG2	3:c:307:GLU:CD	2.36	0.50
1:A:313:ILE:CB	1:A:321:ALA:HB1	2.41	0.50
1:A:750:LYS:NZ	1:A:790:PRO:HA	2.27	0.50
1:A:837:ARG:O	1:A:839:VAL:N	2.45	0.50
1:A:973:GLN:N	1:A:1011:PHE:HE1	2.09	0.50
1:A:1067:PHE:HD1	1:A:1069:LEU:HB2	1.76	0.50
1:A:1163:LEU:CD2	1:A:1202:HIS:HB2	2.38	0.50
1:A:2010:MET:O	1:A:2014:GLU:N	2.33	0.50

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:2027:TRP:HH2	1:A:2055:HIS:CG	2.30	0.50
2:B:587:ASN:O	2:B:591:ALA:N	2.25	0.50
3:C:179:ASP:HB2	3:C:232:SER:OG	2.11	0.50
1:a:679:LEU:HB3	1:a:680:ASP:OD1	2.12	0.50
1:a:872:LEU:HD22	1:a:876:GLN:O	2.11	0.50
1:a:1619:TRP:HH2	1:a:1643:VAL:HG11	1.77	0.50
1:a:1982:SER:OG	1:a:1984:THR:O	2.13	0.50
1:a:2027:TRP:HH2	1:a:2055:HIS:CG	2.30	0.50
1:a:2081:ALA:HA	1:a:2084:TRP:CD1	2.46	0.50
2:b:89:ASP:HB2	2:b:153:HIS:HA	1.93	0.50
1:A:364:ASP:CB	1:A:401:ALA:HB1	2.41	0.50
1:A:594:PHE:HA	1:A:597:HIS:CD2	2.46	0.50
1:A:631:THR:O	1:A:634:ILE:N	2.40	0.50
1:A:685:ALA:HA	1:A:688:ALA:HB3	1.92	0.50
1:A:1174:MET:HE1	1:A:1208:ARG:N	2.27	0.50
1:A:1341:ILE:HA	1:A:1344:ALA:HB3	1.93	0.50
1:A:1385:GLU:CD	1:A:1396:ALA:HA	2.36	0.50
1:A:1577:ALA:C	1:A:1579:ALA:H	2.20	0.50
1:A:1619:TRP:HH2	1:A:1643:VAL:HG11	1.77	0.50
1:A:1920:ASN:O	1:A:1924:VAL:HG23	2.11	0.50
2:B:161:ASN:O	2:B:164:VAL:HB	2.10	0.50
3:C:81:TYR:CZ	3:C:114:LEU:HD22	2.47	0.50
3:C:229:SER:O	3:C:232:SER:N	2.36	0.50
1:a:702:ASP:HA	1:a:705:PHE:CD2	2.42	0.50
1:a:833:LEU:HD23	1:a:836:LYS:HD2	1.94	0.50
1:a:920:SER:N	1:a:1627:GLN:OE1	2.39	0.50
1:a:2107:VAL:O	1:a:2110:ARG:HB2	2.11	0.50
1:a:2372:PRO:HB2	1:a:2374:LYS:CE	2.41	0.50
1:a:2526:GLU:O	1:a:2529:ILE:HB	2.12	0.50
2:b:613:PRO:HA	2:b:617:CYS:H	1.75	0.50
3:c:91:VAL:HA	3:c:102:THR:HG22	1.93	0.50
1:A:640:HIS:CD2	1:A:672:ARG:HG2	2.46	0.50
1:A:757:LEU:O	1:A:761:VAL:N	2.36	0.50
1:A:833:LEU:HD23	1:A:836:LYS:HD2	1.94	0.50
1:A:850:SER:O	1:A:854:VAL:HG23	2.12	0.50
1:A:970:MET:CE	1:A:973:GLN:HB2	2.42	0.50
1:A:981:SER:HB2	1:A:985:LYS:CE	2.41	0.50
1:A:1046:THR:O	1:A:1048:ILE:HG12	2.11	0.50
1:A:1595:MET:SD	1:A:1635:LYS:HB3	2.51	0.50
1:A:1715:GLN:HG3	1:A:1719:HIS:CD2	2.47	0.50
1:A:2081:ALA:HA	1:A:2084:TRP:CD1	2.46	0.50

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
2:B:1172:LEU:HA	2:B:1183:ALA:HA	1.93	0.50
3:C:221:ARG:HD3	3:C:241:ASP:HB3	1.94	0.50
3:C:295:ARG:HG2	3:C:307:GLU:CD	2.36	0.50
1:a:679:LEU:HB3	1:a:680:ASP:HA	1.92	0.50
1:a:850:SER:O	1:a:854:VAL:HG23	2.12	0.50
1:a:888:LEU:O	1:a:892:GLY:N	2.34	0.50
1:a:970:MET:CE	1:a:973:GLN:HB2	2.42	0.50
1:a:2421:PHE:O	1:a:2430:ARG:NH2	2.42	0.50
3:c:271:GLY:HA2	3:c:290:SER:HB2	1.93	0.50
1:A:638:SER:C	1:A:640:HIS:HB2	2.37	0.50
1:A:1114:LEU:O	1:A:1117:PRO:HD2	2.12	0.50
1:A:1496:GLN:HA	1:A:1499:GLU:HB2	1.92	0.50
1:A:1661:GLY:HA2	1:A:1666:LEU:HD23	1.92	0.50
1:A:2022:LEU:O	1:A:2026:MET:HG3	2.12	0.50
1:A:2054:LEU:O	1:A:2057:MET:HB3	2.11	0.50
1:A:2526:GLU:O	1:A:2529:ILE:HB	2.12	0.50
3:C:95:GLU:H	3:C:140:GLN:NE2	2.09	0.50
3:C:213:LYS:HD3	3:C:252:PHE:CE2	2.47	0.50
1:a:631:THR:O	1:a:634:ILE:N	2.41	0.50
1:a:732:LYS:HZ2	1:a:738:LEU:HD13	1.76	0.50
1:a:837:ARG:O	1:a:839:VAL:N	2.45	0.50
1:a:973:GLN:N	1:a:1011:PHE:HE1	2.09	0.50
1:a:982:LEU:HD22	1:a:986:CYS:SG	2.51	0.50
1:a:1028:ARG:HD3	1:a:1032:ASP:OD2	2.11	0.50
1:a:1115:LEU:HD23	1:a:1118:ILE:HD12	1.93	0.50
1:a:1571:LEU:HA	1:a:1574:GLU:HB3	1.94	0.50
1:a:1573:ALA:O	1:a:1576:THR:OG1	2.29	0.50
1:a:1784:ARG:O	1:a:1790:TRP:NE1	2.41	0.50
1:a:2022:LEU:HB3	1:a:2024:HIS:CE1	2.47	0.50
1:a:2253:TYR:HB2	1:a:2302:LEU:HD23	1.92	0.50
1:a:2281:MET:HE2	3:c:224:LEU:HD21	1.93	0.50
1:a:2407:LEU:O	1:a:2410:HIS:N	2.44	0.50
1:A:1382:LEU:HD23	1:A:1385:GLU:OE1	2.11	0.50
1:A:1566:LYS:O	1:A:1569:ASP:N	2.45	0.50
1:A:1581:GLU:HG2	1:A:1584:SER:CB	2.31	0.50
1:A:1733:ALA:O	1:A:1736:ASP:N	2.42	0.50
1:A:2013:SER:HA	1:A:2016:LEU:HB2	1.93	0.50
1:A:2048:PHE:HB3	1:A:2052:GLU:CD	2.36	0.50
3:C:28:GLN:HB2	3:C:30:HIS:CE1	2.46	0.50
3:C:207:VAL:HG12	3:C:209:GLN:HG2	1.94	0.50
1:a:771:TYR:CB	1:a:783:LEU:HD21	2.42	0.50

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:775:ILE:C	1:a:776:LEU:HG	2.37	0.50
1:a:878:GLN:NE2	1:a:1621:GLU:O	2.42	0.50
1:a:1046:THR:OG1	1:a:1048:ILE:HG23	2.12	0.50
1:a:1715:GLN:HG3	1:a:1719:HIS:CD2	2.46	0.50
1:a:1878:LEU:HD12	1:a:1916:TRP:HE3	1.77	0.50
1:a:2191:ASP:HA	1:a:2232:THR:O	2.12	0.50
3:c:22:HIS:HB3	3:c:41:GLN:HG2	1.93	0.50
3:c:81:TYR:CE1	3:c:114:LEU:HD22	2.46	0.50
3:c:213:LYS:HD3	3:c:252:PHE:CE2	2.47	0.50
3:c:236:ALA:HB1	3:c:244:CYS:SG	2.52	0.50
1:A:1048:ILE:H	1:A:1084:HIS:HE1	1.58	0.50
1:A:1428:ALA:HB2	1:A:2395:ASN:ND2	2.26	0.50
2:B:492:VAL:O	2:B:494:ILE:N	2.42	0.50
2:B:613:PRO:HA	2:B:617:CYS:H	1.75	0.50
2:B:1094:ARG:HG2	2:B:1118:MET:HB2	1.93	0.50
3:C:276:CYS:HA	3:C:286:VAL:O	2.11	0.50
1:a:776:LEU:HD13	1:a:817:VAL:HG23	1.94	0.50
1:a:865:LEU:HD21	1:a:903:ILE:HG12	1.93	0.50
1:a:986:CYS:C	1:a:988:GLN:H	2.20	0.50
1:a:1036:THR:HG22	1:a:1073:GLN:HE21	1.77	0.50
1:a:1877:LEU:O	1:a:1881:THR:OG1	2.29	0.50
1:A:679:LEU:HD11	1:A:715:VAL:HG11	1.93	0.50
1:A:1115:LEU:HD23	1:A:1118:ILE:HD12	1.92	0.50
1:A:1615:ILE:HA	1:A:1618:ILE:HD12	1.93	0.50
1:A:1618:ILE:HA	1:A:1621:GLU:OE1	2.12	0.50
1:A:2022:LEU:HB3	1:A:2024:HIS:CE1	2.47	0.50
1:A:2032:GLU:O	1:A:2036:ARG:HG2	2.12	0.50
1:A:2036:ARG:O	1:A:2040:GLY:N	2.43	0.50
1:A:2077:ASP:O	1:A:2081:ALA:N	2.38	0.50
1:A:2313:TRP:HH2	1:A:2317:ARG:NH1	2.10	0.50
1:A:2372:PRO:HB2	1:A:2374:LYS:CE	2.41	0.50
1:A:2388:GLU:O	1:A:2391:GLY:N	2.45	0.50
2:B:789:ARG:HB2	2:B:890:ASN:HA	1.93	0.50
3:C:199:LEU:HA	3:C:209:GLN:O	2.12	0.50
1:a:654:ASP:O	1:a:657:SER:OG	2.26	0.50
1:a:717:ARG:HH22	1:a:748:ARG:HD2	1.76	0.50
1:a:717:ARG:NH1	1:a:748:ARG:HD2	2.22	0.50
1:a:750:LYS:NZ	1:a:790:PRO:HA	2.27	0.50
1:a:862:PRO:O	1:a:865:LEU:HB2	2.12	0.50
1:a:947:TYR:HB2	1:a:950:VAL:CG2	2.42	0.50
1:a:981:SER:HB2	1:a:985:LYS:CE	2.41	0.50

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:1046:THR:O	1:a:1048:ILE:HG12	2.11	0.50
1:a:1138:THR:O	1:a:1141:ARG:N	2.45	0.50
2:b:654:ASP:O	2:b:658:MET:N	2.37	0.50
2:b:895:GLN:HB3	2:b:898:SER:O	2.11	0.50
2:b:1049:TRP:HE3	2:b:1055:GLU:HA	1.76	0.50
3:c:207:VAL:HG12	3:c:209:GLN:HG2	1.94	0.50
1:A:320:GLN:O	1:A:323:GLN:N	2.45	0.50
1:A:719:SER:OG	1:A:722:ASN:ND2	2.45	0.50
1:A:1742:GLU:N	1:A:1742:GLU:OE1	2.43	0.50
1:A:1805:LYS:O	1:A:1808:ASN:HB3	2.11	0.50
1:A:2191:ASP:HA	1:A:2232:THR:O	2.12	0.50
1:A:2421:PHE:O	1:A:2430:ARG:NH2	2.42	0.50
2:B:205:SER:O	2:B:209:PHE:N	2.37	0.50
2:B:263:PHE:HZ	2:B:436:VAL:HA	1.76	0.50
3:C:54:ARG:HD3	3:C:323:SER:HB2	1.94	0.50
3:C:68:TYR:HB3	3:C:75:PRO:HG2	1.94	0.50
3:C:130:PRO:HG2	3:C:148:GLN:HB3	1.93	0.50
3:C:289:SER:O	3:C:315:VAL:N	2.44	0.50
1:a:341:GLY:C	1:a:344:GLY:H	2.20	0.50
1:a:638:SER:C	1:a:640:HIS:HB2	2.37	0.50
1:a:655:VAL:O	1:a:659:LEU:HG	2.11	0.50
1:a:920:SER:OG	1:a:1627:GLN:NE2	2.43	0.50
1:a:1202:HIS:CD2	1:a:1204:ILE:HD11	2.41	0.50
1:a:1380:ILE:O	1:a:1383:LEU:N	2.45	0.50
1:a:1435:TYR:CZ	1:a:1439:HIS:CD2	3.00	0.50
1:a:1611:ARG:C	1:a:1613:GLU:H	2.18	0.50
1:a:1980:SER:OG	1:a:2010:MET:HE1	2.11	0.50
1:a:2008:GLN:HA	1:a:2011:MET:HE2	1.93	0.50
1:a:2054:LEU:O	1:a:2057:MET:HB3	2.11	0.50
1:a:2289:HIS:HA	1:a:2292:ASN:ND2	2.27	0.50
1:a:2541:CYS:HB2	1:a:2547:PRO:HG3	1.91	0.50
3:c:81:TYR:CZ	3:c:114:LEU:HD22	2.47	0.50
1:A:647:THR:O	1:A:650:GLN:HB2	2.11	0.49
1:A:981:SER:HB2	1:A:985:LYS:HE3	1.94	0.49
1:A:982:LEU:HD22	1:A:986:CYS:SG	2.51	0.49
1:A:1036:THR:HG22	1:A:1073:GLN:HE21	1.77	0.49
1:A:1135:ALA:O	1:A:1176:THR:HG22	2.12	0.49
1:A:1485:GLU:OE1	1:A:1515:MET:HG2	2.12	0.49
1:A:1959:GLN:O	1:A:1963:ASP:N	2.38	0.49
1:A:2197:ARG:O	1:A:2200:GLN:HB3	2.12	0.49
2:B:156:PRO:O	2:B:158:PRO:CD	2.46	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:C:39:GLN:HB3	3:C:41:GLN:NE2	2.27	0.49
1:a:636:LEU:HD11	1:a:656:LEU:HD13	1.93	0.49
1:a:669:PRO:HA	1:a:672:ARG:HD2	1.93	0.49
1:a:702:ASP:O	1:a:705:PHE:HB2	2.12	0.49
1:a:970:MET:CB	1:a:972:VAL:H	2.20	0.49
1:a:1623:LEU:HD21	1:a:1633:TRP:CZ2	2.47	0.49
1:a:1626:CYS:HB3	1:a:1628:ARG:HG2	1.93	0.49
1:a:1718:GLN:O	1:a:1722:GLN:HG3	2.12	0.49
1:a:1742:GLU:OE1	1:a:1742:GLU:N	2.43	0.49
1:a:2295:ALA:O	1:a:2381:ARG:NH1	2.35	0.49
1:a:2376:PRO:HD3	1:a:2531:GLN:HG2	1.93	0.49
2:b:83:ARG:HA	2:b:116:ARG:HB2	1.94	0.49
2:b:96:GLN:HB3	2:b:99:LEU:CB	2.41	0.49
2:b:108:LYS:O	2:b:112:ASN:N	2.42	0.49
3:c:13:VAL:HA	3:c:322:ASP:OD1	2.12	0.49
3:c:28:GLN:HB2	3:c:30:HIS:CE1	2.46	0.49
3:c:167:PRO:HB2	3:c:195:TYR:CG	2.47	0.49
3:c:221:ARG:HD3	3:c:241:ASP:HB3	1.94	0.49
3:c:244:CYS:H	3:c:273:MET:HE3	1.76	0.49
1:A:341:GLY:C	1:A:344:GLY:H	2.20	0.49
1:A:667:PRO:O	1:A:670:ASP:HB2	2.13	0.49
1:A:702:ASP:O	1:A:705:PHE:HB2	2.12	0.49
1:A:771:TYR:CB	1:A:783:LEU:HD21	2.42	0.49
1:A:922:SER:N	1:A:1583:TYR:OH	2.46	0.49
1:A:947:TYR:HB2	1:A:950:VAL:CG2	2.42	0.49
1:A:1046:THR:OG1	1:A:1048:ILE:HG23	2.12	0.49
1:A:1138:THR:O	1:A:1141:ARG:N	2.45	0.49
1:A:1188:TYR:CE2	1:A:1220:TYR:HE2	2.30	0.49
1:A:1703:ASN:O	1:A:1707:SER:N	2.41	0.49
1:A:1717:MET:HE3	1:A:1753:LYS:HB2	1.93	0.49
1:A:2124:GLN:HA	1:A:2128:PRO:HG3	1.93	0.49
1:A:2180:HIS:HB2	1:A:2182:PHE:CZ	2.47	0.49
1:A:2289:HIS:HA	1:A:2292:ASN:ND2	2.27	0.49
1:a:697:PHE:CA	1:a:708:ARG:HD2	2.42	0.49
1:a:722:ASN:O	1:a:726:VAL:HG23	2.12	0.49
1:a:732:LYS:NZ	1:a:738:LEU:HD13	2.27	0.49
1:a:920:SER:HB2	1:a:924:GLN:NE2	2.27	0.49
1:a:1110:TYR:CE1	1:a:1113:LEU:HD12	2.47	0.49
1:a:1135:ALA:O	1:a:1139:VAL:HG23	2.11	0.49
1:a:1177:LEU:O	1:a:1181:VAL:HG23	2.12	0.49
1:a:1496:GLN:HA	1:a:1499:GLU:HB2	1.92	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:1566:LYS:O	1:a:1569:ASP:N	2.45	0.49
1:a:1589:ALA:O	1:a:1592:SER:HB2	2.13	0.49
1:a:1717:MET:HE3	1:a:1753:LYS:HB2	1.93	0.49
1:a:1733:ALA:O	1:a:1736:ASP:N	2.42	0.49
1:a:1773:LEU:HA	1:a:1793:TRP:CD1	2.47	0.49
1:a:1964:ILE:HG22	1:a:1972:LEU:HD11	1.93	0.49
1:a:2136:LEU:C	1:a:2138:LEU:H	2.19	0.49
1:a:2423:TYR:O	1:a:2428:ASN:ND2	2.45	0.49
2:b:413:LEU:HA	2:b:416:PHE:HB2	1.93	0.49
2:b:1042:ASP:C	2:b:1044:ASP:H	2.20	0.49
3:c:199:LEU:HA	3:c:209:GLN:O	2.12	0.49
3:c:276:CYS:HA	3:c:286:VAL:O	2.11	0.49
1:A:600:THR:O	1:A:604:ARG:HG3	2.12	0.49
1:A:871:PHE:O	1:A:875:GLU:N	2.45	0.49
1:A:912:ALA:HB1	1:A:1597:SER:HB3	1.95	0.49
1:A:1129:LEU:HB3	1:A:1133:LYS:NZ	2.26	0.49
1:A:1202:HIS:CD2	1:A:1204:ILE:HD11	2.41	0.49
1:A:1380:ILE:O	1:A:1383:LEU:N	2.45	0.49
1:A:1888:PHE:O	1:A:1891:SER:OG	2.29	0.49
1:A:1901:GLN:HE21	1:A:1905:ARG:NH2	1.97	0.49
1:A:1944:ALA:C	1:A:1987:ARG:HH12	2.20	0.49
1:A:2012:VAL:O	1:A:2016:LEU:HG	2.12	0.49
1:A:2404:MET:HB3	1:A:2521:VAL:HG13	1.95	0.49
2:B:89:ASP:CG	2:B:152:GLY:C	2.81	0.49
3:C:66:ARG:HB3	3:C:68:TYR:CE2	2.46	0.49
1:a:631:THR:O	1:a:633:SER:N	2.45	0.49
1:a:668:ASP:O	1:a:672:ARG:N	2.26	0.49
1:a:767:LEU:O	1:a:770:PRO:HG2	2.12	0.49
1:a:871:PHE:O	1:a:875:GLU:N	2.45	0.49
1:a:972:VAL:HG13	1:a:975:ILE:HD12	1.95	0.49
1:a:1067:PHE:HD1	1:a:1069:LEU:HB2	1.76	0.49
1:a:1129:LEU:HB3	1:a:1133:LYS:NZ	2.26	0.49
1:a:1206:HIS:HB3	1:a:1207:GLN:HG2	1.94	0.49
1:a:2230:LEU:HB2	1:a:2234:SER:OG	2.13	0.49
1:a:2534:SER:O	1:a:2538:LEU:HG	2.13	0.49
2:b:584:ILE:O	2:b:587:ASN:N	2.45	0.49
2:b:1183:ALA:N	2:b:1191:ARG:O	2.36	0.49
3:c:68:TYR:HB3	3:c:75:PRO:HG2	1.94	0.49
3:c:87:ASN:HB2	3:c:105:GLU:OE2	2.12	0.49
1:A:349:PRO:N	1:A:350:SER:HA	2.27	0.49
1:A:594:PHE:HA	1:A:597:HIS:HD2	1.78	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1187:LYS:HG3	1:A:1191:PHE:CE2	2.48	0.49
1:A:1435:TYR:CZ	1:A:1439:HIS:CD2	3.00	0.49
1:A:1543:GLY:O	1:A:1547:ARG:NH1	2.43	0.49
1:A:1768:THR:O	1:A:1772:VAL:HG22	2.13	0.49
1:A:1773:LEU:HA	1:A:1793:TRP:CD1	2.47	0.49
1:A:1789:ALA:O	1:A:1793:TRP:N	2.45	0.49
3:C:167:PRO:HB2	3:C:195:TYR:CG	2.47	0.49
3:C:174:THR:OG1	3:C:188:VAL:HG13	2.12	0.49
3:C:271:GLY:HA2	3:C:290:SER:HB2	1.93	0.49
1:a:600:THR:O	1:a:604:ARG:HG3	2.12	0.49
1:a:722:ASN:O	1:a:725:PHE:N	2.46	0.49
1:a:777:LYS:HE3	1:a:819:GLU:HA	1.95	0.49
1:a:939:GLY:O	1:a:943:LEU:HG	2.12	0.49
1:a:1114:LEU:O	1:a:1117:PRO:HD2	2.12	0.49
1:a:1485:GLU:OE1	1:a:1515:MET:HG2	2.12	0.49
1:a:2022:LEU:O	1:a:2026:MET:HG3	2.11	0.49
1:a:2115:LEU:HB2	1:a:2116:PRO:HD3	1.95	0.49
1:a:2266:ARG:HB2	1:a:2266:ARG:CZ	2.43	0.49
2:b:1085:LEU:N	2:b:1096:TRP:HD1	2.10	0.49
3:c:130:PRO:HG2	3:c:148:GLN:HB3	1.93	0.49
1:A:631:THR:O	1:A:633:SER:N	2.45	0.49
1:A:710:LEU:HD23	1:A:741:LEU:HD11	1.93	0.49
1:A:851:THR:O	1:A:855:VAL:N	2.40	0.49
1:A:920:SER:HB2	1:A:924:GLN:NE2	2.28	0.49
1:A:1040:GLU:O	1:A:1044:MET:HG2	2.12	0.49
1:A:1571:LEU:HA	1:A:1574:GLU:HB3	1.94	0.49
1:A:2056:ALA:O	1:A:2059:GLU:HB3	2.12	0.49
1:A:2146:PRO:HG2	1:A:2147:ASN:ND2	2.28	0.49
1:A:2189:HIS:N	1:A:2233:ASN:O	2.46	0.49
1:A:2214:THR:HG22	1:A:2218:LYS:HG3	1.94	0.49
1:A:2379:LEU:HD21	1:A:2392:LEU:HD21	1.94	0.49
2:B:422:MET:CG	2:B:434:PRO:HD2	2.43	0.49
2:B:482:SER:H	1:a:755:ARG:NH2	2.10	0.49
2:B:1049:TRP:HE3	2:B:1055:GLU:HA	1.76	0.49
3:C:86:LYS:HB2	3:C:105:GLU:HB2	1.95	0.49
3:C:137:HIS:O	3:C:140:GLN:N	2.29	0.49
3:C:244:CYS:H	3:C:273:MET:HE3	1.76	0.49
1:a:1028:ARG:HG3	1:a:1029:PRO:CA	2.41	0.49
1:a:1174:MET:HE1	1:a:1208:ARG:N	2.26	0.49
1:a:1618:ILE:HA	1:a:1621:GLU:OE1	2.12	0.49
1:a:1684:GLN:H	1:a:1687:HIS:CD2	2.29	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:2029:GLU:HG3	1:a:2030:GLY:N	2.28	0.49
2:b:263:PHE:HZ	2:b:436:VAL:HA	1.76	0.49
3:c:153:HIS:HD2	3:c:162:ASN:ND2	2.09	0.49
1:A:722:ASN:O	1:A:725:PHE:N	2.46	0.49
1:A:1882:VAL:N	1:A:1883:PRO:HD2	2.28	0.49
1:A:1964:ILE:HG22	1:A:1972:LEU:HD11	1.93	0.49
1:A:2534:SER:O	1:A:2538:LEU:HG	2.13	0.49
2:B:413:LEU:HA	2:B:416:PHE:HB2	1.93	0.49
3:C:13:VAL:HA	3:C:322:ASP:OD1	2.12	0.49
3:C:139:ASN:HD21	3:C:142:GLU:CD	2.21	0.49
1:a:948:PRO:HA	1:a:951:SER:OG	2.13	0.49
1:a:1404:PHE:CE2	1:a:2389:VAL:HB	2.48	0.49
1:a:1615:ILE:HA	1:a:1618:ILE:HD12	1.93	0.49
1:a:2079:MET:O	1:a:2082:GLN:HB3	2.12	0.49
1:a:2183:VAL:C	1:a:2184:PHE:HD1	2.21	0.49
1:a:2189:HIS:N	1:a:2233:ASN:O	2.46	0.49
3:c:39:GLN:HB3	3:c:41:GLN:NE2	2.27	0.49
3:c:51:THR:OG1	3:c:53:ASP:OD1	2.22	0.49
1:A:624:ARG:HG2	1:A:635:HIS:HB3	1.94	0.49
1:A:679:LEU:HB3	1:A:680:ASP:OD1	2.12	0.49
1:A:732:LYS:NZ	1:A:738:LEU:HD13	2.27	0.49
1:A:862:PRO:O	1:A:865:LEU:HB2	2.12	0.49
1:A:974:ALA:HA	1:A:977:PHE:CD2	2.48	0.49
1:A:988:GLN:HG2	1:A:989:PHE:CD2	2.47	0.49
1:A:993:VAL:HB	1:A:1030:TYR:HH	1.78	0.49
1:A:1028:ARG:HG3	1:A:1029:PRO:CA	2.41	0.49
1:A:1110:TYR:CE1	1:A:1113:LEU:HD12	2.47	0.49
1:A:1177:LEU:O	1:A:1181:VAL:HG23	2.12	0.49
1:A:1389:LYS:N	1:A:1392:ALA:HB3	2.28	0.49
1:A:2101:TRP:HB3	1:A:2105:TYR:HE2	1.78	0.49
2:B:447:LEU:O	2:B:450:LEU:N	2.37	0.49
3:C:22:HIS:HB3	3:C:41:GLN:HG2	1.93	0.49
1:a:719:SER:OG	1:a:722:ASN:ND2	2.45	0.49
1:a:844:LEU:O	1:a:845:GLY:C	2.56	0.49
1:a:918:SER:HA	1:a:1627:GLN:HB2	1.94	0.49
1:a:1040:GLU:O	1:a:1044:MET:HG2	2.12	0.49
1:a:1070:TYR:C	1:a:1074:LEU:HG	2.38	0.49
1:a:1135:ALA:O	1:a:1176:THR:HG22	2.12	0.49
1:a:1901:GLN:OE1	1:a:2413:SER:OG	2.16	0.49
1:a:2278:LEU:O	1:a:2283:LYS:HE2	2.13	0.49
1:a:2285:GLU:OE1	3:c:274:TRP:HZ2	1.95	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:2388:GLU:O	1:a:2391:GLY:N	2.45	0.49
3:c:203:ILE:HG12	3:c:208:THR:HB	1.95	0.49
3:c:284:TYR:HB3	3:c:296:LEU:HD11	1.94	0.49
1:A:697:PHE:CA	1:A:708:ARG:HD2	2.42	0.49
1:A:755:ARG:HH21	2:b:479:LEU:C	2.20	0.49
1:A:886:ARG:O	1:A:890:LEU:HG	2.13	0.49
1:A:986:CYS:C	1:A:988:GLN:H	2.20	0.49
1:A:1101:GLN:O	1:A:1104:GLY:N	2.45	0.49
1:A:1712:ASP:HA	1:A:1715:GLN:CB	2.42	0.49
1:A:2285:GLU:OE1	3:C:274:TRP:HZ2	1.95	0.49
1:A:2308:PRO:HD2	1:A:2312:VAL:HG11	1.95	0.49
1:A:2423:TYR:O	1:A:2428:ASN:ND2	2.45	0.49
1:A:2535:HIS:HD2	1:A:2538:LEU:HD12	1.78	0.49
3:C:236:ALA:HB1	3:C:244:CYS:SG	2.52	0.49
3:C:284:TYR:HB3	3:C:296:LEU:HD11	1.94	0.49
1:a:744:SER:O	1:a:747:GLY:N	2.45	0.49
1:a:1629:ILE:H	1:a:1629:ILE:HD12	1.78	0.49
1:a:2180:HIS:HB2	1:a:2182:PHE:CZ	2.47	0.49
1:a:2254:ARG:HH21	1:a:2549:TRP:NE1	2.11	0.49
2:b:670:LEU:O	2:b:674:TYR:N	2.34	0.49
3:c:54:ARG:HD3	3:c:323:SER:HB2	1.94	0.49
3:c:174:THR:OG1	3:c:188:VAL:HG13	2.12	0.49
3:c:200:THR:OG1	3:c:209:GLN:HB2	2.13	0.49
1:A:776:LEU:HD13	1:A:817:VAL:HG23	1.94	0.49
1:A:972:VAL:HG13	1:A:975:ILE:HD12	1.95	0.49
1:A:1623:LEU:HD21	1:A:1633:TRP:CZ2	2.47	0.49
1:A:1917:PRO:O	1:A:1921:GLU:HG3	2.13	0.49
1:A:2012:VAL:HG12	1:A:2016:LEU:HG	1.95	0.49
1:A:2079:MET:O	1:A:2082:GLN:HB3	2.12	0.49
1:A:2281:MET:HE2	3:C:224:LEU:HD21	1.93	0.49
2:B:89:ASP:HB2	2:B:153:HIS:HA	1.93	0.49
3:C:107:CYS:SG	3:C:130:PRO:HA	2.53	0.49
3:C:248:ARG:HB2	3:C:251:ASN:HB2	1.95	0.49
1:a:594:PHE:HA	1:a:597:HIS:HD2	1.78	0.49
1:a:679:LEU:HD11	1:a:715:VAL:HG11	1.93	0.49
1:a:704:VAL:HG12	1:a:708:ARG:CZ	2.43	0.49
1:a:1057:GLU:HB3	1:a:1101:GLN:OE1	2.12	0.49
1:a:1389:LYS:N	1:a:1392:ALA:HB3	2.28	0.49
1:a:1577:ALA:C	1:a:1579:ALA:H	2.20	0.49
1:a:1749:ARG:O	1:a:1753:LYS:HG2	2.11	0.49
1:a:1808:ASN:HB2	1:a:1873:LEU:HD21	1.95	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:2032:GLU:O	1:a:2036:ARG:HG2	2.12	0.49
1:a:2146:PRO:HG2	1:a:2147:ASN:ND2	2.28	0.49
1:a:2197:ARG:O	1:a:2200:GLN:HB3	2.12	0.49
2:b:132:LYS:O	2:b:136:SER:N	2.34	0.49
1:A:669:PRO:HA	1:A:672:ARG:HD2	1.93	0.49
1:A:939:GLY:O	1:A:943:LEU:HG	2.12	0.49
1:A:1718:GLN:O	1:A:1722:GLN:HG3	2.12	0.49
1:A:2005:LEU:HA	1:A:2008:GLN:HB2	1.95	0.49
1:A:2513:PHE:HB2	1:A:2519:LEU:HD11	1.95	0.49
3:C:20:TYR:CD2	3:C:313:LYS:HD2	2.47	0.49
3:C:49:GLU:HG3	3:C:91:VAL:HG23	1.95	0.49
1:a:624:ARG:HG2	1:a:635:HIS:HB3	1.94	0.49
1:a:974:ALA:HA	1:a:977:PHE:CD2	2.48	0.49
1:a:1582:SER:OG	1:a:1583:TYR:N	2.45	0.49
1:a:1658:SER:O	1:a:1662:LYS:N	2.35	0.49
1:a:1940:PRO:HG2	1:a:1941:GLN:OE1	2.13	0.49
1:a:1945:ARG:NH2	1:a:2425:PRO:HD3	2.28	0.49
1:a:2056:ALA:O	1:a:2059:GLU:HB3	2.12	0.49
1:a:2313:TRP:HH2	1:a:2317:ARG:NH1	2.10	0.49
1:a:2379:LEU:HD21	1:a:2392:LEU:HD21	1.94	0.49
2:b:424:VAL:CG1	2:b:426:ASN:CG	2.86	0.49
3:c:227:ARG:O	3:c:235:LEU:HA	2.13	0.49
3:c:248:ARG:HB2	3:c:251:ASN:HB2	1.95	0.49
1:A:744:SER:O	1:A:747:GLY:N	2.45	0.48
1:A:775:ILE:C	1:A:776:LEU:HG	2.37	0.48
1:A:909:SER:HA	1:A:912:ALA:HB3	1.95	0.48
1:A:1057:GLU:HB3	1:A:1101:GLN:OE1	2.12	0.48
1:A:1586:ALA:HA	1:A:1589:ALA:HB3	1.95	0.48
1:A:1595:MET:HA	1:A:1598:GLU:HB2	1.95	0.48
1:A:1647:HIS:HA	1:A:1650:MET:HE3	1.95	0.48
1:A:1651:ARG:HG3	1:A:1652:THR:N	2.28	0.48
1:A:1940:PRO:HG2	1:A:1941:GLN:OE1	2.13	0.48
1:A:2266:ARG:HB2	1:A:2266:ARG:CZ	2.43	0.48
1:A:2369:GLU:O	1:A:2372:PRO:HD3	2.13	0.48
2:B:147:LEU:HA	2:B:190:SER:OG	2.13	0.48
2:B:211:LEU:HA	2:B:214:GLU:OE1	2.13	0.48
2:B:424:VAL:CG1	2:B:426:ASN:CG	2.86	0.48
2:B:1085:LEU:N	2:B:1096:TRP:HD1	2.10	0.48
3:C:224:LEU:HD11	3:C:272:TRP:CE3	2.44	0.48
3:C:227:ARG:O	3:C:235:LEU:HA	2.13	0.48
1:a:717:ARG:HH12	1:a:748:ARG:CD	2.23	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:988:GLN:HG2	1:a:989:PHE:CD2	2.47	0.48
1:a:1014:GLN:O	1:a:1015:GLN:C	2.56	0.48
1:a:1188:TYR:CE2	1:a:1220:TYR:HE2	2.30	0.48
1:a:2077:ASP:HA	1:a:2080:GLU:HB3	1.93	0.48
1:a:2308:PRO:HD2	1:a:2312:VAL:HG11	1.95	0.48
3:c:107:CYS:SG	3:c:130:PRO:HA	2.53	0.48
1:A:576:ALA:HA	1:A:579:VAL:CB	2.44	0.48
1:A:919:GLU:HA	1:A:1583:TYR:CD1	2.48	0.48
1:A:1028:ARG:HD3	1:A:1032:ASP:CG	2.38	0.48
1:A:1041:PHE:HA	1:A:1044:MET:CG	2.44	0.48
1:A:1878:LEU:HD12	1:A:1916:TRP:HE3	1.77	0.48
1:A:1899:ASN:OD1	1:A:1899:ASN:N	2.44	0.48
1:A:2228:ILE:O	1:A:2236:LEU:N	2.40	0.48
2:B:1194:ASP:HB3	2:B:1215:VAL:HG13	1.95	0.48
3:C:87:ASN:HB2	3:C:105:GLU:OE2	2.12	0.48
3:C:203:ILE:HG12	3:C:208:THR:HB	1.95	0.48
1:a:922:SER:N	1:a:1583:TYR:OH	2.46	0.48
1:a:1043:VAL:N	1:a:1077:HIS:CE1	2.73	0.48
1:a:1754:LEU:O	1:a:1758:GLN:N	2.31	0.48
1:a:2012:VAL:O	1:a:2016:LEU:HG	2.12	0.48
1:a:2272:ALA:HB1	1:a:2278:LEU:HD11	1.94	0.48
2:b:210:ALA:O	2:b:211:LEU:C	2.56	0.48
3:c:86:LYS:HB3	3:c:105:GLU:OE1	2.13	0.48
3:c:86:LYS:HB2	3:c:105:GLU:HB2	1.95	0.48
1:A:659:LEU:HB2	1:A:660:LEU:O	2.13	0.48
1:A:1067:PHE:HB3	1:A:1069:LEU:N	2.27	0.48
1:A:1070:TYR:C	1:A:1074:LEU:HG	2.38	0.48
1:A:1400:LYS:CD	1:A:1416:LEU:HA	2.40	0.48
1:A:1513:ALA:O	1:A:1517:ALA:N	2.23	0.48
1:A:1545:PHE:HD2	1:A:1546:TYR:CD2	2.32	0.48
1:A:1582:SER:OG	1:A:1583:TYR:N	2.45	0.48
1:A:1589:ALA:O	1:A:1592:SER:HB2	2.12	0.48
1:A:2129:LYS:O	1:A:2132:MET:HB3	2.14	0.48
1:a:919:GLU:HA	1:a:1583:TYR:CD1	2.48	0.48
1:a:1474:PRO:HB3	1:a:1508:THR:OG1	2.13	0.48
1:a:1515:MET:O	1:a:1519:ALA:N	2.42	0.48
1:a:1882:VAL:N	1:a:1883:PRO:HD2	2.28	0.48
1:a:1917:PRO:O	1:a:1921:GLU:HG3	2.13	0.48
1:a:2076:ARG:NH1	1:a:2077:ASP:OD1	2.47	0.48
1:a:2214:THR:HG22	1:a:2218:LYS:HG3	1.94	0.48
1:a:2513:PHE:HB2	1:a:2519:LEU:HD11	1.95	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:2535:HIS:HD2	1:a:2538:LEU:HD12	1.78	0.48
2:b:728:ALA:HA	2:b:729:VAL:HA	1.70	0.48
1:A:1014:GLN:O	1:A:1015:GLN:C	2.56	0.48
1:A:1152:ALA:O	1:A:1187:LYS:NZ	2.33	0.48
1:A:1490:TRP:CE3	1:A:1519:ALA:HA	2.48	0.48
1:A:2029:GLU:HG3	1:A:2030:GLY:N	2.28	0.48
1:A:2105:TYR:O	1:A:2109:ARG:HG2	2.14	0.48
1:A:2254:ARG:HH21	1:A:2549:TRP:NE1	2.11	0.48
2:B:83:ARG:HA	2:B:116:ARG:HB2	1.94	0.48
2:B:108:LYS:O	2:B:112:ASN:N	2.42	0.48
2:B:778:ILE:N	2:B:1251:GLN:O	2.47	0.48
3:C:137:HIS:CG	3:C:138:PRO:HD2	2.49	0.48
1:a:320:GLN:O	1:a:323:GLN:N	2.45	0.48
1:a:1037:LEU:HB3	1:a:1041:PHE:HE2	1.79	0.48
1:a:1342:GLU:O	1:a:1346:THR:N	2.32	0.48
1:a:1768:THR:O	1:a:1772:VAL:HG22	2.13	0.48
1:a:2005:LEU:HA	1:a:2008:GLN:HB2	1.95	0.48
1:a:2404:MET:HB3	1:a:2521:VAL:HG13	1.95	0.48
3:c:139:ASN:HD21	3:c:142:GLU:CD	2.21	0.48
3:c:143:LEU:O	3:c:155:TRP:N	2.29	0.48
1:A:661:VAL:HG11	1:A:669:PRO:HG3	1.96	0.48
1:A:869:LEU:HB2	1:A:870:ASN:OD1	2.14	0.48
1:A:1009:ARG:HB3	1:A:1013:PHE:CE2	2.49	0.48
1:A:1393:TYR:CB	1:A:1423:LEU:HD13	2.44	0.48
1:A:1404:PHE:CE2	1:A:2389:VAL:HB	2.48	0.48
1:A:1667:ALA:HA	1:A:1670:HIS:HB3	1.96	0.48
1:A:2030:GLY:O	1:A:2034:ALA:N	2.30	0.48
1:A:2076:ARG:NH1	1:A:2077:ASP:OD1	2.47	0.48
1:A:2193:ARG:HH22	1:A:2429:TRP:HZ2	1.62	0.48
2:B:133:LEU:HA	2:B:136:SER:CB	2.44	0.48
2:B:156:PRO:C	2:B:158:PRO:HD3	2.37	0.48
2:B:210:ALA:O	2:B:211:LEU:C	2.56	0.48
2:B:584:ILE:O	2:B:587:ASN:N	2.45	0.48
1:a:659:LEU:HB2	1:a:660:LEU:O	2.13	0.48
1:a:726:VAL:C	1:a:728:PRO:HD2	2.39	0.48
1:a:788:PRO:CD	1:a:828:LEU:HD22	2.40	0.48
1:a:981:SER:HB2	1:a:985:LYS:HE3	1.94	0.48
1:a:1041:PHE:HA	1:a:1044:MET:CG	2.44	0.48
1:a:1115:LEU:N	1:a:1116:PRO:HD2	2.28	0.48
1:a:1140:ASP:O	1:a:1144:GLU:HG3	2.14	0.48
1:a:1187:LYS:HG3	1:a:1191:PHE:CE2	2.48	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:1490:TRP:CE3	1:a:1519:ALA:HA	2.48	0.48
1:a:1586:ALA:HA	1:a:1589:ALA:HB3	1.95	0.48
1:a:1899:ASN:OD1	1:a:1899:ASN:N	2.44	0.48
1:a:2025:GLU:HA	1:a:2028:HIS:HB3	1.96	0.48
1:a:2031:LEU:HD13	1:a:2108:PHE:HB2	1.95	0.48
1:a:2194:GLN:O	1:a:2198:VAL:HG23	2.13	0.48
1:a:2267:ILE:HA	1:a:2270:ARG:HB3	1.95	0.48
1:a:2510:GLY:HA2	1:a:2524:GLN:NE2	2.28	0.48
2:b:386:VAL:O	2:b:390:LEU:N	2.35	0.48
1:A:659:LEU:H	1:A:660:LEU:HA	1.79	0.48
1:A:779:LEU:O	1:A:782:LYS:N	2.47	0.48
1:A:844:LEU:O	1:A:845:GLY:C	2.56	0.48
1:A:1629:ILE:H	1:A:1629:ILE:HD12	1.78	0.48
1:A:1808:ASN:HB2	1:A:1873:LEU:HD21	1.95	0.48
1:A:2230:LEU:HB2	1:A:2234:SER:OG	2.13	0.48
1:A:2284:VAL:O	1:A:2288:GLU:N	2.29	0.48
3:C:200:THR:OG1	3:C:209:GLN:HB2	2.13	0.48
3:C:291:ASP:CB	3:C:295:ARG:HH22	2.27	0.48
1:a:684:ASP:O	1:a:688:ALA:N	2.38	0.48
1:a:886:ARG:C	1:a:890:LEU:HG	2.39	0.48
1:a:1480:ARG:NH1	1:a:1484:LEU:HD11	2.29	0.48
1:a:1712:ASP:HA	1:a:1715:GLN:CB	2.42	0.48
1:a:1789:ALA:O	1:a:1793:TRP:N	2.45	0.48
1:a:1927:VAL:O	1:a:1930:ILE:HG22	2.14	0.48
1:a:2012:VAL:HG12	1:a:2016:LEU:HG	1.95	0.48
1:a:2101:TRP:HB3	1:a:2105:TYR:HE2	1.78	0.48
1:a:2329:MET:O	1:a:2332:TYR:HB3	2.13	0.48
1:a:2394:GLY:O	1:a:2395:ASN:C	2.57	0.48
2:b:89:ASP:CG	2:b:152:GLY:C	2.81	0.48
2:b:211:LEU:HA	2:b:214:GLU:OE1	2.13	0.48
2:b:217:LEU:HD13	2:b:257:ASP:H	1.78	0.48
2:b:495:TRP:C	2:b:497:LYS:N	2.63	0.48
3:c:79:ILE:HG23	3:c:119:LEU:HD22	1.96	0.48
3:c:132:ASN:H	3:c:146:GLY:C	2.19	0.48
3:c:291:ASP:CB	3:c:295:ARG:HH22	2.27	0.48
1:A:296:HIS:HA	1:A:297:ASP:HA	1.62	0.48
1:A:666:ASP:O	1:A:669:PRO:HG2	2.14	0.48
1:A:698:VAL:HG11	1:a:1191:PHE:CE1	2.49	0.48
1:A:918:SER:HA	1:A:1627:GLN:HB2	1.94	0.48
1:A:948:PRO:HA	1:A:951:SER:OG	2.13	0.48
1:A:1012:LEU:HD23	1:A:1015:GLN:OE1	2.13	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1595:MET:SD	1:A:1635:LYS:HE3	2.53	0.48
1:A:2047:MET:O	1:A:2050:VAL:HB	2.14	0.48
1:A:2339:ARG:HD2	1:A:2344:LEU:HD23	1.96	0.48
2:B:441:LEU:HA	2:B:442:SER:HA	1.55	0.48
3:C:278:PHE:HD1	3:C:282:SER:HB3	1.78	0.48
1:a:1009:ARG:HB3	1:a:1013:PHE:CE2	2.48	0.48
1:a:1028:ARG:HD3	1:a:1032:ASP:CG	2.38	0.48
1:a:1595:MET:SD	1:a:1635:LYS:HE3	2.53	0.48
1:a:1595:MET:HA	1:a:1598:GLU:HB2	1.95	0.48
1:a:1651:ARG:HG3	1:a:1652:THR:N	2.28	0.48
1:a:2032:GLU:O	1:a:2035:SER:OG	2.28	0.48
1:a:2339:ARG:HD2	1:a:2344:LEU:HD23	1.96	0.48
2:b:802:VAL:HG22	2:b:810:GLN:O	2.13	0.48
3:c:49:GLU:HG3	3:c:91:VAL:HG23	1.95	0.48
1:A:604:ARG:HB3	1:A:616:LYS:HE2	1.95	0.48
1:A:722:ASN:O	1:A:726:VAL:HG23	2.13	0.48
1:A:726:VAL:C	1:A:728:PRO:HD2	2.39	0.48
1:A:767:LEU:O	1:A:770:PRO:HG2	2.12	0.48
1:A:777:LYS:HE3	1:A:819:GLU:HA	1.94	0.48
1:A:1091:ILE:O	1:A:1092:VAL:HB	2.14	0.48
1:A:1102:LEU:O	1:A:1105:ALA:N	2.45	0.48
1:A:1945:ARG:NH2	1:A:2425:PRO:HD3	2.28	0.48
1:A:2008:GLN:OE1	1:A:2137:GLU:HG2	2.14	0.48
1:A:2165:SER:HB2	1:A:2169:PRO:CD	2.44	0.48
1:A:2183:VAL:C	1:A:2184:PHE:HD1	2.21	0.48
1:A:2272:ALA:HB1	1:A:2278:LEU:HD11	1.94	0.48
1:A:2297:ASP:O	1:A:2301:LYS:HG3	2.14	0.48
1:A:2329:MET:O	1:A:2332:TYR:HB3	2.13	0.48
2:B:1095:VAL:HB	2:B:1116:SER:HB3	1.96	0.48
3:C:86:LYS:HB3	3:C:105:GLU:OE1	2.13	0.48
3:C:175:SER:OG	3:C:225:GLN:HG3	2.14	0.48
1:a:779:LEU:O	1:a:782:LYS:N	2.47	0.48
1:a:870:ASN:O	1:a:874:THR:N	2.47	0.48
1:a:1334:GLN:O	1:a:1338:ILE:N	2.27	0.48
1:a:1907:LEU:HD21	1:a:1935:TRP:HZ3	1.79	0.48
1:a:2152:ARG:HB2	1:a:2177:SER:CB	2.41	0.48
2:b:133:LEU:HA	2:b:136:SER:CB	2.44	0.48
2:b:1095:VAL:HB	2:b:1116:SER:HB3	1.96	0.48
3:c:284:TYR:HE1	3:c:305:LYS:HZ2	1.59	0.48
1:A:311:ARG:O	1:A:315:PRO:N	2.47	0.48
1:A:704:VAL:HG12	1:A:708:ARG:CZ	2.43	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:886:ARG:C	1:A:890:LEU:HG	2.39	0.48
1:A:1115:LEU:N	1:A:1116:PRO:HD2	2.28	0.48
1:A:1180:LEU:O	1:A:1181:VAL:C	2.57	0.48
1:A:1495:GLN:HB3	1:A:1499:GLU:OE2	2.14	0.48
1:A:1969:PRO:O	1:A:1973:ILE:N	2.38	0.48
1:A:2127:SER:HG	1:A:2130:LEU:HG	1.79	0.48
1:A:2372:PRO:HB2	1:A:2374:LYS:NZ	2.29	0.48
2:B:82:ALA:HB1	2:B:145:ARG:O	2.14	0.48
2:B:133:LEU:HD21	2:B:167:PHE:CE1	2.49	0.48
3:C:150:GLY:HA3	3:C:171:VAL:O	2.14	0.48
3:C:295:ARG:HB3	3:C:304:ILE:HD11	1.96	0.48
1:a:330:LEU:HA	1:a:365:LEU:O	2.14	0.48
1:a:780:ILE:O	1:a:783:LEU:HB2	2.14	0.48
1:a:786:PRO:O	1:a:790:PRO:HD2	2.14	0.48
1:a:912:ALA:HB1	1:a:1597:SER:HB3	1.95	0.48
1:a:975:ILE:C	1:a:979:PHE:HD2	2.22	0.48
1:a:1493:LEU:HG	1:a:1519:ALA:HB2	1.95	0.48
1:a:1728:ALA:HB1	1:a:1740:LYS:HG3	1.96	0.48
1:a:2008:GLN:OE1	1:a:2137:GLU:HG2	2.14	0.48
1:a:2129:LYS:O	1:a:2132:MET:HB3	2.13	0.48
1:a:2297:ASP:O	1:a:2301:LYS:HG3	2.14	0.48
1:a:2369:GLU:O	1:a:2372:PRO:HD3	2.13	0.48
2:b:147:LEU:HA	2:b:190:SER:OG	2.13	0.48
2:b:920:SER:CB	2:b:929:MET:HB2	2.44	0.48
3:c:278:PHE:HB3	3:c:282:SER:OG	2.14	0.48
1:A:807:GLN:O	1:A:810:GLY:N	2.47	0.48
1:A:975:ILE:C	1:A:979:PHE:HD2	2.22	0.48
1:A:1093:SER:O	1:A:1097:LEU:HG	2.14	0.48
2:B:217:LEU:HD13	2:B:257:ASP:H	1.78	0.48
1:a:535:ILE:HA	1:a:536:GLN:HA	1.69	0.48
1:a:648:ALA:O	1:a:652:VAL:N	2.37	0.48
1:a:661:VAL:HG11	1:a:669:PRO:HG3	1.96	0.48
1:a:1184:LEU:HA	1:a:1184:LEU:HD23	1.71	0.48
1:a:1384:GLY:O	1:a:1387:ALA:N	2.39	0.48
1:a:1421:ASN:OD1	1:a:1426:PRO:HA	2.14	0.48
1:a:2048:PHE:O	1:a:2052:GLU:N	2.41	0.48
1:a:2297:ASP:CG	1:a:2301:LYS:HD2	2.39	0.48
1:a:2347:ASP:N	1:a:2352:LYS:O	2.36	0.48
2:b:1194:ASP:HB3	2:b:1215:VAL:HG13	1.95	0.48
3:c:288:ALA:HB1	3:c:315:VAL:O	2.14	0.48
1:A:543:LEU:O	1:A:547:LEU:N	2.42	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:905:MET:C	1:A:1568:ARG:HH21	2.21	0.47
1:A:1012:LEU:O	1:A:1016:LEU:HG	2.14	0.47
1:A:1119:VAL:HG21	1:A:1154:ARG:HB3	1.96	0.47
1:A:1206:HIS:HB3	1:A:1207:GLN:HG2	1.94	0.47
1:A:1506:ASP:O	1:A:1509:GLN:HB3	2.14	0.47
1:A:1913:TYR:CB	1:A:1919:VAL:HG21	2.44	0.47
1:A:1920:ASN:CB	1:A:1952:LEU:HD23	2.44	0.47
1:A:2031:LEU:HD13	1:A:2108:PHE:HB2	1.95	0.47
1:A:2115:LEU:HB2	1:A:2116:PRO:HD3	1.95	0.47
1:A:2140:VAL:HG11	1:A:2182:PHE:HD2	1.79	0.47
1:A:2282:GLN:O	1:A:2285:GLU:N	2.47	0.47
3:C:200:THR:O	3:C:208:THR:HA	2.14	0.47
1:a:311:ARG:O	1:a:315:PRO:N	2.47	0.47
1:a:402:PHE:HA	1:a:403:ARG:C	2.39	0.47
1:a:667:PRO:O	1:a:670:ASP:HB2	2.13	0.47
1:a:886:ARG:O	1:a:890:LEU:HG	2.13	0.47
1:a:1117:PRO:O	1:a:1121:LEU:N	2.47	0.47
1:a:1700:TYR:O	1:a:1703:ASN:HB3	2.14	0.47
1:a:2115:LEU:O	1:a:2118:LEU:HG	2.14	0.47
1:a:2307:SER:OG	1:a:2313:TRP:HB2	2.13	0.47
2:b:133:LEU:HD21	2:b:167:PHE:CE1	2.49	0.47
2:b:422:MET:CG	2:b:434:PRO:HD2	2.43	0.47
2:b:778:ILE:N	2:b:1251:GLN:O	2.47	0.47
3:c:16:ALA:HB3	3:c:319:ALA:HB3	1.96	0.47
3:c:148:GLN:HA	3:c:172:SER:HB2	1.95	0.47
1:A:819:GLU:O	1:A:822:ILE:HG13	2.14	0.47
1:A:1037:LEU:HB3	1:A:1041:PHE:HE2	1.79	0.47
1:A:1191:PHE:CE1	1:a:698:VAL:HG21	2.49	0.47
1:A:1384:GLY:O	1:A:1387:ALA:N	2.39	0.47
1:A:1421:ASN:OD1	1:A:1426:PRO:HA	2.14	0.47
1:A:1444:GLU:O	1:A:1446:GLN:HG3	2.14	0.47
1:A:1593:CYS:O	1:A:1594:HIS:C	2.56	0.47
1:A:1657:ALA:HB1	1:A:1669:ALA:HB1	1.96	0.47
1:A:1941:GLN:H	1:A:1941:GLN:CD	2.22	0.47
1:A:2084:TRP:HB3	1:A:2100:ALA:HB2	1.96	0.47
1:A:2194:GLN:O	1:A:2198:VAL:HG23	2.13	0.47
1:A:2510:GLY:HA2	1:A:2524:GLN:NE2	2.28	0.47
2:B:1072:ALA:O	2:B:1084:LEU:HA	2.14	0.47
3:C:16:ALA:HB3	3:C:319:ALA:HB3	1.96	0.47
3:C:79:ILE:HG23	3:C:119:LEU:HD22	1.96	0.47
3:C:132:ASN:H	3:C:146:GLY:C	2.19	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:C:148:GLN:HA	3:C:172:SER:HB2	1.95	0.47
3:C:278:PHE:HB3	3:C:282:SER:OG	2.14	0.47
1:a:666:ASP:O	1:a:669:PRO:HG2	2.14	0.47
1:a:990:LEU:C	1:a:1030:TYR:OH	2.57	0.47
1:a:1012:LEU:O	1:a:1016:LEU:HG	2.14	0.47
1:a:1430:ALA:O	1:a:1434:GLU:HG2	2.13	0.47
1:a:1920:ASN:CB	1:a:1952:LEU:HD23	2.44	0.47
1:a:2084:TRP:HB3	1:a:2100:ALA:HB2	1.96	0.47
1:a:2245:THR:HA	1:a:2345:MET:HA	1.96	0.47
1:a:2345:MET:HG3	1:a:2354:LEU:HB3	1.96	0.47
3:c:137:HIS:CG	3:c:138:PRO:HD2	2.49	0.47
3:c:200:THR:O	3:c:208:THR:HA	2.14	0.47
3:c:224:LEU:HD12	3:c:273:MET:O	2.14	0.47
3:c:278:PHE:HD1	3:c:282:SER:HB3	1.78	0.47
1:A:918:SER:O	1:A:920:SER:N	2.48	0.47
1:A:1043:VAL:N	1:A:1077:HIS:CE1	2.73	0.47
1:A:1117:PRO:O	1:A:1121:LEU:N	2.47	0.47
1:A:1365:GLU:O	1:A:1368:ASP:N	2.47	0.47
1:A:1378:ASN:O	1:A:1381:VAL:HB	2.14	0.47
1:A:1927:VAL:O	1:A:1930:ILE:HG22	2.14	0.47
1:A:2025:GLU:HA	1:A:2028:HIS:HB3	1.96	0.47
1:A:2307:SER:OG	1:A:2313:TRP:HB2	2.13	0.47
2:B:340:ASP:CG	2:B:341:LEU:H	2.23	0.47
2:B:444:VAL:O	2:B:445:HIS:C	2.56	0.47
3:C:224:LEU:HD12	3:C:273:MET:O	2.14	0.47
1:a:604:ARG:HB3	1:a:616:LYS:HE2	1.95	0.47
1:a:918:SER:O	1:a:920:SER:N	2.47	0.47
1:a:1506:ASP:O	1:a:1509:GLN:HB3	2.14	0.47
1:a:1543:GLY:O	1:a:1547:ARG:NH1	2.43	0.47
1:a:1578:MET:O	1:a:1581:GLU:HB2	2.15	0.47
1:a:1657:ALA:HB1	1:a:1669:ALA:HB1	1.96	0.47
1:a:1667:ALA:HA	1:a:1670:HIS:HB3	1.96	0.47
1:a:2084:TRP:CB	1:a:2100:ALA:HB2	2.44	0.47
1:a:2165:SER:HB2	1:a:2169:PRO:CD	2.44	0.47
1:a:2165:SER:HB2	1:a:2169:PRO:HD2	1.96	0.47
1:a:2424:ASP:HB3	1:a:2427:LEU:HB2	1.96	0.47
3:c:152:ILE:N	3:c:165:LEU:O	2.29	0.47
3:c:175:SER:OG	3:c:225:GLN:HG3	2.14	0.47
1:A:780:ILE:O	1:A:783:LEU:HB2	2.14	0.47
1:A:1152:ALA:HA	1:A:1187:LYS:NZ	2.29	0.47
1:A:1626:CYS:HB3	1:A:1628:ARG:HG2	1.93	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1649:ASP:O	1:A:1652:THR:N	2.47	0.47
1:A:1728:ALA:HB1	1:A:1740:LYS:HG3	1.96	0.47
1:A:1907:LEU:HD21	1:A:1935:TRP:HZ3	1.79	0.47
1:A:2035:SER:HA	1:A:2038:TYR:HB3	1.97	0.47
1:A:2123:LEU:HD23	1:A:2131:LEU:HD13	1.96	0.47
1:A:2267:ILE:HA	1:A:2270:ARG:HB3	1.95	0.47
1:A:2278:LEU:O	1:A:2283:LYS:HE2	2.13	0.47
2:B:802:VAL:HG12	2:B:810:GLN:O	2.13	0.47
2:B:1095:VAL:HB	2:B:1117:ASP:H	1.80	0.47
3:C:32:GLY:HA2	3:C:308:TYR:HE1	1.80	0.47
3:C:40:HIS:HE1	3:C:61:GLY:HA2	1.80	0.47
1:a:576:ALA:HA	1:a:579:VAL:CB	2.44	0.47
1:a:919:GLU:HA	1:a:1583:TYR:CE1	2.50	0.47
1:a:1076:PRO:O	1:a:1079:LEU:HD12	2.14	0.47
1:a:1092:VAL:HG11	1:a:1130:PRO:CB	2.45	0.47
1:a:1125:PRO:HG2	1:a:1127:ALA:H	1.80	0.47
1:a:1152:ALA:HA	1:a:1187:LYS:NZ	2.29	0.47
1:a:1444:GLU:O	1:a:1446:GLN:HG3	2.14	0.47
1:a:1501:TRP:CZ2	1:a:1509:GLN:HG3	2.49	0.47
1:a:1545:PHE:HD2	1:a:1546:TYR:CD2	2.32	0.47
1:a:1633:TRP:CH2	1:a:1659:LEU:HD12	2.50	0.47
1:a:1913:TYR:CB	1:a:1919:VAL:HG21	2.44	0.47
1:a:2026:MET:HA	1:a:2029:GLU:OE2	2.14	0.47
1:a:2123:LEU:HD23	1:a:2131:LEU:HD13	1.96	0.47
1:a:2247:HIS:HA	1:a:2341:PRO:HB2	1.95	0.47
3:c:22:HIS:ND1	3:c:41:GLN:HA	2.30	0.47
3:c:295:ARG:HB3	3:c:304:ILE:HD11	1.96	0.47
1:A:590:GLY:HA3	1:A:591:SER:HA	1.72	0.47
1:A:599:LEU:HA	1:A:602:PHE:HD2	1.79	0.47
1:A:702:ASP:HA	1:A:705:PHE:CD2	2.42	0.47
1:A:786:PRO:O	1:A:790:PRO:HD2	2.14	0.47
1:A:1028:ARG:HA	1:A:1031:MET:HG2	1.97	0.47
1:A:1430:ALA:O	1:A:1434:GLU:HG2	2.14	0.47
1:A:1474:PRO:HB3	1:A:1508:THR:OG1	2.13	0.47
1:A:1612:ARG:O	1:A:1614:ILE:N	2.47	0.47
1:A:2152:ARG:HB2	1:A:2177:SER:CB	2.41	0.47
3:C:21:ASP:N	3:C:21:ASP:OD1	2.47	0.47
3:C:50:VAL:HG11	3:C:70:LEU:CD1	2.45	0.47
1:a:637:ILE:HG13	1:a:672:ARG:NH2	2.29	0.47
1:a:869:LEU:HB2	1:a:870:ASN:OD1	2.14	0.47
1:a:909:SER:HA	1:a:912:ALA:HB3	1.95	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:1012:LEU:HD23	1:a:1015:GLN:OE1	2.13	0.47
1:a:1091:ILE:O	1:a:1092:VAL:HB	2.14	0.47
1:a:1102:LEU:O	1:a:1105:ALA:N	2.45	0.47
1:a:1365:GLU:O	1:a:1368:ASP:N	2.47	0.47
1:a:1593:CYS:O	1:a:1594:HIS:C	2.56	0.47
1:a:1593:CYS:O	1:a:1596:LEU:N	2.47	0.47
1:a:1808:ASN:ND2	1:a:1812:ASP:OD2	2.45	0.47
1:a:2494:ASN:ND2	1:a:2498:ILE:HD11	2.29	0.47
2:b:385:ALA:O	2:b:389:CYS:N	2.35	0.47
2:b:1095:VAL:HB	2:b:1117:ASP:H	1.80	0.47
3:c:188:VAL:HG11	3:c:226:CYS:H	1.80	0.47
1:A:330:LEU:HA	1:A:365:LEU:O	2.14	0.47
1:A:1467:MET:SD	1:A:1480:ARG:HD2	2.55	0.47
1:A:2187:LYS:O	1:A:2234:SER:HA	2.15	0.47
1:A:2297:ASP:CG	1:A:2301:LYS:HD2	2.39	0.47
1:A:2314:PHE:HD1	1:A:2317:ARG:HH21	1.61	0.47
3:C:14:ILE:CD1	3:C:70:LEU:HD13	2.43	0.47
3:C:144:ILE:HG21	3:C:185:MET:SD	2.55	0.47
1:a:599:LEU:HA	1:a:602:PHE:HD2	1.79	0.47
1:a:1067:PHE:HB3	1:a:1069:LEU:N	2.27	0.47
1:a:1093:SER:O	1:a:1097:LEU:HG	2.14	0.47
1:a:1467:MET:SD	1:a:1480:ARG:HD2	2.55	0.47
2:b:627:VAL:C	2:b:630:SER:H	2.22	0.47
3:c:32:GLY:HA2	3:c:308:TYR:HE1	1.80	0.47
3:c:87:ASN:HB2	3:c:105:GLU:CD	2.40	0.47
3:c:98:ARG:CD	3:c:115:ARG:HB2	2.45	0.47
1:A:600:THR:HB	1:A:604:ARG:HE	1.80	0.47
1:A:606:CYS:SG	1:A:613:SER:HB3	2.55	0.47
1:A:654:ASP:HB3	1:A:658:LYS:CE	2.40	0.47
1:A:776:LEU:HA	1:A:777:LYS:HA	1.41	0.47
1:A:851:THR:O	1:A:854:VAL:N	2.47	0.47
1:A:861:TYR:O	1:A:865:LEU:HG	2.15	0.47
1:A:868:LEU:O	1:A:872:LEU:HG	2.15	0.47
1:A:990:LEU:C	1:A:1030:TYR:OH	2.57	0.47
1:A:1099:ALA:HB1	1:A:1137:GLU:OE1	2.15	0.47
1:A:1113:LEU:HD23	1:A:1113:LEU:HA	1.39	0.47
1:A:1125:PRO:HG2	1:A:1127:ALA:H	1.79	0.47
1:A:1480:ARG:NH1	1:A:1484:LEU:HD11	2.29	0.47
1:A:1700:TYR:O	1:A:1703:ASN:HB3	2.14	0.47
1:A:1764:ILE:HA	1:A:1768:THR:HG21	1.97	0.47
1:A:1910:TRP:CH2	1:A:1956:LEU:HB3	2.50	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:2044:VAL:HG11	1:A:2088:TYR:CD2	2.48	0.47
1:A:2084:TRP:CB	1:A:2100:ALA:HB2	2.44	0.47
1:A:2347:ASP:N	1:A:2352:LYS:O	2.36	0.47
1:A:2394:GLY:O	1:A:2395:ASN:C	2.57	0.47
1:A:2503:ARG:O	1:A:2506:ASP:HB2	2.15	0.47
2:B:207:LYS:O	2:B:211:LEU:HG	2.14	0.47
2:B:387:ASP:O	2:B:391:SER:N	2.27	0.47
2:B:920:SER:CB	2:B:929:MET:HB2	2.44	0.47
2:B:1148:ARG:HA	2:B:1161:ILE:HA	1.95	0.47
3:C:8:VAL:HG12	3:C:70:LEU:HB3	1.97	0.47
3:C:98:ARG:CD	3:C:115:ARG:HB2	2.45	0.47
3:C:111:ILE:HD12	3:C:123:ARG:HB2	1.97	0.47
3:C:112:TRP:CE2	3:C:121:CYS:HB3	2.50	0.47
1:a:624:ARG:HD3	1:a:636:LEU:CD2	2.45	0.47
1:a:685:ALA:O	1:a:689:GLN:HG3	2.15	0.47
1:a:713:CYS:O	1:a:714:THR:OG1	2.27	0.47
1:a:717:ARG:HH22	1:a:748:ARG:HH11	1.62	0.47
1:a:758:GLY:O	1:a:761:VAL:HB	2.15	0.47
1:a:807:GLN:O	1:a:810:GLY:N	2.47	0.47
1:a:819:GLU:O	1:a:822:ILE:HG13	2.14	0.47
1:a:1052:ILE:HG22	1:a:1056:ILE:HG13	1.97	0.47
1:a:1101:GLN:O	1:a:1104:GLY:N	2.45	0.47
1:a:1108:ASP:OD1	1:a:1146:LEU:HD12	2.15	0.47
1:a:1119:VAL:HG21	1:a:1154:ARG:HB3	1.96	0.47
1:a:1159:ILE:HG22	1:a:1198:VAL:HG11	1.96	0.47
1:a:1433:LEU:O	1:a:1437:MET:N	2.29	0.47
1:a:1612:ARG:O	1:a:1614:ILE:N	2.47	0.47
1:a:1764:ILE:HA	1:a:1768:THR:HG21	1.97	0.47
1:a:1973:ILE:HG13	1:a:1974:TYR:N	2.30	0.47
1:a:2047:MET:O	1:a:2050:VAL:HB	2.14	0.47
1:a:2105:TYR:O	1:a:2109:ARG:HG2	2.14	0.47
1:a:2282:GLN:O	1:a:2285:GLU:N	2.47	0.47
1:a:2314:PHE:HD1	1:a:2317:ARG:HH21	1.61	0.47
1:a:2372:PRO:HB2	1:a:2374:LYS:NZ	2.29	0.47
2:b:165:TRP:HA	2:b:168:ASN:HB3	1.97	0.47
2:b:340:ASP:CG	2:b:341:LEU:H	2.23	0.47
2:b:444:VAL:O	2:b:445:HIS:C	2.56	0.47
2:b:638:THR:O	2:b:642:HIS:N	2.48	0.47
2:b:780:SER:H	2:b:1250:LEU:HA	1.80	0.47
2:b:1143:ASP:C	2:b:1145:ARG:H	2.21	0.47
3:c:188:VAL:CG1	3:c:226:CYS:H	2.28	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:673:TYR:CD1	1:A:676:LEU:HD12	2.50	0.47
1:A:687:LEU:O	1:A:691:GLU:HG3	2.15	0.47
1:A:833:LEU:CA	1:A:836:LYS:HB2	2.41	0.47
1:A:901:VAL:HG12	1:A:905:MET:HG2	1.97	0.47
1:A:1076:PRO:O	1:A:1079:LEU:HD12	2.14	0.47
1:A:1578:MET:O	1:A:1581:GLU:HB2	2.14	0.47
1:A:1593:CYS:O	1:A:1596:LEU:N	2.47	0.47
1:A:2378:ARG:HG2	1:A:2383:LEU:HD12	1.96	0.47
2:B:1143:ASP:C	2:B:1145:ARG:H	2.21	0.47
3:C:20:TYR:HB2	3:C:313:LYS:CG	2.45	0.47
3:C:188:VAL:HG11	3:C:226:CYS:H	1.80	0.47
1:a:606:CYS:SG	1:a:613:SER:HB3	2.55	0.47
1:a:724:ALA:O	1:a:728:PRO:HD3	2.15	0.47
1:a:851:THR:O	1:a:854:VAL:N	2.47	0.47
1:a:1546:TYR:O	1:a:1550:LEU:N	2.37	0.47
1:a:2035:SER:HA	1:a:2038:TYR:HB3	1.97	0.47
1:a:2044:VAL:HG11	1:a:2088:TYR:CD2	2.48	0.47
1:a:2339:ARG:HD3	1:a:2339:ARG:HA	1.68	0.47
1:a:2378:ARG:HG2	1:a:2383:LEU:HD12	1.96	0.47
1:a:2503:ARG:O	1:a:2506:ASP:HB2	2.15	0.47
2:b:82:ALA:HB1	2:b:145:ARG:O	2.14	0.47
2:b:1137:LEU:HD22	2:b:1151:ASP:HA	1.97	0.47
3:c:21:ASP:N	3:c:21:ASP:OD1	2.47	0.47
3:c:111:ILE:HD12	3:c:123:ARG:HB2	1.97	0.47
3:c:144:ILE:HG21	3:c:185:MET:SD	2.54	0.47
3:c:240:ALA:HA	3:c:272:TRP:CE3	2.49	0.47
1:A:920:SER:C	1:A:1583:TYR:HH	2.22	0.47
1:A:991:PRO:O	1:A:994:MET:HB2	2.15	0.47
1:A:1075:ILE:N	1:A:1078:MET:HG2	2.20	0.47
1:A:1112:HIS:CE1	1:a:767:LEU:HD22	2.46	0.47
1:A:1140:ASP:O	1:A:1144:GLU:HG3	2.14	0.47
1:A:1159:ILE:HG22	1:A:1198:VAL:HG11	1.96	0.47
1:A:1322:PHE:O	1:A:1326:TRP:N	2.38	0.47
1:A:1529:MET:O	1:A:1532:TYR:N	2.47	0.47
1:A:1591:VAL:HG22	1:A:1628:ARG:NH1	2.30	0.47
1:A:1622:ARG:HD2	1:A:1622:ARG:HA	1.68	0.47
1:A:1633:TRP:CH2	1:A:1659:LEU:HD12	2.50	0.47
1:A:1650:MET:O	1:A:1654:LEU:HG	2.15	0.47
1:A:1717:MET:HG2	1:A:1754:LEU:HG	1.97	0.47
1:A:1732:ILE:HD11	1:A:1740:LYS:CD	2.44	0.47
1:A:1973:ILE:HG13	1:A:1974:TYR:N	2.30	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:2128:PRO:CA	1:A:2131:LEU:HB3	2.34	0.47
1:A:2247:HIS:HA	1:A:2341:PRO:HB2	1.95	0.47
1:A:2424:ASP:HB3	1:A:2427:LEU:HB2	1.96	0.47
1:A:2494:ASN:ND2	1:A:2498:ILE:HD11	2.29	0.47
2:B:1041:ALA:HB3	2:B:1047:CYS:H	1.79	0.47
3:C:311:HIS:HB3	3:C:313:LYS:H	1.80	0.47
1:a:634:ILE:HG12	1:a:637:ILE:HD12	1.97	0.47
1:a:795:ILE:O	1:a:798:VAL:HB	2.15	0.47
1:a:861:TYR:HD2	1:a:898:LYS:HZ3	1.58	0.47
1:a:1028:ARG:HA	1:a:1031:MET:HG2	1.97	0.47
1:a:1393:TYR:CB	1:a:1423:LEU:HD13	2.44	0.47
1:a:1804:TYR:HB3	1:a:1873:LEU:HD12	1.97	0.47
1:a:2011:MET:O	1:a:2014:GLU:HB2	2.15	0.47
1:a:2012:VAL:C	1:a:2016:LEU:HG	2.40	0.47
1:a:2187:LYS:O	1:a:2234:SER:HA	2.15	0.47
1:a:2193:ARG:HH22	1:a:2429:TRP:HZ2	1.62	0.47
1:a:2495:LYS:O	1:a:2498:ILE:HB	2.15	0.47
3:c:18:ALA:HA	3:c:311:HIS:NE2	2.30	0.47
3:c:137:HIS:O	3:c:140:GLN:N	2.29	0.47
3:c:196:VAL:HB	3:c:214:THR:H	1.80	0.47
3:c:224:LEU:HD23	3:c:224:LEU:HA	1.69	0.47
3:c:254:LEU:HD21	3:c:257:GLU:HB2	1.97	0.47
1:A:724:ALA:O	1:A:728:PRO:HD3	2.15	0.47
1:A:919:GLU:HA	1:A:1583:TYR:CE1	2.49	0.47
1:A:1436:ALA:HB1	1:A:1440:PHE:O	2.15	0.47
1:A:1493:LEU:HG	1:A:1519:ALA:HB2	1.95	0.47
1:A:1536:ILE:HG22	1:A:1537:PRO:O	2.15	0.47
1:A:1658:SER:O	1:A:1662:LYS:HG3	2.15	0.47
1:A:1741:GLN:O	1:A:1744:HIS:HB2	2.15	0.47
1:A:1804:TYR:HB3	1:A:1873:LEU:HD12	1.97	0.47
1:A:1872:ASP:HA	1:A:1875:LYS:HD2	1.97	0.47
1:A:2345:MET:HG3	1:A:2354:LEU:HB3	1.96	0.47
3:C:22:HIS:ND1	3:C:41:GLN:HA	2.29	0.47
3:C:84:VAL:HG21	3:C:88:ILE:CD1	2.44	0.47
3:C:87:ASN:HB2	3:C:105:GLU:CD	2.40	0.47
3:C:242:GLN:NE2	3:C:261:LYS:HA	2.30	0.47
3:C:254:LEU:HD21	3:C:257:GLU:HB2	1.97	0.47
1:a:673:TYR:CD1	1:a:676:LEU:HD12	2.50	0.47
1:a:765:PRO:O	1:a:768:ILE:N	2.48	0.47
1:a:776:LEU:HA	1:a:777:LYS:HA	1.41	0.47
1:a:976:THR:CA	1:a:979:PHE:HD2	2.28	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:1016:LEU:HB3	1:a:1059:ILE:CD1	2.44	0.47
1:a:1139:VAL:HG13	1:a:1179:SER:CB	2.45	0.47
1:a:1354:THR:O	1:a:1357:LEU:N	2.48	0.47
1:a:1378:ASN:O	1:a:1381:VAL:HB	2.14	0.47
1:a:1400:LYS:CD	1:a:1416:LEU:HA	2.40	0.47
1:a:1495:GLN:HB3	1:a:1499:GLU:OE2	2.14	0.47
2:b:1041:ALA:HB3	2:b:1047:CYS:H	1.79	0.47
2:b:1148:ARG:HA	2:b:1161:ILE:HA	1.95	0.47
3:c:40:HIS:HE1	3:c:61:GLY:HA2	1.80	0.47
3:c:67:MET:HB2	3:c:78:ILE:HB	1.96	0.47
1:A:764:ALA:O	1:A:768:ILE:HG13	2.15	0.46
1:A:844:LEU:HA	1:A:847:LEU:HD12	1.97	0.46
1:A:888:LEU:O	1:A:892:GLY:N	2.34	0.46
1:A:1565:ASP:O	1:A:1568:ARG:HB2	2.15	0.46
1:A:2000:GLU:HG2	1:A:2001:HIS:ND1	2.30	0.46
1:A:2026:MET:HA	1:A:2029:GLU:OE2	2.14	0.46
1:A:2371:PHE:CD1	1:A:2542:TYR:HA	2.50	0.46
1:A:2375:ILE:HG13	1:A:2538:LEU:HD23	1.97	0.46
2:B:165:TRP:HA	2:B:168:ASN:HB3	1.97	0.46
2:B:949:SER:O	2:B:1042:ASP:HB2	2.15	0.46
2:B:1137:LEU:HD22	2:B:1151:ASP:HA	1.97	0.46
3:C:188:VAL:CG1	3:C:226:CYS:H	2.28	0.46
3:C:240:ALA:HA	3:C:272:TRP:CE3	2.49	0.46
1:a:600:THR:HB	1:a:604:ARG:HE	1.80	0.46
1:a:764:ALA:O	1:a:768:ILE:HG13	2.15	0.46
1:a:905:MET:C	1:a:1568:ARG:HH21	2.21	0.46
1:a:1187:LYS:O	1:a:1191:PHE:HB2	2.15	0.46
1:a:1529:MET:O	1:a:1532:TYR:N	2.47	0.46
1:a:1536:ILE:HG22	1:a:1537:PRO:O	2.15	0.46
1:a:1717:MET:HG2	1:a:1754:LEU:HG	1.97	0.46
1:a:1732:ILE:HD11	1:a:1740:LYS:CD	2.44	0.46
1:a:1741:GLN:O	1:a:1744:HIS:HB2	2.15	0.46
2:b:86:CYS:HB2	2:b:119:TYR:HA	1.97	0.46
3:c:50:VAL:HG11	3:c:70:LEU:CD1	2.45	0.46
3:c:150:GLY:HA3	3:c:171:VAL:O	2.14	0.46
3:c:298:CYS:H	3:c:303:GLU:N	2.13	0.46
1:A:402:PHE:HA	1:A:403:ARG:C	2.39	0.46
1:A:637:ILE:HG13	1:A:672:ARG:NH2	2.29	0.46
1:A:685:ALA:O	1:A:689:GLN:HG3	2.15	0.46
1:A:754:ALA:C	1:A:758:GLY:H	2.23	0.46
1:A:976:THR:CA	1:A:979:PHE:HD2	2.28	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1102:LEU:HA	1:A:1102:LEU:HD23	1.71	0.46
1:A:1206:HIS:HB3	1:A:1207:GLN:HG3	1.96	0.46
1:A:1973:ILE:O	1:A:1977:THR:N	2.26	0.46
1:A:2175:MET:HA	1:A:2180:HIS:O	2.15	0.46
1:A:2180:HIS:HB2	1:A:2182:PHE:CE1	2.50	0.46
1:A:2246:LEU:HD12	1:A:2249:LEU:HB2	1.96	0.46
3:C:21:ASP:OD2	3:C:23:THR:OG1	2.29	0.46
3:C:56:MET:HB2	3:C:68:TYR:O	2.15	0.46
3:C:153:HIS:HD2	3:C:162:ASN:ND2	2.09	0.46
1:a:998:LEU:H	1:a:998:LEU:HG	1.22	0.46
1:a:1018:MET:O	1:a:1021:SER:N	2.48	0.46
1:a:1075:ILE:N	1:a:1078:MET:HG2	2.20	0.46
1:a:1647:HIS:HA	1:a:1650:MET:HE3	1.95	0.46
1:a:1804:TYR:CE1	1:a:1876:THR:HG21	2.50	0.46
1:a:2008:GLN:HB3	1:a:2136:LEU:CD2	2.46	0.46
1:a:2136:LEU:O	1:a:2152:ARG:HD3	2.14	0.46
2:b:81:CYS:SG	2:b:144:GLU:HB2	2.55	0.46
2:b:1048:PHE:O	2:b:1056:LYS:HA	2.15	0.46
1:A:643:VAL:HG12	1:A:644:VAL:N	2.31	0.46
1:A:976:THR:N	1:A:979:PHE:HD2	2.14	0.46
1:A:1018:MET:O	1:A:1021:SER:N	2.48	0.46
1:A:1187:LYS:O	1:A:1191:PHE:HB2	2.15	0.46
1:A:1501:TRP:CZ2	1:A:1509:GLN:HG3	2.49	0.46
1:A:2495:LYS:O	1:A:2498:ILE:HB	2.15	0.46
2:B:1094:ARG:HA	2:B:1117:ASP:O	2.15	0.46
2:B:1173:SER:O	2:B:1181:ILE:HA	2.15	0.46
3:C:196:VAL:HB	3:C:214:THR:H	1.80	0.46
3:C:288:ALA:HB1	3:C:315:VAL:O	2.14	0.46
1:a:608:ASP:HB2	1:a:612:ASN:HD22	1.81	0.46
1:a:636:LEU:HB2	1:a:672:ARG:CZ	2.45	0.46
1:a:868:LEU:O	1:a:872:LEU:HG	2.15	0.46
1:a:1141:ARG:HA	1:a:1144:GLU:HB2	1.97	0.46
1:a:1637:LEU:HA	1:a:1637:LEU:HD23	1.68	0.46
1:a:1956:LEU:O	1:a:1960:LEU:N	2.26	0.46
1:a:2180:HIS:HB2	1:a:2182:PHE:CE1	2.50	0.46
1:a:2204:LEU:O	1:a:2207:THR:N	2.49	0.46
2:b:1072:ALA:O	2:b:1084:LEU:HA	2.14	0.46
2:b:1173:SER:O	2:b:1181:ILE:HA	2.15	0.46
3:c:21:ASP:HB3	3:c:311:HIS:CD2	2.50	0.46
3:c:67:MET:HG3	3:c:81:TYR:CE2	2.50	0.46
3:c:143:LEU:HB3	3:c:155:TRP:HE3	1.80	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:691:GLU:HA	1:A:694:GLN:OE1	2.16	0.46
1:A:870:ASN:O	1:A:874:THR:N	2.47	0.46
1:A:943:LEU:HD22	1:A:951:SER:HB2	1.97	0.46
1:A:1012:LEU:O	1:A:1013:PHE:C	2.58	0.46
1:A:1016:LEU:HB3	1:A:1059:ILE:CD1	2.44	0.46
1:A:1614:ILE:HG22	1:A:1618:ILE:HG13	1.98	0.46
1:A:1643:VAL:HG13	1:A:1644:VAL:N	2.30	0.46
1:A:1672:THR:HG22	1:A:1676:LEU:HG	1.96	0.46
1:A:1749:ARG:O	1:A:1753:LYS:N	2.32	0.46
1:A:1804:TYR:CE1	1:A:1876:THR:HG21	2.50	0.46
1:A:1907:LEU:HA	1:A:1907:LEU:HD23	1.69	0.46
1:A:2101:TRP:HB3	1:A:2105:TYR:CE2	2.51	0.46
1:A:2115:LEU:O	1:A:2118:LEU:HG	2.14	0.46
1:A:2183:VAL:O	1:A:2239:TRP:N	2.46	0.46
1:A:2245:THR:HA	1:A:2345:MET:HA	1.96	0.46
2:B:82:ALA:HB1	2:B:143:GLU:HB3	1.98	0.46
2:B:780:SER:H	2:B:1250:LEU:HA	1.80	0.46
3:C:17:THR:HG23	3:C:315:VAL:HG11	1.98	0.46
3:C:298:CYS:H	3:C:303:GLU:N	2.13	0.46
1:a:687:LEU:O	1:a:691:GLU:HG3	2.15	0.46
1:a:836:LYS:O	1:a:840:ALA:N	2.48	0.46
1:a:861:TYR:O	1:a:865:LEU:HG	2.15	0.46
1:a:887:VAL:HA	1:a:890:LEU:HB2	1.97	0.46
1:a:1565:ASP:O	1:a:1568:ARG:HB2	2.15	0.46
1:a:1672:THR:HG22	1:a:1676:LEU:HG	1.96	0.46
1:a:1910:TRP:HE3	1:a:1923:LEU:HD13	1.81	0.46
1:a:2128:PRO:CA	1:a:2131:LEU:HB3	2.34	0.46
2:b:82:ALA:HB1	2:b:143:GLU:HB3	1.98	0.46
3:c:56:MET:HB2	3:c:68:TYR:O	2.15	0.46
3:c:84:VAL:HG21	3:c:88:ILE:CD1	2.44	0.46
1:A:758:GLY:O	1:A:761:VAL:HB	2.15	0.46
1:A:771:TYR:HD1	1:a:1113:LEU:HD21	1.79	0.46
1:A:1019:LEU:O	1:A:1023:VAL:N	2.29	0.46
1:A:1108:ASP:OD1	1:A:1146:LEU:HD12	2.15	0.46
1:A:1193:PRO:HA	1:A:1196:ASN:ND2	2.31	0.46
1:A:1354:THR:O	1:A:1357:LEU:N	2.48	0.46
1:A:1451:GLU:HG3	1:A:1456:TRP:CZ3	2.51	0.46
1:A:1667:ALA:O	1:A:1671:LYS:HG3	2.15	0.46
1:A:2165:SER:HB2	1:A:2169:PRO:HD2	1.96	0.46
1:A:2339:ARG:NH2	1:A:2356:ILE:O	2.48	0.46
1:A:2411:LYS:HE3	1:A:2508:LEU:HB3	1.98	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
2:B:351:LEU:O	2:B:351:LEU:HD23	2.16	0.46
2:B:602:GLU:HA	2:B:603:LYS:CB	2.45	0.46
3:C:67:MET:HG3	3:C:81:TYR:CE2	2.50	0.46
1:a:278:GLU:N	1:a:279:GLY:HA2	2.30	0.46
1:a:854:VAL:HA	1:a:857:PRO:HD2	1.98	0.46
1:a:976:THR:N	1:a:979:PHE:HD2	2.14	0.46
1:a:991:PRO:O	1:a:994:MET:HB2	2.15	0.46
1:a:1031:MET:C	1:a:1033:GLU:N	2.73	0.46
1:a:1206:HIS:HB3	1:a:1207:GLN:HG3	1.96	0.46
1:a:1405:GLN:HE21	1:a:2389:VAL:HG12	1.81	0.46
1:a:1540:THR:HB	1:a:1543:GLY:N	2.26	0.46
1:a:1872:ASP:HA	1:a:1875:LYS:HD2	1.97	0.46
1:a:1910:TRP:CH2	1:a:1956:LEU:HB3	2.50	0.46
1:a:2101:TRP:HB3	1:a:2105:TYR:CE2	2.51	0.46
1:a:2378:ARG:HD3	1:a:2380:THR:CG2	2.45	0.46
2:b:726:ILE:CB	2:b:727:ARG:HA	2.45	0.46
3:c:21:ASP:OD2	3:c:23:THR:OG1	2.29	0.46
3:c:104:GLY:O	3:c:131:ILE:HD12	2.15	0.46
3:c:311:HIS:HB3	3:c:313:LYS:H	1.80	0.46
1:A:629:LEU:O	1:A:632:PRO:HD2	2.16	0.46
1:A:636:LEU:HB2	1:A:672:ARG:CZ	2.45	0.46
1:A:795:ILE:O	1:A:798:VAL:HB	2.15	0.46
1:A:1014:GLN:O	1:A:1017:GLY:N	2.49	0.46
1:A:1092:VAL:HG11	1:A:1130:PRO:CB	2.45	0.46
1:A:2136:LEU:O	1:A:2152:ARG:HD3	2.14	0.46
1:A:2340:HIS:O	1:A:2342:SER:N	2.49	0.46
1:A:2344:LEU:HB2	1:A:2355:HIS:HA	1.98	0.46
3:C:227:ARG:HH12	3:C:278:PHE:N	2.14	0.46
1:a:643:VAL:HG12	1:a:644:VAL:N	2.31	0.46
1:a:654:ASP:HB3	1:a:658:LYS:CE	2.40	0.46
1:a:908:GLN:HB2	1:a:1568:ARG:HH22	1.77	0.46
1:a:915:VAL:HA	1:a:916:SER:OG	2.16	0.46
1:a:1019:LEU:O	1:a:1023:VAL:N	2.29	0.46
1:a:1162:THR:HG21	1:a:1173:ALA:HB2	1.98	0.46
1:a:1180:LEU:O	1:a:1181:VAL:C	2.57	0.46
1:a:1373:PRO:C	1:a:1375:ARG:H	2.24	0.46
1:a:1389:LYS:O	1:a:1393:TYR:CG	2.69	0.46
1:a:1420:ASN:HB3	1:a:1425:GLN:O	2.16	0.46
1:a:1876:THR:HA	1:a:1879:MET:HB3	1.97	0.46
1:a:1915:HIS:CE1	1:a:1950:ARG:HH11	2.34	0.46
1:a:2175:MET:HA	1:a:2180:HIS:O	2.15	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:2288:GLU:O	1:a:2292:ASN:N	2.24	0.46
1:a:2315:ASP:O	1:a:2318:THR:HB	2.16	0.46
1:a:2320:TYR:O	1:a:2321:THR:C	2.58	0.46
1:a:2339:ARG:NH2	1:a:2356:ILE:O	2.48	0.46
2:b:207:LYS:O	2:b:211:LEU:HG	2.14	0.46
2:b:949:SER:O	2:b:1042:ASP:HB2	2.15	0.46
2:b:1213:TRP:HB2	2:b:1215:VAL:HG12	1.98	0.46
3:c:136:LEU:HD23	3:c:140:GLN:NE2	2.31	0.46
1:A:608:ASP:HB2	1:A:612:ASN:HD22	1.81	0.46
1:A:661:VAL:HG21	1:A:669:PRO:HG3	1.97	0.46
1:A:836:LYS:O	1:A:839:VAL:HB	2.16	0.46
1:A:905:MET:HE1	1:A:1565:ASP:HA	1.98	0.46
1:A:906:ILE:HG22	1:A:910:ARG:HG3	1.98	0.46
1:A:1137:GLU:O	1:A:1140:ASP:HB2	2.16	0.46
1:A:1192:ILE:HG22	1:A:1196:ASN:HD21	1.79	0.46
1:A:1389:LYS:O	1:A:1393:TYR:CG	2.69	0.46
1:A:1637:LEU:O	1:A:1641:SER:OG	2.30	0.46
1:A:1915:HIS:O	1:A:1952:LEU:HD22	2.15	0.46
1:A:2115:LEU:HB3	1:A:2168:ARG:HH12	1.81	0.46
3:C:67:MET:HB2	3:C:78:ILE:HB	1.96	0.46
3:C:289:SER:N	3:C:315:VAL:O	2.49	0.46
1:a:661:VAL:HG21	1:a:669:PRO:HG3	1.97	0.46
1:a:891:LEU:O	1:a:892:GLY:C	2.57	0.46
1:a:921:LYS:HE3	1:a:1627:GLN:HE21	1.81	0.46
1:a:974:ALA:O	1:a:977:PHE:HB2	2.16	0.46
1:a:1138:THR:O	1:a:1139:VAL:C	2.59	0.46
1:a:1175:ASP:HA	1:a:1178:SER:OG	2.16	0.46
1:a:1192:ILE:HG22	1:a:1196:ASN:HD21	1.79	0.46
1:a:1643:VAL:HG13	1:a:1644:VAL:N	2.30	0.46
1:a:1720:PHE:O	1:a:1724:MET:N	2.37	0.46
1:a:2000:GLU:HG2	1:a:2001:HIS:ND1	2.30	0.46
1:a:2378:ARG:HD3	1:a:2380:THR:HG22	1.98	0.46
1:a:2411:LYS:HE3	1:a:2508:LEU:HB3	1.98	0.46
2:b:85:GLU:H	2:b:147:LEU:CG	2.28	0.46
2:b:1094:ARG:HA	2:b:1117:ASP:O	2.15	0.46
3:c:20:TYR:HB2	3:c:313:LYS:CG	2.45	0.46
3:c:174:THR:HG23	3:c:190:SER:HA	1.98	0.46
1:A:698:VAL:HG21	1:a:1191:PHE:CE1	2.51	0.46
1:A:706:GLU:O	1:A:710:LEU:N	2.35	0.46
1:A:974:ALA:O	1:A:977:PHE:HB2	2.16	0.46
1:A:1175:ASP:HA	1:A:1178:SER:OG	2.16	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1501:TRP:HZ2	1:A:1509:GLN:HG3	1.81	0.46
1:A:2032:GLU:O	1:A:2035:SER:OG	2.28	0.46
1:A:2204:LEU:O	1:A:2207:THR:N	2.49	0.46
1:A:2320:TYR:O	1:A:2321:THR:C	2.58	0.46
1:A:2368:ARG:O	1:A:2372:PRO:HG3	2.16	0.46
1:A:2378:ARG:HD3	1:A:2380:THR:CG2	2.45	0.46
1:A:2404:MET:HG3	1:A:2521:VAL:HG22	1.97	0.46
2:B:81:CYS:SG	2:B:144:GLU:HB2	2.55	0.46
2:B:163:GLU:O	2:B:167:PHE:CG	2.69	0.46
3:C:18:ALA:HA	3:C:311:HIS:NE2	2.30	0.46
3:C:287:THR:O	3:C:294:ALA:HA	2.16	0.46
1:a:633:SER:O	1:a:637:ILE:HG13	2.16	0.46
1:a:876:GLN:HB3	1:a:880:THR:CG2	2.45	0.46
1:a:972:VAL:HG13	1:a:975:ILE:HB	1.98	0.46
1:a:1137:GLU:O	1:a:1140:ASP:HB2	2.16	0.46
1:a:1501:TRP:O	1:a:1501:TRP:CG	2.69	0.46
1:a:1667:ALA:O	1:a:1671:LYS:HG3	2.15	0.46
1:a:1980:SER:HA	1:a:1995:LEU:HD11	1.98	0.46
1:a:2140:VAL:HG11	1:a:2182:PHE:HD2	1.79	0.46
1:a:2246:LEU:HD12	1:a:2249:LEU:HB2	1.96	0.46
1:a:2404:MET:HG3	1:a:2521:VAL:HG22	1.97	0.46
2:b:207:LYS:HA	2:b:210:ALA:HB3	1.98	0.46
2:b:602:GLU:HA	2:b:603:LYS:CB	2.45	0.46
3:c:14:ILE:CD1	3:c:70:LEU:HD13	2.43	0.46
3:c:106:ASP:OD1	3:c:107:CYS:N	2.49	0.46
3:c:112:TRP:CE2	3:c:121:CYS:HB3	2.50	0.46
3:c:227:ARG:C	3:c:235:LEU:HD12	2.41	0.46
1:A:791:ASN:N	1:A:792:PRO:HD2	2.31	0.46
1:A:828:LEU:H	1:A:828:LEU:HG	1.43	0.46
1:A:972:VAL:HG13	1:A:975:ILE:HB	1.98	0.46
1:A:1052:ILE:HG22	1:A:1056:ILE:HG13	1.97	0.46
1:A:1381:VAL:HG11	1:A:1399:TYR:CE1	2.51	0.46
1:A:1480:ARG:NH1	1:A:1496:GLN:HE22	2.14	0.46
1:A:1517:ALA:CA	1:A:1529:MET:HG3	2.46	0.46
1:A:1795:VAL:HG12	1:A:1799:GLU:HG3	1.97	0.46
1:A:1808:ASN:HA	1:A:1811:ARG:HB2	1.98	0.46
1:A:1877:LEU:O	1:A:1881:THR:OG1	2.29	0.46
1:A:2010:MET:HG3	1:A:2014:GLU:HG3	1.98	0.46
1:A:2398:ILE:HA	1:A:2401:HIS:ND1	2.31	0.46
2:B:135:THR:HA	2:B:138:ARG:CB	2.42	0.46
2:B:1213:TRP:HB2	2:B:1215:VAL:HG12	1.98	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:C:18:ALA:O	3:C:315:VAL:HG13	2.16	0.46
3:C:224:LEU:HA	3:C:224:LEU:HD23	1.69	0.46
3:C:227:ARG:C	3:C:235:LEU:HD12	2.41	0.46
3:C:283:GLN:O	3:C:299:VAL:N	2.49	0.46
1:a:611:LEU:HA	1:a:614:GLU:HB2	1.98	0.46
1:a:691:GLU:HA	1:a:694:GLN:OE1	2.16	0.46
1:a:844:LEU:HA	1:a:847:LEU:HD12	1.97	0.46
1:a:905:MET:HE1	1:a:1565:ASP:HA	1.98	0.46
1:a:1207:GLN:O	1:a:1210:ASP:HB2	2.16	0.46
1:a:1381:VAL:HG11	1:a:1399:TYR:CE1	2.51	0.46
1:a:1494:HIS:HA	1:a:1519:ALA:HB1	1.97	0.46
1:a:1633:TRP:N	1:a:1633:TRP:CD1	2.81	0.46
1:a:2102:ASP:HA	1:a:2105:TYR:HB2	1.98	0.46
1:a:2366:MET:O	1:a:2372:PRO:HB3	2.16	0.46
1:a:2371:PHE:CD1	1:a:2542:TYR:HA	2.50	0.46
1:a:2398:ILE:HA	1:a:2401:HIS:ND1	2.31	0.46
2:b:163:GLU:O	2:b:167:PHE:CG	2.69	0.46
2:b:191:ILE:O	2:b:264:THR:HA	2.16	0.46
2:b:210:ALA:O	2:b:213:ARG:N	2.49	0.46
2:b:346:LEU:O	2:b:350:PHE:N	2.45	0.46
3:c:227:ARG:HH12	3:c:278:PHE:N	2.14	0.46
1:A:854:VAL:HA	1:A:857:PRO:HD2	1.98	0.46
1:A:887:VAL:HA	1:A:890:LEU:HB2	1.97	0.46
1:A:1490:TRP:O	1:A:1491:GLY:C	2.59	0.46
1:A:1494:HIS:HA	1:A:1519:ALA:HB1	1.97	0.46
1:A:1910:TRP:HD1	1:A:1911:PHE:CE1	2.34	0.46
1:A:1932:ILE:O	1:A:1936:LEU:HG	2.16	0.46
1:A:2011:MET:O	1:A:2014:GLU:HB2	2.15	0.46
1:A:2348:ARG:HG3	1:A:2349:LEU:HG	1.98	0.46
2:B:638:THR:O	2:B:642:HIS:N	2.48	0.46
3:C:143:LEU:HB3	3:C:155:TRP:HE3	1.80	0.46
1:a:913:SER:HA	1:a:1622:ARG:HH12	1.81	0.46
1:a:982:LEU:HA	1:a:982:LEU:HD23	1.65	0.46
1:a:1096:LEU:HA	1:a:1096:LEU:HD23	1.72	0.46
1:a:1193:PRO:HA	1:a:1196:ASN:ND2	2.31	0.46
1:a:1591:VAL:HG22	1:a:1628:ARG:NH1	2.30	0.46
1:a:1650:MET:O	1:a:1654:LEU:HG	2.15	0.46
1:a:1915:HIS:O	1:a:1952:LEU:HD22	2.15	0.46
1:a:1974:TYR:HA	1:a:1977:THR:HB	1.97	0.46
1:a:2010:MET:HG3	1:a:2014:GLU:HG3	1.98	0.46
1:a:2340:HIS:H	1:a:2343:ASN:CG	2.24	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
2:b:587:ASN:O	2:b:591:ALA:N	2.25	0.46
3:c:143:LEU:HB3	3:c:155:TRP:HB3	1.98	0.46
3:c:289:SER:N	3:c:315:VAL:O	2.49	0.46
1:A:624:ARG:HD3	1:A:636:LEU:CD2	2.45	0.45
1:A:634:ILE:HG12	1:A:637:ILE:HD12	1.97	0.45
1:A:1187:LYS:HG3	1:A:1191:PHE:CD2	2.52	0.45
1:A:1373:PRO:C	1:A:1375:ARG:H	2.24	0.45
1:A:1389:LYS:C	1:A:1392:ALA:HB3	2.41	0.45
1:A:1562:GLN:C	1:A:1566:LYS:NZ	2.74	0.45
1:A:1790:TRP:HB3	1:A:1891:SER:HA	1.99	0.45
1:A:1915:HIS:CE1	1:A:1950:ARG:HH11	2.34	0.45
1:A:2008:GLN:HB3	1:A:2136:LEU:CD2	2.46	0.45
1:A:2184:PHE:CD1	1:A:2238:GLY:HA2	2.51	0.45
1:A:2339:ARG:NH1	1:A:2344:LEU:HB3	2.31	0.45
2:B:78:THR:N	2:B:81:CYS:O	2.50	0.45
2:B:86:CYS:HB2	2:B:119:TYR:HA	1.97	0.45
3:C:21:ASP:HB3	3:C:311:HIS:CD2	2.50	0.45
3:C:133:CYS:HB3	3:C:175:SER:HA	1.98	0.45
1:a:901:VAL:HG12	1:a:905:MET:HG2	1.97	0.45
1:a:951:SER:HA	1:a:954:ALA:HB3	1.98	0.45
1:a:1014:GLN:O	1:a:1017:GLY:N	2.49	0.45
1:a:1187:LYS:HG3	1:a:1191:PHE:CD2	2.51	0.45
1:a:1451:GLU:HG3	1:a:1456:TRP:CZ3	2.51	0.45
1:a:1514:ARG:HA	1:a:1536:ILE:CD1	2.46	0.45
1:a:2115:LEU:HB3	1:a:2168:ARG:HH12	1.81	0.45
1:a:2340:HIS:O	1:a:2342:SER:N	2.49	0.45
1:a:2348:ARG:HG3	1:a:2349:LEU:HG	1.98	0.45
1:A:738:LEU:HA	1:A:738:LEU:HD23	1.67	0.45
1:A:742:GLU:HA	1:A:745:GLY:HA3	1.98	0.45
1:A:765:PRO:O	1:A:768:ILE:N	2.48	0.45
1:A:822:ILE:O	1:A:823:ILE:C	2.60	0.45
1:A:870:ASN:HA	1:A:873:LYS:CD	2.46	0.45
1:A:1039:ARG:HH21	1:A:1063:LEU:HD22	1.81	0.45
1:A:1043:VAL:HA	1:A:1080:ARG:CZ	2.46	0.45
1:A:1138:THR:O	1:A:1139:VAL:C	2.59	0.45
1:A:1149:THR:OG1	1:a:731:ARG:NH1	2.49	0.45
1:A:1162:THR:HG21	1:A:1173:ALA:HB2	1.98	0.45
1:A:1633:TRP:N	1:A:1633:TRP:CD1	2.81	0.45
1:A:1936:LEU:HD22	1:A:1939:ILE:HD11	1.98	0.45
1:A:2254:ARG:O	1:A:2259:ILE:N	2.48	0.45
1:A:2301:LYS:HE3	1:A:2301:LYS:HB3	1.82	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
2:B:191:ILE:O	2:B:264:THR:HA	2.16	0.45
2:B:389:CYS:O	2:B:392:GLN:N	2.49	0.45
2:B:427:ARG:O	2:B:431:GLU:HA	2.16	0.45
2:B:1048:PHE:O	2:B:1056:LYS:HA	2.15	0.45
3:C:109:ALA:HB3	3:C:125:PHE:HB3	1.97	0.45
3:C:147:ASP:OD2	3:C:151:ALA:HB3	2.16	0.45
3:C:192:GLY:HA2	3:C:223:ALA:N	2.31	0.45
3:C:226:CYS:HA	3:C:237:THR:HA	1.98	0.45
1:a:540:LEU:O	1:a:543:LEU:N	2.41	0.45
1:a:663:GLY:C	1:a:665:THR:H	2.24	0.45
1:a:1043:VAL:HA	1:a:1080:ARG:CZ	2.46	0.45
1:a:1211:VAL:HG12	1:a:1215:ARG:HE	1.81	0.45
1:a:1395:LYS:O	1:a:1399:TYR:HD2	1.99	0.45
1:a:1598:GLU:HA	1:a:1601:GLU:OE1	2.17	0.45
1:a:1658:SER:O	1:a:1662:LYS:HG3	2.15	0.45
2:b:387:ASP:O	2:b:391:SER:N	2.27	0.45
2:b:595:GLY:O	2:b:599:SER:N	2.24	0.45
3:c:8:VAL:HG12	3:c:70:LEU:HB3	1.97	0.45
3:c:259:SER:OG	3:c:261:LYS:HB2	2.16	0.45
1:A:628:ARG:O	1:A:631:THR:OG1	2.32	0.45
1:A:1123:ASP:OD1	1:A:1161:ARG:HD3	2.17	0.45
1:A:1193:PRO:O	1:A:1197:LYS:NZ	2.38	0.45
1:A:1533:THR:HG21	1:A:1550:LEU:HD12	1.98	0.45
1:A:1602:VAL:C	1:A:1604:GLN:N	2.73	0.45
1:A:2077:ASP:OD2	1:A:2107:VAL:HG13	2.17	0.45
1:A:2084:TRP:HB3	1:A:2096:ASP:O	2.17	0.45
2:B:85:GLU:H	2:B:147:LEU:CG	2.28	0.45
2:B:207:LYS:HA	2:B:210:ALA:HB3	1.98	0.45
2:B:1185:LEU:HB3	2:B:1187:ASP:OD1	2.17	0.45
3:C:13:VAL:HG13	3:C:320:PHE:HE1	1.82	0.45
1:a:700:LEU:HD23	1:a:700:LEU:HA	1.80	0.45
1:a:727:MET:CG	1:a:760:LEU:HD13	2.46	0.45
1:a:791:ASN:N	1:a:792:PRO:HD2	2.31	0.45
1:a:836:LYS:O	1:a:839:VAL:HB	2.16	0.45
1:a:1039:ARG:HH21	1:a:1063:LEU:HD22	1.81	0.45
1:a:1099:ALA:HB1	1:a:1137:GLU:OE1	2.15	0.45
1:a:1380:ILE:HG12	1:a:1383:LEU:HD12	1.98	0.45
1:a:1436:ALA:HB1	1:a:1440:PHE:O	2.15	0.45
1:a:1649:ASP:O	1:a:1652:THR:N	2.47	0.45
1:a:1808:ASN:C	1:a:1811:ARG:H	2.24	0.45
1:a:1932:ILE:O	1:a:1936:LEU:HG	2.16	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:1941:GLN:H	1:a:1941:GLN:CD	2.22	0.45
2:b:135:THR:HA	2:b:138:ARG:CB	2.42	0.45
3:c:192:GLY:HA2	3:c:223:ALA:CB	2.47	0.45
1:A:278:GLU:N	1:A:279:GLY:HA2	2.30	0.45
1:A:649:VAL:O	1:A:653:ALA:N	2.40	0.45
1:A:836:LYS:O	1:A:840:ALA:N	2.48	0.45
1:A:876:GLN:HB3	1:A:880:THR:CG2	2.45	0.45
1:A:1139:VAL:HG13	1:A:1179:SER:CB	2.45	0.45
1:A:1171:SER:HA	1:A:1174:MET:HB2	1.98	0.45
1:A:1769:ILE:O	1:A:1773:LEU:HG	2.16	0.45
1:A:1910:TRP:HE3	1:A:1923:LEU:HD13	1.81	0.45
1:A:2012:VAL:C	1:A:2016:LEU:HG	2.40	0.45
1:A:2151:ILE:HG21	1:A:2182:PHE:HE2	1.81	0.45
1:A:2315:ASP:O	1:A:2318:THR:HB	2.16	0.45
1:A:2366:MET:O	1:A:2372:PRO:HB3	2.16	0.45
1:A:2378:ARG:HD3	1:A:2380:THR:HG22	1.98	0.45
1:A:2500:ILE:O	1:A:2504:VAL:HG23	2.17	0.45
2:B:210:ALA:O	2:B:213:ARG:N	2.49	0.45
3:C:18:ALA:HB1	3:C:45:VAL:HG21	1.99	0.45
3:C:104:GLY:O	3:C:131:ILE:HD12	2.16	0.45
3:C:136:LEU:HD23	3:C:140:GLN:NE2	2.31	0.45
3:C:216:ILE:HD11	3:C:235:LEU:HD23	1.99	0.45
3:C:269:SER:C	3:C:271:GLY:N	2.74	0.45
1:a:740:GLU:CA	1:a:743:HIS:HD2	2.21	0.45
1:a:1123:ASP:OD1	1:a:1161:ARG:HD3	2.17	0.45
1:a:1171:SER:HA	1:a:1174:MET:HB2	1.98	0.45
1:a:1520:ALA:HB1	1:a:1525:GLN:HB2	1.98	0.45
1:a:1614:ILE:HG22	1:a:1618:ILE:HG13	1.98	0.45
1:a:1795:VAL:HG12	1:a:1799:GLU:HG3	1.97	0.45
1:a:2036:ARG:O	1:a:2040:GLY:N	2.43	0.45
1:a:2228:ILE:O	1:a:2236:LEU:N	2.40	0.45
2:b:1041:ALA:CB	2:b:1047:CYS:H	2.30	0.45
3:c:106:ASP:CG	3:c:108:THR:H	2.25	0.45
3:c:227:ARG:CD	3:c:276:CYS:H	2.30	0.45
1:A:915:VAL:HA	1:A:916:SER:OG	2.16	0.45
1:A:922:SER:OG	1:A:1583:TYR:CZ	2.69	0.45
1:A:1110:TYR:C	1:A:1112:HIS:N	2.72	0.45
1:A:1114:LEU:C	1:A:1116:PRO:HD2	2.42	0.45
1:A:1395:LYS:O	1:A:1399:TYR:HD2	1.99	0.45
1:A:1591:VAL:HG22	1:A:1628:ARG:CZ	2.46	0.45
1:A:1899:ASN:O	1:A:1902:ASP:N	2.48	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:C:192:GLY:HA2	3:C:223:ALA:CB	2.47	0.45
3:C:271:GLY:HA2	3:C:290:SER:CB	2.46	0.45
1:a:632:PRO:HA	1:a:635:HIS:CD2	2.52	0.45
1:a:754:ALA:C	1:a:758:GLY:H	2.23	0.45
1:a:851:THR:O	1:a:855:VAL:HG23	2.17	0.45
1:a:867:VAL:HG13	1:a:871:PHE:HE2	1.82	0.45
1:a:943:LEU:HD22	1:a:951:SER:HB2	1.98	0.45
1:a:1027:ILE:H	1:a:1031:MET:HE2	1.82	0.45
1:a:1115:LEU:HA	1:a:1115:LEU:HD23	1.66	0.45
1:a:1473:ASP:H	1:a:1476:LEU:HD12	1.82	0.45
1:a:1808:ASN:HA	1:a:1811:ARG:HB2	1.98	0.45
1:a:2077:ASP:O	1:a:2081:ALA:N	2.38	0.45
1:a:2375:ILE:HG13	1:a:2538:LEU:HD23	1.97	0.45
1:a:2505:ARG:O	1:a:2509:THR:N	2.43	0.45
2:b:212:GLN:HA	2:b:216:GLU:CD	2.42	0.45
2:b:1101:ASP:HB2	2:b:1112:TRP:O	2.17	0.45
2:b:1185:LEU:HB3	2:b:1187:ASP:OD1	2.17	0.45
3:c:40:HIS:CE1	3:c:61:GLY:CA	3.00	0.45
3:c:109:ALA:HB3	3:c:125:PHE:HB3	1.97	0.45
3:c:136:LEU:HD12	3:c:142:GLU:O	2.17	0.45
1:A:280:GLU:HA	1:A:281:ARG:HA	1.46	0.45
1:A:609:HIS:HD2	1:A:612:ASN:ND2	2.15	0.45
1:A:632:PRO:HA	1:A:635:HIS:CD2	2.52	0.45
1:A:633:SER:O	1:A:637:ILE:HG13	2.16	0.45
1:A:747:GLY:HA2	1:A:750:LYS:CD	2.47	0.45
1:A:757:LEU:O	1:A:760:LEU:N	2.49	0.45
1:A:995:PRO:HA	1:A:998:LEU:HD12	1.98	0.45
1:A:1130:PRO:O	1:A:1133:LYS:N	2.49	0.45
1:A:1420:ASN:HB3	1:A:1425:GLN:O	2.16	0.45
1:A:1473:ASP:H	1:A:1476:LEU:HD12	1.82	0.45
1:A:1540:THR:C	1:A:1570:LEU:HD13	2.42	0.45
1:A:1627:GLN:C	1:A:1628:ARG:HG2	2.42	0.45
1:A:1740:LYS:O	1:A:1743:LEU:HB3	2.17	0.45
1:A:1870:THR:O	1:A:1873:LEU:HB3	2.17	0.45
1:A:1888:PHE:O	1:A:1892:ILE:N	2.33	0.45
1:A:1889:PHE:HA	1:A:1892:ILE:HB	1.98	0.45
1:A:2260:LEU:HG	1:A:2266:ARG:NH1	2.32	0.45
1:A:2423:TYR:OH	1:A:2498:ILE:HA	2.17	0.45
2:B:726:ILE:CB	2:B:727:ARG:HA	2.45	0.45
3:C:14:ILE:HD11	3:C:54:ARG:NH2	2.31	0.45
3:C:227:ARG:HH12	3:C:278:PHE:H	1.64	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:609:HIS:HD2	1:a:612:ASN:ND2	2.15	0.45
1:a:659:LEU:H	1:a:660:LEU:HA	1.79	0.45
1:a:730:LEU:HD11	1:a:746:ILE:HD12	1.98	0.45
1:a:902:ASN:CA	1:a:905:MET:HB2	2.41	0.45
1:a:906:ILE:HG22	1:a:910:ARG:HG3	1.98	0.45
1:a:919:GLU:C	1:a:1583:TYR:CZ	2.95	0.45
1:a:987:VAL:O	1:a:988:GLN:HB3	2.17	0.45
1:a:995:PRO:HA	1:a:998:LEU:HD12	1.98	0.45
1:a:1026:HIS:CB	1:a:1031:MET:HE2	2.44	0.45
1:a:1130:PRO:O	1:a:1133:LYS:N	2.49	0.45
1:a:1389:LYS:C	1:a:1392:ALA:HB3	2.41	0.45
1:a:1449:TRP:O	1:a:1452:LYS:N	2.49	0.45
1:a:1473:ASP:O	1:a:1474:PRO:C	2.59	0.45
1:a:1873:LEU:HG	1:a:1877:LEU:HD11	1.98	0.45
1:a:1889:PHE:HA	1:a:1892:ILE:HB	1.98	0.45
1:a:2078:LEU:HA	1:a:2104:TYR:HE1	1.81	0.45
2:b:427:ARG:O	2:b:431:GLU:HA	2.16	0.45
2:b:470:VAL:HA	2:b:471:GLY:HA3	1.72	0.45
3:c:14:ILE:HD11	3:c:54:ARG:NH2	2.31	0.45
3:c:155:TRP:NE1	3:c:160:ASP:O	2.50	0.45
1:A:611:LEU:HA	1:A:614:GLU:HB2	1.98	0.45
1:A:663:GLY:C	1:A:665:THR:H	2.24	0.45
1:A:919:GLU:C	1:A:1583:TYR:CZ	2.95	0.45
1:A:951:SER:HA	1:A:954:ALA:HB3	1.98	0.45
1:A:1383:LEU:O	1:A:1387:ALA:N	2.49	0.45
1:A:1501:TRP:O	1:A:1501:TRP:CG	2.69	0.45
1:A:2078:LEU:HA	1:A:2104:TYR:HE1	1.81	0.45
3:C:136:LEU:HD12	3:C:142:GLU:O	2.16	0.45
3:C:137:HIS:CB	3:C:142:GLU:HB2	2.47	0.45
3:C:246:ILE:O	3:C:254:LEU:HA	2.17	0.45
3:C:290:SER:HA	3:C:314:ALA:CB	2.47	0.45
1:a:590:GLY:HA3	1:a:591:SER:HA	1.72	0.45
1:a:690:ALA:O	1:a:694:GLN:HG3	2.17	0.45
1:a:757:LEU:O	1:a:758:GLY:C	2.59	0.45
1:a:833:LEU:CA	1:a:836:LYS:HB2	2.41	0.45
1:a:923:SER:O	1:a:926:SER:OG	2.33	0.45
1:a:964:LEU:HD11	1:a:979:PHE:CZ	2.51	0.45
1:a:1012:LEU:O	1:a:1013:PHE:C	2.58	0.45
1:a:1039:ARG:HH12	1:a:1070:TYR:HD1	1.65	0.45
1:a:1480:ARG:NH1	1:a:1496:GLN:HE22	2.14	0.45
1:a:1548:ALA:HB2	1:a:1563:CYS:HB2	1.99	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:1591:VAL:HG22	1:a:1628:ARG:CZ	2.47	0.45
1:a:1627:GLN:C	1:a:1628:ARG:HG2	2.42	0.45
1:a:1769:ILE:O	1:a:1773:LEU:HG	2.16	0.45
1:a:1955:ARG:HG3	1:a:1956:LEU:N	2.32	0.45
3:c:147:ASP:OD2	3:c:151:ALA:HB3	2.16	0.45
3:c:229:SER:O	3:c:232:SER:N	2.36	0.45
3:c:242:GLN:NE2	3:c:261:LYS:HA	2.30	0.45
3:c:290:SER:HA	3:c:314:ALA:CB	2.47	0.45
1:A:755:ARG:NH2	2:b:482:SER:H	2.12	0.45
1:A:837:ARG:C	1:A:839:VAL:N	2.74	0.45
1:A:895:ASP:OD1	1:A:895:ASP:N	2.49	0.45
1:A:957:ARG:HD2	1:A:992:GLN:HG2	1.99	0.45
1:A:1007:ALA:HB1	1:A:1012:LEU:HG	1.99	0.45
1:A:1070:TYR:O	1:A:1073:GLN:N	2.50	0.45
1:A:1141:ARG:HA	1:A:1144:GLU:HB2	1.97	0.45
1:A:1148:PHE:CB	1:A:1184:LEU:HD12	2.43	0.45
1:A:1397:LEU:HD13	1:A:1419:ILE:CG2	2.47	0.45
1:A:1540:THR:HB	1:A:1543:GLY:N	2.26	0.45
1:A:1704:MET:HG2	1:A:1709:ARG:O	2.17	0.45
1:A:1808:ASN:ND2	1:A:1812:ASP:OD2	2.45	0.45
1:A:1974:TYR:HA	1:A:1977:THR:HB	1.97	0.45
1:A:2223:GLN:H	1:A:2223:GLN:CD	2.25	0.45
2:B:111:GLU:CA	2:B:114:GLN:N	2.80	0.45
2:B:627:VAL:C	2:B:630:SER:H	2.22	0.45
1:a:568:PRO:HA	1:a:569:GLY:C	2.42	0.45
1:a:629:LEU:O	1:a:632:PRO:HD2	2.16	0.45
1:a:742:GLU:HA	1:a:745:GLY:HA3	1.98	0.45
1:a:914:ALA:O	1:a:915:VAL:HG23	2.16	0.45
1:a:920:SER:C	1:a:1583:TYR:OH	2.60	0.45
1:a:1113:LEU:HA	1:a:1113:LEU:HD23	1.39	0.45
1:a:1383:LEU:O	1:a:1387:ALA:N	2.49	0.45
1:a:1501:TRP:HZ2	1:a:1509:GLN:HG3	1.81	0.45
1:a:1790:TRP:HB3	1:a:1891:SER:HA	1.99	0.45
1:a:1910:TRP:HD1	1:a:1911:PHE:CE1	2.34	0.45
1:a:2077:ASP:OD2	1:a:2107:VAL:HG13	2.17	0.45
1:a:2084:TRP:HB3	1:a:2096:ASP:O	2.17	0.45
1:a:2151:ILE:HG21	1:a:2182:PHE:HE2	1.81	0.45
1:a:2184:PHE:CD1	1:a:2238:GLY:HA2	2.51	0.45
2:b:263:PHE:HE1	2:b:437:LEU:H	1.65	0.45
2:b:1148:ARG:HB2	2:b:1150:TRP:HE1	1.82	0.45
3:c:199:LEU:HA	3:c:199:LEU:HD23	1.74	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:749:ILE:HG23	1:A:752:GLN:OE1	2.17	0.45
1:A:757:LEU:O	1:A:758:GLY:C	2.59	0.45
1:A:920:SER:C	1:A:1583:TYR:OH	2.60	0.45
1:A:964:LEU:HD11	1:A:979:PHE:CZ	2.51	0.45
1:A:1012:LEU:C	1:A:1016:LEU:HG	2.42	0.45
1:A:1031:MET:C	1:A:1033:GLU:N	2.73	0.45
1:A:1404:PHE:HA	1:A:1412:ILE:HD13	1.99	0.45
1:A:1405:GLN:HE21	1:A:2389:VAL:HG12	1.81	0.45
1:A:1649:ASP:OD2	1:A:1653:TRP:NE1	2.50	0.45
1:A:1930:ILE:HD13	1:A:1935:TRP:NE1	2.32	0.45
1:A:2345:MET:CG	1:A:2354:LEU:HB3	2.47	0.45
2:B:902:PRO:HA	2:B:920:SER:HA	1.99	0.45
3:C:106:ASP:CG	3:C:108:THR:H	2.25	0.45
3:C:125:PHE:HB2	3:C:155:TRP:CZ2	2.52	0.45
1:a:733:MET:HA	1:a:739:THR:HG21	1.98	0.45
1:a:746:ILE:O	1:a:747:GLY:C	2.59	0.45
1:a:757:LEU:O	1:a:760:LEU:N	2.49	0.45
1:a:837:ARG:C	1:a:839:VAL:N	2.74	0.45
1:a:1007:ALA:HB1	1:a:1012:LEU:HG	1.99	0.45
1:a:1216:ILE:O	1:a:1220:TYR:N	2.50	0.45
1:a:1475:GLU:H	1:a:1475:GLU:HG3	1.46	0.45
1:a:1517:ALA:CA	1:a:1529:MET:HG3	2.46	0.45
1:a:1533:THR:HG21	1:a:1550:LEU:HD12	1.98	0.45
1:a:2076:ARG:HG3	1:a:2077:ASP:N	2.30	0.45
1:a:2262:ASN:O	1:a:2265:HIS:N	2.50	0.45
1:a:2313:TRP:CH2	1:a:2317:ARG:CZ	3.00	0.45
1:a:2500:ILE:O	1:a:2504:VAL:HG23	2.17	0.45
3:c:17:THR:HG23	3:c:315:VAL:HG11	1.98	0.45
3:c:137:HIS:CB	3:c:142:GLU:HB2	2.47	0.45
1:A:568:PRO:HA	1:A:569:GLY:C	2.42	0.45
1:A:690:ALA:O	1:A:694:GLN:HG3	2.17	0.45
1:A:919:GLU:N	1:A:1627:GLN:HB2	2.32	0.45
1:A:982:LEU:O	1:A:983:GLY:C	2.60	0.45
1:A:990:LEU:HD22	1:A:1030:TYR:CE2	2.45	0.45
1:A:1115:LEU:HD12	1:A:1151:TYR:CD2	2.51	0.45
1:A:1371:PRO:C	1:A:1373:PRO:HD2	2.42	0.45
1:A:1449:TRP:O	1:A:1452:LYS:N	2.49	0.45
1:A:1473:ASP:O	1:A:1474:PRO:C	2.59	0.45
1:A:1643:VAL:HG13	1:A:1644:VAL:H	1.81	0.45
1:A:2184:PHE:O	1:A:2185:LEU:HD12	2.17	0.45
1:A:2297:ASP:HA	1:A:2385:ASN:ND2	2.32	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:2313:TRP:CH2	1:A:2317:ARG:CZ	3.00	0.45
2:B:1041:ALA:CB	2:B:1047:CYS:H	2.30	0.45
3:C:106:ASP:OD1	3:C:107:CYS:N	2.49	0.45
3:C:241:ASP:O	3:C:242:GLN:HG2	2.17	0.45
1:a:668:ASP:C	1:a:670:ASP:N	2.75	0.45
1:a:869:LEU:O	1:a:872:LEU:N	2.50	0.45
1:a:1410:PRO:O	1:a:1414:GLU:N	2.35	0.45
1:a:1540:THR:C	1:a:1570:LEU:HD13	2.42	0.45
1:a:1653:TRP:O	1:a:1656:TYR:HB3	2.17	0.45
1:a:1704:MET:HG2	1:a:1709:ARG:O	2.17	0.45
1:a:2055:HIS:CE1	1:a:2082:GLN:HB2	2.52	0.45
1:a:2086:ARG:HG2	1:a:2089:MET:HE3	1.98	0.45
1:a:2339:ARG:NH1	1:a:2344:LEU:HB3	2.31	0.45
1:a:2344:LEU:HB2	1:a:2355:HIS:HA	1.98	0.45
1:a:2361:CYS:O	1:a:2364:VAL:HG23	2.17	0.45
1:a:2370:LYS:HE3	1:a:2371:PHE:CE2	2.52	0.45
2:b:351:LEU:O	2:b:351:LEU:HD23	2.16	0.45
3:c:18:ALA:O	3:c:315:VAL:HG13	2.16	0.45
3:c:246:ILE:O	3:c:254:LEU:HA	2.17	0.45
1:A:668:ASP:C	1:A:670:ASP:N	2.75	0.44
1:A:851:THR:O	1:A:855:VAL:HG23	2.17	0.44
1:A:914:ALA:O	1:A:915:VAL:HG23	2.16	0.44
1:A:1532:TYR:HA	1:A:1535:MET:HB2	1.99	0.44
1:A:1544:ALA:HB3	1:A:1567:ALA:HB2	1.98	0.44
1:A:1564:ILE:O	1:A:1568:ARG:HG3	2.17	0.44
1:A:1808:ASN:C	1:A:1811:ARG:H	2.24	0.44
1:A:1980:SER:HA	1:A:1995:LEU:HD11	1.98	0.44
1:A:1994:ILE:HG12	1:A:1997:ASN:HD22	1.82	0.44
1:A:2336:LEU:HD21	1:A:2339:ARG:NH2	2.25	0.44
1:A:2341:PRO:HD3	1:A:2378:ARG:HH12	1.82	0.44
1:A:2361:CYS:O	1:A:2364:VAL:HG23	2.17	0.44
2:B:470:VAL:HA	2:B:471:GLY:HA3	1.72	0.44
3:C:155:TRP:NE1	3:C:160:ASP:O	2.50	0.44
3:C:259:SER:OG	3:C:261:LYS:HB2	2.16	0.44
3:C:288:ALA:HB1	3:C:315:VAL:HG12	1.99	0.44
1:a:865:LEU:O	1:a:869:LEU:HG	2.17	0.44
1:a:1070:TYR:O	1:a:1073:GLN:N	2.50	0.44
1:a:1110:TYR:C	1:a:1112:HIS:N	2.72	0.44
1:a:1649:ASP:OD2	1:a:1653:TRP:NE1	2.50	0.44
1:a:1771:LYS:O	1:a:1774:GLN:HB3	2.18	0.44
1:a:1994:ILE:HA	1:a:1997:ASN:CB	2.45	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:2309:SER:O	1:a:2312:VAL:HB	2.17	0.44
1:a:2341:PRO:HD3	1:a:2378:ARG:HH12	1.82	0.44
2:b:78:THR:N	2:b:81:CYS:O	2.50	0.44
2:b:205:SER:HB2	2:b:209:PHE:CE2	2.52	0.44
3:c:18:ALA:HB1	3:c:45:VAL:HG21	1.99	0.44
3:c:92:GLY:O	3:c:101:TYR:N	2.46	0.44
1:A:287:GLU:O	1:A:291:GLN:N	2.50	0.44
1:A:867:VAL:HG13	1:A:871:PHE:HE2	1.82	0.44
1:A:913:SER:HA	1:A:1622:ARG:HH12	1.81	0.44
1:A:924:GLN:O	1:A:927:SER:OG	2.33	0.44
1:A:1548:ALA:HB2	1:A:1563:CYS:HB2	1.99	0.44
1:A:1635:LYS:HA	1:A:1638:MET:SD	2.58	0.44
1:A:1783:ASP:HB3	1:A:1786:TRP:HB2	1.99	0.44
1:A:1876:THR:HA	1:A:1879:MET:HB3	1.97	0.44
1:A:1994:ILE:HA	1:A:1997:ASN:CB	2.45	0.44
1:A:2262:ASN:O	1:A:2265:HIS:N	2.50	0.44
1:A:2356:ILE:HA	1:A:2358:PHE:CE2	2.52	0.44
2:B:372:PRO:HA	2:B:373:THR:HA	1.65	0.44
3:C:174:THR:HG23	3:C:190:SER:HA	1.98	0.44
3:C:179:ASP:HB3	3:C:228:PHE:CG	2.52	0.44
1:a:1114:LEU:C	1:a:1116:PRO:HD2	2.42	0.44
1:a:1383:LEU:C	1:a:1386:ARG:H	2.25	0.44
1:a:1643:VAL:HG13	1:a:1644:VAL:H	1.81	0.44
1:a:1712:ASP:OD1	1:a:1715:GLN:HB3	2.17	0.44
1:a:1900:LEU:HB2	1:a:1937:GLN:NE2	2.33	0.44
1:a:2278:LEU:HB2	1:a:2283:LYS:HG3	1.99	0.44
2:b:424:VAL:HG12	2:b:426:ASN:CG	2.42	0.44
3:c:133:CYS:HB3	3:c:175:SER:HA	1.98	0.44
3:c:179:ASP:HB3	3:c:228:PHE:CG	2.52	0.44
3:c:283:GLN:O	3:c:299:VAL:N	2.49	0.44
1:A:697:PHE:CG	1:A:708:ARG:HD2	2.52	0.44
1:A:746:ILE:O	1:A:747:GLY:C	2.59	0.44
1:A:1097:LEU:O	1:A:1101:GLN:HG3	2.18	0.44
1:A:1134:ALA:O	1:A:1138:THR:HG23	2.18	0.44
1:A:1211:VAL:HG12	1:A:1215:ARG:HE	1.81	0.44
1:A:1216:ILE:O	1:A:1220:TYR:N	2.50	0.44
1:A:1490:TRP:CE3	1:A:1493:LEU:HD23	2.52	0.44
1:A:1712:ASP:OD1	1:A:1715:GLN:HB3	2.17	0.44
1:A:1771:LYS:O	1:A:1774:GLN:HB3	2.18	0.44
2:B:495:TRP:C	2:B:497:LYS:N	2.63	0.44
2:B:728:ALA:HA	2:B:729:VAL:HA	1.70	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
2:B:1148:ARG:HB2	2:B:1150:TRP:HE1	1.82	0.44
3:C:143:LEU:HB3	3:C:155:TRP:HB3	1.98	0.44
1:a:693:LEU:O	1:a:696:LEU:N	2.50	0.44
1:a:749:ILE:HG23	1:a:752:GLN:OE1	2.17	0.44
1:a:948:PRO:C	1:a:952:MET:HG2	2.43	0.44
1:a:1404:PHE:HA	1:a:1412:ILE:HD13	1.99	0.44
1:a:1800:ALA:O	1:a:1804:TYR:HD2	2.00	0.44
1:a:2012:VAL:O	1:a:2016:LEU:N	2.42	0.44
1:a:2036:ARG:HD3	1:a:2036:ARG:HA	1.81	0.44
1:a:2193:ARG:HA	1:a:2196:GLU:OE1	2.17	0.44
1:a:2244:ASP:C	1:a:2345:MET:HB2	2.43	0.44
1:a:2254:ARG:O	1:a:2259:ILE:N	2.48	0.44
1:a:2297:ASP:HA	1:a:2385:ASN:ND2	2.32	0.44
1:a:2521:VAL:HB	1:a:2522:PRO:HD3	1.99	0.44
2:b:133:LEU:H	2:b:133:LEU:HG	1.64	0.44
2:b:1049:TRP:HB3	2:b:1054:GLY:C	2.42	0.44
3:c:48:LEU:HB2	3:c:318:LEU:C	2.43	0.44
1:A:948:PRO:C	1:A:952:MET:HG2	2.43	0.44
1:A:1027:ILE:H	1:A:1031:MET:HE2	1.82	0.44
1:A:1038:MET:HA	1:A:1041:PHE:HD2	1.83	0.44
1:A:1191:PHE:HE1	1:a:698:VAL:HG11	1.83	0.44
1:A:1653:TRP:O	1:A:1656:TYR:HB3	2.17	0.44
1:A:1873:LEU:HG	1:A:1877:LEU:HD11	1.98	0.44
1:A:1932:ILE:HD13	1:A:1968:HIS:CE1	2.52	0.44
1:A:2065:LEU:HD12	1:A:2125:TYR:HA	1.99	0.44
1:A:2086:ARG:HG2	1:A:2089:MET:HE3	1.98	0.44
1:A:2278:LEU:HB2	1:A:2283:LYS:HG3	1.99	0.44
1:A:2340:HIS:H	1:A:2343:ASN:CG	2.24	0.44
1:A:2370:LYS:HE3	1:A:2371:PHE:CE2	2.52	0.44
2:B:212:GLN:HA	2:B:216:GLU:CD	2.42	0.44
2:B:424:VAL:HG12	2:B:426:ASN:CG	2.42	0.44
2:B:1049:TRP:HB3	2:B:1054:GLY:C	2.42	0.44
3:C:227:ARG:CD	3:C:276:CYS:H	2.30	0.44
3:C:238:CYS:HA	3:C:273:MET:HG3	1.99	0.44
1:a:957:ARG:HD2	1:a:992:GLN:HG2	1.99	0.44
1:a:1055:LEU:O	1:a:1058:GLN:N	2.51	0.44
1:a:1397:LEU:HD13	1:a:1419:ILE:CG2	2.47	0.44
1:a:1479:GLY:HA2	1:a:1482:ARG:HB2	1.99	0.44
1:a:1490:TRP:O	1:a:1491:GLY:C	2.59	0.44
1:a:1544:ALA:HB3	1:a:1567:ALA:HB2	1.98	0.44
1:a:1562:GLN:C	1:a:1566:LYS:NZ	2.74	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:1656:TYR:O	1:a:1660:CYS:N	2.33	0.44
1:a:1679:VAL:HG21	1:a:1690:PRO:CG	2.48	0.44
1:a:1870:THR:O	1:a:1873:LEU:HB3	2.17	0.44
1:a:1930:ILE:HD13	1:a:1935:TRP:NE1	2.32	0.44
1:a:1936:LEU:HD22	1:a:1939:ILE:HD11	1.98	0.44
1:a:2078:LEU:HA	1:a:2104:TYR:CE1	2.52	0.44
1:a:2140:VAL:HB	1:a:2143:THR:OG1	2.18	0.44
2:b:195:ASP:H	2:b:267:LEU:CG	2.30	0.44
3:c:241:ASP:O	3:c:242:GLN:HG2	2.17	0.44
1:A:331:VAL:HA	1:A:332:GLY:HA2	1.71	0.44
1:A:730:LEU:HD11	1:A:746:ILE:HD12	1.98	0.44
1:A:732:LYS:O	1:a:1154:ARG:HG3	2.17	0.44
1:A:864:LEU:HB2	1:A:910:ARG:NH2	2.33	0.44
1:A:899:HIS:O	1:A:900:LYS:C	2.61	0.44
1:A:973:GLN:HG2	1:A:1014:GLN:OE1	2.18	0.44
1:A:1207:GLN:O	1:A:1210:ASP:HB2	2.16	0.44
1:A:1878:LEU:HD21	1:A:1918:ASP:CB	2.47	0.44
1:A:2055:HIS:CE1	1:A:2082:GLN:HB2	2.52	0.44
1:A:2102:ASP:HA	1:A:2105:TYR:HB2	1.98	0.44
3:C:12:PRO:HA	3:C:54:ARG:NH1	2.22	0.44
3:C:40:HIS:CE1	3:C:61:GLY:CA	3.00	0.44
1:a:761:VAL:O	1:a:762:SER:C	2.60	0.44
1:a:1115:LEU:HD12	1:a:1151:TYR:CD2	2.51	0.44
1:a:1179:SER:HA	1:a:1182:PHE:HD2	1.83	0.44
1:a:1384:GLY:C	1:a:1387:ALA:H	2.25	0.44
1:a:1564:ILE:O	1:a:1568:ARG:HG3	2.17	0.44
1:a:1994:ILE:HG12	1:a:1997:ASN:HD22	1.82	0.44
1:a:2356:ILE:HA	1:a:2358:PHE:CE2	2.52	0.44
1:a:2503:ARG:HA	1:a:2506:ASP:HB2	1.99	0.44
3:c:192:GLY:HA2	3:c:223:ALA:N	2.31	0.44
3:c:226:CYS:HA	3:c:237:THR:HA	1.98	0.44
3:c:287:THR:O	3:c:294:ALA:HA	2.16	0.44
1:A:865:LEU:O	1:A:869:LEU:HG	2.17	0.44
1:A:869:LEU:O	1:A:872:LEU:N	2.50	0.44
1:A:890:LEU:O	1:A:893:ALA:HB3	2.18	0.44
1:A:1055:LEU:O	1:A:1058:GLN:N	2.51	0.44
1:A:1179:SER:HA	1:A:1182:PHE:HD2	1.82	0.44
1:A:1520:ALA:HB1	1:A:1525:GLN:HB2	1.98	0.44
1:A:1806:HIS:HA	1:A:1809:GLN:HB2	2.00	0.44
1:A:1988:HIS:C	1:A:1992:ASN:HD22	2.26	0.44
1:A:2503:ARG:HA	1:A:2506:ASP:HB2	1.99	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
2:B:205:SER:HB2	2:B:209:PHE:CE2	2.52	0.44
2:B:747:GLU:HA	2:B:751:ALA:H	1.83	0.44
2:B:1231:SER:N	2:B:1240:ASP:O	2.51	0.44
3:C:48:LEU:HB2	3:C:318:LEU:C	2.43	0.44
1:a:822:ILE:O	1:a:823:ILE:C	2.60	0.44
1:a:862:PRO:HA	1:a:865:LEU:HD12	2.00	0.44
1:a:1435:TYR:O	1:a:1438:LYS:N	2.51	0.44
1:a:2310:SER:O	1:a:2313:TRP:HB3	2.18	0.44
1:a:2354:LEU:HG	1:a:2355:HIS:N	2.33	0.44
2:b:441:LEU:HA	2:b:442:SER:HA	1.55	0.44
2:b:810:GLN:HB3	2:b:812:TRP:NE1	2.33	0.44
3:c:13:VAL:HG13	3:c:320:PHE:HE1	1.82	0.44
3:c:271:GLY:HA2	3:c:290:SER:CB	2.46	0.44
3:c:288:ALA:HB1	3:c:315:VAL:HG12	1.99	0.44
1:A:957:ARG:HD2	1:A:992:GLN:HB3	1.99	0.44
1:A:1623:LEU:O	1:A:1624:GLN:C	2.61	0.44
1:A:1994:ILE:HA	1:A:1997:ASN:ND2	2.32	0.44
1:A:2042:ARG:HD3	1:A:2042:ARG:HA	1.84	0.44
1:A:2141:PRO:CB	1:A:2236:LEU:HD13	2.44	0.44
1:A:2310:SER:O	1:A:2313:TRP:HB3	2.18	0.44
1:A:2505:ARG:O	1:A:2509:THR:N	2.43	0.44
1:a:909:SER:O	1:a:910:ARG:C	2.61	0.44
1:a:1112:HIS:HA	1:a:1151:TYR:OH	2.18	0.44
1:a:1322:PHE:O	1:a:1326:TRP:N	2.38	0.44
1:a:1798:PHE:CE2	1:a:1802:LEU:HD11	2.53	0.44
1:a:1994:ILE:HA	1:a:1997:ASN:ND2	2.32	0.44
1:a:2178:ASN:CG	1:a:2180:HIS:HD2	2.26	0.44
1:a:2260:LEU:HG	1:a:2266:ARG:NH1	2.32	0.44
1:a:2338:ASP:OD1	1:a:2545:TRP:HD1	2.01	0.44
2:b:389:CYS:O	2:b:392:GLN:N	2.49	0.44
2:b:902:PRO:HA	2:b:920:SER:HA	1.99	0.44
3:c:12:PRO:HA	3:c:54:ARG:NH1	2.22	0.44
3:c:227:ARG:HH12	3:c:278:PHE:H	1.65	0.44
3:c:277:ALA:HB3	3:c:286:VAL:H	1.83	0.44
1:A:759:HIS:HA	1:A:762:SER:OG	2.18	0.44
1:A:868:LEU:HD23	1:A:868:LEU:HA	1.73	0.44
1:A:909:SER:O	1:A:910:ARG:C	2.61	0.44
1:A:1039:ARG:HH12	1:A:1070:TYR:HD1	1.65	0.44
1:A:1669:ALA:O	1:A:1673:LEU:HG	2.17	0.44
1:A:1900:LEU:HB2	1:A:1937:GLN:NE2	2.33	0.44
1:A:2036:ARG:HD3	1:A:2036:ARG:HA	1.81	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:2281:MET:HE1	3:C:222:TYR:HD2	1.82	0.44
1:A:2522:PRO:O	1:A:2525:VAL:HB	2.18	0.44
2:B:676:SER:O	2:B:680:THR:N	2.51	0.44
2:B:1049:TRP:HB3	2:B:1054:GLY:O	2.18	0.44
2:B:1101:ASP:HB2	2:B:1112:TRP:O	2.17	0.44
3:C:133:CYS:SG	3:C:146:GLY:N	2.91	0.44
1:a:620:MET:O	1:a:624:ARG:N	2.40	0.44
1:a:757:LEU:HD23	1:a:757:LEU:HA	1.76	0.44
1:a:861:TYR:HD2	1:a:898:LYS:NZ	2.15	0.44
1:a:864:LEU:HB2	1:a:910:ARG:NH2	2.32	0.44
1:a:982:LEU:O	1:a:983:GLY:C	2.60	0.44
1:a:1102:LEU:HA	1:a:1102:LEU:HD23	1.71	0.44
1:a:1176:THR:OG1	1:a:1177:LEU:N	2.50	0.44
1:a:1490:TRP:CE3	1:a:1493:LEU:HD23	2.52	0.44
1:a:1491:GLY:O	1:a:1494:HIS:HB3	2.18	0.44
1:a:1531:GLU:O	1:a:1534:CYS:HB2	2.18	0.44
1:a:1622:ARG:HD2	1:a:1622:ARG:HA	1.68	0.44
1:a:1669:ALA:O	1:a:1673:LEU:HG	2.17	0.44
1:a:1888:PHE:O	1:a:1892:ILE:N	2.33	0.44
1:a:1899:ASN:O	1:a:1902:ASP:N	2.48	0.44
1:a:1899:ASN:HD22	1:a:1934:THR:HG23	1.83	0.44
3:c:238:CYS:HA	3:c:273:MET:HG3	1.99	0.44
1:A:634:ILE:HA	1:A:637:ILE:HB	2.00	0.44
1:A:761:VAL:O	1:A:762:SER:C	2.60	0.44
1:A:837:ARG:O	1:A:838:GLN:C	2.59	0.44
1:A:967:HIS:C	1:A:968:HIS:CG	2.96	0.44
1:A:1380:ILE:HG12	1:A:1383:LEU:HD12	1.98	0.44
1:A:1515:MET:O	1:A:1519:ALA:N	2.42	0.44
1:A:1907:LEU:HA	1:A:1910:TRP:HB3	2.00	0.44
1:A:2062:PRO:HG3	1:A:2071:ASN:HD22	1.83	0.44
1:A:2140:VAL:HB	1:A:2143:THR:OG1	2.18	0.44
1:A:2160:LEU:HD23	1:A:2160:LEU:HA	1.89	0.44
1:A:2244:ASP:C	1:A:2345:MET:HB2	2.43	0.44
1:A:2332:TYR:OH	1:A:2507:LYS:HG2	2.18	0.44
1:A:2521:VAL:HB	1:A:2522:PRO:HD3	1.99	0.44
1:A:2524:GLN:O	1:A:2528:LEU:HG	2.18	0.44
2:B:115:PRO:O	2:B:116:ARG:C	2.61	0.44
2:B:483:SER:N	1:a:755:ARG:HH12	2.15	0.44
2:B:646:MET:HA	2:B:647:MET:CB	2.48	0.44
2:B:810:GLN:HB3	2:B:812:TRP:NE1	2.33	0.44
3:C:50:VAL:HB	3:C:321:ASN:HD22	1.83	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:C:175:SER:H	3:C:188:VAL:HG13	1.83	0.44
1:a:918:SER:CB	1:a:921:LYS:HD2	2.47	0.44
1:a:1023:VAL:HG12	1:a:1066:GLU:OE2	2.18	0.44
1:a:1078:MET:HB3	1:a:1110:TYR:CE2	2.53	0.44
1:a:1134:ALA:O	1:a:1138:THR:HG23	2.18	0.44
1:a:2254:ARG:NH2	1:a:2549:TRP:NE1	2.66	0.44
1:a:2281:MET:HE1	3:c:222:TYR:HD2	1.82	0.44
1:a:2368:ARG:O	1:a:2372:PRO:HG3	2.16	0.44
1:a:2423:TYR:OH	1:a:2498:ILE:HA	2.17	0.44
2:b:1231:SER:N	2:b:1240:ASP:O	2.51	0.44
3:c:216:ILE:HD11	3:c:235:LEU:HD23	1.99	0.44
1:A:633:SER:HA	1:A:672:ARG:HH12	1.83	0.43
1:A:668:ASP:O	1:A:671:ILE:N	2.51	0.43
1:A:891:LEU:O	1:A:892:GLY:C	2.57	0.43
1:A:997:PHE:CE2	1:A:1030:TYR:CD1	3.06	0.43
1:A:1170:ARG:HH21	1:A:1204:ILE:HG23	1.83	0.43
1:A:1479:GLY:HA2	1:A:1482:ARG:HB2	2.00	0.43
1:A:1531:GLU:O	1:A:1534:CYS:HB2	2.18	0.43
1:A:1598:GLU:HA	1:A:1601:GLU:OE1	2.17	0.43
1:A:1798:PHE:CE2	1:A:1802:LEU:HD11	2.53	0.43
1:A:1800:ALA:O	1:A:1804:TYR:HD2	2.00	0.43
1:A:1899:ASN:HD22	1:A:1934:THR:HG23	1.83	0.43
1:A:2031:LEU:HD23	1:A:2031:LEU:HA	1.88	0.43
2:B:346:LEU:O	2:B:350:PHE:N	2.45	0.43
3:C:103:GLY:H	3:C:134:VAL:HG21	1.83	0.43
3:C:223:ALA:HA	3:C:239:SER:HA	2.00	0.43
1:a:601:GLN:HG2	1:a:604:ARG:HD2	1.99	0.43
1:a:633:SER:HA	1:a:672:ARG:HH12	1.83	0.43
1:a:767:LEU:O	1:a:771:TYR:CE2	2.71	0.43
1:a:890:LEU:O	1:a:893:ALA:HB3	2.18	0.43
1:a:1012:LEU:C	1:a:1016:LEU:HG	2.42	0.43
1:a:1448:THR:O	1:a:1451:GLU:HB3	2.18	0.43
1:a:1704:MET:HA	1:a:1707:SER:HB2	2.00	0.43
1:a:1878:LEU:HD21	1:a:1918:ASP:CB	2.47	0.43
1:a:1960:LEU:O	1:a:1964:ILE:N	2.47	0.43
1:a:2030:GLY:O	1:a:2034:ALA:N	2.30	0.43
1:a:2154:GLN:HB3	1:a:2175:MET:CG	2.48	0.43
1:a:2345:MET:CG	1:a:2354:LEU:HB3	2.47	0.43
3:c:50:VAL:HB	3:c:321:ASN:HD22	1.83	0.43
3:c:50:VAL:HG21	3:c:70:LEU:HD11	2.00	0.43
3:c:98:ARG:NE	3:c:115:ARG:HB2	2.33	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:919:GLU:OE2	1:A:1628:ARG:HA	2.18	0.43
1:A:987:VAL:O	1:A:988:GLN:HB3	2.17	0.43
1:A:1262:THR:O	1:A:1265:LEU:N	2.51	0.43
1:A:1552:LEU:HD12	1:A:1599:LEU:HD11	2.00	0.43
1:A:1555:ASP:O	1:A:1556:LEU:HD23	2.18	0.43
1:A:1634:GLN:O	1:A:1637:LEU:N	2.52	0.43
1:A:1969:PRO:HG2	1:A:1970:GLN:NE2	2.33	0.43
1:A:2078:LEU:HA	1:A:2104:TYR:CE1	2.52	0.43
1:A:2178:ASN:CG	1:A:2180:HIS:HD2	2.26	0.43
1:A:2192:LEU:HD13	1:A:2227:VAL:HG13	2.01	0.43
2:B:111:GLU:N	2:B:114:GLN:HA	2.31	0.43
2:B:386:VAL:O	2:B:390:LEU:N	2.35	0.43
2:B:595:GLY:O	2:B:599:SER:N	2.24	0.43
3:C:98:ARG:NE	3:C:115:ARG:HB2	2.33	0.43
3:C:292:ASN:HA	3:C:313:LYS:O	2.18	0.43
1:a:287:GLU:O	1:a:291:GLN:N	2.50	0.43
1:a:668:ASP:O	1:a:671:ILE:N	2.51	0.43
1:a:697:PHE:CG	1:a:708:ARG:HD2	2.52	0.43
1:a:759:HIS:HA	1:a:762:SER:OG	2.18	0.43
1:a:851:THR:O	1:a:855:VAL:N	2.41	0.43
1:a:900:LYS:O	1:a:902:ASN:N	2.51	0.43
1:a:907:ASP:HA	1:a:910:ARG:HB2	1.99	0.43
1:a:968:HIS:HB2	1:a:970:MET:O	2.19	0.43
1:a:1262:THR:O	1:a:1265:LEU:N	2.51	0.43
1:a:1371:PRO:C	1:a:1373:PRO:HD2	2.42	0.43
1:a:1552:LEU:HA	1:a:1552:LEU:HD23	1.80	0.43
1:a:1691:THR:O	1:a:1692:VAL:C	2.62	0.43
1:a:1740:LYS:O	1:a:1743:LEU:HB3	2.17	0.43
1:a:1872:ASP:O	1:a:1875:LYS:HB2	2.18	0.43
1:a:2332:TYR:HB2	1:a:2377:PHE:CD2	2.53	0.43
2:b:82:ALA:H	2:b:115:PRO:HB3	1.83	0.43
2:b:747:GLU:HA	2:b:751:ALA:H	1.83	0.43
3:c:222:TYR:HB2	3:c:240:ALA:CB	2.48	0.43
1:A:636:LEU:CD1	1:A:656:LEU:HD13	2.48	0.43
1:A:733:MET:HA	1:A:739:THR:HG21	1.98	0.43
1:A:767:LEU:O	1:A:771:TYR:CE2	2.71	0.43
1:A:842:TRP:O	1:A:843:THR:OG1	2.32	0.43
1:A:1112:HIS:HA	1:A:1151:TYR:OH	2.18	0.43
1:A:1180:LEU:H	1:A:1180:LEU:HG	1.47	0.43
1:A:1188:TYR:HD2	1:A:1189:GLN:HG3	1.83	0.43
1:A:1695:GLN:O	1:A:1698:TYR:HB3	2.19	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1990:ALA:O	1:A:1993:LYS:HB3	2.18	0.43
1:A:2110:ARG:HB3	1:A:2114:GLN:NE2	2.33	0.43
1:A:2193:ARG:HA	1:A:2196:GLU:OE1	2.17	0.43
2:B:810:GLN:HB3	2:B:812:TRP:HE1	1.83	0.43
3:C:53:ASP:OD2	3:C:97:GLY:HA3	2.18	0.43
3:C:186:ALA:HA	3:C:195:TYR:O	2.18	0.43
3:C:247:TRP:HB3	3:C:252:PHE:HA	2.01	0.43
1:a:636:LEU:CD1	1:a:656:LEU:HD13	2.48	0.43
1:a:1097:LEU:O	1:a:1101:GLN:HG3	2.17	0.43
1:a:1152:ALA:O	1:a:1187:LYS:NZ	2.33	0.43
1:a:1766:GLU:OE1	1:a:1804:TYR:CZ	2.71	0.43
1:a:2108:PHE:HA	1:a:2111:ILE:HB	2.01	0.43
1:a:2184:PHE:O	1:a:2185:LEU:HD12	2.17	0.43
1:a:2192:LEU:HD13	1:a:2227:VAL:HG13	2.01	0.43
2:b:115:PRO:O	2:b:116:ARG:C	2.61	0.43
3:c:185:MET:HE2	3:c:210:LEU:HD22	2.00	0.43
3:c:196:VAL:HG11	3:c:252:PHE:CZ	2.53	0.43
1:A:601:GLN:HG2	1:A:604:ARG:HD2	1.99	0.43
1:A:690:ALA:O	1:A:691:GLU:C	2.61	0.43
1:A:773:GLU:N	1:A:774:PRO:HD2	2.32	0.43
1:A:1023:VAL:HG12	1:A:1066:GLU:OE2	2.18	0.43
1:A:1383:LEU:C	1:A:1386:ARG:H	2.25	0.43
1:A:1491:GLY:O	1:A:1494:HIS:HB3	2.18	0.43
1:A:1913:TYR:HB3	1:A:1919:VAL:HG21	2.01	0.43
1:A:2154:GLN:HB3	1:A:2175:MET:CG	2.48	0.43
1:A:2251:ARG:O	1:A:2255:GLU:HG2	2.18	0.43
1:A:2332:TYR:HB2	1:A:2377:PHE:CD2	2.53	0.43
1:A:2363:GLU:O	1:A:2366:MET:N	2.51	0.43
2:B:195:ASP:H	2:B:267:LEU:CG	2.30	0.43
3:C:46:ASN:HD21	3:C:87:ASN:CG	2.23	0.43
3:C:51:THR:OG1	3:C:53:ASP:OD1	2.22	0.43
3:C:65:ILE:HG22	3:C:66:ARG:N	2.34	0.43
3:C:149:SER:O	3:C:170:GLU:N	2.52	0.43
1:a:326:GLN:C	1:a:328:ASN:H	2.27	0.43
1:a:773:GLU:N	1:a:774:PRO:HD2	2.33	0.43
1:a:861:TYR:CD2	1:a:898:LYS:NZ	2.81	0.43
1:a:1031:MET:O	1:a:1032:ASP:C	2.61	0.43
1:a:1082:PHE:CE1	1:a:1117:PRO:HG3	2.54	0.43
1:a:1106:ASN:CB	1:a:1107:LEU:HB2	2.45	0.43
1:a:1208:ARG:HA	1:a:1211:VAL:HB	2.01	0.43
1:a:1635:LYS:HA	1:a:1638:MET:SD	2.58	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:1651:ARG:HG3	1:a:1652:THR:H	1.84	0.43
1:a:1783:ASP:HB3	1:a:1786:TRP:HB2	1.99	0.43
1:a:1922:ALA:HA	1:a:1925:GLU:HB2	2.00	0.43
1:a:1990:ALA:O	1:a:1993:LYS:HB3	2.18	0.43
1:a:2139:ALA:HA	1:a:2151:ILE:O	2.19	0.43
1:a:2262:ASN:O	1:a:2263:ILE:C	2.62	0.43
2:b:86:CYS:HA	2:b:149:HIS:HB3	2.01	0.43
2:b:676:SER:O	2:b:680:THR:N	2.51	0.43
2:b:1049:TRP:HB3	2:b:1054:GLY:O	2.18	0.43
1:A:606:CYS:CB	1:A:607:ALA:HA	2.43	0.43
1:A:918:SER:CB	1:A:921:LYS:HD2	2.47	0.43
1:A:985:LYS:O	1:A:987:VAL:HG23	2.18	0.43
1:A:1153:SER:O	1:A:1157:HIS:N	2.33	0.43
1:A:1417:ILE:HG22	1:A:1432:VAL:HG11	2.00	0.43
1:A:1435:TYR:O	1:A:1438:LYS:N	2.51	0.43
1:A:1795:VAL:HG22	1:A:1888:PHE:HE1	1.84	0.43
1:A:1872:ASP:O	1:A:1875:LYS:HB2	2.18	0.43
1:A:2299:LEU:CD2	1:A:2386:ALA:HB2	2.48	0.43
1:A:2338:ASP:OD1	1:A:2545:TRP:HD1	2.01	0.43
2:B:477:LEU:O	2:B:480:LEU:N	2.52	0.43
2:B:1042:ASP:C	2:B:1044:ASP:N	2.75	0.43
3:C:51:THR:HG1	3:C:55:SER:H	1.67	0.43
3:C:242:GLN:HA	3:C:273:MET:H	1.84	0.43
3:C:274:TRP:HD1	3:C:288:ALA:O	2.02	0.43
1:a:919:GLU:N	1:a:1627:GLN:HB2	2.32	0.43
1:a:947:TYR:HA	1:a:948:PRO:HD2	1.87	0.43
1:a:1038:MET:O	1:a:1042:TRP:N	2.49	0.43
1:a:1602:VAL:C	1:a:1604:GLN:N	2.73	0.43
1:a:1878:LEU:CD1	1:a:1919:VAL:HG23	2.49	0.43
1:a:1932:ILE:HD13	1:a:1968:HIS:CE1	2.52	0.43
1:a:2110:ARG:HB3	1:a:2114:GLN:NE2	2.33	0.43
1:a:2192:LEU:HD12	1:a:2229:PRO:N	2.34	0.43
1:a:2262:ASN:O	1:a:2266:ARG:N	2.25	0.43
1:a:2363:GLU:O	1:a:2366:MET:N	2.51	0.43
2:b:111:GLU:CA	2:b:114:GLN:N	2.80	0.43
2:b:200:GLY:O	2:b:204:LYS:HG3	2.19	0.43
3:c:125:PHE:HB2	3:c:155:TRP:CZ2	2.52	0.43
1:A:326:GLN:C	1:A:328:ASN:H	2.26	0.43
1:A:832:SER:CB	1:A:836:LYS:HE3	2.49	0.43
1:A:916:SER:HB3	1:A:1594:HIS:CE1	2.53	0.43
1:A:1878:LEU:HD12	1:A:1919:VAL:HG23	2.01	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:2062:PRO:HG3	1:A:2071:ASN:ND2	2.34	0.43
1:A:2345:MET:O	1:A:2346:LEU:HD23	2.18	0.43
1:A:2345:MET:SD	1:A:2354:LEU:HD23	2.59	0.43
1:A:2402:THR:O	1:A:2406:VAL:HG23	2.19	0.43
2:B:82:ALA:H	2:B:115:PRO:HB3	1.83	0.43
2:B:900:ASP:HA	2:B:922:GLN:HA	2.00	0.43
3:C:23:THR:HG22	3:C:39:GLN:OE1	2.19	0.43
3:C:31:SER:C	3:C:306:ARG:HD3	2.44	0.43
3:C:36:ARG:HH21	3:C:70:LEU:HA	1.83	0.43
3:C:277:ALA:HB3	3:C:286:VAL:H	1.83	0.43
1:a:919:GLU:OE2	1:a:1628:ARG:HA	2.18	0.43
1:a:957:ARG:HD2	1:a:992:GLN:HB3	1.99	0.43
1:a:973:GLN:HG2	1:a:1014:GLN:OE1	2.18	0.43
1:a:1532:TYR:HA	1:a:1535:MET:HB2	1.99	0.43
1:a:1623:LEU:O	1:a:1624:GLN:C	2.61	0.43
1:a:2015:GLU:HB2	1:a:2130:LEU:HG	2.01	0.43
1:a:2035:SER:O	1:a:2039:PHE:N	2.33	0.43
1:a:2062:PRO:HG3	1:a:2071:ASN:HD22	1.83	0.43
1:a:2170:ARG:O	1:a:2186:LEU:N	2.52	0.43
1:a:2311:GLU:CG	1:a:2312:VAL:H	2.29	0.43
1:a:2341:PRO:HD3	1:a:2378:ARG:NH1	2.34	0.43
1:a:2522:PRO:O	1:a:2525:VAL:HB	2.18	0.43
1:a:2524:GLN:O	1:a:2528:LEU:HG	2.18	0.43
2:b:426:ASN:O	2:b:431:GLU:HG2	2.18	0.43
2:b:1233:ASN:O	2:b:1239:PHE:HE1	2.02	0.43
3:c:36:ARG:HH21	3:c:70:LEU:HA	1.83	0.43
3:c:186:ALA:HA	3:c:195:TYR:O	2.18	0.43
1:A:908:GLN:HB2	1:A:1568:ARG:HH22	1.76	0.43
1:A:1075:ILE:HG13	1:A:1078:MET:HB2	2.00	0.43
1:A:1078:MET:HB3	1:A:1110:TYR:CE2	2.53	0.43
1:A:1597:SER:O	1:A:1598:GLU:C	2.62	0.43
1:A:1619:TRP:O	1:A:1620:TRP:C	2.62	0.43
1:A:1777:SER:O	1:A:1781:GLU:HG2	2.19	0.43
1:A:1988:HIS:HD2	1:A:1992:ASN:ND2	2.12	0.43
1:A:2192:LEU:HD12	1:A:2229:PRO:N	2.34	0.43
1:A:2279:THR:O	1:A:2282:GLN:HB2	2.19	0.43
2:B:426:ASN:O	2:B:431:GLU:HG2	2.18	0.43
3:C:65:ILE:HG22	3:C:66:ARG:H	1.84	0.43
3:C:141:ALA:HA	3:C:157:LEU:HD12	2.01	0.43
3:C:142:GLU:HG3	3:C:206:GLU:HG2	1.99	0.43
1:a:747:GLY:HA2	1:a:750:LYS:CD	2.47	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:899:HIS:O	1:a:900:LYS:C	2.61	0.43
1:a:997:PHE:CE2	1:a:1030:TYR:CD1	3.06	0.43
1:a:1098:ALA:O	1:a:1099:ALA:C	2.62	0.43
1:a:1141:ARG:O	1:a:1144:GLU:N	2.52	0.43
1:a:1188:TYR:HD2	1:a:1189:GLN:HG3	1.83	0.43
1:a:1393:TYR:CE1	1:a:1422:LYS:HB3	2.53	0.43
1:a:1551:ALA:HB1	1:a:1556:LEU:HB2	2.01	0.43
1:a:1798:PHE:HE2	1:a:1905:ARG:HH11	1.67	0.43
1:a:2094:VAL:O	1:a:2097:LEU:N	2.52	0.43
1:a:2217:ARG:HA	1:a:2217:ARG:HD3	1.88	0.43
1:a:2223:GLN:H	1:a:2223:GLN:CD	2.25	0.43
2:b:646:MET:HA	2:b:647:MET:CB	2.48	0.43
3:c:53:ASP:OD2	3:c:97:GLY:HA3	2.18	0.43
3:c:103:GLY:H	3:c:134:VAL:HG21	1.83	0.43
3:c:141:ALA:HA	3:c:157:LEU:HD12	2.01	0.43
1:A:960:ARG:O	1:A:963:SER:OG	2.24	0.43
1:A:993:VAL:HB	1:A:1030:TYR:CZ	2.54	0.43
1:A:1176:THR:OG1	1:A:1177:LEU:N	2.50	0.43
1:A:1188:TYR:CD2	1:A:1220:TYR:HE2	2.37	0.43
1:A:1487:LEU:HA	1:A:1665:ARG:HH22	1.84	0.43
1:A:2088:TYR:CG	1:A:2097:LEU:HB2	2.53	0.43
1:A:2309:SER:O	1:A:2312:VAL:HB	2.17	0.43
1:A:2530:LYS:HA	1:A:2530:LYS:HD2	1.81	0.43
2:B:189:PRO:O	2:B:262:LEU:HA	2.18	0.43
3:C:177:HIS:CD2	3:C:178:ILE:H	2.36	0.43
3:C:297:TRP:CZ3	3:C:304:ILE:HG13	2.54	0.43
1:a:634:ILE:HA	1:a:637:ILE:HB	2.00	0.43
1:a:690:ALA:O	1:a:691:GLU:C	2.61	0.43
1:a:902:ASN:O	1:a:905:MET:HB2	2.18	0.43
1:a:916:SER:HB2	1:a:1626:CYS:SG	2.59	0.43
1:a:959:PHE:CD2	1:a:959:PHE:N	2.86	0.43
1:a:967:HIS:C	1:a:968:HIS:CG	2.96	0.43
1:a:1494:HIS:HE2	1:a:1525:GLN:CD	2.21	0.43
1:a:2279:THR:O	1:a:2282:GLN:HB2	2.19	0.43
1:a:2332:TYR:O	1:a:2507:LYS:NZ	2.34	0.43
1:a:2344:LEU:CB	1:a:2355:HIS:HA	2.49	0.43
3:c:31:SER:C	3:c:306:ARG:HD3	2.44	0.43
3:c:133:CYS:SG	3:c:146:GLY:N	2.91	0.43
3:c:175:SER:H	3:c:188:VAL:HG13	1.83	0.43
1:A:771:TYR:CD1	1:a:1113:LEU:HD21	2.53	0.43
1:A:914:ALA:C	1:A:915:VAL:HG23	2.44	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:916:SER:HB2	1:A:1626:CYS:SG	2.59	0.43
1:A:960:ARG:NH2	1:A:978:ILE:O	2.52	0.43
1:A:1514:ARG:HA	1:A:1536:ILE:CD1	2.46	0.43
1:A:1627:GLN:O	1:A:1628:ARG:HG2	2.19	0.43
1:A:1878:LEU:CD1	1:A:1919:VAL:HG23	2.49	0.43
1:A:1955:ARG:HG3	1:A:1956:LEU:N	2.32	0.43
1:A:2076:ARG:HG3	1:A:2077:ASP:N	2.30	0.43
2:B:140:ASN:O	2:B:141:ALA:C	2.62	0.43
3:C:26:PHE:CD2	3:C:36:ARG:HG3	2.54	0.43
3:C:277:ALA:N	3:C:285:ILE:HG13	2.34	0.43
1:a:870:ASN:HA	1:a:873:LYS:CD	2.46	0.43
1:a:947:TYR:HB2	1:a:950:VAL:HB	2.00	0.43
1:a:1278:ASP:O	1:a:1282:GLU:N	2.28	0.43
1:a:1695:GLN:O	1:a:1698:TYR:HB3	2.19	0.43
1:a:1938:VAL:HG12	1:a:1938:VAL:O	2.19	0.43
1:a:1938:VAL:CG1	1:a:1941:GLN:HB2	2.48	0.43
1:a:2020:ALA:CB	1:a:2186:LEU:HD21	2.49	0.43
1:a:2065:LEU:HD12	1:a:2125:TYR:HA	1.99	0.43
1:a:2302:LEU:HD13	1:a:2306:LYS:HD3	2.01	0.43
1:a:2314:PHE:O	1:a:2317:ARG:HB3	2.18	0.43
1:a:2345:MET:O	1:a:2346:LEU:HD23	2.18	0.43
1:a:2422:VAL:HG12	1:a:2497:ALA:HB1	2.01	0.43
2:b:156:PRO:C	2:b:158:PRO:HD3	2.36	0.43
2:b:189:PRO:HG2	2:b:262:LEU:HA	2.01	0.43
3:c:51:THR:HG1	3:c:55:SER:H	1.67	0.43
3:c:67:MET:CB	3:c:78:ILE:HB	2.49	0.43
3:c:177:HIS:CD2	3:c:178:ILE:H	2.36	0.43
3:c:227:ARG:HD2	3:c:276:CYS:H	1.84	0.43
3:c:242:GLN:HA	3:c:273:MET:H	1.84	0.43
1:A:637:ILE:HG13	1:A:672:ARG:HH21	1.84	0.43
1:A:907:ASP:HA	1:A:910:ARG:HB2	1.99	0.43
1:A:921:LYS:HE3	1:A:1627:GLN:HE21	1.81	0.43
1:A:947:TYR:HB2	1:A:950:VAL:HB	2.00	0.43
1:A:959:PHE:CD2	1:A:959:PHE:N	2.86	0.43
1:A:998:LEU:H	1:A:998:LEU:HG	1.22	0.43
1:A:1393:TYR:CE1	1:A:1422:LYS:HB3	2.53	0.43
1:A:1691:THR:O	1:A:1691:THR:HG22	2.18	0.43
1:A:2170:ARG:O	1:A:2186:LEU:N	2.52	0.43
1:A:2392:LEU:O	1:A:2396:TYR:HB3	2.19	0.43
1:A:2536:GLU:HA	1:A:2539:CYS:SG	2.59	0.43
2:B:263:PHE:HE1	2:B:437:LEU:H	1.65	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:C:50:VAL:HG21	3:C:70:LEU:HD11	2.00	0.43
3:C:64:HIS:CD2	3:C:66:ARG:HG3	2.50	0.43
1:a:1038:MET:HA	1:a:1041:PHE:HD2	1.83	0.43
1:a:1148:PHE:CB	1:a:1184:LEU:HD12	2.43	0.43
1:a:1188:TYR:CD2	1:a:1220:TYR:HE2	2.37	0.43
1:a:1389:LYS:O	1:a:1392:ALA:C	2.62	0.43
1:a:1806:HIS:HA	1:a:1809:GLN:HB2	2.00	0.43
1:a:1875:LYS:O	1:a:1878:LEU:N	2.52	0.43
1:a:1939:ILE:O	1:a:1943:ILE:HG13	2.19	0.43
1:a:2012:VAL:HG12	1:a:2016:LEU:CG	2.49	0.43
1:a:2062:PRO:HG3	1:a:2071:ASN:ND2	2.33	0.43
1:a:2088:TYR:CG	1:a:2097:LEU:HB2	2.53	0.43
1:a:2251:ARG:O	1:a:2255:GLU:HG2	2.18	0.43
1:a:2284:VAL:O	1:a:2288:GLU:N	2.29	0.43
1:a:2392:LEU:O	1:a:2396:TYR:HB3	2.19	0.43
2:b:466:LEU:HA	2:b:467:ALA:HA	1.89	0.43
2:b:1127:MET:HB3	2:b:1170:THR:O	2.19	0.43
3:c:65:ILE:HG22	3:c:66:ARG:N	2.33	0.43
3:c:100:MET:O	3:c:112:TRP:HB2	2.19	0.43
3:c:142:GLU:HG3	3:c:206:GLU:HG2	1.99	0.43
1:A:900:LYS:O	1:A:902:ASN:N	2.51	0.42
1:A:912:ALA:CB	1:A:1597:SER:HB3	2.49	0.42
1:A:1025:SER:OG	1:A:1026:HIS:CE1	2.72	0.42
1:A:1451:GLU:O	1:A:1454:HIS:N	2.50	0.42
1:A:2020:ALA:CB	1:A:2186:LEU:HD21	2.49	0.42
1:A:2050:VAL:HG12	1:A:2051:LEU:HD23	2.01	0.42
1:A:2094:VAL:O	1:A:2097:LEU:N	2.52	0.42
1:A:2262:ASN:O	1:A:2263:ILE:C	2.62	0.42
1:A:2354:LEU:HG	1:A:2355:HIS:N	2.33	0.42
2:B:86:CYS:HA	2:B:149:HIS:HB3	2.01	0.42
2:B:202:ILE:C	2:B:205:SER:HG	2.13	0.42
2:B:1233:ASN:O	2:B:1239:PHE:HE1	2.02	0.42
3:C:61:GLY:HA3	3:C:64:HIS:NE2	2.34	0.42
1:a:359:SER:O	1:a:360:ARG:C	2.62	0.42
1:a:717:ARG:NH2	1:a:748:ARG:HH11	2.17	0.42
1:a:763:ASN:O	1:a:764:ALA:C	2.61	0.42
1:a:916:SER:HB3	1:a:1594:HIS:CE1	2.53	0.42
1:a:960:ARG:NH2	1:a:978:ILE:O	2.52	0.42
1:a:985:LYS:O	1:a:987:VAL:HG23	2.18	0.42
1:a:1037:LEU:O	1:a:1040:GLU:N	2.52	0.42
1:a:1198:VAL:HG12	1:a:1199:LEU:HD23	2.01	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:1265:LEU:O	1:a:1268:ALA:HB2	2.19	0.42
1:a:1550:LEU:HD23	1:a:1550:LEU:HA	1.66	0.42
1:a:1634:GLN:O	1:a:1635:LYS:C	2.61	0.42
1:a:1988:HIS:O	1:a:1992:ASN:N	2.28	0.42
1:a:1988:HIS:C	1:a:1992:ASN:HD22	2.26	0.42
1:a:1991:ALA:O	1:a:1992:ASN:C	2.61	0.42
1:a:2078:LEU:O	1:a:2082:GLN:N	2.49	0.42
1:a:2174:LEU:HB2	1:a:2182:PHE:HB2	2.00	0.42
1:a:2305:LEU:H	1:a:2305:LEU:HG	1.58	0.42
3:c:292:ASN:HA	3:c:313:LYS:O	2.18	0.42
1:A:763:ASN:O	1:A:764:ALA:C	2.61	0.42
1:A:888:LEU:HD23	1:A:888:LEU:HA	1.80	0.42
1:A:968:HIS:HB2	1:A:970:MET:O	2.19	0.42
1:A:1048:ILE:H	1:A:1084:HIS:CE1	2.37	0.42
1:A:1170:ARG:HH21	1:A:1204:ILE:HA	1.84	0.42
1:A:1445:ILE:O	1:A:1449:TRP:CD1	2.68	0.42
1:A:1483:CYS:O	1:A:1487:LEU:HG	2.20	0.42
1:A:1559:LEU:O	1:A:1562:GLN:N	2.52	0.42
1:A:1605:TYR:CD1	1:A:1615:ILE:HD12	2.53	0.42
1:A:1691:THR:O	1:A:1692:VAL:C	2.62	0.42
1:A:1756:GLU:O	1:A:1759:LEU:HB2	2.19	0.42
1:A:1766:GLU:OE1	1:A:1804:TYR:CZ	2.71	0.42
1:A:1922:ALA:HA	1:A:1925:GLU:HB2	2.00	0.42
1:A:1938:VAL:CG1	1:A:1941:GLN:HB2	2.48	0.42
1:A:1980:SER:O	1:A:1988:HIS:HB2	2.19	0.42
1:A:1991:ALA:O	1:A:1992:ASN:C	2.61	0.42
1:A:2139:ALA:HA	1:A:2151:ILE:O	2.19	0.42
3:C:67:MET:O	3:C:78:ILE:N	2.44	0.42
3:C:177:HIS:CE1	3:C:227:ARG:HA	2.54	0.42
3:C:185:MET:HE2	3:C:210:LEU:HD22	2.00	0.42
3:C:196:VAL:HG11	3:C:252:PHE:CZ	2.53	0.42
3:C:222:TYR:HB2	3:C:240:ALA:CB	2.48	0.42
3:C:238:CYS:HB3	3:C:273:MET:O	2.19	0.42
1:a:847:LEU:H	1:a:847:LEU:HG	1.59	0.42
1:a:1028:ARG:HG3	1:a:1029:PRO:N	2.35	0.42
1:a:1513:ALA:HB1	1:a:1532:TYR:O	2.19	0.42
1:a:1609:PRO:C	1:a:1611:ARG:N	2.72	0.42
1:a:1756:GLU:O	1:a:1759:LEU:HB2	2.19	0.42
1:a:1956:LEU:HA	1:a:1959:GLN:OE1	2.19	0.42
1:a:2251:ARG:HA	1:a:2254:ARG:HB2	2.01	0.42
3:c:238:CYS:HB3	3:c:273:MET:O	2.19	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:c:247:TRP:HB3	3:c:252:PHE:HA	2.00	0.42
3:c:277:ALA:N	3:c:285:ILE:HG13	2.34	0.42
1:A:862:PRO:HA	1:A:865:LEU:HD12	2.00	0.42
1:A:970:MET:C	1:A:972:VAL:H	2.28	0.42
1:A:1055:LEU:O	1:A:1056:ILE:C	2.62	0.42
1:A:1152:ALA:C	1:A:1187:LYS:HZ1	2.23	0.42
1:A:1373:PRO:O	1:A:1375:ARG:N	2.52	0.42
1:A:1446:GLN:HA	1:A:1449:TRP:CD1	2.55	0.42
1:A:1523:LEU:HD23	1:A:1523:LEU:HA	1.74	0.42
1:A:1552:LEU:HA	1:A:1552:LEU:HD23	1.80	0.42
1:A:1704:MET:HA	1:A:1707:SER:HB2	2.00	0.42
1:A:1797:ASN:O	1:A:1801:VAL:HG23	2.20	0.42
1:A:1808:ASN:CB	1:A:1873:LEU:HD21	2.50	0.42
1:A:1936:LEU:HA	1:A:1939:ILE:CG1	2.49	0.42
1:A:1956:LEU:HA	1:A:1959:GLN:CB	2.43	0.42
1:A:2174:LEU:HB2	1:A:2182:PHE:HB2	2.00	0.42
1:A:2183:VAL:O	1:A:2184:PHE:HD1	2.02	0.42
1:A:2288:GLU:OE1	3:C:272:TRP:CZ2	2.72	0.42
1:a:868:LEU:HA	1:a:868:LEU:HD23	1.73	0.42
1:a:948:PRO:C	1:a:951:SER:HG	2.22	0.42
1:a:993:VAL:HB	1:a:1030:TYR:CZ	2.54	0.42
1:a:1075:ILE:HG13	1:a:1078:MET:HB2	2.00	0.42
1:a:1122:PHE:CB	1:a:1161:ARG:HD2	2.49	0.42
1:a:1178:SER:HG	1:a:1179:SER:H	1.67	0.42
1:a:1417:ILE:HG22	1:a:1432:VAL:HG11	2.00	0.42
1:a:1540:THR:HG22	1:a:1541:HIS:N	2.34	0.42
1:a:1552:LEU:HD12	1:a:1599:LEU:HD11	2.01	0.42
1:a:1555:ASP:O	1:a:1556:LEU:HD23	2.18	0.42
1:a:1795:VAL:HG22	1:a:1888:PHE:HE1	1.84	0.42
1:a:1907:LEU:HA	1:a:1910:TRP:HB3	2.00	0.42
1:a:2127:SER:HG	1:a:2130:LEU:HG	1.84	0.42
1:a:2536:GLU:HA	1:a:2539:CYS:SG	2.59	0.42
2:b:189:PRO:O	2:b:262:LEU:HA	2.18	0.42
2:b:900:ASP:HA	2:b:922:GLN:HA	2.00	0.42
3:c:23:THR:HG22	3:c:39:GLN:OE1	2.19	0.42
3:c:149:SER:O	3:c:170:GLU:N	2.52	0.42
3:c:173:ILE:HB	3:c:187:ALA:HB1	2.01	0.42
1:A:693:LEU:O	1:A:696:LEU:N	2.50	0.42
1:A:774:PRO:HA	1:a:1079:LEU:HD22	2.02	0.42
1:A:908:GLN:O	1:A:909:SER:C	2.62	0.42
1:A:911:ASP:O	1:A:912:ALA:C	2.62	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1208:ARG:HA	1:A:1211:VAL:HB	2.01	0.42
1:A:1218:LYS:HA	1:A:1221:THR:OG1	2.19	0.42
1:A:1651:ARG:HG3	1:A:1652:THR:H	1.84	0.42
1:A:1956:LEU:O	1:A:1960:LEU:N	2.26	0.42
1:A:2302:LEU:HD13	1:A:2306:LYS:HD3	2.01	0.42
3:C:26:PHE:O	3:C:35:THR:N	2.52	0.42
3:C:67:MET:CB	3:C:78:ILE:HB	2.49	0.42
3:C:199:LEU:HA	3:C:199:LEU:HD23	1.74	0.42
1:a:842:TRP:C	1:a:843:THR:HG1	2.24	0.42
1:a:867:VAL:HG13	1:a:871:PHE:CE2	2.54	0.42
1:a:990:LEU:HD22	1:a:1030:TYR:CE2	2.45	0.42
1:a:1193:PRO:C	1:a:1197:LYS:NZ	2.78	0.42
1:a:1382:LEU:O	1:a:1385:GLU:C	2.62	0.42
1:a:1487:LEU:HA	1:a:1665:ARG:HH22	1.84	0.42
1:a:1613:GLU:HA	1:a:1616:ARG:HH11	1.85	0.42
1:a:1619:TRP:HB3	1:a:1640:ARG:NH1	2.34	0.42
1:a:1634:GLN:O	1:a:1637:LEU:N	2.52	0.42
1:a:1784:ARG:HD3	1:a:1790:TRP:CZ2	2.54	0.42
1:a:1910:TRP:CH2	1:a:1956:LEU:HD22	2.55	0.42
1:a:1936:LEU:HA	1:a:1939:ILE:CG1	2.50	0.42
1:a:1969:PRO:O	1:a:1973:ILE:N	2.38	0.42
1:a:1992:ASN:HA	1:a:1995:LEU:HD12	2.01	0.42
1:a:2183:VAL:O	1:a:2184:PHE:HD1	2.02	0.42
1:a:2243:CYS:HA	1:a:2346:LEU:O	2.19	0.42
1:a:2247:HIS:HB2	1:a:2342:SER:N	2.34	0.42
1:a:2332:TYR:OH	1:a:2507:LYS:HG2	2.18	0.42
2:b:477:LEU:O	2:b:480:LEU:N	2.52	0.42
2:b:1042:ASP:C	2:b:1044:ASP:N	2.75	0.42
3:c:297:TRP:CZ3	3:c:304:ILE:HG13	2.54	0.42
1:A:1082:PHE:CE1	1:A:1117:PRO:HG3	2.54	0.42
1:A:1205:ASN:C	1:A:1206:HIS:CG	2.97	0.42
1:A:1551:ALA:HB1	1:A:1556:LEU:HB2	2.01	0.42
1:A:1566:LYS:HE2	1:A:1566:LYS:HB2	1.74	0.42
1:A:1939:ILE:O	1:A:1943:ILE:HG13	2.19	0.42
1:A:1960:LEU:O	1:A:1964:ILE:N	2.47	0.42
1:A:1992:ASN:HA	1:A:1995:LEU:HD12	2.01	0.42
1:A:2314:PHE:O	1:A:2317:ARG:HB3	2.18	0.42
1:A:2529:ILE:O	1:A:2533:THR:N	2.53	0.42
2:B:191:ILE:HB	2:B:264:THR:HA	2.02	0.42
2:B:200:GLY:O	2:B:204:LYS:HG3	2.19	0.42
3:C:312:GLN:OE1	3:C:312:GLN:N	2.53	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:331:VAL:HA	1:a:332:GLY:HA2	1.71	0.42
1:a:908:GLN:CD	1:a:1572:ASP:OD1	2.63	0.42
1:a:911:ASP:O	1:a:912:ALA:C	2.62	0.42
1:a:1055:LEU:O	1:a:1056:ILE:C	2.62	0.42
1:a:1691:THR:O	1:a:1691:THR:HG22	2.18	0.42
1:a:1697:THR:HG22	1:a:1701:MET:SD	2.60	0.42
1:a:2050:VAL:HG12	1:a:2051:LEU:HD23	2.01	0.42
1:a:2266:ARG:HG2	1:a:2270:ARG:NH2	2.35	0.42
3:c:223:ALA:HA	3:c:239:SER:HA	2.00	0.42
1:A:379:LYS:O	1:A:383:SER:N	2.53	0.42
1:A:594:PHE:CE2	1:A:631:THR:HG21	2.55	0.42
1:A:684:ASP:O	1:A:688:ALA:N	2.38	0.42
1:A:915:VAL:HG13	1:A:916:SER:O	2.20	0.42
1:A:1026:HIS:CB	1:A:1031:MET:HE2	2.45	0.42
1:A:1028:ARG:HG3	1:A:1029:PRO:N	2.35	0.42
1:A:1037:LEU:O	1:A:1040:GLU:N	2.52	0.42
1:A:1389:LYS:O	1:A:1392:ALA:C	2.62	0.42
1:A:1513:ALA:HB1	1:A:1532:TYR:O	2.19	0.42
1:A:1538:ARG:HG2	1:A:1547:ARG:CD	2.50	0.42
1:A:1697:THR:HG22	1:A:1701:MET:SD	2.60	0.42
1:A:1938:VAL:HG12	1:A:1938:VAL:O	2.19	0.42
1:A:2071:ASN:HA	1:A:2075:GLY:HA3	2.02	0.42
1:A:2080:GLU:O	1:A:2084:TRP:HD1	2.03	0.42
1:A:2251:ARG:HA	1:A:2254:ARG:HB2	2.01	0.42
1:A:2254:ARG:NH2	1:A:2549:TRP:NE1	2.66	0.42
1:A:2318:THR:O	1:A:2319:ASN:C	2.63	0.42
1:A:2398:ILE:O	1:A:2401:HIS:HB2	2.20	0.42
2:B:140:ASN:C	2:B:142:LYS:N	2.76	0.42
3:C:18:ALA:N	3:C:317:CYS:O	2.47	0.42
3:C:100:MET:O	3:C:112:TRP:HB2	2.19	0.42
3:C:227:ARG:HD2	3:C:276:CYS:H	1.84	0.42
1:a:832:SER:CB	1:a:836:LYS:HE3	2.49	0.42
1:a:973:GLN:O	1:a:974:ALA:C	2.62	0.42
1:a:975:ILE:HG22	1:a:979:PHE:CD2	2.55	0.42
1:a:999:ASN:O	1:a:1002:ARG:N	2.53	0.42
1:a:1446:GLN:HA	1:a:1449:TRP:CD1	2.54	0.42
1:a:1612:ARG:O	1:a:1615:ILE:HG13	2.20	0.42
1:a:1627:GLN:O	1:a:1628:ARG:HG2	2.19	0.42
1:a:1795:VAL:CG2	1:a:1888:PHE:HE1	2.33	0.42
1:a:2201:LEU:O	1:a:2205:VAL:HG23	2.20	0.42
1:a:2288:GLU:OE1	3:c:272:TRP:CZ2	2.72	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:2345:MET:SD	1:a:2354:LEU:HD23	2.59	0.42
2:b:919:HIS:HA	2:b:930:PHE:O	2.20	0.42
3:c:274:TRP:HD1	3:c:288:ALA:O	2.02	0.42
1:A:1031:MET:O	1:A:1032:ASP:C	2.61	0.42
1:A:1073:GLN:O	1:A:1076:PRO:HD2	2.20	0.42
1:A:1077:HIS:C	1:A:1079:LEU:N	2.77	0.42
1:A:1115:LEU:HA	1:A:1115:LEU:HD23	1.66	0.42
1:A:1178:SER:O	1:A:1181:VAL:N	2.53	0.42
1:A:1198:VAL:HG12	1:A:1199:LEU:HD23	2.01	0.42
1:A:1612:ARG:O	1:A:1615:ILE:HG13	2.20	0.42
1:A:1617:GLN:O	1:A:1620:TRP:HB3	2.19	0.42
1:A:1921:GLU:O	1:A:1925:GLU:HG2	2.20	0.42
1:A:2012:VAL:HG12	1:A:2016:LEU:CG	2.49	0.42
1:A:2341:PRO:HD3	1:A:2378:ARG:NH1	2.34	0.42
2:B:919:HIS:HA	2:B:930:PHE:O	2.20	0.42
2:B:1189:SER:HA	2:B:1221:LYS:HA	2.01	0.42
3:C:20:TYR:HB2	3:C:313:LYS:CB	2.49	0.42
1:a:912:ALA:CB	1:a:1597:SER:HB3	2.49	0.42
1:a:914:ALA:C	1:a:915:VAL:HG23	2.44	0.42
1:a:1218:LYS:HA	1:a:1221:THR:OG1	2.19	0.42
1:a:1445:ILE:O	1:a:1449:TRP:CD1	2.68	0.42
1:a:1450:TYR:CD1	1:a:1453:LEU:HD12	2.53	0.42
1:a:1538:ARG:HG2	1:a:1547:ARG:CD	2.50	0.42
1:a:1605:TYR:CD1	1:a:1615:ILE:HD12	2.53	0.42
1:a:1728:ALA:HB2	1:a:1743:LEU:HD23	2.01	0.42
1:a:1797:ASN:O	1:a:1801:VAL:HG23	2.20	0.42
1:a:2542:TYR:O	1:a:2545:TRP:HB3	2.20	0.42
2:b:891:ASP:O	2:b:903:SER:HA	2.20	0.42
1:A:766:ARG:HH22	2:b:455:ARG:HA	1.84	0.42
1:A:829:GLN:H	1:A:829:GLN:HG3	1.45	0.42
1:A:867:VAL:HG13	1:A:871:PHE:CE2	2.54	0.42
1:A:975:ILE:HG22	1:A:979:PHE:CD2	2.55	0.42
1:A:1074:LEU:HA	1:A:1074:LEU:HD23	1.71	0.42
1:A:1080:ARG:O	1:A:1083:MET:HB2	2.20	0.42
1:A:1122:PHE:CB	1:A:1161:ARG:HD2	2.49	0.42
1:A:1141:ARG:O	1:A:1144:GLU:N	2.52	0.42
1:A:1433:LEU:O	1:A:1437:MET:HG3	2.20	0.42
1:A:1681:PRO:HG2	1:A:1683:ARG:HD2	2.01	0.42
1:A:1721:VAL:HG13	1:A:1747:MET:HE3	2.02	0.42
1:A:1798:PHE:HE2	1:A:1905:ARG:HH11	1.67	0.42
1:A:1875:LYS:O	1:A:1878:LEU:N	2.52	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:2083:GLU:CG	1:A:2087:LYS:HE3	2.47	0.42
1:A:2303:LEU:HA	1:A:2303:LEU:HD23	1.77	0.42
1:A:2344:LEU:CB	1:A:2355:HIS:HA	2.49	0.42
2:B:1127:MET:HB3	2:B:1170:THR:O	2.19	0.42
1:a:353:LYS:C	1:a:355:THR:N	2.77	0.42
1:a:639:GLY:O	1:a:676:LEU:HD21	2.20	0.42
1:a:735:ILE:H	1:a:738:LEU:CD1	2.21	0.42
1:a:781:LEU:C	1:a:783:LEU:N	2.78	0.42
1:a:829:GLN:H	1:a:829:GLN:HG3	1.45	0.42
1:a:847:LEU:O	1:a:851:THR:OG1	2.22	0.42
1:a:917:LEU:HD11	1:a:1590:MET:HG3	2.02	0.42
1:a:1170:ARG:HH21	1:a:1204:ILE:HG23	1.83	0.42
1:a:1205:ASN:C	1:a:1206:HIS:CG	2.97	0.42
1:a:1560:ALA:O	1:a:1561:GLN:C	2.63	0.42
1:a:1597:SER:O	1:a:1601:GLU:N	2.52	0.42
1:a:1602:VAL:HG13	1:a:1643:VAL:HB	2.01	0.42
1:a:1612:ARG:O	1:a:1615:ILE:N	2.34	0.42
1:a:1637:LEU:HD23	1:a:1640:ARG:HD2	2.02	0.42
1:a:1685:LEU:HD11	1:a:1712:ASP:HB2	2.02	0.42
1:a:1702:LYS:O	1:a:1705:TRP:HB3	2.20	0.42
2:b:810:GLN:HB3	2:b:812:TRP:HE1	1.83	0.42
3:c:18:ALA:N	3:c:317:CYS:O	2.47	0.42
3:c:20:TYR:HB2	3:c:313:LYS:CB	2.49	0.42
3:c:61:GLY:HA3	3:c:64:HIS:NE2	2.35	0.42
3:c:62:TYR:HA	3:c:87:ASN:HA	2.01	0.42
1:A:314:THR:HA	1:A:322:VAL:HA	2.02	0.42
1:A:566:ALA:HA	1:A:603:VAL:HG22	2.02	0.42
1:A:613:SER:HA	1:A:616:LYS:CE	2.50	0.42
1:A:639:GLY:O	1:A:676:LEU:HD21	2.20	0.42
1:A:640:HIS:NE2	1:A:672:ARG:HG2	2.35	0.42
1:A:727:MET:N	1:A:728:PRO:HD2	2.35	0.42
1:A:907:ASP:O	1:A:910:ARG:HB2	2.20	0.42
1:A:963:SER:HA	1:A:966:HIS:HD2	1.85	0.42
1:A:1265:LEU:O	1:A:1268:ALA:HB2	2.19	0.42
1:A:1382:LEU:O	1:A:1385:GLU:C	2.62	0.42
1:A:1881:THR:HG23	1:A:1909:LEU:HD13	2.02	0.42
1:A:1910:TRP:CH2	1:A:1956:LEU:HD22	2.55	0.42
1:A:1972:LEU:HB3	1:A:1976:LEU:HD12	2.02	0.42
1:A:2078:LEU:O	1:A:2082:GLN:N	2.49	0.42
1:A:2108:PHE:HA	1:A:2111:ILE:HB	2.01	0.42
1:A:2316:ARG:NH2	1:A:2349:LEU:HA	2.35	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
2:B:208:GLN:O	2:B:211:LEU:HB2	2.20	0.42
3:C:27:TRP:CE2	3:C:308:TYR:HB3	2.54	0.42
3:C:127:VAL:HB	3:C:153:HIS:CE1	2.55	0.42
3:C:173:ILE:HB	3:C:187:ALA:HB1	2.01	0.42
1:a:915:VAL:HG13	1:a:916:SER:O	2.20	0.42
1:a:1015:GLN:HA	1:a:1018:MET:HB2	2.01	0.42
1:a:1037:LEU:O	1:a:1040:GLU:HB2	2.20	0.42
1:a:1073:GLN:O	1:a:1076:PRO:HD2	2.20	0.42
1:a:1483:CYS:O	1:a:1487:LEU:HG	2.20	0.42
1:a:1649:ASP:O	1:a:1650:MET:C	2.63	0.42
1:a:2193:ARG:C	1:a:2427:LEU:HD11	2.45	0.42
1:a:2398:ILE:O	1:a:2401:HIS:HB2	2.20	0.42
3:c:27:TRP:CE2	3:c:308:TYR:HB3	2.54	0.42
3:c:65:ILE:HG22	3:c:66:ARG:H	1.84	0.42
3:c:222:TYR:O	3:c:240:ALA:N	2.39	0.42
3:c:260:ILE:HG12	3:c:273:MET:HE2	2.01	0.42
3:c:284:TYR:HE1	3:c:305:LYS:NZ	2.18	0.42
1:A:620:MET:O	1:A:624:ARG:N	2.40	0.42
1:A:704:VAL:HG12	1:A:708:ARG:NH2	2.35	0.42
1:A:717:ARG:HH22	1:A:748:ARG:HH11	1.62	0.42
1:A:918:SER:C	1:A:920:SER:H	2.28	0.42
1:A:920:SER:O	1:A:923:SER:OG	2.21	0.42
1:A:1098:ALA:O	1:A:1099:ALA:C	2.62	0.42
1:A:1193:PRO:C	1:A:1197:LYS:NZ	2.78	0.42
1:A:1597:SER:O	1:A:1600:GLU:N	2.53	0.42
1:A:2048:PHE:O	1:A:2052:GLU:HG2	2.20	0.42
1:A:2243:CYS:HA	1:A:2346:LEU:O	2.19	0.42
1:A:2282:GLN:O	1:A:2286:VAL:N	2.39	0.42
1:A:2379:LEU:HD21	1:A:2392:LEU:CD2	2.50	0.42
1:A:2422:VAL:HG12	1:A:2497:ALA:HB1	2.01	0.42
3:C:238:CYS:HB3	3:C:273:MET:C	2.45	0.42
1:a:633:SER:HA	1:a:672:ARG:HH22	1.85	0.42
1:a:704:VAL:HG12	1:a:708:ARG:NH2	2.35	0.42
1:a:727:MET:CE	1:a:760:LEU:HB3	2.50	0.42
1:a:908:GLN:O	1:a:909:SER:C	2.62	0.42
1:a:1019:LEU:HA	1:a:1019:LEU:HD23	1.91	0.42
1:a:1178:SER:O	1:a:1181:VAL:N	2.53	0.42
1:a:1204:ILE:O	1:a:1206:HIS:CD2	2.73	0.42
1:a:1559:LEU:O	1:a:1562:GLN:N	2.52	0.42
1:a:1617:GLN:O	1:a:1620:TRP:HB3	2.19	0.42
1:a:1956:LEU:CA	1:a:1959:GLN:HB3	2.44	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:2278:LEU:HA	3:c:44:GLN:OE1	2.20	0.42
1:a:2297:ASP:OD2	1:a:2301:LYS:HD2	2.20	0.42
1:a:2299:LEU:CD2	1:a:2386:ALA:HB2	2.48	0.42
1:a:2503:ARG:NH1	1:a:2512:ASP:HB2	2.34	0.42
2:b:1189:SER:HA	2:b:1221:LYS:HA	2.01	0.42
3:c:26:PHE:CD2	3:c:36:ARG:HG3	2.54	0.42
3:c:127:VAL:HB	3:c:153:HIS:CE1	2.55	0.42
1:A:258:ASP:HA	1:A:259:ASP:C	2.45	0.41
1:A:717:ARG:NH2	1:A:748:ARG:HH11	2.17	0.41
1:A:727:MET:CE	1:A:760:LEU:HB3	2.50	0.41
1:A:783:LEU:HA	1:A:783:LEU:HD23	1.80	0.41
1:A:902:ASN:CA	1:A:905:MET:HB2	2.41	0.41
1:A:974:ALA:HA	1:A:977:PHE:HD2	1.85	0.41
1:A:1068:LYS:HB3	2:B:428:ASN:HA	2.02	0.41
1:A:1193:PRO:C	1:A:1197:LYS:HZ3	2.25	0.41
1:A:1613:GLU:HA	1:A:1616:ARG:HH11	1.85	0.41
1:A:1679:VAL:HG21	1:A:1690:PRO:CG	2.48	0.41
1:A:1956:LEU:HA	1:A:1959:GLN:OE1	2.19	0.41
1:A:2015:GLU:HB2	1:A:2130:LEU:HG	2.01	0.41
1:A:2302:LEU:HD12	1:A:2303:LEU:HG	2.01	0.41
1:A:2315:ASP:O	1:A:2319:ASN:N	2.35	0.41
1:A:2503:ARG:NH1	1:A:2512:ASP:HB2	2.34	0.41
1:a:737:ILE:HG23	1:a:740:GLU:OE1	2.20	0.41
1:a:907:ASP:O	1:a:910:ARG:HB2	2.20	0.41
1:a:915:VAL:HG13	1:a:916:SER:OG	2.20	0.41
1:a:967:HIS:HA	1:a:971:VAL:HG22	2.02	0.41
1:a:974:ALA:HA	1:a:977:PHE:HD2	1.85	0.41
1:a:1025:SER:OG	1:a:1026:HIS:CE1	2.72	0.41
1:a:1068:LYS:HB3	2:b:428:ASN:HA	2.02	0.41
1:a:1385:GLU:HB3	1:a:1396:ALA:CB	2.47	0.41
1:a:1481:MET:HA	1:a:1484:LEU:HD12	2.02	0.41
1:a:1980:SER:O	1:a:1988:HIS:HB2	2.19	0.41
1:a:2316:ARG:NH2	1:a:2349:LEU:HA	2.35	0.41
1:a:2402:THR:O	1:a:2406:VAL:HG23	2.19	0.41
2:b:198:ASN:HB3	2:b:202:ILE:HG13	2.01	0.41
3:c:15:LEU:O	3:c:27:TRP:HB2	2.20	0.41
3:c:173:ILE:O	3:c:173:ILE:HD12	2.20	0.41
3:c:192:GLY:HA2	3:c:223:ALA:H	1.85	0.41
3:c:247:TRP:HE3	3:c:252:PHE:O	2.03	0.41
1:A:902:ASN:O	1:A:905:MET:HB2	2.18	0.41
1:A:915:VAL:HG13	1:A:916:SER:OG	2.20	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:967:HIS:HA	1:A:971:VAL:HG22	2.02	0.41
1:A:989:PHE:CD2	1:A:989:PHE:N	2.88	0.41
1:A:1190:ILE:H	1:A:1191:PHE:HB2	1.85	0.41
1:A:1459:ALA:O	1:A:1463:TYR:N	2.36	0.41
1:A:1560:ALA:O	1:A:1561:GLN:C	2.63	0.41
1:A:1649:ASP:OD2	1:A:1652:THR:HB	2.20	0.41
1:A:2172:LEU:HD21	1:A:2174:LEU:HD21	2.01	0.41
1:A:2201:LEU:O	1:A:2205:VAL:HG23	2.20	0.41
1:A:2542:TYR:O	1:A:2545:TRP:HB3	2.20	0.41
2:B:520:SER:O	2:B:524:ASP:N	2.51	0.41
2:B:891:ASP:O	2:B:903:SER:HA	2.20	0.41
2:B:1128:VAL:HG21	2:B:1172:LEU:O	2.20	0.41
3:C:62:TYR:HA	3:C:87:ASN:HA	2.01	0.41
3:C:192:GLY:HA2	3:C:223:ALA:H	1.85	0.41
3:C:192:GLY:HA2	3:C:223:ALA:HB2	2.03	0.41
3:C:256:THR:OG1	3:C:300:GLU:O	2.31	0.41
1:a:379:LYS:O	1:a:383:SER:N	2.53	0.41
1:a:788:PRO:HA	1:a:791:ASN:CG	2.46	0.41
1:a:870:ASN:HA	1:a:873:LYS:HB2	2.02	0.41
1:a:918:SER:C	1:a:920:SER:H	2.28	0.41
1:a:1080:ARG:O	1:a:1083:MET:HB2	2.20	0.41
1:a:1179:SER:HA	1:a:1182:PHE:CD2	2.55	0.41
1:a:1375:ARG:HA	1:a:1376:ASP:C	2.45	0.41
1:a:1619:TRP:O	1:a:1620:TRP:C	2.62	0.41
1:a:1630:VAL:O	1:a:1631:GLU:C	2.63	0.41
1:a:1681:PRO:HG2	1:a:1683:ARG:HD2	2.01	0.41
1:a:1777:SER:O	1:a:1781:GLU:HG2	2.19	0.41
1:a:1878:LEU:HD12	1:a:1919:VAL:HG23	2.01	0.41
1:a:2302:LEU:HD12	1:a:2303:LEU:HG	2.01	0.41
1:a:2318:THR:O	1:a:2319:ASN:C	2.63	0.41
2:b:110:TYR:HB3	2:b:115:PRO:HD3	2.02	0.41
2:b:111:GLU:C	2:b:113:TRP:H	2.28	0.41
2:b:156:PRO:CB	2:b:158:PRO:HG3	2.50	0.41
2:b:372:PRO:HA	2:b:373:THR:HA	1.65	0.41
2:b:747:GLU:CB	2:b:748:SER:HA	2.50	0.41
3:c:62:TYR:CZ	3:c:86:LYS:HA	2.55	0.41
1:A:648:ALA:O	1:A:652:VAL:N	2.37	0.41
1:A:668:ASP:N	1:A:669:PRO:HD2	2.35	0.41
1:A:741:LEU:HD23	1:A:741:LEU:HA	1.85	0.41
1:A:794:VAL:O	1:A:798:VAL:HG23	2.20	0.41
1:A:906:ILE:O	1:A:907:ASP:C	2.63	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:922:SER:O	1:A:926:SER:OG	2.38	0.41
1:A:947:TYR:HB2	1:A:950:VAL:CB	2.51	0.41
1:A:999:ASN:O	1:A:1002:ARG:N	2.53	0.41
1:A:1037:LEU:O	1:A:1040:GLU:HB2	2.20	0.41
1:A:1179:SER:HA	1:A:1182:PHE:CD2	2.55	0.41
1:A:1385:GLU:HB3	1:A:1396:ALA:CB	2.47	0.41
1:A:1448:THR:O	1:A:1451:GLU:HB3	2.18	0.41
1:A:1552:LEU:C	1:A:1555:ASP:H	2.28	0.41
1:A:1585:ARG:HH11	1:A:1589:ALA:N	2.19	0.41
1:A:1773:LEU:O	1:A:1777:SER:OG	2.30	0.41
1:A:1776:TYR:CB	1:A:1793:TRP:HB2	2.48	0.41
1:A:1967:TYR:CB	1:A:1968:HIS:ND1	2.84	0.41
1:A:2247:HIS:HB2	1:A:2342:SER:N	2.34	0.41
1:A:2297:ASP:OD2	1:A:2301:LYS:HD2	2.20	0.41
2:B:168:ASN:ND2	2:B:213:ARG:HD3	2.35	0.41
2:B:189:PRO:HG2	2:B:262:LEU:HA	2.01	0.41
2:B:198:ASN:HB3	2:B:202:ILE:HG13	2.01	0.41
2:B:208:GLN:HA	2:B:211:LEU:HD12	2.02	0.41
2:B:349:ASN:O	2:B:350:PHE:C	2.63	0.41
3:C:15:LEU:O	3:C:27:TRP:HB2	2.20	0.41
1:a:258:ASP:HA	1:a:259:ASP:C	2.45	0.41
1:a:566:ALA:HA	1:a:603:VAL:HG22	2.02	0.41
1:a:664:ILE:O	1:a:667:PRO:HD3	2.20	0.41
1:a:714:THR:N	1:a:717:ARG:NH2	2.62	0.41
1:a:794:VAL:O	1:a:798:VAL:HG23	2.20	0.41
1:a:1373:PRO:O	1:a:1375:ARG:N	2.52	0.41
1:a:1650:MET:O	1:a:1653:TRP:N	2.53	0.41
1:a:2083:GLU:OE1	1:a:2086:ARG:NE	2.38	0.41
1:a:2183:VAL:O	1:a:2239:TRP:N	2.46	0.41
1:a:2300:ALA:O	1:a:2303:LEU:HB2	2.20	0.41
1:a:2301:LYS:HB3	1:a:2301:LYS:HE3	1.81	0.41
1:a:2412:ASP:O	1:a:2415:MET:N	2.53	0.41
3:c:130:PRO:O	3:c:147:ASP:HA	2.20	0.41
3:c:169:PRO:C	3:c:171:VAL:H	2.28	0.41
3:c:177:HIS:CE1	3:c:227:ARG:HA	2.54	0.41
3:c:260:ILE:HG21	3:c:287:THR:HG21	2.03	0.41
1:A:664:ILE:O	1:A:667:PRO:HD3	2.20	0.41
1:A:768:ILE:O	1:A:769:ARG:C	2.63	0.41
1:A:776:LEU:CD1	1:A:816:TRP:HB3	2.51	0.41
1:A:782:LYS:O	1:A:786:PRO:HG3	2.20	0.41
1:A:908:GLN:CD	1:A:1572:ASP:OD1	2.63	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1020:VAL:HG12	1:A:1024:LYS:CE	2.46	0.41
1:A:1204:ILE:O	1:A:1206:HIS:CD2	2.73	0.41
1:A:1375:ARG:HA	1:A:1376:ASP:C	2.45	0.41
1:A:1401:GLU:O	1:A:1404:PHE:HB3	2.20	0.41
1:A:1402:LEU:HD12	1:A:1402:LEU:HA	1.76	0.41
1:A:1481:MET:HA	1:A:1484:LEU:HD12	2.02	0.41
1:A:1603:ILE:HG12	1:A:1604:GLN:NE2	2.35	0.41
1:A:1619:TRP:HB3	1:A:1640:ARG:NH1	2.34	0.41
1:A:1694:PRO:O	1:A:1697:THR:HB	2.20	0.41
1:A:1705:TRP:CZ3	1:A:1757:TRP:HB3	2.56	0.41
1:A:1728:ALA:HB2	1:A:1743:LEU:HD23	2.01	0.41
1:A:1768:THR:O	1:A:1769:ILE:C	2.64	0.41
1:A:1924:VAL:HG22	1:A:1956:LEU:HD12	2.02	0.41
1:A:1943:ILE:O	1:A:1987:ARG:NH2	2.52	0.41
1:A:2193:ARG:C	1:A:2427:LEU:HD11	2.45	0.41
2:B:782:GLU:HG2	2:B:1248:ASN:CB	2.50	0.41
3:C:173:ILE:O	3:C:173:ILE:HD12	2.20	0.41
1:a:296:HIS:HA	1:a:297:ASP:HA	1.62	0.41
1:a:594:PHE:CE2	1:a:631:THR:HG21	2.55	0.41
1:a:842:TRP:CE3	1:a:842:TRP:HA	2.55	0.41
1:a:919:GLU:HG3	1:a:1627:GLN:O	2.21	0.41
1:a:960:ARG:O	1:a:963:SER:OG	2.24	0.41
1:a:1114:LEU:HD23	1:a:1114:LEU:HA	1.65	0.41
1:a:1167:PRO:HA	1:a:1170:ARG:HG3	2.02	0.41
1:a:1472:ASP:CG	1:a:1477:MET:HB2	2.46	0.41
1:a:1718:GLN:NE2	1:a:1775:TYR:OH	2.54	0.41
1:a:1721:VAL:HG13	1:a:1747:MET:HE3	2.02	0.41
1:a:1808:ASN:CB	1:a:1873:LEU:HD21	2.50	0.41
1:a:2088:TYR:O	1:a:2092:GLY:N	2.43	0.41
1:a:2127:SER:C	1:a:2129:LYS:N	2.76	0.41
1:a:2380:THR:O	1:a:2383:LEU:N	2.54	0.41
1:a:2534:SER:HB3	1:a:2537:ASN:ND2	2.36	0.41
2:b:782:GLU:HG2	2:b:1248:ASN:CB	2.50	0.41
3:c:61:GLY:HA3	3:c:64:HIS:CE1	2.55	0.41
3:c:65:ILE:HD13	3:c:100:MET:HE1	2.02	0.41
1:A:735:ILE:H	1:A:738:LEU:CD1	2.21	0.41
1:A:906:ILE:HG23	1:A:909:SER:OG	2.20	0.41
1:A:1129:LEU:HD23	1:A:1129:LEU:HA	1.77	0.41
1:A:1450:TYR:CD1	1:A:1453:LEU:HD12	2.53	0.41
1:A:1475:GLU:H	1:A:1475:GLU:HG3	1.46	0.41
1:A:1524:GLY:O	1:A:1526:TRP:NE1	2.53	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1540:THR:HG22	1:A:1541:HIS:N	2.35	0.41
1:A:1597:SER:O	1:A:1601:GLU:N	2.52	0.41
1:A:1808:ASN:HB2	1:A:1873:LEU:HD11	2.03	0.41
1:A:2339:ARG:HA	1:A:2339:ARG:HD3	1.68	0.41
3:C:36:ARG:HD2	3:C:73:ASN:HA	2.03	0.41
3:C:41:GLN:C	3:C:43:SER:H	2.28	0.41
3:C:130:PRO:O	3:C:147:ASP:HA	2.20	0.41
1:a:637:ILE:HG13	1:a:672:ARG:HH21	1.84	0.41
1:a:714:THR:CB	1:a:715:VAL:HG23	2.49	0.41
1:a:768:ILE:O	1:a:769:ARG:C	2.63	0.41
1:a:894:LEU:CD2	1:a:898:LYS:HZ1	2.29	0.41
1:a:969:THR:HA	1:a:970:MET:HA	1.85	0.41
1:a:1552:LEU:C	1:a:1555:ASP:H	2.28	0.41
1:a:1642:LEU:HD23	1:a:1642:LEU:HA	1.83	0.41
1:a:1694:PRO:O	1:a:1697:THR:HB	2.20	0.41
1:a:2253:TYR:HB2	1:a:2302:LEU:CD2	2.50	0.41
3:c:260:ILE:HG23	3:c:273:MET:HE1	2.02	0.41
3:c:312:GLN:OE1	3:c:312:GLN:N	2.53	0.41
1:A:788:PRO:HA	1:A:791:ASN:CG	2.46	0.41
1:A:891:LEU:HD23	1:A:891:LEU:HA	1.73	0.41
1:A:1795:VAL:CG2	1:A:1888:PHE:HE1	2.33	0.41
1:A:2115:LEU:HB3	1:A:2168:ARG:NH1	2.35	0.41
1:A:2141:PRO:O	1:A:2143:THR:HG23	2.19	0.41
1:A:2381:ARG:HA	1:A:2384:THR:HB	2.02	0.41
2:B:1046:ILE:HD12	2:B:1096:TRP:HZ2	1.85	0.41
3:C:136:LEU:HD12	3:C:142:GLU:C	2.46	0.41
3:C:136:LEU:HA	3:C:142:GLU:O	2.21	0.41
3:C:222:TYR:O	3:C:240:ALA:N	2.39	0.41
1:a:728:PRO:HA	1:a:731:ARG:HB2	2.03	0.41
1:a:784:LYS:NZ	1:a:821:PHE:C	2.78	0.41
1:a:1011:PHE:O	1:a:1015:GLN:HG3	2.20	0.41
1:a:1057:GLU:HB3	1:a:1101:GLN:CD	2.46	0.41
1:a:1170:ARG:HH21	1:a:1204:ILE:HA	1.84	0.41
1:a:1433:LEU:O	1:a:1437:MET:HG3	2.20	0.41
1:a:1480:ARG:HH12	1:a:1484:LEU:HD11	1.85	0.41
1:a:1566:LYS:HE2	1:a:1566:LYS:HB2	1.74	0.41
1:a:1597:SER:O	1:a:1600:GLU:N	2.53	0.41
1:a:1649:ASP:OD2	1:a:1653:TRP:CD1	2.73	0.41
1:a:1881:THR:HG23	1:a:1909:LEU:HD13	2.02	0.41
1:a:1972:LEU:HB3	1:a:1976:LEU:HD12	2.02	0.41
1:a:2048:PHE:O	1:a:2052:GLU:HG2	2.20	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:2075:GLY:O	1:a:2078:LEU:HB2	2.21	0.41
1:a:2080:GLU:O	1:a:2084:TRP:HD1	2.03	0.41
1:a:2141:PRO:O	1:a:2143:THR:HG23	2.19	0.41
1:a:2141:PRO:CB	1:a:2236:LEU:HD13	2.44	0.41
1:a:2336:LEU:HD11	1:a:2358:PHE:HA	2.03	0.41
1:a:2520:ASP:OD1	1:a:2523:THR:N	2.53	0.41
1:a:2529:ILE:O	1:a:2533:THR:N	2.53	0.41
2:b:148:PHE:O	2:b:192:PHE:N	2.53	0.41
2:b:208:GLN:HA	2:b:211:LEU:HD12	2.02	0.41
2:b:1233:ASN:HB3	2:b:1238:ILE:H	1.85	0.41
3:c:36:ARG:HD2	3:c:73:ASN:HA	2.03	0.41
1:A:727:MET:CG	1:A:760:LEU:HD13	2.46	0.41
1:A:728:PRO:HA	1:A:731:ARG:HB2	2.03	0.41
1:A:737:ILE:HG23	1:A:740:GLU:OE1	2.20	0.41
1:A:783:LEU:O	1:A:786:PRO:HG2	2.21	0.41
1:A:1057:GLU:HB3	1:A:1101:GLN:CD	2.46	0.41
1:A:1185:GLY:O	1:A:1220:TYR:OH	2.39	0.41
1:A:1649:ASP:OD2	1:A:1653:TRP:CD1	2.73	0.41
1:A:1788:LYS:HB2	1:A:1788:LYS:HE3	1.87	0.41
1:A:1916:TRP:N	1:A:1916:TRP:CD1	2.88	0.41
1:A:2000:GLU:CG	1:A:2001:HIS:ND1	2.84	0.41
1:A:2075:GLY:O	1:A:2078:LEU:HB2	2.21	0.41
1:A:2083:GLU:OE1	1:A:2086:ARG:NE	2.38	0.41
1:A:2266:ARG:HG2	1:A:2270:ARG:NH2	2.35	0.41
1:A:2315:ASP:OD1	1:A:2315:ASP:N	2.52	0.41
1:A:2336:LEU:HD11	1:A:2358:PHE:HA	2.03	0.41
2:B:111:GLU:C	2:B:113:TRP:N	2.78	0.41
2:B:447:LEU:O	2:B:448:ARG:C	2.63	0.41
2:B:1233:ASN:HB3	2:B:1238:ILE:H	1.85	0.41
3:C:25:ARG:HD2	3:C:311:HIS:CE1	2.56	0.41
3:C:169:PRO:C	3:C:171:VAL:H	2.28	0.41
3:C:208:THR:HG23	3:C:208:THR:O	2.21	0.41
1:a:543:LEU:O	1:a:547:LEU:N	2.42	0.41
1:a:668:ASP:N	1:a:669:PRO:HD2	2.35	0.41
1:a:769:ARG:N	1:a:770:PRO:HD2	2.36	0.41
1:a:782:LYS:O	1:a:786:PRO:HG3	2.20	0.41
1:a:989:PHE:CD2	1:a:989:PHE:N	2.88	0.41
1:a:1060:VAL:HG22	1:a:1063:LEU:HD12	2.03	0.41
1:a:1077:HIS:C	1:a:1079:LEU:N	2.77	0.41
1:a:1185:GLY:O	1:a:1220:TYR:OH	2.39	0.41
1:a:1216:ILE:O	1:a:1220:TYR:CD2	2.74	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:1550:LEU:O	1:a:1553:HIS:N	2.54	0.41
1:a:1597:SER:O	1:a:1598:GLU:C	2.62	0.41
1:a:1623:LEU:O	1:a:1625:GLY:N	2.54	0.41
1:a:1913:TYR:HB3	1:a:1919:VAL:HG21	2.01	0.41
1:a:1943:ILE:HG12	1:a:1976:LEU:HD21	2.03	0.41
1:a:1969:PRO:HG2	1:a:1970:GLN:NE2	2.33	0.41
1:a:2048:PHE:HE1	1:a:2085:CYS:CB	2.33	0.41
1:a:2315:ASP:O	1:a:2319:ASN:N	2.35	0.41
1:a:2381:ARG:HA	1:a:2384:THR:HB	2.02	0.41
2:b:349:ASN:O	2:b:350:PHE:C	2.64	0.41
2:b:1128:VAL:HG11	2:b:1172:LEU:O	2.20	0.41
3:c:25:ARG:HD2	3:c:311:HIS:CE1	2.56	0.41
3:c:136:LEU:HD12	3:c:142:GLU:C	2.46	0.41
1:A:610:PHE:HB3	1:A:614:GLU:CD	2.46	0.41
1:A:705:PHE:CD1	1:A:732:LYS:NZ	2.83	0.41
1:A:784:LYS:NZ	1:A:821:PHE:C	2.78	0.41
1:A:987:VAL:HG12	1:A:988:GLN:OE1	2.21	0.41
1:A:1011:PHE:O	1:A:1015:GLN:HG3	2.20	0.41
1:A:1167:PRO:HA	1:A:1170:ARG:HG3	2.02	0.41
1:A:1602:VAL:HG13	1:A:1643:VAL:HB	2.01	0.41
1:A:1630:VAL:O	1:A:1631:GLU:C	2.63	0.41
1:A:1634:GLN:O	1:A:1635:LYS:C	2.61	0.41
1:A:2015:GLU:HB2	1:A:2130:LEU:CG	2.51	0.41
1:A:2253:TYR:HB2	1:A:2302:LEU:CD2	2.50	0.41
1:A:2262:ASN:N	1:A:2266:ARG:HH12	2.19	0.41
2:B:200:GLY:O	2:B:201:LEU:C	2.63	0.41
3:C:156:ASP:OD1	3:C:157:LEU:N	2.54	0.41
3:C:260:ILE:HG21	3:C:287:THR:HG21	2.03	0.41
1:a:610:PHE:HB3	1:a:614:GLU:CD	2.46	0.41
1:a:640:HIS:NE2	1:a:672:ARG:HG2	2.35	0.41
1:a:837:ARG:O	1:a:838:GLN:C	2.59	0.41
1:a:999:ASN:O	1:a:1000:VAL:C	2.64	0.41
1:a:1401:GLU:O	1:a:1404:PHE:HB3	2.20	0.41
1:a:1451:GLU:HG3	1:a:1456:TRP:HZ3	1.85	0.41
1:a:1465:LYS:O	1:a:1468:ASP:HB2	2.21	0.41
1:a:1524:GLY:O	1:a:1526:TRP:NE1	2.53	0.41
1:a:1639:VAL:O	1:a:1642:LEU:N	2.50	0.41
1:a:1732:ILE:HD11	1:a:1740:LYS:HD3	2.02	0.41
1:a:1885:VAL:O	1:a:1888:PHE:HB2	2.21	0.41
1:a:1993:LYS:HE3	1:a:1994:ILE:HG13	2.03	0.41
1:a:2097:LEU:HG	1:a:2101:TRP:NE1	2.36	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:2300:ALA:HA	1:a:2303:LEU:HB2	2.03	0.41
1:a:2311:GLU:N	1:a:2311:GLU:CD	2.79	0.41
2:b:140:ASN:O	2:b:141:ALA:C	2.62	0.41
2:b:168:ASN:ND2	2:b:213:ARG:HD3	2.35	0.41
2:b:191:ILE:HB	2:b:264:THR:HA	2.02	0.41
2:b:492:VAL:C	2:b:494:ILE:N	2.78	0.41
3:c:192:GLY:HA2	3:c:223:ALA:HB2	2.03	0.41
1:A:359:SER:O	1:A:360:ARG:C	2.62	0.41
1:A:540:LEU:O	1:A:543:LEU:N	2.40	0.41
1:A:633:SER:HA	1:A:672:ARG:HH22	1.85	0.41
1:A:777:LYS:HZ3	1:A:821:PHE:HB2	1.86	0.41
1:A:894:LEU:HD22	1:A:898:LYS:NZ	2.34	0.41
1:A:900:LYS:O	1:A:901:VAL:C	2.64	0.41
1:A:917:LEU:HD11	1:A:1590:MET:HG3	2.01	0.41
1:A:919:GLU:HG3	1:A:1627:GLN:O	2.21	0.41
1:A:971:VAL:HB	1:A:1011:PHE:CZ	2.56	0.41
1:A:973:GLN:O	1:A:974:ALA:C	2.62	0.41
1:A:1135:ALA:C	1:A:1138:THR:HG1	2.28	0.41
1:A:1139:VAL:CG2	1:A:1176:THR:HA	2.44	0.41
1:A:1216:ILE:O	1:A:1220:TYR:CD2	2.74	0.41
1:A:1384:GLY:C	1:A:1387:ALA:H	2.25	0.41
1:A:1512:MET:O	1:A:1513:ALA:C	2.63	0.41
1:A:1560:ALA:HA	1:A:1563:CYS:SG	2.61	0.41
1:A:1590:MET:HA	1:A:1593:CYS:SG	2.61	0.41
1:A:1650:MET:O	1:A:1653:TRP:N	2.53	0.41
1:A:1685:LEU:HD11	1:A:1712:ASP:HB2	2.02	0.41
1:A:1732:ILE:HD11	1:A:1740:LYS:HD3	2.02	0.41
1:A:1885:VAL:O	1:A:1888:PHE:HB2	2.21	0.41
1:A:2098:THR:HA	1:A:2101:TRP:CD1	2.55	0.41
1:A:2196:GLU:OE1	1:A:2229:PRO:HG2	2.21	0.41
1:A:2206:ASN:O	1:A:2210:ALA:N	2.44	0.41
1:A:2299:LEU:O	1:A:2303:LEU:HG	2.21	0.41
1:A:2300:ALA:O	1:A:2303:LEU:HB2	2.20	0.41
1:A:2399:THR:O	1:A:2402:THR:N	2.54	0.41
2:B:167:PHE:N	2:B:167:PHE:CD1	2.88	0.41
2:B:209:PHE:O	2:B:212:GLN:HB2	2.21	0.41
2:B:747:GLU:CB	2:B:748:SER:HA	2.50	0.41
3:C:40:HIS:CE1	3:C:61:GLY:HA2	2.55	0.41
3:C:61:GLY:HA3	3:C:64:HIS:CE1	2.55	0.41
3:C:112:TRP:CZ3	3:C:120:GLN:C	2.99	0.41
3:C:165:LEU:C	3:C:166:ILE:HG13	2.46	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:C:229:SER:HA	3:C:278:PHE:CG	2.56	0.41
1:a:611:LEU:HD23	1:a:614:GLU:OE1	2.21	0.41
1:a:620:MET:HA	1:a:623:ALA:HB3	2.03	0.41
1:a:628:ARG:O	1:a:631:THR:OG1	2.31	0.41
1:a:865:LEU:H	1:a:910:ARG:HH21	1.65	0.41
1:a:882:ARG:O	1:a:883:GLU:C	2.64	0.41
1:a:961:ASP:O	1:a:964:LEU:HB2	2.21	0.41
1:a:963:SER:HA	1:a:966:HIS:HD2	1.85	0.41
1:a:970:MET:C	1:a:972:VAL:H	2.28	0.41
1:a:1124:ALA:O	1:a:1125:PRO:C	2.64	0.41
1:a:1410:PRO:HA	1:a:1413:LEU:HD12	2.02	0.41
1:a:1521:TRP:CE3	1:a:1521:TRP:C	2.99	0.41
1:a:1590:MET:O	1:a:1591:VAL:C	2.64	0.41
1:a:1603:ILE:HG12	1:a:1604:GLN:NE2	2.35	0.41
1:a:1673:LEU:HA	1:a:1676:LEU:HD12	2.03	0.41
1:a:1766:GLU:HA	1:a:1769:ILE:HD12	2.03	0.41
1:a:1800:ALA:O	1:a:1804:TYR:CD2	2.74	0.41
1:a:1921:GLU:O	1:a:1925:GLU:HG2	2.20	0.41
1:a:1924:VAL:HG22	1:a:1956:LEU:HD12	2.02	0.41
1:a:2024:HIS:NE2	1:a:2025:GLU:HG3	2.36	0.41
1:a:2071:ASN:HA	1:a:2075:GLY:HA3	2.02	0.41
1:a:2172:LEU:HD21	1:a:2174:LEU:HD21	2.01	0.41
1:a:2196:GLU:OE1	1:a:2229:PRO:HG2	2.21	0.41
1:a:2282:GLN:O	1:a:2286:VAL:N	2.39	0.41
2:b:209:PHE:O	2:b:212:GLN:HB2	2.21	0.41
2:b:897:VAL:HG13	2:b:898:SER:H	1.86	0.41
2:b:1049:TRP:HA	2:b:1055:GLU:C	2.46	0.41
3:c:20:TYR:CD2	3:c:313:LYS:HD2	2.47	0.41
3:c:136:LEU:HA	3:c:142:GLU:O	2.21	0.41
3:c:145:VAL:O	3:c:153:HIS:N	2.54	0.41
3:c:156:ASP:HB3	3:c:160:ASP:N	2.36	0.41
3:c:156:ASP:OD1	3:c:157:LEU:N	2.54	0.41
3:c:208:THR:HG23	3:c:208:THR:O	2.21	0.41
3:c:238:CYS:HB3	3:c:273:MET:C	2.45	0.41
3:c:305:LYS:HA	3:c:305:LYS:HD3	1.83	0.41
1:A:672:ARG:O	1:A:675:VAL:N	2.54	0.41
1:A:750:LYS:HE2	1:A:790:PRO:HA	2.03	0.41
1:A:769:ARG:N	1:A:770:PRO:HD2	2.36	0.41
1:A:1096:LEU:HD13	1:A:1133:LYS:CD	2.49	0.41
1:A:1465:LYS:O	1:A:1468:ASP:HB2	2.21	0.41
1:A:1637:LEU:HD23	1:A:1640:ARG:HD2	2.02	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1718:GLN:NE2	1:A:1775:TYR:OH	2.54	0.41
1:A:1993:LYS:HE3	1:A:1994:ILE:HG13	2.03	0.41
1:A:2131:LEU:O	1:A:2134:ARG:NH2	2.54	0.41
1:A:2322:ARG:O	1:A:2323:SER:C	2.64	0.41
1:A:2340:HIS:HB2	1:A:2341:PRO:CD	2.51	0.41
1:A:2380:THR:O	1:A:2383:LEU:N	2.54	0.41
1:A:2412:ASP:O	1:A:2415:MET:N	2.53	0.41
1:A:2534:SER:HB3	1:A:2537:ASN:ND2	2.36	0.41
1:A:2543:ILE:O	1:A:2546:CYS:N	2.52	0.41
2:B:156:PRO:CB	2:B:158:PRO:HG3	2.50	0.41
2:B:1180:LEU:HB3	2:B:1192:VAL:HG13	2.03	0.41
3:C:137:HIS:ND1	3:C:138:PRO:HD2	2.36	0.41
3:C:247:TRP:HE3	3:C:252:PHE:O	2.03	0.41
1:a:727:MET:N	1:a:728:PRO:HD2	2.35	0.41
1:a:900:LYS:O	1:a:901:VAL:C	2.64	0.41
1:a:947:TYR:HB2	1:a:950:VAL:CB	2.51	0.41
1:a:955:LEU:O	1:a:956:MET:C	2.64	0.41
1:a:971:VAL:HB	1:a:1011:PHE:CZ	2.56	0.41
1:a:1190:ILE:H	1:a:1191:PHE:HB2	1.85	0.41
1:a:1212:LEU:HA	1:a:1215:ARG:HB2	2.03	0.41
1:a:1512:MET:O	1:a:1513:ALA:C	2.63	0.41
1:a:1560:ALA:HA	1:a:1563:CYS:SG	2.61	0.41
1:a:1585:ARG:HH11	1:a:1589:ALA:N	2.19	0.41
1:a:1717:MET:HG2	1:a:1754:LEU:CG	2.51	0.41
1:a:1882:VAL:HG13	1:a:1922:ALA:HB3	2.03	0.41
1:a:1936:LEU:HA	1:a:1936:LEU:HD23	1.82	0.41
1:a:1974:TYR:N	1:a:1975:PRO:HD2	2.36	0.41
1:a:2322:ARG:O	1:a:2323:SER:C	2.64	0.41
1:a:2347:ASP:OD2	1:a:2349:LEU:N	2.54	0.41
1:a:2379:LEU:HD21	1:a:2392:LEU:CD2	2.50	0.41
2:b:140:ASN:C	2:b:142:LYS:N	2.76	0.41
3:c:67:MET:O	3:c:78:ILE:N	2.44	0.41
3:c:175:SER:O	3:c:188:VAL:HG12	2.20	0.41
3:c:219:HIS:HD2	3:c:223:ALA:CB	2.34	0.41
3:c:285:ILE:HB	3:c:299:VAL:CG2	2.49	0.41
1:A:731:ARG:NH1	1:a:1149:THR:OG1	2.54	0.40
1:A:746:ILE:O	1:A:750:LYS:N	2.39	0.40
1:A:797:ASN:OD1	1:A:797:ASN:N	2.53	0.40
1:A:842:TRP:CE3	1:A:842:TRP:HA	2.55	0.40
1:A:862:PRO:CD	1:A:863:THR:H	2.34	0.40
1:A:882:ARG:O	1:A:883:GLU:C	2.64	0.40

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:961:ASP:O	1:A:964:LEU:HB2	2.21	0.40
1:A:1015:GLN:HA	1:A:1018:MET:HB2	2.02	0.40
1:A:1092:VAL:HG12	1:A:1092:VAL:O	2.21	0.40
1:A:1435:TYR:CD2	1:A:2390:THR:HG21	2.56	0.40
1:A:1585:ARG:O	1:A:1588:GLY:N	2.54	0.40
1:A:1612:ARG:O	1:A:1615:ILE:N	2.34	0.40
1:A:1724:MET:O	1:A:1727:GLN:N	2.54	0.40
1:A:1784:ARG:HD3	1:A:1790:TRP:CZ2	2.54	0.40
1:A:1882:VAL:HG13	1:A:1922:ALA:HB3	2.03	0.40
1:A:1907:LEU:HD21	1:A:1935:TRP:CZ3	2.56	0.40
1:A:1943:ILE:HG12	1:A:1976:LEU:HD21	2.03	0.40
1:A:2024:HIS:NE2	1:A:2025:GLU:HG3	2.36	0.40
1:A:2119:THR:OG1	1:A:2120:SER:N	2.53	0.40
1:A:2253:TYR:CZ	1:A:2298:ASP:HA	2.56	0.40
1:A:2278:LEU:HA	3:C:44:GLN:OE1	2.20	0.40
1:A:2347:ASP:OD2	1:A:2349:LEU:N	2.54	0.40
2:B:148:PHE:O	2:B:192:PHE:N	2.53	0.40
2:B:1049:TRP:HA	2:B:1055:GLU:C	2.46	0.40
3:C:218:ALA:O	3:C:245:LYS:HD2	2.21	0.40
3:C:260:ILE:HG12	3:C:273:MET:HE2	2.01	0.40
3:C:292:ASN:HB3	3:C:311:HIS:HB2	2.03	0.40
1:a:750:LYS:HE2	1:a:790:PRO:HA	2.03	0.40
1:a:906:ILE:HG23	1:a:909:SER:OG	2.21	0.40
1:a:1153:SER:O	1:a:1156:ILE:N	2.54	0.40
1:a:1776:TYR:CB	1:a:1793:TRP:HB2	2.48	0.40
1:a:2115:LEU:HB3	1:a:2168:ARG:NH1	2.35	0.40
1:a:2336:LEU:HD21	1:a:2339:ARG:NH2	2.25	0.40
1:a:2339:ARG:CZ	1:a:2356:ILE:O	2.69	0.40
1:a:2374:LYS:HA	1:a:2374:LYS:HD3	1.82	0.40
1:a:2520:ASP:CG	1:a:2523:THR:H	2.29	0.40
2:b:167:PHE:N	2:b:167:PHE:CD1	2.88	0.40
2:b:208:GLN:O	2:b:211:LEU:HB2	2.20	0.40
2:b:424:VAL:C	2:b:426:ASN:CG	2.83	0.40
2:b:447:LEU:O	2:b:448:ARG:C	2.63	0.40
2:b:496:ALA:C	2:b:498:ILE:H	2.30	0.40
2:b:1046:ILE:HD12	2:b:1096:TRP:HZ2	1.85	0.40
2:b:1084:LEU:C	2:b:1096:TRP:HD1	2.29	0.40
3:c:112:TRP:CZ3	3:c:120:GLN:C	2.99	0.40
3:c:137:HIS:HB2	3:c:142:GLU:HB2	2.03	0.40
1:A:535:ILE:HA	1:A:536:GLN:HA	1.69	0.40
1:A:611:LEU:HD23	1:A:614:GLU:OE1	2.21	0.40

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:614:GLU:O	1:A:618:ILE:HG13	2.21	0.40
1:A:714:THR:CB	1:A:715:VAL:HG23	2.49	0.40
1:A:944:ASP:C	1:A:946:PHE:N	2.79	0.40
1:A:955:LEU:O	1:A:956:MET:C	2.64	0.40
1:A:1075:ILE:HG12	1:A:1110:TYR:CE1	2.56	0.40
1:A:1100:ILE:N	1:A:1137:GLU:OE2	2.55	0.40
1:A:1410:PRO:HA	1:A:1413:LEU:HD12	2.02	0.40
1:A:1480:ARG:HH12	1:A:1484:LEU:HD11	1.85	0.40
1:A:1611:ARG:C	1:A:1613:GLU:N	2.79	0.40
1:A:1623:LEU:O	1:A:1625:GLY:N	2.54	0.40
1:A:1623:LEU:HB2	1:A:1640:ARG:HH12	1.86	0.40
1:A:1702:LYS:O	1:A:1705:TRP:HB3	2.20	0.40
1:A:1777:SER:O	1:A:1780:THR:HB	2.21	0.40
1:A:1960:LEU:O	1:A:1963:ASP:HB2	2.22	0.40
1:A:1974:TYR:N	1:A:1975:PRO:HD2	2.36	0.40
1:A:2311:GLU:CG	1:A:2312:VAL:H	2.29	0.40
2:B:110:TYR:HB3	2:B:115:PRO:HD3	2.02	0.40
2:B:1084:LEU:C	2:B:1096:TRP:HD1	2.29	0.40
3:C:131:ILE:HG23	3:C:145:VAL:CG1	2.49	0.40
3:C:156:ASP:HB3	3:C:160:ASP:N	2.36	0.40
3:C:198:ASN:HD21	3:C:213:LYS:HB2	1.86	0.40
3:C:219:HIS:HD2	3:C:223:ALA:CB	2.34	0.40
1:a:613:SER:HA	1:a:616:LYS:HD2	2.02	0.40
1:a:614:GLU:O	1:a:618:ILE:HG13	2.21	0.40
1:a:706:GLU:O	1:a:710:LEU:N	2.35	0.40
1:a:776:LEU:CD1	1:a:816:TRP:HB3	2.51	0.40
1:a:783:LEU:O	1:a:786:PRO:HG2	2.21	0.40
1:a:1020:VAL:HG12	1:a:1024:LYS:CE	2.46	0.40
1:a:1074:LEU:HD22	1:a:1078:MET:SD	2.61	0.40
1:a:1501:TRP:O	1:a:1504:VAL:HG22	2.22	0.40
1:a:1649:ASP:OD2	1:a:1652:THR:HB	2.21	0.40
1:a:2031:LEU:HD23	1:a:2031:LEU:HA	1.88	0.40
1:a:2131:LEU:O	1:a:2134:ARG:NH2	2.54	0.40
1:a:2424:ASP:OD2	1:a:2427:LEU:HD12	2.21	0.40
1:a:2520:ASP:OD1	1:a:2520:ASP:C	2.64	0.40
3:c:41:GLN:C	3:c:43:SER:H	2.28	0.40
3:c:197:TRP:CZ3	3:c:212:PRO:HD3	2.56	0.40
1:A:784:LYS:O	1:A:787:ASP:N	2.44	0.40
1:A:937:ASN:HA	1:A:940:ASN:HB2	2.04	0.40
1:A:1114:LEU:HD23	1:A:1114:LEU:HA	1.65	0.40
1:A:1649:ASP:O	1:A:1650:MET:C	2.63	0.40

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1717:MET:HG2	1:A:1754:LEU:CG	2.51	0.40
1:A:1888:PHE:CE1	1:A:1905:ARG:HG3	2.56	0.40
1:A:2011:MET:HA	1:A:2014:GLU:OE1	2.22	0.40
1:A:2021:ILE:O	1:A:2022:LEU:HD23	2.22	0.40
1:A:2083:GLU:O	1:A:2087:LYS:HG3	2.22	0.40
1:A:2094:VAL:HA	1:A:2097:LEU:HB3	2.04	0.40
1:A:2300:ALA:HA	1:A:2303:LEU:HB2	2.03	0.40
1:A:2422:VAL:CG1	1:A:2497:ALA:HB1	2.51	0.40
1:A:2424:ASP:OD2	1:A:2427:LEU:HD12	2.21	0.40
1:A:2513:PHE:CE1	1:A:2527:LEU:HB3	2.56	0.40
1:A:2520:ASP:OD1	1:A:2523:THR:N	2.53	0.40
2:B:496:ALA:C	2:B:498:ILE:H	2.30	0.40
2:B:673:GLN:O	2:B:676:SER:N	2.50	0.40
3:C:62:TYR:CZ	3:C:86:LYS:HA	2.55	0.40
1:a:738:LEU:HA	1:a:738:LEU:HD23	1.67	0.40
1:a:944:ASP:C	1:a:946:PHE:N	2.79	0.40
1:a:1011:PHE:O	1:a:1012:LEU:C	2.65	0.40
1:a:1100:ILE:N	1:a:1137:GLU:OE2	2.55	0.40
1:a:1480:ARG:O	1:a:1483:CYS:HB2	2.21	0.40
1:a:1585:ARG:O	1:a:1588:GLY:N	2.54	0.40
1:a:1808:ASN:HB2	1:a:1873:LEU:HD11	2.03	0.40
1:a:2265:HIS:HA	1:a:2268:MET:CG	2.51	0.40
1:a:2284:VAL:O	1:a:2288:GLU:HG3	2.22	0.40
1:a:2422:VAL:CG1	1:a:2497:ALA:HB1	2.51	0.40
3:c:137:HIS:ND1	3:c:138:PRO:HD2	2.36	0.40
1:A:841:LEU:HA	1:A:844:LEU:CD1	2.51	0.40
1:A:982:LEU:HA	1:A:982:LEU:HD23	1.65	0.40
1:A:1212:LEU:HA	1:A:1215:ARG:HB2	2.03	0.40
1:A:1451:GLU:HG3	1:A:1456:TRP:HZ3	1.85	0.40
1:A:1480:ARG:O	1:A:1483:CYS:HB2	2.21	0.40
1:A:1521:TRP:CE3	1:A:1521:TRP:C	2.99	0.40
1:A:1550:LEU:O	1:A:1553:HIS:N	2.54	0.40
1:A:1790:TRP:HB3	1:A:1891:SER:CA	2.52	0.40
1:A:1895:SER:OG	1:A:1902:ASP:OD2	2.30	0.40
1:A:2114:GLN:HA	1:A:2117:GLN:NE2	2.36	0.40
1:A:2274:ASP:HB2	1:A:2278:LEU:HD21	2.02	0.40
1:A:2284:VAL:O	1:A:2288:GLU:HG3	2.22	0.40
1:A:2288:GLU:O	1:A:2292:ASN:N	2.24	0.40
1:A:2311:GLU:N	1:A:2311:GLU:CD	2.79	0.40
1:A:2520:ASP:OD1	1:A:2520:ASP:C	2.65	0.40
2:B:479:LEU:C	1:a:755:ARG:HH21	2.29	0.40

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
2:B:1094:ARG:HG2	2:B:1118:MET:CB	2.51	0.40
3:C:197:TRP:CZ3	3:C:212:PRO:HD3	2.56	0.40
1:a:578:ASP:CA	1:a:582:ILE:H	2.34	0.40
1:a:632:PRO:O	1:a:635:HIS:HB2	2.21	0.40
1:a:672:ARG:O	1:a:675:VAL:N	2.54	0.40
1:a:747:GLY:HA2	1:a:750:LYS:HZ2	1.85	0.40
1:a:845:GLY:HA2	1:a:848:VAL:HB	2.04	0.40
1:a:1597:SER:HA	1:a:1600:GLU:CD	2.47	0.40
1:a:1768:THR:O	1:a:1769:ILE:C	2.64	0.40
1:a:1888:PHE:CE1	1:a:1905:ARG:HG3	2.56	0.40
1:a:2016:LEU:O	1:a:2020:ALA:N	2.50	0.40
1:a:2021:ILE:O	1:a:2022:LEU:HD23	2.22	0.40
1:a:2081:ALA:HA	1:a:2084:TRP:HB2	2.04	0.40
1:a:2257:LYS:HD2	1:a:2257:LYS:N	2.37	0.40
2:b:140:ASN:HB2	2:b:187:GLY:HA3	2.04	0.40
3:c:218:ALA:O	3:c:245:LYS:HD2	2.21	0.40
1:A:632:PRO:O	1:A:635:HIS:HB2	2.22	0.40
1:A:781:LEU:HA	1:A:784:LYS:HG3	2.04	0.40
1:A:999:ASN:O	1:A:1000:VAL:C	2.64	0.40
1:A:1011:PHE:O	1:A:1012:LEU:C	2.65	0.40
1:A:1079:LEU:HD22	1:a:774:PRO:HA	2.02	0.40
1:A:1182:PHE:CE1	1:A:1212:LEU:HD21	2.56	0.40
1:A:1621:GLU:O	1:A:1622:ARG:C	2.65	0.40
1:A:2339:ARG:CZ	1:A:2356:ILE:O	2.69	0.40
1:A:2415:MET:CE	1:A:2505:ARG:HH11	2.24	0.40
2:B:897:VAL:HG13	2:B:898:SER:H	1.86	0.40
3:C:65:ILE:HD13	3:C:100:MET:HE1	2.02	0.40
3:C:137:HIS:HB2	3:C:142:GLU:HB2	2.03	0.40
3:C:260:ILE:HG23	3:C:273:MET:HE1	2.02	0.40
1:a:613:SER:HA	1:a:616:LYS:CE	2.50	0.40
1:a:734:LEU:HA	1:a:735:ILE:HA	1.77	0.40
1:a:895:ASP:OD1	1:a:895:ASP:N	2.49	0.40
1:a:906:ILE:O	1:a:907:ASP:C	2.63	0.40
1:a:920:SER:OG	1:a:1627:GLN:OE1	2.39	0.40
1:a:921:LYS:HG3	1:a:1627:GLN:NE2	2.37	0.40
1:a:987:VAL:HG12	1:a:988:GLN:OE1	2.21	0.40
1:a:1435:TYR:CD2	1:a:2390:THR:HG21	2.56	0.40
1:a:1590:MET:HA	1:a:1593:CYS:SG	2.61	0.40
1:a:1724:MET:O	1:a:1727:GLN:N	2.55	0.40
1:a:1793:TRP:HA	1:a:1796:MET:HB3	2.04	0.40
1:a:2000:GLU:CG	1:a:2001:HIS:ND1	2.84	0.40

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:a:2083:GLU:O	1:a:2087:LYS:HG3	2.22	0.40
1:a:2114:GLN:HA	1:a:2117:GLN:NE2	2.36	0.40
1:a:2262:ASN:N	1:a:2266:ARG:HH12	2.19	0.40
1:a:2274:ASP:HB2	1:a:2278:LEU:HD21	2.02	0.40
1:a:2399:THR:O	1:a:2402:THR:N	2.54	0.40
1:a:2513:PHE:CE1	1:a:2527:LEU:HB3	2.56	0.40
3:c:277:ALA:H	3:c:286:VAL:H	1.69	0.40

There are no symmetry-related clashes.

5.3 Torsion angles [i](#)

5.3.1 Protein backbone [i](#)

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all EM entries.

The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed, and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles	
1	A	2089/2549 (82%)	1654 (79%)	386 (18%)	49 (2%)	5	28
1	a	2089/2549 (82%)	1656 (79%)	384 (18%)	49 (2%)	5	28
2	B	767/1335 (58%)	608 (79%)	132 (17%)	27 (4%)	3	20
2	b	767/1335 (58%)	609 (79%)	131 (17%)	27 (4%)	3	20
3	C	315/326 (97%)	281 (89%)	33 (10%)	1 (0%)	36	71
3	c	315/326 (97%)	281 (89%)	33 (10%)	1 (0%)	36	71
All	All	6342/8420 (75%)	5089 (80%)	1099 (17%)	154 (2%)	7	27

All (154) Ramachandran outliers are listed below:

Mol	Chain	Res	Type
1	A	225	PRO
1	A	351	PRO
1	A	404	PRO
1	A	568	PRO
1	A	664	ILE

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type
1	A	837	ARG
1	A	1091	ILE
1	A	1092	VAL
2	B	96	GLN
2	B	115	PRO
2	B	143	GLU
2	B	425	GLU
2	B	488	ARG
2	B	489	PRO
2	B	807	VAL
1	a	225	PRO
1	a	351	PRO
1	a	404	PRO
1	a	568	PRO
1	a	664	ILE
1	a	837	ARG
1	a	1091	ILE
1	a	1092	VAL
2	b	96	GLN
2	b	115	PRO
2	b	143	GLU
2	b	425	GLU
2	b	488	ARG
2	b	489	PRO
2	b	807	VAL
1	A	717	ARG
1	A	778	ALA
1	A	838	GLN
1	A	919	GLU
1	A	987	VAL
1	A	1067	PHE
1	A	1068	LYS
2	B	91	LEU
2	B	95	PRO
2	B	142	LYS
2	B	154	GLY
2	B	444	VAL
2	B	496	ALA
1	a	717	ARG
1	a	778	ALA
1	a	838	GLN
1	a	919	GLU

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type
1	a	987	VAL
1	a	1067	PHE
1	a	1068	LYS
2	b	91	LEU
2	b	95	PRO
2	b	142	LYS
2	b	154	GLY
2	b	444	VAL
2	b	496	ALA
1	A	775	ILE
1	A	883	GLU
2	B	494	ILE
1	a	775	ILE
1	a	883	GLU
2	b	494	ILE
1	A	256	ASN
1	A	643	VAL
1	A	743	HIS
1	A	804	GLU
1	A	893	ALA
1	A	972	VAL
1	A	1079	LEU
1	A	1656	TYR
2	B	158	PRO
2	B	168	ASN
2	B	402	ALA
2	B	472	ILE
2	B	510	VAL
1	a	256	ASN
1	a	643	VAL
1	a	743	HIS
1	a	804	GLU
1	a	893	ALA
1	a	972	VAL
1	a	1079	LEU
1	a	1656	TYR
2	b	158	PRO
2	b	168	ASN
2	b	402	ALA
2	b	472	ILE
2	b	510	VAL
2	b	1075	TYR

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type
1	A	857	PRO
1	A	865	LEU
1	A	867	VAL
1	A	1507	GLU
1	A	2078	LEU
1	A	2288	GLU
1	A	2326	VAL
1	A	2396	TYR
1	A	2420	ALA
2	B	493	PHE
2	B	497	LYS
2	B	630	SER
2	B	1075	TYR
2	B	1176	SER
1	a	857	PRO
1	a	865	LEU
1	a	867	VAL
1	a	1507	GLU
1	a	2078	LEU
1	a	2288	GLU
1	a	2326	VAL
1	a	2396	TYR
1	a	2420	ALA
2	b	493	PHE
2	b	497	LYS
2	b	630	SER
2	b	1176	SER
1	A	834	LEU
1	A	1699	ALA
1	A	1875	LYS
1	A	2264	GLU
1	A	2405	GLU
2	B	541	VAL
1	a	834	LEU
1	a	1699	ALA
1	a	1875	LYS
1	a	2264	GLU
1	a	2405	GLU
2	b	541	VAL
1	A	348	SER
1	A	712	ILE
1	a	348	SER

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type
1	a	712	ILE
1	A	331	VAL
1	A	1027	ILE
1	a	331	VAL
1	a	1027	ILE
1	A	761	VAL
1	A	1008	ILE
1	A	1636	ILE
2	B	130	VAL
2	B	164	VAL
1	a	761	VAL
1	a	1008	ILE
1	a	1636	ILE
2	b	130	VAL
2	b	164	VAL
1	A	644	VAL
1	A	2250	ILE
1	A	2504	VAL
3	C	265	PRO
1	a	644	VAL
1	a	2250	ILE
1	a	2504	VAL
3	c	265	PRO

5.3.2 Protein sidechains ⓘ

In the following table, the Percentiles column shows the percent sidechain outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all EM entries.

The Analysed column shows the number of residues for which the sidechain conformation was analysed, and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles	
1	A	1487/2220 (67%)	1482 (100%)	5 (0%)	86	84
1	a	1487/2220 (67%)	1482 (100%)	5 (0%)	86	84
2	B	185/1163 (16%)	164 (89%)	21 (11%)	5	20
2	b	177/1163 (15%)	159 (90%)	18 (10%)	7	23
3	C	269/276 (98%)	269 (100%)	0	100	100
3	c	269/276 (98%)	269 (100%)	0	100	100

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles	
All	All	3874/7318 (53%)	3825 (99%)	49 (1%)	59	72

All (49) residues with a non-rotameric sidechain are listed below:

Mol	Chain	Res	Type
1	A	660	LEU
1	A	715	VAL
1	A	895	ASP
1	A	1075	ILE
1	A	1632	ASP
2	B	90	PRO
2	B	92	SER
2	B	95	PRO
2	B	127	VAL
2	B	146	VAL
2	B	159	THR
2	B	421	THR
2	B	897	VAL
2	B	902	PRO
2	B	918	PRO
2	B	924	PRO
2	B	1036	PRO
2	B	1040	VAL
2	B	1065	PRO
2	B	1068	THR
2	B	1088	THR
2	B	1144	VAL
2	B	1162	PRO
2	B	1182	VAL
2	B	1214	VAL
2	B	1244	PRO
1	a	660	LEU
1	a	715	VAL
1	a	895	ASP
1	a	1075	ILE
1	a	1632	ASP
2	b	90	PRO
2	b	92	SER
2	b	95	PRO
2	b	127	VAL
2	b	146	VAL
2	b	159	THR

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type
2	b	421	THR
2	b	897	VAL
2	b	902	PRO
2	b	918	PRO
2	b	924	PRO
2	b	1036	PRO
2	b	1065	PRO
2	b	1068	THR
2	b	1088	THR
2	b	1162	PRO
2	b	1214	VAL
2	b	1244	PRO

Sometimes sidechains can be flipped to improve hydrogen bonding and reduce clashes. All (113) such sidechains are listed below:

Mol	Chain	Res	Type
1	A	597	HIS
1	A	601	GLN
1	A	609	HIS
1	A	612	ASN
1	A	686	HIS
1	A	694	GLN
1	A	701	ASN
1	A	722	ASN
1	A	743	HIS
1	A	797	ASN
1	A	829	GLN
1	A	940	ASN
1	A	966	HIS
1	A	973	GLN
1	A	1084	HIS
1	A	1112	HIS
1	A	1196	ASN
1	A	1202	HIS
1	A	1206	HIS
1	A	1405	GLN
1	A	1424	GLN
1	A	1439	HIS
1	A	1553	HIS
1	A	1561	GLN
1	A	1695	GLN
1	A	1716	HIS

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type
1	A	1718	GLN
1	A	1762	GLN
1	A	1970	GLN
1	A	1988	HIS
1	A	1989	ASN
1	A	1992	ASN
1	A	1997	ASN
1	A	2071	ASN
1	A	2106	HIS
1	A	2147	ASN
1	A	2180	HIS
1	A	2189	HIS
1	A	2265	HIS
1	A	2289	HIS
1	A	2395	ASN
1	A	2410	HIS
1	A	2428	ASN
1	A	2494	ASN
1	A	2535	HIS
2	B	1105	ASN
2	B	1177	HIS
3	C	41	GLN
3	C	128	ASN
3	C	132	ASN
3	C	140	GLN
3	C	153	HIS
3	C	164	GLN
3	C	219	HIS
3	C	242	GLN
3	C	251	ASN
3	C	283	GLN
3	C	311	HIS
1	a	597	HIS
1	a	601	GLN
1	a	609	HIS
1	a	612	ASN
1	a	686	HIS
1	a	694	GLN
1	a	722	ASN
1	a	743	HIS
1	a	829	GLN
1	a	940	ASN

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type
1	a	966	HIS
1	a	973	GLN
1	a	1084	HIS
1	a	1112	HIS
1	a	1196	ASN
1	a	1202	HIS
1	a	1206	HIS
1	a	1405	GLN
1	a	1424	GLN
1	a	1541	HIS
1	a	1553	HIS
1	a	1695	GLN
1	a	1716	HIS
1	a	1718	GLN
1	a	1970	GLN
1	a	1988	HIS
1	a	1992	ASN
1	a	1997	ASN
1	a	2071	ASN
1	a	2106	HIS
1	a	2147	ASN
1	a	2180	HIS
1	a	2189	HIS
1	a	2233	ASN
1	a	2265	HIS
1	a	2289	HIS
1	a	2293	ASN
1	a	2395	ASN
1	a	2410	HIS
1	a	2428	ASN
1	a	2494	ASN
1	a	2535	HIS
2	b	1105	ASN
2	b	1177	HIS
3	c	41	GLN
3	c	128	ASN
3	c	132	ASN
3	c	140	GLN
3	c	153	HIS
3	c	164	GLN
3	c	219	HIS
3	c	242	GLN

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type
3	c	251	ASN
3	c	283	GLN
3	c	311	HIS

5.3.3 RNA [i](#)

There are no RNA molecules in this entry.

5.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains [i](#)

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

5.5 Carbohydrates [i](#)

There are no oligosaccharides in this entry.

5.6 Ligand geometry [i](#)

There are no ligands in this entry.

5.7 Other polymers [i](#)

There are no such residues in this entry.

5.8 Polymer linkage issues [i](#)

There are no chain breaks in this entry.

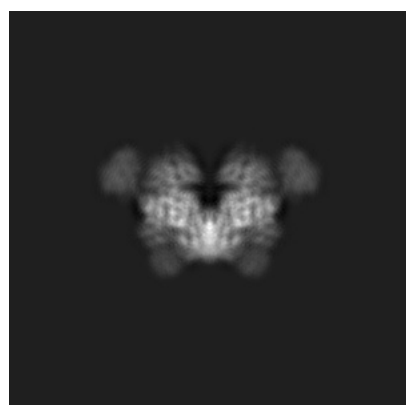
6 Map visualisation [i](#)

This section contains visualisations of the EMDB entry EMD-6668. These allow visual inspection of the internal detail of the map and identification of artifacts.

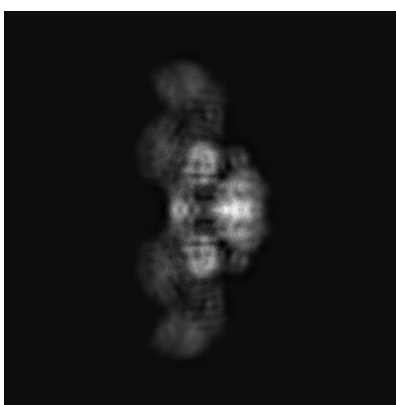
No raw map or half-maps were deposited for this entry and therefore no images, graphs, etc. pertaining to the raw map can be shown.

6.1 Orthogonal projections [i](#)

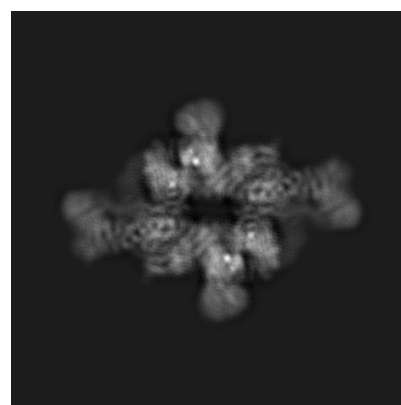
6.1.1 Primary map



X



Y

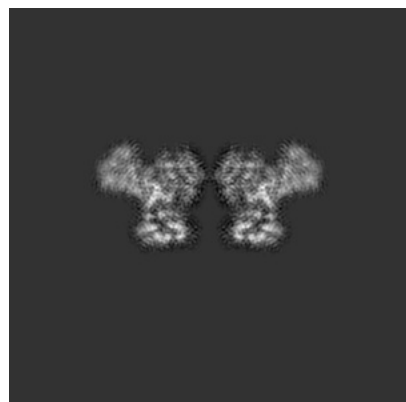


Z

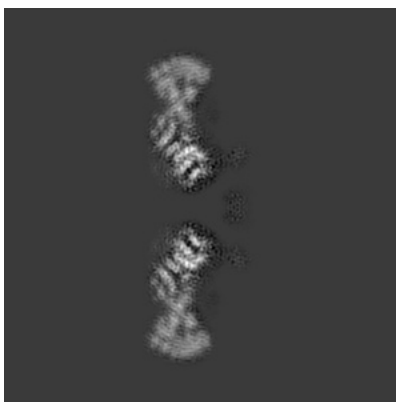
The images above show the map projected in three orthogonal directions.

6.2 Central slices [i](#)

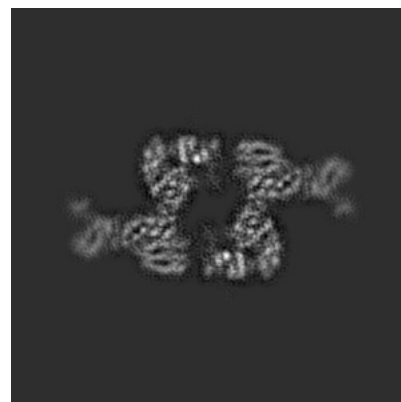
6.2.1 Primary map



X Index: 150



Y Index: 150

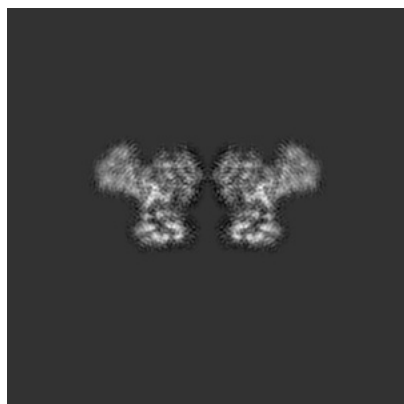


Z Index: 150

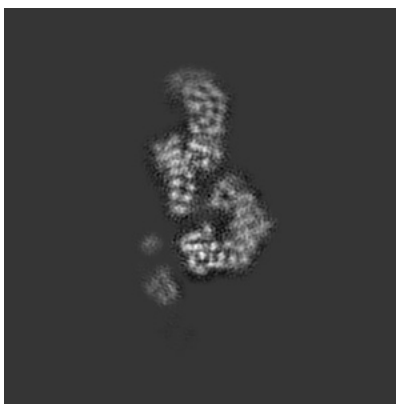
The images above show central slices of the map in three orthogonal directions.

6.3 Largest variance slices [i](#)

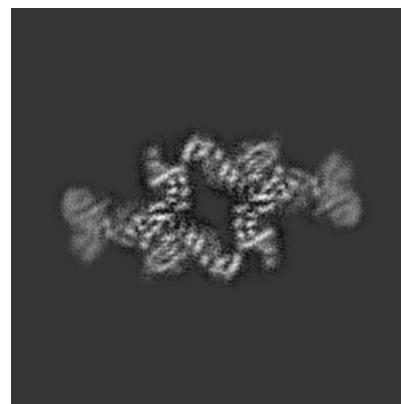
6.3.1 Primary map



X Index: 150



Y Index: 170

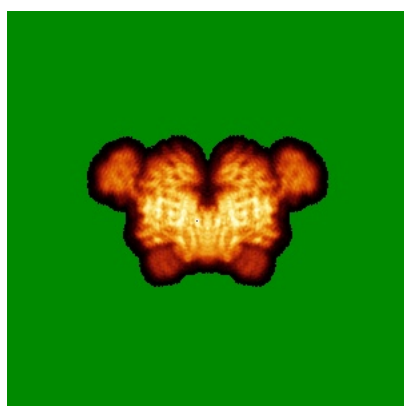


Z Index: 141

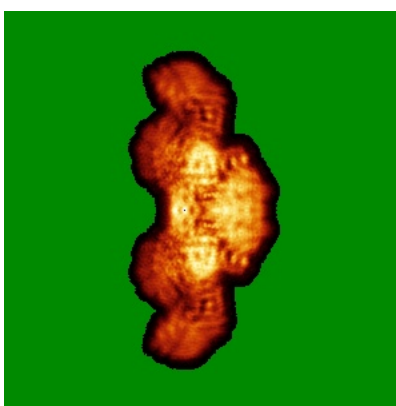
The images above show the largest variance slices of the map in three orthogonal directions.

6.4 Orthogonal standard-deviation projections (False-color) [i](#)

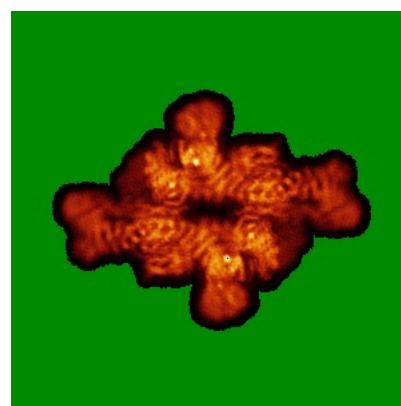
6.4.1 Primary map



X



Y

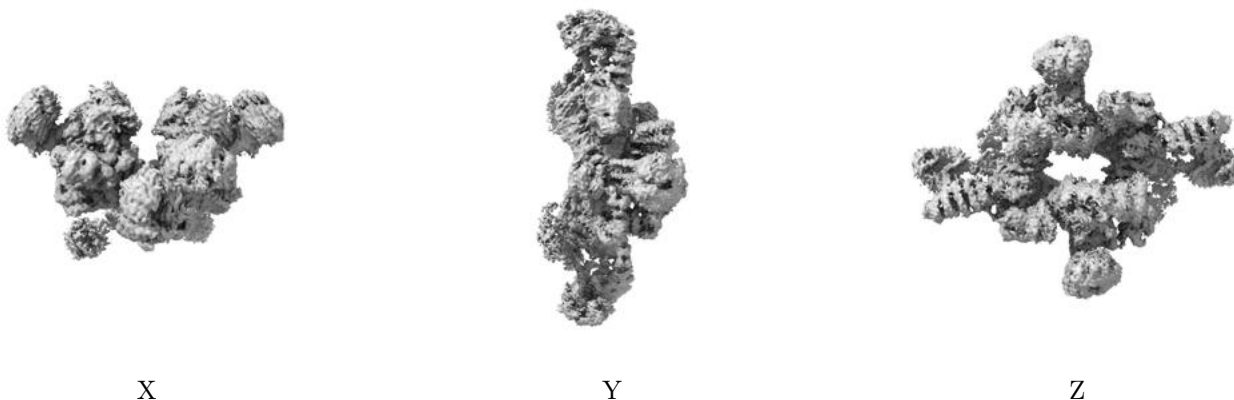


Z

The images above show the map standard deviation projections with false color in three orthogonal directions. Minimum values are shown in green, max in blue, and dark to light orange shades represent small to large values respectively.

6.5 Orthogonal surface views [i](#)

6.5.1 Primary map



The images above show the 3D surface view of the map at the recommended contour level 0.0142. These images, in conjunction with the slice images, may facilitate assessment of whether an appropriate contour level has been provided.

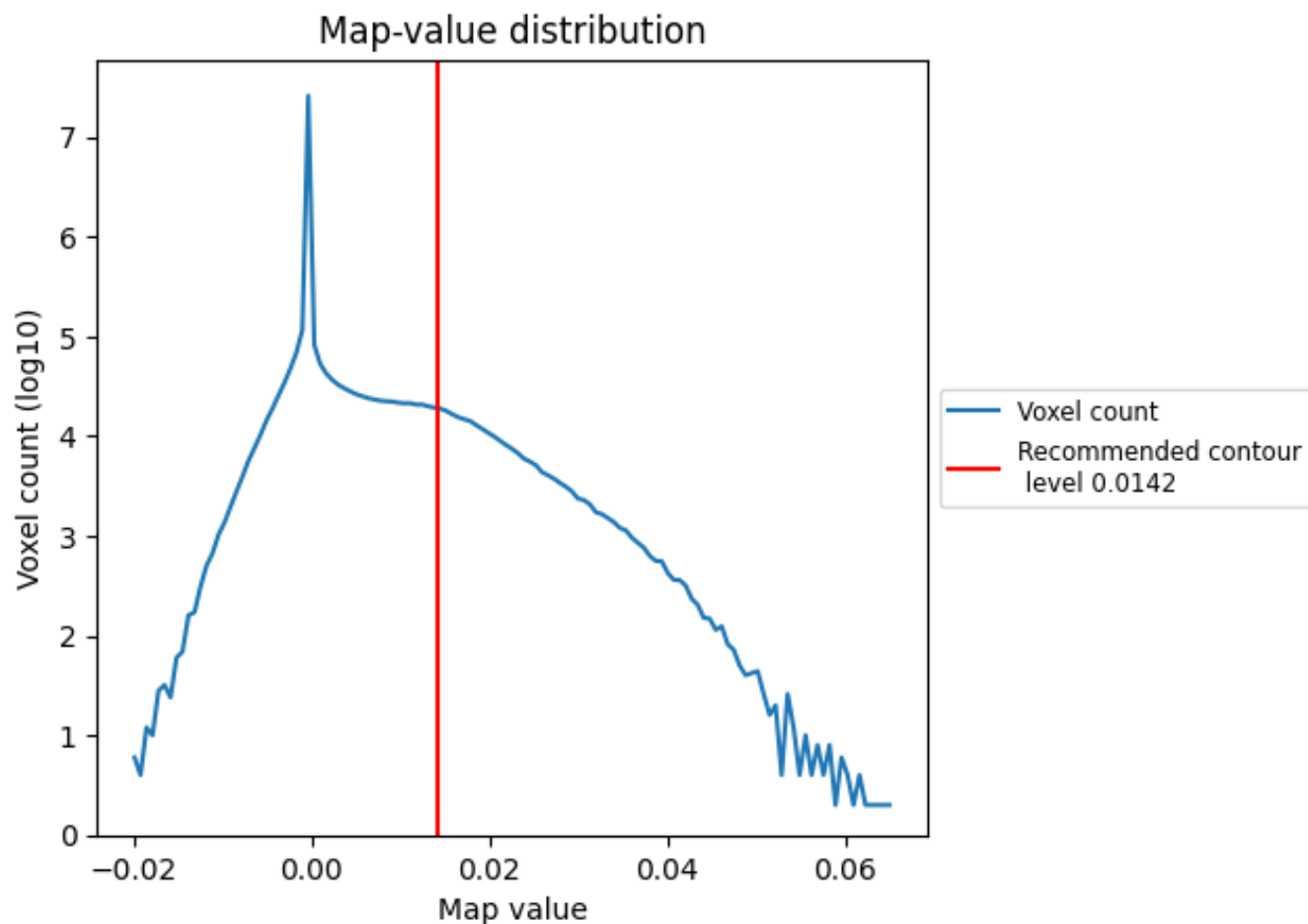
6.6 Mask visualisation [i](#)

This section was not generated. No masks/segmentation were deposited.

7 Map analysis [i](#)

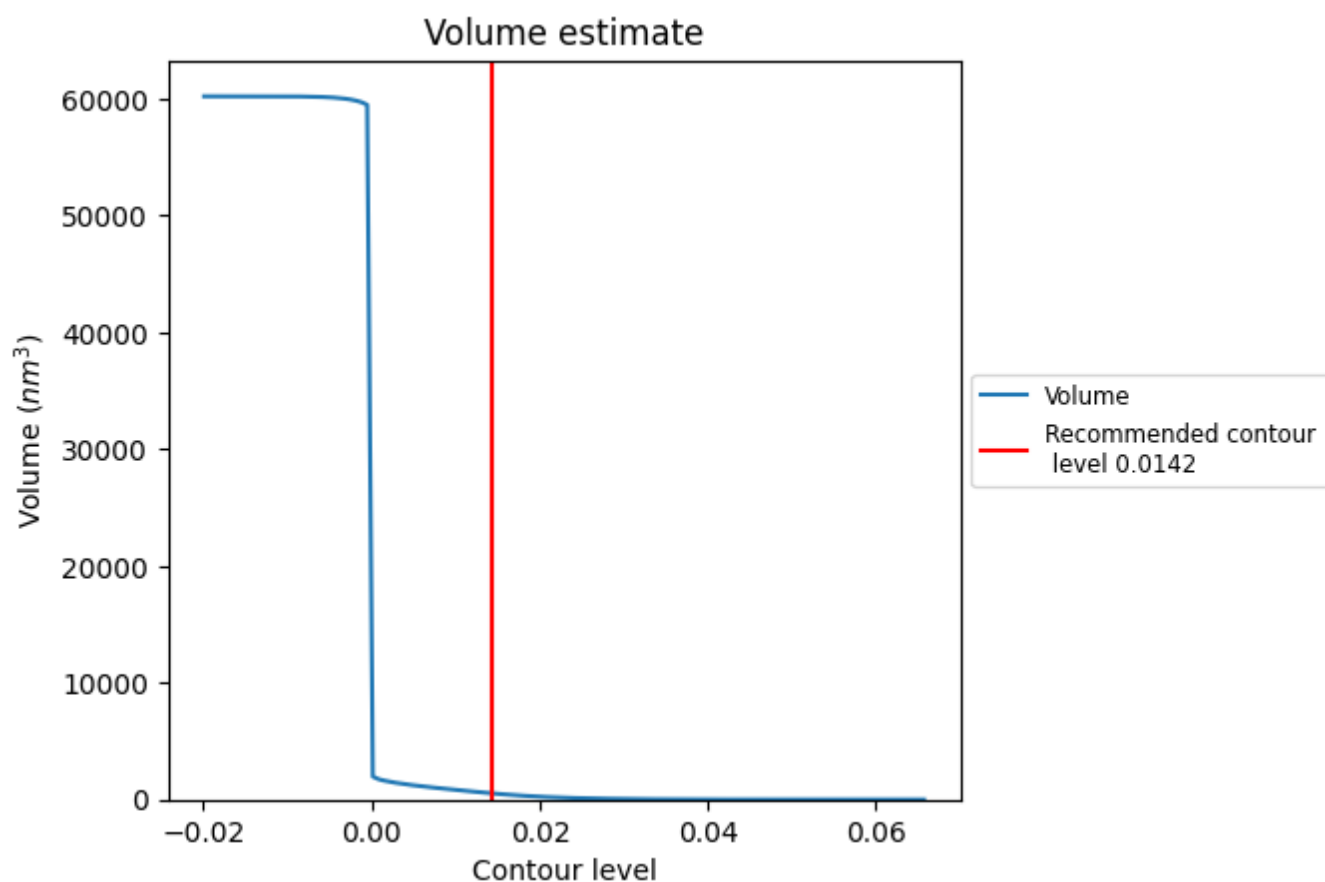
This section contains the results of statistical analysis of the map.

7.1 Map-value distribution [i](#)



The map-value distribution is plotted in 128 intervals along the x-axis. The y-axis is logarithmic. A spike in this graph at zero usually indicates that the volume has been masked.

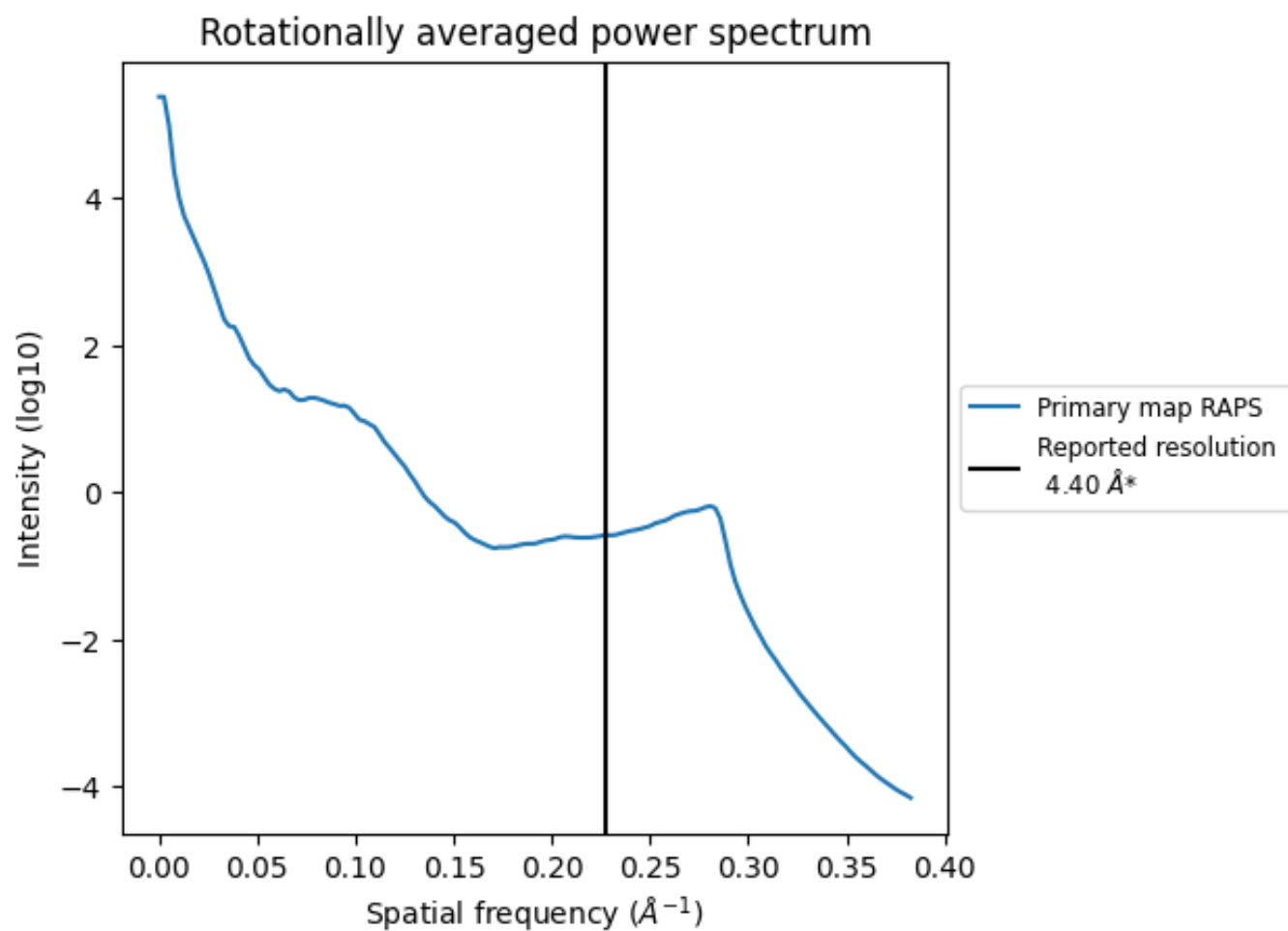
7.2 Volume estimate [i](#)



The volume at the recommended contour level is 541 nm³; this corresponds to an approximate mass of 489 kDa.

The volume estimate graph shows how the enclosed volume varies with the contour level. The recommended contour level is shown as a vertical line and the intersection between the line and the curve gives the volume of the enclosed surface at the given level.

7.3 Rotationally averaged power spectrum ⓘ



*Reported resolution corresponds to spatial frequency of 0.227 Å⁻¹

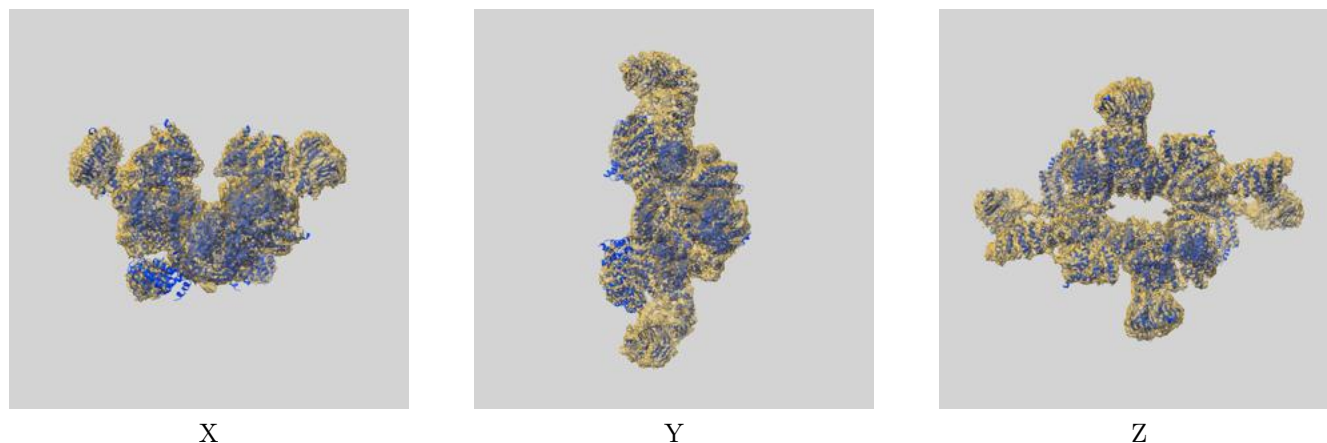
8 Fourier-Shell correlation

This section was not generated. No FSC curve or half-maps provided.

9 Map-model fit [i](#)

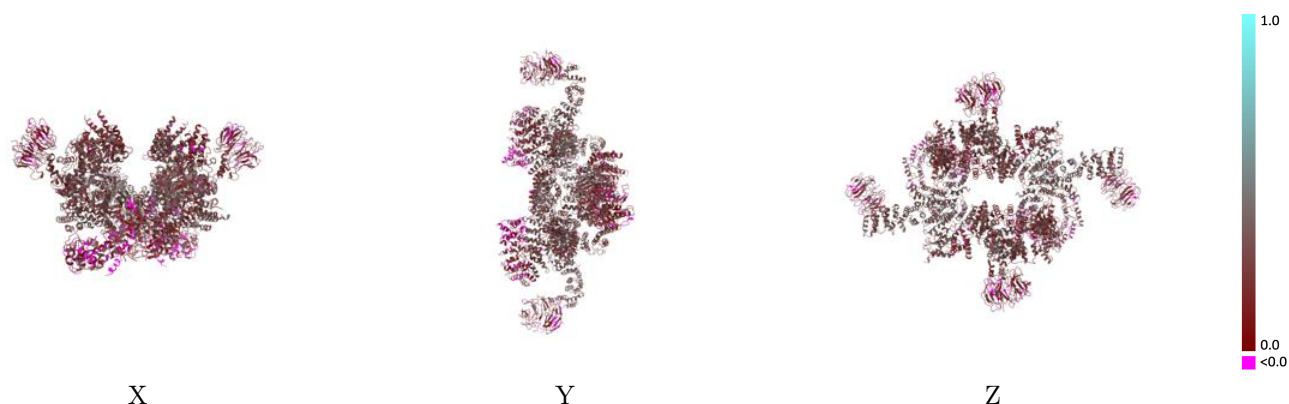
This section contains information regarding the fit between EMDB map EMD-6668 and PDB model 5H64. Per-residue inclusion information can be found in [section 3](#) on [page 5](#).

9.1 Map-model overlay [i](#)



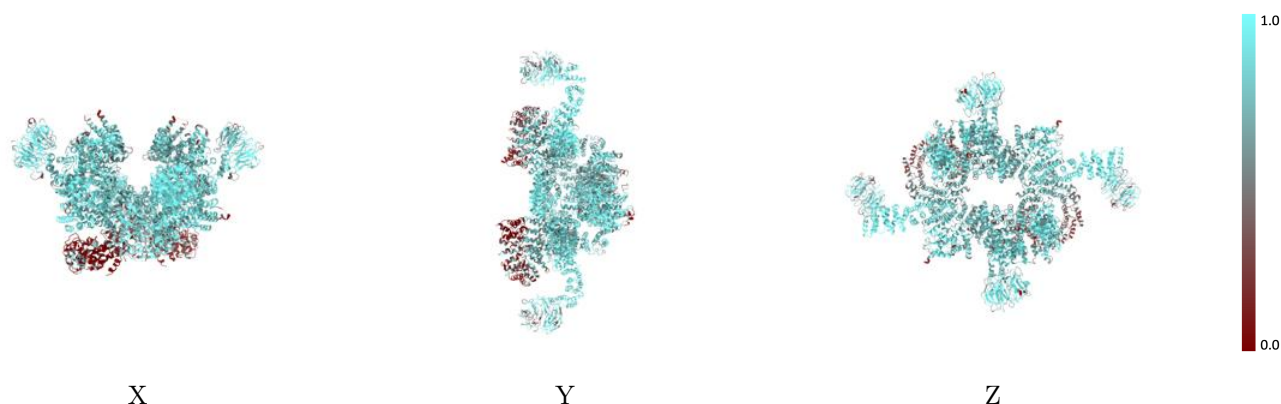
The images above show the 3D surface view of the map at the recommended contour level 0.0142 at 50% transparency in yellow overlaid with a ribbon representation of the model coloured in blue. These images allow for the visual assessment of the quality of fit between the atomic model and the map.

9.2 Q-score mapped to coordinate model [i](#)



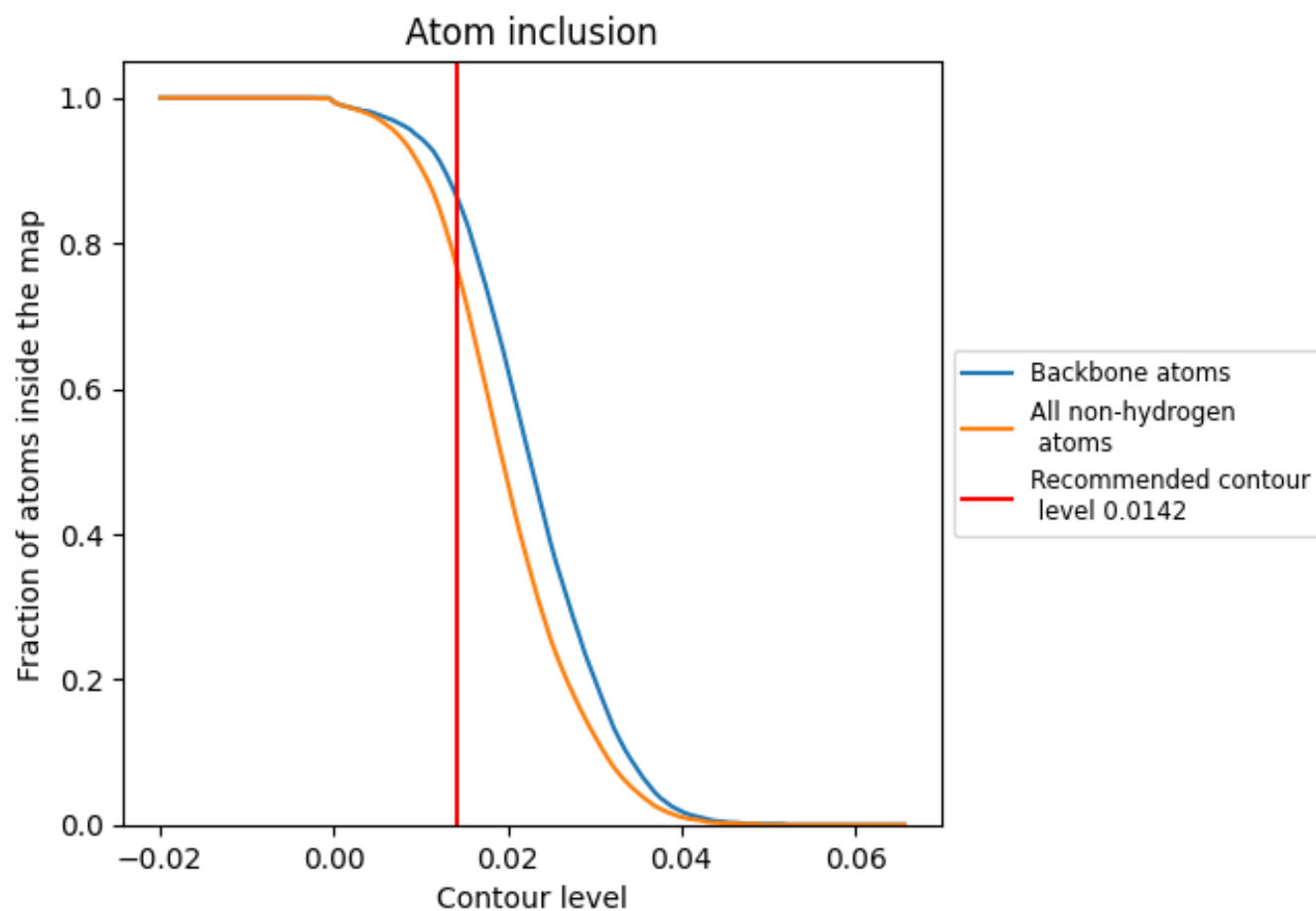
The images above show the model with each residue coloured according its Q-score. This shows their resolvability in the map with higher Q-score values reflecting better resolvability. Please note: Q-score is calculating the resolvability of atoms, and thus high values are only expected at resolutions at which atoms can be resolved. Low Q-score values may therefore be expected for many entries.

9.3 Atom inclusion mapped to coordinate model [i](#)



The images above show the model with each residue coloured according to its atom inclusion. This shows to what extent they are inside the map at the recommended contour level (0.0142).

9.4 Atom inclusion ⓘ



At the recommended contour level, 86% of all backbone atoms, 76% of all non-hydrogen atoms, are inside the map.

9.5 Map-model fit summary ⓘ

The table lists the average atom inclusion at the recommended contour level (0.0142) and Q-score for the entire model and for each chain.

Chain	Atom inclusion	Q-score
All	0.7650	0.2490
A	0.7330	0.2560
B	0.8370	0.2700
C	0.8400	0.1710
a	0.7330	0.2550
b	0.8360	0.2700
c	0.8370	0.1680

1.0

0.0

<0.0