



Full wwPDB NMR Structure Validation Report ⓘ

Mar 24, 2026 – 03:44 AM UTC

PDB ID : 7EN4 / pdb_00007en4
BMRB ID : 36420
Title : Multi-state structure determination and dynamics analysis elucidate a new ubiquitin-recognition mechanism of yeast ubiquitin C-terminal hydrolase.
Authors : Okada, M.; Tateishi, Y.; Nojiri, E.; Mikawa, T.; Rajesh, S.; Ogasawa, H.; Ueda, T.; Yagi, H.; Kohno, T.; Kigawa, T.; Shimada, I.; Guentert, P.; Yutaka, I.; Ikeya, T.
Deposited on : 2021-04-15

This is a Full wwPDB NMR Structure Validation Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at validation@mail.wwpdb.org

A user guide is available at

<https://www.wwpdb.org/validation/2017/NMRValidationReportHelp>

with specific help available everywhere you see the ⓘ symbol.

The types of validation reports are described at

<http://www.wwpdb.org/validation/2017/FAQs#types>.

The following versions of software and data (see [references ⓘ](#)) were used in the production of this report:

MolProbity : 4-5-2 with Phenix2.0
Percentile statistics : 20250101.v01 (using entries in the PDB archive January 1st 2025)
wwPDB-RCI : v_1n_11_5_13_A (Berjanski et al., 2005)
PANAV : Wang et al. (2010)
wwPDB-ShiftChecker : v1.2
BMRB Restraints Analysis : v1.2
Ideal geometry (proteins) : Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA) : Parkinson et al. (1996)
Validation Pipeline (wwPDB-VP) : 2.49

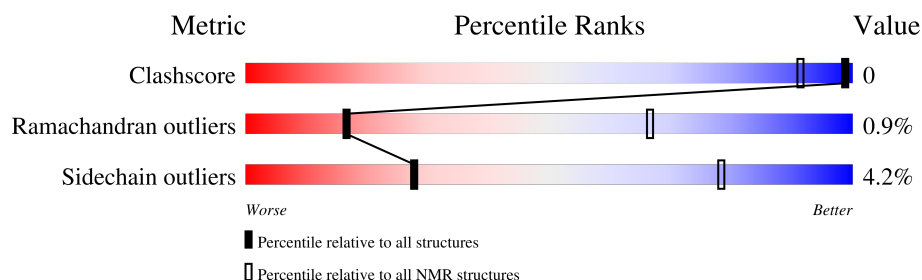
1 Overall quality at a glance

The following experimental techniques were used to determine the structure:

SOLUTION NMR

The overall completeness of chemical shifts assignment is 87%.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	NMR archive (#Entries)
Clashscore	229148	14424
Ramachandran outliers	224038	12848
Sidechain outliers	223484	12823

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the experimental data. The red, orange, yellow and green segments indicate the fraction of residues that contain outliers for ≥ 3 , 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria. A cyan segment indicates the fraction of residues that are not part of the well-defined cores, and a grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions $\leq 5\%$

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A	236	84%16%

2 Ensemble composition and analysis

This entry contains 20 models. Model 14 is the overall representative, medoid model (most similar to other models). The authors have identified model 1 as representative, based on the following criterion: *closest the center of the largest cluster*.

The following residues are included in the computation of the global validation metrics.

Well-defined (core) protein residues			
Well-defined core	Residue range (total)	Backbone RMSD (Å)	Medoid model
1	A:14-A:64, A:77-A:151, A:164-A:236 (199)	1.07	14

Ill-defined regions of proteins are excluded from the global statistics.

Ligands and non-protein polymers are included in the analysis.

The models can be grouped into 2 clusters and 2 single-model clusters were found.

Cluster number	Models
1	1, 3, 4, 5, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 16, 17
2	2, 6, 15, 19
Single-model clusters	18; 20

3 Entry composition [i](#)

There is only 1 type of molecule in this entry. The entry contains 3654 atoms, of which 1793 are hydrogens and 0 are deuteriums.

- Molecule 1 is a protein called Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase YUH1.

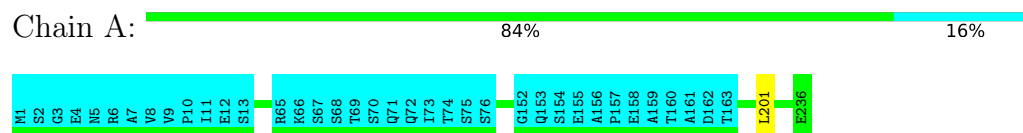
Mol	Chain	Residues	Atoms						Trace
1	A	236	Total	C	H	N	O	S	0
			3654	1176	1793	304	377	4	

4 Residue-property plots

4.1 Average score per residue in the NMR ensemble

These plots are provided for all protein, RNA, DNA and oligosaccharide chains in the entry. The first graphic is the same as shown in the summary in section 1 of this report. The second graphic shows the sequence where residues are colour-coded according to the number of geometric quality criteria for which they contain at least one outlier: green = 0, yellow = 1, orange = 2 and red = 3 or more. Stretches of 2 or more consecutive residues without any outliers are shown as green connectors. Residues which are classified as ill-defined in the NMR ensemble, are shown in cyan with an underline colour-coded according to the previous scheme. Residues which were present in the experimental sample, but not modelled in the final structure are shown in grey.

- Molecule 1: Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase YUH1

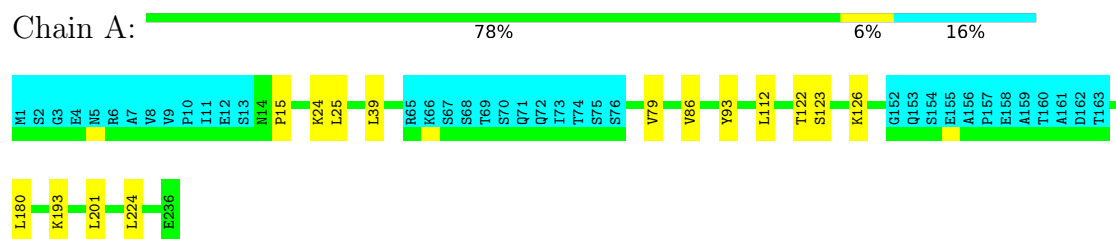


4.2 Scores per residue for each member of the ensemble

Colouring as in section 4.1 above.

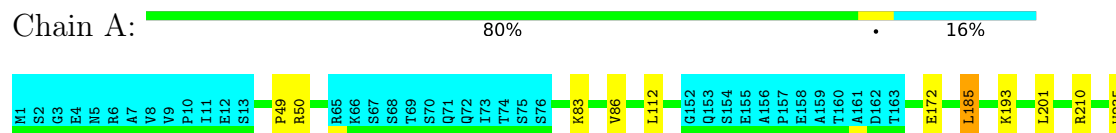
4.2.1 Score per residue for model 1

- Molecule 1: Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase YUH1



4.2.2 Score per residue for model 2

- Molecule 1: Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase YUH1

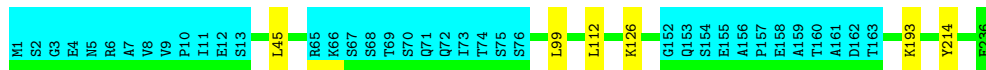


E236

4.2.3 Score per residue for model 3

- Molecule 1: Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase YUH1

Chain A:  82% 16%



4.2.4 Score per residue for model 4

- Molecule 1: Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase YUH1

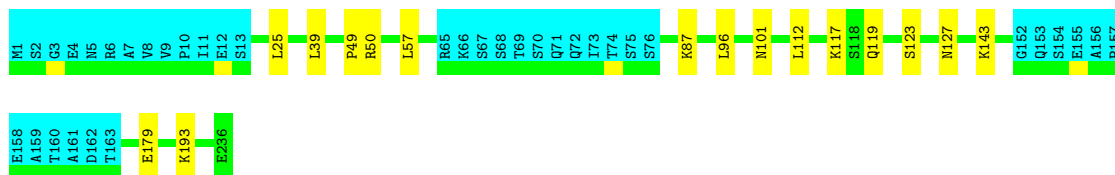
Chain A:  81% 16%



4.2.5 Score per residue for model 5

- Molecule 1: Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase YUH1

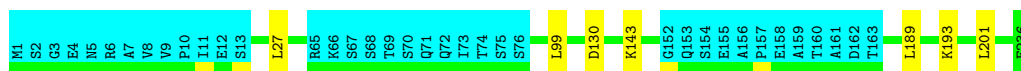
Chain A:  78% 7% 16%



4.2.6 Score per residue for model 6

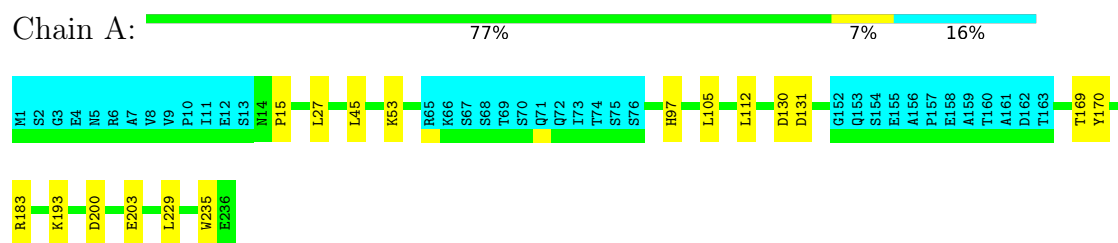
- Molecule 1: Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase YUH1

Chain A:  81% 16%



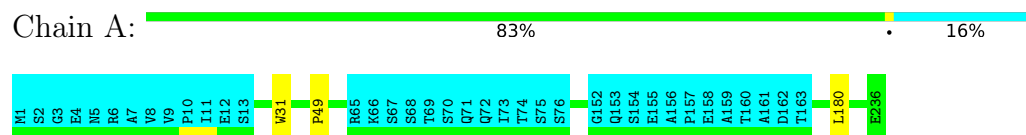
4.2.7 Score per residue for model 7

- Molecule 1: Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase YUH1



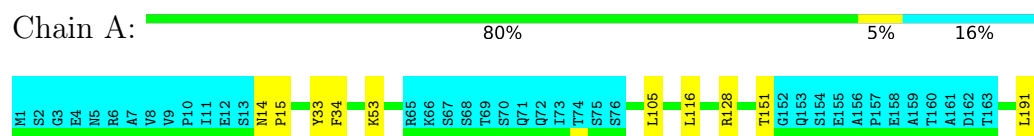
4.2.11 Score per residue for model 11

- Molecule 1: Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase YUH1



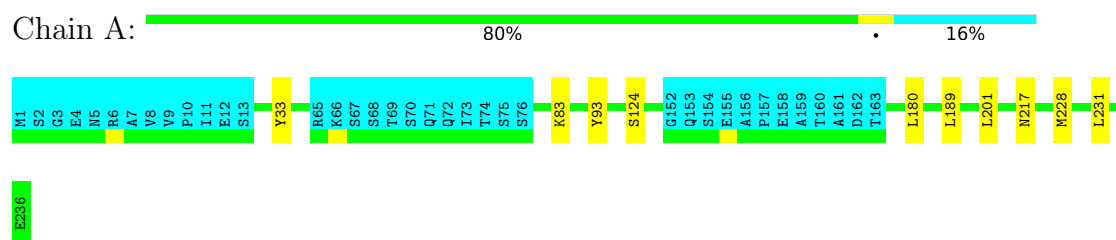
4.2.12 Score per residue for model 12

- Molecule 1: Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase YUH1



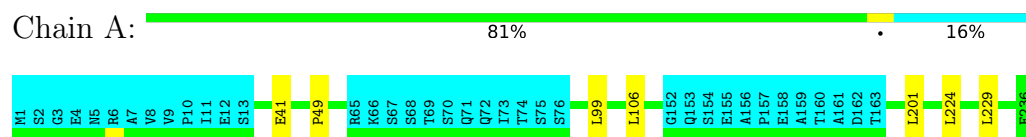
4.2.13 Score per residue for model 13

- Molecule 1: Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase YUH1



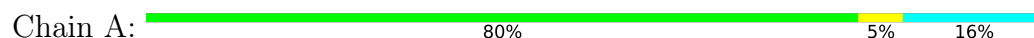
4.2.14 Score per residue for model 14 (medoid)

- Molecule 1: Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase YUH1



4.2.15 Score per residue for model 15

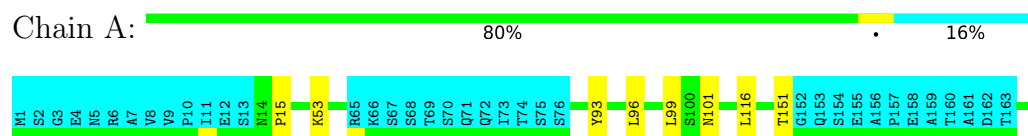
- Molecule 1: Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase YUH1





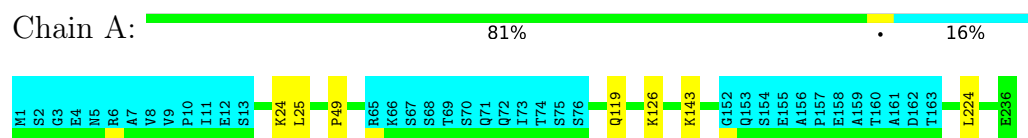
4.2.16 Score per residue for model 16

- Molecule 1: Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase YUH1



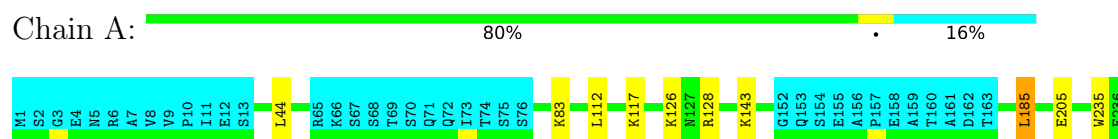
4.2.17 Score per residue for model 17

- Molecule 1: Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase YUH1



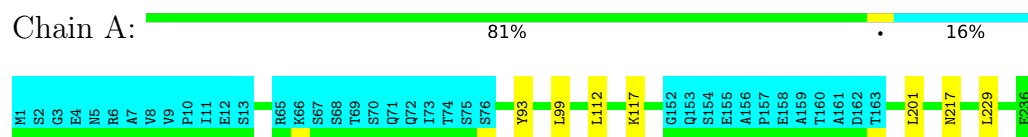
4.2.18 Score per residue for model 18

- Molecule 1: Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase YUH1



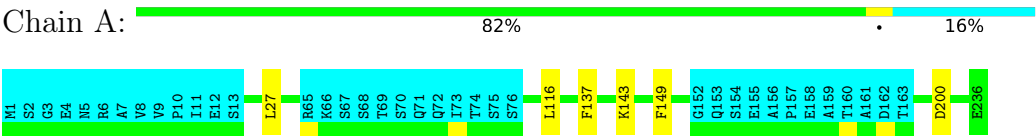
4.2.19 Score per residue for model 19

- Molecule 1: Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase YUH1



4.2.20 Score per residue for model 20

- Molecule 1: Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase YUH1



5 Refinement protocol and experimental data overview

The models were refined using the following method: *energy minimization*.

Of the 20 calculated structures, 20 were deposited, based on the following criterion: *structures randomly selected from each of five clusters*.

The following table shows the software used for structure solution, optimisation and refinement.

Software name	Classification	Version
CYANA	structure calculation	3.99.0
OPAL	refinement	1.4

The following table shows chemical shift validation statistics as aggregates over all chemical shift files. Detailed validation can be found in section 7 of this report.

Chemical shift file(s)	working_cs.cif
Number of chemical shift lists	1
Total number of shifts	2734
Number of shifts mapped to atoms	2734
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	0
Assignment completeness (well-defined parts)	87%

6 Model quality [i](#)

6.1 Standard geometry [i](#)

There are no covalent bond-length or bond-angle outliers.

There are no bond-length outliers.

There are no bond-angle outliers.

There are no chirality outliers.

There are no planarity outliers.

6.2 Too-close contacts [i](#)

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in each chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes averaged over the ensemble.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes
1	A	1595	1539	1539	0±1
All	All	31900	30780	30780	7

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 0.

All unique clashes are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:185:LEU:HD13	1:A:185:LEU:H	0.48	1.67	2	2
1:A:122:THR:HG22	1:A:123:SER:H	0.48	1.69	1	1
1:A:97:HIS:CD2	1:A:169:THR:HG23	0.46	2.45	7	1
1:A:170:TYR:CD2	1:A:170:TYR:N	0.46	2.83	7	1
1:A:14:ASN:N	1:A:15:PRO:CD	0.40	2.83	12	1
1:A:87:LYS:H	1:A:87:LYS:CD	0.40	2.29	15	1

6.3 Torsion angles [i](#)

6.3.1 Protein backbone [i](#)

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR

entries. The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles	
1	A	198/236 (84%)	183±4 (92±2%)	13±3 (7±2%)	2±1 (1±1%)	16	66
All	All	3960/4720 (84%)	3661 (92%)	265 (7%)	34 (1%)	16	66

All 14 unique Ramachandran outliers are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	201	LEU	8
1	A	49	PRO	6
1	A	15	PRO	3
1	A	128	ARG	2
1	A	129	PHE	2
1	A	127	ASN	2
1	A	130	ASP	2
1	A	200	ASP	2
1	A	151	THR	2
1	A	123	SER	1
1	A	131	ASP	1
1	A	64	ASP	1
1	A	124	SER	1
1	A	126	LYS	1

6.3.2 Protein sidechains ⓘ

In the following table, the Percentiles column shows the percent sidechain outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the sidechain conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles	
1	A	179/210 (85%)	172±2 (96±1%)	7±2 (4±1%)	28	78
All	All	3580/4200 (85%)	3431 (96%)	149 (4%)	28	78

All 61 unique residues with a non-rotameric sidechain are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	112	LEU	10
1	A	193	LYS	7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	99	LEU	7
1	A	93	TYR	5
1	A	126	LYS	5
1	A	224	LEU	5
1	A	116	LEU	5
1	A	201	LEU	5
1	A	117	LYS	5
1	A	143	LYS	5
1	A	53	LYS	5
1	A	24	LYS	4
1	A	235	TRP	4
1	A	25	LEU	3
1	A	180	LEU	3
1	A	50	ARG	3
1	A	83	LYS	3
1	A	87	LYS	3
1	A	27	LEU	3
1	A	229	LEU	3
1	A	39	LEU	2
1	A	86	VAL	2
1	A	185	LEU	2
1	A	45	LEU	2
1	A	96	LEU	2
1	A	101	ASN	2
1	A	119	GLN	2
1	A	179	GLU	2
1	A	189	LEU	2
1	A	105	LEU	2
1	A	106	LEU	2
1	A	44	LEU	2
1	A	33	TYR	2
1	A	128	ARG	2
1	A	217	ASN	2
1	A	79	VAL	1
1	A	172	GLU	1
1	A	210	ARG	1
1	A	214	TYR	1
1	A	28	LYS	1
1	A	56	VAL	1
1	A	92	LEU	1
1	A	57	LEU	1
1	A	183	ARG	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	203	GLU	1
1	A	206	LEU	1
1	A	208	ARG	1
1	A	21	PHE	1
1	A	142	ILE	1
1	A	31	TRP	1
1	A	34	PHE	1
1	A	191	LEU	1
1	A	228	MET	1
1	A	231	LEU	1
1	A	41	GLU	1
1	A	88	ASN	1
1	A	177	ILE	1
1	A	205	GLU	1
1	A	137	PHE	1
1	A	149	PHE	1
1	A	200	ASP	1

6.3.3 RNA ⓘ

There are no RNA molecules in this entry.

6.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains ⓘ

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

6.5 Carbohydrates ⓘ

There are no oligosaccharides in this entry.

6.6 Ligand geometry ⓘ

There are no ligands in this entry.

6.7 Other polymers ⓘ

There are no such molecules in this entry.

6.8 Polymer linkage issues ⓘ

There are no chain breaks in this entry.

7 Chemical shift validation [i](#)

The completeness of assignment taking into account all chemical shift lists is 87% for the well-defined parts and 87% for the entire structure.

7.1 Chemical shift list 1

File name: `working_cs.cif`

Chemical shift list name: `starch_output`

7.1.1 Bookkeeping [i](#)

The following table shows the results of parsing the chemical shift list and reports the number of nuclei with statistically unusual chemical shifts.

Total number of shifts	2734
Number of shifts mapped to atoms	2734
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	0
Number of shift outliers (ShiftChecker)	0

7.1.2 Chemical shift referencing [i](#)

The following table shows the suggested chemical shift referencing corrections.

Nucleus	# values	Correction $\pm$ precision, ppm	Suggested action
$^{13}\text{C}_\alpha$	231	0.08 ± 0.07	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}\text{C}_\beta$	221	0.66 ± 0.06	Should be checked
$^{13}\text{C}'$	211	0.17 ± 0.14	None needed (< 0.5 ppm)
^{15}N	222	-1.60 ± 0.25	Should be applied

7.1.3 Completeness of resonance assignments [i](#)

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the well-defined regions of the structure. The overall completeness is 87%, i.e. 2350 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 2715. 0 out of 40 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	^1H	^{13}C	^{15}N
Backbone	953/987 (97%)	389/399 (97%)	375/398 (94%)	189/190 (99%)
Sidechain	1280/1479 (87%)	866/960 (90%)	393/471 (83%)	21/48 (44%)

Continued on next page...

Continued from previous page...

	Total	^1H	^{13}C	^{15}N
Aromatic	117/249 (47%)	83/122 (68%)	31/121 (26%)	3/6 (50%)
Overall	2350/2715 (87%)	1338/1481 (90%)	799/990 (81%)	213/244 (87%)

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the full structure. The overall completeness is 87%, i.e. 2734 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 3154. 0 out of 42 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	^1H	^{13}C	^{15}N
Backbone	1123/1170 (96%)	459/473 (97%)	442/472 (94%)	222/225 (99%)
Sidechain	1494/1735 (86%)	1011/1125 (90%)	459/551 (83%)	24/59 (41%)
Aromatic	117/249 (47%)	83/122 (68%)	31/121 (26%)	3/6 (50%)
Overall	2734/3154 (87%)	1553/1720 (90%)	932/1144 (81%)	249/290 (86%)

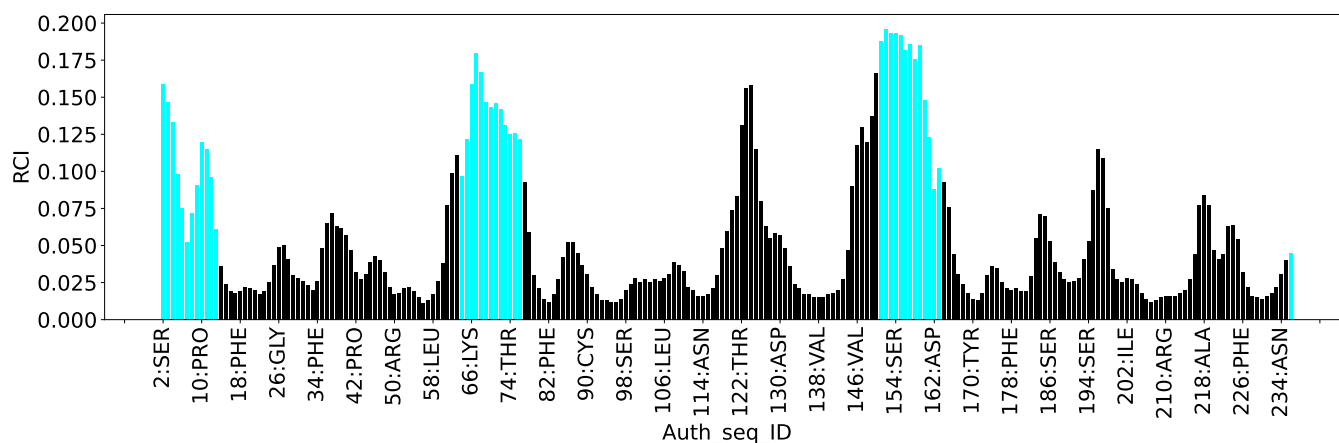
7.1.4 Statistically unusual chemical shifts [i](#)

There are no statistically unusual chemical shifts.

7.1.5 Random Coil Index (RCI) plots [i](#)

The image below reports *random coil index* values for the protein chains in the structure. The height of each bar gives a probability of a given residue to be disordered, as predicted from the available chemical shifts and the amino acid sequence. A value above 0.2 is an indication of significant predicted disorder. The colour of the bar shows whether the residue is in the well-defined core (black) or in the ill-defined residue ranges (cyan), as described in section 2 on ensemble composition. If well-defined core and ill-defined regions are not identified then it is shown as gray bars.

Random coil index (RCI) for chain A:



8 NMR restraints analysis

8.1 Conformationally restricting restraints

The following table provides the summary of experimentally observed NMR restraints in different categories. Restraints are classified into different categories based on the sequence separation of the atoms involved.

Description	Value
Total distance restraints	6446
Intra-residue ($ i-j =0$)	322
Sequential ($ i-j =1$)	1090
Medium range ($ i-j >1$ and $ i-j <5$)	1257
Long range ($ i-j \geq 5$)	3752
Inter-chain	0
Hydrogen bond restraints	25
Disulfide bond restraints	0
Total dihedral-angle restraints	0
Number of unmapped restraints	0
Number of restraints per residue	27.3
Number of long range restraints per residue ¹	16.0

¹Long range hydrogen bonds and disulfide bonds are counted as long range restraints while calculating the number of long range restraints per residue

8.2 Residual restraint violations

This section provides the overview of the restraint violations analysis. The violations are binned as small, medium and large violations based on its absolute value. Average number of violations per model is calculated by dividing the total number of violations in each bin by the size of the ensemble.

8.2.1 Average number of distance violations per model

Distance violations less than 0.1 Å are not included in the calculation.

Bins (Å)	Average number of violations per model	Max (Å)
0.1-0.2 (Small)	92.5	0.2
0.2-0.5 (Medium)	243.7	0.5
>0.5 (Large)	1230.0	35.79

8.2.2 Average number of dihedral-angle violations per model [i](#)

Dihedral-angle violations less than 1° are not included in the calculation. There are no dihedral-angle violations

9 Distance violation analysis ⓘ

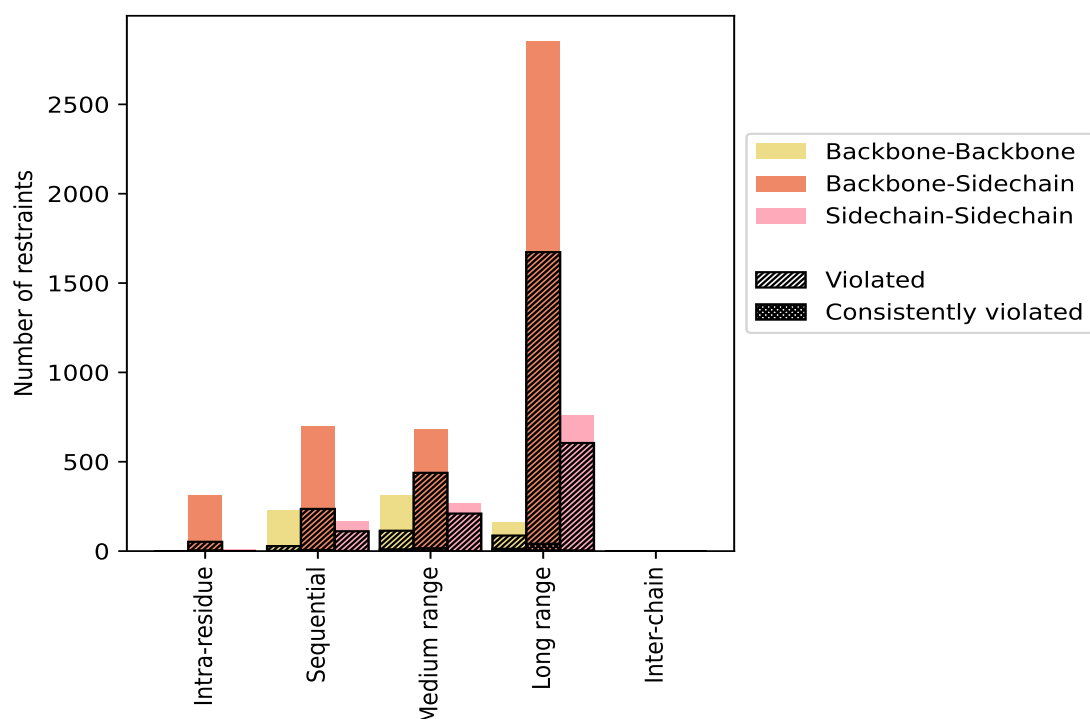
9.1 Summary of distance violations ⓘ

The following table shows the summary of distance violations in different restraint categories based on the sequence separation of the atoms involved. Each category is further sub-divided into three sub-categories based on the atoms involved. Violations less than 0.1 Å are not included in the statistics.

Restrains type	Count	% ¹	Violated ³			Consistently Violated ⁴		
			Count	% ²	% ¹	Count	% ²	% ¹
Intra-residue ($ i-j =0$)	322	5.0	52	16.1	0.8	4	1.2	0.1
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	311	4.8	52	16.7	0.8	4	1.3	0.1
Sidechain-Sidechain	11	0.2	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sequential ($ i-j =1$)	1090	16.9	375	34.4	5.8	8	0.7	0.1
Backbone-Backbone	228	3.5	28	12.3	0.4	1	0.4	0.0
Backbone-Sidechain	696	10.8	236	33.9	3.7	6	0.9	0.1
Sidechain-Sidechain	166	2.6	111	66.9	1.7	1	0.6	0.0
Medium range ($ i-j >1$ & $ i-j <5$)	1257	19.5	760	60.5	11.8	26	2.1	0.4
Backbone-Backbone	310	4.8	114	36.8	1.8	10	3.2	0.2
Backbone-Sidechain	678	10.5	436	64.3	6.8	16	2.4	0.2
Sidechain-Sidechain	269	4.2	210	78.1	3.3	0	0.0	0.0
Long range ($ i-j \geq 5$)	3752	58.2	2342	62.4	36.3	58	1.5	0.9
Backbone-Backbone	162	2.5	87	53.7	1.3	13	8.0	0.2
Backbone-Sidechain	2830	43.9	1650	58.3	25.6	41	1.4	0.6
Sidechain-Sidechain	760	11.8	605	79.6	9.4	4	0.5	0.1
Inter-chain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Hydrogen bond	25	0.4	25	100.0	0.4	0	0.0	0.0
Disulfide bond	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Total	6446	100.0	3554	55.1	55.1	96	1.5	1.5
Backbone-Backbone	700	10.9	229	32.7	3.6	24	3.4	0.4
Backbone-Sidechain	4540	70.4	2399	52.8	37.2	67	1.5	1.0
Sidechain-Sidechain	1206	18.7	926	76.8	14.4	5	0.4	0.1

¹ percentage calculated with respect to the total number of distance restraints, ² percentage calculated with respect to the number of restraints in a particular restraint category, ³ violated in at least one model, ⁴ violated in all the models

9.1.1 Bar chart : Distribution of distance restraints and violations [i](#)



Violated and consistently violated restraints are shown using different hatch patterns in their respective categories. The hydrogen bonds and disulfied bonds are counted in their appropriate category on the x-axis

9.2 Distance violation statistics for each model [i](#)

The following table provides the distance violation statistics for each model in the ensemble. Violations less than 0.1 Å are not included in the statistics.

Model ID	Number of violations						Mean (Å)	Max (Å)	SD ⁶ (Å)	Median (Å)
	IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total				
1	24	155	373	981	0	1533	2.45	21.88	3.31	1.22
2	16	156	376	1124	0	1672	3.86	30.58	5.31	1.48
3	24	162	368	907	0	1461	2.27	20.82	3.05	1.19
4	18	159	374	1099	0	1650	4.06	33.68	5.67	1.39
5	19	161	360	988	0	1528	2.66	23.25	3.39	1.27
6	17	152	359	977	0	1505	2.72	19.86	3.65	1.19
7	15	149	341	1128	0	1633	4.38	35.25	6.45	1.39
8	19	151	346	977	0	1493	2.53	24.63	3.68	1.16
9	17	150	330	1065	0	1562	4.01	35.49	5.65	1.37
10	22	169	352	1157	0	1700	4.02	31.03	5.54	1.48

Continued on next page...

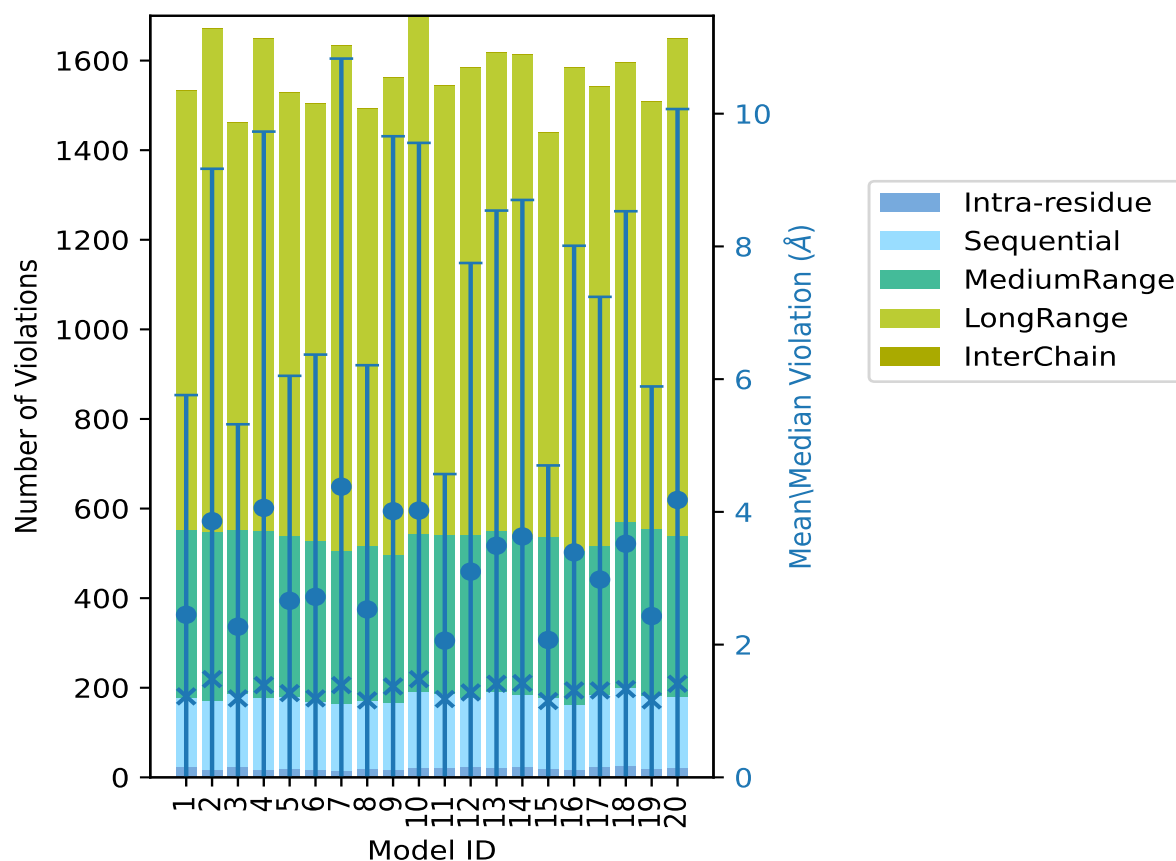
Continued from previous page...

Model ID	Number of violations						Mean (Å)	Max (Å)	SD ⁶ (Å)	Median (Å)
	IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total				
11	21	165	356	1002	0	1544	2.06	18.08	2.51	1.18
12	25	152	365	1042	0	1584	3.1	35.4	4.65	1.28
13	21	170	361	1065	0	1617	3.49	31.14	5.05	1.41
14	24	161	350	1079	0	1614	3.63	28.71	5.07	1.42
15	20	157	361	901	0	1439	2.07	18.1	2.63	1.15
16	16	146	344	1078	0	1584	3.39	26.05	4.62	1.31
17	24	161	332	1025	0	1542	2.98	30.27	4.26	1.31
18	26	173	372	1025	0	1596	3.52	35.79	5.01	1.33
19	19	162	375	952	0	1508	2.43	22.78	3.46	1.16
20	22	158	359	1111	0	1650	4.18	30.87	5.89	1.41

¹Intra-residue restraints, ²Sequential restraints, ³Medium range restraints, ⁴Long range restraints,

⁵Inter-chain restraints, ⁶Standard deviation

9.2.1 Bar graph : Distance Violation statistics for each model ⓘ



The mean(dot),median(x) and the standard deviation are shown in blue with respect to the y axis on the right

9.3 Distance violation statistics for the ensemble

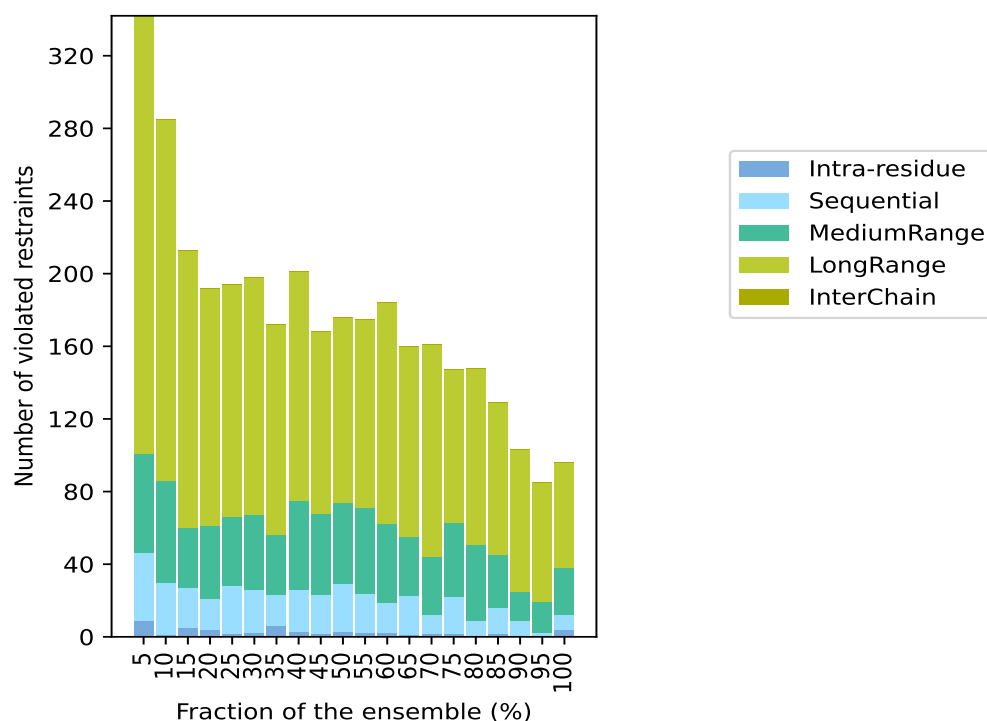
Violation analysis may find that some restraints are violated in few models and some are violated in most of models. The following table provides this information as number of violated restraints for a given fraction of the ensemble. In total, 2892(IR:270, SQ:715, MR:497, LR:1410, IC:0) restraints are not violated in the ensemble.

Number of violated restraints						Fraction of the ensemble	
IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total	Count ⁶	%
9	37	55	241	0	342	1	5.0
1	29	56	199	0	285	2	10.0
5	22	33	153	0	213	3	15.0
4	17	40	131	0	192	4	20.0
2	26	38	128	0	194	5	25.0
2	24	41	131	0	198	6	30.0
6	17	33	116	0	172	7	35.0
3	23	49	126	0	201	8	40.0
2	21	45	100	0	168	9	45.0
3	26	45	102	0	176	10	50.0
2	22	47	104	0	175	11	55.0
2	17	43	122	0	184	12	60.0
1	22	32	105	0	160	13	65.0
2	10	32	117	0	161	14	70.0
2	20	41	84	0	147	15	75.0
0	9	42	97	0	148	16	80.0
2	14	29	84	0	129	17	85.0
0	9	16	78	0	103	18	90.0
0	2	17	66	0	85	19	95.0
4	8	26	58	0	96	20	100.0

¹Intra-residue restraints, ²Sequential restraints, ³Medium range restraints, ⁴Long range restraints,

⁵Inter-chain restraints, ⁶ Number of models with violations

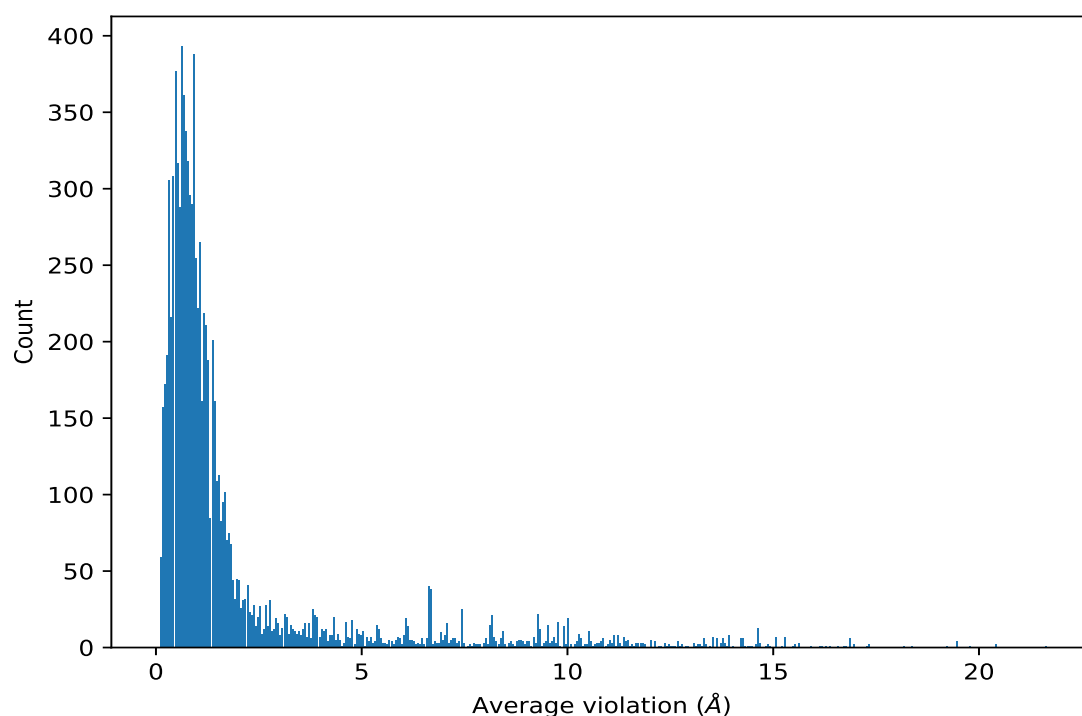
9.3.1 Bar graph : Distance violation statistics for the ensemble [i](#)



9.4 Most violated distance restraints in the ensemble [i](#)

9.4.1 Histogram : Distribution of mean distance violations [i](#)

The following histogram shows the distribution of the average value of the violation. The average is calculated for each restraint that is violated in more than one model over all the violated models in the ensemble



9.4.2 Table: Most violated distance restraints [i](#)

The following table provides the mean and the standard deviation of the violation for each restraint sorted by number of violated models and the mean value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2982)	1:4:A:GLU:H	1:147:A:GLN:H	20	19.79	11.91	17.78
(4,2234)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:H	20	19.23	11.39	17.26
(5,373)	1:5:A:ASN:ND2	1:77:A:TYR:H	20	16.98	7.21	15.38
(5,95)	1:39:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	20	13.53	1.02	13.65
(1,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	20	13.09	1.19	12.61
(4,1692)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:H	20	11.3	8.03	12.36
(1,161)	1:59:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	20	11.25	1.3	10.97
(1,501)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	20	11.07	1.05	10.8
(5,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	20	10.28	6.75	9.14
(1,608)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	20	10.23	1.68	10.18
(5,103)	1:140:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	20	9.43	1.13	9.57
(1,117)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	20	8.23	0.85	8.1
(4,3375)	1:11:A:ILE:H	1:227:A:ALA:H	20	7.75	3.98	8.13
(1,95)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	20	6.26	0.72	6.18
(1,81)	1:13:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	20	6.21	2.13	6.12
(1,119)	1:166:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	20	5.84	1.21	5.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,171)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	20	5.71	0.91	5.82
(5,260)	1:200:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	20	5.52	1.02	5.82
(5,29)	1:104:A:SER:OG	1:161:A:ALA:H	20	5.38	1.86	5.68
(5,79)	1:39:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	20	5.31	0.97	5.65
(1,160)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	20	4.96	2.39	5.14
(5,330)	1:225:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	20	4.94	1.43	4.86
(1,157)	1:163:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	20	4.85	1.97	4.47
(1,105)	1:91:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	20	4.62	1.27	4.8
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE1	20	4.62	2.98	4.08
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE2	20	4.62	2.98	4.08
(1,73)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	20	4.4	1.61	4.22
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD11	1:21:A:PHE:H	20	4.19	2.34	4.71
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD12	1:21:A:PHE:H	20	4.19	2.34	4.71
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD13	1:21:A:PHE:H	20	4.19	2.34	4.71
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD1	20	3.93	2.41	3.93
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD2	20	3.93	2.41	3.93
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD1	20	3.93	2.41	3.93
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD2	20	3.93	2.41	3.93
(2,326)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	20	3.93	0.72	3.69
(5,114)	1:78:A:ASP:H	1:140:A:ASN:ND2	20	3.85	1.25	3.64
(1,74)	1:221:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	20	3.74	1.62	3.49
(1,182)	1:61:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	20	3.61	1.23	3.72
(1,104)	1:56:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	20	3.52	1.27	3.33
(5,202)	1:53:A:LYS:H	1:225:A:ASN:ND2	20	3.22	1.31	3.56
(2,599)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	20	3.07	0.73	2.88
(1,209)	1:21:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	20	3.01	1.46	2.87
(1,210)	1:219:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	20	2.98	1.62	2.96
(2,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	20	2.96	1.19	2.48
(5,90)	1:140:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	20	2.88	1.43	3.03
(1,216)	1:171:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	20	2.86	1.31	2.61
(2,271)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:ND2	20	2.84	0.66	2.62
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	20	2.63	2.14	1.98
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	20	2.63	2.14	1.98
(5,14)	1:87:A:LYS:H	1:104:A:SER:OG	20	2.62	0.85	2.55
(1,5)	1:99:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	20	2.49	0.95	2.54
(4,169)	1:145:A:ASN:H	1:150:A:SER:H	20	2.48	0.63	2.7
(1,146)	1:189:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	20	2.39	1.31	2.28
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD1	20	2.38	2.01	1.71
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD2	20	2.38	2.01	1.71
(4,447)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	20	2.37	1.0	2.08
(1,173)	1:58:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	20	2.36	1.23	2.14
(1,72)	1:170:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	20	2.29	1.26	2.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3341)	1:146:A:VAL:H	1:150:A:SER:H	20	2.26	0.6	2.46
(4,528)	1:117:A:LYS:H	1:119:A:GLN:HE21	20	2.23	1.42	2.88
(2,189)	1:140:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	20	2.1	0.59	1.79
(5,59)	1:104:A:SER:OG	1:214:A:TYR:H	20	2.08	0.81	2.01
(2,134)	1:103:A:GLN:H	1:104:A:SER:OG	20	2.05	0.82	2.41
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG21	20	2.03	1.1	1.99
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG22	20	2.03	1.1	1.99
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG23	20	2.03	1.1	1.99
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD22	20	2.01	1.15	1.72
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD22	20	2.01	1.15	1.72
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD22	20	2.01	1.15	1.72
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD22	20	2.01	1.15	1.72
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD22	20	2.01	1.15	1.72
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD22	20	2.01	1.15	1.72
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD21	20	1.93	0.85	1.66
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD21	20	1.93	0.85	1.66
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD21	20	1.93	0.85	1.66
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD21	20	1.93	0.85	1.66
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD21	20	1.93	0.85	1.66
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD21	20	1.93	0.85	1.66
(2,172)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	20	1.91	0.97	1.42
(1,179)	1:57:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	20	1.91	1.32	1.58
(4,1242)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:H	20	1.91	0.63	1.96
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB2	20	1.73	0.65	1.95
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB3	20	1.73	0.65	1.95
(4,665)	1:168:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	20	1.67	0.46	1.77
(4,665)	1:168:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	20	1.67	0.46	1.77
(4,665)	1:168:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	20	1.67	0.46	1.77
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:H	20	1.64	1.26	1.36
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:H	20	1.64	1.26	1.36
(4,755)	1:16:A:GLU:H	1:34:A:PHE:HA	20	1.56	1.11	1.46
(4,2575)	1:19:A:THR:HG21	1:235:A:TRP:H	20	1.44	0.75	1.38
(4,2575)	1:19:A:THR:HG22	1:235:A:TRP:H	20	1.44	0.75	1.38
(4,2575)	1:19:A:THR:HG23	1:235:A:TRP:H	20	1.44	0.75	1.38
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:H	20	1.37	0.57	1.28
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:H	20	1.37	0.57	1.28
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:H	20	1.37	0.57	1.28
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE1	20	1.36	0.74	1.14
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE2	20	1.36	0.74	1.14
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG11	20	1.31	1.0	0.72
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG12	20	1.31	1.0	0.72
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG13	20	1.31	1.0	0.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3753)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:H	20	1.16	0.77	1.14
(4,1224)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:H	20	1.16	0.19	1.2
(4,4311)	1:177:A:ILE:H	1:195:A:ASP:H	20	1.16	0.54	1.18
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD11	20	1.08	0.93	0.68
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD12	20	1.08	0.93	0.68
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD13	20	1.08	0.93	0.68
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	20	1.05	0.56	1.12
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	20	1.05	0.56	1.12
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	20	1.05	0.56	1.12
(2,88)	1:104:A:SER:OG	1:106:A:LEU:H	20	1.02	0.37	0.94
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD1	20	1.02	0.48	0.86
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD2	20	1.02	0.48	0.86
(4,3659)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:H	20	1.01	0.21	1.02
(4,632)	1:82:A:PHE:HD1	1:100:A:SER:H	20	0.96	0.54	0.8
(4,632)	1:82:A:PHE:HD2	1:100:A:SER:H	20	0.96	0.54	0.8
(4,4095)	1:192:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	20	0.93	0.07	0.95
(4,2263)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:H	20	0.91	0.35	0.9
(4,1455)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:H	20	0.85	0.35	0.96
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD21	1:147:A:GLN:H	20	0.76	0.34	0.72
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD22	1:147:A:GLN:H	20	0.76	0.34	0.72
(4,3633)	1:90:A:CYS:H	1:94:A:ALA:H	20	0.71	0.05	0.72
(4,1973)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	20	0.68	0.37	0.62
(4,3933)	1:19:A:THR:HG1	1:22:A:ALA:H	20	0.66	0.26	0.61
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG21	20	0.57	0.49	0.48
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG22	20	0.57	0.49	0.48
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG23	20	0.57	0.49	0.48
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB1	20	0.55	0.15	0.54
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB2	20	0.55	0.15	0.54
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB3	20	0.55	0.15	0.54
(4,2)	1:59:A:PHE:C	1:166:A:HIS:N	20	0.54	0.07	0.57
(4,1881)	1:42:A:PRO:HB2	1:46:A:ALA:HA	20	0.51	0.2	0.48
(4,2634)	1:214:A:TYR:H	1:217:A:ASN:H	20	0.48	0.24	0.43
(4,66)	1:198:A:ALA:H	1:200:A:ASP:H	20	0.46	0.13	0.49
(4,1)	1:30:A:GLU:C	1:234:A:ASN:N	20	0.46	0.1	0.48
(4,983)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:H	20	0.45	0.16	0.47
(4,3929)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:H	20	0.43	0.12	0.4
(4,733)	1:110:A:SER:H	1:111:A:ASP:HA	20	0.3	0.05	0.28
(4,1163)	1:234:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD22	20	0.29	0.04	0.3
(4,473)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:H	19	21.61	10.54	20.54
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD2	19	20.4	10.86	18.38
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD3	19	20.4	10.86	18.38
(4,4235)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:H	19	18.38	10.74	21.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD21	19	16.88	9.66	18.22
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD22	19	16.88	9.66	18.22
(4,788)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HA	19	16.74	9.92	14.54
(5,442)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	19	16.55	7.84	18.08
(4,1837)	1:7:A:ALA:HA	1:88:A:ASN:H	19	16.27	10.17	19.86
(5,429)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	19	15.62	8.68	15.18
(5,388)	1:5:A:ASN:ND2	1:130:A:ASP:H	19	14.57	9.23	16.68
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	19	13.79	7.95	11.61
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	19	13.79	7.95	11.61
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	19	13.79	7.95	11.61
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	19	13.79	7.95	11.61
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	19	13.79	7.95	11.61
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	19	13.79	7.95	11.61
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB2	19	13.54	8.1	13.69
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB3	19	13.54	8.1	13.69
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB2	19	13.54	8.1	13.69
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB3	19	13.54	8.1	13.69
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	19	10.59	6.17	11.39
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	19	10.59	6.17	11.39
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	19	10.59	6.17	11.39
(5,391)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	19	10.09	6.73	7.73
(5,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	19	9.94	5.93	8.72
(4,193)	1:10:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	19	9.32	5.67	10.95
(4,193)	1:10:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	19	9.32	5.67	10.95
(5,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	19	8.37	6.87	5.78
(4,3472)	1:9:A:VAL:H	1:152:A:GLY:H	19	8.17	4.79	7.19
(5,367)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	19	8.0	4.63	6.5
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG21	1:93:A:TYR:H	19	7.28	3.3	7.46
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG22	1:93:A:TYR:H	19	7.28	3.3	7.46
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG23	1:93:A:TYR:H	19	7.28	3.3	7.46
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	19	5.2	3.39	5.94
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	19	5.2	3.39	5.94
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	19	4.95	2.9	5.13
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	19	4.95	2.9	5.13
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG12	19	4.63	2.5	4.91
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG13	19	4.63	2.5	4.91
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG12	19	4.63	2.5	4.91
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG13	19	4.63	2.5	4.91
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG12	19	4.63	2.5	4.91
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG13	19	4.63	2.5	4.91
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	19	4.6	2.79	4.97
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	19	4.6	2.79	4.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	19	4.6	2.79	4.97
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	19	4.6	2.79	4.97
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:H	19	4.45	3.14	4.74
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:H	19	4.45	3.14	4.74
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB2	19	4.32	1.74	4.71
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB3	19	4.32	1.74	4.71
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE1	1:98:A:SER:H	19	4.29	3.1	4.03
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE2	1:98:A:SER:H	19	4.29	3.1	4.03
(4,1604)	1:233:A:PRO:HB3	1:235:A:TRP:HE1	19	4.02	2.16	3.5
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB1	19	3.71	2.31	3.18
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB2	19	3.71	2.31	3.18
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB3	19	3.71	2.31	3.18
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB1	19	3.71	2.31	3.18
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB2	19	3.71	2.31	3.18
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB3	19	3.71	2.31	3.18
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB1	19	3.71	2.31	3.18
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB2	19	3.71	2.31	3.18
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB3	19	3.71	2.31	3.18
(4,1247)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD22	19	3.56	1.43	3.59
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB1	19	3.55	1.69	3.72
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB2	19	3.55	1.69	3.72
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB3	19	3.55	1.69	3.72
(4,4179)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:HD1	19	3.55	1.33	4.03
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD21	19	3.5	1.39	3.78
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD22	19	3.5	1.39	3.78
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD23	19	3.5	1.39	3.78
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB1	19	3.33	1.62	3.33
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB2	19	3.33	1.62	3.33
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB3	19	3.33	1.62	3.33
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB1	19	3.33	1.62	3.33
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB2	19	3.33	1.62	3.33
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB3	19	3.33	1.62	3.33
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE1	19	3.26	1.84	2.99
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE2	19	3.26	1.84	2.99
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HA	19	3.19	1.96	2.76
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HA	19	3.19	1.96	2.76
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD21	19	3.17	1.54	3.13
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD22	19	3.17	1.54	3.13
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD23	19	3.17	1.54	3.13
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD21	19	3.15	1.5	3.38
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD22	19	3.15	1.5	3.38
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD23	19	3.15	1.5	3.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB1	19	3.1	1.66	2.79
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB2	19	3.1	1.66	2.79
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB3	19	3.1	1.66	2.79
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB1	19	3.1	1.66	2.79
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB2	19	3.1	1.66	2.79
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB3	19	3.1	1.66	2.79
(4,3138)	1:5:A:ASN:H	1:8:A:VAL:H	19	2.77	1.39	2.62
(4,2854)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:HG2	19	2.59	1.4	2.67
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HE1	19	2.53	1.28	2.25
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HE1	19	2.53	1.28	2.25
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HE1	19	2.53	1.28	2.25
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE1	19	2.52	0.93	2.26
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE2	19	2.52	0.93	2.26
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE1	19	2.52	0.93	2.26
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE2	19	2.52	0.93	2.26
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE1	19	2.52	0.93	2.26
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE2	19	2.52	0.93	2.26
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD21	19	2.39	1.54	3.38
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD22	19	2.39	1.54	3.38
(4,3213)	1:29:A:ASN:H	1:31:A:TRP:HE1	19	2.35	1.53	2.01
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD21	19	2.3	1.85	2.03
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD22	19	2.3	1.85	2.03
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD23	19	2.3	1.85	2.03
(4,324)	1:153:A:GLN:HE21	1:156:A:ALA:H	19	2.25	1.08	2.02
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD11	19	2.24	1.24	2.19
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD12	19	2.24	1.24	2.19
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD13	19	2.24	1.24	2.19
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD11	19	2.18	1.23	2.11
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD12	19	2.18	1.23	2.11
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD13	19	2.18	1.23	2.11
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE1	1:152:A:GLY:H	19	2.08	1.81	1.66
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE2	1:152:A:GLY:H	19	2.08	1.81	1.66
(4,2998)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HA	19	2.07	2.17	0.78
(4,3570)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD21	19	1.95	1.15	1.97
(1,162)	1:98:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	19	1.93	1.37	1.82
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD1	1:152:A:GLY:H	19	1.85	1.05	1.88
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD2	1:152:A:GLY:H	19	1.85	1.05	1.88
(4,497)	1:29:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD21	19	1.77	0.83	1.52
(4,1955)	1:72:A:GLN:HB2	1:74:A:THR:H	19	1.75	0.73	1.68
(4,277)	1:82:A:PHE:HE1	1:99:A:LEU:H	19	1.75	1.29	1.63
(4,277)	1:82:A:PHE:HE2	1:99:A:LEU:H	19	1.75	1.29	1.63
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD11	19	1.62	0.75	1.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD12	19	1.62	0.75	1.56
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD13	19	1.62	0.75	1.56
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD21	19	1.62	0.75	1.56
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD22	19	1.62	0.75	1.56
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD23	19	1.62	0.75	1.56
(4,2604)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:H	19	1.61	0.63	1.83
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD11	19	1.59	0.91	1.37
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD12	19	1.59	0.91	1.37
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD13	19	1.59	0.91	1.37
(5,73)	1:89:A:ALA:H	1:104:A:SER:OG	19	1.55	0.82	1.57
(4,3075)	1:74:A:THR:H	1:77:A:TYR:H	19	1.53	1.08	1.17
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB2	19	1.46	0.88	1.71
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB3	19	1.46	0.88	1.71
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD11	19	1.44	0.71	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD12	19	1.44	0.71	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD13	19	1.44	0.71	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD21	19	1.44	0.71	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD22	19	1.44	0.71	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD23	19	1.44	0.71	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD11	19	1.44	0.71	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD12	19	1.44	0.71	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD13	19	1.44	0.71	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD21	19	1.44	0.71	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD22	19	1.44	0.71	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD23	19	1.44	0.71	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD11	19	1.44	0.71	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD12	19	1.44	0.71	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD13	19	1.44	0.71	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD21	19	1.44	0.71	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD22	19	1.44	0.71	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD23	19	1.44	0.71	1.5
(4,2978)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:HA	19	1.43	0.59	1.41
(4,3560)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HA	19	1.42	0.5	1.5
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	19	1.34	0.96	1.03
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	19	1.34	0.96	1.03
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	19	1.34	0.96	1.03
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG2	19	1.32	0.61	1.22
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG3	19	1.32	0.61	1.22
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	19	1.29	1.06	1.05
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	19	1.29	1.06	1.05
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	19	1.29	1.06	1.05
(4,3587)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:H	19	1.25	0.55	1.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD1	19	1.25	0.59	1.29
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD2	19	1.25	0.59	1.29
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD11	19	1.21	0.8	0.96
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD12	19	1.21	0.8	0.96
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD13	19	1.21	0.8	0.96
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD21	19	1.21	0.8	0.96
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD22	19	1.21	0.8	0.96
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD23	19	1.21	0.8	0.96
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	19	1.07	0.45	1.11
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	19	1.07	0.45	1.11
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	19	1.07	0.45	1.11
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	19	1.07	0.45	1.11
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	19	1.07	0.45	1.11
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	19	1.07	0.45	1.11
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB2	19	1.06	0.57	0.98
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB2	19	1.06	0.57	0.98
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB2	19	1.06	0.57	0.98
(4,1728)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD22	19	0.9	0.29	0.89
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD1	19	0.79	0.64	0.47
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD2	19	0.79	0.64	0.47
(4,382)	1:32:A:ALA:HB1	1:233:A:PRO:HB2	19	0.77	0.33	0.84
(4,382)	1:32:A:ALA:HB2	1:233:A:PRO:HB2	19	0.77	0.33	0.84
(4,382)	1:32:A:ALA:HB3	1:233:A:PRO:HB2	19	0.77	0.33	0.84
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD1	19	0.71	0.37	0.65
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD2	19	0.71	0.37	0.65
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:H	19	0.69	0.34	0.69
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:H	19	0.69	0.34	0.69
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:H	19	0.69	0.34	0.69
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB2	19	0.68	0.25	0.61
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB3	19	0.68	0.25	0.61
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB2	19	0.63	0.33	0.52
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB3	19	0.63	0.33	0.52
(4,4090)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:H	19	0.59	0.2	0.56
(4,2923)	1:36:A:ILE:H	1:38:A:SER:H	19	0.58	0.28	0.57
(3,24)	1:54:A:ALA:H	1:231:A:LEU:O	19	0.53	0.25	0.57
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB3	19	0.53	0.28	0.52
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB3	19	0.53	0.28	0.52
(3,18)	1:32:A:ALA:O	1:232:A:GLY:H	19	0.43	0.24	0.35
(4,3206)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:H	19	0.32	0.15	0.32
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB1	19	0.32	0.12	0.3
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB2	19	0.32	0.12	0.3
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB3	19	0.32	0.12	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB1	19	0.32	0.12	0.3
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB2	19	0.32	0.12	0.3
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB3	19	0.32	0.12	0.3
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG2	18	19.49	10.32	17.94
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG3	18	19.49	10.32	17.94
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG2	18	19.49	10.32	17.94
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG3	18	19.49	10.32	17.94
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD21	18	17.34	9.27	17.3
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD22	18	17.34	9.27	17.3
(4,669)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:H	18	16.38	9.15	20.1
(5,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	18	15.61	7.71	15.58
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG21	18	15.06	7.05	14.81
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG22	18	15.06	7.05	14.81
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG23	18	15.06	7.05	14.81
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG21	18	15.06	7.05	14.81
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG22	18	15.06	7.05	14.81
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG23	18	15.06	7.05	14.81
(4,1222)	1:9:A:VAL:H	1:146:A:VAL:H	18	14.87	7.63	13.04
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG11	18	14.24	7.43	12.32
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG12	18	14.24	7.43	12.32
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG13	18	14.24	7.43	12.32
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG21	18	14.24	7.43	12.32
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG22	18	14.24	7.43	12.32
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG23	18	14.24	7.43	12.32
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG11	18	13.61	7.68	11.12
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG12	18	13.61	7.68	11.12
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG13	18	13.61	7.68	11.12
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG21	18	13.61	7.68	11.12
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG22	18	13.61	7.68	11.12
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG23	18	13.61	7.68	11.12
(4,1232)	1:8:A:VAL:HB	1:159:A:ALA:HA	18	13.39	8.43	14.28
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	18	11.01	5.53	12.54
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	18	11.01	5.53	12.54
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	18	11.01	5.53	12.54
(4,1481)	1:9:A:VAL:H	1:151:A:THR:H	18	9.99	6.24	7.35
(5,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	18	9.94	6.45	7.68
(5,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	18	9.66	7.33	6.78
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB1	18	9.66	6.46	9.51
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB2	18	9.66	6.46	9.51
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB3	18	9.66	6.46	9.51
(5,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	18	9.66	6.75	10.55
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG21	18	9.6	4.66	9.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG22	18	9.6	4.66	9.32
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG23	18	9.6	4.66	9.32
(4,1864)	1:11:A:ILE:H	1:90:A:CYS:H	18	9.47	4.34	9.36
(5,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	18	8.79	5.63	7.68
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG21	18	8.13	4.0	8.18
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG22	18	8.13	4.0	8.18
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG23	18	8.13	4.0	8.18
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG21	18	8.13	4.0	8.18
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG22	18	8.13	4.0	8.18
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG23	18	8.13	4.0	8.18
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG21	18	8.13	4.0	8.18
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG22	18	8.13	4.0	8.18
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG23	18	8.13	4.0	8.18
(4,13)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:H	18	7.21	2.5	7.39
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB1	18	7.07	5.3	5.99
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB2	18	7.07	5.3	5.99
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB3	18	7.07	5.3	5.99
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB1	18	7.07	5.3	5.99
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB2	18	7.07	5.3	5.99
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB3	18	7.07	5.3	5.99
(4,4158)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE22	18	6.31	3.41	6.26
(5,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	18	6.13	6.11	4.88
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG21	1:92:A:LEU:H	18	6.12	3.14	6.76
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG22	1:92:A:LEU:H	18	6.12	3.14	6.76
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG23	1:92:A:LEU:H	18	6.12	3.14	6.76
(5,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	18	6.12	3.06	5.92
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE1	18	5.85	3.64	6.07
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE2	18	5.85	3.64	6.07
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD21	18	5.38	2.77	5.12
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD22	18	5.38	2.77	5.12
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD23	18	5.38	2.77	5.12
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD21	18	5.38	2.77	5.12
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD22	18	5.38	2.77	5.12
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD23	18	5.38	2.77	5.12
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD21	18	5.38	2.77	5.12
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD22	18	5.38	2.77	5.12
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD23	18	5.38	2.77	5.12
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD11	18	4.88	2.57	4.94
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD12	18	4.88	2.57	4.94
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD13	18	4.88	2.57	4.94
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD1	18	4.31	2.53	4.7
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD2	18	4.31	2.53	4.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD1	18	4.31	2.53	4.7
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD2	18	4.31	2.53	4.7
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD1	18	4.31	2.53	4.7
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD2	18	4.31	2.53	4.7
(4,837)	1:22:A:ALA:HB1	1:31:A:TRP:HZ3	18	4.29	1.31	4.71
(4,837)	1:22:A:ALA:HB2	1:31:A:TRP:HZ3	18	4.29	1.31	4.71
(4,837)	1:22:A:ALA:HB3	1:31:A:TRP:HZ3	18	4.29	1.31	4.71
(4,2433)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:H	18	4.06	3.73	2.28
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD21	18	3.67	1.56	3.65
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD22	18	3.67	1.56	3.65
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD23	18	3.67	1.56	3.65
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB2	1:8:A:VAL:H	18	3.57	1.88	3.59
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB3	1:8:A:VAL:H	18	3.57	1.88	3.59
(4,1371)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HE22	18	3.36	1.43	3.57
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE1	18	3.35	3.2	1.42
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE2	18	3.35	3.2	1.42
(4,113)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:HA	18	3.26	2.27	2.92
(4,113)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:HA	18	3.26	2.27	2.92
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB1	18	3.08	1.47	3.42
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB2	18	3.08	1.47	3.42
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB3	18	3.08	1.47	3.42
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB1	18	2.99	1.13	3.04
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB2	18	2.99	1.13	3.04
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB3	18	2.99	1.13	3.04
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:H	18	2.94	1.87	2.76
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:H	18	2.94	1.87	2.76
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HB	18	2.93	1.65	3.15
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HB	18	2.93	1.65	3.15
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HB	18	2.93	1.65	3.15
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE1	18	2.75	2.87	1.18
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE2	18	2.75	2.87	1.18
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD21	18	2.73	1.28	3.26
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD22	18	2.73	1.28	3.26
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD21	18	2.73	1.28	3.26
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD22	18	2.73	1.28	3.26
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD11	18	2.6	1.07	2.68
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD12	18	2.6	1.07	2.68
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD13	18	2.6	1.07	2.68
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE1	1:231:A:LEU:H	18	2.6	1.7	2.4
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE2	1:231:A:LEU:H	18	2.6	1.7	2.4
(4,2735)	1:153:A:GLN:HE22	1:156:A:ALA:H	18	2.47	1.26	2.34
(4,2053)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD21	18	2.44	1.13	2.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD2	18	2.38	1.51	2.12
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD3	18	2.38	1.51	2.12
(4,2483)	1:31:A:TRP:HZ2	1:106:A:LEU:H	18	2.38	0.71	2.54
(4,619)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:H	18	2.34	1.26	2.58
(4,619)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:H	18	2.34	1.26	2.58
(4,3606)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB2	18	2.29	0.57	2.36
(4,3433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:234:A:ASN:H	18	2.26	1.39	1.84
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA2	1:6:A:ARG:HA	18	2.24	1.46	1.54
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA3	1:6:A:ARG:HA	18	2.24	1.46	1.54
(4,3300)	1:163:A:THR:HG21	1:166:A:HIS:HA	18	2.23	1.21	2.18
(4,3300)	1:163:A:THR:HG22	1:166:A:HIS:HA	18	2.23	1.21	2.18
(4,3300)	1:163:A:THR:HG23	1:166:A:HIS:HA	18	2.23	1.21	2.18
(4,2399)	1:118:A:SER:HA	1:119:A:GLN:HE21	18	2.18	1.02	2.4
(5,34)	1:104:A:SER:OG	1:126:A:LYS:H	18	2.13	0.86	2.37
(4,141)	1:170:A:TYR:HE1	1:211:A:VAL:H	18	2.05	2.62	0.62
(4,141)	1:170:A:TYR:HE2	1:211:A:VAL:H	18	2.05	2.62	0.62
(1,205)	1:62:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	18	2.0	1.14	1.86
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB2	18	2.0	1.05	2.12
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB3	18	2.0	1.05	2.12
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB2	18	2.0	1.05	2.12
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB3	18	2.0	1.05	2.12
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB2	18	2.0	1.05	2.12
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB3	18	2.0	1.05	2.12
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG12	1:170:A:TYR:H	18	1.97	0.26	2.01
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG13	1:170:A:TYR:H	18	1.97	0.26	2.01
(4,3762)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:H	18	1.83	1.09	1.57
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE1	18	1.82	1.53	1.42
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE2	18	1.82	1.53	1.42
(1,234)	1:100:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	18	1.8	1.4	1.48
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG11	18	1.8	1.21	1.89
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG12	18	1.8	1.21	1.89
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG13	18	1.8	1.21	1.89
(4,3519)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	18	1.78	0.88	2.01
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:H	18	1.78	1.91	1.2
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:H	18	1.78	1.91	1.2
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:H	18	1.72	0.66	1.84
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:H	18	1.72	0.66	1.84
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD2	1:214:A:TYR:HA	18	1.68	1.01	1.43
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD3	1:214:A:TYR:HA	18	1.68	1.01	1.43
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG11	18	1.67	0.76	1.88
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG12	18	1.67	0.76	1.88
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG13	18	1.67	0.76	1.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG21	18	1.67	0.76	1.88
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG22	18	1.67	0.76	1.88
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG23	18	1.67	0.76	1.88
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG11	18	1.67	0.76	1.88
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG12	18	1.67	0.76	1.88
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG13	18	1.67	0.76	1.88
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG21	18	1.67	0.76	1.88
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG22	18	1.67	0.76	1.88
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG23	18	1.67	0.76	1.88
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG11	18	1.67	0.76	1.88
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG12	18	1.67	0.76	1.88
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG13	18	1.67	0.76	1.88
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG21	18	1.67	0.76	1.88
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG22	18	1.67	0.76	1.88
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG23	18	1.67	0.76	1.88
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD21	1:144:A:GLU:H	18	1.62	0.82	1.53
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD22	1:144:A:GLU:H	18	1.62	0.82	1.53
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD23	1:144:A:GLU:H	18	1.62	0.82	1.53
(4,2828)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:H	18	1.52	0.94	1.42
(2,638)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	18	1.5	0.98	1.4
(1,83)	1:36:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	18	1.48	0.91	1.36
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG21	18	1.47	0.71	1.45
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG22	18	1.47	0.71	1.45
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG23	18	1.47	0.71	1.45
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD21	18	1.45	0.83	1.44
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD22	18	1.45	0.83	1.44
(4,59)	1:20:A:ASN:HD21	1:24:A:LYS:H	18	1.39	0.75	1.18
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:HA	18	1.32	0.83	1.01
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:HA	18	1.32	0.83	1.01
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:HA	18	1.32	0.83	1.01
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:HA	18	1.32	0.83	1.01
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:HA	18	1.32	0.83	1.01
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:HA	18	1.32	0.83	1.01
(4,947)	1:177:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	18	1.31	0.77	1.36
(4,947)	1:177:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	18	1.31	0.77	1.36
(4,947)	1:177:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	18	1.31	0.77	1.36
(4,165)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	18	1.29	1.0	0.94
(4,165)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	18	1.29	1.0	0.94
(4,165)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	18	1.29	1.0	0.94
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:H	18	1.26	0.74	0.85
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:H	18	1.26	0.74	0.85
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:H	18	1.26	0.74	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,887)	1:100:A:SER:HB2	1:127:A:ASN:HA	18	1.19	0.51	1.23
(4,887)	1:100:A:SER:HB3	1:127:A:ASN:HA	18	1.19	0.51	1.23
(5,131)	1:140:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	18	1.18	0.62	1.1
(4,1573)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB3	18	1.16	0.71	0.97
(4,2097)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:H	18	1.13	0.26	1.21
(4,251)	1:28:A:LYS:HB3	1:29:A:ASN:HD21	18	1.11	0.49	1.13
(4,1771)	1:72:A:GLN:HB3	1:74:A:THR:H	18	1.11	0.49	1.18
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG12	18	1.11	0.4	1.19
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG13	18	1.11	0.4	1.19
(4,1104)	1:195:A:ASP:H	1:207:A:VAL:H	18	1.09	0.3	1.22
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD11	18	1.09	0.59	1.02
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD12	18	1.09	0.59	1.02
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD13	18	1.09	0.59	1.02
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG21	1:183:A:ARG:H	18	1.08	0.5	1.12
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG22	1:183:A:ARG:H	18	1.08	0.5	1.12
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG23	1:183:A:ARG:H	18	1.08	0.5	1.12
(4,4152)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HA	18	0.98	0.36	1.05
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	18	0.86	0.56	0.68
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	18	0.86	0.56	0.68
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	18	0.86	0.56	0.68
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	18	0.86	0.56	0.68
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	18	0.86	0.56	0.68
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	18	0.86	0.56	0.68
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	18	0.85	0.67	0.56
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	18	0.85	0.67	0.56
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	18	0.85	0.67	0.56
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	18	0.85	0.67	0.56
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	18	0.85	0.67	0.56
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	18	0.85	0.67	0.56
(4,2005)	1:147:A:GLN:HE22	1:148:A:THR:H	18	0.84	0.49	0.84
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG21	18	0.84	0.48	0.68
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG22	18	0.84	0.48	0.68
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG23	18	0.84	0.48	0.68
(4,790)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:H	18	0.78	0.25	0.84
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD1	1:215:A:MET:H	18	0.74	0.12	0.74
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD2	1:215:A:MET:H	18	0.74	0.12	0.74
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD11	18	0.7	0.47	0.55
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD12	18	0.7	0.47	0.55
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD13	18	0.7	0.47	0.55
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD21	18	0.7	0.47	0.55
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD22	18	0.7	0.47	0.55
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD23	18	0.7	0.47	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1577)	1:55:A:ILE:H	1:172:A:GLU:H	18	0.69	0.3	0.62
(4,995)	1:34:A:PHE:HB2	1:36:A:ILE:H	18	0.69	0.28	0.8
(4,995)	1:34:A:PHE:HB3	1:36:A:ILE:H	18	0.69	0.28	0.8
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:H	18	0.64	0.33	0.55
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:H	18	0.64	0.33	0.55
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD21	1:226:A:PHE:H	18	0.59	0.3	0.55
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD22	1:226:A:PHE:H	18	0.59	0.3	0.55
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD21	18	0.47	0.16	0.5
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD22	18	0.47	0.16	0.5
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD23	18	0.47	0.16	0.5
(4,1595)	1:193:A:LYS:H	1:194:A:SER:HA	18	0.2	0.04	0.19
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG12	17	16.89	6.09	18.26
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG13	17	16.89	6.09	18.26
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG12	17	16.89	6.09	18.26
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG13	17	16.89	6.09	18.26
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG11	17	15.27	7.7	13.6
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG12	17	15.27	7.7	13.6
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG13	17	15.27	7.7	13.6
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG21	17	15.27	7.7	13.6
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG22	17	15.27	7.7	13.6
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG23	17	15.27	7.7	13.6
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HB	17	14.66	7.98	14.51
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HB	17	14.66	7.98	14.51
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HB	17	14.66	7.98	14.51
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG11	17	14.29	6.68	15.5
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG12	17	14.29	6.68	15.5
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG13	17	14.29	6.68	15.5
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG21	17	14.29	6.68	15.5
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG22	17	14.29	6.68	15.5
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG23	17	14.29	6.68	15.5
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	17	13.82	5.65	13.7
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	17	13.82	5.65	13.7
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	17	13.82	5.65	13.7
(5,498)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	17	12.28	7.41	13.13
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	17	12.1	5.65	11.92
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	17	12.1	5.65	11.92
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	17	12.1	5.65	11.92
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	17	12.03	5.15	12.28
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	17	12.03	5.15	12.28
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	17	12.03	5.15	12.28
(5,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	17	11.84	7.41	12.69
(5,622)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	17	11.48	8.0	9.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB1	17	11.44	6.64	11.69
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB2	17	11.44	6.64	11.69
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB3	17	11.44	6.64	11.69
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG11	17	11.39	6.23	11.06
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG12	17	11.39	6.23	11.06
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG13	17	11.39	6.23	11.06
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG21	17	11.39	6.23	11.06
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG22	17	11.39	6.23	11.06
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG23	17	11.39	6.23	11.06
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	17	11.23	5.26	11.16
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	17	11.23	5.26	11.16
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	17	11.23	5.26	11.16
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	17	11.23	5.26	11.16
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	17	11.23	5.26	11.16
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	17	11.23	5.26	11.16
(5,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	17	11.04	7.05	12.08
(5,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	17	11.0	6.96	12.47
(5,370)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	17	10.87	6.96	12.34
(5,393)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	17	10.84	7.33	10.58
(5,427)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	17	10.36	7.12	8.06
(5,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	17	9.91	6.85	10.55
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	17	9.77	5.3	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	17	9.77	5.3	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	17	9.77	5.3	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	17	9.77	5.3	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	17	9.77	5.3	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	17	9.77	5.3	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	17	9.77	5.3	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	17	9.77	5.3	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	17	9.77	5.3	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	17	9.77	5.3	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	17	9.77	5.3	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	17	9.77	5.3	9.47
(5,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	17	9.75	6.85	10.39
(4,3976)	1:11:A:ILE:H	1:92:A:LEU:H	17	9.46	3.24	9.36
(5,656)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	17	9.37	6.14	7.26
(5,394)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	17	9.34	6.52	9.42
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG21	17	9.27	4.42	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG22	17	9.27	4.42	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG23	17	9.27	4.42	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG21	17	9.27	4.42	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG22	17	9.27	4.42	8.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG23	17	9.27	4.42	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG21	17	9.27	4.42	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG22	17	9.27	4.42	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG23	17	9.27	4.42	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG21	17	9.27	4.42	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG22	17	9.27	4.42	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG23	17	9.27	4.42	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG21	17	9.27	4.42	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG22	17	9.27	4.42	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG23	17	9.27	4.42	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG21	17	9.27	4.42	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG22	17	9.27	4.42	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG23	17	9.27	4.42	8.34
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	17	9.18	3.71	10.21
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	17	9.18	3.71	10.21
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	17	9.18	3.71	10.21
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	17	9.18	3.71	10.21
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	17	9.18	3.71	10.21
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	17	9.18	3.71	10.21
(5,354)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	17	8.62	6.49	6.71
(5,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	17	8.34	5.61	6.84
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB1	17	8.16	3.69	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB2	17	8.16	3.69	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB3	17	8.16	3.69	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB1	17	8.16	3.69	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB2	17	8.16	3.69	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB3	17	8.16	3.69	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB1	17	8.16	3.69	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB2	17	8.16	3.69	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB3	17	8.16	3.69	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB1	17	8.16	3.69	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB2	17	8.16	3.69	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB3	17	8.16	3.69	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB1	17	8.16	3.69	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB2	17	8.16	3.69	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB3	17	8.16	3.69	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB1	17	8.16	3.69	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB2	17	8.16	3.69	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB3	17	8.16	3.69	9.76
(5,425)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	17	7.44	4.74	6.99
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB1	17	7.43	4.55	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB2	17	7.43	4.55	6.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB3	17	7.43	4.55	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB1	17	7.43	4.55	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB2	17	7.43	4.55	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB3	17	7.43	4.55	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB1	17	7.43	4.55	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB2	17	7.43	4.55	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB3	17	7.43	4.55	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB1	17	7.43	4.55	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB2	17	7.43	4.55	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB3	17	7.43	4.55	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB1	17	7.43	4.55	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB2	17	7.43	4.55	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB3	17	7.43	4.55	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB1	17	7.43	4.55	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB2	17	7.43	4.55	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB3	17	7.43	4.55	6.92
(4,926)	1:11:A:ILE:HG12	1:92:A:LEU:HA	17	7.07	2.63	7.12
(4,926)	1:11:A:ILE:HG13	1:92:A:LEU:HA	17	7.07	2.63	7.12
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	17	7.06	4.6	3.89
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	17	7.06	4.6	3.89
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	17	7.06	4.6	3.89
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	17	7.06	4.6	3.89
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	17	7.06	4.6	3.89
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	17	7.06	4.6	3.89
(5,396)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	17	6.98	4.35	6.56
(4,248)	1:8:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	17	6.93	3.0	6.67
(4,248)	1:8:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	17	6.93	3.0	6.67
(4,248)	1:8:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	17	6.93	3.0	6.67
(4,248)	1:8:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	17	6.93	3.0	6.67
(4,248)	1:8:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	17	6.93	3.0	6.67
(4,248)	1:8:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	17	6.93	3.0	6.67
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD11	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD12	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD13	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD21	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD22	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD23	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD11	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD12	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD13	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD21	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD22	17	6.64	2.89	7.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD23	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD11	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD12	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD13	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD21	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD22	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD23	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD11	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD12	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD13	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD21	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD22	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD23	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD11	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD12	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD13	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD21	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD22	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD23	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD11	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD12	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD13	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD21	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD22	17	6.64	2.89	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD23	17	6.64	2.89	7.71
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB2	17	6.05	3.66	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB3	17	6.05	3.66	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB2	17	6.05	3.66	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB3	17	6.05	3.66	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB2	17	6.05	3.66	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB3	17	6.05	3.66	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB2	17	6.05	3.66	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB3	17	6.05	3.66	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB2	17	6.05	3.66	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB3	17	6.05	3.66	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB2	17	6.05	3.66	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB3	17	6.05	3.66	5.14
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA2	17	6.0	2.73	6.08
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA3	17	6.0	2.73	6.08
(5,412)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	17	5.07	4.29	3.4
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD21	17	5.02	2.89	5.74
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD22	17	5.02	2.89	5.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD21	17	5.02	2.89	5.74
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD22	17	5.02	2.89	5.74
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD11	17	4.03	2.0	4.6
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD12	17	4.03	2.0	4.6
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD13	17	4.03	2.0	4.6
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD11	17	4.03	2.0	4.6
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD12	17	4.03	2.0	4.6
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD13	17	4.03	2.0	4.6
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD11	17	4.03	2.0	4.6
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD12	17	4.03	2.0	4.6
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD13	17	4.03	2.0	4.6
(5,488)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	17	3.98	2.63	3.85
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD11	17	3.72	1.7	3.78
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD12	17	3.72	1.7	3.78
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD13	17	3.72	1.7	3.78
(4,1357)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:HA	17	3.68	1.78	3.82
(4,849)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:H	17	3.67	1.61	3.93
(1,188)	1:161:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	17	3.5	2.4	3.89
(4,3789)	1:157:A:PRO:HA	1:161:A:ALA:H	17	3.19	1.2	2.89
(4,3500)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD22	17	2.94	0.83	3.15
(4,2289)	1:82:A:PHE:HZ	1:97:A:HIS:H	17	2.71	1.09	2.96
(4,2885)	1:119:A:GLN:HE22	1:133:A:THR:H	17	2.7	1.1	2.92
(4,346)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HD1	17	2.68	1.03	3.1
(4,3803)	1:158:A:GLU:H	1:161:A:ALA:H	17	2.63	1.11	2.61
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG21	17	2.56	1.09	2.92
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG22	17	2.56	1.09	2.92
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG23	17	2.56	1.09	2.92
(4,296)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD21	17	2.34	0.81	2.62
(4,4013)	1:11:A:ILE:HG12	1:14:A:ASN:H	17	2.26	1.78	1.8
(4,1992)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HB3	17	2.11	0.73	2.3
(4,992)	1:81:A:TRP:HE1	1:84:A:GLN:H	17	2.0	1.84	0.89
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD11	17	1.98	1.01	1.79
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD12	17	1.98	1.01	1.79
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD13	17	1.98	1.01	1.79
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD21	17	1.98	1.01	1.79
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD22	17	1.98	1.01	1.79
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD23	17	1.98	1.01	1.79
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD11	17	1.98	1.01	1.79
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD12	17	1.98	1.01	1.79
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD13	17	1.98	1.01	1.79
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD21	17	1.98	1.01	1.79
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD22	17	1.98	1.01	1.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD23	17	1.98	1.01	1.79
(4,2622)	1:5:A:ASN:HD21	1:7:A:ALA:H	17	1.81	1.07	1.52
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD1	1:151:A:THR:H	17	1.76	1.09	1.58
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD2	1:151:A:THR:H	17	1.76	1.09	1.58
(4,639)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	17	1.74	0.54	1.91
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG11	17	1.74	0.94	1.48
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG12	17	1.74	0.94	1.48
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG13	17	1.74	0.94	1.48
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG11	17	1.74	0.94	1.48
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG12	17	1.74	0.94	1.48
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG13	17	1.74	0.94	1.48
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD21	17	1.71	1.03	2.11
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD22	17	1.71	1.03	2.11
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB2	17	1.68	0.82	1.67
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB3	17	1.68	0.82	1.67
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB2	17	1.68	0.82	1.67
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB3	17	1.68	0.82	1.67
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB2	17	1.68	0.82	1.67
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB3	17	1.68	0.82	1.67
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB3	17	1.66	0.62	1.96
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB3	17	1.66	0.62	1.96
(4,801)	1:48:A:LEU:HD21	1:201:A:LEU:H	17	1.65	1.25	1.15
(4,801)	1:48:A:LEU:HD22	1:201:A:LEU:H	17	1.65	1.25	1.15
(4,801)	1:48:A:LEU:HD23	1:201:A:LEU:H	17	1.65	1.25	1.15
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HG3	17	1.64	0.56	1.77
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HG3	17	1.64	0.56	1.77
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HG3	17	1.64	0.56	1.77
(4,3051)	1:163:A:THR:HA	1:165:A:LEU:HB3	17	1.63	1.19	1.24
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HA	17	1.63	0.56	1.52
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HA	17	1.63	0.56	1.52
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HA	17	1.63	0.56	1.52
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HA	17	1.63	0.56	1.52
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HA	17	1.63	0.56	1.52
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HA	17	1.63	0.56	1.52
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD21	1:151:A:THR:H	17	1.61	0.73	1.58
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD22	1:151:A:THR:H	17	1.61	0.73	1.58
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB2	17	1.6	0.67	1.53
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB3	17	1.6	0.67	1.53
(4,180)	1:153:A:GLN:H	1:156:A:ALA:HA	17	1.57	0.85	1.53
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE21	17	1.57	0.88	1.59
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE22	17	1.57	0.88	1.59
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:H	17	1.56	0.48	1.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:H	17	1.56	0.48	1.5
(1,165)	1:180:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	17	1.52	1.35	1.18
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE1	17	1.52	0.97	1.24
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE2	17	1.52	0.97	1.24
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:H	17	1.51	0.86	1.51
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:H	17	1.51	0.86	1.51
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:H	17	1.51	0.86	1.51
(4,4034)	1:76:A:SER:H	1:78:A:ASP:H	17	1.5	0.43	1.67
(4,6)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HA	17	1.44	0.97	1.19
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:H	17	1.43	0.89	1.43
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:H	17	1.43	0.89	1.43
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:H	17	1.43	0.89	1.43
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	17	1.42	0.66	1.33
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	17	1.42	0.66	1.33
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG2	17	1.41	0.25	1.39
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG3	17	1.41	0.25	1.39
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB2	17	1.41	0.66	1.35
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB3	17	1.41	0.66	1.35
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB2	17	1.41	0.66	1.35
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB3	17	1.41	0.66	1.35
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD1	17	1.4	0.8	1.15
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD2	17	1.4	0.8	1.15
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD11	17	1.35	0.69	1.27
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD12	17	1.35	0.69	1.27
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD13	17	1.35	0.69	1.27
(4,2836)	1:98:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	17	1.34	0.81	1.43
(4,786)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:H	17	1.32	0.68	1.6
(4,786)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:H	17	1.32	0.68	1.6
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD21	17	1.29	1.11	0.66
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD22	17	1.29	1.11	0.66
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD23	17	1.29	1.11	0.66
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD1	17	1.28	0.94	0.84
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD2	17	1.28	0.94	0.84
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD1	17	1.25	0.51	1.19
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD2	17	1.25	0.51	1.19
(4,341)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HB	17	1.25	0.62	1.17
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD11	17	1.25	0.71	0.94
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD12	17	1.25	0.71	0.94
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD13	17	1.25	0.71	0.94
(4,1835)	1:56:A:VAL:HB	1:228:A:MET:HA	17	1.23	0.59	1.45
(5,290)	1:39:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	17	1.23	0.63	1.09
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD11	17	1.23	1.11	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD12	17	1.23	1.11	0.76
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD13	17	1.23	1.11	0.76
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HE1	17	1.22	0.61	1.27
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HE1	17	1.22	0.61	1.27
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HE1	17	1.22	0.61	1.27
(4,4218)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD22	17	1.21	0.56	1.38
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	17	1.18	0.62	1.1
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	17	1.18	0.62	1.1
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	17	1.18	0.62	1.1
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB2	17	1.17	0.78	0.85
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB3	17	1.17	0.78	0.85
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB2	17	1.17	0.78	0.85
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB3	17	1.17	0.78	0.85
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB2	17	1.17	0.78	0.85
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB3	17	1.17	0.78	0.85
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG11	17	1.16	0.7	1.09
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG12	17	1.16	0.7	1.09
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG13	17	1.16	0.7	1.09
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB1	17	1.16	0.56	1.16
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB2	17	1.16	0.56	1.16
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB3	17	1.16	0.56	1.16
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG2	17	1.13	0.79	1.12
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG3	17	1.13	0.79	1.12
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG2	17	1.13	0.79	1.12
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG3	17	1.13	0.79	1.12
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG2	17	1.13	0.79	1.12
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG3	17	1.13	0.79	1.12
(4,2814)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE21	17	1.13	0.49	1.22
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:H	17	1.13	0.55	1.16
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:H	17	1.13	0.55	1.16
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD1	1:190:A:TYR:H	17	1.08	0.86	0.75
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD2	1:190:A:TYR:H	17	1.08	0.86	0.75
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	17	1.06	0.34	1.14
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	17	1.06	0.34	1.14
(4,3280)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB2	17	1.05	0.4	0.98
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB1	17	1.02	0.5	0.95
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB2	17	1.02	0.5	0.95
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB3	17	1.02	0.5	0.95
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB1	17	1.02	0.5	0.95
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB2	17	1.02	0.5	0.95
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB3	17	1.02	0.5	0.95
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB1	17	1.02	0.5	0.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB2	17	1.02	0.5	0.95
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB3	17	1.02	0.5	0.95
(4,2809)	1:55:A:ILE:HB	1:201:A:LEU:HB2	17	0.99	0.44	1.13
(4,3190)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HB	17	0.97	0.61	0.83
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG21	17	0.96	0.18	0.97
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG22	17	0.96	0.18	0.97
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG23	17	0.96	0.18	0.97
(4,946)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:H	17	0.93	0.44	0.96
(3,22)	1:171:A:VAL:H	1:178:A:PHE:O	17	0.92	0.46	0.84
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB2	17	0.91	0.65	0.85
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB3	17	0.91	0.65	0.85
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:H	17	0.91	0.5	0.91
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:H	17	0.91	0.5	0.91
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB2	1:83:A:LYS:HG2	17	0.86	0.28	0.75
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB3	1:83:A:LYS:HG2	17	0.86	0.28	0.75
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	17	0.85	0.59	0.72
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	17	0.85	0.59	0.72
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	17	0.85	0.59	0.72
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD11	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD12	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD13	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD21	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD22	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD23	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD11	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD12	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD13	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD21	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD22	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD23	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD11	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD12	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD13	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD21	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD22	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD23	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD11	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD12	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD13	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD21	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD22	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD23	17	0.85	0.86	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD11	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD12	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD13	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD21	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD22	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD23	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD11	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD12	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD13	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD21	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD22	17	0.85	0.86	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD23	17	0.85	0.86	0.54
(4,3680)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	17	0.81	0.35	0.85
(4,3032)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE22	17	0.8	0.34	0.77
(4,3682)	1:50:A:ARG:H	1:233:A:PRO:HB2	17	0.8	0.29	0.93
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD1	17	0.79	0.27	0.83
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD2	17	0.79	0.27	0.83
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD11	17	0.77	0.37	0.73
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD12	17	0.77	0.37	0.73
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD13	17	0.77	0.37	0.73
(4,1378)	1:234:A:ASN:HA	1:236:A:GLU:H	17	0.76	0.28	0.85
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	17	0.71	0.4	0.51
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	17	0.71	0.4	0.51
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	17	0.71	0.4	0.51
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	17	0.71	0.4	0.51
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	17	0.71	0.4	0.51
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	17	0.71	0.4	0.51
(4,2372)	1:146:A:VAL:HA	1:148:A:THR:HA	17	0.62	0.26	0.62
(4,1113)	1:233:A:PRO:HA	1:235:A:TRP:H	17	0.62	0.27	0.74
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:H	17	0.56	0.36	0.42
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:H	17	0.56	0.36	0.42
(4,4047)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:H	17	0.39	0.21	0.35
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB1	1:157:A:PRO:HB3	17	0.19	0.05	0.2
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB2	1:157:A:PRO:HB3	17	0.19	0.05	0.2
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB3	1:157:A:PRO:HB3	17	0.19	0.05	0.2
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD21	16	15.54	7.51	17.85
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD22	16	15.54	7.51	17.85
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG11	16	14.63	7.27	15.54
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG12	16	14.63	7.27	15.54
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG13	16	14.63	7.27	15.54
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG21	16	14.63	7.27	15.54
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG22	16	14.63	7.27	15.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG23	16	14.63	7.27	15.54
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG11	16	14.63	7.27	15.54
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG12	16	14.63	7.27	15.54
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG13	16	14.63	7.27	15.54
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG21	16	14.63	7.27	15.54
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG22	16	14.63	7.27	15.54
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG23	16	14.63	7.27	15.54
(5,655)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	16	14.02	7.08	14.46
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG11	16	13.9	6.77	15.57
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG12	16	13.9	6.77	15.57
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG13	16	13.9	6.77	15.57
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	16	13.9	6.77	15.57
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	16	13.9	6.77	15.57
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	16	13.9	6.77	15.57
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG11	16	13.34	6.47	14.4
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG12	16	13.34	6.47	14.4
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG13	16	13.34	6.47	14.4
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG21	16	13.34	6.47	14.4
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG22	16	13.34	6.47	14.4
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG23	16	13.34	6.47	14.4
(4,1805)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HA	16	13.2	7.15	14.48
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB1	16	12.65	6.87	13.82
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB2	16	12.65	6.87	13.82
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB3	16	12.65	6.87	13.82
(5,426)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	16	12.65	7.99	14.32
(5,376)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	16	11.78	8.26	11.96
(5,384)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	16	11.78	7.18	10.43
(5,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	16	11.55	7.15	12.07
(5,625)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	16	11.41	7.18	10.06
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:H	16	11.1	4.42	12.47
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:H	16	11.1	4.42	12.47
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:H	16	11.1	4.42	12.47
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:H	16	11.1	4.42	12.47
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:H	16	11.1	4.42	12.47
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:H	16	11.1	4.42	12.47
(5,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	16	10.88	6.81	10.48
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:H	16	10.86	6.33	11.67
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD3	1:158:A:GLU:H	16	10.86	6.33	11.67
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG21	16	10.75	5.83	12.51
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG22	16	10.75	5.83	12.51
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG23	16	10.75	5.83	12.51
(5,446)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	16	10.55	6.99	10.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(5,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	16	10.45	7.13	10.42
(5,430)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	16	10.4	6.27	11.29
(5,591)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	16	10.4	6.32	10.01
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	16	10.3	4.95	11.47
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	16	10.3	4.95	11.47
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	16	10.3	4.95	11.47
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	16	10.3	4.95	11.47
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	16	10.3	4.95	11.47
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	16	10.3	4.95	11.47
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG11	16	10.02	5.72	11.43
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG12	16	10.02	5.72	11.43
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG13	16	10.02	5.72	11.43
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG21	16	10.02	5.72	11.43
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG22	16	10.02	5.72	11.43
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG23	16	10.02	5.72	11.43
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG11	16	10.02	5.72	11.43
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG12	16	10.02	5.72	11.43
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG13	16	10.02	5.72	11.43
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG21	16	10.02	5.72	11.43
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG22	16	10.02	5.72	11.43
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG23	16	10.02	5.72	11.43
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG11	16	10.02	5.72	11.43
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG12	16	10.02	5.72	11.43
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG13	16	10.02	5.72	11.43
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG21	16	10.02	5.72	11.43
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG22	16	10.02	5.72	11.43
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG23	16	10.02	5.72	11.43
(5,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	16	9.74	7.36	9.25
(5,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	16	9.69	6.72	9.54
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB2	16	9.5	4.37	10.54
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB3	16	9.5	4.37	10.54
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB2	16	9.5	4.37	10.54
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB3	16	9.5	4.37	10.54
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB2	16	9.5	4.37	10.54
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB3	16	9.5	4.37	10.54
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB2	16	9.5	4.37	10.54
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB3	16	9.5	4.37	10.54
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB2	16	9.5	4.37	10.54
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB3	16	9.5	4.37	10.54
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB2	16	9.5	4.37	10.54
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB3	16	9.5	4.37	10.54
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	16	9.34	2.05	9.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	16	9.34	2.05	9.47
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	16	9.34	2.05	9.47
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	16	9.34	2.05	9.47
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	16	9.34	2.05	9.47
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	16	9.34	2.05	9.47
(5,437)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	16	9.03	6.29	9.4
(5,480)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	16	9.01	4.67	8.99
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HA	16	8.93	4.19	9.15
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HA	16	8.93	4.19	9.15
(4,132)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD2	16	8.84	5.55	9.15
(4,132)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD2	16	8.84	5.55	9.15
(5,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	16	8.8	6.27	8.64
(5,375)	1:5:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	16	8.58	4.37	8.52
(5,406)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	16	8.48	5.57	7.38
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:H	16	8.41	5.25	9.25
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:H	16	8.41	5.25	9.25
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:H	16	8.41	5.25	9.25
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:H	16	8.41	5.25	9.25
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:H	16	8.41	5.25	9.25
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:H	16	8.41	5.25	9.25
(4,4234)	1:2:A:SER:HA	1:8:A:VAL:HA	16	7.42	4.51	8.16
(5,599)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	16	7.17	5.93	5.5
(5,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	16	7.06	5.0	5.3
(4,641)	1:9:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:H	16	7.02	4.43	6.86
(4,641)	1:9:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:H	16	7.02	4.43	6.86
(4,641)	1:9:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:H	16	7.02	4.43	6.86
(4,641)	1:9:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:H	16	7.02	4.43	6.86
(4,641)	1:9:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:H	16	7.02	4.43	6.86
(4,641)	1:9:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:H	16	7.02	4.43	6.86
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD11	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD12	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD13	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD21	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD22	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD23	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD11	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD12	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD13	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD21	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD22	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD23	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD11	16	6.68	1.53	7.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD12	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD13	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD21	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD22	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD23	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD11	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD12	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD13	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD21	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD22	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD23	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD11	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD12	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD13	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD21	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD22	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD23	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD11	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD12	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD13	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD21	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD22	16	6.68	1.53	7.01
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD23	16	6.68	1.53	7.01
(5,666)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	16	6.2	5.23	4.28
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:H	16	6.1	4.43	6.09
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:H	16	6.1	4.43	6.09
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:H	16	6.1	4.43	6.09
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:H	16	6.1	4.43	6.09
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:H	16	6.1	4.43	6.09
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:H	16	6.1	4.43	6.09
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG21	1:227:A:ALA:HA	16	5.93	2.33	5.39
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG22	1:227:A:ALA:HA	16	5.93	2.33	5.39
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG23	1:227:A:ALA:HA	16	5.93	2.33	5.39
(4,3391)	1:11:A:ILE:HA	1:151:A:THR:HA	16	5.4	3.63	6.19
(4,1515)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HA	16	5.35	2.76	5.59
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	16	4.86	3.19	5.18
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	16	4.86	3.19	5.18
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	16	4.86	3.19	5.18
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	16	4.86	3.19	5.18
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	16	4.86	3.19	5.18
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	16	4.86	3.19	5.18
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD11	1:58:A:LEU:HG	16	4.32	2.79	3.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD12	1:58:A:LEU:HG	16	4.32	2.79	3.71
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD13	1:58:A:LEU:HG	16	4.32	2.79	3.71
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	16	3.94	1.8	4.27
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	16	3.94	1.8	4.27
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD11	16	3.81	2.31	4.94
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD12	16	3.81	2.31	4.94
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD13	16	3.81	2.31	4.94
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD11	16	3.81	2.31	4.94
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD12	16	3.81	2.31	4.94
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD13	16	3.81	2.31	4.94
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE1	16	3.47	1.66	3.58
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE2	16	3.47	1.66	3.58
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE1	16	3.47	1.66	3.58
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE2	16	3.47	1.66	3.58
(4,4161)	1:11:A:ILE:HA	1:153:A:GLN:HA	16	3.47	2.76	2.84
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD2	16	3.42	1.15	3.84
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD3	16	3.42	1.15	3.84
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE2	1:214:A:TYR:HA	16	3.33	1.44	3.12
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE3	1:214:A:TYR:HA	16	3.33	1.44	3.12
(4,464)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HE1	16	3.21	1.64	3.22
(4,2497)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HZ3	16	3.19	1.38	4.06
(4,1820)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA3	16	3.14	2.21	3.52
(4,495)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD22	16	2.91	1.49	3.62
(4,1433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:H	16	2.88	1.13	2.93
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG11	16	2.78	1.3	2.93
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG12	16	2.78	1.3	2.93
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG13	16	2.78	1.3	2.93
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG21	16	2.78	1.3	2.93
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG22	16	2.78	1.3	2.93
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG23	16	2.78	1.3	2.93
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:H	16	2.71	1.74	2.43
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:H	16	2.71	1.74	2.43
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE21	16	2.66	1.15	2.6
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE22	16	2.66	1.15	2.6
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE21	16	2.66	1.15	2.6
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE22	16	2.66	1.15	2.6
(4,102)	1:150:A:SER:H	1:157:A:PRO:HD2	16	2.64	1.27	2.89
(4,3943)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:H	16	2.53	1.45	2.24
(4,3469)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HD1	16	2.52	1.09	2.38
(4,3919)	1:82:A:PHE:HZ	1:100:A:SER:H	16	2.5	1.73	1.9
(5,340)	1:5:A:ASN:ND2	1:13:A:SER:H	16	2.48	1.38	2.6
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB1	16	2.46	0.66	2.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB2	16	2.46	0.66	2.54
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB3	16	2.46	0.66	2.54
(4,1809)	1:81:A:TRP:HZ2	1:184:A:ASN:H	16	2.35	2.08	1.27
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE1	16	2.26	2.06	1.76
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE2	16	2.26	2.06	1.76
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD1	16	2.23	2.08	1.18
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD2	16	2.23	2.08	1.18
(4,2858)	1:79:A:VAL:HB	1:127:A:ASN:HD21	16	2.23	1.23	2.38
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD2	16	2.19	0.95	2.48
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD3	16	2.19	0.95	2.48
(4,3127)	1:31:A:TRP:HE1	1:106:A:LEU:H	16	2.07	1.13	1.99
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG21	16	2.05	0.79	2.1
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG22	16	2.05	0.79	2.1
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG23	16	2.05	0.79	2.1
(1,113)	1:182:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	16	1.96	1.01	1.74
(4,45)	1:151:A:THR:HA	1:154:A:SER:HA	16	1.95	1.3	1.44
(4,780)	1:73:A:ILE:HG12	1:76:A:SER:H	16	1.92	1.04	2.01
(4,780)	1:73:A:ILE:HG13	1:76:A:SER:H	16	1.92	1.04	2.01
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD11	16	1.91	1.02	1.78
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD12	16	1.91	1.02	1.78
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD13	16	1.91	1.02	1.78
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD11	1:164:A:ASN:HD21	16	1.86	1.46	1.7
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD12	1:164:A:ASN:HD21	16	1.86	1.46	1.7
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD13	1:164:A:ASN:HD21	16	1.86	1.46	1.7
(4,3203)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:H	16	1.83	0.62	1.77
(4,2582)	1:163:A:THR:HB	1:165:A:LEU:HB3	16	1.79	0.96	1.66
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG2	16	1.78	1.03	2.2
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG3	16	1.78	1.03	2.2
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG2	16	1.78	1.03	2.2
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG3	16	1.78	1.03	2.2
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG2	16	1.78	1.03	2.2
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG3	16	1.78	1.03	2.2
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD1	16	1.77	0.85	1.88
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD2	16	1.77	0.85	1.88
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD1	16	1.77	0.85	1.88
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD2	16	1.77	0.85	1.88
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD1	16	1.77	0.85	1.88
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD2	16	1.77	0.85	1.88
(4,3264)	1:79:A:VAL:HB	1:173:A:GLU:H	16	1.74	0.81	1.92
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB2	16	1.71	0.91	1.5
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB3	16	1.71	0.91	1.5
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB2	16	1.71	0.91	1.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB3	16	1.71	0.91	1.5
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	16	1.7	1.28	1.34
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	16	1.7	1.28	1.34
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD1	16	1.67	0.95	1.67
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD2	16	1.67	0.95	1.67
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD1	16	1.67	0.95	1.67
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD2	16	1.67	0.95	1.67
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD1	16	1.67	0.95	1.67
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD2	16	1.67	0.95	1.67
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG12	16	1.65	0.83	1.58
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG13	16	1.65	0.83	1.58
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG12	16	1.65	0.83	1.58
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG13	16	1.65	0.83	1.58
(4,3400)	1:234:A:ASN:HD22	1:236:A:GLU:H	16	1.64	0.61	1.48
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG21	16	1.62	0.98	1.56
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG22	16	1.62	0.98	1.56
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG23	16	1.62	0.98	1.56
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG21	16	1.62	0.98	1.56
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG22	16	1.62	0.98	1.56
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG23	16	1.62	0.98	1.56
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD11	16	1.6	0.67	1.9
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD12	16	1.6	0.67	1.9
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD13	16	1.6	0.67	1.9
(4,404)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG13	16	1.58	0.49	1.51
(4,649)	1:88:A:ASN:HB2	1:146:A:VAL:H	16	1.55	0.68	1.38
(4,649)	1:88:A:ASN:HB3	1:146:A:VAL:H	16	1.55	0.68	1.38
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG11	1:139:A:LEU:CD1	16	1.52	0.76	1.42
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG12	1:139:A:LEU:CD1	16	1.52	0.76	1.42
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG13	1:139:A:LEU:CD1	16	1.52	0.76	1.42
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE2	16	1.49	1.0	1.24
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE3	16	1.49	1.0	1.24
(4,3237)	1:150:A:SER:H	1:152:A:GLY:H	16	1.48	0.61	1.32
(5,107)	1:140:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	16	1.46	0.56	1.4
(1,219)	1:183:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	16	1.45	0.98	1.21
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD11	16	1.45	0.9	1.42
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD12	16	1.45	0.9	1.42
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD13	16	1.45	0.9	1.42
(4,4246)	1:62:A:ASN:H	1:65:A:ARG:H	16	1.43	0.94	1.27
(4,1092)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:H	16	1.42	0.83	1.26
(4,1653)	1:17:A:VAL:H	1:152:A:GLY:HA2	16	1.41	1.16	1.32
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD1	16	1.4	0.73	1.8
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD2	16	1.4	0.73	1.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD1	16	1.4	0.73	1.8
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD2	16	1.4	0.73	1.8
(4,659)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HG	16	1.39	0.83	1.54
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD11	16	1.35	0.86	1.0
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD12	16	1.35	0.86	1.0
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD13	16	1.35	0.86	1.0
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD21	16	1.35	0.86	1.0
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD22	16	1.35	0.86	1.0
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD23	16	1.35	0.86	1.0
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD11	16	1.35	0.86	1.0
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD12	16	1.35	0.86	1.0
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD13	16	1.35	0.86	1.0
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD21	16	1.35	0.86	1.0
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD22	16	1.35	0.86	1.0
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD23	16	1.35	0.86	1.0
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD11	16	1.34	0.39	1.46
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD12	16	1.34	0.39	1.46
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD13	16	1.34	0.39	1.46
(5,332)	1:177:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	16	1.28	0.53	1.3
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB2	16	1.24	0.5	1.41
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB3	16	1.24	0.5	1.41
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB2	16	1.24	0.5	1.41
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB3	16	1.24	0.5	1.41
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB2	16	1.24	0.5	1.41
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB3	16	1.24	0.5	1.41
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB2	16	1.24	0.5	1.41
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB3	16	1.24	0.5	1.41
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB2	16	1.24	0.5	1.41
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB3	16	1.24	0.5	1.41
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB2	16	1.24	0.5	1.41
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB3	16	1.24	0.5	1.41
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB1	16	1.23	0.52	1.2
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB2	16	1.23	0.52	1.2
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB3	16	1.23	0.52	1.2
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB1	16	1.23	0.52	1.2
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB2	16	1.23	0.52	1.2
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB3	16	1.23	0.52	1.2
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD11	16	1.23	0.78	1.02
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD12	16	1.23	0.78	1.02
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD13	16	1.23	0.78	1.02
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD21	16	1.23	0.78	1.02
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD22	16	1.23	0.78	1.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD23	16	1.23	0.78	1.02
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HB2	16	1.19	0.72	1.22
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HB2	16	1.19	0.72	1.22
(4,673)	1:172:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:H	16	1.18	0.78	0.66
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	16	1.14	0.48	1.2
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	16	1.14	0.48	1.2
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	16	1.14	0.48	1.2
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	16	1.14	0.48	1.2
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	16	1.14	0.48	1.2
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	16	1.14	0.48	1.2
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB1	16	1.12	0.65	1.11
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB2	16	1.12	0.65	1.11
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB3	16	1.12	0.65	1.11
(4,4251)	1:81:A:TRP:HH2	1:184:A:ASN:H	16	1.11	0.95	0.92
(4,3413)	1:149:A:PHE:H	1:151:A:THR:H	16	1.09	0.47	1.39
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD1	16	1.08	0.19	1.16
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD2	16	1.08	0.19	1.16
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD1	16	1.08	0.19	1.16
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD2	16	1.08	0.19	1.16
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD1	16	1.08	0.19	1.16
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD2	16	1.08	0.19	1.16
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD11	16	1.08	0.74	0.85
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD12	16	1.08	0.74	0.85
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD13	16	1.08	0.74	0.85
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD11	16	1.08	0.74	0.85
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD12	16	1.08	0.74	0.85
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD13	16	1.08	0.74	0.85
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD11	16	1.08	0.74	0.85
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD12	16	1.08	0.74	0.85
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD13	16	1.08	0.74	0.85
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD1	16	1.05	0.54	1.02
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD2	16	1.05	0.54	1.02
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD11	16	1.04	0.56	0.9
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD12	16	1.04	0.56	0.9
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD13	16	1.04	0.56	0.9
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD21	16	1.04	0.56	0.9
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD22	16	1.04	0.56	0.9
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD23	16	1.04	0.56	0.9
(4,2704)	1:146:A:VAL:HB	1:148:A:THR:H	16	1.02	0.46	1.0
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG11	16	1.01	0.46	0.92
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG12	16	1.01	0.46	0.92
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG13	16	1.01	0.46	0.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD2	16	0.95	0.28	0.86
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD3	16	0.95	0.28	0.86
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:H	16	0.94	0.35	0.86
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:H	16	0.94	0.35	0.86
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:H	16	0.94	0.35	0.86
(4,194)	1:146:A:VAL:HA	1:150:A:SER:H	16	0.88	0.53	0.79
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB1	16	0.85	0.68	0.65
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB2	16	0.85	0.68	0.65
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB3	16	0.85	0.68	0.65
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB1	16	0.85	0.68	0.65
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB2	16	0.85	0.68	0.65
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB3	16	0.85	0.68	0.65
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB1	16	0.85	0.68	0.65
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB2	16	0.85	0.68	0.65
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB3	16	0.85	0.68	0.65
(4,819)	1:149:A:PHE:HA	1:151:A:THR:HA	16	0.84	0.37	0.86
(4,853)	1:76:A:SER:HA	1:79:A:VAL:H	16	0.84	0.4	0.76
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	16	0.82	0.51	0.72
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	16	0.82	0.51	0.72
(4,360)	1:231:A:LEU:HD11	1:234:A:ASN:H	16	0.79	0.62	0.57
(4,360)	1:231:A:LEU:HD12	1:234:A:ASN:H	16	0.79	0.62	0.57
(4,360)	1:231:A:LEU:HD13	1:234:A:ASN:H	16	0.79	0.62	0.57
(4,360)	1:231:A:LEU:HD21	1:234:A:ASN:H	16	0.79	0.62	0.57
(4,360)	1:231:A:LEU:HD22	1:234:A:ASN:H	16	0.79	0.62	0.57
(4,360)	1:231:A:LEU:HD23	1:234:A:ASN:H	16	0.79	0.62	0.57
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG12	16	0.78	0.48	0.77
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG13	16	0.78	0.48	0.77
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG12	16	0.78	0.48	0.77
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG13	16	0.78	0.48	0.77
(4,3979)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:HA	16	0.77	0.33	0.74
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:H	16	0.76	0.45	0.57
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:H	16	0.76	0.45	0.57
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD11	16	0.73	0.31	0.76
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD12	16	0.73	0.31	0.76
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD13	16	0.73	0.31	0.76
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD21	16	0.73	0.31	0.76
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD22	16	0.73	0.31	0.76
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD23	16	0.73	0.31	0.76
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG2	1:147:A:GLN:H	16	0.73	0.33	0.74
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG3	1:147:A:GLN:H	16	0.73	0.33	0.74
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	16	0.71	0.33	0.67
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	16	0.71	0.33	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	16	0.71	0.33	0.67
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG21	16	0.66	0.48	0.36
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG22	16	0.66	0.48	0.36
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG23	16	0.66	0.48	0.36
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG11	16	0.66	0.36	0.64
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG12	16	0.66	0.36	0.64
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG13	16	0.66	0.36	0.64
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG21	16	0.66	0.36	0.64
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG22	16	0.66	0.36	0.64
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG23	16	0.66	0.36	0.64
(4,4157)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:H	16	0.65	0.21	0.7
(4,1143)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:H	16	0.65	0.31	0.57
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HA	16	0.63	0.24	0.6
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HA	16	0.63	0.24	0.6
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HA	16	0.63	0.24	0.6
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:H	16	0.62	0.47	0.39
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:H	16	0.62	0.47	0.39
(4,4274)	1:171:A:VAL:H	1:179:A:GLU:H	16	0.62	0.41	0.56
(4,1094)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:H	16	0.53	0.2	0.66
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG12	16	0.52	0.33	0.4
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG13	16	0.52	0.33	0.4
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG12	16	0.52	0.33	0.4
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG13	16	0.52	0.33	0.4
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG12	16	0.52	0.33	0.4
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG13	16	0.52	0.33	0.4
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG12	16	0.52	0.33	0.4
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG13	16	0.52	0.33	0.4
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG12	16	0.52	0.33	0.4
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG13	16	0.52	0.33	0.4
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG12	16	0.52	0.33	0.4
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG13	16	0.52	0.33	0.4
(3,3)	1:179:A:GLU:O	1:189:A:LEU:H	16	0.48	0.21	0.52
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD11	16	0.46	0.17	0.43
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD12	16	0.46	0.17	0.43
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD13	16	0.46	0.17	0.43
(4,770)	1:39:A:LEU:HA	1:41:A:GLU:HB2	16	0.43	0.28	0.32
(4,2280)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:H	16	0.41	0.14	0.41
(4,2732)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:H	16	0.4	0.13	0.34
(3,21)	1:169:A:THR:H	1:180:A:LEU:O	16	0.38	0.21	0.35
(3,17)	1:59:A:PHE:H	1:166:A:HIS:O	16	0.26	0.07	0.26
(5,347)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	15	17.28	7.12	18.06
(5,499)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	15	16.98	7.78	20.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(5,490)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	15	15.93	7.29	19.03
(5,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	15	15.21	5.92	17.89
(5,481)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	15	14.61	7.71	16.71
(5,351)	1:5:A:ASN:ND2	1:123:A:SER:H	15	14.58	6.3	15.8
(5,374)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	15	14.39	5.92	17.07
(5,460)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	15	13.35	6.47	13.34
(5,395)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	15	11.68	4.24	11.44
(5,381)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	15	11.45	4.83	11.81
(5,371)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	15	11.07	7.11	12.26
(5,362)	1:5:A:ASN:ND2	1:224:A:LEU:H	15	10.88	5.14	11.86
(5,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	15	10.7	5.91	11.67
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	15	10.27	3.53	10.83
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	15	10.27	3.53	10.83
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	15	10.27	3.53	10.83
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	15	10.27	3.53	10.83
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	15	10.27	3.53	10.83
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	15	10.27	3.53	10.83
(5,423)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	15	9.55	6.57	10.05
(5,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	15	9.48	6.06	8.81
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD3	15	9.32	4.84	9.89
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD3	15	9.32	4.84	9.89
(5,433)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	15	9.29	6.13	10.13
(5,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	15	9.26	6.36	8.72
(5,436)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	15	9.22	4.98	10.43
(5,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	15	8.87	6.15	7.27
(5,473)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	15	8.87	6.04	10.11
(5,342)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	15	8.6	5.75	5.97
(5,574)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	15	7.32	5.27	6.36
(4,3249)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE21	15	6.72	2.81	6.49
(5,399)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	15	6.17	5.19	4.13
(4,820)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:H	15	6.07	2.8	5.94
(4,820)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:H	15	6.07	2.8	5.94
(4,820)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:H	15	6.07	2.8	5.94
(5,489)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	15	5.47	3.55	5.42
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB1	15	5.41	3.46	4.59
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB2	15	5.41	3.46	4.59
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB3	15	5.41	3.46	4.59
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD11	1:91:A:GLY:H	15	5.1	3.13	4.83
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD12	1:91:A:GLY:H	15	5.1	3.13	4.83
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD13	1:91:A:GLY:H	15	5.1	3.13	4.83
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE1	15	4.9	2.26	6.04
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE2	15	4.9	2.26	6.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3461)	1:11:A:ILE:HG13	1:153:A:GLN:H	15	4.41	2.86	3.8
(4,2461)	1:3:A:GLY:H	1:7:A:ALA:H	15	4.38	2.58	4.5
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG21	1:153:A:GLN:HE21	15	4.3	2.08	5.0
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG22	1:153:A:GLN:HE21	15	4.3	2.08	5.0
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG23	1:153:A:GLN:HE21	15	4.3	2.08	5.0
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA2	15	4.2	2.06	3.55
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA3	15	4.2	2.06	3.55
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA2	15	4.2	2.06	3.55
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA3	15	4.2	2.06	3.55
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA2	15	4.1	2.16	4.45
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA3	15	4.1	2.16	4.45
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA2	15	4.1	2.16	4.45
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA3	15	4.1	2.16	4.45
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA2	15	4.1	2.16	4.45
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA3	15	4.1	2.16	4.45
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB1	15	3.9	2.34	3.54
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB2	15	3.9	2.34	3.54
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB3	15	3.9	2.34	3.54
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB1	15	3.9	2.34	3.54
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB2	15	3.9	2.34	3.54
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB3	15	3.9	2.34	3.54
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB1	15	3.9	2.34	3.54
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB2	15	3.9	2.34	3.54
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB3	15	3.9	2.34	3.54
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD11	15	3.81	1.68	3.61
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD12	15	3.81	1.68	3.61
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD13	15	3.81	1.68	3.61
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD11	15	3.81	1.68	3.61
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD12	15	3.81	1.68	3.61
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD13	15	3.81	1.68	3.61
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD11	15	3.81	1.68	3.61
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD12	15	3.81	1.68	3.61
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD13	15	3.81	1.68	3.61
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	15	3.43	1.36	3.32
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	15	3.43	1.36	3.32
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	15	3.43	1.36	3.32
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	15	3.43	1.36	3.32
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	15	3.39	1.48	3.29
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	15	3.39	1.48	3.29
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE1	15	3.26	1.94	3.05
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE2	15	3.26	1.94	3.05
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE1	15	3.26	1.94	3.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE2	15	3.26	1.94	3.05
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE1	15	3.26	1.94	3.05
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE2	15	3.26	1.94	3.05
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:H	15	3.17	1.08	3.24
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:H	15	3.17	1.08	3.24
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:H	15	3.17	1.08	3.24
(4,3736)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HZ3	15	3.07	1.79	2.6
(4,18)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD22	15	2.79	1.15	3.24
(4,18)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD22	15	2.79	1.15	3.24
(4,18)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD22	15	2.79	1.15	3.24
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE1	15	2.76	1.86	3.77
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE2	15	2.76	1.86	3.77
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE1	15	2.76	1.86	3.77
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE2	15	2.76	1.86	3.77
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE1	15	2.76	1.86	3.77
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE2	15	2.76	1.86	3.77
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE21	15	2.69	1.63	3.16
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE22	15	2.69	1.63	3.16
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD1	15	2.48	0.58	2.66
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD2	15	2.48	0.58	2.66
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD1	15	2.47	0.72	2.7
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD2	15	2.47	0.72	2.7
(4,1002)	1:118:A:SER:H	1:119:A:GLN:HE22	15	2.43	0.9	2.75
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD11	15	2.4	1.94	1.9
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD12	15	2.4	1.94	1.9
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD13	15	2.4	1.94	1.9
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD21	15	2.37	1.43	2.32
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD22	15	2.37	1.43	2.32
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD23	15	2.37	1.43	2.32
(4,3745)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD22	15	2.34	0.84	2.69
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD22	15	2.25	1.35	2.27
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD22	15	2.25	1.35	2.27
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD22	15	2.25	1.35	2.27
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD21	15	2.23	0.82	2.2
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD21	15	2.23	0.82	2.2
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD21	15	2.23	0.82	2.2
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG21	15	2.22	1.8	1.27
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG22	15	2.22	1.8	1.27
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG23	15	2.22	1.8	1.27
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:H	15	2.16	0.74	2.43
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:H	15	2.16	0.74	2.43
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:H	15	2.16	0.74	2.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB2	1:7:A:ALA:H	15	2.14	0.96	1.75
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB3	1:7:A:ALA:H	15	2.14	0.96	1.75
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB2	15	2.13	1.25	2.17
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB3	15	2.13	1.25	2.17
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB2	15	2.13	1.25	2.17
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB3	15	2.13	1.25	2.17
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB2	15	2.13	1.25	2.17
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB3	15	2.13	1.25	2.17
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD11	1:201:A:LEU:H	15	1.99	1.18	1.86
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD12	1:201:A:LEU:H	15	1.99	1.18	1.86
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD13	1:201:A:LEU:H	15	1.99	1.18	1.86
(4,941)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:H	15	1.95	0.91	1.84
(4,941)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:H	15	1.95	0.91	1.84
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE21	15	1.92	1.2	1.7
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE21	15	1.92	1.2	1.7
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HD1	15	1.88	1.09	1.4
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG3	1:235:A:TRP:HD1	15	1.88	1.09	1.4
(4,661)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:HE22	15	1.84	1.33	1.57
(4,661)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:HE22	15	1.84	1.33	1.57
(4,3810)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD21	15	1.79	1.12	1.75
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG11	15	1.77	0.93	1.54
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG12	15	1.77	0.93	1.54
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG13	15	1.77	0.93	1.54
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG21	15	1.77	1.15	1.46
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG22	15	1.77	1.15	1.46
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG23	15	1.77	1.15	1.46
(5,23)	1:13:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	15	1.71	0.68	1.77
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE1	15	1.65	0.92	1.48
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE2	15	1.65	0.92	1.48
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE1	15	1.65	0.92	1.48
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE2	15	1.65	0.92	1.48
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE1	15	1.65	0.92	1.48
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE2	15	1.65	0.92	1.48
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB1	15	1.65	0.78	1.51
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB2	15	1.65	0.78	1.51
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB3	15	1.65	0.78	1.51
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB1	15	1.65	0.78	1.51
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB2	15	1.65	0.78	1.51
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB3	15	1.65	0.78	1.51
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB1	15	1.65	0.78	1.51
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB2	15	1.65	0.78	1.51
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB3	15	1.65	0.78	1.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:H	15	1.61	0.71	1.86
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:H	15	1.61	0.71	1.86
(4,2963)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:H	15	1.6	0.44	1.83
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB2	15	1.56	0.79	1.22
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB3	15	1.56	0.79	1.22
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB2	15	1.56	0.79	1.22
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB3	15	1.56	0.79	1.22
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB2	15	1.56	0.79	1.22
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB3	15	1.56	0.79	1.22
(4,1673)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HB	15	1.55	0.7	1.92
(2,29)	1:102:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	15	1.54	0.62	1.63
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG21	15	1.54	0.77	1.67
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG22	15	1.54	0.77	1.67
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG23	15	1.54	0.77	1.67
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE21	15	1.51	0.74	1.64
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE22	15	1.51	0.74	1.64
(4,638)	1:73:A:ILE:HG21	1:186:A:SER:H	15	1.45	1.12	1.21
(4,638)	1:73:A:ILE:HG22	1:186:A:SER:H	15	1.45	1.12	1.21
(4,638)	1:73:A:ILE:HG23	1:186:A:SER:H	15	1.45	1.12	1.21
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD11	15	1.43	0.71	1.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD12	15	1.43	0.71	1.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD13	15	1.43	0.71	1.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD21	15	1.43	0.71	1.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD22	15	1.43	0.71	1.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD23	15	1.43	0.71	1.15
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG21	15	1.42	0.79	1.54
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG22	15	1.42	0.79	1.54
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG23	15	1.42	0.79	1.54
(4,813)	1:36:A:ILE:HD11	1:48:A:LEU:CD2	15	1.4	0.88	1.03
(4,813)	1:36:A:ILE:HD12	1:48:A:LEU:CD2	15	1.4	0.88	1.03
(4,813)	1:36:A:ILE:HD13	1:48:A:LEU:CD2	15	1.4	0.88	1.03
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD11	15	1.39	0.78	1.26
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD12	15	1.39	0.78	1.26
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD13	15	1.39	0.78	1.26
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD21	15	1.39	0.78	1.26
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD22	15	1.39	0.78	1.26
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD23	15	1.39	0.78	1.26
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG12	15	1.37	0.85	1.24
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG13	15	1.37	0.85	1.24
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG12	15	1.37	0.85	1.24
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG13	15	1.37	0.85	1.24
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG12	15	1.37	0.85	1.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG13	15	1.37	0.85	1.24
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG12	15	1.37	0.85	1.24
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG13	15	1.37	0.85	1.24
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG12	15	1.37	0.85	1.24
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG13	15	1.37	0.85	1.24
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG12	15	1.37	0.85	1.24
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG13	15	1.37	0.85	1.24
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG21	15	1.37	0.97	0.91
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG22	15	1.37	0.97	0.91
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG23	15	1.37	0.97	0.91
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD11	15	1.33	0.85	0.86
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD12	15	1.33	0.85	0.86
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD13	15	1.33	0.85	0.86
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD21	15	1.33	0.85	0.86
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD22	15	1.33	0.85	0.86
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD23	15	1.33	0.85	0.86
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE21	15	1.32	0.78	1.05
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE22	15	1.32	0.78	1.05
(4,1944)	1:11:A:ILE:H	1:13:A:SER:H	15	1.31	0.78	1.2
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD21	15	1.29	0.6	1.31
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD22	15	1.29	0.6	1.31
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	15	1.27	0.49	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	15	1.27	0.49	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	15	1.27	0.49	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	15	1.27	0.49	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	15	1.27	0.49	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	15	1.27	0.49	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	15	1.27	0.49	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	15	1.27	0.49	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	15	1.27	0.49	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	15	1.27	0.49	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	15	1.27	0.49	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	15	1.27	0.49	1.19
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE2	15	1.25	0.61	1.0
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE3	15	1.25	0.61	1.0
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE2	15	1.25	0.61	1.0
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE3	15	1.25	0.61	1.0
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB2	15	1.24	0.59	1.46
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB3	15	1.24	0.59	1.46
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB2	15	1.24	0.59	1.46
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB3	15	1.24	0.59	1.46
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB2	15	1.24	0.59	1.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB3	15	1.24	0.59	1.46
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD11	15	1.23	0.65	1.16
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD12	15	1.23	0.65	1.16
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD13	15	1.23	0.65	1.16
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD11	15	1.23	0.65	1.16
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD12	15	1.23	0.65	1.16
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD13	15	1.23	0.65	1.16
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD11	15	1.23	0.65	1.16
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD12	15	1.23	0.65	1.16
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD13	15	1.23	0.65	1.16
(4,737)	1:81:A:TRP:HZ3	1:84:A:GLN:H	15	1.22	1.39	0.71
(4,658)	1:76:A:SER:H	1:188:A:PRO:HG3	15	1.21	0.7	0.92
(4,3937)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE21	15	1.2	0.57	1.2
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD11	15	1.17	0.29	1.19
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD12	15	1.17	0.29	1.19
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD13	15	1.17	0.29	1.19
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG21	1:64:A:ASP:H	15	1.17	0.65	1.19
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG22	1:64:A:ASP:H	15	1.17	0.65	1.19
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG23	1:64:A:ASP:H	15	1.17	0.65	1.19
(4,150)	1:39:A:LEU:HA	1:44:A:LEU:HG	15	1.16	0.53	1.07
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD2	15	1.16	0.45	1.25
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD3	15	1.16	0.45	1.25
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD2	15	1.16	0.45	1.25
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD3	15	1.16	0.45	1.25
(4,706)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HA	15	1.15	0.55	1.35
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD21	15	1.15	0.6	1.16
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD22	15	1.15	0.6	1.16
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD21	15	1.15	0.97	0.92
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD22	15	1.15	0.97	0.92
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD23	15	1.15	0.97	0.92
(4,149)	1:234:A:ASN:HD21	1:236:A:GLU:H	15	1.15	0.64	1.08
(4,433)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:H	15	1.15	0.19	1.14
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB2	1:173:A:GLU:H	15	1.11	0.77	0.88
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB3	1:173:A:GLU:H	15	1.11	0.77	0.88
(4,2626)	1:145:A:ASN:H	1:148:A:THR:H	15	1.11	0.75	0.91
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD11	15	1.06	0.58	0.83
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD12	15	1.06	0.58	0.83
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD13	15	1.06	0.58	0.83
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD21	15	1.06	0.58	0.83
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD22	15	1.06	0.58	0.83
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD23	15	1.06	0.58	0.83
(4,3544)	1:76:A:SER:HA	1:78:A:ASP:H	15	1.05	0.11	1.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(5,72)	1:59:A:PHE:H	1:104:A:SER:OG	15	1.0	0.47	1.12
(4,2137)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:H	15	0.99	0.29	1.03
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD2	1:128:A:ARG:H	15	0.95	0.23	0.95
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD3	1:128:A:ARG:H	15	0.95	0.23	0.95
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	15	0.92	0.48	1.11
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	15	0.92	0.48	1.11
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	15	0.92	0.48	1.11
(4,161)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:H	15	0.92	0.43	0.89
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	15	0.91	0.78	0.69
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	15	0.91	0.78	0.69
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	15	0.91	0.78	0.69
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	15	0.91	0.78	0.69
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	15	0.91	0.78	0.69
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	15	0.91	0.78	0.69
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:H	15	0.9	0.68	0.89
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:H	15	0.9	0.68	0.89
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:H	15	0.9	0.68	0.89
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG21	1:203:A:GLU:H	15	0.89	0.44	0.84
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG22	1:203:A:GLU:H	15	0.89	0.44	0.84
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG23	1:203:A:GLU:H	15	0.89	0.44	0.84
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD11	15	0.87	0.6	0.81
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD12	15	0.87	0.6	0.81
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD13	15	0.87	0.6	0.81
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD21	15	0.87	0.6	0.81
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD22	15	0.87	0.6	0.81
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD23	15	0.87	0.6	0.81
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:H	15	0.87	0.52	0.81
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:H	15	0.87	0.52	0.81
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:H	15	0.87	0.52	0.81
(4,2343)	1:73:A:ILE:H	1:186:A:SER:H	15	0.86	0.39	0.75
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB1	15	0.84	0.43	0.71
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB2	15	0.84	0.43	0.71
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB3	15	0.84	0.43	0.71
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB1	15	0.84	0.43	0.71
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB2	15	0.84	0.43	0.71
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB3	15	0.84	0.43	0.71
(4,1723)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE1	15	0.84	0.54	0.6
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	15	0.83	0.72	0.5
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	15	0.83	0.72	0.5
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	15	0.83	0.72	0.5
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	15	0.83	0.72	0.5
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	15	0.83	0.72	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	15	0.83	0.72	0.5
(4,823)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:H	15	0.77	0.4	0.7
(4,823)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:H	15	0.77	0.4	0.7
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB2	1:232:A:GLY:H	15	0.75	0.33	0.71
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB3	1:232:A:GLY:H	15	0.75	0.33	0.71
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD11	15	0.75	0.36	0.63
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD12	15	0.75	0.36	0.63
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD13	15	0.75	0.36	0.63
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD11	15	0.75	0.36	0.63
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD12	15	0.75	0.36	0.63
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD13	15	0.75	0.36	0.63
(4,2317)	1:177:A:ILE:H	1:194:A:SER:H	15	0.72	0.41	0.64
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD11	15	0.69	0.36	0.58
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD12	15	0.69	0.36	0.58
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD13	15	0.69	0.36	0.58
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD11	15	0.67	0.26	0.67
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD12	15	0.67	0.26	0.67
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD13	15	0.67	0.26	0.67
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD21	15	0.67	0.26	0.67
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD22	15	0.67	0.26	0.67
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD23	15	0.67	0.26	0.67
(4,1975)	1:44:A:LEU:HA	1:48:A:LEU:H	15	0.65	0.37	0.6
(4,834)	1:99:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	15	0.65	0.47	0.51
(4,834)	1:99:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	15	0.65	0.47	0.51
(4,834)	1:99:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	15	0.65	0.47	0.51
(4,834)	1:99:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	15	0.65	0.47	0.51
(4,834)	1:99:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	15	0.65	0.47	0.51
(4,834)	1:99:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	15	0.65	0.47	0.51
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD21	1:89:A:ALA:H	15	0.64	0.23	0.62
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD22	1:89:A:ALA:H	15	0.64	0.23	0.62
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB1	15	0.64	0.48	0.38
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB2	15	0.64	0.48	0.38
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB3	15	0.64	0.48	0.38
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB1	15	0.64	0.48	0.38
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB2	15	0.64	0.48	0.38
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB3	15	0.64	0.48	0.38
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB1	15	0.64	0.48	0.38
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB2	15	0.64	0.48	0.38
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB3	15	0.64	0.48	0.38
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD1	15	0.63	0.27	0.64
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD2	15	0.63	0.27	0.64
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	15	0.63	0.39	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	15	0.63	0.39	0.75
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	15	0.63	0.39	0.75
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB2	15	0.6	0.21	0.67
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB3	15	0.6	0.21	0.67
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB2	15	0.6	0.21	0.67
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB3	15	0.6	0.21	0.67
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB2	15	0.6	0.21	0.67
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB3	15	0.6	0.21	0.67
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB2	15	0.6	0.21	0.67
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB3	15	0.6	0.21	0.67
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB2	15	0.6	0.21	0.67
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB3	15	0.6	0.21	0.67
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB2	15	0.6	0.21	0.67
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB3	15	0.6	0.21	0.67
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD1	1:179:A:GLU:H	15	0.6	0.27	0.65
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD2	1:179:A:GLU:H	15	0.6	0.27	0.65
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE1	1:78:A:ASP:H	15	0.59	0.39	0.43
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE2	1:78:A:ASP:H	15	0.59	0.39	0.43
(4,3286)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HA	15	0.57	0.34	0.53
(4,2288)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	15	0.56	0.24	0.55
(4,843)	1:29:A:ASN:HD21	1:31:A:TRP:H	15	0.5	0.3	0.43
(4,1856)	1:29:A:ASN:HD22	1:30:A:GLU:H	15	0.48	0.25	0.46
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB2	15	0.48	0.34	0.36
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB3	15	0.48	0.34	0.36
(4,3651)	1:51:A:PRO:HB3	1:201:A:LEU:H	15	0.46	0.18	0.5
(4,1676)	1:172:A:GLU:HB3	1:176:A:GLY:H	15	0.4	0.17	0.42
(4,391)	1:44:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	15	0.37	0.18	0.33
(4,391)	1:44:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	15	0.37	0.18	0.33
(4,391)	1:44:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	15	0.37	0.18	0.33
(4,866)	1:36:A:ILE:HB	1:38:A:SER:HA	15	0.36	0.12	0.36
(4,2640)	1:204:A:GLN:H	1:206:A:LEU:H	15	0.33	0.11	0.35
(4,3298)	1:190:A:TYR:H	1:191:A:LEU:H	15	0.25	0.07	0.29
(5,380)	1:5:A:ASN:ND2	1:200:A:ASP:H	14	18.15	7.11	20.48
(5,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	14	15.6	7.1	17.92
(5,424)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	14	15.45	7.35	19.06
(5,348)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	14	14.86	7.37	18.14
(5,358)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	14	14.82	5.95	14.46
(5,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:83:A:LYS:H	14	14.48	5.01	14.56
(5,432)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	14	14.44	5.95	12.86
(5,457)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	14	13.94	7.46	16.94
(5,368)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	14	13.71	6.08	13.84
(5,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	14	13.54	5.95	13.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(5,504)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	14	13.53	5.65	11.96
(5,369)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	14	13.47	6.21	12.02
(5,401)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	14	13.22	5.86	12.72
(5,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	14	13.16	6.32	14.12
(5,353)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	14	12.76	6.66	13.18
(5,356)	1:5:A:ASN:ND2	1:125:A:SER:H	14	12.74	5.12	14.2
(5,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	14	12.6	6.76	14.64
(5,413)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	14	12.48	6.15	11.24
(5,349)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	14	12.47	7.72	14.61
(5,420)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	14	12.4	7.2	13.09
(5,580)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	14	12.13	5.86	11.64
(5,450)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	14	11.82	5.97	12.42
(5,415)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	14	11.71	6.82	13.16
(5,390)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	14	11.65	5.77	11.5
(5,365)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	14	11.46	5.87	10.31
(5,483)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	14	11.28	6.72	10.78
(5,474)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	14	11.2	5.11	11.24
(5,355)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	14	11.11	6.41	13.63
(5,668)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	14	10.96	4.76	11.75
(5,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	14	10.83	5.74	10.63
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG21	14	10.5	3.83	11.2
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG22	14	10.5	3.83	11.2
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG23	14	10.5	3.83	11.2
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG21	14	10.5	3.83	11.2
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG22	14	10.5	3.83	11.2
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG23	14	10.5	3.83	11.2
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG21	14	10.5	3.83	11.2
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG22	14	10.5	3.83	11.2
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG23	14	10.5	3.83	11.2
(5,527)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	14	10.19	4.86	11.58
(5,626)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	14	9.56	5.55	8.82
(5,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	14	9.24	5.79	8.74
(5,448)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	14	9.07	6.23	10.06
(5,428)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	14	9.05	5.81	8.28
(5,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	14	8.95	5.49	5.98
(5,438)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	14	8.77	4.28	9.56
(5,533)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	14	8.6	5.83	7.85
(5,422)	1:5:A:ASN:ND2	1:55:A:ILE:H	14	8.56	4.76	8.9
(5,449)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	14	8.27	6.2	7.3
(5,405)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	14	7.97	5.33	9.22
(5,478)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	14	7.96	5.55	7.22
(5,555)	1:5:A:ASN:ND2	1:179:A:GLU:H	14	7.32	5.39	4.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(5,314)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	14	7.2	3.46	8.23
(5,296)	1:5:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	14	7.15	4.35	7.62
(5,294)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	14	7.03	3.69	7.82
(5,549)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	14	6.82	5.99	4.88
(5,295)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	14	6.59	4.14	6.15
(5,400)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	14	6.58	5.11	4.48
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:H	14	6.02	3.3	6.88
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:H	14	6.02	3.3	6.88
(5,363)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	14	5.86	4.71	4.47
(5,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	14	5.24	4.87	3.24
(4,2956)	1:11:A:ILE:HG12	1:153:A:GLN:H	14	4.99	2.99	4.71
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE1	1:194:A:SER:H	14	4.11	1.59	4.58
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE2	1:194:A:SER:H	14	4.11	1.59	4.58
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD11	14	3.87	2.33	4.22
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD12	14	3.87	2.33	4.22
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD13	14	3.87	2.33	4.22
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD21	14	3.87	2.33	4.22
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD22	14	3.87	2.33	4.22
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD23	14	3.87	2.33	4.22
(5,86)	1:12:A:GLU:H	1:140:A:ASN:ND2	14	3.8	2.06	4.13
(4,181)	1:162:A:ASP:HB2	1:164:A:ASN:HD21	14	3.77	1.48	3.9
(4,181)	1:162:A:ASP:HB3	1:164:A:ASN:HD21	14	3.77	1.48	3.9
(4,1233)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HH2	14	3.35	2.31	2.76
(4,910)	1:78:A:ASP:H	1:174:A:ASN:HD22	14	3.22	1.53	3.26
(4,1081)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA2	14	2.87	1.35	2.88
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HB	14	2.86	1.67	2.44
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HB	14	2.86	1.67	2.44
(4,938)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	14	2.8	1.15	3.22
(4,3872)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HE1	14	2.76	1.84	3.08
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG21	14	2.39	1.1	1.94
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG22	14	2.39	1.1	1.94
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG23	14	2.39	1.1	1.94
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG21	14	2.39	1.1	1.94
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG22	14	2.39	1.1	1.94
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG23	14	2.39	1.1	1.94
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD1	1:85:A:SER:H	14	2.22	0.48	2.07
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD2	1:85:A:SER:H	14	2.22	0.48	2.07
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG11	14	2.21	1.23	2.31
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG12	14	2.21	1.23	2.31
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG13	14	2.21	1.23	2.31
(4,3220)	1:31:A:TRP:HE3	1:53:A:LYS:H	14	2.08	1.63	1.78
(1,87)	1:220:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	14	2.03	1.31	1.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3893)	1:119:A:GLN:HE21	1:125:A:SER:H	14	1.99	0.97	2.12
(4,60)	1:79:A:VAL:HG11	1:190:A:TYR:H	14	1.97	1.24	1.83
(4,60)	1:79:A:VAL:HG12	1:190:A:TYR:H	14	1.97	1.24	1.83
(4,60)	1:79:A:VAL:HG13	1:190:A:TYR:H	14	1.97	1.24	1.83
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HA	14	1.96	0.82	1.96
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HA	14	1.96	0.82	1.96
(4,1029)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	14	1.88	1.13	2.28
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD21	14	1.8	1.04	1.6
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD21	14	1.8	1.04	1.6
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD21	14	1.8	1.04	1.6
(4,1041)	1:23:A:HIS:HD2	1:31:A:TRP:H	14	1.77	1.6	1.11
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD1	1:84:A:GLN:H	14	1.75	0.28	1.72
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD2	1:84:A:GLN:H	14	1.75	0.28	1.72
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:H	14	1.72	0.79	1.71
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:H	14	1.72	0.79	1.71
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:H	14	1.72	0.79	1.71
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD11	14	1.69	1.08	1.86
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD12	14	1.69	1.08	1.86
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD13	14	1.69	1.08	1.86
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD11	14	1.69	1.08	1.86
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD12	14	1.69	1.08	1.86
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD13	14	1.69	1.08	1.86
(4,2086)	1:61:A:ILE:HB	1:164:A:ASN:HD21	14	1.69	1.36	1.15
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB3	14	1.68	0.99	1.7
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB3	14	1.68	0.99	1.7
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB3	14	1.68	0.99	1.7
(4,3112)	1:119:A:GLN:HE21	1:130:A:ASP:H	14	1.64	1.11	1.47
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HE22	14	1.63	1.13	1.06
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HE22	14	1.63	1.13	1.06
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HE22	14	1.63	1.13	1.06
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	14	1.62	0.94	1.78
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	14	1.62	0.94	1.78
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	14	1.62	0.94	1.78
(4,3258)	1:58:A:LEU:HA	1:165:A:LEU:HB2	14	1.61	0.48	1.55
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	14	1.58	0.62	1.73
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	14	1.58	0.62	1.73
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD21	14	1.54	1.11	1.42
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD22	14	1.54	1.11	1.42
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD23	14	1.54	1.11	1.42
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	14	1.52	0.93	1.36
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	14	1.52	0.93	1.36
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	14	1.51	0.61	1.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	14	1.51	0.61	1.56
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	14	1.51	0.61	1.56
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	14	1.51	0.61	1.56
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	14	1.51	0.61	1.56
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	14	1.51	0.61	1.56
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB2	14	1.49	0.95	1.7
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB3	14	1.49	0.95	1.7
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB2	14	1.49	0.95	1.7
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB3	14	1.49	0.95	1.7
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD11	14	1.47	0.48	1.44
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD12	14	1.47	0.48	1.44
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD13	14	1.47	0.48	1.44
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD21	14	1.47	0.48	1.44
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD22	14	1.47	0.48	1.44
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD23	14	1.47	0.48	1.44
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD11	14	1.47	0.48	1.44
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD12	14	1.47	0.48	1.44
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD13	14	1.47	0.48	1.44
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD21	14	1.47	0.48	1.44
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD22	14	1.47	0.48	1.44
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD23	14	1.47	0.48	1.44
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD11	14	1.47	0.48	1.44
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD12	14	1.47	0.48	1.44
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD13	14	1.47	0.48	1.44
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD21	14	1.47	0.48	1.44
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD22	14	1.47	0.48	1.44
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD23	14	1.47	0.48	1.44
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:H	14	1.46	0.59	1.5
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:H	14	1.46	0.59	1.5
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:H	14	1.46	0.59	1.5
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG12	1:166:A:HIS:H	14	1.45	0.44	1.48
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG13	1:166:A:HIS:H	14	1.45	0.44	1.48
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB2	14	1.43	0.54	1.42
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB3	14	1.43	0.54	1.42
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB2	14	1.43	0.54	1.42
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB3	14	1.43	0.54	1.42
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD1	14	1.4	0.55	1.53
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD2	14	1.4	0.55	1.53
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD1	14	1.4	0.55	1.53
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD2	14	1.4	0.55	1.53
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD1	14	1.4	0.55	1.53
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD2	14	1.4	0.55	1.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD11	14	1.39	0.75	1.19
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD12	14	1.39	0.75	1.19
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD13	14	1.39	0.75	1.19
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD21	14	1.39	0.75	1.19
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD22	14	1.39	0.75	1.19
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD23	14	1.39	0.75	1.19
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB1	14	1.37	0.56	1.23
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB2	14	1.37	0.56	1.23
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB3	14	1.37	0.56	1.23
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB1	14	1.37	0.56	1.23
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB2	14	1.37	0.56	1.23
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB3	14	1.37	0.56	1.23
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB1	14	1.37	0.56	1.23
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB2	14	1.37	0.56	1.23
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB3	14	1.37	0.56	1.23
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD11	14	1.36	1.0	1.38
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD12	14	1.36	1.0	1.38
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD13	14	1.36	1.0	1.38
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB2	14	1.35	0.56	1.52
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB3	14	1.35	0.56	1.52
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB2	14	1.35	0.56	1.52
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB3	14	1.35	0.56	1.52
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB2	14	1.35	0.56	1.52
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB3	14	1.35	0.56	1.52
(4,1850)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	14	1.33	0.49	1.31
(1,176)	1:84:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	14	1.31	0.91	1.02
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD11	14	1.29	0.72	1.23
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD12	14	1.29	0.72	1.23
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD13	14	1.29	0.72	1.23
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD11	14	1.29	0.72	1.23
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD12	14	1.29	0.72	1.23
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD13	14	1.29	0.72	1.23
(4,2838)	1:73:A:ILE:H	1:75:A:SER:H	14	1.29	0.6	1.38
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG11	14	1.28	0.73	1.35
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG12	14	1.28	0.73	1.35
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG13	14	1.28	0.73	1.35
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG11	14	1.28	0.73	1.35
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG12	14	1.28	0.73	1.35
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG13	14	1.28	0.73	1.35
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG11	14	1.28	0.73	1.35
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG12	14	1.28	0.73	1.35
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG13	14	1.28	0.73	1.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD1	14	1.25	0.53	1.37
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD2	14	1.25	0.53	1.37
(4,1651)	1:59:A:PHE:H	1:165:A:LEU:HB2	14	1.24	0.3	1.18
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE21	14	1.24	0.7	1.14
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE22	14	1.24	0.7	1.14
(4,392)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:H	14	1.24	0.33	1.38
(4,392)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:H	14	1.24	0.33	1.38
(4,392)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:H	14	1.24	0.33	1.38
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD11	14	1.23	0.55	1.42
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD12	14	1.23	0.55	1.42
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD13	14	1.23	0.55	1.42
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD21	14	1.23	0.55	1.42
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD22	14	1.23	0.55	1.42
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD23	14	1.23	0.55	1.42
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD11	14	1.23	0.55	1.42
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD12	14	1.23	0.55	1.42
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD13	14	1.23	0.55	1.42
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD21	14	1.23	0.55	1.42
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD22	14	1.23	0.55	1.42
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD23	14	1.23	0.55	1.42
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD11	14	1.23	0.55	1.42
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD12	14	1.23	0.55	1.42
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD13	14	1.23	0.55	1.42
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD21	14	1.23	0.55	1.42
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD22	14	1.23	0.55	1.42
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD23	14	1.23	0.55	1.42
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD21	14	1.22	0.97	0.98
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD22	14	1.22	0.97	0.98
(4,2489)	1:152:A:GLY:H	1:154:A:SER:H	14	1.22	0.52	1.19
(4,4202)	1:56:A:VAL:HB	1:230:A:GLY:H	14	1.22	0.45	1.3
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB2	14	1.18	0.68	1.34
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB3	14	1.18	0.68	1.34
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:H	14	1.18	0.72	1.15
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:H	14	1.18	0.72	1.15
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:H	14	1.18	0.72	1.15
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD21	1:139:A:LEU:H	14	1.18	0.72	1.15
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD22	1:139:A:LEU:H	14	1.18	0.72	1.15
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD23	1:139:A:LEU:H	14	1.18	0.72	1.15
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG2	14	1.18	0.79	1.21
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG3	14	1.18	0.79	1.21
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG2	14	1.18	0.79	1.21
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG3	14	1.18	0.79	1.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HA	14	1.17	0.53	1.35
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HA	14	1.17	0.53	1.35
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HA	14	1.17	0.53	1.35
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HA	14	1.17	0.53	1.35
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HA	14	1.17	0.53	1.35
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HA	14	1.17	0.53	1.35
(2,120)	1:100:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	14	1.14	0.45	1.21
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD21	14	1.14	0.65	1.03
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD22	14	1.14	0.65	1.03
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD23	14	1.14	0.65	1.03
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB2	14	1.14	0.72	1.04
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB3	14	1.14	0.72	1.04
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD11	14	1.13	0.72	0.87
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD12	14	1.13	0.72	0.87
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD13	14	1.13	0.72	0.87
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD11	14	1.11	0.91	0.9
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD12	14	1.11	0.91	0.9
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD13	14	1.11	0.91	0.9
(4,4262)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HB	14	1.09	0.63	1.05
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG2	14	1.09	0.82	0.72
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG3	14	1.09	0.82	0.72
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG2	14	1.09	0.82	0.72
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG3	14	1.09	0.82	0.72
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG2	14	1.09	0.82	0.72
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG3	14	1.09	0.82	0.72
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	14	1.08	0.33	1.1
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	14	1.08	0.33	1.1
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	14	1.08	0.33	1.1
(4,626)	1:120:A:SER:HA	1:126:A:LYS:HA	14	1.07	0.45	1.19
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE1	14	1.06	0.78	0.56
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE2	14	1.06	0.78	0.56
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG2	14	1.03	0.31	1.01
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	14	1.03	0.31	1.01
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD11	1:114:A:ASN:H	14	1.03	0.8	0.56
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD12	1:114:A:ASN:H	14	1.03	0.8	0.56
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD13	1:114:A:ASN:H	14	1.03	0.8	0.56
(4,1946)	1:69:A:THR:HG21	1:71:A:GLN:H	14	1.01	0.51	0.96
(4,1946)	1:69:A:THR:HG22	1:71:A:GLN:H	14	1.01	0.51	0.96
(4,1946)	1:69:A:THR:HG23	1:71:A:GLN:H	14	1.01	0.51	0.96
(4,745)	1:95:A:ILE:HD11	1:97:A:HIS:H	14	0.99	0.29	1.0
(4,745)	1:95:A:ILE:HD12	1:97:A:HIS:H	14	0.99	0.29	1.0
(4,745)	1:95:A:ILE:HD13	1:97:A:HIS:H	14	0.99	0.29	1.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,4069)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:H	14	0.99	0.43	0.88
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB2	1:236:A:GLU:H	14	0.98	0.15	1.0
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB3	1:236:A:GLU:H	14	0.98	0.15	1.0
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD11	14	0.96	0.44	0.98
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD12	14	0.96	0.44	0.98
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD13	14	0.96	0.44	0.98
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD21	14	0.96	0.44	0.98
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD22	14	0.96	0.44	0.98
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD23	14	0.96	0.44	0.98
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD11	14	0.96	0.44	0.98
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD12	14	0.96	0.44	0.98
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD13	14	0.96	0.44	0.98
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD21	14	0.96	0.44	0.98
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD22	14	0.96	0.44	0.98
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD23	14	0.96	0.44	0.98
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	14	0.92	0.43	0.92
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	14	0.92	0.43	0.92
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	14	0.92	0.43	0.92
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG21	14	0.92	0.47	0.79
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG22	14	0.92	0.47	0.79
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG23	14	0.92	0.47	0.79
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG21	14	0.9	0.41	1.02
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG22	14	0.9	0.41	1.02
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG23	14	0.9	0.41	1.02
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB2	14	0.87	0.65	0.78
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB3	14	0.87	0.65	0.78
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB2	14	0.87	0.65	0.78
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB3	14	0.87	0.65	0.78
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB2	14	0.87	0.65	0.78
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB3	14	0.87	0.65	0.78
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE1	14	0.86	0.5	0.74
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE2	14	0.86	0.5	0.74
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD1	14	0.84	0.58	0.7
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD2	14	0.84	0.58	0.7
(4,2324)	1:65:A:ARG:H	1:67:A:SER:H	14	0.83	0.3	0.91
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD2	14	0.81	0.48	0.92
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD3	14	0.81	0.48	0.92
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD2	14	0.81	0.48	0.92
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD3	14	0.81	0.48	0.92
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:H	14	0.81	0.41	0.73
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:H	14	0.81	0.41	0.73
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:H	14	0.81	0.41	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2079)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HG	14	0.79	0.5	0.62
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD21	14	0.78	0.41	0.82
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD22	14	0.78	0.41	0.82
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB1	14	0.76	0.48	0.7
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB2	14	0.76	0.48	0.7
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB3	14	0.76	0.48	0.7
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD2	14	0.74	0.39	0.72
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD3	14	0.74	0.39	0.72
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD2	14	0.74	0.39	0.72
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD3	14	0.74	0.39	0.72
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	14	0.72	0.36	0.64
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	14	0.72	0.36	0.64
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	14	0.72	0.36	0.64
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	14	0.72	0.36	0.64
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	14	0.72	0.36	0.64
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	14	0.72	0.36	0.64
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	14	0.71	0.64	0.46
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	14	0.71	0.64	0.46
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	14	0.71	0.64	0.46
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	14	0.71	0.64	0.46
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	14	0.71	0.64	0.46
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	14	0.71	0.64	0.46
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD1	14	0.65	0.29	0.67
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD2	14	0.65	0.29	0.67
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG12	1:206:A:LEU:H	14	0.61	0.35	0.55
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG13	1:206:A:LEU:H	14	0.61	0.35	0.55
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD11	14	0.59	0.32	0.68
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD12	14	0.59	0.32	0.68
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD13	14	0.59	0.32	0.68
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD21	14	0.59	0.32	0.68
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD22	14	0.59	0.32	0.68
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD23	14	0.59	0.32	0.68
(4,3864)	1:73:A:ILE:H	1:187:A:GLY:H	14	0.58	0.3	0.58
(4,2041)	1:95:A:ILE:HA	1:98:A:SER:HA	14	0.55	0.25	0.52
(4,2692)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HB3	14	0.52	0.36	0.44
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD11	14	0.51	0.28	0.47
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD12	14	0.51	0.28	0.47
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD13	14	0.51	0.28	0.47
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD21	14	0.51	0.28	0.47
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD22	14	0.51	0.28	0.47
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD23	14	0.51	0.28	0.47
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB2	14	0.46	0.28	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB3	14	0.46	0.28	0.38
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG21	14	0.43	0.19	0.46
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG22	14	0.43	0.19	0.46
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG23	14	0.43	0.19	0.46
(4,1400)	1:67:A:SER:H	1:68:A:SER:HA	14	0.42	0.23	0.39
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD11	1:38:A:SER:H	14	0.36	0.18	0.32
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD12	1:38:A:SER:H	14	0.36	0.18	0.32
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD13	1:38:A:SER:H	14	0.36	0.18	0.32
(4,2958)	1:52:A:VAL:H	1:54:A:ALA:H	14	0.35	0.13	0.34
(4,3207)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:H	14	0.34	0.15	0.32
(4,1353)	1:29:A:ASN:H	1:29:A:ASN:HD22	14	0.29	0.11	0.26
(5,359)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	13	16.78	6.39	19.45
(5,419)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	13	16.19	5.96	16.75
(5,366)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	13	15.07	5.74	17.25
(5,500)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	13	14.93	6.04	17.02
(5,605)	1:5:A:ASN:ND2	1:198:A:ALA:H	13	13.94	5.88	16.24
(5,344)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	13	13.87	5.51	16.49
(5,345)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	13	13.12	5.36	15.38
(5,521)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	13	12.51	5.74	14.69
(5,403)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	13	12.37	5.83	12.73
(5,343)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	13	12.0	5.9	12.34
(5,379)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	13	11.89	4.92	13.08
(5,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	13	11.82	7.73	12.55
(5,397)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	13	11.76	4.91	10.59
(5,339)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	13	11.47	7.09	14.67
(5,385)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	13	11.35	6.31	12.9
(5,389)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	13	11.21	4.82	10.26
(5,621)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	13	11.09	5.55	10.01
(5,443)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	13	10.92	5.99	9.96
(5,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	13	10.84	5.43	11.64
(5,578)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	13	10.6	5.46	8.69
(5,609)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	13	10.29	6.44	10.63
(5,352)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	13	9.94	5.01	10.75
(5,410)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	13	9.94	4.65	10.45
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:HA	13	9.9	4.1	9.69
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:HA	13	9.9	4.1	9.69
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:HA	13	9.9	4.1	9.69
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:HA	13	9.9	4.1	9.69
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:HA	13	9.9	4.1	9.69
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:HA	13	9.9	4.1	9.69
(5,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	13	9.82	6.02	9.01
(5,454)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	13	9.78	5.8	10.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(5,439)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	13	9.54	6.31	10.65
(5,461)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	13	9.54	5.78	8.74
(5,496)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	13	9.27	4.28	10.05
(5,570)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	13	9.22	5.49	7.87
(5,486)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	13	9.13	5.11	7.53
(5,538)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	13	8.93	6.17	9.89
(5,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	13	8.58	5.93	9.32
(5,416)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	13	8.42	4.66	8.62
(5,647)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	13	8.41	5.24	6.22
(5,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	13	8.2	4.93	6.91
(5,579)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	13	8.14	4.86	8.5
(5,346)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	13	7.86	5.83	5.37
(5,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	13	7.77	4.71	8.9
(5,387)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	13	7.74	3.94	8.35
(5,571)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	13	7.61	6.06	6.11
(5,485)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	13	7.45	4.54	8.54
(5,534)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	13	7.4	5.83	4.91
(5,441)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	13	6.57	5.76	4.63
(5,402)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	13	4.77	4.67	3.81
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG11	13	4.77	2.87	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG12	13	4.77	2.87	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG13	13	4.77	2.87	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG21	13	4.77	2.87	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG22	13	4.77	2.87	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG23	13	4.77	2.87	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG11	13	4.77	2.87	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG12	13	4.77	2.87	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG13	13	4.77	2.87	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG21	13	4.77	2.87	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG22	13	4.77	2.87	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG23	13	4.77	2.87	4.4
(4,3395)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA2	13	3.99	2.11	4.95
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD11	13	3.88	2.23	3.66
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD12	13	3.88	2.23	3.66
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD13	13	3.88	2.23	3.66
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD21	13	3.88	2.23	3.66
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD22	13	3.88	2.23	3.66
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD23	13	3.88	2.23	3.66
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD11	13	3.88	2.23	3.66
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD12	13	3.88	2.23	3.66
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD13	13	3.88	2.23	3.66
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD21	13	3.88	2.23	3.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD22	13	3.88	2.23	3.66
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD23	13	3.88	2.23	3.66
(4,2821)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HE1	13	3.65	2.32	2.46
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB2	13	3.61	2.06	3.15
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB3	13	3.61	2.06	3.15
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB2	13	3.61	2.06	3.15
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB3	13	3.61	2.06	3.15
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD11	1:152:A:GLY:H	13	3.05	1.92	2.95
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD12	1:152:A:GLY:H	13	3.05	1.92	2.95
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD13	1:152:A:GLY:H	13	3.05	1.92	2.95
(4,896)	1:82:A:PHE:HE1	1:127:A:ASN:H	13	3.03	2.18	1.66
(4,896)	1:82:A:PHE:HE2	1:127:A:ASN:H	13	3.03	2.18	1.66
(4,2839)	1:31:A:TRP:HZ3	1:53:A:LYS:H	13	2.86	1.98	2.7
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE1	13	2.68	1.54	2.71
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE2	13	2.68	1.54	2.71
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE1	13	2.68	1.54	2.71
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE2	13	2.68	1.54	2.71
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE1	13	2.68	1.54	2.71
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE2	13	2.68	1.54	2.71
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	13	2.67	1.95	1.98
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	13	2.67	1.95	1.98
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE2	1:217:A:ASN:HA	13	2.51	1.81	1.37
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE3	1:217:A:ASN:HA	13	2.51	1.81	1.37
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE1	13	2.4	2.35	1.13
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE2	13	2.4	2.35	1.13
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD11	13	2.4	1.35	2.63
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD12	13	2.4	1.35	2.63
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD13	13	2.4	1.35	2.63
(4,599)	1:11:A:ILE:HG13	1:14:A:ASN:H	13	2.37	1.39	2.46
(4,957)	1:62:A:ASN:HD21	1:65:A:ARG:H	13	2.34	1.05	2.74
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD21	13	2.31	1.21	2.57
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD22	13	2.31	1.21	2.57
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE1	1:230:A:GLY:H	13	2.11	0.88	2.2
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE2	1:230:A:GLY:H	13	2.11	0.88	2.2
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG12	13	2.04	1.21	1.93
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG13	13	2.04	1.21	1.93
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG12	13	2.04	1.21	1.93
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG13	13	2.04	1.21	1.93
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG12	13	2.04	1.21	1.93
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG13	13	2.04	1.21	1.93
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE1	1:95:A:ILE:H	13	1.98	0.9	2.03
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE2	1:95:A:ILE:H	13	1.98	0.9	2.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE22	13	1.97	1.05	2.07
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE22	13	1.97	1.05	2.07
(4,4036)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD21	13	1.95	0.99	2.28
(4,1830)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD22	13	1.92	1.11	1.94
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG21	1:139:A:LEU:CD1	13	1.91	1.12	1.91
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG22	1:139:A:LEU:CD1	13	1.91	1.12	1.91
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG23	1:139:A:LEU:CD1	13	1.91	1.12	1.91
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD1	13	1.91	1.09	1.76
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD2	13	1.91	1.09	1.76
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD11	13	1.89	0.91	2.1
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD12	13	1.89	0.91	2.1
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD13	13	1.89	0.91	2.1
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD11	13	1.86	0.53	1.93
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD12	13	1.86	0.53	1.93
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD13	13	1.86	0.53	1.93
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD11	13	1.85	0.84	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD12	13	1.85	0.84	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD13	13	1.85	0.84	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD11	13	1.85	0.84	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD12	13	1.85	0.84	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD13	13	1.85	0.84	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD11	13	1.85	0.84	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD12	13	1.85	0.84	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD13	13	1.85	0.84	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD11	13	1.85	0.84	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD12	13	1.85	0.84	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD13	13	1.85	0.84	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD11	13	1.85	0.84	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD12	13	1.85	0.84	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD13	13	1.85	0.84	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD11	13	1.85	0.84	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD12	13	1.85	0.84	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD13	13	1.85	0.84	1.74
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD21	13	1.81	0.62	1.86
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD22	13	1.81	0.62	1.86
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD21	13	1.81	0.62	1.86
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD22	13	1.81	0.62	1.86
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD21	13	1.81	0.62	1.86
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD22	13	1.81	0.62	1.86
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD21	13	1.81	0.62	1.86
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD22	13	1.81	0.62	1.86
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD21	13	1.81	0.62	1.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD22	13	1.81	0.62	1.86
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD21	13	1.81	0.62	1.86
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD22	13	1.81	0.62	1.86
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG21	13	1.81	0.84	1.86
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG22	13	1.81	0.84	1.86
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG23	13	1.81	0.84	1.86
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD21	1:160:A:THR:H	13	1.8	1.03	1.73
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD22	1:160:A:THR:H	13	1.8	1.03	1.73
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:H	13	1.74	0.46	1.91
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:H	13	1.74	0.46	1.91
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:H	13	1.74	0.46	1.91
(4,2795)	1:119:A:GLN:HE21	1:127:A:ASN:H	13	1.73	1.0	1.41
(4,2910)	1:138:A:VAL:HB	1:141:A:VAL:HB	13	1.73	1.15	1.25
(2,396)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	13	1.71	1.06	1.42
(4,1492)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG3	13	1.7	0.94	1.51
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:H	13	1.67	0.75	1.77
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:H	13	1.67	0.75	1.77
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:H	13	1.67	0.75	1.77
(4,211)	1:83:A:LYS:HD2	1:86:A:VAL:H	13	1.62	0.68	1.69
(4,211)	1:83:A:LYS:HD3	1:86:A:VAL:H	13	1.62	0.68	1.69
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG11	13	1.6	0.55	1.74
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG12	13	1.6	0.55	1.74
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG13	13	1.6	0.55	1.74
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG11	13	1.6	0.55	1.74
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG12	13	1.6	0.55	1.74
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG13	13	1.6	0.55	1.74
(4,940)	1:153:A:GLN:HE21	1:154:A:SER:HA	13	1.59	0.96	1.57
(4,82)	1:34:A:PHE:HE1	1:235:A:TRP:H	13	1.59	0.99	1.57
(4,82)	1:34:A:PHE:HE2	1:235:A:TRP:H	13	1.59	0.99	1.57
(4,1910)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD21	13	1.58	0.24	1.66
(4,2631)	1:68:A:SER:HA	1:70:A:SER:H	13	1.54	0.64	1.43
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD1	13	1.52	0.39	1.59
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD2	13	1.52	0.39	1.59
(4,33)	1:72:A:GLN:HG2	1:74:A:THR:H	13	1.47	0.69	1.5
(4,33)	1:72:A:GLN:HG3	1:74:A:THR:H	13	1.47	0.69	1.5
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD21	13	1.46	0.81	1.63
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD22	13	1.46	0.81	1.63
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD21	13	1.46	0.81	1.63
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD22	13	1.46	0.81	1.63
(4,252)	1:160:A:THR:H	1:161:A:ALA:H	13	1.46	0.42	1.58
(4,164)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG12	13	1.43	0.93	1.74
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG12	13	1.42	0.69	1.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG12	13	1.42	0.69	1.44
(4,42)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE22	13	1.4	0.44	1.28
(4,42)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE22	13	1.4	0.44	1.28
(4,42)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE22	13	1.4	0.44	1.28
(4,42)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE22	13	1.4	0.44	1.28
(4,42)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE22	13	1.4	0.44	1.28
(4,42)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE22	13	1.4	0.44	1.28
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	13	1.37	0.75	1.67
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	13	1.37	0.75	1.67
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	13	1.37	0.75	1.67
(4,2893)	1:153:A:GLN:HA	1:157:A:PRO:HD3	13	1.36	0.98	1.12
(4,4046)	1:38:A:SER:H	1:39:A:LEU:HG	13	1.34	0.75	1.74
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD1	13	1.34	0.64	1.3
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD2	13	1.34	0.64	1.3
(4,3907)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB2	13	1.32	0.61	1.09
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD21	13	1.3	0.61	1.33
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD22	13	1.3	0.61	1.33
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD21	13	1.3	0.61	1.33
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD22	13	1.3	0.61	1.33
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG2	13	1.28	0.84	0.92
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG3	13	1.28	0.84	0.92
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG2	13	1.28	0.84	0.92
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG3	13	1.28	0.84	0.92
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD1	13	1.28	0.26	1.19
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD2	13	1.28	0.26	1.19
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB2	13	1.25	0.44	1.32
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB3	13	1.25	0.44	1.32
(4,2764)	1:119:A:GLN:HE22	1:134:A:THR:H	13	1.23	0.53	1.38
(4,1603)	1:97:A:HIS:HD1	1:182:A:GLY:H	13	1.22	0.89	0.86
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD21	13	1.22	0.61	1.17
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD22	13	1.22	0.61	1.17
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD23	13	1.22	0.61	1.17
(4,2590)	1:64:A:ASP:HA	1:66:A:LYS:H	13	1.16	0.57	0.89
(4,203)	1:110:A:SER:HG	1:114:A:ASN:H	13	1.14	0.61	1.15
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD21	13	1.13	0.33	1.19
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD22	13	1.13	0.33	1.19
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG2	13	1.12	0.72	1.05
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG3	13	1.12	0.72	1.05
(4,3202)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA2	13	1.09	0.57	1.08
(4,3202)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA2	13	1.09	0.57	1.08
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD11	13	1.08	0.51	0.99
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD12	13	1.08	0.51	0.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD13	13	1.08	0.51	0.99
(4,2301)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:H	13	1.08	0.18	1.09
(4,899)	1:153:A:GLN:H	1:154:A:SER:H	13	1.03	0.12	0.97
(4,589)	1:83:A:LYS:HA	1:183:A:ARG:H	13	1.02	0.35	1.13
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	13	1.0	0.72	0.99
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	13	1.0	0.72	0.99
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	13	1.0	0.72	0.99
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	13	1.0	0.72	0.99
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	13	1.0	0.72	0.99
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	13	1.0	0.72	0.99
(1,85)	1:206:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	13	0.99	1.02	0.6
(1,112)	1:211:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	13	0.96	0.9	0.51
(4,1134)	1:151:A:THR:H	1:152:A:GLY:H	13	0.96	0.35	1.1
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD11	13	0.96	0.54	0.87
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD12	13	0.96	0.54	0.87
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD13	13	0.96	0.54	0.87
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD21	13	0.96	0.54	0.87
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD22	13	0.96	0.54	0.87
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD23	13	0.96	0.54	0.87
(4,1800)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD21	13	0.95	0.57	0.73
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG21	13	0.95	0.49	0.82
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG22	13	0.95	0.49	0.82
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG23	13	0.95	0.49	0.82
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:H	13	0.95	0.24	0.91
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:H	13	0.95	0.24	0.91
(4,3799)	1:154:A:SER:HB2	1:157:A:PRO:HD3	13	0.95	0.77	0.69
(4,3799)	1:154:A:SER:HB3	1:157:A:PRO:HD3	13	0.95	0.77	0.69
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	13	0.94	0.61	0.7
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	13	0.94	0.61	0.7
(4,1052)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:H	13	0.91	0.31	0.92
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG2	13	0.91	0.6	0.73
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG3	13	0.91	0.6	0.73
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG2	13	0.91	0.6	0.73
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG3	13	0.91	0.6	0.73
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG11	1:12:A:GLU:H	13	0.9	0.52	0.78
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG12	1:12:A:GLU:H	13	0.9	0.52	0.78
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG13	1:12:A:GLU:H	13	0.9	0.52	0.78
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:GLU:H	13	0.9	0.52	0.78
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:GLU:H	13	0.9	0.52	0.78
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:GLU:H	13	0.9	0.52	0.78
(4,170)	1:61:A:ILE:HD11	1:166:A:HIS:H	13	0.89	0.29	0.88
(4,170)	1:61:A:ILE:HD12	1:166:A:HIS:H	13	0.89	0.29	0.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,170)	1:61:A:ILE:HD13	1:166:A:HIS:H	13	0.89	0.29	0.88
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD11	13	0.88	0.24	0.95
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD12	13	0.88	0.24	0.95
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD13	13	0.88	0.24	0.95
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG21	13	0.87	0.41	0.99
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG22	13	0.87	0.41	0.99
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG23	13	0.87	0.41	0.99
(4,1534)	1:38:A:SER:HB2	1:44:A:LEU:HA	13	0.87	0.39	0.95
(4,1534)	1:38:A:SER:HB3	1:44:A:LEU:HA	13	0.87	0.39	0.95
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HZ3	13	0.87	0.5	0.77
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HZ3	13	0.87	0.5	0.77
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HZ3	13	0.87	0.5	0.77
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HZ3	13	0.87	0.5	0.77
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HZ3	13	0.87	0.5	0.77
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HZ3	13	0.87	0.5	0.77
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE1	13	0.86	0.6	0.78
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE2	13	0.86	0.6	0.78
(4,987)	1:19:A:THR:HG1	1:21:A:PHE:H	13	0.83	0.41	0.9
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB3	13	0.83	0.7	0.7
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB3	13	0.83	0.7	0.7
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB3	13	0.83	0.7	0.7
(4,1914)	1:19:A:THR:HG21	1:32:A:ALA:H	13	0.82	0.49	0.7
(4,1914)	1:19:A:THR:HG22	1:32:A:ALA:H	13	0.82	0.49	0.7
(4,1914)	1:19:A:THR:HG23	1:32:A:ALA:H	13	0.82	0.49	0.7
(4,3010)	1:81:A:TRP:H	1:127:A:ASN:HD22	13	0.82	0.5	0.6
(4,2725)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD22	13	0.82	0.2	0.87
(4,3576)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:HD21	13	0.79	0.57	0.54
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE21	13	0.76	0.53	0.55
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE22	13	0.76	0.53	0.55
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD2	13	0.75	0.29	0.68
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD3	13	0.75	0.29	0.68
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD2	13	0.75	0.29	0.68
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD3	13	0.75	0.29	0.68
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	13	0.75	0.36	0.83
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	13	0.75	0.36	0.83
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD11	13	0.7	0.46	0.57
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD12	13	0.7	0.46	0.57
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD13	13	0.7	0.46	0.57
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD21	13	0.7	0.46	0.57
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD22	13	0.7	0.46	0.57
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD23	13	0.7	0.46	0.57
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG2	13	0.67	0.24	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG3	13	0.67	0.24	0.77
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD11	13	0.64	0.47	0.48
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD12	13	0.64	0.47	0.48
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD13	13	0.64	0.47	0.48
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD21	13	0.64	0.47	0.48
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD22	13	0.64	0.47	0.48
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD23	13	0.64	0.47	0.48
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD11	13	0.63	0.45	0.49
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD12	13	0.63	0.45	0.49
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD13	13	0.63	0.45	0.49
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB2	1:5:A:ASN:HD21	13	0.63	0.51	0.6
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB3	1:5:A:ASN:HD21	13	0.63	0.51	0.6
(4,679)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:H	13	0.63	0.4	0.49
(4,679)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:H	13	0.63	0.4	0.49
(4,679)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:H	13	0.63	0.4	0.49
(4,679)	1:57:A:LEU:HD21	1:214:A:TYR:H	13	0.63	0.4	0.49
(4,679)	1:57:A:LEU:HD22	1:214:A:TYR:H	13	0.63	0.4	0.49
(4,679)	1:57:A:LEU:HD23	1:214:A:TYR:H	13	0.63	0.4	0.49
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG11	1:22:A:ALA:H	13	0.56	0.3	0.55
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG12	1:22:A:ALA:H	13	0.56	0.3	0.55
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG13	1:22:A:ALA:H	13	0.56	0.3	0.55
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG21	1:22:A:ALA:H	13	0.56	0.3	0.55
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG22	1:22:A:ALA:H	13	0.56	0.3	0.55
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG23	1:22:A:ALA:H	13	0.56	0.3	0.55
(4,500)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HB	13	0.52	0.27	0.48
(4,4070)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:H	13	0.52	0.19	0.57
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB2	1:168:A:ILE:H	13	0.48	0.23	0.44
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB3	1:168:A:ILE:H	13	0.48	0.23	0.44
(4,4054)	1:23:A:HIS:HD2	1:24:A:LYS:H	13	0.45	0.15	0.46
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB2	13	0.42	0.21	0.45
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB3	13	0.42	0.21	0.45
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD21	13	0.39	0.19	0.34
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD22	13	0.39	0.19	0.34
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD21	13	0.39	0.19	0.34
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD22	13	0.39	0.19	0.34
(4,3154)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:H	13	0.38	0.17	0.4
(4,3957)	1:102:A:ASN:H	1:105:A:LEU:H	13	0.37	0.12	0.38
(4,991)	1:137:A:PHE:HB2	1:139:A:LEU:H	13	0.35	0.16	0.36
(3,13)	1:177:A:ILE:O	1:191:A:LEU:H	13	0.34	0.22	0.23
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB2	13	0.33	0.21	0.21
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB3	13	0.33	0.21	0.21
(3,5)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:O	13	0.24	0.1	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(5,528)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	12	16.12	4.92	17.56
(5,409)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	12	15.27	3.9	14.17
(5,575)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	12	13.74	4.56	13.9
(5,572)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	12	13.71	4.36	13.26
(5,386)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	12	13.19	3.78	12.44
(5,617)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	12	13.05	4.8	14.18
(5,590)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	12	12.88	4.9	15.11
(5,482)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	12	12.56	5.62	11.18
(5,628)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	12	12.37	5.02	14.38
(5,620)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	12	12.24	5.01	12.04
(5,616)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	12	11.72	5.09	12.84
(5,595)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	12	11.71	3.01	11.07
(5,529)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	12	11.69	6.97	12.47
(5,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	12	11.59	4.93	12.66
(5,382)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	12	11.52	5.56	10.37
(5,619)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	12	11.46	3.78	10.72
(5,658)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	12	11.29	4.75	10.76
(5,568)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	12	10.96	6.24	11.26
(5,648)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	12	10.86	3.76	12.34
(5,654)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	12	10.84	4.66	10.76
(5,652)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	12	10.74	4.93	11.81
(5,472)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	12	10.71	3.76	12.19
(5,589)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	12	10.26	5.91	10.61
(5,361)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	12	10.2	3.99	11.16
(5,434)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	12	10.15	4.94	9.62
(5,784)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	12	10.07	4.62	8.56
(5,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	12	10.03	5.29	10.09
(5,623)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	12	9.96	4.89	11.86
(5,445)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	12	9.92	5.89	11.04
(5,404)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	12	9.78	4.69	9.82
(5,467)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	12	9.76	2.97	8.89
(5,421)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	12	9.5	4.89	8.57
(5,526)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	12	9.09	4.82	8.18
(5,776)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	12	8.97	4.66	7.94
(5,524)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	12	8.91	5.39	9.88
(5,508)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	12	8.6	4.59	8.82
(5,660)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	12	8.36	3.24	8.09
(5,514)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	12	8.28	4.79	7.54
(5,684)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	12	8.22	5.01	8.02
(5,364)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	12	8.15	4.82	7.24
(5,541)	1:5:A:ASN:ND2	1:178:A:PHE:H	12	8.04	5.1	6.32
(5,643)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	12	8.0	5.77	6.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(5,649)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	12	8.0	4.87	8.41
(5,525)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	12	7.43	4.29	6.49
(5,634)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	12	6.91	4.69	6.94
(5,431)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	12	6.85	3.24	6.57
(5,392)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	12	6.83	3.31	7.18
(5,786)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	12	6.79	4.41	4.97
(5,338)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	12	6.7	3.64	6.55
(5,611)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	12	6.19	5.13	4.77
(5,418)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	12	6.08	4.5	5.83
(5,453)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	12	6.07	3.35	5.88
(5,728)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	12	6.03	4.75	5.5
(5,553)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	12	6.02	4.5	5.77
(5,629)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	12	5.97	3.25	5.18
(5,664)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	12	5.94	3.35	5.74
(5,597)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	12	5.41	2.82	5.3
(5,455)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	12	5.02	3.66	4.26
(4,827)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA3	12	4.94	2.57	5.34
(5,383)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	12	4.51	2.82	4.4
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD21	12	4.06	1.66	4.26
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD22	12	4.06	1.66	4.26
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD23	12	4.06	1.66	4.26
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD21	12	4.06	1.66	4.26
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD22	12	4.06	1.66	4.26
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD23	12	4.06	1.66	4.26
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE1	12	3.82	0.69	4.07
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE2	12	3.82	0.69	4.07
(5,341)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	12	3.77	2.91	2.9
(4,3431)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HZ2	12	3.64	2.74	2.83
(5,491)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	12	3.63	3.25	2.84
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE1	12	3.56	0.85	3.82
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE2	12	3.56	0.85	3.82
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE1	12	3.02	0.74	3.3
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE2	12	3.02	0.74	3.3
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG21	12	2.92	2.03	2.56
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG22	12	2.92	2.03	2.56
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG23	12	2.92	2.03	2.56
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG21	12	2.92	2.03	2.56
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG22	12	2.92	2.03	2.56
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG23	12	2.92	2.03	2.56
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG21	12	2.92	2.03	2.56
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG22	12	2.92	2.03	2.56
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG23	12	2.92	2.03	2.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2694)	1:62:A:ASN:HD22	1:65:A:ARG:H	12	2.85	1.44	3.19
(5,633)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	12	2.83	2.91	1.96
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG2	12	2.45	1.48	2.36
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG3	12	2.45	1.48	2.36
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG2	12	2.45	1.48	2.36
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG3	12	2.45	1.48	2.36
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD21	12	2.3	1.2	2.17
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD22	12	2.3	1.2	2.17
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD1	12	2.19	0.94	2.24
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD2	12	2.19	0.94	2.24
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD1	12	2.19	0.94	2.24
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD2	12	2.19	0.94	2.24
(4,3507)	1:153:A:GLN:HE22	1:155:A:GLU:H	12	2.14	0.95	1.88
(4,1590)	1:15:A:PRO:HG2	1:34:A:PHE:HA	12	1.94	0.68	2.04
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG2	1:157:A:PRO:HB3	12	1.84	1.72	1.14
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG3	1:157:A:PRO:HB3	12	1.84	1.72	1.14
(4,3863)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE22	12	1.83	0.62	1.98
(4,1626)	1:95:A:ILE:H	1:98:A:SER:HG	12	1.81	0.93	2.01
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD21	12	1.79	0.94	1.45
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD22	12	1.79	0.94	1.45
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD23	12	1.79	0.94	1.45
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD21	12	1.79	0.94	1.45
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD22	12	1.79	0.94	1.45
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD23	12	1.79	0.94	1.45
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD11	12	1.75	1.14	1.4
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD12	12	1.75	1.14	1.4
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD13	12	1.75	1.14	1.4
(4,1112)	1:81:A:TRP:HZ2	1:181:A:ASP:H	12	1.71	1.16	1.92
(4,2868)	1:15:A:PRO:HG2	1:35:A:ASP:H	12	1.7	0.76	1.9
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD21	12	1.6	0.81	1.39
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD22	12	1.6	0.81	1.39
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG2	1:177:A:ILE:H	12	1.56	0.6	1.72
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG3	1:177:A:ILE:H	12	1.56	0.6	1.72
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	12	1.53	0.83	1.32
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	12	1.53	0.83	1.32
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	12	1.53	0.83	1.32
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	12	1.53	0.83	1.32
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	12	1.53	0.83	1.32
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	12	1.53	0.83	1.32
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	12	1.53	0.83	1.32
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	12	1.53	0.83	1.32
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	12	1.53	0.83	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	12	1.53	0.83	1.32
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	12	1.53	0.83	1.32
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	12	1.53	0.83	1.32
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:H	12	1.53	0.68	1.72
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:H	12	1.53	0.68	1.72
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:H	12	1.53	0.68	1.72
(4,1476)	1:29:A:ASN:HB2	1:30:A:GLU:HG2	12	1.49	0.88	1.36
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD21	12	1.49	0.74	1.48
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD22	12	1.49	0.74	1.48
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD23	12	1.49	0.74	1.48
(2,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	12	1.46	1.33	0.98
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG12	12	1.45	0.5	1.72
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG13	12	1.45	0.5	1.72
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG21	12	1.44	0.88	1.0
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG22	12	1.44	0.88	1.0
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG23	12	1.44	0.88	1.0
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG21	12	1.44	0.88	1.0
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG22	12	1.44	0.88	1.0
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG23	12	1.44	0.88	1.0
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG2	12	1.43	0.59	1.48
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG3	12	1.43	0.59	1.48
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG2	12	1.43	0.59	1.48
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG3	12	1.43	0.59	1.48
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG2	12	1.43	0.59	1.48
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG3	12	1.43	0.59	1.48
(4,3389)	1:81:A:TRP:HZ2	1:186:A:SER:H	12	1.43	2.04	1.04
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB1	12	1.42	1.12	1.08
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB2	12	1.42	1.12	1.08
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB3	12	1.42	1.12	1.08
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB1	12	1.42	1.12	1.08
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB2	12	1.42	1.12	1.08
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB3	12	1.42	1.12	1.08
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD11	12	1.42	0.59	1.58
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD12	12	1.42	0.59	1.58
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD13	12	1.42	0.59	1.58
(4,829)	1:73:A:ILE:HD11	1:187:A:GLY:H	12	1.41	0.86	1.3
(4,829)	1:73:A:ILE:HD12	1:187:A:GLY:H	12	1.41	0.86	1.3
(4,829)	1:73:A:ILE:HD13	1:187:A:GLY:H	12	1.41	0.86	1.3
(4,2876)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:H	12	1.41	0.9	1.3
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD1	12	1.41	1.15	1.25
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD2	12	1.41	1.15	1.25
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD1	12	1.41	1.15	1.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD2	12	1.41	1.15	1.25
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD11	1:138:A:VAL:H	12	1.39	0.87	1.13
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD12	1:138:A:VAL:H	12	1.39	0.87	1.13
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD13	1:138:A:VAL:H	12	1.39	0.87	1.13
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD21	1:138:A:VAL:H	12	1.39	0.87	1.13
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD22	1:138:A:VAL:H	12	1.39	0.87	1.13
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD23	1:138:A:VAL:H	12	1.39	0.87	1.13
(4,2162)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	12	1.38	0.79	1.2
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD21	12	1.38	0.67	1.48
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD22	12	1.38	0.67	1.48
(4,4136)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG2	12	1.37	0.87	1.1
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD11	1:111:A:ASP:H	12	1.35	0.74	1.47
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD12	1:111:A:ASP:H	12	1.35	0.74	1.47
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD13	1:111:A:ASP:H	12	1.35	0.74	1.47
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:CG1	12	1.34	0.79	1.31
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:CG1	12	1.34	0.79	1.31
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:CG1	12	1.34	0.79	1.31
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG21	12	1.27	0.95	1.02
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG22	12	1.27	0.95	1.02
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG23	12	1.27	0.95	1.02
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG21	12	1.27	0.95	1.02
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG22	12	1.27	0.95	1.02
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG23	12	1.27	0.95	1.02
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG21	12	1.27	0.95	1.02
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG22	12	1.27	0.95	1.02
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG23	12	1.27	0.95	1.02
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG21	12	1.27	0.77	1.4
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG22	12	1.27	0.77	1.4
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG23	12	1.27	0.77	1.4
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG21	12	1.27	0.77	1.4
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG22	12	1.27	0.77	1.4
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG23	12	1.27	0.77	1.4
(4,1037)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:HA	12	1.25	0.72	1.12
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG21	12	1.21	1.07	1.12
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG22	12	1.21	1.07	1.12
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG23	12	1.21	1.07	1.12
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG21	12	1.21	0.62	1.23
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG22	12	1.21	0.62	1.23
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG23	12	1.21	0.62	1.23
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG21	12	1.21	0.62	1.23
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG22	12	1.21	0.62	1.23
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG23	12	1.21	0.62	1.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2520)	1:73:A:ILE:HB	1:75:A:SER:H	12	1.2	0.71	0.9
(4,675)	1:3:A:GLY:H	1:5:A:ASN:H	12	1.19	0.7	1.27
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG21	12	1.18	0.5	1.15
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG22	12	1.18	0.5	1.15
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG23	12	1.18	0.5	1.15
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG21	12	1.18	0.5	1.15
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG22	12	1.18	0.5	1.15
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG23	12	1.18	0.5	1.15
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG21	12	1.18	0.5	1.15
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG22	12	1.18	0.5	1.15
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG23	12	1.18	0.5	1.15
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE1	12	1.18	1.04	0.83
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE2	12	1.18	1.04	0.83
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE1	12	1.18	1.04	0.83
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE2	12	1.18	1.04	0.83
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB1	12	1.16	0.62	1.06
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB2	12	1.16	0.62	1.06
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB3	12	1.16	0.62	1.06
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD21	12	1.16	0.47	1.12
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD22	12	1.16	0.47	1.12
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD21	12	1.16	0.47	1.12
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD22	12	1.16	0.47	1.12
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	12	1.16	0.26	1.27
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	12	1.16	0.26	1.27
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	12	1.16	0.26	1.27
(4,174)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	12	1.16	0.48	1.25
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG21	12	1.15	0.41	1.1
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG22	12	1.15	0.41	1.1
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG23	12	1.15	0.41	1.1
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG21	12	1.15	0.41	1.1
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG22	12	1.15	0.41	1.1
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG23	12	1.15	0.41	1.1
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG21	12	1.15	0.41	1.1
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG22	12	1.15	0.41	1.1
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG23	12	1.15	0.41	1.1
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	12	1.14	0.62	1.08
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	12	1.14	0.62	1.08
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	12	1.14	0.62	1.08
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	12	1.14	0.62	1.08
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	12	1.14	0.62	1.08
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	12	1.14	0.62	1.08
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD21	12	1.1	0.38	1.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD22	12	1.1	0.38	1.08
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD23	12	1.1	0.38	1.08
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE1	1:180:A:LEU:H	12	1.1	0.74	1.06
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE2	1:180:A:LEU:H	12	1.1	0.74	1.06
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG11	12	1.09	0.62	1.25
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG12	12	1.09	0.62	1.25
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG13	12	1.09	0.62	1.25
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG21	12	1.09	0.62	1.25
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG22	12	1.09	0.62	1.25
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG23	12	1.09	0.62	1.25
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG11	12	1.09	0.62	1.25
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG12	12	1.09	0.62	1.25
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG13	12	1.09	0.62	1.25
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG21	12	1.09	0.62	1.25
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG22	12	1.09	0.62	1.25
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG23	12	1.09	0.62	1.25
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG11	12	1.09	0.62	1.25
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG12	12	1.09	0.62	1.25
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG13	12	1.09	0.62	1.25
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG21	12	1.09	0.62	1.25
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG22	12	1.09	0.62	1.25
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG23	12	1.09	0.62	1.25
(4,1220)	1:149:A:PHE:HB3	1:151:A:THR:H	12	1.08	0.49	1.24
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	12	1.08	0.63	1.23
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:H	12	1.08	0.63	1.23
(4,2007)	1:68:A:SER:H	1:70:A:SER:H	12	1.07	0.51	1.15
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD21	12	1.06	0.63	0.86
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD22	12	1.06	0.63	0.86
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD23	12	1.06	0.63	0.86
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG2	1:125:A:SER:H	12	1.03	0.47	0.87
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG3	1:125:A:SER:H	12	1.03	0.47	0.87
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD11	12	1.03	0.44	1.16
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD12	12	1.03	0.44	1.16
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD13	12	1.03	0.44	1.16
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD21	12	1.03	0.42	1.1
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD22	12	1.03	0.42	1.1
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD23	12	1.03	0.42	1.1
(4,2152)	1:63:A:GLU:H	1:65:A:ARG:H	12	1.02	0.42	1.0
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB2	12	1.0	0.38	0.99
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB3	12	1.0	0.38	0.99
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG21	1:54:A:ALA:HA	12	1.0	0.2	1.02
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG22	1:54:A:ALA:HA	12	1.0	0.2	1.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG23	1:54:A:ALA:HA	12	1.0	0.2	1.02
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD1	1:190:A:TYR:H	12	0.98	0.58	0.99
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD2	1:190:A:TYR:H	12	0.98	0.58	0.99
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE21	12	0.97	0.76	0.55
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE22	12	0.97	0.76	0.55
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE21	12	0.97	0.76	0.55
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE22	12	0.97	0.76	0.55
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE21	12	0.97	0.76	0.55
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE22	12	0.97	0.76	0.55
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE21	12	0.97	0.76	0.55
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE22	12	0.97	0.76	0.55
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE21	12	0.97	0.76	0.55
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE22	12	0.97	0.76	0.55
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE21	12	0.97	0.76	0.55
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE22	12	0.97	0.76	0.55
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD1	12	0.96	0.49	0.84
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD2	12	0.96	0.49	0.84
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:H	12	0.95	0.49	1.04
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:H	12	0.95	0.49	1.04
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:H	12	0.95	0.49	1.04
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD11	12	0.95	0.67	0.79
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD12	12	0.95	0.67	0.79
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD13	12	0.95	0.67	0.79
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD21	12	0.95	0.67	0.79
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD22	12	0.95	0.67	0.79
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD23	12	0.95	0.67	0.79
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB2	1:123:A:SER:H	12	0.94	0.25	0.98
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB3	1:123:A:SER:H	12	0.94	0.25	0.98
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD1	1:95:A:ILE:H	12	0.94	0.52	1.03
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD2	1:95:A:ILE:H	12	0.94	0.52	1.03
(4,548)	1:127:A:ASN:HD21	1:128:A:ARG:H	12	0.93	0.32	0.98
(4,375)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	12	0.89	0.76	0.53
(4,375)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	12	0.89	0.76	0.53
(4,375)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	12	0.89	0.76	0.53
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD11	1:144:A:GLU:H	12	0.89	0.23	0.91
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD12	1:144:A:GLU:H	12	0.89	0.23	0.91
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD13	1:144:A:GLU:H	12	0.89	0.23	0.91
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB2	12	0.88	0.51	0.7
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB3	12	0.88	0.51	0.7
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB2	12	0.88	0.51	0.7
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB3	12	0.88	0.51	0.7
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB2	12	0.88	0.51	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB3	12	0.88	0.51	0.7
(4,1841)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:H	12	0.87	0.43	0.82
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD1	1:227:A:ALA:H	12	0.86	0.57	0.66
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD2	1:227:A:ALA:H	12	0.86	0.57	0.66
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG2	12	0.86	0.49	0.82
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG3	12	0.86	0.49	0.82
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD11	12	0.85	0.39	0.81
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD12	12	0.85	0.39	0.81
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD13	12	0.85	0.39	0.81
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD21	12	0.85	0.39	0.81
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD22	12	0.85	0.39	0.81
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD23	12	0.85	0.39	0.81
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG11	12	0.84	0.52	0.76
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG12	12	0.84	0.52	0.76
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG13	12	0.84	0.52	0.76
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG12	12	0.82	0.4	0.8
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG13	12	0.82	0.4	0.8
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HG3	12	0.81	0.41	0.82
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HG3	12	0.81	0.41	0.82
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HG3	12	0.81	0.41	0.82
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	12	0.78	0.35	0.9
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	12	0.78	0.35	0.9
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	12	0.78	0.35	0.9
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD21	12	0.77	0.54	0.68
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD22	12	0.77	0.54	0.68
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD23	12	0.77	0.54	0.68
(4,2084)	1:97:A:HIS:H	1:169:A:THR:HB	12	0.76	0.54	0.59
(4,3055)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:H	12	0.76	0.4	0.86
(4,730)	1:119:A:GLN:H	1:119:A:GLN:HE22	12	0.76	0.32	0.64
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD11	12	0.76	0.55	0.58
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD12	12	0.76	0.55	0.58
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD13	12	0.76	0.55	0.58
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD21	12	0.76	0.55	0.58
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD22	12	0.76	0.55	0.58
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD23	12	0.76	0.55	0.58
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD11	12	0.76	0.55	0.58
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD12	12	0.76	0.55	0.58
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD13	12	0.76	0.55	0.58
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD21	12	0.76	0.55	0.58
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD22	12	0.76	0.55	0.58
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD23	12	0.76	0.55	0.58
(4,416)	1:204:A:GLN:HG2	1:205:A:GLU:HA	12	0.75	0.17	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,416)	1:204:A:GLN:HG3	1:205:A:GLU:HA	12	0.75	0.17	0.7
(2,77)	1:101:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	12	0.75	0.37	0.82
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB2	12	0.74	0.47	0.63
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB3	12	0.74	0.47	0.63
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD2	12	0.73	0.43	0.68
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD3	12	0.73	0.43	0.68
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD2	12	0.73	0.43	0.68
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD3	12	0.73	0.43	0.68
(4,1880)	1:207:A:VAL:HB	1:211:A:VAL:H	12	0.73	0.39	0.74
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD11	1:115:A:PHE:H	12	0.72	0.41	0.65
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD12	1:115:A:PHE:H	12	0.72	0.41	0.65
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD13	1:115:A:PHE:H	12	0.72	0.41	0.65
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD21	1:115:A:PHE:H	12	0.72	0.41	0.65
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD22	1:115:A:PHE:H	12	0.72	0.41	0.65
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD23	1:115:A:PHE:H	12	0.72	0.41	0.65
(4,685)	1:79:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	12	0.7	0.37	0.81
(4,685)	1:79:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	12	0.7	0.37	0.81
(4,685)	1:79:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	12	0.7	0.37	0.81
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG21	12	0.68	0.25	0.62
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG22	12	0.68	0.25	0.62
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG23	12	0.68	0.25	0.62
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD21	12	0.65	0.3	0.65
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD22	12	0.65	0.3	0.65
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD23	12	0.65	0.3	0.65
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD11	12	0.61	0.43	0.47
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD12	12	0.61	0.43	0.47
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD13	12	0.61	0.43	0.47
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD21	12	0.61	0.43	0.47
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD22	12	0.61	0.43	0.47
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD23	12	0.61	0.43	0.47
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:H	12	0.6	0.37	0.57
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:H	12	0.6	0.37	0.57
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:H	12	0.6	0.37	0.57
(4,2970)	1:28:A:LYS:HB2	1:107:A:GLU:H	12	0.58	0.34	0.58
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB2	12	0.57	0.26	0.54
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB3	12	0.57	0.26	0.54
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB2	12	0.57	0.26	0.54
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB3	12	0.57	0.26	0.54
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	12	0.57	0.2	0.59
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	12	0.57	0.2	0.59
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	12	0.57	0.2	0.59
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG2	12	0.55	0.48	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG3	12	0.55	0.48	0.36
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB2	12	0.53	0.26	0.54
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB3	12	0.53	0.26	0.54
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD1	1:193:A:LYS:H	12	0.47	0.31	0.36
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD2	1:193:A:LYS:H	12	0.47	0.31	0.36
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB2	12	0.45	0.25	0.38
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB3	12	0.45	0.25	0.38
(4,1240)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:H	12	0.43	0.23	0.36
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:H	12	0.39	0.12	0.38
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:H	12	0.39	0.12	0.38
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:H	12	0.39	0.12	0.38
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD11	12	0.37	0.27	0.24
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD12	12	0.37	0.27	0.24
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD13	12	0.37	0.27	0.24
(4,422)	1:43:A:GLU:HG2	1:45:A:LEU:H	12	0.36	0.17	0.33
(4,422)	1:43:A:GLU:HG3	1:45:A:LEU:H	12	0.36	0.17	0.33
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG11	12	0.33	0.15	0.34
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG12	12	0.33	0.15	0.34
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG13	12	0.33	0.15	0.34
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG21	12	0.33	0.15	0.34
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG22	12	0.33	0.15	0.34
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG23	12	0.33	0.15	0.34
(4,1192)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB3	12	0.33	0.11	0.32
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB2	12	0.3	0.21	0.25
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB2	12	0.3	0.21	0.25
(3,20)	1:57:A:LEU:O	1:168:A:ILE:H	12	0.24	0.06	0.26
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG21	12	0.22	0.06	0.22
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG22	12	0.22	0.06	0.22
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG23	12	0.22	0.06	0.22
(4,595)	1:173:A:GLU:H	1:174:A:ASN:HB2	12	0.21	0.04	0.22
(4,535)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD21	12	0.15	0.02	0.14
(5,452)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	11	14.3	5.39	15.1
(5,459)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	11	13.29	5.4	15.05
(5,588)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	11	12.77	4.79	13.67
(5,462)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	11	12.01	4.79	12.91
(5,667)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	11	11.19	5.35	13.06
(5,554)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	11	10.49	4.56	12.86
(5,661)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	11	10.24	5.4	11.1
(5,573)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	11	9.79	4.67	11.45
(5,587)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	11	9.61	3.25	10.43
(5,414)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	11	9.28	4.41	9.75
(5,810)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	11	8.88	3.54	9.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(5,752)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	11	8.76	3.13	7.58
(5,783)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	11	8.69	2.93	8.34
(5,798)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	11	8.43	3.28	8.63
(5,606)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	11	8.4	2.92	8.77
(5,537)	1:5:A:ASN:ND2	1:213:A:SER:H	11	8.37	5.18	5.79
(5,567)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	11	8.35	4.41	8.82
(5,624)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	11	8.2	4.61	10.43
(5,627)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	11	8.05	5.26	6.52
(5,407)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	11	7.72	4.3	7.31
(5,563)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	11	7.3	4.8	5.41
(5,435)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	11	7.29	3.95	7.56
(5,444)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	11	7.26	5.78	4.85
(5,618)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	11	7.2	4.18	7.5
(5,540)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	11	7.15	4.79	4.93
(5,476)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	11	7.04	5.74	4.53
(5,484)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	11	6.92	4.36	7.29
(5,585)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	11	6.77	4.48	4.49
(5,762)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	11	6.62	3.12	5.14
(5,799)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	11	6.49	2.97	6.55
(5,638)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	11	6.35	4.46	5.79
(5,501)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	11	5.84	4.48	3.56
(5,547)	1:5:A:ASN:ND2	1:154:A:SER:H	11	5.76	4.07	5.17
(5,372)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	11	5.67	3.33	6.27
(5,503)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	11	5.63	4.25	4.97
(1,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	11	5.6	4.7	3.19
(5,411)	1:5:A:ASN:ND2	1:98:A:SER:H	11	5.42	3.93	4.02
(5,576)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	11	4.76	4.25	4.1
(1,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	11	4.65	4.22	3.82
(5,645)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	11	3.78	2.65	2.85
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD21	11	2.89	2.04	3.19
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD22	11	2.89	2.04	3.19
(4,2436)	1:157:A:PRO:HB2	1:160:A:THR:HA	11	2.76	1.21	2.77
(4,64)	1:81:A:TRP:HZ2	1:183:A:ARG:H	11	2.69	1.94	3.6
(4,1123)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HD22	11	2.65	1.07	2.99
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE1	11	2.42	1.15	2.27
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE2	11	2.42	1.15	2.27
(4,2521)	1:81:A:TRP:H	1:82:A:PHE:HZ	11	2.39	2.12	2.57
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB1	11	2.32	1.23	2.31
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB2	11	2.32	1.23	2.31
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB3	11	2.32	1.23	2.31
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD21	11	2.14	0.46	2.2
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD22	11	2.14	0.46	2.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD21	11	2.14	0.46	2.2
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD22	11	2.14	0.46	2.2
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD21	11	1.83	0.96	1.66
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD22	11	1.83	0.96	1.66
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD23	11	1.83	0.96	1.66
(4,2612)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HA	11	1.81	1.92	1.44
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD1	11	1.8	0.56	1.81
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD2	11	1.8	0.56	1.81
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG21	11	1.78	0.98	1.81
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG22	11	1.78	0.98	1.81
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG23	11	1.78	0.98	1.81
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD11	11	1.74	0.82	1.53
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD12	11	1.74	0.82	1.53
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD13	11	1.74	0.82	1.53
(4,518)	1:120:A:SER:HA	1:123:A:SER:H	11	1.73	0.2	1.64
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:CD2	11	1.71	0.91	1.6
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:CD2	11	1.71	0.91	1.6
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:CD2	11	1.71	0.91	1.6
(4,2482)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:SER:HG	11	1.7	0.96	2.02
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:H	11	1.7	0.7	1.86
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:H	11	1.7	0.7	1.86
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:H	11	1.7	0.7	1.86
(4,365)	1:177:A:ILE:HD11	1:191:A:LEU:CD2	11	1.69	0.92	1.39
(4,365)	1:177:A:ILE:HD12	1:191:A:LEU:CD2	11	1.69	0.92	1.39
(4,365)	1:177:A:ILE:HD13	1:191:A:LEU:CD2	11	1.69	0.92	1.39
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG11	11	1.69	0.83	1.73
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG12	11	1.69	0.83	1.73
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG13	11	1.69	0.83	1.73
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:HE22	11	1.67	1.2	1.46
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:HE22	11	1.67	1.2	1.46
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:HE22	11	1.67	1.2	1.46
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD21	11	1.65	0.69	1.47
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD22	11	1.65	0.69	1.47
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD23	11	1.65	0.69	1.47
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD21	11	1.65	0.69	1.47
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD22	11	1.65	0.69	1.47
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD23	11	1.65	0.69	1.47
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HB3	11	1.61	1.41	0.97
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HB3	11	1.61	1.41	0.97
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HB3	11	1.61	1.41	0.97
(4,325)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HE1	11	1.59	0.97	1.96
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD21	11	1.58	1.13	1.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD22	11	1.58	1.13	1.15
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD23	11	1.58	1.13	1.15
(4,1355)	1:189:A:LEU:HG	1:191:A:LEU:H	11	1.56	0.83	2.0
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG21	11	1.5	0.68	1.48
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG22	11	1.5	0.68	1.48
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG23	11	1.5	0.68	1.48
(4,1645)	1:109:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	11	1.46	0.62	1.51
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	11	1.44	0.64	1.33
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	11	1.44	0.64	1.33
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	11	1.44	0.64	1.33
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	11	1.44	0.64	1.33
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	11	1.44	0.64	1.33
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	11	1.44	0.64	1.33
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD11	11	1.43	0.52	1.57
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD12	11	1.43	0.52	1.57
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD13	11	1.43	0.52	1.57
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD21	11	1.43	0.52	1.57
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD22	11	1.43	0.52	1.57
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD23	11	1.43	0.52	1.57
(4,342)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:H	11	1.43	1.66	0.35
(4,342)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:H	11	1.43	1.66	0.35
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG21	11	1.42	0.45	1.36
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG22	11	1.42	0.45	1.36
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG23	11	1.42	0.45	1.36
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB2	11	1.4	1.04	1.04
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB3	11	1.4	1.04	1.04
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB2	11	1.4	1.04	1.04
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB3	11	1.4	1.04	1.04
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB2	11	1.4	1.04	1.04
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB3	11	1.4	1.04	1.04
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD11	11	1.37	0.83	1.42
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD12	11	1.37	0.83	1.42
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD13	11	1.37	0.83	1.42
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD11	11	1.37	0.83	1.42
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD12	11	1.37	0.83	1.42
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD13	11	1.37	0.83	1.42
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD11	11	1.37	0.83	1.42
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD12	11	1.37	0.83	1.42
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD13	11	1.37	0.83	1.42
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE2	11	1.37	0.68	1.38
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE3	11	1.37	0.68	1.38
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD2	1:217:A:ASN:HD22	11	1.37	0.89	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD3	1:217:A:ASN:HD22	11	1.37	0.89	0.93
(4,3373)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:H	11	1.37	0.97	1.27
(5,312)	1:149:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	11	1.36	0.84	1.38
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD21	11	1.36	0.86	1.3
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD22	11	1.36	0.86	1.3
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD23	11	1.36	0.86	1.3
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD21	11	1.36	1.07	1.17
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD22	11	1.36	1.07	1.17
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD23	11	1.36	1.07	1.17
(4,3042)	1:162:A:ASP:H	1:164:A:ASN:H	11	1.34	0.55	1.52
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD21	11	1.25	0.14	1.26
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD22	11	1.25	0.14	1.26
(4,3437)	1:81:A:TRP:HZ2	1:187:A:GLY:H	11	1.25	1.91	0.54
(4,118)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HG	11	1.24	0.86	0.96
(4,118)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HG	11	1.24	0.86	0.96
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD11	11	1.23	0.85	1.16
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD12	11	1.23	0.85	1.16
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD13	11	1.23	0.85	1.16
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD21	11	1.23	0.85	1.16
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD22	11	1.23	0.85	1.16
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD23	11	1.23	0.85	1.16
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD1	11	1.22	0.53	1.09
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD2	11	1.22	0.53	1.09
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG21	11	1.22	0.81	1.21
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG22	11	1.22	0.81	1.21
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG23	11	1.22	0.81	1.21
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG21	11	1.21	0.28	1.28
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG22	11	1.21	0.28	1.28
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG23	11	1.21	0.28	1.28
(4,855)	1:190:A:TYR:HE1	1:193:A:LYS:H	11	1.21	0.73	1.11
(4,855)	1:190:A:TYR:HE2	1:193:A:LYS:H	11	1.21	0.73	1.11
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG11	1:189:A:LEU:H	11	1.18	0.86	0.75
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG12	1:189:A:LEU:H	11	1.18	0.86	0.75
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG13	1:189:A:LEU:H	11	1.18	0.86	0.75
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD21	11	1.18	0.83	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD22	11	1.18	0.83	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD21	11	1.18	0.83	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD22	11	1.18	0.83	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD21	11	1.18	0.83	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD22	11	1.18	0.83	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD21	11	1.18	0.83	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD22	11	1.18	0.83	1.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD21	11	1.18	0.83	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD22	11	1.18	0.83	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD21	11	1.18	0.83	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD22	11	1.18	0.83	1.08
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG21	11	1.18	0.6	1.12
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG22	11	1.18	0.6	1.12
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG23	11	1.18	0.6	1.12
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG21	11	1.18	0.6	1.12
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG22	11	1.18	0.6	1.12
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG23	11	1.18	0.6	1.12
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB1	11	1.17	0.42	1.28
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB2	11	1.17	0.42	1.28
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB3	11	1.17	0.42	1.28
(4,3370)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE21	11	1.16	0.59	1.0
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD2	11	1.14	0.86	1.42
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD3	11	1.14	0.86	1.42
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD2	11	1.14	0.86	1.42
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD3	11	1.14	0.86	1.42
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG12	11	1.13	0.54	0.98
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG13	11	1.13	0.54	0.98
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG12	11	1.13	0.54	0.98
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG13	11	1.13	0.54	0.98
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG21	1:168:A:ILE:HB	11	1.12	0.62	1.05
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG22	1:168:A:ILE:HB	11	1.12	0.62	1.05
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG23	1:168:A:ILE:HB	11	1.12	0.62	1.05
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD11	1:120:A:SER:H	11	1.12	0.53	1.29
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD12	1:120:A:SER:H	11	1.12	0.53	1.29
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD13	1:120:A:SER:H	11	1.12	0.53	1.29
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD21	11	1.11	0.91	0.83
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD22	11	1.11	0.91	0.83
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG11	1:173:A:GLU:H	11	1.1	0.39	1.09
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG12	1:173:A:GLU:H	11	1.1	0.39	1.09
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG13	1:173:A:GLU:H	11	1.1	0.39	1.09
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG2	11	1.09	0.65	1.04
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG3	11	1.09	0.65	1.04
(4,1959)	1:73:A:ILE:HA	1:75:A:SER:H	11	1.08	0.32	1.04
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:H	11	1.06	0.33	1.17
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:H	11	1.06	0.33	1.17
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:H	11	1.06	0.33	1.17
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD11	11	1.05	0.76	0.78
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD12	11	1.05	0.76	0.78
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD13	11	1.05	0.76	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD11	11	1.05	0.76	0.78
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD12	11	1.05	0.76	0.78
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD13	11	1.05	0.76	0.78
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB2	1:172:A:GLU:H	11	1.05	0.77	0.72
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB3	1:172:A:GLU:H	11	1.05	0.77	0.72
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:H	11	1.05	0.47	1.11
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:H	11	1.05	0.47	1.11
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:H	11	1.05	0.47	1.11
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:H	11	1.05	0.47	1.11
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:H	11	1.05	0.47	1.11
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:H	11	1.05	0.47	1.11
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	11	1.03	0.65	1.05
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	11	1.03	0.65	1.05
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	11	1.03	0.65	1.05
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	11	1.03	0.65	1.05
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	11	1.03	0.65	1.05
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	11	1.03	0.65	1.05
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD2	1:146:A:VAL:HB	11	1.01	0.67	0.87
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD3	1:146:A:VAL:HB	11	1.01	0.67	0.87
(4,84)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:H	11	0.97	0.36	1.16
(4,2365)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG1	11	0.96	0.62	0.6
(4,1806)	1:68:A:SER:HB2	1:70:A:SER:HA	11	0.96	0.45	0.89
(4,1806)	1:68:A:SER:HB3	1:70:A:SER:HA	11	0.96	0.45	0.89
(4,419)	1:39:A:LEU:HD21	1:41:A:GLU:H	11	0.95	0.3	1.1
(4,419)	1:39:A:LEU:HD22	1:41:A:GLU:H	11	0.95	0.3	1.1
(4,419)	1:39:A:LEU:HD23	1:41:A:GLU:H	11	0.95	0.3	1.1
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD21	11	0.94	0.33	0.98
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD22	11	0.94	0.33	0.98
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	11	0.93	0.38	1.0
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	11	0.93	0.38	1.0
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	11	0.93	0.38	1.0
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	11	0.93	0.38	1.0
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	11	0.93	0.38	1.0
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	11	0.93	0.38	1.0
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD21	11	0.93	0.44	0.99
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD22	11	0.93	0.44	0.99
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD23	11	0.93	0.44	0.99
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG11	11	0.93	0.66	0.63
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG12	11	0.93	0.66	0.63
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG13	11	0.93	0.66	0.63
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG21	11	0.93	0.66	0.63
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG22	11	0.93	0.66	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG23	11	0.93	0.66	0.63
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:HB2	11	0.91	0.49	0.84
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:HB2	11	0.91	0.49	0.84
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:HB2	11	0.91	0.49	0.84
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:HB2	11	0.91	0.49	0.84
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:HB2	11	0.91	0.49	0.84
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:HB2	11	0.91	0.49	0.84
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD11	11	0.91	0.96	0.85
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD12	11	0.91	0.96	0.85
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD13	11	0.91	0.96	0.85
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD21	11	0.91	0.96	0.85
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD22	11	0.91	0.96	0.85
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD23	11	0.91	0.96	0.85
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD11	1:100:A:SER:H	11	0.91	0.53	0.86
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD12	1:100:A:SER:H	11	0.91	0.53	0.86
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD13	1:100:A:SER:H	11	0.91	0.53	0.86
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	11	0.91	0.53	0.86
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	11	0.91	0.53	0.86
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	11	0.91	0.53	0.86
(4,496)	1:79:A:VAL:HG21	1:189:A:LEU:H	11	0.9	0.81	0.67
(4,496)	1:79:A:VAL:HG22	1:189:A:LEU:H	11	0.9	0.81	0.67
(4,496)	1:79:A:VAL:HG23	1:189:A:LEU:H	11	0.9	0.81	0.67
(5,275)	1:40:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	11	0.9	0.52	0.84
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD1	11	0.88	0.59	0.86
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD2	11	0.88	0.59	0.86
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG21	1:215:A:MET:H	11	0.85	0.31	0.91
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG22	1:215:A:MET:H	11	0.85	0.31	0.91
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG23	1:215:A:MET:H	11	0.85	0.31	0.91
(4,1769)	1:5:A:ASN:HD22	1:6:A:ARG:H	11	0.84	0.34	0.8
(4,4029)	1:208:A:ARG:H	1:209:A:VAL:HB	11	0.82	0.07	0.82
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG21	11	0.82	0.45	0.65
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG22	11	0.82	0.45	0.65
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG23	11	0.82	0.45	0.65
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG21	11	0.82	0.45	0.65
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG22	11	0.82	0.45	0.65
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG23	11	0.82	0.45	0.65
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	11	0.82	0.38	0.89
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	11	0.82	0.38	0.89
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	11	0.82	0.38	0.89
(4,3717)	1:169:A:THR:HG1	1:180:A:LEU:H	11	0.81	0.33	0.73
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE1	1:230:A:GLY:H	11	0.81	0.55	0.59
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE2	1:230:A:GLY:H	11	0.81	0.55	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:H	11	0.8	0.46	0.77
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:H	11	0.8	0.46	0.77
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD11	11	0.8	0.8	0.45
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD12	11	0.8	0.8	0.45
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD13	11	0.8	0.8	0.45
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD11	11	0.8	0.8	0.45
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD12	11	0.8	0.8	0.45
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD13	11	0.8	0.8	0.45
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:H	11	0.79	0.46	0.79
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:H	11	0.79	0.46	0.79
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:H	11	0.79	0.46	0.79
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:H	11	0.79	0.46	0.79
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:H	11	0.79	0.46	0.79
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:H	11	0.79	0.46	0.79
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD21	11	0.79	0.4	0.68
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD22	11	0.79	0.4	0.68
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD1	11	0.78	0.2	0.72
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD2	11	0.78	0.2	0.72
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD21	1:104:A:SER:H	11	0.76	0.29	0.75
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD22	1:104:A:SER:H	11	0.76	0.29	0.75
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD1	11	0.76	0.33	0.87
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD2	11	0.76	0.33	0.87
(4,751)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:H	11	0.75	0.44	0.73
(4,751)	1:2:A:SER:HB3	1:4:A:GLU:H	11	0.75	0.44	0.73
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD11	11	0.75	0.47	0.88
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD12	11	0.75	0.47	0.88
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD13	11	0.75	0.47	0.88
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD21	11	0.75	0.47	0.88
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD22	11	0.75	0.47	0.88
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD23	11	0.75	0.47	0.88
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG21	11	0.74	0.37	0.75
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG22	11	0.74	0.37	0.75
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG23	11	0.74	0.37	0.75
(4,270)	1:33:A:TYR:HD1	1:232:A:GLY:H	11	0.73	0.43	0.58
(4,270)	1:33:A:TYR:HD2	1:232:A:GLY:H	11	0.73	0.43	0.58
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD11	11	0.72	0.33	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD12	11	0.72	0.33	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD13	11	0.72	0.33	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD21	11	0.72	0.33	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD22	11	0.72	0.33	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD23	11	0.72	0.33	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD11	11	0.72	0.33	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD12	11	0.72	0.33	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD13	11	0.72	0.33	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD21	11	0.72	0.33	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD22	11	0.72	0.33	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD23	11	0.72	0.33	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD11	11	0.72	0.33	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD12	11	0.72	0.33	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD13	11	0.72	0.33	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD21	11	0.72	0.33	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD22	11	0.72	0.33	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD23	11	0.72	0.33	0.67
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD1	11	0.72	0.32	0.6
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD2	11	0.72	0.32	0.6
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD11	11	0.72	0.44	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD12	11	0.72	0.44	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD13	11	0.72	0.44	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD21	11	0.72	0.44	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD22	11	0.72	0.44	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD23	11	0.72	0.44	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD11	11	0.72	0.44	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD12	11	0.72	0.44	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD13	11	0.72	0.44	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD21	11	0.72	0.44	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD22	11	0.72	0.44	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD23	11	0.72	0.44	0.98
(4,623)	1:235:A:TRP:HE3	1:236:A:GLU:H	11	0.71	0.34	0.6
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG21	1:98:A:SER:H	11	0.71	0.37	0.81
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG22	1:98:A:SER:H	11	0.71	0.37	0.81
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG23	1:98:A:SER:H	11	0.71	0.37	0.81
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD21	1:187:A:GLY:H	11	0.7	0.31	0.84
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD22	1:187:A:GLY:H	11	0.7	0.31	0.84
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD23	1:187:A:GLY:H	11	0.7	0.31	0.84
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG11	11	0.69	0.47	0.63
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG12	11	0.69	0.47	0.63
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG13	11	0.69	0.47	0.63
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB1	11	0.69	0.45	0.58
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB2	11	0.69	0.45	0.58
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB3	11	0.69	0.45	0.58
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD11	11	0.69	0.43	0.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD12	11	0.69	0.43	0.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD13	11	0.69	0.43	0.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD21	11	0.69	0.43	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD22	11	0.69	0.43	0.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD23	11	0.69	0.43	0.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD11	11	0.69	0.43	0.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD12	11	0.69	0.43	0.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD13	11	0.69	0.43	0.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD21	11	0.69	0.43	0.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD22	11	0.69	0.43	0.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD23	11	0.69	0.43	0.48
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD11	1:145:A:ASN:H	11	0.66	0.34	0.6
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD12	1:145:A:ASN:H	11	0.66	0.34	0.6
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD13	1:145:A:ASN:H	11	0.66	0.34	0.6
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB2	11	0.65	0.21	0.62
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB3	11	0.65	0.21	0.62
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB2	11	0.64	0.12	0.67
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB3	11	0.64	0.12	0.67
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG11	11	0.63	0.33	0.54
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG12	11	0.63	0.33	0.54
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG13	11	0.63	0.33	0.54
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG11	11	0.61	0.33	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG12	11	0.61	0.33	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG13	11	0.61	0.33	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG21	11	0.61	0.33	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG22	11	0.61	0.33	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG23	11	0.61	0.33	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG11	11	0.61	0.33	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG12	11	0.61	0.33	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG13	11	0.61	0.33	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG21	11	0.61	0.33	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG22	11	0.61	0.33	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG23	11	0.61	0.33	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG11	11	0.61	0.33	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG12	11	0.61	0.33	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG13	11	0.61	0.33	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG21	11	0.61	0.33	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG22	11	0.61	0.33	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG23	11	0.61	0.33	0.52
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG2	1:110:A:SER:H	11	0.6	0.22	0.59
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG3	1:110:A:SER:H	11	0.6	0.22	0.59
(4,1004)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:H	11	0.6	0.22	0.63
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG21	11	0.57	0.4	0.53
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG22	11	0.57	0.4	0.53
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG23	11	0.57	0.4	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG21	11	0.57	0.4	0.53
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG22	11	0.57	0.4	0.53
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG23	11	0.57	0.4	0.53
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD11	11	0.53	0.28	0.45
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD12	11	0.53	0.28	0.45
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD13	11	0.53	0.28	0.45
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	11	0.53	0.24	0.61
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	11	0.53	0.24	0.61
(4,1544)	1:172:A:GLU:HB2	1:177:A:ILE:H	11	0.51	0.25	0.54
(4,3673)	1:98:A:SER:H	1:99:A:LEU:HB3	11	0.51	0.22	0.57
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB2	11	0.51	0.28	0.46
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB3	11	0.51	0.28	0.46
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB2	11	0.51	0.19	0.53
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB3	11	0.51	0.19	0.53
(4,1733)	1:39:A:LEU:HG	1:41:A:GLU:H	11	0.5	0.15	0.52
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:HA	11	0.5	0.26	0.52
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:HA	11	0.5	0.26	0.52
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:HA	11	0.5	0.26	0.52
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HA	11	0.5	0.26	0.52
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HA	11	0.5	0.26	0.52
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HA	11	0.5	0.26	0.52
(4,158)	1:100:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	11	0.5	0.32	0.45
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG21	11	0.47	0.34	0.32
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG22	11	0.47	0.34	0.32
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG23	11	0.47	0.34	0.32
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD21	11	0.47	0.21	0.49
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	11	0.47	0.21	0.49
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:HA	11	0.44	0.2	0.45
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:HA	11	0.44	0.2	0.45
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:HA	11	0.44	0.2	0.45
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:HA	11	0.44	0.2	0.45
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:HA	11	0.44	0.2	0.45
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:HA	11	0.44	0.2	0.45
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB2	1:168:A:ILE:H	11	0.41	0.14	0.37
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB3	1:168:A:ILE:H	11	0.41	0.14	0.37
(4,554)	1:221:A:GLU:HA	1:224:A:LEU:HA	11	0.38	0.15	0.36
(4,3222)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:H	11	0.28	0.09	0.29
(4,3319)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:H	11	0.27	0.09	0.33
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD1	1:117:A:LYS:H	11	0.26	0.12	0.23
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD2	1:117:A:LYS:H	11	0.26	0.12	0.23
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB1	11	0.24	0.06	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB2	11	0.24	0.06	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB3	11	0.24	0.06	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB1	11	0.24	0.06	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB2	11	0.24	0.06	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB3	11	0.24	0.06	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB1	11	0.24	0.06	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB2	11	0.24	0.06	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB3	11	0.24	0.06	0.25
(4,1195)	1:197:A:THR:HG21	1:198:A:ALA:HA	11	0.18	0.04	0.18
(4,1195)	1:197:A:THR:HG22	1:198:A:ALA:HA	11	0.18	0.04	0.18
(4,1195)	1:197:A:THR:HG23	1:198:A:ALA:HA	11	0.18	0.04	0.18
(5,659)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	10	11.6	4.79	12.17
(5,523)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	10	9.73	4.61	10.01
(5,811)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	10	9.43	5.49	9.74
(5,765)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	10	9.05	5.55	7.97
(5,598)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	10	8.82	4.16	8.83
(5,723)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	10	8.35	5.43	7.85
(5,791)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	10	8.16	4.0	8.26
(5,819)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	10	8.11	3.28	9.34
(5,593)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	10	8.11	3.64	9.55
(5,517)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	10	7.59	3.14	7.38
(5,566)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	10	7.47	4.14	8.6
(5,487)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	10	7.22	4.23	5.8
(5,729)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	10	7.13	4.23	6.9
(5,642)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	10	6.94	5.35	5.04
(5,644)	1:5:A:ASN:ND2	1:180:A:LEU:H	10	6.67	4.43	7.28
(5,703)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	10	6.45	4.5	6.79
(5,557)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	10	6.4	3.7	6.96
(5,377)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	10	5.87	3.45	4.37
(5,636)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	10	5.87	4.22	6.6
(5,471)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	10	5.55	3.74	5.12
(5,741)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	10	5.42	3.9	5.18
(4,2445)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HE1	10	4.74	2.61	5.15
(4,2445)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HE2	10	4.74	2.61	5.15
(5,610)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	10	4.36	2.27	5.01
(1,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	10	3.94	5.14	2.42
(5,506)	1:5:A:ASN:ND2	1:20:A:ASN:H	10	3.64	3.22	3.04
(5,451)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	10	3.61	3.65	2.51
(4,3709)	1:81:A:TRP:HE1	1:181:A:ASP:HA	10	3.14	2.04	3.84
(4,372)	1:81:A:TRP:HE3	1:129:A:PHE:H	10	2.68	1.6	2.51
(4,2100)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HE3	10	2.62	1.23	2.9
(4,52)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:H	10	2.56	2.36	2.23
(4,2699)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:H	10	2.24	0.94	2.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2699)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:H	10	2.24	0.94	2.42
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG11	10	2.2	1.1	2.62
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG12	10	2.2	1.1	2.62
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG13	10	2.2	1.1	2.62
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG11	10	2.2	1.1	2.62
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG12	10	2.2	1.1	2.62
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG13	10	2.2	1.1	2.62
(4,2196)	1:18:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	10	2.09	1.59	2.14
(4,2196)	1:18:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	10	2.09	1.59	2.14
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD11	10	2.04	1.4	1.55
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD12	10	2.04	1.4	1.55
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD13	10	2.04	1.4	1.55
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD11	10	2.04	1.4	1.55
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD12	10	2.04	1.4	1.55
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD13	10	2.04	1.4	1.55
(4,631)	1:30:A:GLU:HG3	1:31:A:TRP:HE1	10	1.89	1.74	1.42
(4,31)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:H	10	1.83	0.85	2.17
(4,31)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:H	10	1.83	0.85	2.17
(4,224)	1:39:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:CG1	10	1.75	0.7	1.68
(4,224)	1:39:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:CG1	10	1.75	0.7	1.68
(4,224)	1:39:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:CG1	10	1.75	0.7	1.68
(4,3926)	1:15:A:PRO:HG3	1:34:A:PHE:HA	10	1.72	0.42	1.87
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG21	1:128:A:ARG:H	10	1.71	0.31	1.74
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG22	1:128:A:ARG:H	10	1.71	0.31	1.74
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG23	1:128:A:ARG:H	10	1.71	0.31	1.74
(4,1644)	1:31:A:TRP:HE3	1:232:A:GLY:H	10	1.71	1.32	1.29
(1,123)	1:97:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	10	1.69	1.19	1.44
(4,1904)	1:119:A:GLN:HE21	1:128:A:ARG:H	10	1.64	0.76	1.64
(4,1162)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HG	10	1.63	0.39	1.69
(4,1038)	1:174:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HE1	10	1.58	2.28	0.64
(4,1038)	1:174:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HE2	10	1.58	2.28	0.64
(4,2856)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE3	10	1.58	0.57	1.58
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD11	10	1.55	1.25	1.31
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD12	10	1.55	1.25	1.31
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD13	10	1.55	1.25	1.31
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD11	10	1.55	1.25	1.31
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD12	10	1.55	1.25	1.31
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD13	10	1.55	1.25	1.31
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG11	10	1.55	1.06	1.3
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG12	10	1.55	1.06	1.3
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG13	10	1.55	1.06	1.3
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG11	10	1.55	1.06	1.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG12	10	1.55	1.06	1.3
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG13	10	1.55	1.06	1.3
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD11	10	1.53	1.14	1.44
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD12	10	1.53	1.14	1.44
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD13	10	1.53	1.14	1.44
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD11	10	1.53	1.14	1.44
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD12	10	1.53	1.14	1.44
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD13	10	1.53	1.14	1.44
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD11	10	1.52	1.0	1.47
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD12	10	1.52	1.0	1.47
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD13	10	1.52	1.0	1.47
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD21	10	1.52	1.0	1.47
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD22	10	1.52	1.0	1.47
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD23	10	1.52	1.0	1.47
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD11	10	1.52	1.0	1.47
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD12	10	1.52	1.0	1.47
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD13	10	1.52	1.0	1.47
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD21	10	1.52	1.0	1.47
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD22	10	1.52	1.0	1.47
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD23	10	1.52	1.0	1.47
(4,3884)	1:155:A:GLU:H	1:157:A:PRO:HB3	10	1.5	0.69	1.68
(1,158)	1:153:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	10	1.49	0.92	1.54
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG21	1:13:A:SER:HA	10	1.45	0.75	1.25
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG22	1:13:A:SER:HA	10	1.45	0.75	1.25
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG23	1:13:A:SER:HA	10	1.45	0.75	1.25
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD11	10	1.45	0.84	1.19
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD12	10	1.45	0.84	1.19
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD13	10	1.45	0.84	1.19
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HA	10	1.44	0.3	1.41
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HA	10	1.44	0.3	1.41
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HA	10	1.44	0.3	1.41
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD11	10	1.43	1.0	1.13
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD12	10	1.43	1.0	1.13
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD13	10	1.43	1.0	1.13
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD11	10	1.43	1.0	1.13
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD12	10	1.43	1.0	1.13
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD13	10	1.43	1.0	1.13
(1,197)	1:85:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	10	1.42	1.11	1.08
(4,387)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:HG2	10	1.39	0.61	1.52
(4,387)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:HG3	10	1.39	0.61	1.52
(4,387)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:HG2	10	1.39	0.61	1.52
(4,387)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:HG3	10	1.39	0.61	1.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,387)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:HG2	10	1.39	0.61	1.52
(4,387)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:HG3	10	1.39	0.61	1.52
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB2	10	1.39	0.57	1.44
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB3	10	1.39	0.57	1.44
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB2	10	1.39	0.57	1.44
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB3	10	1.39	0.57	1.44
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB2	10	1.39	0.57	1.44
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB3	10	1.39	0.57	1.44
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG11	10	1.38	0.79	1.74
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG12	10	1.38	0.79	1.74
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG13	10	1.38	0.79	1.74
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG11	10	1.38	0.79	1.74
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG12	10	1.38	0.79	1.74
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG13	10	1.38	0.79	1.74
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:CG2	10	1.38	0.62	1.41
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:CG2	10	1.38	0.62	1.41
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:CG2	10	1.38	0.62	1.41
(4,3713)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HA	10	1.37	0.49	1.21
(4,3713)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HA	10	1.37	0.49	1.21
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG21	10	1.37	0.92	1.25
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG22	10	1.37	0.92	1.25
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG23	10	1.37	0.92	1.25
(4,4122)	1:81:A:TRP:HH2	1:187:A:GLY:H	10	1.36	1.57	0.68
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	10	1.35	0.25	1.31
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	10	1.35	0.25	1.31
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	10	1.35	0.25	1.31
(4,3839)	1:97:A:HIS:HD1	1:169:A:THR:HG1	10	1.35	1.0	1.01
(4,2643)	1:136:A:GLN:HE21	1:137:A:PHE:HA	10	1.33	0.37	1.23
(4,2643)	1:136:A:GLN:HE22	1:137:A:PHE:HA	10	1.33	0.37	1.23
(4,2736)	1:160:A:THR:H	1:162:A:ASP:H	10	1.31	0.64	1.7
(4,120)	1:118:A:SER:HB2	1:119:A:GLN:HE21	10	1.3	0.56	1.24
(4,120)	1:118:A:SER:HB3	1:119:A:GLN:HE21	10	1.3	0.56	1.24
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD11	10	1.3	0.94	1.16
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD12	10	1.3	0.94	1.16
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD13	10	1.3	0.94	1.16
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD11	10	1.3	0.94	1.16
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD12	10	1.3	0.94	1.16
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD13	10	1.3	0.94	1.16
(4,720)	1:56:A:VAL:HG11	1:169:A:THR:H	10	1.27	0.87	0.98
(4,720)	1:56:A:VAL:HG12	1:169:A:THR:H	10	1.27	0.87	0.98
(4,720)	1:56:A:VAL:HG13	1:169:A:THR:H	10	1.27	0.87	0.98
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD11	10	1.23	1.04	0.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD12	10	1.23	1.04	0.88
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD13	10	1.23	1.04	0.88
(4,3520)	1:57:A:LEU:HB2	1:211:A:VAL:HB	10	1.23	0.47	1.4
(4,3520)	1:57:A:LEU:HB3	1:211:A:VAL:HB	10	1.23	0.47	1.4
(4,703)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:CG2	10	1.22	0.62	1.0
(4,703)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:CG2	10	1.22	0.62	1.0
(4,703)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:CG2	10	1.22	0.62	1.0
(4,703)	1:206:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:CG2	10	1.22	0.62	1.0
(4,703)	1:206:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:CG2	10	1.22	0.62	1.0
(4,703)	1:206:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:CG2	10	1.22	0.62	1.0
(4,3679)	1:22:A:ALA:H	1:24:A:LYS:HG2	10	1.21	0.52	1.47
(4,3679)	1:22:A:ALA:H	1:24:A:LYS:HG3	10	1.21	0.52	1.47
(4,1894)	1:177:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HE21	10	1.21	0.48	1.36
(4,1894)	1:177:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HE22	10	1.21	0.48	1.36
(4,3779)	1:31:A:TRP:HE1	1:233:A:PRO:HA	10	1.2	0.65	1.38
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG11	10	1.18	0.45	1.1
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG12	10	1.18	0.45	1.1
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG13	10	1.18	0.45	1.1
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE1	1:49:A:PRO:HG2	10	1.18	0.79	0.74
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE1	1:49:A:PRO:HG3	10	1.18	0.79	0.74
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE2	1:49:A:PRO:HG2	10	1.18	0.79	0.74
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE2	1:49:A:PRO:HG3	10	1.18	0.79	0.74
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD11	10	1.17	0.84	0.99
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD12	10	1.17	0.84	0.99
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD13	10	1.17	0.84	0.99
(4,507)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:ASP:HA	10	1.14	0.63	1.31
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG21	1:201:A:LEU:HB2	10	1.08	0.47	1.27
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG22	1:201:A:LEU:HB2	10	1.08	0.47	1.27
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG23	1:201:A:LEU:HB2	10	1.08	0.47	1.27
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD11	10	1.08	0.65	0.82
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD12	10	1.08	0.65	0.82
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD13	10	1.08	0.65	0.82
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD21	10	1.08	0.65	0.82
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD22	10	1.08	0.65	0.82
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD23	10	1.08	0.65	0.82
(4,3396)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HG	10	1.08	0.39	0.92
(4,498)	1:73:A:ILE:HB	1:188:A:PRO:HG2	10	1.06	0.61	1.09
(4,498)	1:73:A:ILE:HB	1:188:A:PRO:HG3	10	1.06	0.61	1.09
(5,276)	1:150:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	10	1.06	0.68	0.99
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:CG1	10	1.04	0.72	0.89
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:CG1	10	1.04	0.72	0.89
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:CG1	10	1.04	0.72	0.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG21	1:192:A:GLY:HA2	10	1.04	0.64	1.1
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG22	1:192:A:GLY:HA2	10	1.04	0.64	1.1
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG23	1:192:A:GLY:HA2	10	1.04	0.64	1.1
(4,1010)	1:177:A:ILE:HG12	1:194:A:SER:H	10	1.03	0.24	0.97
(4,1010)	1:177:A:ILE:HG13	1:194:A:SER:H	10	1.03	0.24	0.97
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD11	1:206:A:LEU:H	10	1.03	0.41	1.1
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD12	1:206:A:LEU:H	10	1.03	0.41	1.1
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD13	1:206:A:LEU:H	10	1.03	0.41	1.1
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG11	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG12	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG13	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG21	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG22	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG23	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG11	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG12	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG13	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG21	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG22	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG23	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG11	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG12	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG13	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG21	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG22	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG23	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG11	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG12	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG13	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG21	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG22	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG23	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG11	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG12	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG13	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG21	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG22	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG23	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG11	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG12	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG13	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG21	10	1.0	0.34	0.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG22	10	1.0	0.34	0.89
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG23	10	1.0	0.34	0.89
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD11	1:119:A:GLN:H	10	1.0	0.24	0.92
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD12	1:119:A:GLN:H	10	1.0	0.24	0.92
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD13	1:119:A:GLN:H	10	1.0	0.24	0.92
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HG	10	0.98	0.4	0.96
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HG	10	0.98	0.4	0.96
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HG	10	0.98	0.4	0.96
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HG	10	0.98	0.4	0.96
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HG	10	0.98	0.4	0.96
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HG	10	0.98	0.4	0.96
(4,1720)	1:5:A:ASN:H	1:7:A:ALA:H	10	0.98	0.6	1.27
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HA	10	0.97	0.5	1.18
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HA	10	0.97	0.5	1.18
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HA	10	0.97	0.5	1.18
(4,682)	1:15:A:PRO:HG3	1:35:A:ASP:H	10	0.94	0.51	1.18
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG21	10	0.94	0.88	0.68
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG22	10	0.94	0.88	0.68
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG23	10	0.94	0.88	0.68
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG21	10	0.94	0.88	0.68
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG22	10	0.94	0.88	0.68
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG23	10	0.94	0.88	0.68
(4,206)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD1	10	0.94	0.48	1.03
(4,206)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD2	10	0.94	0.48	1.03
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD11	10	0.93	0.8	0.46
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD12	10	0.93	0.8	0.46
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD13	10	0.93	0.8	0.46
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD21	10	0.93	0.8	0.46
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD22	10	0.93	0.8	0.46
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD23	10	0.93	0.8	0.46
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD11	10	0.92	0.33	0.74
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD12	10	0.92	0.33	0.74
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD13	10	0.92	0.33	0.74
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG21	10	0.92	0.47	1.06
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG22	10	0.92	0.47	1.06
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG23	10	0.92	0.47	1.06
(5,299)	1:156:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	10	0.91	0.66	0.82
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG11	10	0.9	0.56	0.74
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG12	10	0.9	0.56	0.74
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG13	10	0.9	0.56	0.74
(4,2209)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HD1	10	0.88	0.39	0.78
(4,2209)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HD2	10	0.88	0.39	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1275)	1:64:A:ASP:HA	1:217:A:ASN:HB2	10	0.87	0.57	0.76
(4,1275)	1:64:A:ASP:HA	1:217:A:ASN:HB3	10	0.87	0.57	0.76
(4,71)	1:177:A:ILE:HD11	1:194:A:SER:H	10	0.84	0.21	0.88
(4,71)	1:177:A:ILE:HD12	1:194:A:SER:H	10	0.84	0.21	0.88
(4,71)	1:177:A:ILE:HD13	1:194:A:SER:H	10	0.84	0.21	0.88
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:H	10	0.82	0.47	0.69
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:H	10	0.82	0.47	0.69
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:H	10	0.82	0.47	0.69
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD11	10	0.82	0.63	0.7
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD12	10	0.82	0.63	0.7
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD13	10	0.82	0.63	0.7
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD21	10	0.82	0.26	0.78
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD22	10	0.82	0.26	0.78
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD23	10	0.82	0.26	0.78
(4,4018)	1:164:A:ASN:H	1:165:A:LEU:HB3	10	0.81	0.54	0.8
(4,2585)	1:111:A:ASP:HA	1:114:A:ASN:HD22	10	0.81	0.42	0.84
(4,266)	1:189:A:LEU:HB2	1:191:A:LEU:H	10	0.79	0.27	0.89
(4,266)	1:189:A:LEU:HB3	1:191:A:LEU:H	10	0.79	0.27	0.89
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD11	10	0.78	0.42	0.9
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD12	10	0.78	0.42	0.9
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD13	10	0.78	0.42	0.9
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD11	10	0.78	0.42	0.9
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD12	10	0.78	0.42	0.9
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD13	10	0.78	0.42	0.9
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB1	10	0.77	0.43	0.76
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB2	10	0.77	0.43	0.76
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB3	10	0.77	0.43	0.76
(4,2241)	1:150:A:SER:HA	1:152:A:GLY:H	10	0.77	0.3	0.87
(4,651)	1:145:A:ASN:HB2	1:149:A:PHE:H	10	0.77	0.45	0.64
(4,651)	1:145:A:ASN:HB3	1:149:A:PHE:H	10	0.77	0.45	0.64
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD11	1:41:A:GLU:H	10	0.77	0.18	0.82
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD12	1:41:A:GLU:H	10	0.77	0.18	0.82
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD13	1:41:A:GLU:H	10	0.77	0.18	0.82
(4,1559)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:H	10	0.75	0.31	0.93
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB2	1:140:A:ASN:HD21	10	0.75	0.52	0.63
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB2	1:140:A:ASN:HD22	10	0.75	0.52	0.63
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB3	1:140:A:ASN:HD21	10	0.75	0.52	0.63
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB3	1:140:A:ASN:HD22	10	0.75	0.52	0.63
(4,2285)	1:177:A:ILE:HG12	1:195:A:ASP:H	10	0.75	0.54	0.6
(4,2285)	1:177:A:ILE:HG13	1:195:A:ASP:H	10	0.75	0.54	0.6
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HB2	10	0.74	0.28	0.64
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HB3	10	0.74	0.28	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HB2	10	0.74	0.28	0.64
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HB3	10	0.74	0.28	0.64
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:H	10	0.74	0.41	0.68
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:H	10	0.74	0.41	0.68
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:H	10	0.74	0.41	0.68
(4,297)	1:142:A:ILE:HG21	1:146:A:VAL:HB	10	0.74	0.6	0.48
(4,297)	1:142:A:ILE:HG22	1:146:A:VAL:HB	10	0.74	0.6	0.48
(4,297)	1:142:A:ILE:HG23	1:146:A:VAL:HB	10	0.74	0.6	0.48
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD11	10	0.74	0.54	0.62
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD12	10	0.74	0.54	0.62
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD13	10	0.74	0.54	0.62
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD21	10	0.74	0.54	0.62
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD22	10	0.74	0.54	0.62
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD23	10	0.74	0.54	0.62
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD11	10	0.73	0.37	0.66
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD12	10	0.73	0.37	0.66
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD13	10	0.73	0.37	0.66
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD21	10	0.73	0.37	0.66
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD22	10	0.73	0.37	0.66
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD23	10	0.73	0.37	0.66
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD11	10	0.73	0.37	0.66
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD12	10	0.73	0.37	0.66
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD13	10	0.73	0.37	0.66
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD21	10	0.73	0.37	0.66
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD22	10	0.73	0.37	0.66
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD23	10	0.73	0.37	0.66
(4,2564)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:H	10	0.72	0.33	0.7
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG11	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG12	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG13	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG21	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG22	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG23	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG11	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG12	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG13	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG21	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG22	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG23	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG11	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG12	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG13	10	0.71	0.4	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG21	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG22	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG23	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG11	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG12	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG13	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG21	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG22	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG23	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG11	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG12	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG13	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG21	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG22	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG23	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG11	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG12	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG13	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG21	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG22	10	0.71	0.4	0.55
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG23	10	0.71	0.4	0.55
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD11	10	0.71	0.46	0.52
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD12	10	0.71	0.46	0.52
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD13	10	0.71	0.46	0.52
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD11	10	0.71	0.46	0.52
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD12	10	0.71	0.46	0.52
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD13	10	0.71	0.46	0.52
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD11	10	0.71	0.46	0.52
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD12	10	0.71	0.46	0.52
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD13	10	0.71	0.46	0.52
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD11	10	0.71	0.65	0.46
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD12	10	0.71	0.65	0.46
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD13	10	0.71	0.65	0.46
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD11	10	0.71	0.65	0.46
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD12	10	0.71	0.65	0.46
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD13	10	0.71	0.65	0.46
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:HA	10	0.71	0.43	0.62
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:HA	10	0.71	0.43	0.62
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:HA	10	0.71	0.43	0.62
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:HA	10	0.71	0.43	0.62
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:HA	10	0.71	0.43	0.62
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:HA	10	0.71	0.43	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3796)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE22	10	0.7	0.6	0.64
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:H	10	0.7	0.15	0.71
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:H	10	0.7	0.15	0.71
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:H	10	0.7	0.15	0.71
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD21	10	0.7	0.66	0.34
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD22	10	0.7	0.66	0.34
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD23	10	0.7	0.66	0.34
(4,142)	1:190:A:TYR:HA	1:191:A:LEU:HG	10	0.69	0.36	0.66
(4,4214)	1:55:A:ILE:H	1:56:A:VAL:HB	10	0.68	0.28	0.6
(4,3003)	1:222:A:ASP:H	1:223:A:VAL:HB	10	0.66	0.03	0.66
(4,667)	1:136:A:GLN:HB2	1:139:A:LEU:HB2	10	0.66	0.31	0.64
(4,667)	1:136:A:GLN:HB2	1:139:A:LEU:HB3	10	0.66	0.31	0.64
(4,667)	1:136:A:GLN:HB3	1:139:A:LEU:HB2	10	0.66	0.31	0.64
(4,667)	1:136:A:GLN:HB3	1:139:A:LEU:HB3	10	0.66	0.31	0.64
(4,1721)	1:214:A:TYR:H	1:215:A:MET:HG2	10	0.65	0.06	0.64
(4,1721)	1:214:A:TYR:H	1:215:A:MET:HG3	10	0.65	0.06	0.64
(4,1882)	1:98:A:SER:HG	1:100:A:SER:H	10	0.62	0.22	0.62
(4,3829)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HD1	10	0.62	0.36	0.5
(4,3829)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HD2	10	0.62	0.36	0.5
(4,2979)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:HB2	10	0.61	0.28	0.58
(4,2979)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:HB3	10	0.61	0.28	0.58
(4,2938)	1:27:A:LEU:HA	1:105:A:LEU:HB2	10	0.59	0.42	0.43
(4,3024)	1:204:A:GLN:HE21	1:205:A:GLU:H	10	0.59	0.26	0.7
(4,3024)	1:204:A:GLN:HE22	1:205:A:GLU:H	10	0.59	0.26	0.7
(4,580)	1:106:A:LEU:HB2	1:113:A:ASP:H	10	0.58	0.24	0.59
(4,580)	1:106:A:LEU:HB3	1:113:A:ASP:H	10	0.58	0.24	0.59
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG11	10	0.58	0.19	0.58
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG12	10	0.58	0.19	0.58
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG13	10	0.58	0.19	0.58
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG21	10	0.58	0.19	0.58
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG22	10	0.58	0.19	0.58
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG23	10	0.58	0.19	0.58
(4,2966)	1:82:A:PHE:H	1:97:A:HIS:HA	10	0.57	0.38	0.46
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	10	0.57	0.26	0.53
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	10	0.57	0.26	0.53
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	10	0.57	0.26	0.53
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB2	1:220:A:GLU:HG2	10	0.56	0.1	0.58
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB2	1:220:A:GLU:HG3	10	0.56	0.1	0.58
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB3	1:220:A:GLU:HG2	10	0.56	0.1	0.58
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB3	1:220:A:GLU:HG3	10	0.56	0.1	0.58
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG21	10	0.55	0.31	0.47
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG22	10	0.55	0.31	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG23	10	0.55	0.31	0.47
(4,540)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:H	10	0.55	0.52	0.26
(4,1164)	1:119:A:GLN:HG2	1:126:A:LYS:H	10	0.54	0.19	0.46
(4,1164)	1:119:A:GLN:HG3	1:126:A:LYS:H	10	0.54	0.19	0.46
(4,476)	1:206:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:H	10	0.54	0.41	0.34
(4,476)	1:206:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:H	10	0.54	0.41	0.34
(4,476)	1:206:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:H	10	0.54	0.41	0.34
(4,598)	1:79:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:H	10	0.52	0.39	0.38
(4,598)	1:79:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:H	10	0.52	0.39	0.38
(4,598)	1:79:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:H	10	0.52	0.39	0.38
(4,598)	1:79:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:H	10	0.52	0.39	0.38
(4,598)	1:79:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:H	10	0.52	0.39	0.38
(4,598)	1:79:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:H	10	0.52	0.39	0.38
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD21	1:114:A:ASN:H	10	0.51	0.27	0.45
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD22	1:114:A:ASN:H	10	0.51	0.27	0.45
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD23	1:114:A:ASN:H	10	0.51	0.27	0.45
(4,835)	1:92:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:H	10	0.51	0.21	0.6
(4,835)	1:92:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:H	10	0.51	0.21	0.6
(4,835)	1:92:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:H	10	0.51	0.21	0.6
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD21	10	0.5	0.29	0.4
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD22	10	0.5	0.29	0.4
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD23	10	0.5	0.29	0.4
(4,3528)	1:164:A:ASN:H	1:164:A:ASN:HD22	10	0.49	0.17	0.51
(4,2061)	1:33:A:TYR:H	1:234:A:ASN:HA	10	0.48	0.25	0.52
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD2	1:84:A:GLN:HB2	10	0.48	0.29	0.48
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD2	1:84:A:GLN:HB3	10	0.48	0.29	0.48
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD3	1:84:A:GLN:HB2	10	0.48	0.29	0.48
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD3	1:84:A:GLN:HB3	10	0.48	0.29	0.48
(4,2368)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HB3	10	0.47	0.23	0.46
(4,50)	1:25:A:LEU:HA	1:111:A:ASP:HA	10	0.47	0.2	0.45
(4,2543)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:HB	10	0.46	0.21	0.41
(4,3518)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:H	10	0.46	0.12	0.44
(4,3518)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:H	10	0.46	0.12	0.44
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD21	10	0.46	0.26	0.51
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD22	10	0.46	0.26	0.51
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD23	10	0.46	0.26	0.51
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:HA	10	0.44	0.21	0.45
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:HA	10	0.44	0.21	0.45
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:HA	10	0.44	0.21	0.45
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:HA	10	0.44	0.21	0.45
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:HA	10	0.44	0.21	0.45
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:HA	10	0.44	0.21	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(3,12)	1:34:A:PHE:O	1:230:A:GLY:H	10	0.43	0.12	0.46
(4,1189)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:GLU:H	10	0.42	0.18	0.42
(4,514)	1:109:A:GLY:HA2	1:113:A:ASP:H	10	0.4	0.14	0.44
(4,4060)	1:93:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:H	10	0.4	0.14	0.37
(4,4060)	1:93:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:H	10	0.4	0.14	0.37
(4,409)	1:143:A:LYS:HG2	1:145:A:ASN:H	10	0.38	0.14	0.43
(4,409)	1:143:A:LYS:HG3	1:145:A:ASN:H	10	0.38	0.14	0.43
(4,1672)	1:21:A:PHE:HD1	1:22:A:ALA:HA	10	0.35	0.11	0.36
(4,1672)	1:21:A:PHE:HD2	1:22:A:ALA:HA	10	0.35	0.11	0.36
(4,4063)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:HB2	10	0.34	0.15	0.34
(4,4063)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:HB3	10	0.34	0.15	0.34
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG21	1:55:A:ILE:HA	10	0.34	0.19	0.34
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG22	1:55:A:ILE:HA	10	0.34	0.19	0.34
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG23	1:55:A:ILE:HA	10	0.34	0.19	0.34
(4,3743)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB2	10	0.33	0.12	0.32
(4,56)	1:129:A:PHE:HD1	1:130:A:ASP:H	10	0.29	0.21	0.18
(4,56)	1:129:A:PHE:HD2	1:130:A:ASP:H	10	0.29	0.21	0.18
(4,2168)	1:38:A:SER:H	1:41:A:GLU:H	10	0.28	0.13	0.26
(4,1016)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:HD22	10	0.27	0.05	0.27
(4,4299)	1:169:A:THR:H	1:181:A:ASP:H	10	0.27	0.11	0.28
(3,16)	1:59:A:PHE:O	1:166:A:HIS:H	10	0.23	0.06	0.23
(3,2)	1:58:A:LEU:O	1:227:A:ALA:H	10	0.19	0.06	0.18
(5,505)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	9	12.38	4.66	12.55
(5,716)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	9	11.12	5.63	10.24
(5,516)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	9	10.65	4.47	11.15
(5,518)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	9	9.16	4.21	8.69
(1,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	9	8.87	3.46	9.64
(5,532)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	9	8.27	4.25	9.34
(5,767)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	9	8.25	3.93	7.76
(5,693)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	9	8.14	2.66	9.04
(5,635)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	9	7.87	3.84	8.13
(5,743)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	9	7.82	2.47	8.66
(5,744)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	9	6.47	3.98	7.12
(5,615)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	9	6.46	5.14	4.84
(5,692)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	9	6.46	3.84	6.11
(5,458)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	9	6.43	5.14	4.81
(5,690)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	9	6.29	3.81	5.55
(5,830)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	9	6.22	3.57	6.24
(5,702)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	9	6.06	4.16	5.27
(5,680)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	9	6.06	3.35	6.6
(5,804)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	9	5.56	2.57	6.65
(5,511)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	9	5.51	2.66	5.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(5,829)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	9	5.38	1.88	5.88
(5,742)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	9	5.35	2.87	5.04
(5,594)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	9	5.22	3.11	4.02
(5,653)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	9	5.18	5.01	4.9
(5,672)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	9	5.12	3.21	4.08
(5,696)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	9	5.0	3.14	4.64
(1,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	9	4.81	3.85	2.98
(5,336)	1:8:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	9	4.78	2.22	3.9
(5,583)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	9	4.69	3.45	3.66
(5,613)	1:5:A:ASN:ND2	1:153:A:GLN:H	9	4.64	2.88	4.59
(5,733)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	9	4.61	4.66	2.74
(5,699)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	9	4.39	3.39	3.58
(5,493)	1:5:A:ASN:ND2	1:59:A:PHE:H	9	4.26	3.68	3.98
(5,632)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	9	4.08	2.9	3.58
(5,530)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	9	4.06	3.2	2.98
(5,739)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	9	3.92	2.03	3.4
(5,577)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	9	3.61	2.46	2.88
(4,1623)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HE1	9	3.11	2.35	4.7
(4,1623)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HE2	9	3.11	2.35	4.7
(5,512)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	9	2.91	2.77	1.33
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HE1	9	2.82	0.93	3.11
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HE2	9	2.82	0.93	3.11
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HE1	9	2.82	0.93	3.11
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HE2	9	2.82	0.93	3.11
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HE1	9	2.82	0.93	3.11
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HE2	9	2.82	0.93	3.11
(4,676)	1:81:A:TRP:HE1	1:182:A:GLY:HA3	9	2.81	1.46	3.58
(1,546)	1:5:A:ASN:ND2	1:19:A:THR:H	9	2.78	3.56	1.35
(4,1555)	1:62:A:ASN:H	1:164:A:ASN:HD22	9	2.71	1.53	2.41
(4,818)	1:31:A:TRP:HZ3	1:232:A:GLY:HA2	9	2.33	1.28	1.83
(4,818)	1:31:A:TRP:HZ3	1:232:A:GLY:HA3	9	2.33	1.28	1.83
(1,213)	1:160:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	9	2.24	0.86	2.18
(4,3820)	1:119:A:GLN:HE22	1:128:A:ARG:H	9	2.19	0.86	2.14
(4,3215)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:H	9	2.14	1.48	2.29
(4,3215)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:H	9	2.14	1.48	2.29
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG11	1:20:A:ASN:HD21	9	1.98	0.49	1.83
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG12	1:20:A:ASN:HD21	9	1.98	0.49	1.83
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG13	1:20:A:ASN:HD21	9	1.98	0.49	1.83
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD11	9	1.89	1.32	1.56
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD12	9	1.89	1.32	1.56
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD13	9	1.89	1.32	1.56
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD11	9	1.89	1.32	1.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD12	9	1.89	1.32	1.56
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD13	9	1.89	1.32	1.56
(4,3402)	1:30:A:GLU:HG2	1:31:A:TRP:HE1	9	1.87	1.66	1.4
(4,1520)	1:23:A:HIS:HD2	1:29:A:ASN:H	9	1.86	1.22	1.25
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:HD21	9	1.84	0.26	1.89
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:HD22	9	1.84	0.26	1.89
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:HD21	9	1.84	0.26	1.89
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:HD22	9	1.84	0.26	1.89
(4,1437)	1:58:A:LEU:HG	1:228:A:MET:HA	9	1.8	0.47	1.7
(4,1794)	1:80:A:ILE:HG12	1:128:A:ARG:H	9	1.7	0.68	1.94
(4,1794)	1:80:A:ILE:HG13	1:128:A:ARG:H	9	1.7	0.68	1.94
(2,287)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:ND2	9	1.66	0.47	1.7
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD11	9	1.58	0.92	1.62
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD12	9	1.58	0.92	1.62
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD13	9	1.58	0.92	1.62
(4,3707)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:HD1	9	1.52	0.92	1.56
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:H	9	1.5	0.73	1.73
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:H	9	1.5	0.73	1.73
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:H	9	1.5	0.73	1.73
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:H	9	1.5	0.68	1.68
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:H	9	1.5	0.68	1.68
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:H	9	1.5	0.68	1.68
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:CG1	9	1.49	0.63	1.67
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:CG1	9	1.49	0.63	1.67
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:CG1	9	1.49	0.63	1.67
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG21	1:58:A:LEU:HG	9	1.43	0.92	0.89
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG22	1:58:A:LEU:HG	9	1.43	0.92	0.89
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG23	1:58:A:LEU:HG	9	1.43	0.92	0.89
(4,1184)	1:97:A:HIS:HD1	1:169:A:THR:H	9	1.39	0.9	1.45
(1,116)	1:169:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	9	1.35	1.19	1.07
(4,3650)	1:222:A:ASP:HA	1:225:A:ASN:HD21	9	1.34	0.69	1.36
(4,3650)	1:222:A:ASP:HA	1:225:A:ASN:HD22	9	1.34	0.69	1.36
(4,3571)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	9	1.33	1.05	0.79
(4,3571)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	9	1.33	1.05	0.79
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG12	1:214:A:TYR:HD1	9	1.32	1.1	1.07
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG12	1:214:A:TYR:HD2	9	1.32	1.1	1.07
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG13	1:214:A:TYR:HD1	9	1.32	1.1	1.07
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG13	1:214:A:TYR:HD2	9	1.32	1.1	1.07
(1,154)	1:172:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	9	1.31	1.05	1.25
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD11	9	1.31	0.22	1.26
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD12	9	1.31	0.22	1.26
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD13	9	1.31	0.22	1.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,97)	1:218:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	9	1.3	0.81	1.15
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG21	1:58:A:LEU:H	9	1.26	0.3	1.31
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG22	1:58:A:LEU:H	9	1.26	0.3	1.31
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG23	1:58:A:LEU:H	9	1.26	0.3	1.31
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD11	9	1.24	0.75	0.88
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD12	9	1.24	0.75	0.88
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD13	9	1.24	0.75	0.88
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD11	9	1.24	0.75	0.88
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD12	9	1.24	0.75	0.88
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD13	9	1.24	0.75	0.88
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD11	9	1.24	0.75	0.88
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD12	9	1.24	0.75	0.88
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD13	9	1.24	0.75	0.88
(4,777)	1:74:A:THR:HB	1:76:A:SER:HA	9	1.22	0.49	1.38
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD11	9	1.21	0.88	0.9
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD12	9	1.21	0.88	0.9
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD13	9	1.21	0.88	0.9
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD11	9	1.2	0.57	1.1
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD12	9	1.2	0.57	1.1
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD13	9	1.2	0.57	1.1
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD11	1:200:A:ASP:H	9	1.18	0.99	0.61
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD12	1:200:A:ASP:H	9	1.18	0.99	0.61
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD13	1:200:A:ASP:H	9	1.18	0.99	0.61
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD21	1:200:A:ASP:H	9	1.18	0.99	0.61
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD22	1:200:A:ASP:H	9	1.18	0.99	0.61
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD23	1:200:A:ASP:H	9	1.18	0.99	0.61
(4,4203)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD22	9	1.16	0.7	0.87
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD11	9	1.12	0.69	0.85
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD12	9	1.12	0.69	0.85
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD13	9	1.12	0.69	0.85
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD21	9	1.12	0.69	0.85
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD22	9	1.12	0.69	0.85
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD23	9	1.12	0.69	0.85
(4,2905)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:HD22	9	1.11	0.59	1.29
(4,2905)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:HD22	9	1.11	0.59	1.29
(4,3537)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HB	9	1.11	0.52	1.0
(4,3537)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HB	9	1.11	0.52	1.0
(4,2183)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HD1	9	1.11	0.46	1.05
(4,2183)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HD2	9	1.11	0.46	1.05
(4,3730)	1:29:A:ASN:HB3	1:30:A:GLU:HG2	9	1.1	1.09	0.76
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	9	1.09	0.14	1.03
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	9	1.09	0.14	1.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	9	1.09	0.14	1.03
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD11	9	1.08	0.67	1.04
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD12	9	1.08	0.67	1.04
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD13	9	1.08	0.67	1.04
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD21	9	1.08	0.67	1.04
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD22	9	1.08	0.67	1.04
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD23	9	1.08	0.67	1.04
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD11	9	1.08	0.67	1.04
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD12	9	1.08	0.67	1.04
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD13	9	1.08	0.67	1.04
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD21	9	1.08	0.67	1.04
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD22	9	1.08	0.67	1.04
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD23	9	1.08	0.67	1.04
(4,956)	1:100:A:SER:HB2	1:103:A:GLN:HE21	9	1.08	0.76	0.87
(4,956)	1:100:A:SER:HB2	1:103:A:GLN:HE22	9	1.08	0.76	0.87
(4,956)	1:100:A:SER:HB3	1:103:A:GLN:HE21	9	1.08	0.76	0.87
(4,956)	1:100:A:SER:HB3	1:103:A:GLN:HE22	9	1.08	0.76	0.87
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG11	9	1.08	0.36	1.16
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG12	9	1.08	0.36	1.16
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG13	9	1.08	0.36	1.16
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG21	9	1.07	0.91	0.7
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG22	9	1.07	0.91	0.7
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG23	9	1.07	0.91	0.7
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG21	9	1.07	0.91	0.7
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG22	9	1.07	0.91	0.7
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG23	9	1.07	0.91	0.7
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG21	9	1.07	0.91	0.7
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG22	9	1.07	0.91	0.7
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG23	9	1.07	0.91	0.7
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:H	9	1.05	0.73	0.86
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:H	9	1.05	0.73	0.86
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:H	9	1.05	0.73	0.86
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:H	9	1.05	0.73	0.86
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:H	9	1.05	0.73	0.86
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:H	9	1.05	0.73	0.86
(4,287)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:H	9	1.04	0.73	0.72
(4,287)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:H	9	1.04	0.73	0.72
(4,131)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HG12	9	1.04	0.8	0.72
(4,131)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HG13	9	1.04	0.8	0.72
(4,131)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HG12	9	1.04	0.8	0.72
(4,131)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HG13	9	1.04	0.8	0.72
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG11	9	1.03	0.64	0.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG12	9	1.03	0.64	0.95
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG13	9	1.03	0.64	0.95
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:H	9	1.03	0.55	0.87
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:H	9	1.03	0.55	0.87
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:H	9	1.03	0.55	0.87
(4,3843)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD1	9	1.02	0.6	0.72
(4,3843)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD2	9	1.02	0.6	0.72
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:HG2	9	1.0	0.68	0.82
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:HG3	9	1.0	0.68	0.82
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:HG2	9	1.0	0.68	0.82
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:HG3	9	1.0	0.68	0.82
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:HG2	9	1.0	0.68	0.82
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:HG3	9	1.0	0.68	0.82
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD11	9	0.99	0.58	0.81
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD12	9	0.99	0.58	0.81
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD13	9	0.99	0.58	0.81
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD21	9	0.99	0.58	0.81
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD22	9	0.99	0.58	0.81
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD23	9	0.99	0.58	0.81
(4,2405)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HA	9	0.99	0.49	0.8
(4,2405)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HA	9	0.99	0.49	0.8
(4,3039)	1:77:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD21	9	0.97	0.87	0.78
(4,368)	1:154:A:SER:HA	1:156:A:ALA:HA	9	0.97	0.53	1.13
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG21	1:145:A:ASN:HD22	9	0.97	0.49	0.97
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG22	1:145:A:ASN:HD22	9	0.97	0.49	0.97
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG23	1:145:A:ASN:HD22	9	0.97	0.49	0.97
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD11	1:110:A:SER:H	9	0.97	0.57	0.96
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD12	1:110:A:SER:H	9	0.97	0.57	0.96
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD13	1:110:A:SER:H	9	0.97	0.57	0.96
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	9	0.96	0.59	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	9	0.96	0.59	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	9	0.96	0.59	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	9	0.96	0.59	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	9	0.96	0.59	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	9	0.96	0.59	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	9	0.96	0.59	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	9	0.96	0.59	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	9	0.96	0.59	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	9	0.96	0.59	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	9	0.96	0.59	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	9	0.96	0.59	1.0
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD21	9	0.95	0.24	1.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD22	9	0.95	0.24	1.04
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD23	9	0.95	0.24	1.04
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD11	1:119:A:GLN:HE21	9	0.95	0.48	1.01
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD12	1:119:A:GLN:HE21	9	0.95	0.48	1.01
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD13	1:119:A:GLN:HE21	9	0.95	0.48	1.01
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:HE21	9	0.95	0.48	1.01
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:HE21	9	0.95	0.48	1.01
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:HE21	9	0.95	0.48	1.01
(4,1050)	1:15:A:PRO:HB2	1:34:A:PHE:H	9	0.94	0.43	0.89
(4,1050)	1:15:A:PRO:HB3	1:34:A:PHE:H	9	0.94	0.43	0.89
(4,2300)	1:134:A:THR:HG21	1:138:A:VAL:H	9	0.94	0.38	0.95
(4,2300)	1:134:A:THR:HG22	1:138:A:VAL:H	9	0.94	0.38	0.95
(4,2300)	1:134:A:THR:HG23	1:138:A:VAL:H	9	0.94	0.38	0.95
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD11	1:126:A:LYS:H	9	0.93	0.87	0.58
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD12	1:126:A:LYS:H	9	0.93	0.87	0.58
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD13	1:126:A:LYS:H	9	0.93	0.87	0.58
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD11	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD12	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD13	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD21	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD22	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD23	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD11	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD12	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD13	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD21	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD22	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD23	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD11	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD12	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD13	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD21	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD22	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD23	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD11	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD12	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD13	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD21	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD22	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD23	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD11	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD12	9	0.92	0.56	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD13	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD21	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD22	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD23	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD11	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD12	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD13	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD21	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD22	9	0.92	0.56	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD23	9	0.92	0.56	0.93
(4,2985)	1:171:A:VAL:HB	1:172:A:GLU:HG2	9	0.91	0.43	0.98
(4,2985)	1:171:A:VAL:HB	1:172:A:GLU:HG3	9	0.91	0.43	0.98
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:H	9	0.9	0.45	0.58
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:H	9	0.9	0.45	0.58
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:H	9	0.9	0.45	0.58
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD11	9	0.86	0.46	0.76
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD12	9	0.86	0.46	0.76
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD13	9	0.86	0.46	0.76
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD11	1:96:A:LEU:H	9	0.85	0.54	0.64
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD12	1:96:A:LEU:H	9	0.85	0.54	0.64
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD13	1:96:A:LEU:H	9	0.85	0.54	0.64
(4,732)	1:39:A:LEU:HB2	1:208:A:ARG:HD2	9	0.85	0.35	0.97
(4,732)	1:39:A:LEU:HB2	1:208:A:ARG:HD3	9	0.85	0.35	0.97
(4,732)	1:39:A:LEU:HB3	1:208:A:ARG:HD2	9	0.85	0.35	0.97
(4,732)	1:39:A:LEU:HB3	1:208:A:ARG:HD3	9	0.85	0.35	0.97
(4,851)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE21	9	0.85	0.43	0.79
(4,851)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE21	9	0.85	0.43	0.79
(4,851)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE21	9	0.85	0.43	0.79
(4,851)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE21	9	0.85	0.43	0.79
(4,851)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE21	9	0.85	0.43	0.79
(4,851)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE21	9	0.85	0.43	0.79
(1,159)	1:191:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	9	0.82	0.77	0.49
(4,67)	1:21:A:PHE:HD1	1:91:A:GLY:HA2	9	0.81	0.52	0.76
(4,67)	1:21:A:PHE:HD1	1:91:A:GLY:HA3	9	0.81	0.52	0.76
(4,67)	1:21:A:PHE:HD2	1:91:A:GLY:HA2	9	0.81	0.52	0.76
(4,67)	1:21:A:PHE:HD2	1:91:A:GLY:HA3	9	0.81	0.52	0.76
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG21	1:179:A:GLU:H	9	0.8	0.38	0.68
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG22	1:179:A:GLU:H	9	0.8	0.38	0.68
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG23	1:179:A:GLU:H	9	0.8	0.38	0.68
(4,1107)	1:57:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HD1	9	0.8	0.47	0.73
(4,1107)	1:57:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HD2	9	0.8	0.47	0.73
(4,515)	1:81:A:TRP:HE3	1:83:A:LYS:H	9	0.79	1.25	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,514)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	9	0.79	0.56	0.55
(4,868)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HB2	9	0.79	0.81	0.38
(4,868)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HB3	9	0.79	0.81	0.38
(4,868)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HB2	9	0.79	0.81	0.38
(4,868)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HB3	9	0.79	0.81	0.38
(4,579)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HB	9	0.78	0.47	0.76
(4,579)	1:143:A:LYS:HG3	1:146:A:VAL:HB	9	0.78	0.47	0.76
(4,448)	1:86:A:VAL:HG11	1:93:A:TYR:HD1	9	0.76	0.59	0.47
(4,448)	1:86:A:VAL:HG11	1:93:A:TYR:HD2	9	0.76	0.59	0.47
(4,448)	1:86:A:VAL:HG12	1:93:A:TYR:HD1	9	0.76	0.59	0.47
(4,448)	1:86:A:VAL:HG12	1:93:A:TYR:HD2	9	0.76	0.59	0.47
(4,448)	1:86:A:VAL:HG13	1:93:A:TYR:HD1	9	0.76	0.59	0.47
(4,448)	1:86:A:VAL:HG13	1:93:A:TYR:HD2	9	0.76	0.59	0.47
(4,8)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA3	9	0.75	0.43	0.62
(4,8)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA3	9	0.75	0.43	0.62
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG21	9	0.74	0.49	0.8
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG22	9	0.74	0.49	0.8
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG23	9	0.74	0.49	0.8
(4,1907)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:H	9	0.74	0.26	0.61
(4,1907)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:H	9	0.74	0.26	0.61
(4,3466)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HE21	9	0.73	0.33	0.72
(4,3466)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HE22	9	0.73	0.33	0.72
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG11	1:230:A:GLY:H	9	0.73	0.41	0.61
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG12	1:230:A:GLY:H	9	0.73	0.41	0.61
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG13	1:230:A:GLY:H	9	0.73	0.41	0.61
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HB	9	0.7	0.39	0.68
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HB	9	0.7	0.39	0.68
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HB	9	0.7	0.39	0.68
(4,647)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:H	9	0.69	0.66	0.41
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD11	1:117:A:LYS:HG2	9	0.67	0.4	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD11	1:117:A:LYS:HG3	9	0.67	0.4	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD12	1:117:A:LYS:HG2	9	0.67	0.4	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD12	1:117:A:LYS:HG3	9	0.67	0.4	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD13	1:117:A:LYS:HG2	9	0.67	0.4	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD13	1:117:A:LYS:HG3	9	0.67	0.4	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD21	1:117:A:LYS:HG2	9	0.67	0.4	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD21	1:117:A:LYS:HG3	9	0.67	0.4	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD22	1:117:A:LYS:HG2	9	0.67	0.4	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD22	1:117:A:LYS:HG3	9	0.67	0.4	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD23	1:117:A:LYS:HG2	9	0.67	0.4	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD23	1:117:A:LYS:HG3	9	0.67	0.4	0.74
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD11	9	0.65	0.31	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD12	9	0.65	0.31	0.6
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD13	9	0.65	0.31	0.6
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	9	0.64	0.42	0.68
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	9	0.64	0.42	0.68
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	9	0.64	0.42	0.68
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	9	0.64	0.42	0.68
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	9	0.64	0.42	0.68
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	9	0.64	0.42	0.68
(4,182)	1:55:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HG2	9	0.63	0.39	0.53
(4,182)	1:55:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HG3	9	0.63	0.39	0.53
(4,182)	1:55:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HG2	9	0.63	0.39	0.53
(4,182)	1:55:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HG3	9	0.63	0.39	0.53
(4,182)	1:55:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HG2	9	0.63	0.39	0.53
(4,182)	1:55:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HG3	9	0.63	0.39	0.53
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG21	1:194:A:SER:H	9	0.62	0.28	0.69
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG22	1:194:A:SER:H	9	0.62	0.28	0.69
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG23	1:194:A:SER:H	9	0.62	0.28	0.69
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD21	9	0.62	0.44	0.51
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD22	9	0.62	0.44	0.51
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD23	9	0.62	0.44	0.51
(3,19)	1:55:A:ILE:H	1:170:A:TYR:O	9	0.62	0.52	0.36
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD21	1:120:A:SER:H	9	0.62	0.39	0.75
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD22	1:120:A:SER:H	9	0.62	0.39	0.75
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD23	1:120:A:SER:H	9	0.62	0.39	0.75
(4,345)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HB2	9	0.61	0.26	0.67
(4,345)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HB3	9	0.61	0.26	0.67
(4,4008)	1:115:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HG2	9	0.6	0.37	0.46
(4,4008)	1:115:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HG2	9	0.6	0.37	0.46
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD11	1:93:A:TYR:HD1	9	0.6	0.23	0.7
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD11	1:93:A:TYR:HD2	9	0.6	0.23	0.7
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD12	1:93:A:TYR:HD1	9	0.6	0.23	0.7
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD12	1:93:A:TYR:HD2	9	0.6	0.23	0.7
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD13	1:93:A:TYR:HD1	9	0.6	0.23	0.7
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD13	1:93:A:TYR:HD2	9	0.6	0.23	0.7
(4,1905)	1:213:A:SER:H	1:214:A:TYR:HE1	9	0.56	0.53	0.44
(4,1905)	1:213:A:SER:H	1:214:A:TYR:HE2	9	0.56	0.53	0.44
(4,1441)	1:235:A:TRP:HA	1:235:A:TRP:HE1	9	0.53	0.34	0.4
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:H	9	0.53	0.17	0.6
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:H	9	0.53	0.17	0.6
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:H	9	0.53	0.17	0.6
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	9	0.53	0.22	0.53
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	9	0.53	0.22	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	9	0.53	0.22	0.53
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG11	9	0.53	0.29	0.63
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG12	9	0.53	0.29	0.63
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG13	9	0.53	0.29	0.63
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG21	9	0.53	0.29	0.63
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG22	9	0.53	0.29	0.63
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG23	9	0.53	0.29	0.63
(4,3262)	1:190:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:H	9	0.52	0.29	0.59
(4,3262)	1:190:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:H	9	0.52	0.29	0.59
(4,3427)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HB3	9	0.52	0.06	0.54
(4,3217)	1:204:A:GLN:HE21	1:207:A:VAL:H	9	0.52	0.27	0.52
(4,3217)	1:204:A:GLN:HE22	1:207:A:VAL:H	9	0.52	0.27	0.52
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:H	9	0.5	0.42	0.33
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:H	9	0.5	0.42	0.33
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:H	9	0.5	0.42	0.33
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:H	9	0.5	0.42	0.33
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:H	9	0.5	0.42	0.33
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:H	9	0.5	0.42	0.33
(4,79)	1:52:A:VAL:HG21	1:232:A:GLY:H	9	0.49	0.29	0.46
(4,79)	1:52:A:VAL:HG22	1:232:A:GLY:H	9	0.49	0.29	0.46
(4,79)	1:52:A:VAL:HG23	1:232:A:GLY:H	9	0.49	0.29	0.46
(4,4012)	1:136:A:GLN:HE21	1:137:A:PHE:H	9	0.49	0.24	0.45
(4,4012)	1:136:A:GLN:HE22	1:137:A:PHE:H	9	0.49	0.24	0.45
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD21	9	0.48	0.25	0.42
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD22	9	0.48	0.25	0.42
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD23	9	0.48	0.25	0.42
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD11	9	0.46	0.19	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD12	9	0.46	0.19	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD13	9	0.46	0.19	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD21	9	0.46	0.19	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD22	9	0.46	0.19	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD23	9	0.46	0.19	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD11	9	0.46	0.19	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD12	9	0.46	0.19	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD13	9	0.46	0.19	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD21	9	0.46	0.19	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD22	9	0.46	0.19	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD23	9	0.46	0.19	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD11	9	0.46	0.19	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD12	9	0.46	0.19	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD13	9	0.46	0.19	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD21	9	0.46	0.19	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD22	9	0.46	0.19	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD23	9	0.46	0.19	0.43
(4,3355)	1:54:A:ALA:HA	1:170:A:TYR:H	9	0.45	0.21	0.46
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG21	9	0.45	0.06	0.45
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG22	9	0.45	0.06	0.45
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG23	9	0.45	0.06	0.45
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG11	9	0.44	0.35	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG12	9	0.44	0.35	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG13	9	0.44	0.35	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG21	9	0.44	0.35	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG22	9	0.44	0.35	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG23	9	0.44	0.35	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG11	9	0.44	0.35	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG12	9	0.44	0.35	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG13	9	0.44	0.35	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG21	9	0.44	0.35	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG22	9	0.44	0.35	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG23	9	0.44	0.35	0.3
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD11	9	0.44	0.36	0.27
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD12	9	0.44	0.36	0.27
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD13	9	0.44	0.36	0.27
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD21	9	0.44	0.36	0.27
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD22	9	0.44	0.36	0.27
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD23	9	0.44	0.36	0.27
(4,2796)	1:41:A:GLU:HB3	1:43:A:GLU:HA	9	0.43	0.18	0.54
(4,2841)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:H	9	0.41	0.19	0.4
(4,3966)	1:147:A:GLN:HE21	1:148:A:THR:H	9	0.4	0.18	0.37
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG11	9	0.39	0.06	0.38
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG12	9	0.39	0.06	0.38
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG13	9	0.39	0.06	0.38
(4,1131)	1:47:A:PHE:H	1:48:A:LEU:HB3	9	0.35	0.13	0.34
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:HA	9	0.34	0.15	0.31
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:HA	9	0.34	0.15	0.31
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:HA	9	0.34	0.15	0.31
(4,3116)	1:22:A:ALA:HA	1:25:A:LEU:HA	9	0.33	0.11	0.35
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD11	9	0.3	0.08	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD12	9	0.3	0.08	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD13	9	0.3	0.08	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD21	9	0.3	0.08	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD22	9	0.3	0.08	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD23	9	0.3	0.08	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD11	9	0.3	0.08	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD12	9	0.3	0.08	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD13	9	0.3	0.08	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD21	9	0.3	0.08	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD22	9	0.3	0.08	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD23	9	0.3	0.08	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD11	9	0.3	0.08	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD12	9	0.3	0.08	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD13	9	0.3	0.08	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD21	9	0.3	0.08	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD22	9	0.3	0.08	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD23	9	0.3	0.08	0.31
(4,978)	1:118:A:SER:H	1:121:A:ASP:H	9	0.25	0.1	0.22
(4,1739)	1:222:A:ASP:H	1:224:A:LEU:H	9	0.25	0.09	0.2
(4,352)	1:202:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HB2	9	0.24	0.1	0.21
(4,3123)	1:221:A:GLU:HA	1:222:A:ASP:HB2	9	0.14	0.04	0.14
(4,3123)	1:221:A:GLU:HA	1:222:A:ASP:HB3	9	0.14	0.04	0.14
(4,3481)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:H	9	0.14	0.03	0.14
(5,681)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	8	10.69	3.55	10.58
(5,657)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	8	10.53	2.37	10.8
(1,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	8	10.24	2.4	10.6
(5,663)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	8	9.94	2.99	10.32
(5,764)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	8	9.7	3.02	9.34
(1,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	8	9.59	5.01	10.08
(1,505)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	8	9.41	2.98	9.3
(5,737)	1:5:A:ASN:ND2	1:68:A:SER:H	8	9.03	4.44	8.44
(1,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	8	8.78	4.1	8.24
(5,520)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	8	8.48	2.74	7.88
(5,820)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	8	8.2	2.12	8.18
(5,785)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	8	8.01	3.08	8.22
(5,546)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	8	7.45	1.67	8.02
(5,730)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	8	7.39	3.16	6.74
(5,747)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	8	7.38	2.37	7.66
(1,508)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	8	7.25	3.56	7.46
(5,513)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	8	7.22	4.05	6.77
(5,646)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	8	7.2	3.2	7.14
(1,493)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	8	6.66	3.72	7.88
(1,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	8	6.6	2.89	6.4
(5,818)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	8	6.52	2.04	6.52
(5,612)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	8	6.51	4.18	5.43
(5,565)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	8	6.38	5.24	5.68
(5,713)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	8	6.33	3.22	5.9
(5,805)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	8	6.26	3.4	5.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(5,815)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	8	6.14	2.87	5.81
(5,705)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	8	6.04	2.07	5.78
(5,807)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	8	5.91	3.19	6.4
(5,686)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	8	5.86	3.9	5.65
(5,749)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	8	5.78	2.82	6.02
(5,697)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	8	5.69	3.81	5.04
(5,569)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	8	5.47	2.64	5.6
(5,679)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	8	5.41	4.61	3.38
(5,242)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	8	5.32	2.44	5.86
(1,452)	1:5:A:ASN:ND2	1:170:A:TYR:H	8	5.28	3.09	4.44
(1,511)	1:5:A:ASN:ND2	1:36:A:ILE:H	8	5.26	2.92	4.9
(5,600)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	8	5.03	2.03	4.84
(5,689)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	8	4.9	2.99	5.28
(5,614)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	8	4.7	2.33	4.58
(1,539)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	8	4.64	2.11	4.92
(5,778)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	8	4.33	2.38	4.78
(5,640)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	8	4.27	2.87	3.33
(4,468)	1:81:A:TRP:HE1	1:183:A:ARG:H	8	4.17	1.81	5.0
(5,475)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	8	4.11	2.03	3.92
(5,558)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	8	4.11	2.49	2.86
(1,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	8	3.98	1.88	3.14
(1,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	8	3.95	3.37	2.54
(1,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	8	3.74	1.71	3.41
(5,780)	1:5:A:ASN:ND2	1:236:A:GLU:H	8	3.61	2.48	2.81
(1,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	8	3.38	5.48	1.42
(1,169)	1:9:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	8	3.27	1.44	3.36
(1,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	8	3.26	3.63	1.76
(5,259)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	8	3.17	1.8	2.86
(4,653)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HE1	8	3.1	2.52	3.05
(4,653)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HE2	8	3.1	2.52	3.05
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HE1	8	3.1	0.97	3.49
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HE2	8	3.1	0.97	3.49
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HE1	8	3.1	0.97	3.49
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HE2	8	3.1	0.97	3.49
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HE1	8	3.1	0.97	3.49
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HE2	8	3.1	0.97	3.49
(5,721)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	8	2.94	2.67	2.6
(4,999)	1:81:A:TRP:HZ3	1:129:A:PHE:H	8	2.46	2.02	1.8
(4,3722)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HG	8	2.13	0.63	2.28
(4,1030)	1:31:A:TRP:HE3	1:233:A:PRO:HD2	8	2.01	0.77	1.77
(4,1030)	1:31:A:TRP:HE3	1:233:A:PRO:HD3	8	2.01	0.77	1.77
(4,1022)	1:30:A:GLU:H	1:31:A:TRP:HE1	8	1.9	1.06	1.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG21	8	1.84	0.71	1.91
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG22	8	1.84	0.71	1.91
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG23	8	1.84	0.71	1.91
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG21	8	1.84	0.71	1.91
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG22	8	1.84	0.71	1.91
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG23	8	1.84	0.71	1.91
(4,1045)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HB2	8	1.76	0.36	1.82
(4,1045)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HB3	8	1.76	0.36	1.82
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	8	1.6	0.36	1.62
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	8	1.6	0.36	1.62
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	8	1.6	0.36	1.62
(1,86)	1:225:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	8	1.59	0.84	1.39
(1,212)	1:179:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	8	1.52	1.61	0.82
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:CD2	8	1.52	1.35	1.33
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:CD2	8	1.52	1.35	1.33
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:CD2	8	1.52	1.35	1.33
(4,982)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HD1	8	1.46	0.85	1.75
(4,982)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HD2	8	1.46	0.85	1.75
(4,982)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HD1	8	1.46	0.85	1.75
(4,982)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HD2	8	1.46	0.85	1.75
(4,982)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HD1	8	1.46	0.85	1.75
(4,982)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HD2	8	1.46	0.85	1.75
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD21	8	1.4	0.29	1.42
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD22	8	1.4	0.29	1.42
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD23	8	1.4	0.29	1.42
(4,2389)	1:208:A:ARG:HD2	1:210:A:ARG:H	8	1.39	0.42	1.45
(4,2389)	1:208:A:ARG:HD3	1:210:A:ARG:H	8	1.39	0.42	1.45
(4,2574)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HD22	8	1.35	1.13	0.91
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD21	1:221:A:GLU:HG2	8	1.33	0.44	1.18
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD21	1:221:A:GLU:HG3	8	1.33	0.44	1.18
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:HG2	8	1.33	0.44	1.18
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:HG3	8	1.33	0.44	1.18
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	8	1.29	0.24	1.3
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	8	1.29	0.24	1.3
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	8	1.29	0.24	1.3
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG11	8	1.29	0.49	1.27
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG12	8	1.29	0.49	1.27
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG13	8	1.29	0.49	1.27
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG11	8	1.29	0.49	1.27
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG12	8	1.29	0.49	1.27
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG13	8	1.29	0.49	1.27
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD11	8	1.26	0.67	0.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD12	8	1.26	0.67	0.96
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD13	8	1.26	0.67	0.96
(4,1647)	1:157:A:PRO:HA	1:159:A:ALA:H	8	1.25	0.15	1.27
(2,512)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	8	1.24	0.54	1.32
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG11	8	1.2	0.16	1.18
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG12	8	1.2	0.16	1.18
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG13	8	1.2	0.16	1.18
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG11	8	1.19	0.92	1.04
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG12	8	1.19	0.92	1.04
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG13	8	1.19	0.92	1.04
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG11	8	1.19	0.92	1.04
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG12	8	1.19	0.92	1.04
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG13	8	1.19	0.92	1.04
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD11	8	1.19	0.99	0.66
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD12	8	1.19	0.99	0.66
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD13	8	1.19	0.99	0.66
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD21	8	1.19	0.99	0.66
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD22	8	1.19	0.99	0.66
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD23	8	1.19	0.99	0.66
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD11	8	1.19	0.99	0.66
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD12	8	1.19	0.99	0.66
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD13	8	1.19	0.99	0.66
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD21	8	1.19	0.99	0.66
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD22	8	1.19	0.99	0.66
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD23	8	1.19	0.99	0.66
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD11	8	1.19	0.99	0.66
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD12	8	1.19	0.99	0.66
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD13	8	1.19	0.99	0.66
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD21	8	1.19	0.99	0.66
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD22	8	1.19	0.99	0.66
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD23	8	1.19	0.99	0.66
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:HB2	8	1.17	0.53	1.16
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:HB3	8	1.17	0.53	1.16
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:HB2	8	1.17	0.53	1.16
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:HB3	8	1.17	0.53	1.16
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:HB2	8	1.17	0.53	1.16
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:HB3	8	1.17	0.53	1.16
(4,4094)	1:86:A:VAL:H	1:93:A:TYR:HD1	8	1.15	0.88	0.62
(4,4094)	1:86:A:VAL:H	1:93:A:TYR:HD2	8	1.15	0.88	0.62
(4,3693)	1:52:A:VAL:HB	1:202:A:ILE:H	8	1.13	0.29	1.16
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:HA2	8	1.07	0.31	1.08
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:HA3	8	1.07	0.31	1.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:HA2	8	1.07	0.31	1.08
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:HA3	8	1.07	0.31	1.08
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD1	1:228:A:MET:HG2	8	1.05	0.87	0.72
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD1	1:228:A:MET:HG3	8	1.05	0.87	0.72
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD2	1:228:A:MET:HG2	8	1.05	0.87	0.72
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD2	1:228:A:MET:HG3	8	1.05	0.87	0.72
(4,4081)	1:168:A:ILE:H	1:169:A:THR:HG1	8	1.05	0.59	1.2
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD21	1:102:A:ASN:HD21	8	1.05	0.75	0.6
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD21	1:102:A:ASN:HD22	8	1.05	0.75	0.6
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD22	1:102:A:ASN:HD21	8	1.05	0.75	0.6
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD22	1:102:A:ASN:HD22	8	1.05	0.75	0.6
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG11	1:173:A:GLU:H	8	1.04	0.26	1.12
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG12	1:173:A:GLU:H	8	1.04	0.26	1.12
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG13	1:173:A:GLU:H	8	1.04	0.26	1.12
(4,2603)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HD1	8	1.03	1.13	0.66
(4,2603)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HD2	8	1.03	1.13	0.66
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD11	8	1.02	0.73	0.96
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD12	8	1.02	0.73	0.96
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD13	8	1.02	0.73	0.96
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	8	1.01	1.14	0.57
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	8	1.01	1.14	0.57
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	8	1.01	1.14	0.57
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD11	8	0.99	0.43	0.92
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD12	8	0.99	0.43	0.92
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD13	8	0.99	0.43	0.92
(4,108)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HE1	8	0.97	0.47	0.88
(4,108)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HE2	8	0.97	0.47	0.88
(4,108)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HE1	8	0.97	0.47	0.88
(4,108)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HE2	8	0.97	0.47	0.88
(4,108)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HE1	8	0.97	0.47	0.88
(4,108)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HE2	8	0.97	0.47	0.88
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD21	8	0.96	0.86	0.67
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD22	8	0.96	0.86	0.67
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD23	8	0.96	0.86	0.67
(4,2927)	1:67:A:SER:H	1:217:A:ASN:HB2	8	0.96	0.57	0.92
(4,2927)	1:67:A:SER:H	1:217:A:ASN:HB3	8	0.96	0.57	0.92
(1,153)	1:212:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	8	0.96	0.8	0.66
(1,220)	1:225:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	8	0.95	0.67	0.84
(4,313)	1:79:A:VAL:HG11	1:179:A:GLU:H	8	0.95	0.61	0.84
(4,313)	1:79:A:VAL:HG12	1:179:A:GLU:H	8	0.95	0.61	0.84
(4,313)	1:79:A:VAL:HG13	1:179:A:GLU:H	8	0.95	0.61	0.84
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	8	0.95	0.33	0.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	8	0.95	0.33	0.92
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	8	0.95	0.33	0.92
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB1	8	0.94	0.52	0.78
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB2	8	0.94	0.52	0.78
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB3	8	0.94	0.52	0.78
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB1	8	0.94	0.52	0.78
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB2	8	0.94	0.52	0.78
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB3	8	0.94	0.52	0.78
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB1	8	0.94	0.52	0.78
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB2	8	0.94	0.52	0.78
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB3	8	0.94	0.52	0.78
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD11	8	0.94	0.62	0.68
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD12	8	0.94	0.62	0.68
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD13	8	0.94	0.62	0.68
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD11	1:47:A:PHE:H	8	0.93	0.07	0.92
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD12	1:47:A:PHE:H	8	0.93	0.07	0.92
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD13	1:47:A:PHE:H	8	0.93	0.07	0.92
(4,1967)	1:83:A:LYS:HG2	1:85:A:SER:HA	8	0.93	0.58	0.71
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:H	8	0.93	0.53	0.68
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:H	8	0.93	0.53	0.68
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:H	8	0.93	0.53	0.68
(4,2696)	1:31:A:TRP:H	1:31:A:TRP:HE1	8	0.93	0.52	0.82
(4,509)	1:73:A:ILE:HD11	1:77:A:TYR:HD1	8	0.92	0.58	0.79
(4,509)	1:73:A:ILE:HD11	1:77:A:TYR:HD2	8	0.92	0.58	0.79
(4,509)	1:73:A:ILE:HD12	1:77:A:TYR:HD1	8	0.92	0.58	0.79
(4,509)	1:73:A:ILE:HD12	1:77:A:TYR:HD2	8	0.92	0.58	0.79
(4,509)	1:73:A:ILE:HD13	1:77:A:TYR:HD1	8	0.92	0.58	0.79
(4,509)	1:73:A:ILE:HD13	1:77:A:TYR:HD2	8	0.92	0.58	0.79
(4,68)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HB	8	0.92	0.31	1.04
(4,68)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HB	8	0.92	0.31	1.04
(4,68)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HB	8	0.92	0.31	1.04
(4,1557)	1:213:A:SER:HA	1:217:A:ASN:HD21	8	0.9	0.54	0.8
(4,1557)	1:213:A:SER:HA	1:217:A:ASN:HD22	8	0.9	0.54	0.8
(4,356)	1:106:A:LEU:HD21	1:110:A:SER:H	8	0.9	0.58	0.86
(4,356)	1:106:A:LEU:HD22	1:110:A:SER:H	8	0.9	0.58	0.86
(4,356)	1:106:A:LEU:HD23	1:110:A:SER:H	8	0.9	0.58	0.86
(4,3205)	1:201:A:LEU:H	1:204:A:GLN:HG2	8	0.9	0.4	0.94
(4,3205)	1:201:A:LEU:H	1:204:A:GLN:HG3	8	0.9	0.4	0.94
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:H	8	0.88	0.26	0.81
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:H	8	0.88	0.26	0.81
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:H	8	0.88	0.26	0.81
(4,370)	1:216:A:GLU:HG2	1:217:A:ASN:HD21	8	0.86	0.46	0.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,370)	1:216:A:GLU:HG2	1:217:A:ASN:HD22	8	0.86	0.46	0.92
(4,370)	1:216:A:GLU:HG3	1:217:A:ASN:HD21	8	0.86	0.46	0.92
(4,370)	1:216:A:GLU:HG3	1:217:A:ASN:HD22	8	0.86	0.46	0.92
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:H	8	0.86	0.55	0.84
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:H	8	0.86	0.55	0.84
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:H	8	0.86	0.55	0.84
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG11	1:167:A:TYR:HE1	8	0.85	0.26	0.9
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG11	1:167:A:TYR:HE2	8	0.85	0.26	0.9
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG12	1:167:A:TYR:HE1	8	0.85	0.26	0.9
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG12	1:167:A:TYR:HE2	8	0.85	0.26	0.9
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG13	1:167:A:TYR:HE1	8	0.85	0.26	0.9
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG13	1:167:A:TYR:HE2	8	0.85	0.26	0.9
(4,2267)	1:29:A:ASN:H	1:30:A:GLU:HG3	8	0.85	0.62	0.88
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG21	8	0.84	0.14	0.83
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG22	8	0.84	0.14	0.83
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG23	8	0.84	0.14	0.83
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD11	8	0.83	0.63	0.66
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD12	8	0.83	0.63	0.66
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD13	8	0.83	0.63	0.66
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD21	8	0.83	0.63	0.66
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD22	8	0.83	0.63	0.66
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD23	8	0.83	0.63	0.66
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD11	8	0.83	0.63	0.66
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD12	8	0.83	0.63	0.66
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD13	8	0.83	0.63	0.66
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD21	8	0.83	0.63	0.66
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD22	8	0.83	0.63	0.66
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD23	8	0.83	0.63	0.66
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD11	8	0.83	0.63	0.66
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD12	8	0.83	0.63	0.66
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD13	8	0.83	0.63	0.66
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD21	8	0.83	0.63	0.66
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD22	8	0.83	0.63	0.66
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD23	8	0.83	0.63	0.66
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HB2	8	0.83	0.5	0.96
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HB3	8	0.83	0.5	0.96
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HB2	8	0.83	0.5	0.96
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HB3	8	0.83	0.5	0.96
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HB2	8	0.83	0.5	0.96
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HB3	8	0.83	0.5	0.96
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD11	8	0.82	0.44	0.94
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD12	8	0.82	0.44	0.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD13	8	0.82	0.44	0.94
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD21	8	0.82	0.44	0.94
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD22	8	0.82	0.44	0.94
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD23	8	0.82	0.44	0.94
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HD1	8	0.8	0.37	0.74
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HD2	8	0.8	0.37	0.74
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HD1	8	0.8	0.37	0.74
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HD2	8	0.8	0.37	0.74
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HD1	8	0.8	0.37	0.74
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HD2	8	0.8	0.37	0.74
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HD1	8	0.8	0.37	0.74
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HD2	8	0.8	0.37	0.74
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HD1	8	0.8	0.37	0.74
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HD2	8	0.8	0.37	0.74
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HD1	8	0.8	0.37	0.74
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HD2	8	0.8	0.37	0.74
(4,3935)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD1	8	0.8	0.6	0.75
(4,3935)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD2	8	0.8	0.6	0.75
(4,3935)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD1	8	0.8	0.6	0.75
(4,3935)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD2	8	0.8	0.6	0.75
(4,93)	1:144:A:GLU:HB2	1:149:A:PHE:HD1	8	0.79	0.51	0.82
(4,93)	1:144:A:GLU:HB2	1:149:A:PHE:HD2	8	0.79	0.51	0.82
(4,93)	1:144:A:GLU:HB3	1:149:A:PHE:HD1	8	0.79	0.51	0.82
(4,93)	1:144:A:GLU:HB3	1:149:A:PHE:HD2	8	0.79	0.51	0.82
(4,831)	1:203:A:GLU:HB2	1:204:A:GLN:HG2	8	0.77	0.21	0.8
(4,831)	1:203:A:GLU:HB2	1:204:A:GLN:HG3	8	0.77	0.21	0.8
(4,831)	1:203:A:GLU:HB3	1:204:A:GLN:HG2	8	0.77	0.21	0.8
(4,831)	1:203:A:GLU:HB3	1:204:A:GLN:HG3	8	0.77	0.21	0.8
(5,8)	1:104:A:SER:OG	1:212:A:ALA:H	8	0.77	0.26	0.73
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:HB2	8	0.76	0.39	0.75
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:HB2	8	0.76	0.39	0.75
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:HB2	8	0.76	0.39	0.75
(4,1510)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HG2	8	0.76	0.4	0.7
(4,1510)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HG3	8	0.76	0.4	0.7
(4,49)	1:106:A:LEU:HD11	1:109:A:GLY:H	8	0.76	0.4	0.6
(4,49)	1:106:A:LEU:HD12	1:109:A:GLY:H	8	0.76	0.4	0.6
(4,49)	1:106:A:LEU:HD13	1:109:A:GLY:H	8	0.76	0.4	0.6
(4,49)	1:106:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:H	8	0.76	0.4	0.6
(4,49)	1:106:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:H	8	0.76	0.4	0.6
(4,49)	1:106:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:H	8	0.76	0.4	0.6
(4,2279)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HB2	8	0.75	0.48	0.8
(4,2279)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HB3	8	0.75	0.48	0.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,616)	1:61:A:ILE:HA	1:214:A:TYR:HD1	8	0.74	0.61	0.48
(4,616)	1:61:A:ILE:HA	1:214:A:TYR:HD2	8	0.74	0.61	0.48
(4,3062)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HB3	8	0.74	0.21	0.73
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB1	8	0.72	0.44	0.54
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB2	8	0.72	0.44	0.54
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB3	8	0.72	0.44	0.54
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB1	8	0.72	0.44	0.54
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB2	8	0.72	0.44	0.54
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB3	8	0.72	0.44	0.54
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB1	8	0.72	0.44	0.54
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB2	8	0.72	0.44	0.54
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB3	8	0.72	0.44	0.54
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD21	8	0.7	0.32	0.55
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD22	8	0.7	0.32	0.55
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD23	8	0.7	0.32	0.55
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HE1	8	0.7	0.48	0.53
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HE1	8	0.7	0.48	0.53
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HE1	8	0.7	0.48	0.53
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB2	8	0.69	0.65	0.51
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB2	8	0.69	0.65	0.51
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB2	8	0.69	0.65	0.51
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HB2	8	0.68	0.45	0.72
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HB3	8	0.68	0.45	0.72
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HB2	8	0.68	0.45	0.72
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HB3	8	0.68	0.45	0.72
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD11	8	0.68	0.45	0.42
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD12	8	0.68	0.45	0.42
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD13	8	0.68	0.45	0.42
(4,347)	1:39:A:LEU:HD11	1:55:A:ILE:CD1	8	0.67	0.56	0.44
(4,347)	1:39:A:LEU:HD12	1:55:A:ILE:CD1	8	0.67	0.56	0.44
(4,347)	1:39:A:LEU:HD13	1:55:A:ILE:CD1	8	0.67	0.56	0.44
(4,347)	1:39:A:LEU:HD21	1:55:A:ILE:CD1	8	0.67	0.56	0.44
(4,347)	1:39:A:LEU:HD22	1:55:A:ILE:CD1	8	0.67	0.56	0.44
(4,347)	1:39:A:LEU:HD23	1:55:A:ILE:CD1	8	0.67	0.56	0.44
(4,629)	1:57:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:H	8	0.67	0.34	0.5
(4,629)	1:57:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:H	8	0.67	0.34	0.5
(4,629)	1:57:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:H	8	0.67	0.34	0.5
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	8	0.66	0.25	0.78
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	8	0.66	0.25	0.78
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	8	0.66	0.25	0.78
(4,3428)	1:41:A:GLU:HB2	1:45:A:LEU:H	8	0.66	0.29	0.72
(4,2384)	1:23:A:HIS:H	1:24:A:LYS:HG2	8	0.65	0.24	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2384)	1:23:A:HIS:H	1:24:A:LYS:HG3	8	0.65	0.24	0.77
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB1	8	0.65	0.31	0.6
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB2	8	0.65	0.31	0.6
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB3	8	0.65	0.31	0.6
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB1	8	0.65	0.31	0.6
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB2	8	0.65	0.31	0.6
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB3	8	0.65	0.31	0.6
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB1	8	0.65	0.31	0.6
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB2	8	0.65	0.31	0.6
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB3	8	0.65	0.31	0.6
(4,303)	1:59:A:PHE:HD1	1:62:A:ASN:H	8	0.64	0.66	0.45
(4,303)	1:59:A:PHE:HD2	1:62:A:ASN:H	8	0.64	0.66	0.45
(4,238)	1:79:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:H	8	0.64	0.48	0.61
(4,238)	1:79:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:H	8	0.64	0.48	0.61
(4,238)	1:79:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:H	8	0.64	0.48	0.61
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD21	1:96:A:LEU:H	8	0.63	0.45	0.47
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD22	1:96:A:LEU:H	8	0.63	0.45	0.47
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD23	1:96:A:LEU:H	8	0.63	0.45	0.47
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:H	8	0.63	0.49	0.54
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:H	8	0.63	0.49	0.54
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:H	8	0.63	0.49	0.54
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD11	8	0.63	0.32	0.59
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD12	8	0.63	0.32	0.59
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD13	8	0.63	0.32	0.59
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD21	8	0.63	0.32	0.59
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD22	8	0.63	0.32	0.59
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD23	8	0.63	0.32	0.59
(4,627)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HG	8	0.63	0.34	0.49
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD21	8	0.62	0.3	0.61
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD22	8	0.62	0.3	0.61
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD23	8	0.62	0.3	0.61
(4,1098)	1:203:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HG2	8	0.62	0.29	0.66
(4,1098)	1:203:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HG3	8	0.62	0.29	0.66
(4,3111)	1:89:A:ALA:H	1:93:A:TYR:HD1	8	0.62	0.55	0.38
(4,3111)	1:89:A:ALA:H	1:93:A:TYR:HD2	8	0.62	0.55	0.38
(4,1687)	1:177:A:ILE:HB	1:192:A:GLY:H	8	0.62	0.2	0.66
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:H	8	0.61	0.31	0.57
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:H	8	0.61	0.31	0.57
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:H	8	0.61	0.31	0.57
(4,4035)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HA	8	0.61	0.27	0.67
(4,4035)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HA	8	0.61	0.27	0.67
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD11	8	0.61	0.33	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD12	8	0.61	0.33	0.52
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD13	8	0.61	0.33	0.52
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD21	8	0.61	0.33	0.52
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD22	8	0.61	0.33	0.52
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD23	8	0.61	0.33	0.52
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD11	8	0.61	0.33	0.52
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD12	8	0.61	0.33	0.52
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD13	8	0.61	0.33	0.52
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD21	8	0.61	0.33	0.52
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD22	8	0.61	0.33	0.52
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD23	8	0.61	0.33	0.52
(4,1493)	1:83:A:LYS:HG2	1:85:A:SER:H	8	0.61	0.25	0.76
(4,1261)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:H	8	0.59	0.2	0.53
(4,1261)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:H	8	0.59	0.2	0.53
(4,4159)	1:157:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	8	0.58	0.27	0.55
(4,4159)	1:157:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	8	0.58	0.27	0.55
(4,762)	1:195:A:ASP:HB2	1:204:A:GLN:H	8	0.58	0.44	0.39
(4,762)	1:195:A:ASP:HB3	1:204:A:GLN:H	8	0.58	0.44	0.39
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG21	8	0.57	0.3	0.54
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG22	8	0.57	0.3	0.54
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG23	8	0.57	0.3	0.54
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG21	8	0.57	0.3	0.54
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG22	8	0.57	0.3	0.54
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG23	8	0.57	0.3	0.54
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD11	1:99:A:LEU:HG	8	0.56	0.3	0.67
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD12	1:99:A:LEU:HG	8	0.56	0.3	0.67
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD13	1:99:A:LEU:HG	8	0.56	0.3	0.67
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD21	1:99:A:LEU:HG	8	0.56	0.3	0.67
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD22	1:99:A:LEU:HG	8	0.56	0.3	0.67
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD23	1:99:A:LEU:HG	8	0.56	0.3	0.67
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG21	1:146:A:VAL:H	8	0.55	0.33	0.62
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG22	1:146:A:VAL:H	8	0.55	0.33	0.62
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG23	1:146:A:VAL:H	8	0.55	0.33	0.62
(4,1120)	1:27:A:LEU:H	1:107:A:GLU:H	8	0.54	0.21	0.57
(4,2654)	1:97:A:HIS:H	1:169:A:THR:HG1	8	0.54	0.34	0.5
(4,369)	1:172:A:GLU:HG2	1:176:A:GLY:H	8	0.53	0.28	0.52
(4,369)	1:172:A:GLU:HG3	1:176:A:GLY:H	8	0.53	0.28	0.52
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD11	8	0.53	0.36	0.48
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD12	8	0.53	0.36	0.48
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD13	8	0.53	0.36	0.48
(4,230)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HB2	8	0.52	0.22	0.58
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD11	8	0.52	0.19	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD12	8	0.52	0.19	0.54
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD13	8	0.52	0.19	0.54
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD21	8	0.52	0.19	0.54
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD22	8	0.52	0.19	0.54
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD23	8	0.52	0.19	0.54
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD11	8	0.52	0.19	0.54
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD12	8	0.52	0.19	0.54
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD13	8	0.52	0.19	0.54
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD21	8	0.52	0.19	0.54
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD22	8	0.52	0.19	0.54
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD23	8	0.52	0.19	0.54
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD11	8	0.52	0.19	0.54
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD12	8	0.52	0.19	0.54
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD13	8	0.52	0.19	0.54
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD21	8	0.52	0.19	0.54
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD22	8	0.52	0.19	0.54
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD23	8	0.52	0.19	0.54
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB1	1:215:A:MET:HB2	8	0.52	0.15	0.52
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB2	1:215:A:MET:HB2	8	0.52	0.15	0.52
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB3	1:215:A:MET:HB2	8	0.52	0.15	0.52
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD11	8	0.49	0.35	0.42
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD12	8	0.49	0.35	0.42
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD13	8	0.49	0.35	0.42
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD21	8	0.49	0.35	0.42
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD22	8	0.49	0.35	0.42
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD23	8	0.49	0.35	0.42
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HB	8	0.48	0.19	0.4
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HB	8	0.48	0.19	0.4
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HB	8	0.48	0.19	0.4
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD11	8	0.48	0.27	0.45
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD12	8	0.48	0.27	0.45
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD13	8	0.48	0.27	0.45
(4,870)	1:34:A:PHE:H	1:232:A:GLY:H	8	0.48	0.22	0.57
(4,533)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HD22	8	0.47	0.3	0.43
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HD1	8	0.47	0.28	0.37
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HD2	8	0.47	0.28	0.37
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HD1	8	0.47	0.28	0.37
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HD2	8	0.47	0.28	0.37
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HD1	8	0.47	0.28	0.37
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HD2	8	0.47	0.28	0.37
(4,856)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HB2	8	0.46	0.22	0.56
(4,856)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HB3	8	0.46	0.22	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,256)	1:33:A:TYR:HE1	1:34:A:PHE:H	8	0.45	0.24	0.4
(4,256)	1:33:A:TYR:HE2	1:34:A:PHE:H	8	0.45	0.24	0.4
(4,3394)	1:90:A:CYS:HB2	1:167:A:TYR:H	8	0.45	0.42	0.27
(4,3394)	1:90:A:CYS:HB3	1:167:A:TYR:H	8	0.45	0.42	0.27
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG11	8	0.44	0.3	0.31
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG12	8	0.44	0.3	0.31
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG13	8	0.44	0.3	0.31
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG21	8	0.44	0.3	0.31
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG22	8	0.44	0.3	0.31
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG23	8	0.44	0.3	0.31
(4,1244)	1:172:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:H	8	0.44	0.29	0.28
(4,1244)	1:172:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:H	8	0.44	0.29	0.28
(4,3812)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HD1	8	0.44	0.23	0.44
(4,3812)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HD2	8	0.44	0.23	0.44
(4,321)	1:134:A:THR:HG21	1:137:A:PHE:H	8	0.43	0.19	0.4
(4,321)	1:134:A:THR:HG22	1:137:A:PHE:H	8	0.43	0.19	0.4
(4,321)	1:134:A:THR:HG23	1:137:A:PHE:H	8	0.43	0.19	0.4
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG21	1:210:A:ARG:HG2	8	0.42	0.13	0.44
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG21	1:210:A:ARG:HG3	8	0.42	0.13	0.44
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG22	1:210:A:ARG:HG2	8	0.42	0.13	0.44
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG22	1:210:A:ARG:HG3	8	0.42	0.13	0.44
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG23	1:210:A:ARG:HG2	8	0.42	0.13	0.44
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG23	1:210:A:ARG:HG3	8	0.42	0.13	0.44
(4,2621)	1:40:A:THR:HA	1:203:A:GLU:HA	8	0.4	0.22	0.34
(4,2853)	1:84:A:GLN:H	1:183:A:ARG:H	8	0.4	0.11	0.42
(4,1767)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HB2	8	0.4	0.26	0.36
(4,1767)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HB3	8	0.4	0.26	0.36
(4,1488)	1:10:A:PRO:HA	1:11:A:ILE:HB	8	0.4	0.22	0.3
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD11	1:100:A:SER:H	8	0.39	0.34	0.21
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD12	1:100:A:SER:H	8	0.39	0.34	0.21
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD13	1:100:A:SER:H	8	0.39	0.34	0.21
(4,3489)	1:132:A:VAL:HB	1:135:A:ASP:H	8	0.39	0.18	0.32
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG21	8	0.38	0.19	0.37
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG22	8	0.38	0.19	0.37
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG23	8	0.38	0.19	0.37
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB1	1:94:A:ALA:H	8	0.37	0.08	0.36
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB2	1:94:A:ALA:H	8	0.37	0.08	0.36
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB3	1:94:A:ALA:H	8	0.37	0.08	0.36
(4,2337)	1:147:A:GLN:H	1:147:A:GLN:HE22	8	0.34	0.16	0.32
(4,1494)	1:147:A:GLN:HA	1:148:A:THR:HB	8	0.34	0.23	0.29
(4,3676)	1:32:A:ALA:H	1:232:A:GLY:H	8	0.34	0.11	0.37
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB1	8	0.31	0.11	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB2	8	0.31	0.11	0.26
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB3	8	0.31	0.11	0.26
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB1	8	0.31	0.11	0.26
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB2	8	0.31	0.11	0.26
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB3	8	0.31	0.11	0.26
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB1	8	0.31	0.11	0.26
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB2	8	0.31	0.11	0.26
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB3	8	0.31	0.11	0.26
(4,435)	1:58:A:LEU:H	1:59:A:PHE:HD1	8	0.31	0.14	0.26
(4,435)	1:58:A:LEU:H	1:59:A:PHE:HD2	8	0.31	0.14	0.26
(4,2560)	1:142:A:ILE:HB	1:143:A:LYS:HA	8	0.29	0.06	0.29
(4,3912)	1:137:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HA	8	0.28	0.11	0.29
(4,3912)	1:137:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HA	8	0.28	0.11	0.29
(4,4128)	1:51:A:PRO:HA	1:52:A:VAL:HB	8	0.28	0.05	0.3
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD11	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD12	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD13	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD21	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD22	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD23	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD11	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD12	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD13	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD21	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD22	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD23	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD11	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD12	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD13	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD21	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD22	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD23	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD11	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD12	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD13	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD21	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD22	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD23	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD11	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD12	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD13	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD21	8	0.28	0.13	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD22	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD23	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD11	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD12	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD13	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD21	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD22	8	0.28	0.13	0.24
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD23	8	0.28	0.13	0.24
(4,1537)	1:95:A:ILE:H	1:97:A:HIS:H	8	0.22	0.07	0.24
(4,302)	1:214:A:TYR:HA	1:215:A:MET:HB2	8	0.14	0.03	0.15
(4,302)	1:214:A:TYR:HA	1:215:A:MET:HB3	8	0.14	0.03	0.15
(1,572)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	7	8.69	4.34	10.32
(1,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	7	8.3	1.92	8.37
(5,725)	1:5:A:ASN:ND2	1:69:A:THR:H	7	8.13	4.39	7.79
(5,732)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	7	8.06	5.52	7.46
(1,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	7	7.66	3.43	8.07
(1,458)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	7	7.38	2.32	6.77
(5,770)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	7	7.17	4.71	9.5
(5,768)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	7	7.09	4.69	5.01
(1,513)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	7	6.96	3.73	6.67
(1,595)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	7	6.96	2.95	6.53
(1,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	7	6.61	3.7	6.28
(5,709)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	7	6.24	4.48	5.07
(5,774)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	7	6.19	2.34	6.05
(1,589)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	7	5.81	3.78	6.5
(5,671)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	7	5.74	3.61	6.89
(5,711)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	7	5.68	5.0	2.25
(5,651)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	7	5.67	4.4	4.5
(5,759)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	7	5.33	3.94	4.73
(1,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	7	5.24	2.97	4.97
(5,801)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	7	5.13	2.79	4.74
(5,734)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	7	5.03	3.83	3.87
(5,685)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	7	5.01	4.48	3.39
(1,469)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	7	4.95	5.87	3.24
(1,593)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	7	4.82	3.63	4.31
(5,769)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	7	4.76	3.2	3.61
(5,688)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	7	4.66	3.17	5.35
(1,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	7	4.65	2.51	4.53
(5,748)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	7	4.56	5.22	1.16
(5,550)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	7	4.55	3.1	4.71
(5,724)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	7	4.55	1.48	5.58
(5,596)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	7	4.44	2.69	4.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,472)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	7	4.39	2.94	2.64
(5,745)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	7	4.22	4.26	1.43
(4,3917)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:H	7	3.61	1.56	4.05
(1,594)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	7	3.39	1.16	3.87
(5,173)	1:8:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	7	3.26	1.78	2.99
(1,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	7	3.26	1.63	3.01
(4,2563)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HD1	7	2.79	1.42	3.53
(4,2563)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HD2	7	2.79	1.42	3.53
(1,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	7	2.78	2.09	2.56
(5,694)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	7	2.68	2.06	2.99
(4,592)	1:81:A:TRP:HE1	1:181:A:ASP:H	7	2.38	0.74	2.71
(1,461)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	7	2.26	2.61	1.67
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG21	7	2.1	1.59	1.5
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG22	7	2.1	1.59	1.5
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG23	7	2.1	1.59	1.5
(4,4226)	1:97:A:HIS:H	1:100:A:SER:HG	7	2.09	0.48	2.24
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG21	1:164:A:ASN:HD21	7	1.82	1.14	1.53
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG22	1:164:A:ASN:HD21	7	1.82	1.14	1.53
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG23	1:164:A:ASN:HD21	7	1.82	1.14	1.53
(4,269)	1:144:A:GLU:HB2	1:147:A:GLN:HE21	7	1.67	0.72	1.49
(4,269)	1:144:A:GLU:HB2	1:147:A:GLN:HE22	7	1.67	0.72	1.49
(4,269)	1:144:A:GLU:HB3	1:147:A:GLN:HE21	7	1.67	0.72	1.49
(4,269)	1:144:A:GLU:HB3	1:147:A:GLN:HE22	7	1.67	0.72	1.49
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB1	7	1.66	1.37	1.26
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB2	7	1.66	1.37	1.26
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB3	7	1.66	1.37	1.26
(4,1560)	1:80:A:ILE:HB	1:101:A:ASN:HD21	7	1.57	0.85	1.25
(4,1560)	1:80:A:ILE:HB	1:101:A:ASN:HD22	7	1.57	0.85	1.25
(4,3326)	1:138:A:VAL:HB	1:139:A:LEU:HG	7	1.54	0.85	1.55
(4,4053)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HG	7	1.47	0.23	1.57
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HD1	7	1.37	0.7	1.04
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HD2	7	1.37	0.7	1.04
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HD1	7	1.37	0.7	1.04
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HD2	7	1.37	0.7	1.04
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HD1	7	1.37	0.7	1.04
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HD2	7	1.37	0.7	1.04
(4,73)	1:223:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	7	1.31	0.29	1.42
(4,73)	1:223:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	7	1.31	0.29	1.42
(4,73)	1:223:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	7	1.31	0.29	1.42
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD21	7	1.29	0.92	1.4
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD22	7	1.29	0.92	1.4
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD23	7	1.29	0.92	1.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:HA2	7	1.28	0.85	1.54
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:HA3	7	1.28	0.85	1.54
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:HA2	7	1.28	0.85	1.54
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:HA3	7	1.28	0.85	1.54
(4,1977)	1:56:A:VAL:H	1:170:A:TYR:HD1	7	1.26	1.45	0.66
(4,1977)	1:56:A:VAL:H	1:170:A:TYR:HD2	7	1.26	1.45	0.66
(4,3074)	1:173:A:GLU:H	1:178:A:PHE:HD1	7	1.26	1.33	0.87
(4,3074)	1:173:A:GLU:H	1:178:A:PHE:HD2	7	1.26	1.33	0.87
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD11	7	1.24	0.63	1.08
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD12	7	1.24	0.63	1.08
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD13	7	1.24	0.63	1.08
(4,199)	1:66:A:LYS:H	1:68:A:SER:H	7	1.24	0.73	1.61
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD21	7	1.23	0.93	0.9
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD22	7	1.23	0.93	0.9
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD23	7	1.23	0.93	0.9
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD21	7	1.23	0.93	0.9
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD22	7	1.23	0.93	0.9
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD23	7	1.23	0.93	0.9
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HB	7	1.23	0.48	1.1
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HB	7	1.23	0.48	1.1
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HB	7	1.23	0.48	1.1
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD11	7	1.21	0.62	1.33
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD12	7	1.21	0.62	1.33
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD13	7	1.21	0.62	1.33
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD11	7	1.21	0.62	1.33
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD12	7	1.21	0.62	1.33
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD13	7	1.21	0.62	1.33
(4,2999)	1:184:A:ASN:HD21	1:189:A:LEU:H	7	1.17	0.86	1.13
(4,2999)	1:184:A:ASN:HD22	1:189:A:LEU:H	7	1.17	0.86	1.13
(1,94)	1:205:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	7	1.14	1.02	0.76
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD11	7	1.13	0.92	0.47
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD12	7	1.13	0.92	0.47
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD13	7	1.13	0.92	0.47
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD21	7	1.13	0.92	0.47
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD22	7	1.13	0.92	0.47
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD23	7	1.13	0.92	0.47
(4,600)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB2	7	1.11	0.53	1.14
(4,600)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB2	7	1.11	0.53	1.14
(4,600)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB2	7	1.11	0.53	1.14
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD11	1:51:A:PRO:HB3	7	1.09	0.81	0.81
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD12	1:51:A:PRO:HB3	7	1.09	0.81	0.81
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD13	1:51:A:PRO:HB3	7	1.09	0.81	0.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD21	1:51:A:PRO:HB3	7	1.09	0.81	0.81
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD22	1:51:A:PRO:HB3	7	1.09	0.81	0.81
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD23	1:51:A:PRO:HB3	7	1.09	0.81	0.81
(4,2431)	1:161:A:ALA:H	1:162:A:ASP:H	7	1.09	0.15	1.15
(4,437)	1:126:A:LYS:HG2	1:127:A:ASN:HD22	7	1.08	0.75	0.7
(4,437)	1:126:A:LYS:HG3	1:127:A:ASN:HD22	7	1.08	0.75	0.7
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG2	1:178:A:PHE:HD1	7	1.06	1.52	0.27
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG2	1:178:A:PHE:HD2	7	1.06	1.52	0.27
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG3	1:178:A:PHE:HD1	7	1.06	1.52	0.27
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG3	1:178:A:PHE:HD2	7	1.06	1.52	0.27
(4,3885)	1:74:A:THR:H	1:76:A:SER:H	7	1.06	0.8	1.22
(1,225)	1:64:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	7	1.04	0.57	1.22
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	7	1.03	0.52	0.99
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	7	1.03	0.52	0.99
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	7	1.03	0.52	0.99
(4,185)	1:177:A:ILE:HG21	1:192:A:GLY:HA3	7	1.0	0.59	0.8
(4,185)	1:177:A:ILE:HG22	1:192:A:GLY:HA3	7	1.0	0.59	0.8
(4,185)	1:177:A:ILE:HG23	1:192:A:GLY:HA3	7	1.0	0.59	0.8
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD11	7	0.99	0.57	1.31
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD12	7	0.99	0.57	1.31
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD13	7	0.99	0.57	1.31
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD11	7	0.99	0.57	1.31
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD12	7	0.99	0.57	1.31
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD13	7	0.99	0.57	1.31
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD11	7	0.99	0.57	1.31
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD12	7	0.99	0.57	1.31
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD13	7	0.99	0.57	1.31
(4,1144)	1:18:A:PHE:H	1:21:A:PHE:HD1	7	0.97	0.8	0.86
(4,1144)	1:18:A:PHE:H	1:21:A:PHE:HD2	7	0.97	0.8	0.86
(4,1496)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HB2	7	0.97	0.54	0.69
(4,1496)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HB3	7	0.97	0.54	0.69
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD21	7	0.95	0.8	0.53
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD22	7	0.95	0.8	0.53
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD23	7	0.95	0.8	0.53
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD21	7	0.95	0.8	0.53
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD22	7	0.95	0.8	0.53
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD23	7	0.95	0.8	0.53
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD21	7	0.95	0.8	0.53
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD22	7	0.95	0.8	0.53
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD23	7	0.95	0.8	0.53
(1,57)	1:22:A:ALA:H	1:140:A:ASN:ND2	7	0.95	0.52	1.02
(4,492)	1:92:A:LEU:HD21	1:93:A:TYR:HD1	7	0.94	0.47	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,492)	1:92:A:LEU:HD21	1:93:A:TYR:HD2	7	0.94	0.47	0.85
(4,492)	1:92:A:LEU:HD22	1:93:A:TYR:HD1	7	0.94	0.47	0.85
(4,492)	1:92:A:LEU:HD22	1:93:A:TYR:HD2	7	0.94	0.47	0.85
(4,492)	1:92:A:LEU:HD23	1:93:A:TYR:HD1	7	0.94	0.47	0.85
(4,492)	1:92:A:LEU:HD23	1:93:A:TYR:HD2	7	0.94	0.47	0.85
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD11	7	0.93	0.57	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD12	7	0.93	0.57	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD13	7	0.93	0.57	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD21	7	0.93	0.57	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD22	7	0.93	0.57	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD23	7	0.93	0.57	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD11	7	0.93	0.57	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD12	7	0.93	0.57	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD13	7	0.93	0.57	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD21	7	0.93	0.57	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD22	7	0.93	0.57	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD23	7	0.93	0.57	0.78
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD11	7	0.92	0.57	0.79
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD12	7	0.92	0.57	0.79
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD13	7	0.92	0.57	0.79
(4,379)	1:79:A:VAL:HG21	1:179:A:GLU:H	7	0.91	0.69	0.7
(4,379)	1:79:A:VAL:HG22	1:179:A:GLU:H	7	0.91	0.69	0.7
(4,379)	1:79:A:VAL:HG23	1:179:A:GLU:H	7	0.91	0.69	0.7
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD11	7	0.91	0.51	1.2
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD12	7	0.91	0.51	1.2
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD13	7	0.91	0.51	1.2
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD11	7	0.91	0.51	1.2
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD12	7	0.91	0.51	1.2
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD13	7	0.91	0.51	1.2
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD21	7	0.89	0.27	0.97
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD22	7	0.89	0.27	0.97
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD23	7	0.89	0.27	0.97
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HB2	7	0.89	0.58	0.7
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HB3	7	0.89	0.58	0.7
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HB2	7	0.89	0.58	0.7
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HB3	7	0.89	0.58	0.7
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:HB2	7	0.88	0.35	0.92
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:HB2	7	0.88	0.35	0.92
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:HB2	7	0.88	0.35	0.92
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB2	7	0.88	0.35	0.92
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB2	7	0.88	0.35	0.92
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB2	7	0.88	0.35	0.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG11	7	0.88	0.35	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG12	7	0.88	0.35	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG13	7	0.88	0.35	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG21	7	0.88	0.35	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG22	7	0.88	0.35	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG23	7	0.88	0.35	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG11	7	0.88	0.35	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG12	7	0.88	0.35	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG13	7	0.88	0.35	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG21	7	0.88	0.35	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG22	7	0.88	0.35	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG23	7	0.88	0.35	0.95
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:HG2	7	0.87	0.26	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:HG3	7	0.87	0.26	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:HG2	7	0.87	0.26	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:HG3	7	0.87	0.26	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:HG2	7	0.87	0.26	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:HG3	7	0.87	0.26	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:HG2	7	0.87	0.26	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:HG3	7	0.87	0.26	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:HG2	7	0.87	0.26	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:HG3	7	0.87	0.26	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:HG2	7	0.87	0.26	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:HG3	7	0.87	0.26	0.88
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD21	7	0.86	0.45	0.8
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD22	7	0.86	0.45	0.8
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD23	7	0.86	0.45	0.8
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD11	7	0.84	0.67	0.62
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD12	7	0.84	0.67	0.62
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD13	7	0.84	0.67	0.62
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD21	7	0.84	0.67	0.62
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD22	7	0.84	0.67	0.62
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD23	7	0.84	0.67	0.62
(4,593)	1:17:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:CG2	7	0.82	0.53	0.58
(4,593)	1:17:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:CG2	7	0.82	0.53	0.58
(4,593)	1:17:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:CG2	7	0.82	0.53	0.58
(4,593)	1:17:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:CG2	7	0.82	0.53	0.58
(4,593)	1:17:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:CG2	7	0.82	0.53	0.58
(4,593)	1:17:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:CG2	7	0.82	0.53	0.58
(4,116)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	7	0.82	0.54	0.69
(4,116)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	7	0.82	0.54	0.69
(4,116)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	7	0.82	0.54	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,116)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	7	0.82	0.54	0.69
(4,116)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	7	0.82	0.54	0.69
(4,116)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	7	0.82	0.54	0.69
(4,116)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	7	0.82	0.54	0.69
(4,116)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	7	0.82	0.54	0.69
(4,116)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	7	0.82	0.54	0.69
(4,116)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	7	0.82	0.54	0.69
(4,116)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	7	0.82	0.54	0.69
(4,116)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	7	0.82	0.54	0.69
(4,3364)	1:65:A:ARG:HA	1:67:A:SER:HB2	7	0.81	0.49	0.61
(4,3364)	1:65:A:ARG:HA	1:67:A:SER:HB3	7	0.81	0.49	0.61
(4,4031)	1:181:A:ASP:HB2	1:184:A:ASN:HA	7	0.81	0.29	0.87
(4,4031)	1:181:A:ASP:HB3	1:184:A:ASN:HA	7	0.81	0.29	0.87
(4,3398)	1:35:A:ASP:HB2	1:37:A:TYR:HE1	7	0.79	0.48	0.61
(4,3398)	1:35:A:ASP:HB2	1:37:A:TYR:HE2	7	0.79	0.48	0.61
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD21	7	0.79	0.4	0.87
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD22	7	0.79	0.4	0.87
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD23	7	0.79	0.4	0.87
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD11	7	0.79	0.52	0.59
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD12	7	0.79	0.52	0.59
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD13	7	0.79	0.52	0.59
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD21	7	0.79	0.52	0.59
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD22	7	0.79	0.52	0.59
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD23	7	0.79	0.52	0.59
(4,3450)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HB2	7	0.78	0.35	0.79
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD11	1:202:A:ILE:HA	7	0.76	0.7	0.24
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD12	1:202:A:ILE:HA	7	0.76	0.7	0.24
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD13	1:202:A:ILE:HA	7	0.76	0.7	0.24
(4,874)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:H	7	0.75	0.59	0.39
(4,874)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:H	7	0.75	0.59	0.39
(4,874)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:H	7	0.75	0.59	0.39
(4,2378)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:HA2	7	0.75	0.36	0.74
(4,2378)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:HA3	7	0.75	0.36	0.74
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG21	1:93:A:TYR:HD1	7	0.72	0.58	0.5
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG21	1:93:A:TYR:HD2	7	0.72	0.58	0.5
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG22	1:93:A:TYR:HD1	7	0.72	0.58	0.5
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG22	1:93:A:TYR:HD2	7	0.72	0.58	0.5
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG23	1:93:A:TYR:HD1	7	0.72	0.58	0.5
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG23	1:93:A:TYR:HD2	7	0.72	0.58	0.5
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD11	7	0.71	0.57	0.41
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD12	7	0.71	0.57	0.41
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD13	7	0.71	0.57	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD11	7	0.71	0.57	0.41
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD12	7	0.71	0.57	0.41
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD13	7	0.71	0.57	0.41
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD11	7	0.71	0.27	0.72
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD12	7	0.71	0.27	0.72
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD13	7	0.71	0.27	0.72
(4,1053)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:H	7	0.71	0.28	0.58
(4,166)	1:181:A:ASP:H	1:184:A:ASN:HD21	7	0.69	0.51	0.44
(4,166)	1:181:A:ASP:H	1:184:A:ASN:HD22	7	0.69	0.51	0.44
(4,950)	1:58:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:H	7	0.68	0.25	0.79
(4,950)	1:58:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:H	7	0.68	0.25	0.79
(4,950)	1:58:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:H	7	0.68	0.25	0.79
(4,950)	1:58:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:H	7	0.68	0.25	0.79
(4,950)	1:58:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:H	7	0.68	0.25	0.79
(4,950)	1:58:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:H	7	0.68	0.25	0.79
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:H	7	0.67	0.21	0.76
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:H	7	0.67	0.21	0.76
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:H	7	0.67	0.21	0.76
(4,3201)	1:169:A:THR:H	1:179:A:GLU:HG2	7	0.67	0.33	0.63
(4,3201)	1:169:A:THR:H	1:179:A:GLU:HG3	7	0.67	0.33	0.63
(4,440)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:LEU:HB3	7	0.66	0.47	0.49
(4,608)	1:77:A:TYR:H	1:77:A:TYR:HE1	7	0.66	0.28	0.56
(4,608)	1:77:A:TYR:H	1:77:A:TYR:HE2	7	0.66	0.28	0.56
(4,1490)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HD2	7	0.65	0.49	0.46
(4,1490)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HD3	7	0.65	0.49	0.46
(4,1490)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HD2	7	0.65	0.49	0.46
(4,1490)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HD3	7	0.65	0.49	0.46
(4,1490)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HD2	7	0.65	0.49	0.46
(4,1490)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HD3	7	0.65	0.49	0.46
(4,483)	1:205:A:GLU:HG2	1:209:A:VAL:H	7	0.63	0.29	0.58
(4,483)	1:205:A:GLU:HG3	1:209:A:VAL:H	7	0.63	0.29	0.58
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD21	7	0.62	0.42	0.62
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD22	7	0.62	0.42	0.62
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD23	7	0.62	0.42	0.62
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD11	7	0.61	0.45	0.36
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD12	7	0.61	0.45	0.36
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD13	7	0.61	0.45	0.36
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD21	7	0.61	0.45	0.36
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD22	7	0.61	0.45	0.36
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD23	7	0.61	0.45	0.36
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD1	1:222:A:ASP:HB2	7	0.61	0.4	0.7
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD1	1:222:A:ASP:HB3	7	0.61	0.4	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD2	1:222:A:ASP:HB2	7	0.61	0.4	0.7
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD2	1:222:A:ASP:HB3	7	0.61	0.4	0.7
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD11	1:107:A:GLU:H	7	0.61	0.37	0.52
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD12	1:107:A:GLU:H	7	0.61	0.37	0.52
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD13	1:107:A:GLU:H	7	0.61	0.37	0.52
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD21	1:107:A:GLU:H	7	0.61	0.37	0.52
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD22	1:107:A:GLU:H	7	0.61	0.37	0.52
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD23	1:107:A:GLU:H	7	0.61	0.37	0.52
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG11	1:202:A:ILE:HB	7	0.61	0.44	0.4
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG12	1:202:A:ILE:HB	7	0.61	0.44	0.4
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG13	1:202:A:ILE:HB	7	0.61	0.44	0.4
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD11	7	0.6	0.33	0.56
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD12	7	0.6	0.33	0.56
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD13	7	0.6	0.33	0.56
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD11	7	0.6	0.26	0.63
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD12	7	0.6	0.26	0.63
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD13	7	0.6	0.26	0.63
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD21	7	0.6	0.26	0.63
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD22	7	0.6	0.26	0.63
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD23	7	0.6	0.26	0.63
(4,576)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HG	7	0.58	0.25	0.48
(4,576)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HG	7	0.58	0.25	0.48
(4,576)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HG	7	0.58	0.25	0.48
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG21	7	0.58	0.33	0.61
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG22	7	0.58	0.33	0.61
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG23	7	0.58	0.33	0.61
(4,510)	1:99:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:H	7	0.56	0.42	0.42
(4,510)	1:99:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:H	7	0.56	0.42	0.42
(4,510)	1:99:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:H	7	0.56	0.42	0.42
(4,510)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	7	0.56	0.42	0.42
(4,510)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	7	0.56	0.42	0.42
(4,510)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	7	0.56	0.42	0.42
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD11	7	0.56	0.29	0.6
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD12	7	0.56	0.29	0.6
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD13	7	0.56	0.29	0.6
(4,3365)	1:82:A:PHE:HD1	1:97:A:HIS:H	7	0.56	0.36	0.39
(4,3365)	1:82:A:PHE:HD2	1:97:A:HIS:H	7	0.56	0.36	0.39
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:H	7	0.55	0.27	0.53
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:H	7	0.55	0.27	0.53
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:H	7	0.55	0.27	0.53
(4,2951)	1:106:A:LEU:HG	1:110:A:SER:HB2	7	0.55	0.33	0.47
(4,2951)	1:106:A:LEU:HG	1:110:A:SER:HB3	7	0.55	0.33	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD11	7	0.53	0.22	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD12	7	0.53	0.22	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD13	7	0.53	0.22	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD21	7	0.53	0.22	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD22	7	0.53	0.22	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD23	7	0.53	0.22	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD11	7	0.53	0.22	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD12	7	0.53	0.22	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD13	7	0.53	0.22	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD21	7	0.53	0.22	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD22	7	0.53	0.22	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD23	7	0.53	0.22	0.66
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	7	0.51	0.21	0.56
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	7	0.51	0.21	0.56
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	7	0.51	0.21	0.56
(4,1851)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:HG	7	0.5	0.37	0.26
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG21	1:229:A:LEU:H	7	0.5	0.33	0.33
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG22	1:229:A:LEU:H	7	0.5	0.33	0.33
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG23	1:229:A:LEU:H	7	0.5	0.33	0.33
(4,1506)	1:103:A:GLN:HE21	1:104:A:SER:H	7	0.5	0.19	0.49
(4,1506)	1:103:A:GLN:HE22	1:104:A:SER:H	7	0.5	0.19	0.49
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:H	7	0.49	0.29	0.37
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:H	7	0.49	0.29	0.37
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:H	7	0.49	0.29	0.37
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD21	1:167:A:TYR:H	7	0.49	0.29	0.37
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD22	1:167:A:TYR:H	7	0.49	0.29	0.37
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD23	1:167:A:TYR:H	7	0.49	0.29	0.37
(4,2837)	1:84:A:GLN:H	1:182:A:GLY:H	7	0.49	0.17	0.53
(4,1998)	1:109:A:GLY:HA2	1:114:A:ASN:HD21	7	0.49	0.33	0.46
(4,2826)	1:53:A:LYS:HB2	1:231:A:LEU:H	7	0.48	0.24	0.52
(4,2826)	1:53:A:LYS:HB3	1:231:A:LEU:H	7	0.48	0.24	0.52
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD11	7	0.48	0.32	0.37
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD12	7	0.48	0.32	0.37
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD13	7	0.48	0.32	0.37
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD21	7	0.48	0.32	0.37
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD22	7	0.48	0.32	0.37
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD23	7	0.48	0.32	0.37
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG11	1:208:A:ARG:HD2	7	0.47	0.17	0.52
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG11	1:208:A:ARG:HD3	7	0.47	0.17	0.52
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG12	1:208:A:ARG:HD2	7	0.47	0.17	0.52
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG12	1:208:A:ARG:HD3	7	0.47	0.17	0.52
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG13	1:208:A:ARG:HD2	7	0.47	0.17	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG13	1:208:A:ARG:HD3	7	0.47	0.17	0.52
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG21	1:208:A:ARG:HD2	7	0.47	0.17	0.52
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG21	1:208:A:ARG:HD3	7	0.47	0.17	0.52
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG22	1:208:A:ARG:HD2	7	0.47	0.17	0.52
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG22	1:208:A:ARG:HD3	7	0.47	0.17	0.52
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG23	1:208:A:ARG:HD2	7	0.47	0.17	0.52
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG23	1:208:A:ARG:HD3	7	0.47	0.17	0.52
(4,1514)	1:102:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	7	0.47	0.16	0.41
(4,1514)	1:102:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	7	0.47	0.16	0.41
(4,2385)	1:148:A:THR:H	1:150:A:SER:H	7	0.47	0.11	0.45
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG11	7	0.46	0.29	0.39
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG12	7	0.46	0.29	0.39
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG13	7	0.46	0.29	0.39
(4,569)	1:91:A:GLY:H	1:167:A:TYR:HD1	7	0.46	0.32	0.31
(4,569)	1:91:A:GLY:H	1:167:A:TYR:HD2	7	0.46	0.32	0.31
(4,1082)	1:152:A:GLY:H	1:153:A:GLN:HB2	7	0.46	0.25	0.42
(4,1082)	1:152:A:GLY:H	1:153:A:GLN:HB3	7	0.46	0.25	0.42
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB1	7	0.46	0.3	0.57
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB2	7	0.46	0.3	0.57
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB3	7	0.46	0.3	0.57
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB1	7	0.46	0.3	0.57
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB2	7	0.46	0.3	0.57
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB3	7	0.46	0.3	0.57
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB1	7	0.46	0.3	0.57
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB2	7	0.46	0.3	0.57
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB3	7	0.46	0.3	0.57
(4,3661)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:HB2	7	0.46	0.25	0.43
(4,3661)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:HB3	7	0.46	0.25	0.43
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG21	1:56:A:VAL:HB	7	0.43	0.11	0.4
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG22	1:56:A:VAL:HB	7	0.43	0.11	0.4
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG23	1:56:A:VAL:HB	7	0.43	0.11	0.4
(4,2107)	1:58:A:LEU:HB2	1:59:A:PHE:HA	7	0.4	0.04	0.4
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	7	0.4	0.27	0.34
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	7	0.4	0.27	0.34
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	7	0.4	0.27	0.34
(4,1810)	1:143:A:LYS:H	1:143:A:LYS:HE2	7	0.4	0.12	0.39
(4,1810)	1:143:A:LYS:H	1:143:A:LYS:HE3	7	0.4	0.12	0.39
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD21	7	0.39	0.23	0.28
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD22	7	0.39	0.23	0.28
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD23	7	0.39	0.23	0.28
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:CG2	7	0.39	0.19	0.39
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:CG2	7	0.39	0.19	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:CG2	7	0.39	0.19	0.39
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:CG2	7	0.39	0.19	0.39
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:CG2	7	0.39	0.19	0.39
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:CG2	7	0.39	0.19	0.39
(4,1531)	1:156:A:ALA:H	1:157:A:PRO:HB3	7	0.37	0.26	0.23
(4,2494)	1:59:A:PHE:HA	1:226:A:PHE:H	7	0.37	0.13	0.38
(4,3927)	1:31:A:TRP:H	1:31:A:TRP:HE3	7	0.37	0.12	0.41
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG21	7	0.35	0.14	0.33
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG22	7	0.35	0.14	0.33
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG23	7	0.35	0.14	0.33
(4,2397)	1:210:A:ARG:HG2	1:212:A:ALA:H	7	0.35	0.19	0.28
(4,2397)	1:210:A:ARG:HG3	1:212:A:ALA:H	7	0.35	0.19	0.28
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD21	7	0.35	0.2	0.31
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD22	7	0.35	0.2	0.31
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD23	7	0.35	0.2	0.31
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD21	7	0.35	0.2	0.31
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD22	7	0.35	0.2	0.31
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD23	7	0.35	0.2	0.31
(4,2598)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:HD22	7	0.34	0.09	0.32
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD11	7	0.34	0.22	0.24
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD12	7	0.34	0.22	0.24
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD13	7	0.34	0.22	0.24
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD21	7	0.34	0.22	0.24
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD22	7	0.34	0.22	0.24
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD23	7	0.34	0.22	0.24
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:H	7	0.31	0.16	0.25
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:H	7	0.31	0.16	0.25
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:H	7	0.31	0.16	0.25
(4,3592)	1:36:A:ILE:H	1:37:A:TYR:HD1	7	0.31	0.14	0.23
(4,3592)	1:36:A:ILE:H	1:37:A:TYR:HD2	7	0.31	0.14	0.23
(4,767)	1:58:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:H	7	0.3	0.13	0.35
(4,767)	1:58:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:H	7	0.3	0.13	0.35
(4,767)	1:58:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:H	7	0.3	0.13	0.35
(4,767)	1:58:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:H	7	0.3	0.13	0.35
(4,767)	1:58:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:H	7	0.3	0.13	0.35
(4,767)	1:58:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:H	7	0.3	0.13	0.35
(4,2688)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HD21	7	0.29	0.18	0.23
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD11	7	0.28	0.16	0.19
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD12	7	0.28	0.16	0.19
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD13	7	0.28	0.16	0.19
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD21	7	0.28	0.16	0.19
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD22	7	0.28	0.16	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD23	7	0.28	0.16	0.19
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG21	1:53:A:LYS:HB2	7	0.28	0.08	0.27
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG21	1:53:A:LYS:HB3	7	0.28	0.08	0.27
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG22	1:53:A:LYS:HB2	7	0.28	0.08	0.27
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG22	1:53:A:LYS:HB3	7	0.28	0.08	0.27
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG23	1:53:A:LYS:HB2	7	0.28	0.08	0.27
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG23	1:53:A:LYS:HB3	7	0.28	0.08	0.27
(4,2559)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD21	7	0.28	0.16	0.21
(4,3946)	1:55:A:ILE:H	1:171:A:VAL:H	7	0.25	0.08	0.23
(4,1964)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:H	7	0.25	0.1	0.3
(4,1412)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HA	7	0.24	0.07	0.21
(3,25)	1:58:A:LEU:H	1:227:A:ALA:O	7	0.23	0.06	0.24
(4,2864)	1:224:A:LEU:H	1:226:A:PHE:H	7	0.22	0.06	0.24
(4,3918)	1:184:A:ASN:H	1:187:A:GLY:H	7	0.21	0.03	0.21
(4,2651)	1:174:A:ASN:HD21	1:175:A:GLY:H	7	0.21	0.07	0.2
(4,2651)	1:174:A:ASN:HD22	1:175:A:GLY:H	7	0.21	0.07	0.2
(1,491)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	6	9.93	4.29	11.05
(1,605)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	6	9.65	3.96	9.79
(1,585)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	6	9.49	1.57	9.45
(1,528)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	6	9.32	6.7	8.27
(1,567)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	6	9.04	4.67	7.86
(1,518)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	6	8.81	2.3	9.7
(1,533)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	6	8.43	4.73	10.48
(1,476)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	6	8.22	5.34	9.7
(1,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	6	8.03	2.74	8.7
(5,704)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	6	7.83	4.79	9.0
(1,475)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	6	7.4	2.18	7.64
(1,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	6	7.4	4.8	7.04
(1,496)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	6	7.13	5.16	5.8
(1,588)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	6	6.96	4.01	5.94
(5,722)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	6	6.78	3.87	5.84
(1,467)	1:5:A:ASN:ND2	1:33:A:TYR:H	6	6.76	3.71	5.86
(1,521)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	6	6.59	1.4	6.33
(1,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	6	6.58	1.76	6.22
(5,683)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	6	6.45	3.93	5.76
(1,540)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	6	6.14	3.07	6.68
(1,466)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	6	5.98	3.8	7.24
(1,405)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	6	5.91	1.57	5.87
(5,795)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	6	5.87	3.12	6.48
(1,602)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	6	5.8	3.01	5.54
(1,566)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	6	5.72	3.19	5.6
(5,700)	1:5:A:ASN:ND2	1:70:A:SER:H	6	5.69	4.08	5.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,525)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	6	5.49	2.66	4.86
(5,766)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	6	5.44	2.07	5.49
(1,523)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	6	5.35	2.59	6.06
(1,557)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	6	5.18	2.85	4.87
(5,581)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	6	5.1	4.05	3.84
(5,718)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	6	4.94	1.33	4.72
(5,665)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	6	4.44	3.87	2.54
(1,483)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	6	4.42	2.7	5.44
(1,547)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	6	4.42	2.38	4.45
(1,571)	1:5:A:ASN:ND2	1:70:A:SER:H	6	4.4	4.03	3.64
(5,832)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	6	4.31	2.43	3.94
(1,453)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	6	3.98	2.92	2.85
(5,707)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	6	3.95	3.23	2.75
(1,451)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	6	3.89	3.48	3.0
(1,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	6	3.81	5.91	1.46
(1,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	6	3.76	4.79	1.76
(1,578)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	6	3.76	2.6	2.96
(1,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	6	3.63	3.05	2.34
(5,714)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	6	3.48	1.7	3.76
(4,92)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HZ	6	3.46	1.77	2.66
(4,92)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HZ	6	3.46	1.77	2.66
(4,92)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HZ	6	3.46	1.77	2.66
(1,577)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	6	3.22	2.88	2.48
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE1	1:210:A:ARG:HB2	6	3.15	1.94	3.09
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE1	1:210:A:ARG:HB3	6	3.15	1.94	3.09
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE2	1:210:A:ARG:HB2	6	3.15	1.94	3.09
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE2	1:210:A:ARG:HB3	6	3.15	1.94	3.09
(5,691)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	6	2.95	1.98	2.9
(1,455)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	6	2.74	1.89	1.76
(5,708)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	6	2.72	1.3	2.76
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG21	6	2.69	1.34	3.26
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG22	6	2.69	1.34	3.26
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG23	6	2.69	1.34	3.26
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG21	6	2.69	1.34	3.26
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG22	6	2.69	1.34	3.26
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG23	6	2.69	1.34	3.26
(1,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	6	2.68	1.29	2.48
(4,1431)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HZ	6	2.58	1.19	2.77
(4,1431)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HZ	6	2.58	1.19	2.77
(4,1431)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HZ	6	2.58	1.19	2.77
(5,630)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	6	2.48	1.51	2.37
(4,538)	1:81:A:TRP:HE1	1:182:A:GLY:HA2	6	2.38	0.47	2.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3445)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HB2	6	2.25	1.22	2.22
(4,3445)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HB3	6	2.25	1.22	2.22
(4,1187)	1:82:A:PHE:HE1	1:100:A:SER:H	6	2.24	1.28	2.53
(4,1187)	1:82:A:PHE:HE2	1:100:A:SER:H	6	2.24	1.28	2.53
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:HD21	6	2.21	1.71	1.64
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:HD22	6	2.21	1.71	1.64
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:HD23	6	2.21	1.71	1.64
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:HD21	6	2.21	1.71	1.64
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:HD22	6	2.21	1.71	1.64
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:HD23	6	2.21	1.71	1.64
(5,230)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	6	2.08	1.33	1.68
(4,1483)	1:28:A:LYS:HB2	1:31:A:TRP:HE1	6	2.06	0.44	2.34
(4,1832)	1:78:A:ASP:H	1:178:A:PHE:HE1	6	1.84	2.25	0.57
(4,1832)	1:78:A:ASP:H	1:178:A:PHE:HE2	6	1.84	2.25	0.57
(5,772)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	6	1.84	0.67	1.84
(4,2144)	1:81:A:TRP:HH2	1:84:A:GLN:H	6	1.71	2.58	0.6
(4,1207)	1:28:A:LYS:HB3	1:31:A:TRP:HE1	6	1.7	0.53	1.53
(4,1007)	1:81:A:TRP:HZ2	1:82:A:PHE:H	6	1.7	0.51	1.5
(4,305)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG21	6	1.58	1.11	1.49
(4,305)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG22	6	1.58	1.11	1.49
(4,305)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG23	6	1.58	1.11	1.49
(4,305)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG21	6	1.58	1.11	1.49
(4,305)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG22	6	1.58	1.11	1.49
(4,305)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG23	6	1.58	1.11	1.49
(4,3163)	1:31:A:TRP:HE3	1:234:A:ASN:H	6	1.51	0.26	1.56
(4,2406)	1:81:A:TRP:HZ2	1:182:A:GLY:HA2	6	1.44	0.86	1.16
(4,2406)	1:81:A:TRP:HZ2	1:182:A:GLY:HA3	6	1.44	0.86	1.16
(4,3214)	1:80:A:ILE:HD11	1:103:A:GLN:HE21	6	1.4	0.89	1.38
(4,3214)	1:80:A:ILE:HD12	1:103:A:GLN:HE21	6	1.4	0.89	1.38
(4,3214)	1:80:A:ILE:HD13	1:103:A:GLN:HE21	6	1.4	0.89	1.38
(4,1333)	1:153:A:GLN:HG2	1:157:A:PRO:HD3	6	1.39	1.33	0.66
(4,1333)	1:153:A:GLN:HG3	1:157:A:PRO:HD3	6	1.39	1.33	0.66
(4,2329)	1:39:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	6	1.38	0.59	1.69
(4,2329)	1:39:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	6	1.38	0.59	1.69
(4,2329)	1:39:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	6	1.38	0.59	1.69
(4,3485)	1:126:A:LYS:HG2	1:127:A:ASN:HD21	6	1.38	0.91	0.91
(4,3485)	1:126:A:LYS:HG3	1:127:A:ASN:HD21	6	1.38	0.91	0.91
(2,335)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	6	1.38	0.45	1.34
(4,2525)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:H	6	1.37	0.54	1.27
(4,2525)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:H	6	1.37	0.54	1.27
(4,2525)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:H	6	1.37	0.54	1.27
(4,2867)	1:36:A:ILE:HD11	1:55:A:ILE:HB	6	1.37	0.63	1.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2867)	1:36:A:ILE:HD12	1:55:A:ILE:HB	6	1.37	0.63	1.38
(4,2867)	1:36:A:ILE:HD13	1:55:A:ILE:HB	6	1.37	0.63	1.38
(4,3814)	1:79:A:VAL:H	1:178:A:PHE:HE1	6	1.36	2.22	0.42
(4,3814)	1:79:A:VAL:H	1:178:A:PHE:HE2	6	1.36	2.22	0.42
(1,111)	1:82:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	6	1.31	0.87	1.15
(4,3082)	1:148:A:THR:HB	1:149:A:PHE:HD1	6	1.28	0.63	1.2
(4,3082)	1:148:A:THR:HB	1:149:A:PHE:HD2	6	1.28	0.63	1.2
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB2	6	1.27	0.48	1.44
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB3	6	1.27	0.48	1.44
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB2	6	1.27	0.48	1.44
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB3	6	1.27	0.48	1.44
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB2	6	1.27	0.48	1.44
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB3	6	1.27	0.48	1.44
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:CD1	6	1.26	0.86	1.04
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:CD1	6	1.26	0.86	1.04
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:CD1	6	1.26	0.86	1.04
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:CD1	6	1.26	0.86	1.04
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:CD1	6	1.26	0.86	1.04
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:CD1	6	1.26	0.86	1.04
(4,83)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG21	6	1.25	0.67	0.92
(4,83)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG22	6	1.25	0.67	0.92
(4,83)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG23	6	1.25	0.67	0.92
(4,3755)	1:44:A:LEU:HD11	1:47:A:PHE:H	6	1.25	0.2	1.28
(4,3755)	1:44:A:LEU:HD12	1:47:A:PHE:H	6	1.25	0.2	1.28
(4,3755)	1:44:A:LEU:HD13	1:47:A:PHE:H	6	1.25	0.2	1.28
(4,1993)	1:55:A:ILE:HB	1:170:A:TYR:HD1	6	1.24	1.36	0.41
(4,1993)	1:55:A:ILE:HB	1:170:A:TYR:HD2	6	1.24	1.36	0.41
(4,1239)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD21	6	1.24	0.75	1.63
(4,1239)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD22	6	1.24	0.75	1.63
(4,1239)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD23	6	1.24	0.75	1.63
(4,1540)	1:33:A:TYR:HD1	1:231:A:LEU:H	6	1.23	0.88	1.03
(4,1540)	1:33:A:TYR:HD2	1:231:A:LEU:H	6	1.23	0.88	1.03
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:HB2	6	1.2	0.8	1.06
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:HB3	6	1.2	0.8	1.06
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:HB2	6	1.2	0.8	1.06
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:HB3	6	1.2	0.8	1.06
(4,3064)	1:48:A:LEU:CD2	1:52:A:VAL:HG21	6	1.2	1.17	0.64
(4,3064)	1:48:A:LEU:CD2	1:52:A:VAL:HG22	6	1.2	1.17	0.64
(4,3064)	1:48:A:LEU:CD2	1:52:A:VAL:HG23	6	1.2	1.17	0.64
(4,2849)	1:55:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:CG1	6	1.16	0.66	1.32
(4,2849)	1:55:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:CG1	6	1.16	0.66	1.32
(4,2849)	1:55:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:CG1	6	1.16	0.66	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,61)	1:29:A:ASN:H	1:30:A:GLU:HG2	6	1.15	0.46	1.36
(4,871)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HD1	6	1.15	0.69	1.1
(4,871)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HD2	6	1.15	0.69	1.1
(4,871)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HD1	6	1.15	0.69	1.1
(4,871)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HD2	6	1.15	0.69	1.1
(4,871)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HD1	6	1.15	0.69	1.1
(4,871)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HD2	6	1.15	0.69	1.1
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD11	6	1.08	0.63	1.04
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD12	6	1.08	0.63	1.04
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD13	6	1.08	0.63	1.04
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD21	6	1.08	0.63	1.04
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD22	6	1.08	0.63	1.04
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD23	6	1.08	0.63	1.04
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD11	6	1.08	0.63	1.04
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD12	6	1.08	0.63	1.04
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD13	6	1.08	0.63	1.04
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD21	6	1.08	0.63	1.04
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD22	6	1.08	0.63	1.04
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD23	6	1.08	0.63	1.04
(4,1019)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:H	6	1.08	0.47	1.29
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD11	6	1.07	0.63	0.84
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD12	6	1.07	0.63	0.84
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD13	6	1.07	0.63	0.84
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD21	6	1.07	0.63	0.84
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD22	6	1.07	0.63	0.84
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD23	6	1.07	0.63	0.84
(4,3441)	1:158:A:GLU:HB2	1:160:A:THR:H	6	1.06	0.23	1.05
(4,3441)	1:158:A:GLU:HB3	1:160:A:THR:H	6	1.06	0.23	1.05
(4,1229)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:CD1	6	1.04	0.89	0.67
(4,1229)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:CD1	6	1.04	0.89	0.67
(4,1229)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:CD1	6	1.04	0.89	0.67
(4,2625)	1:99:A:LEU:H	1:100:A:SER:HG	6	1.04	0.37	1.19
(4,3795)	1:84:A:GLN:H	1:185:A:LEU:HD11	6	1.04	0.58	0.89
(4,3795)	1:84:A:GLN:H	1:185:A:LEU:HD12	6	1.04	0.58	0.89
(4,3795)	1:84:A:GLN:H	1:185:A:LEU:HD13	6	1.04	0.58	0.89
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD1	6	1.04	0.46	0.88
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD2	6	1.04	0.46	0.88
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD1	6	1.04	0.46	0.88
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD2	6	1.04	0.46	0.88
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD1	6	1.04	0.46	0.88
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD2	6	1.04	0.46	0.88
(4,2931)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HG	6	1.04	0.84	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,4170)	1:169:A:THR:HG21	1:171:A:VAL:H	6	1.03	0.29	1.11
(4,4170)	1:169:A:THR:HG22	1:171:A:VAL:H	6	1.03	0.29	1.11
(4,4170)	1:169:A:THR:HG23	1:171:A:VAL:H	6	1.03	0.29	1.11
(4,295)	1:138:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:CD1	6	1.02	0.36	0.92
(4,295)	1:138:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:CD1	6	1.02	0.36	0.92
(4,295)	1:138:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:CD1	6	1.02	0.36	0.92
(4,295)	1:138:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:CD1	6	1.02	0.36	0.92
(4,295)	1:138:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:CD1	6	1.02	0.36	0.92
(4,295)	1:138:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:CD1	6	1.02	0.36	0.92
(4,1807)	1:81:A:TRP:HE1	1:82:A:PHE:H	6	0.97	0.1	1.0
(4,3160)	1:64:A:ASP:HB2	1:66:A:LYS:H	6	0.96	0.12	0.95
(4,3160)	1:64:A:ASP:HB3	1:66:A:LYS:H	6	0.96	0.12	0.95
(4,691)	1:52:A:VAL:HG21	1:55:A:ILE:CD1	6	0.93	0.73	0.94
(4,691)	1:52:A:VAL:HG22	1:55:A:ILE:CD1	6	0.93	0.73	0.94
(4,691)	1:52:A:VAL:HG23	1:55:A:ILE:CD1	6	0.93	0.73	0.94
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HB2	6	0.93	0.71	0.8
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HB3	6	0.93	0.71	0.8
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HB2	6	0.93	0.71	0.8
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HB3	6	0.93	0.71	0.8
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HB2	6	0.93	0.71	0.8
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HB3	6	0.93	0.71	0.8
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HB2	6	0.93	0.74	0.66
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HB3	6	0.93	0.74	0.66
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HB2	6	0.93	0.74	0.66
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HB3	6	0.93	0.74	0.66
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HB2	6	0.93	0.74	0.66
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HB3	6	0.93	0.74	0.66
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG11	1:18:A:PHE:HE1	6	0.92	0.35	1.01
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG11	1:18:A:PHE:HE2	6	0.92	0.35	1.01
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG12	1:18:A:PHE:HE1	6	0.92	0.35	1.01
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG12	1:18:A:PHE:HE2	6	0.92	0.35	1.01
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG13	1:18:A:PHE:HE1	6	0.92	0.35	1.01
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG13	1:18:A:PHE:HE2	6	0.92	0.35	1.01
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG21	1:18:A:PHE:HE1	6	0.92	0.35	1.01
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG21	1:18:A:PHE:HE2	6	0.92	0.35	1.01
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG22	1:18:A:PHE:HE1	6	0.92	0.35	1.01
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG22	1:18:A:PHE:HE2	6	0.92	0.35	1.01
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG23	1:18:A:PHE:HE1	6	0.92	0.35	1.01
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG23	1:18:A:PHE:HE2	6	0.92	0.35	1.01
(4,2155)	1:141:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	6	0.92	1.09	0.51
(4,2155)	1:141:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	6	0.92	1.09	0.51
(4,2155)	1:141:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	6	0.92	1.09	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3344)	1:106:A:LEU:HB2	1:110:A:SER:HG	6	0.9	0.48	0.8
(4,3344)	1:106:A:LEU:HB3	1:110:A:SER:HG	6	0.9	0.48	0.8
(4,3714)	1:19:A:THR:HG1	1:33:A:TYR:H	6	0.9	0.55	0.96
(4,1289)	1:191:A:LEU:HD11	1:210:A:ARG:H	6	0.89	0.71	0.53
(4,1289)	1:191:A:LEU:HD12	1:210:A:ARG:H	6	0.89	0.71	0.53
(4,1289)	1:191:A:LEU:HD13	1:210:A:ARG:H	6	0.89	0.71	0.53
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG11	6	0.89	0.6	0.72
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG12	6	0.89	0.6	0.72
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG13	6	0.89	0.6	0.72
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG21	6	0.89	0.6	0.72
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG22	6	0.89	0.6	0.72
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG23	6	0.89	0.6	0.72
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG11	6	0.89	0.6	0.72
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG12	6	0.89	0.6	0.72
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG13	6	0.89	0.6	0.72
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG21	6	0.89	0.6	0.72
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG22	6	0.89	0.6	0.72
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG23	6	0.89	0.6	0.72
(4,3551)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:H	6	0.87	0.39	0.94
(4,2341)	1:32:A:ALA:H	1:231:A:LEU:HD21	6	0.87	0.56	0.86
(4,2341)	1:32:A:ALA:H	1:231:A:LEU:HD22	6	0.87	0.56	0.86
(4,2341)	1:32:A:ALA:H	1:231:A:LEU:HD23	6	0.87	0.56	0.86
(4,3052)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD21	6	0.86	0.38	0.92
(4,3052)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD22	6	0.86	0.38	0.92
(4,3052)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD23	6	0.86	0.38	0.92
(4,961)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HG2	6	0.86	0.36	0.97
(4,961)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HG3	6	0.86	0.36	0.97
(4,961)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HG2	6	0.86	0.36	0.97
(4,961)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HG3	6	0.86	0.36	0.97
(4,961)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HG2	6	0.86	0.36	0.97
(4,961)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HG3	6	0.86	0.36	0.97
(4,96)	1:115:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HG3	6	0.84	0.25	0.74
(4,96)	1:115:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HG3	6	0.84	0.25	0.74
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:H	6	0.84	0.58	0.81
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:H	6	0.84	0.58	0.81
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:H	6	0.84	0.58	0.81
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	6	0.84	0.58	0.81
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	6	0.84	0.58	0.81
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	6	0.84	0.58	0.81
(4,2571)	1:12:A:GLU:H	1:13:A:SER:H	6	0.84	0.21	0.86
(4,971)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HB2	6	0.82	0.23	0.92
(4,971)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HB3	6	0.82	0.23	0.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,971)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HB2	6	0.82	0.23	0.92
(4,971)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HB3	6	0.82	0.23	0.92
(4,971)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HB2	6	0.82	0.23	0.92
(4,971)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HB3	6	0.82	0.23	0.92
(4,2980)	1:202:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:H	6	0.82	0.57	0.67
(4,2980)	1:202:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:H	6	0.82	0.57	0.67
(4,2980)	1:202:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:H	6	0.82	0.57	0.67
(4,2020)	1:104:A:SER:HB2	1:105:A:LEU:HG	6	0.8	0.31	0.86
(4,2020)	1:104:A:SER:HB3	1:105:A:LEU:HG	6	0.8	0.31	0.86
(4,1155)	1:112:A:LEU:HD11	1:114:A:ASN:H	6	0.79	0.33	0.92
(4,1155)	1:112:A:LEU:HD12	1:114:A:ASN:H	6	0.79	0.33	0.92
(4,1155)	1:112:A:LEU:HD13	1:114:A:ASN:H	6	0.79	0.33	0.92
(4,1546)	1:34:A:PHE:HD1	1:232:A:GLY:H	6	0.79	0.23	0.86
(4,1546)	1:34:A:PHE:HD2	1:232:A:GLY:H	6	0.79	0.23	0.86
(4,2573)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD11	6	0.79	0.46	0.76
(4,2573)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD12	6	0.79	0.46	0.76
(4,2573)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD13	6	0.79	0.46	0.76
(4,2613)	1:20:A:ASN:H	1:21:A:PHE:HD1	6	0.77	0.1	0.76
(4,2613)	1:20:A:ASN:H	1:21:A:PHE:HD2	6	0.77	0.1	0.76
(4,327)	1:120:A:SER:HA	1:122:A:THR:HB	6	0.76	0.52	0.71
(4,3200)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:H	6	0.76	0.33	0.82
(4,3200)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:H	6	0.76	0.33	0.82
(4,3200)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:H	6	0.76	0.33	0.82
(4,241)	1:59:A:PHE:HD1	1:226:A:PHE:HB2	6	0.76	0.23	0.76
(4,241)	1:59:A:PHE:HD2	1:226:A:PHE:HB2	6	0.76	0.23	0.76
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HD11	6	0.76	0.44	0.69
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HD12	6	0.76	0.44	0.69
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HD13	6	0.76	0.44	0.69
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HD11	6	0.76	0.44	0.69
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HD12	6	0.76	0.44	0.69
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HD13	6	0.76	0.44	0.69
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HD11	6	0.76	0.44	0.69
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HD12	6	0.76	0.44	0.69
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HD13	6	0.76	0.44	0.69
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:HG11	6	0.74	0.29	0.7
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:HG12	6	0.74	0.29	0.7
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:HG13	6	0.74	0.29	0.7
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:HG11	6	0.74	0.29	0.7
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:HG12	6	0.74	0.29	0.7
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:HG13	6	0.74	0.29	0.7
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:HG11	6	0.74	0.29	0.7
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:HG12	6	0.74	0.29	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:HG13	6	0.74	0.29	0.7
(4,3018)	1:83:A:LYS:HD2	1:85:A:SER:H	6	0.74	0.25	0.82
(4,3018)	1:83:A:LYS:HD3	1:85:A:SER:H	6	0.74	0.25	0.82
(4,173)	1:17:A:VAL:H	1:18:A:PHE:HD1	6	0.7	0.11	0.72
(4,173)	1:17:A:VAL:H	1:18:A:PHE:HD2	6	0.7	0.11	0.72
(4,2098)	1:25:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	6	0.7	0.24	0.78
(4,2098)	1:25:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	6	0.7	0.24	0.78
(4,2098)	1:25:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	6	0.7	0.24	0.78
(4,3299)	1:61:A:ILE:HB	1:166:A:HIS:H	6	0.68	0.4	0.66
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD11	6	0.67	0.35	0.66
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD12	6	0.67	0.35	0.66
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD13	6	0.67	0.35	0.66
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD21	6	0.67	0.35	0.66
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD22	6	0.67	0.35	0.66
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD23	6	0.67	0.35	0.66
(1,61)	1:85:A:SER:H	1:140:A:ASN:ND2	6	0.66	0.62	0.47
(4,3133)	1:18:A:PHE:H	1:18:A:PHE:HE1	6	0.66	0.06	0.69
(4,3133)	1:18:A:PHE:H	1:18:A:PHE:HE2	6	0.66	0.06	0.69
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG11	6	0.66	0.55	0.5
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG12	6	0.66	0.55	0.5
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG13	6	0.66	0.55	0.5
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG21	6	0.66	0.55	0.5
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG22	6	0.66	0.55	0.5
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG23	6	0.66	0.55	0.5
(4,2031)	1:153:A:GLN:HE21	1:154:A:SER:H	6	0.65	0.16	0.74
(4,1666)	1:55:A:ILE:HD11	1:202:A:ILE:HB	6	0.63	0.36	0.64
(4,1666)	1:55:A:ILE:HD12	1:202:A:ILE:HB	6	0.63	0.36	0.64
(4,1666)	1:55:A:ILE:HD13	1:202:A:ILE:HB	6	0.63	0.36	0.64
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD11	6	0.61	0.27	0.56
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD12	6	0.61	0.27	0.56
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD13	6	0.61	0.27	0.56
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD21	6	0.61	0.27	0.56
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD22	6	0.61	0.27	0.56
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD23	6	0.61	0.27	0.56
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD11	6	0.61	0.27	0.56
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD12	6	0.61	0.27	0.56
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD13	6	0.61	0.27	0.56
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD21	6	0.61	0.27	0.56
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD22	6	0.61	0.27	0.56
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD23	6	0.61	0.27	0.56
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD11	6	0.61	0.27	0.56
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD12	6	0.61	0.27	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD13	6	0.61	0.27	0.56
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD21	6	0.61	0.27	0.56
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD22	6	0.61	0.27	0.56
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD23	6	0.61	0.27	0.56
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD11	6	0.6	0.43	0.42
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD12	6	0.6	0.43	0.42
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD13	6	0.6	0.43	0.42
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD21	6	0.6	0.43	0.42
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD22	6	0.6	0.43	0.42
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD23	6	0.6	0.43	0.42
(4,3194)	1:45:A:LEU:HD11	1:202:A:ILE:H	6	0.6	0.24	0.62
(4,3194)	1:45:A:LEU:HD12	1:202:A:ILE:H	6	0.6	0.24	0.62
(4,3194)	1:45:A:LEU:HD13	1:202:A:ILE:H	6	0.6	0.24	0.62
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD11	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD12	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD13	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD21	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD22	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD23	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD11	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD12	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD13	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD21	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD22	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD23	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD11	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD12	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD13	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD21	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD22	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD23	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD11	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD12	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD13	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD21	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD22	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD23	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD11	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD12	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD13	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD21	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD22	6	0.6	0.38	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD23	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD11	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD12	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD13	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD21	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD22	6	0.6	0.38	0.52
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD23	6	0.6	0.38	0.52
(4,652)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HB2	6	0.6	0.34	0.48
(4,652)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HB3	6	0.6	0.34	0.48
(4,652)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HB2	6	0.6	0.34	0.48
(4,652)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HB3	6	0.6	0.34	0.48
(4,3658)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HB2	6	0.59	0.41	0.6
(4,3658)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HB3	6	0.59	0.41	0.6
(4,3658)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HB2	6	0.59	0.41	0.6
(4,3658)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HB3	6	0.59	0.41	0.6
(4,3658)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HB2	6	0.59	0.41	0.6
(4,3658)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HB3	6	0.59	0.41	0.6
(4,3589)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:HB2	6	0.58	0.09	0.58
(4,717)	1:31:A:TRP:HE3	1:32:A:ALA:H	6	0.57	0.28	0.58
(4,1587)	1:190:A:TYR:HE1	1:192:A:GLY:H	6	0.57	0.34	0.57
(4,1587)	1:190:A:TYR:HE2	1:192:A:GLY:H	6	0.57	0.34	0.57
(4,2745)	1:81:A:TRP:H	1:128:A:ARG:H	6	0.56	0.16	0.6
(4,124)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG11	6	0.56	0.23	0.58
(4,124)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG12	6	0.56	0.23	0.58
(4,124)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG13	6	0.56	0.23	0.58
(4,124)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG11	6	0.56	0.23	0.58
(4,124)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG12	6	0.56	0.23	0.58
(4,124)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG13	6	0.56	0.23	0.58
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD11	6	0.55	0.37	0.38
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD12	6	0.55	0.37	0.38
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD13	6	0.55	0.37	0.38
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD21	6	0.55	0.37	0.38
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD22	6	0.55	0.37	0.38
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD23	6	0.55	0.37	0.38
(4,48)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD11	6	0.53	0.55	0.19
(4,48)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD12	6	0.53	0.55	0.19
(4,48)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD13	6	0.53	0.55	0.19
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD11	6	0.53	0.31	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD12	6	0.53	0.31	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD13	6	0.53	0.31	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD21	6	0.53	0.31	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD22	6	0.53	0.31	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD23	6	0.53	0.31	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD11	6	0.53	0.31	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD12	6	0.53	0.31	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD13	6	0.53	0.31	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD21	6	0.53	0.31	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD22	6	0.53	0.31	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD23	6	0.53	0.31	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD11	6	0.53	0.31	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD12	6	0.53	0.31	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD13	6	0.53	0.31	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD21	6	0.53	0.31	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD22	6	0.53	0.31	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD23	6	0.53	0.31	0.47
(3,8)	1:179:A:GLU:H	1:189:A:LEU:O	6	0.52	0.44	0.44
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD1	6	0.52	0.31	0.47
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD2	6	0.52	0.31	0.47
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD1	6	0.52	0.31	0.47
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD2	6	0.52	0.31	0.47
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD1	6	0.52	0.31	0.47
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD2	6	0.52	0.31	0.47
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG11	6	0.51	0.23	0.52
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG12	6	0.51	0.23	0.52
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG13	6	0.51	0.23	0.52
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG21	6	0.51	0.23	0.52
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG22	6	0.51	0.23	0.52
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG23	6	0.51	0.23	0.52
(4,388)	1:57:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:HA	6	0.51	0.25	0.41
(4,388)	1:57:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:HA	6	0.51	0.25	0.41
(4,388)	1:57:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:HA	6	0.51	0.25	0.41
(4,3073)	1:34:A:PHE:HB2	1:230:A:GLY:H	6	0.51	0.15	0.53
(4,3073)	1:34:A:PHE:HB3	1:230:A:GLY:H	6	0.51	0.15	0.53
(4,3652)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD11	6	0.5	0.35	0.38
(4,3652)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD12	6	0.5	0.35	0.38
(4,3652)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD13	6	0.5	0.35	0.38
(4,797)	1:38:A:SER:H	1:41:A:GLU:HB2	6	0.49	0.4	0.3
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD11	1:115:A:PHE:HA	6	0.49	0.17	0.5
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD12	1:115:A:PHE:HA	6	0.49	0.17	0.5
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD13	1:115:A:PHE:HA	6	0.49	0.17	0.5
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD21	1:115:A:PHE:HA	6	0.49	0.17	0.5
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD22	1:115:A:PHE:HA	6	0.49	0.17	0.5
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD23	1:115:A:PHE:HA	6	0.49	0.17	0.5
(4,2200)	1:59:A:PHE:HD1	1:215:A:MET:HA	6	0.47	0.2	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2200)	1:59:A:PHE:HD2	1:215:A:MET:HA	6	0.47	0.2	0.4
(4,3899)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:H	6	0.47	0.28	0.46
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD21	6	0.46	0.32	0.41
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD22	6	0.46	0.32	0.41
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD23	6	0.46	0.32	0.41
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD21	6	0.46	0.32	0.41
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD22	6	0.46	0.32	0.41
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD23	6	0.46	0.32	0.41
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD21	6	0.46	0.32	0.41
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD22	6	0.46	0.32	0.41
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD23	6	0.46	0.32	0.41
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG11	6	0.46	0.22	0.42
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG12	6	0.46	0.22	0.42
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG13	6	0.46	0.22	0.42
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG21	6	0.46	0.22	0.42
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG22	6	0.46	0.22	0.42
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG23	6	0.46	0.22	0.42
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG11	6	0.46	0.22	0.42
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG12	6	0.46	0.22	0.42
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG13	6	0.46	0.22	0.42
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG21	6	0.46	0.22	0.42
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG22	6	0.46	0.22	0.42
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG23	6	0.46	0.22	0.42
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD11	6	0.45	0.15	0.46
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD12	6	0.45	0.15	0.46
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD13	6	0.45	0.15	0.46
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD21	6	0.45	0.15	0.46
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD22	6	0.45	0.15	0.46
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD23	6	0.45	0.15	0.46
(4,1501)	1:163:A:THR:HB	1:164:A:ASN:HA	6	0.44	0.08	0.42
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD11	6	0.41	0.17	0.39
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD12	6	0.41	0.17	0.39
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD13	6	0.41	0.17	0.39
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD21	6	0.41	0.17	0.39
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD22	6	0.41	0.17	0.39
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD23	6	0.41	0.17	0.39
(4,353)	1:56:A:VAL:HB	1:229:A:LEU:H	6	0.4	0.1	0.42
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD11	6	0.4	0.2	0.36
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD12	6	0.4	0.2	0.36
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD13	6	0.4	0.2	0.36
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD21	6	0.4	0.2	0.36
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD22	6	0.4	0.2	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD23	6	0.4	0.2	0.36
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD11	6	0.4	0.2	0.36
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD12	6	0.4	0.2	0.36
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD13	6	0.4	0.2	0.36
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD21	6	0.4	0.2	0.36
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD22	6	0.4	0.2	0.36
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD23	6	0.4	0.2	0.36
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD11	6	0.4	0.2	0.36
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD12	6	0.4	0.2	0.36
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD13	6	0.4	0.2	0.36
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD21	6	0.4	0.2	0.36
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD22	6	0.4	0.2	0.36
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD23	6	0.4	0.2	0.36
(4,3008)	1:125:A:SER:H	1:128:A:ARG:H	6	0.4	0.23	0.34
(4,1926)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD21	6	0.4	0.33	0.22
(4,1926)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD22	6	0.4	0.33	0.22
(4,1926)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD23	6	0.4	0.33	0.22
(4,3890)	1:184:A:ASN:HD21	1:185:A:LEU:H	6	0.39	0.1	0.38
(4,3890)	1:184:A:ASN:HD22	1:185:A:LEU:H	6	0.39	0.1	0.38
(4,1858)	1:19:A:THR:HG21	1:23:A:HIS:H	6	0.38	0.2	0.32
(4,1858)	1:19:A:THR:HG22	1:23:A:HIS:H	6	0.38	0.2	0.32
(4,1858)	1:19:A:THR:HG23	1:23:A:HIS:H	6	0.38	0.2	0.32
(4,2514)	1:58:A:LEU:HD21	1:227:A:ALA:H	6	0.38	0.18	0.36
(4,2514)	1:58:A:LEU:HD22	1:227:A:ALA:H	6	0.38	0.18	0.36
(4,2514)	1:58:A:LEU:HD23	1:227:A:ALA:H	6	0.38	0.18	0.36
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	6	0.38	0.21	0.35
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	6	0.38	0.21	0.35
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	6	0.38	0.21	0.35
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	6	0.38	0.21	0.35
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	6	0.38	0.21	0.35
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	6	0.38	0.21	0.35
(4,1888)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:HB2	6	0.37	0.1	0.41
(4,1888)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:HB3	6	0.37	0.1	0.41
(4,1208)	1:59:A:PHE:HD1	1:166:A:HIS:H	6	0.36	0.29	0.26
(4,1208)	1:59:A:PHE:HD2	1:166:A:HIS:H	6	0.36	0.29	0.26
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB2	1:210:A:ARG:HB2	6	0.35	0.13	0.36
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB2	1:210:A:ARG:HB3	6	0.35	0.13	0.36
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB3	1:210:A:ARG:HB2	6	0.35	0.13	0.36
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB3	1:210:A:ARG:HB3	6	0.35	0.13	0.36
(4,1319)	1:98:A:SER:H	1:98:A:SER:HG	6	0.35	0.03	0.35
(4,4183)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HB2	6	0.33	0.15	0.38
(4,4183)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HB3	6	0.33	0.15	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB2	6	0.33	0.16	0.3
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB3	6	0.33	0.16	0.3
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB2	6	0.33	0.16	0.3
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB3	6	0.33	0.16	0.3
(4,2847)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:H	6	0.32	0.16	0.27
(4,3303)	1:22:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HB2	6	0.31	0.18	0.28
(4,3303)	1:22:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HB3	6	0.31	0.18	0.28
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:HD21	6	0.29	0.2	0.19
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:HD22	6	0.29	0.2	0.19
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:HD21	6	0.29	0.2	0.19
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:HD22	6	0.29	0.2	0.19
(3,10)	1:32:A:ALA:H	1:232:A:GLY:O	6	0.29	0.02	0.29
(4,1602)	1:199:A:THR:H	1:202:A:ILE:H	6	0.27	0.13	0.26
(4,2292)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	6	0.24	0.1	0.2
(4,2292)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	6	0.24	0.1	0.2
(4,2292)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	6	0.24	0.1	0.2
(4,2148)	1:68:A:SER:H	1:69:A:THR:H	6	0.24	0.08	0.21
(4,3434)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:H	6	0.24	0.08	0.27
(4,1156)	1:62:A:ASN:H	1:63:A:GLU:HA	6	0.22	0.08	0.25
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD11	1:49:A:PRO:HB2	6	0.22	0.11	0.19
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD11	1:49:A:PRO:HB3	6	0.22	0.11	0.19
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD12	1:49:A:PRO:HB2	6	0.22	0.11	0.19
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD12	1:49:A:PRO:HB3	6	0.22	0.11	0.19
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD13	1:49:A:PRO:HB2	6	0.22	0.11	0.19
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD13	1:49:A:PRO:HB3	6	0.22	0.11	0.19
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD21	1:49:A:PRO:HB2	6	0.22	0.11	0.19
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD21	1:49:A:PRO:HB3	6	0.22	0.11	0.19
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD22	1:49:A:PRO:HB2	6	0.22	0.11	0.19
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD22	1:49:A:PRO:HB3	6	0.22	0.11	0.19
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD23	1:49:A:PRO:HB2	6	0.22	0.11	0.19
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD23	1:49:A:PRO:HB3	6	0.22	0.11	0.19
(4,2865)	1:221:A:GLU:HB2	1:222:A:ASP:HB3	6	0.21	0.03	0.22
(4,2865)	1:221:A:GLU:HB3	1:222:A:ASP:HB3	6	0.21	0.03	0.22
(4,1942)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HB2	6	0.19	0.08	0.17
(4,1942)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HB3	6	0.19	0.08	0.17
(4,3975)	1:109:A:GLY:H	1:114:A:ASN:H	6	0.19	0.1	0.16
(4,861)	1:86:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:H	6	0.18	0.05	0.16
(4,861)	1:86:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:H	6	0.18	0.05	0.16
(4,861)	1:86:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:H	6	0.18	0.05	0.16
(4,861)	1:86:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:H	6	0.18	0.05	0.16
(4,861)	1:86:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:H	6	0.18	0.05	0.16
(4,861)	1:86:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:H	6	0.18	0.05	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1383)	1:19:A:THR:HG1	1:20:A:ASN:H	6	0.16	0.04	0.16
(1,598)	1:5:A:ASN:ND2	1:236:A:GLU:H	5	12.94	3.74	14.32
(1,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	5	10.54	5.77	11.99
(1,482)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	5	8.89	5.04	11.83
(1,554)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	5	8.72	6.73	9.78
(5,817)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	5	8.37	5.04	5.71
(5,755)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	5	8.21	1.39	8.64
(1,522)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	5	7.63	4.94	10.62
(1,583)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	5	6.98	1.96	7.56
(5,735)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	5	6.89	3.36	8.3
(1,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	5	6.87	2.44	6.29
(1,495)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	5	5.72	1.29	6.19
(1,517)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	5	5.56	3.32	6.91
(1,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	5	5.53	4.7	3.02
(1,606)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	5	5.48	3.62	4.36
(5,806)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	5	5.45	2.26	5.65
(5,669)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	5	5.44	4.37	3.99
(1,609)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	5	5.42	3.81	4.38
(1,504)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	5	5.2	2.08	4.32
(1,575)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	5	5.18	2.17	5.57
(1,454)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	5	5.11	5.74	2.0
(5,662)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	5	5.03	3.86	3.34
(1,580)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	5	4.96	3.35	2.6
(1,500)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	5	4.74	2.72	4.55
(1,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	5	4.67	4.96	2.75
(1,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	5	4.67	2.04	4.81
(1,520)	1:5:A:ASN:ND2	1:180:A:LEU:H	5	4.37	2.11	5.08
(5,781)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	5	4.22	1.75	4.85
(1,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	5	4.14	4.05	2.11
(1,581)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	5	4.11	4.1	2.24
(5,539)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	5	4.07	3.51	3.4
(1,484)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	5	4.0	1.67	4.38
(1,485)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	5	4.0	2.95	3.32
(1,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	5	3.94	3.33	5.0
(1,524)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	5	3.84	2.59	3.79
(1,527)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	5	3.81	2.13	3.35
(1,530)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	5	3.57	2.41	2.43
(5,812)	1:5:A:ASN:ND2	1:155:A:GLU:H	5	3.44	1.78	4.18
(5,710)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	5	3.26	1.3	3.73
(1,565)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	5	3.21	1.93	3.52
(1,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	5	2.85	1.37	3.43
(5,675)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	5	2.82	2.83	1.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(5,678)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	5	2.79	1.46	2.77
(5,775)	1:5:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	5	2.77	2.35	2.5
(5,813)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	5	2.77	2.31	1.35
(1,275)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	5	2.31	1.31	2.26
(1,395)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	5	2.25	1.84	1.43
(1,537)	1:5:A:ASN:ND2	1:69:A:THR:H	5	2.1	2.3	0.7
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD21	1:170:A:TYR:HE1	5	1.98	1.53	1.11
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD21	1:170:A:TYR:HE2	5	1.98	1.53	1.11
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD22	1:170:A:TYR:HE1	5	1.98	1.53	1.11
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD22	1:170:A:TYR:HE2	5	1.98	1.53	1.11
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD23	1:170:A:TYR:HE1	5	1.98	1.53	1.11
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD23	1:170:A:TYR:HE2	5	1.98	1.53	1.11
(4,3997)	1:80:A:ILE:HD11	1:103:A:GLN:HE22	5	1.91	0.73	2.06
(4,3997)	1:80:A:ILE:HD12	1:103:A:GLN:HE22	5	1.91	0.73	2.06
(4,3997)	1:80:A:ILE:HD13	1:103:A:GLN:HE22	5	1.91	0.73	2.06
(1,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	5	1.9	1.73	1.87
(4,1933)	1:81:A:TRP:HE1	1:187:A:GLY:H	5	1.86	2.22	0.79
(1,481)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	5	1.86	0.54	2.14
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HE1	5	1.83	1.49	0.64
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HE2	5	1.83	1.49	0.64
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HE1	5	1.83	1.49	0.64
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HE2	5	1.83	1.49	0.64
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HE1	5	1.83	1.49	0.64
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HE2	5	1.83	1.49	0.64
(4,191)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD11	5	1.78	0.69	1.62
(4,191)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD12	5	1.78	0.69	1.62
(4,191)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD13	5	1.78	0.69	1.62
(4,191)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD11	5	1.78	0.69	1.62
(4,191)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD12	5	1.78	0.69	1.62
(4,191)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD13	5	1.78	0.69	1.62
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD21	5	1.77	1.43	1.1
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD22	5	1.77	1.43	1.1
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD23	5	1.77	1.43	1.1
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD21	5	1.77	1.43	1.1
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD22	5	1.77	1.43	1.1
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD23	5	1.77	1.43	1.1
(2,366)	1:9:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	5	1.66	0.82	1.68
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD11	5	1.55	0.75	1.53
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD12	5	1.55	0.75	1.53
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD13	5	1.55	0.75	1.53
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD21	5	1.55	0.75	1.53
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD22	5	1.55	0.75	1.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD23	5	1.55	0.75	1.53
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD11	5	1.55	0.75	1.53
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD12	5	1.55	0.75	1.53
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD13	5	1.55	0.75	1.53
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD21	5	1.55	0.75	1.53
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD22	5	1.55	0.75	1.53
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD23	5	1.55	0.75	1.53
(2,495)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	5	1.42	1.38	0.53
(4,1292)	1:98:A:SER:HB2	1:102:A:ASN:HD21	5	1.38	0.68	1.15
(4,1292)	1:98:A:SER:HB2	1:102:A:ASN:HD22	5	1.38	0.68	1.15
(4,1292)	1:98:A:SER:HB3	1:102:A:ASN:HD21	5	1.38	0.68	1.15
(4,1292)	1:98:A:SER:HB3	1:102:A:ASN:HD22	5	1.38	0.68	1.15
(4,765)	1:79:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:CD2	5	1.36	0.59	1.45
(4,765)	1:79:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:CD2	5	1.36	0.59	1.45
(4,765)	1:79:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:CD2	5	1.36	0.59	1.45
(4,37)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:CD2	5	1.36	0.6	1.48
(4,37)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:CD2	5	1.36	0.6	1.48
(4,37)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:CD2	5	1.36	0.6	1.48
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG21	1:75:A:SER:HB2	5	1.36	0.55	1.5
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG21	1:75:A:SER:HB3	5	1.36	0.55	1.5
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG22	1:75:A:SER:HB2	5	1.36	0.55	1.5
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG22	1:75:A:SER:HB3	5	1.36	0.55	1.5
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG23	1:75:A:SER:HB2	5	1.36	0.55	1.5
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG23	1:75:A:SER:HB3	5	1.36	0.55	1.5
(4,1928)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HD11	5	1.35	0.78	1.26
(4,1928)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HD12	5	1.35	0.78	1.26
(4,1928)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HD13	5	1.35	0.78	1.26
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD11	5	1.33	0.58	1.16
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD12	5	1.33	0.58	1.16
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD13	5	1.33	0.58	1.16
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD21	5	1.33	0.58	1.16
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD22	5	1.33	0.58	1.16
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD23	5	1.33	0.58	1.16
(4,1845)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:HD21	5	1.3	1.33	0.42
(4,3835)	1:153:A:GLN:HB2	1:157:A:PRO:HD2	5	1.28	1.17	0.52
(4,3835)	1:153:A:GLN:HB3	1:157:A:PRO:HD2	5	1.28	1.17	0.52
(1,227)	1:158:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	5	1.27	0.79	1.57
(4,1833)	1:145:A:ASN:H	1:147:A:GLN:HG2	5	1.27	0.25	1.31
(4,1833)	1:145:A:ASN:H	1:147:A:GLN:HG3	5	1.27	0.25	1.31
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD11	5	1.26	0.87	0.77
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD12	5	1.26	0.87	0.77
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD13	5	1.26	0.87	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD21	5	1.26	0.87	0.77
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD22	5	1.26	0.87	0.77
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD23	5	1.26	0.87	0.77
(4,2541)	1:80:A:ILE:HD11	1:127:A:ASN:HD21	5	1.26	0.67	1.48
(4,2541)	1:80:A:ILE:HD12	1:127:A:ASN:HD21	5	1.26	0.67	1.48
(4,2541)	1:80:A:ILE:HD13	1:127:A:ASN:HD21	5	1.26	0.67	1.48
(4,1058)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD21	5	1.24	0.88	0.95
(4,1058)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD22	5	1.24	0.88	0.95
(4,1058)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD23	5	1.24	0.88	0.95
(4,3506)	1:61:A:ILE:CD1	1:168:A:ILE:HD11	5	1.21	0.84	0.88
(4,3506)	1:61:A:ILE:CD1	1:168:A:ILE:HD12	5	1.21	0.84	0.88
(4,3506)	1:61:A:ILE:CD1	1:168:A:ILE:HD13	5	1.21	0.84	0.88
(4,3648)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HD21	5	1.19	0.82	0.74
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HE1	5	1.15	0.48	1.3
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HE2	5	1.15	0.48	1.3
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HE1	5	1.15	0.48	1.3
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HE2	5	1.15	0.48	1.3
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HE1	5	1.15	0.48	1.3
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HE2	5	1.15	0.48	1.3
(4,1311)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG11	5	1.14	0.23	1.23
(4,1311)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG12	5	1.14	0.23	1.23
(4,1311)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG13	5	1.14	0.23	1.23
(4,1436)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD11	5	1.13	0.22	1.07
(4,1436)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD12	5	1.13	0.22	1.07
(4,1436)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD13	5	1.13	0.22	1.07
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD11	5	1.12	0.33	1.02
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD12	5	1.12	0.33	1.02
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD13	5	1.12	0.33	1.02
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD21	5	1.12	0.33	1.02
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD22	5	1.12	0.33	1.02
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD23	5	1.12	0.33	1.02
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD11	5	1.12	0.33	1.02
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD12	5	1.12	0.33	1.02
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD13	5	1.12	0.33	1.02
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD21	5	1.12	0.33	1.02
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD22	5	1.12	0.33	1.02
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD23	5	1.12	0.33	1.02
(1,174)	1:94:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	5	1.11	0.54	1.44
(4,1583)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG11	5	1.11	0.19	1.03
(4,1583)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG12	5	1.11	0.19	1.03
(4,1583)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG13	5	1.11	0.19	1.03
(4,568)	1:191:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:HB	5	1.06	0.7	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,568)	1:191:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:HB	5	1.06	0.7	0.69
(4,568)	1:191:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:HB	5	1.06	0.7	0.69
(4,568)	1:191:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:HB	5	1.06	0.7	0.69
(4,568)	1:191:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:HB	5	1.06	0.7	0.69
(4,568)	1:191:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:HB	5	1.06	0.7	0.69
(4,645)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD21	5	1.04	0.32	1.22
(4,645)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD22	5	1.04	0.32	1.22
(4,645)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD23	5	1.04	0.32	1.22
(4,4126)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG11	5	1.03	0.46	0.98
(4,4126)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG12	5	1.03	0.46	0.98
(4,4126)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG13	5	1.03	0.46	0.98
(4,2920)	1:80:A:ILE:HG12	1:127:A:ASN:HD21	5	1.02	0.85	0.48
(4,2920)	1:80:A:ILE:HG13	1:127:A:ASN:HD21	5	1.02	0.85	0.48
(4,3716)	1:45:A:LEU:HA	1:202:A:ILE:HD11	5	1.0	0.7	0.97
(4,3716)	1:45:A:LEU:HA	1:202:A:ILE:HD12	5	1.0	0.7	0.97
(4,3716)	1:45:A:LEU:HA	1:202:A:ILE:HD13	5	1.0	0.7	0.97
(4,1551)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD11	5	0.99	0.19	1.09
(4,1551)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD12	5	0.99	0.19	1.09
(4,1551)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD13	5	0.99	0.19	1.09
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG2	1:50:A:ARG:HD2	5	0.98	0.37	0.99
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG2	1:50:A:ARG:HD3	5	0.98	0.37	0.99
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG3	1:50:A:ARG:HD2	5	0.98	0.37	0.99
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG3	1:50:A:ARG:HD3	5	0.98	0.37	0.99
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG11	5	0.98	0.66	0.9
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG12	5	0.98	0.66	0.9
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG13	5	0.98	0.66	0.9
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG21	5	0.98	0.66	0.9
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG22	5	0.98	0.66	0.9
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG23	5	0.98	0.66	0.9
(2,590)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	5	0.95	0.41	1.08
(4,337)	1:98:A:SER:HA	1:102:A:ASN:HD21	5	0.94	0.67	0.69
(4,337)	1:98:A:SER:HA	1:102:A:ASN:HD22	5	0.94	0.67	0.69
(4,2033)	1:141:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	5	0.94	0.83	0.54
(4,2033)	1:141:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	5	0.94	0.83	0.54
(4,2033)	1:141:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	5	0.94	0.83	0.54
(1,131)	1:225:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	5	0.92	0.5	0.8
(4,2830)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HD1	5	0.92	0.02	0.91
(4,2830)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HD2	5	0.92	0.02	0.91
(4,1350)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD11	5	0.91	0.6	0.7
(4,1350)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD12	5	0.91	0.6	0.7
(4,1350)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD13	5	0.91	0.6	0.7
(4,716)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD11	5	0.9	0.51	1.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,716)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD12	5	0.9	0.51	1.08
(4,716)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD13	5	0.9	0.51	1.08
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG2	1:217:A:ASN:HB2	5	0.89	0.3	0.7
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG2	1:217:A:ASN:HB3	5	0.89	0.3	0.7
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG3	1:217:A:ASN:HB2	5	0.89	0.3	0.7
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG3	1:217:A:ASN:HB3	5	0.89	0.3	0.7
(1,195)	1:16:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	5	0.86	0.54	1.09
(1,132)	1:152:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	5	0.84	0.74	0.32
(4,2074)	1:45:A:LEU:HD21	1:202:A:ILE:H	5	0.84	0.48	0.81
(4,2074)	1:45:A:LEU:HD22	1:202:A:ILE:H	5	0.84	0.48	0.81
(4,2074)	1:45:A:LEU:HD23	1:202:A:ILE:H	5	0.84	0.48	0.81
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG21	5	0.83	0.66	0.63
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG22	5	0.83	0.66	0.63
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG23	5	0.83	0.66	0.63
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG21	5	0.83	0.66	0.63
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG22	5	0.83	0.66	0.63
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG23	5	0.83	0.66	0.63
(2,456)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	5	0.81	0.35	0.93
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD11	5	0.81	0.4	0.91
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD12	5	0.81	0.4	0.91
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD13	5	0.81	0.4	0.91
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD21	5	0.81	0.4	0.91
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD22	5	0.81	0.4	0.91
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD23	5	0.81	0.4	0.91
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD11	5	0.81	0.4	0.91
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD12	5	0.81	0.4	0.91
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD13	5	0.81	0.4	0.91
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD21	5	0.81	0.4	0.91
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD22	5	0.81	0.4	0.91
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD23	5	0.81	0.4	0.91
(1,128)	1:215:A:MET:H	1:225:A:ASN:ND2	5	0.81	0.43	0.61
(4,994)	1:137:A:PHE:H	1:138:A:VAL:HB	5	0.79	0.05	0.77
(4,326)	1:45:A:LEU:HB2	1:203:A:GLU:HB2	5	0.79	0.45	0.78
(4,326)	1:45:A:LEU:HB2	1:203:A:GLU:HB3	5	0.79	0.45	0.78
(4,326)	1:45:A:LEU:HB3	1:203:A:GLU:HB2	5	0.79	0.45	0.78
(4,326)	1:45:A:LEU:HB3	1:203:A:GLU:HB3	5	0.79	0.45	0.78
(4,137)	1:111:A:ASP:HB2	1:137:A:PHE:HD1	5	0.78	0.16	0.75
(4,137)	1:111:A:ASP:HB2	1:137:A:PHE:HD2	5	0.78	0.16	0.75
(4,137)	1:111:A:ASP:HB3	1:137:A:PHE:HD1	5	0.78	0.16	0.75
(4,137)	1:111:A:ASP:HB3	1:137:A:PHE:HD2	5	0.78	0.16	0.75
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD11	1:126:A:LYS:H	5	0.77	0.51	1.01
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD12	1:126:A:LYS:H	5	0.77	0.51	1.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD13	1:126:A:LYS:H	5	0.77	0.51	1.01
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD21	1:126:A:LYS:H	5	0.77	0.51	1.01
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD22	1:126:A:LYS:H	5	0.77	0.51	1.01
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD23	1:126:A:LYS:H	5	0.77	0.51	1.01
(4,1354)	1:170:A:TYR:H	1:170:A:TYR:HE1	5	0.76	0.21	0.74
(4,1354)	1:170:A:TYR:H	1:170:A:TYR:HE2	5	0.76	0.21	0.74
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD11	5	0.76	0.19	0.76
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD12	5	0.76	0.19	0.76
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD13	5	0.76	0.19	0.76
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD21	5	0.76	0.19	0.76
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD22	5	0.76	0.19	0.76
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD23	5	0.76	0.19	0.76
(4,2717)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HB2	5	0.76	0.25	0.72
(4,2717)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HB3	5	0.76	0.25	0.72
(2,446)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	5	0.74	0.45	0.63
(4,3464)	1:33:A:TYR:HA	1:230:A:GLY:H	5	0.73	0.11	0.76
(4,479)	1:80:A:ILE:HG21	1:101:A:ASN:H	5	0.73	0.37	0.57
(4,479)	1:80:A:ILE:HG22	1:101:A:ASN:H	5	0.73	0.37	0.57
(4,479)	1:80:A:ILE:HG23	1:101:A:ASN:H	5	0.73	0.37	0.57
(4,3784)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD11	5	0.71	0.05	0.7
(4,3784)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD12	5	0.71	0.05	0.7
(4,3784)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD13	5	0.71	0.05	0.7
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD11	5	0.7	0.4	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD12	5	0.7	0.4	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD13	5	0.7	0.4	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD21	5	0.7	0.4	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD22	5	0.7	0.4	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD23	5	0.7	0.4	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD11	5	0.7	0.4	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD12	5	0.7	0.4	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD13	5	0.7	0.4	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD21	5	0.7	0.4	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD22	5	0.7	0.4	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD23	5	0.7	0.4	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD11	5	0.7	0.4	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD12	5	0.7	0.4	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD13	5	0.7	0.4	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD21	5	0.7	0.4	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD22	5	0.7	0.4	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD23	5	0.7	0.4	0.62
(4,687)	1:25:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG21	5	0.7	0.34	0.61
(4,687)	1:25:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG22	5	0.7	0.34	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,687)	1:25:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG23	5	0.7	0.34	0.61
(4,2265)	1:77:A:TYR:H	1:188:A:PRO:HG2	5	0.69	0.27	0.63
(4,3813)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD11	5	0.68	0.45	0.67
(4,3813)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD12	5	0.68	0.45	0.67
(4,3813)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD13	5	0.68	0.45	0.67
(4,1392)	1:178:A:PHE:HA	1:189:A:LEU:H	5	0.67	0.57	0.45
(4,459)	1:45:A:LEU:HD21	1:202:A:ILE:HA	5	0.67	0.47	0.6
(4,459)	1:45:A:LEU:HD22	1:202:A:ILE:HA	5	0.67	0.47	0.6
(4,459)	1:45:A:LEU:HD23	1:202:A:ILE:HA	5	0.67	0.47	0.6
(4,3611)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:H	5	0.66	0.34	0.54
(4,3611)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:H	5	0.66	0.34	0.54
(4,3611)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:H	5	0.66	0.34	0.54
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB2	1:204:A:GLN:HG2	5	0.65	0.35	0.88
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB2	1:204:A:GLN:HG3	5	0.65	0.35	0.88
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB3	1:204:A:GLN:HG2	5	0.65	0.35	0.88
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB3	1:204:A:GLN:HG3	5	0.65	0.35	0.88
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HD11	5	0.65	0.11	0.69
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HD12	5	0.65	0.11	0.69
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HD13	5	0.65	0.11	0.69
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HD11	5	0.65	0.11	0.69
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HD12	5	0.65	0.11	0.69
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HD13	5	0.65	0.11	0.69
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HD11	5	0.65	0.11	0.69
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HD12	5	0.65	0.11	0.69
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HD13	5	0.65	0.11	0.69
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD11	5	0.63	0.64	0.36
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD12	5	0.63	0.64	0.36
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD13	5	0.63	0.64	0.36
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD11	5	0.63	0.64	0.36
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD12	5	0.63	0.64	0.36
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD13	5	0.63	0.64	0.36
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD11	5	0.63	0.64	0.36
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD12	5	0.63	0.64	0.36
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD13	5	0.63	0.64	0.36
(4,929)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:H	5	0.6	0.42	0.4
(4,929)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:H	5	0.6	0.42	0.4
(4,929)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:H	5	0.6	0.42	0.4
(4,3179)	1:185:A:LEU:HD11	1:187:A:GLY:H	5	0.6	0.41	0.64
(4,3179)	1:185:A:LEU:HD12	1:187:A:GLY:H	5	0.6	0.41	0.64
(4,3179)	1:185:A:LEU:HD13	1:187:A:GLY:H	5	0.6	0.41	0.64
(4,2261)	1:54:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:H	5	0.59	0.24	0.52
(4,2261)	1:54:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:H	5	0.59	0.24	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2261)	1:54:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:H	5	0.59	0.24	0.52
(4,3797)	1:140:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HG21	5	0.58	0.33	0.58
(4,3797)	1:140:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HG22	5	0.58	0.33	0.58
(4,3797)	1:140:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HG23	5	0.58	0.33	0.58
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD11	1:94:A:ALA:HB1	5	0.57	0.55	0.36
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD11	1:94:A:ALA:HB2	5	0.57	0.55	0.36
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD11	1:94:A:ALA:HB3	5	0.57	0.55	0.36
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD12	1:94:A:ALA:HB1	5	0.57	0.55	0.36
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD12	1:94:A:ALA:HB2	5	0.57	0.55	0.36
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD12	1:94:A:ALA:HB3	5	0.57	0.55	0.36
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD13	1:94:A:ALA:HB1	5	0.57	0.55	0.36
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD13	1:94:A:ALA:HB2	5	0.57	0.55	0.36
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD13	1:94:A:ALA:HB3	5	0.57	0.55	0.36
(4,482)	1:87:A:LYS:HG2	1:90:A:CYS:H	5	0.57	0.45	0.33
(4,482)	1:87:A:LYS:HG3	1:90:A:CYS:H	5	0.57	0.45	0.33
(4,3860)	1:38:A:SER:H	1:202:A:ILE:HG21	5	0.56	0.28	0.61
(4,3860)	1:38:A:SER:H	1:202:A:ILE:HG22	5	0.56	0.28	0.61
(4,3860)	1:38:A:SER:H	1:202:A:ILE:HG23	5	0.56	0.28	0.61
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD11	5	0.56	0.36	0.37
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD12	5	0.56	0.36	0.37
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD13	5	0.56	0.36	0.37
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD21	5	0.56	0.36	0.37
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD22	5	0.56	0.36	0.37
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD23	5	0.56	0.36	0.37
(1,28)	1:104:A:SER:OG	1:171:A:VAL:H	5	0.55	0.32	0.52
(4,2691)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG11	5	0.55	0.29	0.58
(4,2691)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG12	5	0.55	0.29	0.58
(4,2691)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG13	5	0.55	0.29	0.58
(4,104)	1:206:A:LEU:HD11	1:210:A:ARG:H	5	0.54	0.22	0.49
(4,104)	1:206:A:LEU:HD12	1:210:A:ARG:H	5	0.54	0.22	0.49
(4,104)	1:206:A:LEU:HD13	1:210:A:ARG:H	5	0.54	0.22	0.49
(4,104)	1:206:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:H	5	0.54	0.22	0.49
(4,104)	1:206:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:H	5	0.54	0.22	0.49
(4,104)	1:206:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:H	5	0.54	0.22	0.49
(4,2055)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HB2	5	0.52	0.23	0.39
(4,2055)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HB3	5	0.52	0.23	0.39
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD11	5	0.52	0.36	0.38
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD12	5	0.52	0.36	0.38
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD13	5	0.52	0.36	0.38
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD21	5	0.52	0.36	0.38
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD22	5	0.52	0.36	0.38
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD23	5	0.52	0.36	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD11	5	0.52	0.38	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD12	5	0.52	0.38	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD13	5	0.52	0.38	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD21	5	0.52	0.38	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD22	5	0.52	0.38	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD23	5	0.52	0.38	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD11	5	0.52	0.38	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD12	5	0.52	0.38	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD13	5	0.52	0.38	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD21	5	0.52	0.38	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD22	5	0.52	0.38	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD23	5	0.52	0.38	0.35
(4,3453)	1:62:A:ASN:HB2	1:63:A:GLU:HA	5	0.51	0.09	0.57
(4,1074)	1:79:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:H	5	0.51	0.24	0.53
(4,1074)	1:79:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:H	5	0.51	0.24	0.53
(4,1074)	1:79:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:H	5	0.51	0.24	0.53
(3,14)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:O	5	0.5	0.31	0.47
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG11	5	0.49	0.29	0.35
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG12	5	0.49	0.29	0.35
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG13	5	0.49	0.29	0.35
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG21	5	0.49	0.29	0.35
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG22	5	0.49	0.29	0.35
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG23	5	0.49	0.29	0.35
(4,2781)	1:65:A:ARG:HD2	1:66:A:LYS:H	5	0.48	0.1	0.49
(4,2781)	1:65:A:ARG:HD3	1:66:A:LYS:H	5	0.48	0.1	0.49
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD11	5	0.48	0.12	0.48
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD12	5	0.48	0.12	0.48
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD13	5	0.48	0.12	0.48
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD21	5	0.48	0.12	0.48
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD22	5	0.48	0.12	0.48
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD23	5	0.48	0.12	0.48
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD11	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD12	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD13	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD21	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD22	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD23	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD11	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD12	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD13	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD21	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD22	5	0.48	0.28	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD23	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD11	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD12	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD13	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD21	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD22	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD23	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD11	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD12	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD13	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD21	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD22	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD23	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD11	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD12	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD13	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD21	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD22	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD23	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD11	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD12	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD13	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD21	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD22	5	0.48	0.28	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD23	5	0.48	0.28	0.33
(4,4175)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:HB2	5	0.48	0.25	0.56
(4,4175)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:HB3	5	0.48	0.25	0.56
(4,2314)	1:107:A:GLU:H	1:110:A:SER:HG	5	0.47	0.18	0.58
(4,278)	1:32:A:ALA:HB1	1:34:A:PHE:HD1	5	0.47	0.3	0.48
(4,278)	1:32:A:ALA:HB1	1:34:A:PHE:HD2	5	0.47	0.3	0.48
(4,278)	1:32:A:ALA:HB2	1:34:A:PHE:HD1	5	0.47	0.3	0.48
(4,278)	1:32:A:ALA:HB2	1:34:A:PHE:HD2	5	0.47	0.3	0.48
(4,278)	1:32:A:ALA:HB3	1:34:A:PHE:HD1	5	0.47	0.3	0.48
(4,278)	1:32:A:ALA:HB3	1:34:A:PHE:HD2	5	0.47	0.3	0.48
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD11	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD12	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD13	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD21	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD22	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD23	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD11	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD12	5	0.46	0.27	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD13	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD21	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD22	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD23	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD11	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD12	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD13	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD21	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD22	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD23	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD11	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD12	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD13	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD21	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD22	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD23	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD11	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD12	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD13	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD21	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD22	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD23	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD11	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD12	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD13	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD21	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD22	5	0.46	0.27	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD23	5	0.46	0.27	0.42
(4,1146)	1:106:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	5	0.46	0.34	0.29
(4,1146)	1:106:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	5	0.46	0.34	0.29
(4,1146)	1:106:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	5	0.46	0.34	0.29
(4,2251)	1:3:A:GLY:H	1:4:A:GLU:HB2	5	0.46	0.16	0.47
(4,2251)	1:3:A:GLY:H	1:4:A:GLU:HB3	5	0.46	0.16	0.47
(4,3013)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:H	5	0.46	0.26	0.42
(4,1271)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HA	5	0.46	0.15	0.44
(4,2182)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HB2	5	0.45	0.19	0.36
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD11	5	0.45	0.17	0.38
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD12	5	0.45	0.17	0.38
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD13	5	0.45	0.17	0.38
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD21	5	0.45	0.17	0.38
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD22	5	0.45	0.17	0.38
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD23	5	0.45	0.17	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2771)	1:201:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	5	0.43	0.17	0.52
(4,2771)	1:201:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	5	0.43	0.17	0.52
(4,2771)	1:201:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	5	0.43	0.17	0.52
(4,399)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG21	5	0.43	0.45	0.26
(4,399)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG22	5	0.43	0.45	0.26
(4,399)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG23	5	0.43	0.45	0.26
(5,116)	1:55:A:ILE:H	1:140:A:ASN:ND2	5	0.42	0.15	0.36
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB1	1:216:A:GLU:HB2	5	0.41	0.11	0.47
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB1	1:216:A:GLU:HB3	5	0.41	0.11	0.47
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB2	1:216:A:GLU:HB2	5	0.41	0.11	0.47
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB2	1:216:A:GLU:HB3	5	0.41	0.11	0.47
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB3	1:216:A:GLU:HB2	5	0.41	0.11	0.47
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB3	1:216:A:GLU:HB3	5	0.41	0.11	0.47
(4,2175)	1:97:A:HIS:HA	1:100:A:SER:HG	5	0.41	0.21	0.39
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD11	5	0.41	0.14	0.42
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD12	5	0.41	0.14	0.42
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD13	5	0.41	0.14	0.42
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD21	5	0.41	0.14	0.42
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD22	5	0.41	0.14	0.42
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD23	5	0.41	0.14	0.42
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD11	5	0.41	0.14	0.42
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD12	5	0.41	0.14	0.42
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD13	5	0.41	0.14	0.42
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD21	5	0.41	0.14	0.42
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD22	5	0.41	0.14	0.42
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD23	5	0.41	0.14	0.42
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HG12	5	0.41	0.3	0.34
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HG13	5	0.41	0.3	0.34
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HG12	5	0.41	0.3	0.34
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HG13	5	0.41	0.3	0.34
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HG12	5	0.41	0.3	0.34
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HG13	5	0.41	0.3	0.34
(4,1502)	1:38:A:SER:HA	1:41:A:GLU:HB2	5	0.4	0.24	0.31
(4,3928)	1:56:A:VAL:HG11	1:170:A:TYR:H	5	0.39	0.48	0.17
(4,3928)	1:56:A:VAL:HG12	1:170:A:TYR:H	5	0.39	0.48	0.17
(4,3928)	1:56:A:VAL:HG13	1:170:A:TYR:H	5	0.39	0.48	0.17
(4,1480)	1:177:A:ILE:HD11	1:206:A:LEU:HB3	5	0.39	0.24	0.28
(4,1480)	1:177:A:ILE:HD12	1:206:A:LEU:HB3	5	0.39	0.24	0.28
(4,1480)	1:177:A:ILE:HD13	1:206:A:LEU:HB3	5	0.39	0.24	0.28
(4,2673)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	5	0.36	0.15	0.31
(4,2673)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	5	0.36	0.15	0.31
(4,2673)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	5	0.36	0.15	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,4254)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HE1	5	0.36	0.27	0.25
(4,4254)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HE2	5	0.36	0.27	0.25
(4,584)	1:219:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB2	5	0.35	0.16	0.29
(4,584)	1:219:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB3	5	0.35	0.16	0.29
(4,584)	1:219:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB2	5	0.35	0.16	0.29
(4,584)	1:219:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB3	5	0.35	0.16	0.29
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	5	0.34	0.05	0.35
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	5	0.34	0.05	0.35
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	5	0.34	0.05	0.35
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	5	0.34	0.05	0.35
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	5	0.34	0.05	0.35
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	5	0.34	0.05	0.35
(4,758)	1:19:A:THR:HG21	1:21:A:PHE:H	5	0.34	0.14	0.27
(4,758)	1:19:A:THR:HG22	1:21:A:PHE:H	5	0.34	0.14	0.27
(4,758)	1:19:A:THR:HG23	1:21:A:PHE:H	5	0.34	0.14	0.27
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG11	5	0.33	0.15	0.34
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG12	5	0.33	0.15	0.34
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG13	5	0.33	0.15	0.34
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG21	5	0.33	0.15	0.34
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG22	5	0.33	0.15	0.34
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG23	5	0.33	0.15	0.34
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG11	5	0.33	0.22	0.24
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG12	5	0.33	0.22	0.24
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG13	5	0.33	0.22	0.24
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG21	5	0.33	0.22	0.24
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG22	5	0.33	0.22	0.24
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG23	5	0.33	0.22	0.24
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG11	5	0.33	0.22	0.24
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG12	5	0.33	0.22	0.24
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG13	5	0.33	0.22	0.24
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG21	5	0.33	0.22	0.24
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG22	5	0.33	0.22	0.24
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG23	5	0.33	0.22	0.24
(4,4194)	1:112:A:LEU:HA	1:137:A:PHE:HD1	5	0.33	0.16	0.29
(4,4194)	1:112:A:LEU:HA	1:137:A:PHE:HD2	5	0.33	0.16	0.29
(4,4205)	1:155:A:GLU:HB2	1:157:A:PRO:HB3	5	0.32	0.11	0.4
(4,4205)	1:155:A:GLU:HB3	1:157:A:PRO:HB3	5	0.32	0.11	0.4
(4,570)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:HG2	5	0.32	0.05	0.33
(4,570)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:HG3	5	0.32	0.05	0.33
(4,1879)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HB3	5	0.3	0.18	0.26
(4,3517)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG21	5	0.3	0.14	0.28
(4,3517)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG22	5	0.3	0.14	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3517)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG23	5	0.3	0.14	0.28
(4,922)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:HB2	5	0.27	0.17	0.25
(4,922)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:HB3	5	0.27	0.17	0.25
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB2	1:214:A:TYR:HD1	5	0.27	0.16	0.27
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB2	1:214:A:TYR:HD2	5	0.27	0.16	0.27
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB3	1:214:A:TYR:HD1	5	0.27	0.16	0.27
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB3	1:214:A:TYR:HD2	5	0.27	0.16	0.27
(4,2326)	1:30:A:GLU:HG2	1:31:A:TRP:H	5	0.26	0.1	0.3
(4,2744)	1:61:A:ILE:HG13	1:62:A:ASN:H	5	0.25	0.09	0.26
(4,179)	1:223:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:HD1	5	0.25	0.09	0.25
(4,179)	1:223:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:HD2	5	0.25	0.09	0.25
(4,179)	1:223:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:HD1	5	0.25	0.09	0.25
(4,179)	1:223:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:HD2	5	0.25	0.09	0.25
(4,179)	1:223:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:HD1	5	0.25	0.09	0.25
(4,179)	1:223:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:HD2	5	0.25	0.09	0.25
(4,3482)	1:80:A:ILE:HD11	1:127:A:ASN:HB3	5	0.25	0.1	0.22
(4,3482)	1:80:A:ILE:HD12	1:127:A:ASN:HB3	5	0.25	0.1	0.22
(4,3482)	1:80:A:ILE:HD13	1:127:A:ASN:HB3	5	0.25	0.1	0.22
(4,1948)	1:211:A:VAL:HG21	1:214:A:TYR:H	5	0.25	0.14	0.24
(4,1948)	1:211:A:VAL:HG22	1:214:A:TYR:H	5	0.25	0.14	0.24
(4,1948)	1:211:A:VAL:HG23	1:214:A:TYR:H	5	0.25	0.14	0.24
(4,1382)	1:101:A:ASN:H	1:103:A:GLN:H	5	0.24	0.11	0.23
(4,3719)	1:102:A:ASN:H	1:103:A:GLN:HB2	5	0.23	0.08	0.25
(4,3719)	1:102:A:ASN:H	1:103:A:GLN:HB3	5	0.23	0.08	0.25
(4,177)	1:223:A:VAL:HA	1:226:A:PHE:H	5	0.22	0.09	0.19
(4,743)	1:217:A:ASN:HB3	1:218:A:ALA:HB1	5	0.21	0.05	0.2
(4,743)	1:217:A:ASN:HB3	1:218:A:ALA:HB2	5	0.21	0.05	0.2
(4,743)	1:217:A:ASN:HB3	1:218:A:ALA:HB3	5	0.21	0.05	0.2
(3,7)	1:56:A:VAL:H	1:229:A:LEU:O	5	0.19	0.03	0.21
(4,1093)	1:114:A:ASN:HD21	1:115:A:PHE:H	5	0.19	0.05	0.2
(4,1093)	1:114:A:ASN:HD22	1:115:A:PHE:H	5	0.19	0.05	0.2
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HB2	5	0.19	0.04	0.18
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HB3	5	0.19	0.04	0.18
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HB2	5	0.19	0.04	0.18
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HB3	5	0.19	0.04	0.18
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HB2	5	0.19	0.04	0.18
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HB3	5	0.19	0.04	0.18
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HB2	5	0.19	0.04	0.18
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HB3	5	0.19	0.04	0.18
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HB2	5	0.19	0.04	0.18
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HB3	5	0.19	0.04	0.18
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HB2	5	0.19	0.04	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HB3	5	0.19	0.04	0.18
(3,1)	1:173:A:GLU:H	1:176:A:GLY:O	5	0.17	0.05	0.19
(4,3600)	1:195:A:ASP:H	1:196:A:PRO:HA	5	0.17	0.02	0.18
(3,11)	1:54:A:ALA:O	1:231:A:LEU:H	5	0.17	0.02	0.16
(4,3855)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:THR:HG1	5	0.16	0.05	0.15
(4,2129)	1:209:A:VAL:HA	1:212:A:ALA:HA	5	0.16	0.05	0.16
(4,4108)	1:111:A:ASP:H	1:114:A:ASN:H	5	0.15	0.04	0.15
(4,2186)	1:142:A:ILE:HG21	1:143:A:LYS:HA	5	0.13	0.03	0.12
(4,2186)	1:142:A:ILE:HG22	1:143:A:LYS:HA	5	0.13	0.03	0.12
(4,2186)	1:142:A:ILE:HG23	1:143:A:LYS:HA	5	0.13	0.03	0.12
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:H	5	0.12	0.01	0.13
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:H	5	0.12	0.01	0.13
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:H	5	0.12	0.01	0.13
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:H	5	0.12	0.01	0.13
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:H	5	0.12	0.01	0.13
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:H	5	0.12	0.01	0.13
(1,596)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	4	11.85	4.93	13.57
(5,677)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	4	8.11	2.17	8.14
(1,343)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	4	6.58	1.21	6.06
(5,773)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	4	5.46	2.14	4.78
(1,529)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	4	5.25	2.3	5.88
(1,385)	1:5:A:ASN:ND2	1:236:A:GLU:H	4	5.16	2.2	5.52
(1,457)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	4	4.98	1.95	5.82
(1,592)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	4	4.9	4.55	4.3
(1,278)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	4	4.85	1.21	4.33
(1,503)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	4	4.73	2.3	4.67
(1,516)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	4	4.6	1.97	4.42
(1,474)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	4	4.46	3.3	3.59
(5,771)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	4	4.46	1.46	3.83
(4,4280)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:HE1	4	4.33	1.49	4.38
(4,4280)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:HE2	4	4.33	1.49	4.38
(4,4280)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:HE1	4	4.33	1.49	4.38
(4,4280)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:HE2	4	4.33	1.49	4.38
(1,576)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	4	4.25	2.66	2.81
(1,366)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	4	3.74	2.44	3.62
(1,459)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	4	3.66	2.46	3.48
(5,802)	1:5:A:ASN:ND2	1:178:A:PHE:H	4	3.61	1.36	4.01
(1,549)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	4	3.61	1.3	3.12
(1,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	4	3.52	1.84	3.54
(1,460)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	4	3.46	2.39	2.28
(1,486)	1:5:A:ASN:ND2	1:20:A:ASN:H	4	3.43	3.99	1.72
(1,558)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	4	3.34	2.01	3.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	4	3.3	1.75	3.44
(1,380)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	4	3.18	1.73	3.0
(5,738)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	4	3.05	3.25	1.72
(5,687)	1:5:A:ASN:ND2	1:154:A:SER:H	4	3.03	1.66	2.84
(2,636)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	4	3.0	1.17	2.82
(5,676)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	4	2.99	1.73	2.46
(4,28)	1:57:A:LEU:HD11	1:170:A:TYR:HE1	4	2.98	1.96	3.08
(4,28)	1:57:A:LEU:HD11	1:170:A:TYR:HE2	4	2.98	1.96	3.08
(4,28)	1:57:A:LEU:HD12	1:170:A:TYR:HE1	4	2.98	1.96	3.08
(4,28)	1:57:A:LEU:HD12	1:170:A:TYR:HE2	4	2.98	1.96	3.08
(4,28)	1:57:A:LEU:HD13	1:170:A:TYR:HE1	4	2.98	1.96	3.08
(4,28)	1:57:A:LEU:HD13	1:170:A:TYR:HE2	4	2.98	1.96	3.08
(1,422)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	4	2.97	1.22	3.04
(2,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	4	2.76	1.87	2.54
(2,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	4	2.74	1.41	2.74
(5,586)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	4	2.58	1.61	1.81
(5,706)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	4	2.48	1.95	1.89
(1,411)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	4	2.47	1.09	2.06
(1,570)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	4	2.46	1.23	3.0
(5,823)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	4	2.4	1.4	2.26
(1,538)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	4	2.35	1.04	2.24
(2,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	4	2.33	0.76	2.14
(1,597)	1:5:A:ASN:ND2	1:68:A:SER:H	4	2.24	2.13	1.5
(1,323)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	4	2.17	1.47	1.61
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD11	4	2.16	2.57	0.97
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD12	4	2.16	2.57	0.97
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD13	4	2.16	2.57	0.97
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD21	4	2.16	2.57	0.97
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD22	4	2.16	2.57	0.97
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD23	4	2.16	2.57	0.97
(4,3368)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HD1	4	2.15	0.87	2.28
(4,3368)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HD2	4	2.15	0.87	2.28
(4,3734)	1:56:A:VAL:HG11	1:169:A:THR:HG1	4	2.0	0.68	1.82
(4,3734)	1:56:A:VAL:HG12	1:169:A:THR:HG1	4	2.0	0.68	1.82
(4,3734)	1:56:A:VAL:HG13	1:169:A:THR:HG1	4	2.0	0.68	1.82
(1,214)	1:155:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	4	1.99	2.3	0.89
(1,414)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	4	1.97	1.13	2.33
(5,777)	1:5:A:ASN:ND2	1:180:A:LEU:H	4	1.96	1.86	1.72
(4,1300)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD11	4	1.93	1.24	1.9
(4,1300)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD12	4	1.93	1.24	1.9
(4,1300)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD13	4	1.93	1.24	1.9
(4,4294)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:HD22	4	1.84	1.43	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD11	4	1.71	1.12	1.68
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD12	4	1.71	1.12	1.68
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD13	4	1.71	1.12	1.68
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD21	4	1.71	1.12	1.68
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD22	4	1.71	1.12	1.68
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD23	4	1.71	1.12	1.68
(1,449)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	4	1.69	1.1	1.64
(4,202)	1:79:A:VAL:HG21	1:81:A:TRP:H	4	1.62	0.12	1.6
(4,202)	1:79:A:VAL:HG22	1:81:A:TRP:H	4	1.62	0.12	1.6
(4,202)	1:79:A:VAL:HG23	1:81:A:TRP:H	4	1.62	0.12	1.6
(1,444)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	4	1.61	0.99	1.73
(4,4137)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HD1	4	1.61	0.7	1.62
(4,4137)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HD2	4	1.61	0.7	1.62
(4,4137)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HD1	4	1.61	0.7	1.62
(4,4137)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HD2	4	1.61	0.7	1.62
(4,4137)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HD1	4	1.61	0.7	1.62
(4,4137)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HD2	4	1.61	0.7	1.62
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD11	4	1.6	1.24	1.08
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD12	4	1.6	1.24	1.08
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD13	4	1.6	1.24	1.08
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD21	4	1.6	1.24	1.08
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD22	4	1.6	1.24	1.08
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD23	4	1.6	1.24	1.08
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD11	4	1.6	1.24	1.08
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD12	4	1.6	1.24	1.08
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD13	4	1.6	1.24	1.08
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD21	4	1.6	1.24	1.08
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD22	4	1.6	1.24	1.08
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD23	4	1.6	1.24	1.08
(4,677)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD11	4	1.55	0.64	1.8
(4,677)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD12	4	1.55	0.64	1.8
(4,677)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD13	4	1.55	0.64	1.8
(4,677)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD11	4	1.55	0.64	1.8
(4,677)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD12	4	1.55	0.64	1.8
(4,677)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD13	4	1.55	0.64	1.8
(4,677)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD11	4	1.55	0.64	1.8
(4,677)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD12	4	1.55	0.64	1.8
(4,677)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD13	4	1.55	0.64	1.8
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD11	4	1.52	0.49	1.58
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD12	4	1.52	0.49	1.58
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD13	4	1.52	0.49	1.58
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD21	4	1.52	0.49	1.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD22	4	1.52	0.49	1.58
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD23	4	1.52	0.49	1.58
(4,3216)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD11	4	1.52	0.67	1.68
(4,3216)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD12	4	1.52	0.67	1.68
(4,3216)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD13	4	1.52	0.67	1.68
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD11	4	1.51	0.65	1.56
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD12	4	1.51	0.65	1.56
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD13	4	1.51	0.65	1.56
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD21	4	1.51	0.65	1.56
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD22	4	1.51	0.65	1.56
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD23	4	1.51	0.65	1.56
(1,166)	1:210:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	4	1.44	0.74	1.28
(4,4003)	1:172:A:GLU:HB3	1:177:A:ILE:HD11	4	1.41	0.54	1.38
(4,4003)	1:172:A:GLU:HB3	1:177:A:ILE:HD12	4	1.41	0.54	1.38
(4,4003)	1:172:A:GLU:HB3	1:177:A:ILE:HD13	4	1.41	0.54	1.38
(1,320)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	4	1.39	1.14	0.89
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HE1	4	1.38	0.71	1.52
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HE2	4	1.38	0.71	1.52
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HE1	4	1.38	0.71	1.52
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HE2	4	1.38	0.71	1.52
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HE1	4	1.38	0.71	1.52
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HE2	4	1.38	0.71	1.52
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HB2	4	1.29	0.37	1.38
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HB3	4	1.29	0.37	1.38
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HB2	4	1.29	0.37	1.38
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HB3	4	1.29	0.37	1.38
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HB2	4	1.29	0.37	1.38
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HB3	4	1.29	0.37	1.38
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HB2	4	1.29	0.37	1.38
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HB3	4	1.29	0.37	1.38
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HB2	4	1.29	0.37	1.38
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HB3	4	1.29	0.37	1.38
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HB2	4	1.29	0.37	1.38
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HB3	4	1.29	0.37	1.38
(4,80)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:CD2	4	1.25	0.65	1.16
(4,80)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:CD2	4	1.25	0.65	1.16
(4,80)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:CD2	4	1.25	0.65	1.16
(4,80)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:CD2	4	1.25	0.65	1.16
(4,80)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:CD2	4	1.25	0.65	1.16
(4,80)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:CD2	4	1.25	0.65	1.16
(4,3525)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG11	4	1.22	0.37	1.25
(4,3525)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG12	4	1.22	0.37	1.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3525)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG13	4	1.22	0.37	1.25
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD11	1:39:A:LEU:HB2	4	1.2	0.57	1.12
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD11	1:39:A:LEU:HB3	4	1.2	0.57	1.12
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD12	1:39:A:LEU:HB2	4	1.2	0.57	1.12
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD12	1:39:A:LEU:HB3	4	1.2	0.57	1.12
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD13	1:39:A:LEU:HB2	4	1.2	0.57	1.12
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD13	1:39:A:LEU:HB3	4	1.2	0.57	1.12
(4,4072)	1:11:A:ILE:HG21	1:13:A:SER:H	4	1.19	0.73	1.22
(4,4072)	1:11:A:ILE:HG22	1:13:A:SER:H	4	1.19	0.73	1.22
(4,4072)	1:11:A:ILE:HG23	1:13:A:SER:H	4	1.19	0.73	1.22
(4,1565)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:HD21	4	1.15	0.88	1.15
(4,1565)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:HD21	4	1.15	0.88	1.15
(5,327)	1:151:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	4	1.12	0.66	1.14
(1,170)	1:86:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	4	1.12	0.47	1.14
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD11	4	1.11	0.56	1.1
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD12	4	1.11	0.56	1.1
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD13	4	1.11	0.56	1.1
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD21	4	1.11	0.56	1.1
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD22	4	1.11	0.56	1.1
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD23	4	1.11	0.56	1.1
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD11	4	1.11	0.56	1.1
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD12	4	1.11	0.56	1.1
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD13	4	1.11	0.56	1.1
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD21	4	1.11	0.56	1.1
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD22	4	1.11	0.56	1.1
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD23	4	1.11	0.56	1.1
(4,714)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:HD1	4	1.08	0.18	1.14
(4,714)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:HD2	4	1.08	0.18	1.14
(4,714)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:HD1	4	1.08	0.18	1.14
(4,714)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:HD2	4	1.08	0.18	1.14
(4,714)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:HD1	4	1.08	0.18	1.14
(4,714)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:HD2	4	1.08	0.18	1.14
(4,319)	1:21:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD11	4	1.08	0.36	1.16
(4,319)	1:21:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD12	4	1.08	0.36	1.16
(4,319)	1:21:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD13	4	1.08	0.36	1.16
(1,555)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	4	1.08	0.7	0.83
(4,3471)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD21	4	1.08	0.45	1.06
(4,3471)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD22	4	1.08	0.45	1.06
(4,3471)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD23	4	1.08	0.45	1.06
(4,1153)	1:81:A:TRP:HZ3	1:82:A:PHE:H	4	1.06	0.98	0.7
(4,969)	1:56:A:VAL:HG21	1:169:A:THR:H	4	1.06	0.56	1.25
(4,969)	1:56:A:VAL:HG22	1:169:A:THR:H	4	1.06	0.56	1.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,969)	1:56:A:VAL:HG23	1:169:A:THR:H	4	1.06	0.56	1.25
(4,2784)	1:74:A:THR:HG21	1:76:A:SER:H	4	1.06	0.67	1.04
(4,2784)	1:74:A:THR:HG22	1:76:A:SER:H	4	1.06	0.67	1.04
(4,2784)	1:74:A:THR:HG23	1:76:A:SER:H	4	1.06	0.67	1.04
(1,122)	1:154:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	4	1.05	0.88	0.72
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD11	4	1.02	0.51	1.27
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD12	4	1.02	0.51	1.27
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD13	4	1.02	0.51	1.27
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD21	4	1.02	0.51	1.27
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD22	4	1.02	0.51	1.27
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD23	4	1.02	0.51	1.27
(4,3737)	1:36:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HB2	4	1.0	0.41	0.91
(4,3737)	1:36:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HB2	4	1.0	0.41	0.91
(4,3737)	1:36:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HB2	4	1.0	0.41	0.91
(1,382)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	4	0.98	0.62	0.99
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD11	1:199:A:THR:HG21	4	0.98	0.54	1.01
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD11	1:199:A:THR:HG22	4	0.98	0.54	1.01
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD11	1:199:A:THR:HG23	4	0.98	0.54	1.01
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD12	1:199:A:THR:HG21	4	0.98	0.54	1.01
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD12	1:199:A:THR:HG22	4	0.98	0.54	1.01
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD12	1:199:A:THR:HG23	4	0.98	0.54	1.01
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD13	1:199:A:THR:HG21	4	0.98	0.54	1.01
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD13	1:199:A:THR:HG22	4	0.98	0.54	1.01
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD13	1:199:A:THR:HG23	4	0.98	0.54	1.01
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD21	1:199:A:THR:HG21	4	0.98	0.54	1.01
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD21	1:199:A:THR:HG22	4	0.98	0.54	1.01
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD21	1:199:A:THR:HG23	4	0.98	0.54	1.01
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD22	1:199:A:THR:HG21	4	0.98	0.54	1.01
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD22	1:199:A:THR:HG22	4	0.98	0.54	1.01
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD22	1:199:A:THR:HG23	4	0.98	0.54	1.01
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD23	1:199:A:THR:HG21	4	0.98	0.54	1.01
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD23	1:199:A:THR:HG22	4	0.98	0.54	1.01
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD23	1:199:A:THR:HG23	4	0.98	0.54	1.01
(4,2327)	1:36:A:ILE:CD1	1:55:A:ILE:HD11	4	0.98	0.51	1.12
(4,2327)	1:36:A:ILE:CD1	1:55:A:ILE:HD12	4	0.98	0.51	1.12
(4,2327)	1:36:A:ILE:CD1	1:55:A:ILE:HD13	4	0.98	0.51	1.12
(4,455)	1:86:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	4	0.97	0.16	0.94
(4,455)	1:86:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	4	0.97	0.16	0.94
(4,455)	1:86:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	4	0.97	0.16	0.94
(4,455)	1:86:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	4	0.97	0.16	0.94
(4,455)	1:86:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	4	0.97	0.16	0.94
(4,455)	1:86:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	4	0.97	0.16	0.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,455)	1:86:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	4	0.97	0.16	0.94
(4,455)	1:86:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	4	0.97	0.16	0.94
(4,455)	1:86:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	4	0.97	0.16	0.94
(4,455)	1:86:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	4	0.97	0.16	0.94
(4,455)	1:86:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	4	0.97	0.16	0.94
(4,455)	1:86:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	4	0.97	0.16	0.94
(4,2346)	1:74:A:THR:HB	1:76:A:SER:H	4	0.96	0.28	0.99
(4,640)	1:75:A:SER:H	1:76:A:SER:H	4	0.96	0.11	0.91
(4,2752)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD21	4	0.94	0.2	0.9
(4,2752)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD22	4	0.94	0.2	0.9
(4,2752)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD23	4	0.94	0.2	0.9
(4,756)	1:80:A:ILE:HG21	1:127:A:ASN:HD21	4	0.93	0.61	0.9
(4,756)	1:80:A:ILE:HG22	1:127:A:ASN:HD21	4	0.93	0.61	0.9
(4,756)	1:80:A:ILE:HG23	1:127:A:ASN:HD21	4	0.93	0.61	0.9
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD11	4	0.9	0.32	1.0
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD12	4	0.9	0.32	1.0
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD13	4	0.9	0.32	1.0
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD21	4	0.9	0.32	1.0
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD22	4	0.9	0.32	1.0
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD23	4	0.9	0.32	1.0
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD11	4	0.9	0.32	1.0
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD12	4	0.9	0.32	1.0
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD13	4	0.9	0.32	1.0
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD21	4	0.9	0.32	1.0
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD22	4	0.9	0.32	1.0
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD23	4	0.9	0.32	1.0
(4,2130)	1:92:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG11	4	0.9	0.64	0.7
(4,2130)	1:92:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG12	4	0.9	0.64	0.7
(4,2130)	1:92:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG13	4	0.9	0.64	0.7
(4,1297)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:H	4	0.89	0.16	0.94
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG11	4	0.88	0.34	0.92
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG12	4	0.88	0.34	0.92
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG13	4	0.88	0.34	0.92
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG11	4	0.88	0.34	0.92
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG12	4	0.88	0.34	0.92
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG13	4	0.88	0.34	0.92
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD21	4	0.87	0.67	0.64
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD22	4	0.87	0.67	0.64
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD23	4	0.87	0.67	0.64
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD21	4	0.87	0.67	0.64
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD22	4	0.87	0.67	0.64
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD23	4	0.87	0.67	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD21	4	0.87	0.67	0.64
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD22	4	0.87	0.67	0.64
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD23	4	0.87	0.67	0.64
(2,362)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	4	0.85	0.66	0.53
(4,646)	1:90:A:CYS:H	1:93:A:TYR:HD1	4	0.85	0.38	0.85
(4,646)	1:90:A:CYS:H	1:93:A:TYR:HD2	4	0.85	0.38	0.85
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG21	1:101:A:ASN:HD21	4	0.84	0.54	0.84
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG21	1:101:A:ASN:HD22	4	0.84	0.54	0.84
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG22	1:101:A:ASN:HD21	4	0.84	0.54	0.84
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG22	1:101:A:ASN:HD22	4	0.84	0.54	0.84
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG23	1:101:A:ASN:HD21	4	0.84	0.54	0.84
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG23	1:101:A:ASN:HD22	4	0.84	0.54	0.84
(4,3349)	1:27:A:LEU:HD21	1:32:A:ALA:H	4	0.81	0.37	0.84
(4,3349)	1:27:A:LEU:HD22	1:32:A:ALA:H	4	0.81	0.37	0.84
(4,3349)	1:27:A:LEU:HD23	1:32:A:ALA:H	4	0.81	0.37	0.84
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG21	4	0.79	0.48	0.9
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG22	4	0.79	0.48	0.9
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG23	4	0.79	0.48	0.9
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG21	4	0.79	0.48	0.9
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG22	4	0.79	0.48	0.9
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG23	4	0.79	0.48	0.9
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG11	4	0.77	0.41	0.84
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG12	4	0.77	0.41	0.84
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG13	4	0.77	0.41	0.84
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG21	4	0.77	0.41	0.84
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG22	4	0.77	0.41	0.84
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG23	4	0.77	0.41	0.84
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD11	4	0.75	0.23	0.84
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD12	4	0.75	0.23	0.84
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD13	4	0.75	0.23	0.84
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD21	4	0.75	0.23	0.84
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD22	4	0.75	0.23	0.84
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD23	4	0.75	0.23	0.84
(4,3332)	1:55:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HD1	4	0.75	0.26	0.71
(4,3332)	1:55:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HD2	4	0.75	0.26	0.71
(4,1473)	1:195:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE22	4	0.72	0.34	0.73
(4,1750)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:H	4	0.7	0.32	0.74
(4,1750)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:H	4	0.7	0.32	0.74
(4,1750)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:H	4	0.7	0.32	0.74
(4,1600)	1:225:A:ASN:H	1:226:A:PHE:HB2	4	0.7	0.32	0.82
(4,2018)	1:98:A:SER:H	1:169:A:THR:HG1	4	0.68	0.2	0.71
(4,2390)	1:56:A:VAL:HA	1:168:A:ILE:HG21	4	0.67	0.27	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2390)	1:56:A:VAL:HA	1:168:A:ILE:HG22	4	0.67	0.27	0.76
(4,2390)	1:56:A:VAL:HA	1:168:A:ILE:HG23	4	0.67	0.27	0.76
(4,3436)	1:94:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HG12	4	0.67	0.3	0.66
(4,3436)	1:94:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HG13	4	0.67	0.3	0.66
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:HE21	4	0.67	0.26	0.74
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:HE22	4	0.67	0.26	0.74
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:HE21	4	0.67	0.26	0.74
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:HE22	4	0.67	0.26	0.74
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:HE21	4	0.67	0.26	0.74
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:HE22	4	0.67	0.26	0.74
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD11	4	0.66	0.52	0.56
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD12	4	0.66	0.52	0.56
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD13	4	0.66	0.52	0.56
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD21	4	0.66	0.52	0.56
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD22	4	0.66	0.52	0.56
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD23	4	0.66	0.52	0.56
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD11	4	0.66	0.52	0.56
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD12	4	0.66	0.52	0.56
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD13	4	0.66	0.52	0.56
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD21	4	0.66	0.52	0.56
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD22	4	0.66	0.52	0.56
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD23	4	0.66	0.52	0.56
(4,1766)	1:86:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	4	0.66	0.47	0.6
(4,1766)	1:86:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	4	0.66	0.47	0.6
(4,1766)	1:86:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	4	0.66	0.47	0.6
(4,1823)	1:181:A:ASP:HB2	1:189:A:LEU:HB2	4	0.65	0.51	0.38
(4,1823)	1:181:A:ASP:HB2	1:189:A:LEU:HB3	4	0.65	0.51	0.38
(4,1823)	1:181:A:ASP:HB3	1:189:A:LEU:HB2	4	0.65	0.51	0.38
(4,1823)	1:181:A:ASP:HB3	1:189:A:LEU:HB3	4	0.65	0.51	0.38
(2,342)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	4	0.64	0.36	0.66
(1,48)	1:26:A:GLY:H	1:104:A:SER:OG	4	0.64	0.12	0.66
(4,3767)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD21	4	0.64	0.32	0.77
(4,1448)	1:54:A:ALA:H	1:102:A:ASN:HD21	4	0.63	0.6	0.38
(4,1448)	1:54:A:ALA:H	1:102:A:ASN:HD22	4	0.63	0.6	0.38
(4,3597)	1:224:A:LEU:HB2	1:225:A:ASN:HD21	4	0.62	0.27	0.74
(4,3597)	1:224:A:LEU:HB2	1:225:A:ASN:HD22	4	0.62	0.27	0.74
(4,3597)	1:224:A:LEU:HB3	1:225:A:ASN:HD21	4	0.62	0.27	0.74
(4,3597)	1:224:A:LEU:HB3	1:225:A:ASN:HD22	4	0.62	0.27	0.74
(4,2104)	1:79:A:VAL:HG11	1:188:A:PRO:HB2	4	0.62	0.28	0.58
(4,2104)	1:79:A:VAL:HG12	1:188:A:PRO:HB2	4	0.62	0.28	0.58
(4,2104)	1:79:A:VAL:HG13	1:188:A:PRO:HB2	4	0.62	0.28	0.58
(4,1976)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD21	4	0.62	0.16	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1976)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD22	4	0.62	0.16	0.6
(4,1976)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD23	4	0.62	0.16	0.6
(4,3901)	1:112:A:LEU:HD11	1:116:A:LEU:H	4	0.61	0.17	0.55
(4,3901)	1:112:A:LEU:HD12	1:116:A:LEU:H	4	0.61	0.17	0.55
(4,3901)	1:112:A:LEU:HD13	1:116:A:LEU:H	4	0.61	0.17	0.55
(4,2035)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:H	4	0.61	0.32	0.59
(4,2035)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:H	4	0.61	0.32	0.59
(4,2035)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:H	4	0.61	0.32	0.59
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD11	4	0.61	0.29	0.47
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD12	4	0.61	0.29	0.47
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD13	4	0.61	0.29	0.47
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD21	4	0.61	0.29	0.47
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD22	4	0.61	0.29	0.47
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD23	4	0.61	0.29	0.47
(4,3371)	1:34:A:PHE:H	1:34:A:PHE:HE1	4	0.6	0.33	0.66
(4,3371)	1:34:A:PHE:H	1:34:A:PHE:HE2	4	0.6	0.33	0.66
(4,3949)	1:140:A:ASN:H	1:143:A:LYS:HB2	4	0.6	0.14	0.63
(4,3949)	1:140:A:ASN:H	1:143:A:LYS:HB3	4	0.6	0.14	0.63
(3,15)	1:169:A:THR:O	1:180:A:LEU:H	4	0.6	0.28	0.76
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD21	4	0.59	0.21	0.55
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD22	4	0.59	0.21	0.55
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD23	4	0.59	0.21	0.55
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD21	4	0.59	0.21	0.55
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD22	4	0.59	0.21	0.55
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD23	4	0.59	0.21	0.55
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD21	4	0.59	0.21	0.55
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD22	4	0.59	0.21	0.55
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD23	4	0.59	0.21	0.55
(4,4209)	1:101:A:ASN:H	1:102:A:ASN:HD21	4	0.58	0.09	0.57
(4,4209)	1:101:A:ASN:H	1:102:A:ASN:HD22	4	0.58	0.09	0.57
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD11	4	0.58	0.5	0.34
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD12	4	0.58	0.5	0.34
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD13	4	0.58	0.5	0.34
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD21	4	0.58	0.5	0.34
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD22	4	0.58	0.5	0.34
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD23	4	0.58	0.5	0.34
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG11	4	0.58	0.19	0.58
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG12	4	0.58	0.19	0.58
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG13	4	0.58	0.19	0.58
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG21	4	0.58	0.19	0.58
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG22	4	0.58	0.19	0.58
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG23	4	0.58	0.19	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG11	4	0.58	0.19	0.58
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG12	4	0.58	0.19	0.58
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG13	4	0.58	0.19	0.58
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG21	4	0.58	0.19	0.58
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG22	4	0.58	0.19	0.58
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG23	4	0.58	0.19	0.58
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG11	4	0.58	0.19	0.58
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG12	4	0.58	0.19	0.58
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG13	4	0.58	0.19	0.58
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG21	4	0.58	0.19	0.58
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG22	4	0.58	0.19	0.58
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG23	4	0.58	0.19	0.58
(4,2242)	1:52:A:VAL:HB	1:55:A:ILE:HD11	4	0.56	0.14	0.52
(4,2242)	1:52:A:VAL:HB	1:55:A:ILE:HD12	4	0.56	0.14	0.52
(4,2242)	1:52:A:VAL:HB	1:55:A:ILE:HD13	4	0.56	0.14	0.52
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD11	4	0.56	0.36	0.58
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD12	4	0.56	0.36	0.58
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD13	4	0.56	0.36	0.58
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD11	4	0.56	0.36	0.58
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD12	4	0.56	0.36	0.58
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD13	4	0.56	0.36	0.58
(4,2548)	1:94:A:ALA:HB1	1:169:A:THR:HG1	4	0.54	0.39	0.4
(4,2548)	1:94:A:ALA:HB2	1:169:A:THR:HG1	4	0.54	0.39	0.4
(4,2548)	1:94:A:ALA:HB3	1:169:A:THR:HG1	4	0.54	0.39	0.4
(4,3187)	1:148:A:THR:HG21	1:150:A:SER:H	4	0.54	0.46	0.36
(4,3187)	1:148:A:THR:HG22	1:150:A:SER:H	4	0.54	0.46	0.36
(4,3187)	1:148:A:THR:HG23	1:150:A:SER:H	4	0.54	0.46	0.36
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD11	4	0.54	0.29	0.45
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD12	4	0.54	0.29	0.45
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD13	4	0.54	0.29	0.45
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD21	4	0.54	0.29	0.45
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD22	4	0.54	0.29	0.45
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD23	4	0.54	0.29	0.45
(4,3777)	1:178:A:PHE:HD1	1:191:A:LEU:H	4	0.52	0.24	0.62
(4,3777)	1:178:A:PHE:HD2	1:191:A:LEU:H	4	0.52	0.24	0.62
(4,2664)	1:167:A:TYR:H	1:168:A:ILE:HD11	4	0.51	0.29	0.46
(4,2664)	1:167:A:TYR:H	1:168:A:ILE:HD12	4	0.51	0.29	0.46
(4,2664)	1:167:A:TYR:H	1:168:A:ILE:HD13	4	0.51	0.29	0.46
(4,3674)	1:94:A:ALA:HA	1:97:A:HIS:HD1	4	0.51	0.3	0.48
(4,635)	1:211:A:VAL:HG11	1:215:A:MET:H	4	0.5	0.27	0.51
(4,635)	1:211:A:VAL:HG12	1:215:A:MET:H	4	0.5	0.27	0.51
(4,635)	1:211:A:VAL:HG13	1:215:A:MET:H	4	0.5	0.27	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3352)	1:95:A:ILE:HA	1:97:A:HIS:HB2	4	0.5	0.35	0.32
(4,3352)	1:95:A:ILE:HA	1:97:A:HIS:HB3	4	0.5	0.35	0.32
(4,4243)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG11	4	0.5	0.13	0.55
(4,4243)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG12	4	0.5	0.13	0.55
(4,4243)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG13	4	0.5	0.13	0.55
(4,376)	1:170:A:TYR:H	1:170:A:TYR:HD1	4	0.5	0.05	0.5
(4,376)	1:170:A:TYR:H	1:170:A:TYR:HD2	4	0.5	0.05	0.5
(4,2967)	1:209:A:VAL:HA	1:213:A:SER:HB2	4	0.48	0.08	0.47
(4,2967)	1:209:A:VAL:HA	1:213:A:SER:HB3	4	0.48	0.08	0.47
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD11	1:111:A:ASP:H	4	0.47	0.09	0.48
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD12	1:111:A:ASP:H	4	0.47	0.09	0.48
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD13	1:111:A:ASP:H	4	0.47	0.09	0.48
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD21	1:111:A:ASP:H	4	0.47	0.09	0.48
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD22	1:111:A:ASP:H	4	0.47	0.09	0.48
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD23	1:111:A:ASP:H	4	0.47	0.09	0.48
(4,2266)	1:214:A:TYR:HA	1:217:A:ASN:HD21	4	0.47	0.07	0.49
(4,2878)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:H	4	0.46	0.31	0.41
(4,2878)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:H	4	0.46	0.31	0.41
(4,1103)	1:54:A:ALA:HA	1:201:A:LEU:HD21	4	0.46	0.15	0.45
(4,1103)	1:54:A:ALA:HA	1:201:A:LEU:HD22	4	0.46	0.15	0.45
(4,1103)	1:54:A:ALA:HA	1:201:A:LEU:HD23	4	0.46	0.15	0.45
(4,100)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:HB2	4	0.45	0.16	0.44
(4,100)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:HB3	4	0.45	0.16	0.44
(4,100)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:HB2	4	0.45	0.16	0.44
(4,100)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:HB3	4	0.45	0.16	0.44
(4,100)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:HB2	4	0.45	0.16	0.44
(4,100)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:HB3	4	0.45	0.16	0.44
(4,100)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:HB2	4	0.45	0.16	0.44
(4,100)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:HB3	4	0.45	0.16	0.44
(4,100)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:HB2	4	0.45	0.16	0.44
(4,100)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:HB3	4	0.45	0.16	0.44
(4,100)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:HB2	4	0.45	0.16	0.44
(4,100)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:HB3	4	0.45	0.16	0.44
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD11	4	0.45	0.22	0.43
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD12	4	0.45	0.22	0.43
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD13	4	0.45	0.22	0.43
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD21	4	0.45	0.22	0.43
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD22	4	0.45	0.22	0.43
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD23	4	0.45	0.22	0.43
(4,4278)	1:66:A:LYS:HB2	1:217:A:ASN:HB2	4	0.45	0.15	0.38
(4,4278)	1:66:A:LYS:HB2	1:217:A:ASN:HB3	4	0.45	0.15	0.38
(4,4278)	1:66:A:LYS:HB3	1:217:A:ASN:HB2	4	0.45	0.15	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,4278)	1:66:A:LYS:HB3	1:217:A:ASN:HB3	4	0.45	0.15	0.38
(4,891)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:HB	4	0.44	0.36	0.32
(4,891)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:HB	4	0.44	0.36	0.32
(4,891)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:HB	4	0.44	0.36	0.32
(4,891)	1:206:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:HB	4	0.44	0.36	0.32
(4,891)	1:206:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:HB	4	0.44	0.36	0.32
(4,891)	1:206:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:HB	4	0.44	0.36	0.32
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD11	4	0.44	0.09	0.48
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD12	4	0.44	0.09	0.48
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD13	4	0.44	0.09	0.48
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD21	4	0.44	0.09	0.48
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD22	4	0.44	0.09	0.48
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD23	4	0.44	0.09	0.48
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG11	1:141:A:VAL:HB	4	0.44	0.22	0.43
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG12	1:141:A:VAL:HB	4	0.44	0.22	0.43
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG13	1:141:A:VAL:HB	4	0.44	0.22	0.43
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG21	1:141:A:VAL:HB	4	0.44	0.22	0.43
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG22	1:141:A:VAL:HB	4	0.44	0.22	0.43
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG23	1:141:A:VAL:HB	4	0.44	0.22	0.43
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG11	4	0.44	0.22	0.43
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG12	4	0.44	0.22	0.43
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG13	4	0.44	0.22	0.43
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG21	4	0.44	0.22	0.43
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG22	4	0.44	0.22	0.43
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG23	4	0.44	0.22	0.43
(4,3443)	1:76:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD1	4	0.43	0.35	0.28
(4,3443)	1:76:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD2	4	0.43	0.35	0.28
(4,3443)	1:76:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD1	4	0.43	0.35	0.28
(4,3443)	1:76:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD2	4	0.43	0.35	0.28
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD11	4	0.43	0.26	0.3
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD12	4	0.43	0.26	0.3
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD13	4	0.43	0.26	0.3
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD21	4	0.43	0.26	0.3
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD22	4	0.43	0.26	0.3
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD23	4	0.43	0.26	0.3
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB2	1:207:A:VAL:HG21	4	0.42	0.34	0.3
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB2	1:207:A:VAL:HG22	4	0.42	0.34	0.3
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB2	1:207:A:VAL:HG23	4	0.42	0.34	0.3
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB3	1:207:A:VAL:HG21	4	0.42	0.34	0.3
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB3	1:207:A:VAL:HG22	4	0.42	0.34	0.3
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB3	1:207:A:VAL:HG23	4	0.42	0.34	0.3
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:HB2	4	0.42	0.27	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:HB3	4	0.42	0.27	0.33
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:HB2	4	0.42	0.27	0.33
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:HB3	4	0.42	0.27	0.33
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:HB2	4	0.42	0.27	0.33
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:HB3	4	0.42	0.27	0.33
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:HB2	4	0.42	0.27	0.33
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:HB3	4	0.42	0.27	0.33
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:HB2	4	0.42	0.27	0.33
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:HB3	4	0.42	0.27	0.33
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:HB2	4	0.42	0.27	0.33
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:HB3	4	0.42	0.27	0.33
(4,4131)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG21	4	0.42	0.16	0.4
(4,4131)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG22	4	0.42	0.16	0.4
(4,4131)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG23	4	0.42	0.16	0.4
(4,38)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HG3	4	0.41	0.2	0.36
(4,38)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HG3	4	0.41	0.2	0.36
(4,38)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HG3	4	0.41	0.2	0.36
(4,1522)	1:218:A:ALA:HB1	1:223:A:VAL:HB	4	0.4	0.12	0.4
(4,1522)	1:218:A:ALA:HB2	1:223:A:VAL:HB	4	0.4	0.12	0.4
(4,1522)	1:218:A:ALA:HB3	1:223:A:VAL:HB	4	0.4	0.12	0.4
(4,1099)	1:45:A:LEU:HG	1:202:A:ILE:HB	4	0.38	0.14	0.4
(4,171)	1:50:A:ARG:H	1:50:A:ARG:HD3	4	0.38	0.21	0.28
(4,4182)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG11	4	0.38	0.07	0.38
(4,4182)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG12	4	0.38	0.07	0.38
(4,4182)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG13	4	0.38	0.07	0.38
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD11	4	0.36	0.1	0.4
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD12	4	0.36	0.1	0.4
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD13	4	0.36	0.1	0.4
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD21	4	0.36	0.1	0.4
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD22	4	0.36	0.1	0.4
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD23	4	0.36	0.1	0.4
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD11	4	0.36	0.24	0.26
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD12	4	0.36	0.24	0.26
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD13	4	0.36	0.24	0.26
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD21	4	0.36	0.24	0.26
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD22	4	0.36	0.24	0.26
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD23	4	0.36	0.24	0.26
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB1	1:169:A:THR:HG21	4	0.36	0.1	0.36
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB1	1:169:A:THR:HG22	4	0.36	0.1	0.36
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB1	1:169:A:THR:HG23	4	0.36	0.1	0.36
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB2	1:169:A:THR:HG21	4	0.36	0.1	0.36
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB2	1:169:A:THR:HG22	4	0.36	0.1	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB2	1:169:A:THR:HG23	4	0.36	0.1	0.36
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB3	1:169:A:THR:HG21	4	0.36	0.1	0.36
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB3	1:169:A:THR:HG22	4	0.36	0.1	0.36
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB3	1:169:A:THR:HG23	4	0.36	0.1	0.36
(4,924)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HG21	4	0.34	0.13	0.32
(4,924)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HG22	4	0.34	0.13	0.32
(4,924)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HG23	4	0.34	0.13	0.32
(4,924)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HG21	4	0.34	0.13	0.32
(4,924)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HG22	4	0.34	0.13	0.32
(4,924)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HG23	4	0.34	0.13	0.32
(4,443)	1:20:A:ASN:HB2	1:23:A:HIS:H	4	0.32	0.1	0.31
(4,443)	1:20:A:ASN:HB3	1:23:A:HIS:H	4	0.32	0.1	0.31
(4,228)	1:112:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:HA	4	0.31	0.19	0.22
(4,228)	1:112:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:HA	4	0.31	0.19	0.22
(4,228)	1:112:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:HA	4	0.31	0.19	0.22
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB2	1:218:A:ALA:HB1	4	0.31	0.11	0.26
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB2	1:218:A:ALA:HB2	4	0.31	0.11	0.26
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB2	1:218:A:ALA:HB3	4	0.31	0.11	0.26
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB3	1:218:A:ALA:HB1	4	0.31	0.11	0.26
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB3	1:218:A:ALA:HB2	4	0.31	0.11	0.26
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB3	1:218:A:ALA:HB3	4	0.31	0.11	0.26
(4,76)	1:31:A:TRP:HB2	1:234:A:ASN:H	4	0.3	0.07	0.3
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD11	4	0.29	0.14	0.27
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD12	4	0.29	0.14	0.27
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD13	4	0.29	0.14	0.27
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD21	4	0.29	0.14	0.27
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD22	4	0.29	0.14	0.27
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD23	4	0.29	0.14	0.27
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD11	4	0.29	0.14	0.27
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD12	4	0.29	0.14	0.27
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD13	4	0.29	0.14	0.27
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD21	4	0.29	0.14	0.27
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD22	4	0.29	0.14	0.27
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD23	4	0.29	0.14	0.27
(4,2977)	1:40:A:THR:H	1:41:A:GLU:HG2	4	0.29	0.16	0.23
(4,2977)	1:40:A:THR:H	1:41:A:GLU:HG3	4	0.29	0.16	0.23
(4,655)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HB2	4	0.29	0.07	0.29
(4,655)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HB3	4	0.29	0.07	0.29
(4,2415)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:HD11	4	0.28	0.08	0.28
(4,2415)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:HD12	4	0.28	0.08	0.28
(4,2415)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:HD13	4	0.28	0.08	0.28
(4,1073)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HB	4	0.26	0.16	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1611)	1:136:A:GLN:H	1:136:A:GLN:HE21	4	0.26	0.06	0.24
(4,1611)	1:136:A:GLN:H	1:136:A:GLN:HE22	4	0.26	0.06	0.24
(4,4109)	1:7:A:ALA:HB1	1:9:A:VAL:H	4	0.26	0.07	0.29
(4,4109)	1:7:A:ALA:HB2	1:9:A:VAL:H	4	0.26	0.07	0.29
(4,4109)	1:7:A:ALA:HB3	1:9:A:VAL:H	4	0.26	0.07	0.29
(4,2028)	1:41:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HG	4	0.24	0.1	0.25
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB2	1:142:A:ILE:HG21	4	0.24	0.1	0.21
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB2	1:142:A:ILE:HG22	4	0.24	0.1	0.21
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB2	1:142:A:ILE:HG23	4	0.24	0.1	0.21
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:ILE:HG21	4	0.24	0.1	0.21
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:ILE:HG22	4	0.24	0.1	0.21
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:ILE:HG23	4	0.24	0.1	0.21
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG11	4	0.22	0.09	0.22
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG12	4	0.22	0.09	0.22
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG13	4	0.22	0.09	0.22
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG21	4	0.22	0.09	0.22
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG22	4	0.22	0.09	0.22
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG23	4	0.22	0.09	0.22
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG11	4	0.22	0.09	0.22
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG12	4	0.22	0.09	0.22
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG13	4	0.22	0.09	0.22
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG21	4	0.22	0.09	0.22
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG22	4	0.22	0.09	0.22
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG23	4	0.22	0.09	0.22
(4,1698)	1:135:A:ASP:HB2	1:139:A:LEU:H	4	0.21	0.07	0.21
(4,1698)	1:135:A:ASP:HB3	1:139:A:LEU:H	4	0.21	0.07	0.21
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG11	1:228:A:MET:HB2	4	0.21	0.06	0.2
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG11	1:228:A:MET:HB3	4	0.21	0.06	0.2
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG12	1:228:A:MET:HB2	4	0.21	0.06	0.2
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG12	1:228:A:MET:HB3	4	0.21	0.06	0.2
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG13	1:228:A:MET:HB2	4	0.21	0.06	0.2
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG13	1:228:A:MET:HB3	4	0.21	0.06	0.2
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HB2	4	0.21	0.06	0.2
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HB3	4	0.21	0.06	0.2
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HB2	4	0.21	0.06	0.2
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HB3	4	0.21	0.06	0.2
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HB2	4	0.21	0.06	0.2
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HB3	4	0.21	0.06	0.2
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD11	4	0.2	0.04	0.2
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD12	4	0.2	0.04	0.2
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD13	4	0.2	0.04	0.2
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD21	4	0.2	0.04	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD22	4	0.2	0.04	0.2
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD23	4	0.2	0.04	0.2
(4,1154)	1:157:A:PRO:HA	1:158:A:GLU:HB2	4	0.2	0.05	0.22
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:H	4	0.19	0.06	0.18
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:H	4	0.19	0.06	0.18
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:H	4	0.19	0.06	0.18
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:H	4	0.19	0.06	0.18
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:H	4	0.19	0.06	0.18
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:H	4	0.19	0.06	0.18
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG11	1:214:A:TYR:H	4	0.19	0.12	0.13
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG12	1:214:A:TYR:H	4	0.19	0.12	0.13
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG13	1:214:A:TYR:H	4	0.19	0.12	0.13
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG21	1:214:A:TYR:H	4	0.19	0.12	0.13
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG22	1:214:A:TYR:H	4	0.19	0.12	0.13
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG23	1:214:A:TYR:H	4	0.19	0.12	0.13
(4,275)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HA	4	0.19	0.07	0.18
(4,1796)	1:221:A:GLU:HG2	1:223:A:VAL:H	4	0.18	0.04	0.18
(4,1796)	1:221:A:GLU:HG3	1:223:A:VAL:H	4	0.18	0.04	0.18
(4,942)	1:207:A:VAL:HG11	1:209:A:VAL:H	4	0.18	0.06	0.18
(4,942)	1:207:A:VAL:HG12	1:209:A:VAL:H	4	0.18	0.06	0.18
(4,942)	1:207:A:VAL:HG13	1:209:A:VAL:H	4	0.18	0.06	0.18
(4,1980)	1:109:A:GLY:HA2	1:114:A:ASN:HD22	4	0.17	0.01	0.17
(1,586)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	3	13.08	2.81	14.04
(5,831)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	3	7.97	3.61	10.37
(5,800)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	3	7.72	2.12	8.37
(5,750)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	3	7.39	4.16	5.71
(5,787)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	3	7.15	4.06	4.99
(5,808)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	3	7.12	2.01	7.69
(1,330)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	3	6.92	1.32	6.0
(1,532)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	3	6.81	3.25	7.45
(5,717)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	3	6.62	3.86	8.6
(5,719)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	3	6.38	2.55	7.36
(1,359)	1:5:A:ASN:ND2	1:213:A:SER:H	3	6.27	2.79	6.99
(1,357)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	3	6.18	0.82	6.58
(1,424)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	3	6.01	2.91	7.85
(1,407)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	3	5.43	2.68	7.04
(1,600)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	3	5.36	3.95	4.09
(1,480)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	3	5.21	3.63	6.06
(1,313)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	3	5.04	2.81	6.0
(1,489)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	3	4.89	3.09	6.33
(1,541)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	3	4.79	3.36	4.96
(1,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	3	4.77	2.03	5.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(5,746)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	3	4.66	4.0	3.79
(1,506)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	3	4.45	2.82	4.19
(1,579)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	3	3.99	1.58	4.75
(1,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	3	3.9	4.48	0.76
(1,384)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	3	3.85	2.51	4.27
(1,488)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	3	3.83	3.83	1.6
(5,602)	1:5:A:ASN:ND2	1:19:A:THR:H	3	3.81	2.67	4.8
(1,487)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	3	3.64	4.21	1.2
(5,754)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	3	3.59	1.47	2.85
(5,740)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	3	3.54	2.13	3.68
(1,601)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	3	3.43	1.95	2.25
(1,573)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	3	3.32	3.16	1.89
(1,401)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	3	3.23	0.92	3.0
(1,448)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	3	3.21	1.77	2.49
(1,591)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	3	2.93	0.59	2.7
(1,279)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	3	2.78	1.62	3.83
(1,394)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	3	2.77	1.62	2.82
(1,376)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	3	2.74	1.49	3.45
(1,436)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	3	2.68	0.79	2.31
(1,490)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	3	2.51	1.53	3.15
(1,587)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	3	2.5	0.4	2.46
(5,809)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	3	2.43	0.36	2.66
(1,473)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	3	2.34	0.67	2.27
(1,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	3	2.28	1.05	3.01
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HE1	3	2.18	0.24	2.13
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HE2	3	2.18	0.24	2.13
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HE1	3	2.18	0.24	2.13
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HE2	3	2.18	0.24	2.13
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HE1	3	2.18	0.24	2.13
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HE2	3	2.18	0.24	2.13
(1,599)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	3	2.17	1.49	1.48
(2,613)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	3	2.14	1.35	1.82
(1,478)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	3	2.08	0.54	1.76
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG11	3	2.07	0.71	2.23
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG12	3	2.07	0.71	2.23
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG13	3	2.07	0.71	2.23
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG11	3	2.07	0.71	2.23
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG12	3	2.07	0.71	2.23
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG13	3	2.07	0.71	2.23
(1,289)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	3	2.03	0.99	2.71
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE1	1:134:A:THR:HG21	3	2.02	1.02	2.34
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE1	1:134:A:THR:HG22	3	2.02	1.02	2.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE1	1:134:A:THR:HG23	3	2.02	1.02	2.34
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE2	1:134:A:THR:HG21	3	2.02	1.02	2.34
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE2	1:134:A:THR:HG22	3	2.02	1.02	2.34
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE2	1:134:A:THR:HG23	3	2.02	1.02	2.34
(1,284)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	3	1.71	0.56	2.03
(4,3632)	1:88:A:ASN:HA	1:159:A:ALA:HB1	3	1.71	0.54	1.41
(4,3632)	1:88:A:ASN:HA	1:159:A:ALA:HB2	3	1.71	0.54	1.41
(4,3632)	1:88:A:ASN:HA	1:159:A:ALA:HB3	3	1.71	0.54	1.41
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HD1	3	1.7	0.79	2.05
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HD2	3	1.7	0.79	2.05
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HD1	3	1.7	0.79	2.05
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HD2	3	1.7	0.79	2.05
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HD1	3	1.7	0.79	2.05
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HD2	3	1.7	0.79	2.05
(1,514)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	3	1.69	0.94	2.06
(1,347)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	3	1.66	1.81	0.65
(1,356)	1:5:A:ASN:ND2	1:36:A:ILE:H	3	1.58	1.52	0.79
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD21	3	1.5	0.98	1.92
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD22	3	1.5	0.98	1.92
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD23	3	1.5	0.98	1.92
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD21	3	1.5	0.98	1.92
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD22	3	1.5	0.98	1.92
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD23	3	1.5	0.98	1.92
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD21	3	1.5	0.98	1.92
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD22	3	1.5	0.98	1.92
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD23	3	1.5	0.98	1.92
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD11	1:96:A:LEU:HB2	3	1.47	0.48	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD11	1:96:A:LEU:HB3	3	1.47	0.48	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD12	1:96:A:LEU:HB2	3	1.47	0.48	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD12	1:96:A:LEU:HB3	3	1.47	0.48	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD13	1:96:A:LEU:HB2	3	1.47	0.48	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD13	1:96:A:LEU:HB3	3	1.47	0.48	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD21	1:96:A:LEU:HB2	3	1.47	0.48	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD21	1:96:A:LEU:HB3	3	1.47	0.48	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD22	1:96:A:LEU:HB2	3	1.47	0.48	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD22	1:96:A:LEU:HB3	3	1.47	0.48	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD23	1:96:A:LEU:HB2	3	1.47	0.48	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD23	1:96:A:LEU:HB3	3	1.47	0.48	1.54
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD11	3	1.46	0.54	1.83
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD12	3	1.46	0.54	1.83
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD13	3	1.46	0.54	1.83
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD21	3	1.46	0.54	1.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD22	3	1.46	0.54	1.83
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD23	3	1.46	0.54	1.83
(4,431)	1:88:A:ASN:HD21	1:159:A:ALA:HB1	3	1.4	0.57	1.32
(4,431)	1:88:A:ASN:HD21	1:159:A:ALA:HB2	3	1.4	0.57	1.32
(4,431)	1:88:A:ASN:HD21	1:159:A:ALA:HB3	3	1.4	0.57	1.32
(4,431)	1:88:A:ASN:HD22	1:159:A:ALA:HB1	3	1.4	0.57	1.32
(4,431)	1:88:A:ASN:HD22	1:159:A:ALA:HB2	3	1.4	0.57	1.32
(4,431)	1:88:A:ASN:HD22	1:159:A:ALA:HB3	3	1.4	0.57	1.32
(2,513)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	3	1.4	0.99	1.08
(1,462)	1:5:A:ASN:ND2	1:153:A:GLN:H	3	1.37	0.79	1.42
(4,3748)	1:18:A:PHE:HE1	1:95:A:ILE:H	3	1.36	1.34	0.44
(4,3748)	1:18:A:PHE:HE2	1:95:A:ILE:H	3	1.36	1.34	0.44
(4,574)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:CD2	3	1.35	0.43	1.18
(4,574)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:CD2	3	1.35	0.43	1.18
(4,574)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:CD2	3	1.35	0.43	1.18
(4,574)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:CD2	3	1.35	0.43	1.18
(4,574)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:CD2	3	1.35	0.43	1.18
(4,574)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:CD2	3	1.35	0.43	1.18
(4,1304)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD21	3	1.27	0.68	0.92
(4,1304)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD22	3	1.27	0.68	0.92
(4,1304)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD23	3	1.27	0.68	0.92
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD11	3	1.26	0.31	1.28
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD12	3	1.26	0.31	1.28
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD13	3	1.26	0.31	1.28
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD21	3	1.26	0.31	1.28
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD22	3	1.26	0.31	1.28
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD23	3	1.26	0.31	1.28
(1,423)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	3	1.24	0.7	1.53
(1,88)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	3	1.22	0.92	0.69
(1,136)	1:207:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	3	1.22	1.05	0.78
(1,181)	1:208:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	3	1.21	0.98	0.82
(4,4244)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG11	3	1.2	0.47	1.26
(4,4244)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG12	3	1.2	0.47	1.26
(4,4244)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG13	3	1.2	0.47	1.26
(4,1324)	1:177:A:ILE:H	1:178:A:PHE:HE1	3	1.18	0.85	1.1
(4,1324)	1:177:A:ILE:H	1:178:A:PHE:HE2	3	1.18	0.85	1.1
(4,411)	1:106:A:LEU:HG	1:113:A:ASP:H	3	1.16	0.17	1.22
(1,91)	1:209:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	3	1.15	0.7	0.72
(1,325)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	3	1.12	0.74	1.37
(4,245)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD11	3	1.12	0.15	1.22
(4,245)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD12	3	1.12	0.15	1.22
(4,245)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD13	3	1.12	0.15	1.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3733)	1:177:A:ILE:HD11	1:206:A:LEU:HB2	3	1.11	0.31	1.26
(4,3733)	1:177:A:ILE:HD12	1:206:A:LEU:HB2	3	1.11	0.31	1.26
(4,3733)	1:177:A:ILE:HD13	1:206:A:LEU:HB2	3	1.11	0.31	1.26
(4,214)	1:30:A:GLU:HB2	1:31:A:TRP:HE1	3	1.04	0.91	0.67
(4,214)	1:30:A:GLU:HB3	1:31:A:TRP:HE1	3	1.04	0.91	0.67
(4,1685)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG21	3	1.04	0.67	1.14
(4,1685)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG22	3	1.04	0.67	1.14
(4,1685)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG23	3	1.04	0.67	1.14
(4,244)	1:81:A:TRP:H	1:82:A:PHE:HD1	3	1.02	0.15	1.04
(4,244)	1:81:A:TRP:H	1:82:A:PHE:HD2	3	1.02	0.15	1.04
(4,183)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:HG12	3	1.02	0.48	0.83
(4,183)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:HG13	3	1.02	0.48	0.83
(4,183)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:HG12	3	1.02	0.48	0.83
(4,183)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:HG13	3	1.02	0.48	0.83
(4,183)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:HG12	3	1.02	0.48	0.83
(4,183)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:HG13	3	1.02	0.48	0.83
(1,190)	1:102:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	3	1.01	0.62	0.6
(4,1351)	1:55:A:ILE:HB	1:170:A:TYR:H	3	0.99	0.62	0.58
(4,2283)	1:60:A:PRO:HB2	1:164:A:ASN:HD22	3	0.97	0.09	0.99
(4,2283)	1:60:A:PRO:HB3	1:164:A:ASN:HD22	3	0.97	0.09	0.99
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:HE1	3	0.95	0.37	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:HE2	3	0.95	0.37	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:HE1	3	0.95	0.37	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:HE2	3	0.95	0.37	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:HE1	3	0.95	0.37	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:HE2	3	0.95	0.37	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HE1	3	0.95	0.37	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HE2	3	0.95	0.37	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HE1	3	0.95	0.37	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HE2	3	0.95	0.37	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HE1	3	0.95	0.37	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HE2	3	0.95	0.37	1.13
(4,816)	1:168:A:ILE:HA	1:169:A:THR:HG1	3	0.93	0.07	0.94
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG11	3	0.91	0.54	0.98
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG12	3	0.91	0.54	0.98
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG13	3	0.91	0.54	0.98
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG21	3	0.91	0.54	0.98
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG22	3	0.91	0.54	0.98
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG23	3	0.91	0.54	0.98
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG11	3	0.91	0.54	0.98
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG12	3	0.91	0.54	0.98
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG13	3	0.91	0.54	0.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG21	3	0.91	0.54	0.98
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG22	3	0.91	0.54	0.98
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG23	3	0.91	0.54	0.98
(3,9)	1:55:A:ILE:O	1:170:A:TYR:H	3	0.91	0.97	0.27
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD11	3	0.91	0.51	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD12	3	0.91	0.51	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD13	3	0.91	0.51	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD21	3	0.91	0.51	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD22	3	0.91	0.51	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD23	3	0.91	0.51	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD11	3	0.91	0.51	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD12	3	0.91	0.51	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD13	3	0.91	0.51	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD21	3	0.91	0.51	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD22	3	0.91	0.51	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD23	3	0.91	0.51	0.84
(4,848)	1:122:A:THR:H	1:124:A:SER:H	3	0.9	0.17	0.82
(1,99)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	3	0.9	0.45	0.6
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD11	3	0.9	0.29	1.02
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD12	3	0.9	0.29	1.02
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD13	3	0.9	0.29	1.02
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD21	3	0.9	0.29	1.02
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD22	3	0.9	0.29	1.02
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD23	3	0.9	0.29	1.02
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD11	3	0.9	0.29	1.02
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD12	3	0.9	0.29	1.02
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD13	3	0.9	0.29	1.02
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD21	3	0.9	0.29	1.02
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD22	3	0.9	0.29	1.02
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD23	3	0.9	0.29	1.02
(4,1344)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG21	3	0.89	0.1	0.89
(4,1344)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG22	3	0.89	0.1	0.89
(4,1344)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG23	3	0.89	0.1	0.89
(4,2689)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:HB2	3	0.89	0.26	1.04
(4,2689)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:HB2	3	0.89	0.26	1.04
(4,2689)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:HB2	3	0.89	0.26	1.04
(4,217)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD21	3	0.87	1.04	0.14
(4,217)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD22	3	0.87	1.04	0.14
(4,217)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD23	3	0.87	1.04	0.14
(1,281)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	3	0.86	0.7	0.38
(4,739)	1:82:A:PHE:H	1:82:A:PHE:HE1	3	0.85	0.11	0.89
(4,739)	1:82:A:PHE:H	1:82:A:PHE:HE2	3	0.85	0.11	0.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:CD1	3	0.85	0.55	0.79
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:CD1	3	0.85	0.55	0.79
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:CD1	3	0.85	0.55	0.79
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:CD1	3	0.85	0.55	0.79
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:CD1	3	0.85	0.55	0.79
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:CD1	3	0.85	0.55	0.79
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:HG11	3	0.84	0.33	0.93
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:HG12	3	0.84	0.33	0.93
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:HG13	3	0.84	0.33	0.93
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:HG11	3	0.84	0.33	0.93
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:HG12	3	0.84	0.33	0.93
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:HG13	3	0.84	0.33	0.93
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:HG11	3	0.84	0.33	0.93
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:HG12	3	0.84	0.33	0.93
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:HG13	3	0.84	0.33	0.93
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HD1	3	0.84	0.99	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HD2	3	0.84	0.99	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HD1	3	0.84	0.99	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HD2	3	0.84	0.99	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HD1	3	0.84	0.99	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HD2	3	0.84	0.99	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HD1	3	0.84	0.99	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HD2	3	0.84	0.99	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HD1	3	0.84	0.99	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HD2	3	0.84	0.99	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HD1	3	0.84	0.99	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HD2	3	0.84	0.99	0.15
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD11	3	0.83	0.33	0.89
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD12	3	0.83	0.33	0.89
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD13	3	0.83	0.33	0.89
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD21	3	0.83	0.33	0.89
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD22	3	0.83	0.33	0.89
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD23	3	0.83	0.33	0.89
(4,529)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HG2	3	0.81	0.37	0.89
(4,529)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HG3	3	0.81	0.37	0.89
(4,529)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HG2	3	0.81	0.37	0.89
(4,529)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HG3	3	0.81	0.37	0.89
(4,529)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HG2	3	0.81	0.37	0.89
(4,529)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HG3	3	0.81	0.37	0.89
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD11	3	0.81	0.24	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD12	3	0.81	0.24	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD13	3	0.81	0.24	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD21	3	0.81	0.24	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD22	3	0.81	0.24	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD23	3	0.81	0.24	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD11	3	0.81	0.24	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD12	3	0.81	0.24	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD13	3	0.81	0.24	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD21	3	0.81	0.24	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD22	3	0.81	0.24	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD23	3	0.81	0.24	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD11	3	0.81	0.24	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD12	3	0.81	0.24	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD13	3	0.81	0.24	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD21	3	0.81	0.24	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD22	3	0.81	0.24	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD23	3	0.81	0.24	0.74
(4,2014)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HB2	3	0.78	0.2	0.84
(4,2014)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HB3	3	0.78	0.2	0.84
(4,577)	1:168:A:ILE:HG12	1:181:A:ASP:HB2	3	0.76	0.34	0.58
(4,577)	1:168:A:ILE:HG12	1:181:A:ASP:HB3	3	0.76	0.34	0.58
(4,577)	1:168:A:ILE:HG13	1:181:A:ASP:HB2	3	0.76	0.34	0.58
(4,577)	1:168:A:ILE:HG13	1:181:A:ASP:HB3	3	0.76	0.34	0.58
(4,2792)	1:88:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HD11	3	0.74	0.67	0.28
(4,2792)	1:88:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HD12	3	0.74	0.67	0.28
(4,2792)	1:88:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HD13	3	0.74	0.67	0.28
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG21	3	0.71	0.31	0.7
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG22	3	0.71	0.31	0.7
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG23	3	0.71	0.31	0.7
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG21	3	0.71	0.31	0.7
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG22	3	0.71	0.31	0.7
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG23	3	0.71	0.31	0.7
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD11	3	0.71	0.6	0.42
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD12	3	0.71	0.6	0.42
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD13	3	0.71	0.6	0.42
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD21	3	0.71	0.6	0.42
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD22	3	0.71	0.6	0.42
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD23	3	0.71	0.6	0.42
(4,2748)	1:48:A:LEU:HD11	1:202:A:ILE:CD1	3	0.7	0.35	0.57
(4,2748)	1:48:A:LEU:HD12	1:202:A:ILE:CD1	3	0.7	0.35	0.57
(4,2748)	1:48:A:LEU:HD13	1:202:A:ILE:CD1	3	0.7	0.35	0.57
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:H	3	0.7	0.45	0.57
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:H	3	0.7	0.45	0.57
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:H	3	0.7	0.45	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:H	3	0.7	0.45	0.57
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:H	3	0.7	0.45	0.57
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:H	3	0.7	0.45	0.57
(4,1814)	1:36:A:ILE:H	1:227:A:ALA:HB1	3	0.7	0.04	0.69
(4,1814)	1:36:A:ILE:H	1:227:A:ALA:HB2	3	0.7	0.04	0.69
(4,1814)	1:36:A:ILE:H	1:227:A:ALA:HB3	3	0.7	0.04	0.69
(4,3527)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HD21	3	0.7	0.39	0.77
(4,3527)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HD22	3	0.7	0.39	0.77
(4,3527)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HD23	3	0.7	0.39	0.77
(4,1757)	1:48:A:LEU:CD1	1:202:A:ILE:HD11	3	0.69	0.2	0.67
(4,1757)	1:48:A:LEU:CD1	1:202:A:ILE:HD12	3	0.69	0.2	0.67
(4,1757)	1:48:A:LEU:CD1	1:202:A:ILE:HD13	3	0.69	0.2	0.67
(4,1059)	1:31:A:TRP:HB3	1:232:A:GLY:H	3	0.68	0.49	0.59
(4,2448)	1:119:A:GLN:H	1:119:A:GLN:HE21	3	0.68	0.12	0.63
(4,3037)	1:80:A:ILE:HD11	1:127:A:ASN:H	3	0.67	0.59	0.36
(4,3037)	1:80:A:ILE:HD12	1:127:A:ASN:H	3	0.67	0.59	0.36
(4,3037)	1:80:A:ILE:HD13	1:127:A:ASN:H	3	0.67	0.59	0.36
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD11	1:116:A:LEU:HA	3	0.66	0.29	0.65
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD12	1:116:A:LEU:HA	3	0.66	0.29	0.65
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD13	1:116:A:LEU:HA	3	0.66	0.29	0.65
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:HA	3	0.66	0.29	0.65
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:HA	3	0.66	0.29	0.65
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:HA	3	0.66	0.29	0.65
(4,2306)	1:89:A:ALA:H	1:142:A:ILE:HD11	3	0.66	0.73	0.15
(4,2306)	1:89:A:ALA:H	1:142:A:ILE:HD12	3	0.66	0.73	0.15
(4,2306)	1:89:A:ALA:H	1:142:A:ILE:HD13	3	0.66	0.73	0.15
(1,135)	1:213:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	3	0.66	0.35	0.49
(4,903)	1:55:A:ILE:H	1:169:A:THR:HA	3	0.66	0.51	0.35
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG11	3	0.65	0.26	0.72
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG12	3	0.65	0.26	0.72
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG13	3	0.65	0.26	0.72
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG21	3	0.65	0.26	0.72
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG22	3	0.65	0.26	0.72
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG23	3	0.65	0.26	0.72
(4,2544)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HB2	3	0.65	0.48	0.53
(4,2544)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HB3	3	0.65	0.48	0.53
(4,1161)	1:19:A:THR:HG1	1:32:A:ALA:HB1	3	0.64	0.43	0.34
(4,1161)	1:19:A:THR:HG1	1:32:A:ALA:HB2	3	0.64	0.43	0.34
(4,1161)	1:19:A:THR:HG1	1:32:A:ALA:HB3	3	0.64	0.43	0.34
(4,3246)	1:79:A:VAL:HG11	1:188:A:PRO:HB3	3	0.64	0.19	0.54
(4,3246)	1:79:A:VAL:HG12	1:188:A:PRO:HB3	3	0.64	0.19	0.54
(4,3246)	1:79:A:VAL:HG13	1:188:A:PRO:HB3	3	0.64	0.19	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,4154)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HG2	3	0.61	0.24	0.52
(4,4154)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HG2	3	0.61	0.24	0.52
(4,4154)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HG2	3	0.61	0.24	0.52
(4,438)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HB2	3	0.61	0.21	0.72
(4,438)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HB3	3	0.61	0.21	0.72
(4,4030)	1:125:A:SER:HA	1:127:A:ASN:H	3	0.61	0.24	0.78
(4,1266)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:TYR:HD1	3	0.61	0.13	0.67
(4,1266)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:TYR:HD2	3	0.61	0.13	0.67
(4,188)	1:36:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB2	3	0.59	0.26	0.52
(4,188)	1:36:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB3	3	0.59	0.26	0.52
(4,188)	1:36:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB2	3	0.59	0.26	0.52
(4,188)	1:36:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB3	3	0.59	0.26	0.52
(4,188)	1:36:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB2	3	0.59	0.26	0.52
(4,188)	1:36:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB3	3	0.59	0.26	0.52
(1,59)	1:93:A:TYR:H	1:140:A:ASN:ND2	3	0.59	0.09	0.59
(4,839)	1:216:A:GLU:HB2	1:217:A:ASN:HD21	3	0.59	0.02	0.59
(4,839)	1:216:A:GLU:HB3	1:217:A:ASN:HD21	3	0.59	0.02	0.59
(4,2151)	1:45:A:LEU:HB2	1:48:A:LEU:H	3	0.58	0.17	0.54
(4,2151)	1:45:A:LEU:HB3	1:48:A:LEU:H	3	0.58	0.17	0.54
(4,1214)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG21	3	0.57	0.05	0.59
(4,1214)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG22	3	0.57	0.05	0.59
(4,1214)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG23	3	0.57	0.05	0.59
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:HG2	3	0.57	0.53	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:HG3	3	0.57	0.53	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:HG2	3	0.57	0.53	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:HG3	3	0.57	0.53	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:HG2	3	0.57	0.53	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:HG3	3	0.57	0.53	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:HG2	3	0.57	0.53	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:HG3	3	0.57	0.53	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:HG2	3	0.57	0.53	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:HG3	3	0.57	0.53	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:HG2	3	0.57	0.53	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:HG3	3	0.57	0.53	0.26
(4,996)	1:115:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:H	3	0.56	0.25	0.59
(4,996)	1:115:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:H	3	0.56	0.25	0.59
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD1	1:177:A:ILE:HG21	3	0.55	0.44	0.3
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD1	1:177:A:ILE:HG22	3	0.55	0.44	0.3
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD1	1:177:A:ILE:HG23	3	0.55	0.44	0.3
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD2	1:177:A:ILE:HG21	3	0.55	0.44	0.3
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD2	1:177:A:ILE:HG22	3	0.55	0.44	0.3
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD2	1:177:A:ILE:HG23	3	0.55	0.44	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3590)	1:40:A:THR:H	1:41:A:GLU:HB3	3	0.54	0.07	0.55
(4,2545)	1:83:A:LYS:HD2	1:85:A:SER:HA	3	0.54	0.2	0.4
(4,2545)	1:83:A:LYS:HD3	1:85:A:SER:HA	3	0.54	0.2	0.4
(4,2859)	1:52:A:VAL:H	1:201:A:LEU:H	3	0.54	0.13	0.57
(4,759)	1:177:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:H	3	0.53	0.06	0.51
(4,759)	1:177:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:H	3	0.53	0.06	0.51
(4,759)	1:177:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:H	3	0.53	0.06	0.51
(4,1742)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD11	3	0.53	0.27	0.6
(4,1742)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD12	3	0.53	0.27	0.6
(4,1742)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD13	3	0.53	0.27	0.6
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HD1	3	0.53	0.15	0.49
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HD2	3	0.53	0.15	0.49
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HD1	3	0.53	0.15	0.49
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HD2	3	0.53	0.15	0.49
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HD1	3	0.53	0.15	0.49
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HD2	3	0.53	0.15	0.49
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB2	1:206:A:LEU:HD21	3	0.53	0.23	0.56
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB2	1:206:A:LEU:HD22	3	0.53	0.23	0.56
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB2	1:206:A:LEU:HD23	3	0.53	0.23	0.56
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB3	1:206:A:LEU:HD21	3	0.53	0.23	0.56
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB3	1:206:A:LEU:HD22	3	0.53	0.23	0.56
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB3	1:206:A:LEU:HD23	3	0.53	0.23	0.56
(4,3712)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD11	3	0.53	0.2	0.42
(4,3712)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD12	3	0.53	0.2	0.42
(4,3712)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD13	3	0.53	0.2	0.42
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD11	3	0.52	0.24	0.51
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD12	3	0.52	0.24	0.51
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD13	3	0.52	0.24	0.51
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD21	3	0.52	0.24	0.51
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD22	3	0.52	0.24	0.51
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD23	3	0.52	0.24	0.51
(4,2986)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:HD11	3	0.52	0.19	0.52
(4,2986)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:HD12	3	0.52	0.19	0.52
(4,2986)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:HD13	3	0.52	0.19	0.52
(4,3089)	1:154:A:SER:HB2	1:156:A:ALA:H	3	0.49	0.43	0.26
(4,3089)	1:154:A:SER:HB3	1:156:A:ALA:H	3	0.49	0.43	0.26
(4,1978)	1:142:A:ILE:HG12	1:143:A:LYS:HA	3	0.49	0.02	0.48
(4,1978)	1:142:A:ILE:HG13	1:143:A:LYS:HA	3	0.49	0.02	0.48
(4,3720)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:H	3	0.48	0.07	0.51
(4,3720)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:H	3	0.48	0.07	0.51
(4,3720)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:H	3	0.48	0.07	0.51
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HD1	3	0.48	0.2	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HD2	3	0.48	0.2	0.61
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HD1	3	0.48	0.2	0.61
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HD2	3	0.48	0.2	0.61
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HD1	3	0.48	0.2	0.61
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HD2	3	0.48	0.2	0.61
(4,1183)	1:77:A:TYR:H	1:188:A:PRO:HG3	3	0.47	0.16	0.5
(4,1730)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HG2	3	0.47	0.25	0.64
(4,1730)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HG3	3	0.47	0.25	0.64
(4,159)	1:12:A:GLU:H	1:13:A:SER:HA	3	0.47	0.25	0.3
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HG21	3	0.46	0.16	0.43
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HG22	3	0.46	0.16	0.43
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HG23	3	0.46	0.16	0.43
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HG21	3	0.46	0.16	0.43
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HG22	3	0.46	0.16	0.43
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HG23	3	0.46	0.16	0.43
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HG21	3	0.46	0.16	0.43
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HG22	3	0.46	0.16	0.43
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HG23	3	0.46	0.16	0.43
(4,597)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:H	3	0.46	0.35	0.24
(4,597)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:H	3	0.46	0.35	0.24
(4,597)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:H	3	0.46	0.35	0.24
(1,142)	1:32:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	3	0.46	0.34	0.35
(4,3817)	1:195:A:ASP:HB2	1:204:A:GLN:HE21	3	0.44	0.25	0.32
(4,3817)	1:195:A:ASP:HB2	1:204:A:GLN:HE22	3	0.44	0.25	0.32
(4,3817)	1:195:A:ASP:HB3	1:204:A:GLN:HE21	3	0.44	0.25	0.32
(4,3817)	1:195:A:ASP:HB3	1:204:A:GLN:HE22	3	0.44	0.25	0.32
(4,3227)	1:216:A:GLU:HB2	1:217:A:ASN:HD22	3	0.44	0.08	0.44
(4,3227)	1:216:A:GLU:HB3	1:217:A:ASN:HD22	3	0.44	0.08	0.44
(4,1414)	1:169:A:THR:H	1:169:A:THR:HG1	3	0.43	0.2	0.46
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD1	1:56:A:VAL:HG21	3	0.43	0.11	0.46
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD1	1:56:A:VAL:HG22	3	0.43	0.11	0.46
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD1	1:56:A:VAL:HG23	3	0.43	0.11	0.46
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD2	1:56:A:VAL:HG21	3	0.43	0.11	0.46
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD2	1:56:A:VAL:HG22	3	0.43	0.11	0.46
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD2	1:56:A:VAL:HG23	3	0.43	0.11	0.46
(4,196)	1:177:A:ILE:HG21	1:207:A:VAL:HA	3	0.42	0.39	0.18
(4,196)	1:177:A:ILE:HG22	1:207:A:VAL:HA	3	0.42	0.39	0.18
(4,196)	1:177:A:ILE:HG23	1:207:A:VAL:HA	3	0.42	0.39	0.18
(4,2528)	1:36:A:ILE:CD1	1:52:A:VAL:HG21	3	0.42	0.14	0.4
(4,2528)	1:36:A:ILE:CD1	1:52:A:VAL:HG22	3	0.42	0.14	0.4
(4,2528)	1:36:A:ILE:CD1	1:52:A:VAL:HG23	3	0.42	0.14	0.4
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:H	3	0.41	0.27	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:H	3	0.41	0.27	0.33
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:H	3	0.41	0.27	0.33
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:H	3	0.41	0.27	0.33
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:H	3	0.41	0.27	0.33
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:H	3	0.41	0.27	0.33
(1,231)	1:214:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	3	0.41	0.38	0.15
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG11	1:210:A:ARG:HG2	3	0.4	0.31	0.26
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG11	1:210:A:ARG:HG3	3	0.4	0.31	0.26
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG12	1:210:A:ARG:HG2	3	0.4	0.31	0.26
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG12	1:210:A:ARG:HG3	3	0.4	0.31	0.26
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG13	1:210:A:ARG:HG2	3	0.4	0.31	0.26
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG13	1:210:A:ARG:HG3	3	0.4	0.31	0.26
(4,2391)	1:133:A:THR:H	1:135:A:ASP:HB2	3	0.4	0.29	0.26
(4,2391)	1:133:A:THR:H	1:135:A:ASP:HB3	3	0.4	0.29	0.26
(4,2293)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD21	3	0.39	0.14	0.36
(4,2293)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD22	3	0.39	0.14	0.36
(4,2293)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD23	3	0.39	0.14	0.36
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD11	3	0.38	0.11	0.32
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD12	3	0.38	0.11	0.32
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD13	3	0.38	0.11	0.32
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD21	3	0.38	0.11	0.32
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD22	3	0.38	0.11	0.32
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD23	3	0.38	0.11	0.32
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD11	3	0.38	0.11	0.32
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD12	3	0.38	0.11	0.32
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD13	3	0.38	0.11	0.32
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD21	3	0.38	0.11	0.32
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD22	3	0.38	0.11	0.32
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD23	3	0.38	0.11	0.32
(4,2658)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HB2	3	0.38	0.2	0.43
(4,2658)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HB3	3	0.38	0.2	0.43
(4,2580)	1:31:A:TRP:HA	1:232:A:GLY:H	3	0.37	0.11	0.37
(4,2813)	1:198:A:ALA:HB1	1:205:A:GLU:H	3	0.37	0.09	0.39
(4,2813)	1:198:A:ALA:HB2	1:205:A:GLU:H	3	0.37	0.09	0.39
(4,2813)	1:198:A:ALA:HB3	1:205:A:GLU:H	3	0.37	0.09	0.39
(4,2377)	1:95:A:ILE:HB	1:97:A:HIS:H	3	0.37	0.15	0.45
(4,3750)	1:200:A:ASP:H	1:203:A:GLU:HG2	3	0.36	0.14	0.35
(4,3750)	1:200:A:ASP:H	1:203:A:GLU:HG3	3	0.36	0.14	0.35
(4,1467)	1:123:A:SER:H	1:124:A:SER:HB2	3	0.35	0.16	0.26
(4,1467)	1:123:A:SER:H	1:124:A:SER:HB3	3	0.35	0.16	0.26
(4,4051)	1:177:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB3	3	0.35	0.13	0.39
(4,4051)	1:177:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB3	3	0.35	0.13	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,4051)	1:177:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB3	3	0.35	0.13	0.39
(4,966)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:H	3	0.34	0.09	0.31
(4,2726)	1:208:A:ARG:H	1:208:A:ARG:HD3	3	0.34	0.07	0.3
(4,1712)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HB2	3	0.33	0.19	0.27
(4,1712)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HB2	3	0.33	0.19	0.27
(4,1712)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HB2	3	0.33	0.19	0.27
(4,91)	1:35:A:ASP:H	1:230:A:GLY:H	3	0.33	0.06	0.3
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD11	3	0.33	0.02	0.34
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD12	3	0.33	0.02	0.34
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD13	3	0.33	0.02	0.34
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD21	3	0.33	0.02	0.34
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD22	3	0.33	0.02	0.34
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD23	3	0.33	0.02	0.34
(4,3168)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:CG2	3	0.32	0.15	0.23
(4,3168)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:CG2	3	0.32	0.15	0.23
(4,3168)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:CG2	3	0.32	0.15	0.23
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD11	3	0.32	0.05	0.34
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD12	3	0.32	0.05	0.34
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD13	3	0.32	0.05	0.34
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD21	3	0.32	0.05	0.34
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD22	3	0.32	0.05	0.34
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD23	3	0.32	0.05	0.34
(4,1136)	1:177:A:ILE:H	1:193:A:LYS:HB2	3	0.32	0.07	0.33
(4,1136)	1:177:A:ILE:H	1:193:A:LYS:HB3	3	0.32	0.07	0.33
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE1	1:96:A:LEU:HD21	3	0.32	0.15	0.34
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE1	1:96:A:LEU:HD22	3	0.32	0.15	0.34
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE1	1:96:A:LEU:HD23	3	0.32	0.15	0.34
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE2	1:96:A:LEU:HD21	3	0.32	0.15	0.34
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE2	1:96:A:LEU:HD22	3	0.32	0.15	0.34
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE2	1:96:A:LEU:HD23	3	0.32	0.15	0.34
(4,2203)	1:172:A:GLU:H	1:201:A:LEU:HD11	3	0.31	0.15	0.28
(4,2203)	1:172:A:GLU:H	1:201:A:LEU:HD12	3	0.31	0.15	0.28
(4,2203)	1:172:A:GLU:H	1:201:A:LEU:HD13	3	0.31	0.15	0.28
(4,299)	1:206:A:LEU:HA	1:210:A:ARG:HB2	3	0.31	0.19	0.23
(4,299)	1:206:A:LEU:HA	1:210:A:ARG:HB3	3	0.31	0.19	0.23
(4,222)	1:93:A:TYR:HD1	1:97:A:HIS:H	3	0.3	0.1	0.37
(4,222)	1:93:A:TYR:HD2	1:97:A:HIS:H	3	0.3	0.1	0.37
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG11	1:200:A:ASP:HB2	3	0.3	0.09	0.26
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG11	1:200:A:ASP:HB3	3	0.3	0.09	0.26
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG12	1:200:A:ASP:HB2	3	0.3	0.09	0.26
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG12	1:200:A:ASP:HB3	3	0.3	0.09	0.26
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG13	1:200:A:ASP:HB2	3	0.3	0.09	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG13	1:200:A:ASP:HB3	3	0.3	0.09	0.26
(4,163)	1:52:A:VAL:HG11	1:202:A:ILE:H	3	0.3	0.11	0.35
(4,163)	1:52:A:VAL:HG12	1:202:A:ILE:H	3	0.3	0.11	0.35
(4,163)	1:52:A:VAL:HG13	1:202:A:ILE:H	3	0.3	0.11	0.35
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD1	1:218:A:ALA:HB1	3	0.3	0.16	0.2
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD1	1:218:A:ALA:HB2	3	0.3	0.16	0.2
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD1	1:218:A:ALA:HB3	3	0.3	0.16	0.2
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD2	1:218:A:ALA:HB1	3	0.3	0.16	0.2
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD2	1:218:A:ALA:HB2	3	0.3	0.16	0.2
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD2	1:218:A:ALA:HB3	3	0.3	0.16	0.2
(4,2949)	1:123:A:SER:H	1:124:A:SER:H	3	0.3	0.1	0.36
(4,1986)	1:114:A:ASN:HA	1:117:A:LYS:HA	3	0.29	0.1	0.34
(4,3261)	1:80:A:ILE:HG12	1:127:A:ASN:HB2	3	0.29	0.1	0.25
(4,3261)	1:80:A:ILE:HG12	1:127:A:ASN:HB3	3	0.29	0.1	0.25
(4,3261)	1:80:A:ILE:HG13	1:127:A:ASN:HB2	3	0.29	0.1	0.25
(4,3261)	1:80:A:ILE:HG13	1:127:A:ASN:HB3	3	0.29	0.1	0.25
(4,3199)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:H	3	0.29	0.1	0.3
(4,2231)	1:163:A:THR:H	1:165:A:LEU:H	3	0.28	0.03	0.27
(4,4305)	1:45:A:LEU:HB3	1:46:A:ALA:HB1	3	0.28	0.06	0.27
(4,4305)	1:45:A:LEU:HB3	1:46:A:ALA:HB2	3	0.28	0.06	0.27
(4,4305)	1:45:A:LEU:HB3	1:46:A:ALA:HB3	3	0.28	0.06	0.27
(3,6)	1:56:A:VAL:O	1:229:A:LEU:H	3	0.27	0.05	0.3
(4,2936)	1:72:A:GLN:H	1:72:A:GLN:HE21	3	0.26	0.06	0.23
(4,2936)	1:72:A:GLN:H	1:72:A:GLN:HE22	3	0.26	0.06	0.23
(4,46)	1:142:A:ILE:HG12	1:144:A:GLU:H	3	0.24	0.12	0.22
(4,46)	1:142:A:ILE:HG13	1:144:A:GLU:H	3	0.24	0.12	0.22
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD11	3	0.24	0.08	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD12	3	0.24	0.08	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD13	3	0.24	0.08	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD21	3	0.24	0.08	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD22	3	0.24	0.08	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD23	3	0.24	0.08	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD11	3	0.24	0.08	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD12	3	0.24	0.08	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD13	3	0.24	0.08	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD21	3	0.24	0.08	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD22	3	0.24	0.08	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD23	3	0.24	0.08	0.23
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG11	3	0.24	0.09	0.29
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG12	3	0.24	0.09	0.29
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG13	3	0.24	0.09	0.29
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG21	3	0.24	0.09	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG22	3	0.24	0.09	0.29
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG23	3	0.24	0.09	0.29
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG11	3	0.24	0.09	0.29
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG12	3	0.24	0.09	0.29
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG13	3	0.24	0.09	0.29
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG21	3	0.24	0.09	0.29
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG22	3	0.24	0.09	0.29
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG23	3	0.24	0.09	0.29
(4,4319)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG11	3	0.24	0.12	0.17
(4,4319)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG12	3	0.24	0.12	0.17
(4,4319)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG13	3	0.24	0.12	0.17
(4,564)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HG21	3	0.23	0.1	0.21
(4,564)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HG22	3	0.23	0.1	0.21
(4,564)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HG23	3	0.23	0.1	0.21
(4,564)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HG21	3	0.23	0.1	0.21
(4,564)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HG22	3	0.23	0.1	0.21
(4,564)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HG23	3	0.23	0.1	0.21
(4,564)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HG21	3	0.23	0.1	0.21
(4,564)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HG22	3	0.23	0.1	0.21
(4,564)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HG23	3	0.23	0.1	0.21
(1,16)	1:104:A:SER:OG	1:170:A:TYR:H	3	0.22	0.14	0.13
(4,772)	1:11:A:ILE:HG21	1:12:A:GLU:HA	3	0.22	0.02	0.21
(4,772)	1:11:A:ILE:HG22	1:12:A:GLU:HA	3	0.22	0.02	0.21
(4,772)	1:11:A:ILE:HG23	1:12:A:GLU:HA	3	0.22	0.02	0.21
(4,3510)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB2	3	0.22	0.13	0.14
(4,3510)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	3	0.22	0.13	0.14
(4,316)	1:198:A:ALA:HB1	1:201:A:LEU:HB2	3	0.21	0.07	0.2
(4,316)	1:198:A:ALA:HB1	1:201:A:LEU:HB3	3	0.21	0.07	0.2
(4,316)	1:198:A:ALA:HB2	1:201:A:LEU:HB2	3	0.21	0.07	0.2
(4,316)	1:198:A:ALA:HB2	1:201:A:LEU:HB3	3	0.21	0.07	0.2
(4,316)	1:198:A:ALA:HB3	1:201:A:LEU:HB2	3	0.21	0.07	0.2
(4,316)	1:198:A:ALA:HB3	1:201:A:LEU:HB3	3	0.21	0.07	0.2
(4,877)	1:196:A:PRO:HD2	1:197:A:THR:HA	3	0.21	0.03	0.22
(4,453)	1:17:A:VAL:HB	1:19:A:THR:H	3	0.18	0.09	0.14
(4,3463)	1:49:A:PRO:HG2	1:233:A:PRO:HD2	3	0.17	0.05	0.16
(4,3463)	1:49:A:PRO:HG2	1:233:A:PRO:HD3	3	0.17	0.05	0.16
(4,3463)	1:49:A:PRO:HG3	1:233:A:PRO:HD2	3	0.17	0.05	0.16
(4,3463)	1:49:A:PRO:HG3	1:233:A:PRO:HD3	3	0.17	0.05	0.16
(4,556)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:H	3	0.15	0.03	0.13
(4,172)	1:52:A:VAL:HG11	1:53:A:LYS:HB2	3	0.14	0.04	0.12
(4,172)	1:52:A:VAL:HG11	1:53:A:LYS:HB3	3	0.14	0.04	0.12
(4,172)	1:52:A:VAL:HG12	1:53:A:LYS:HB2	3	0.14	0.04	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,172)	1:52:A:VAL:HG12	1:53:A:LYS:HB3	3	0.14	0.04	0.12
(4,172)	1:52:A:VAL:HG13	1:53:A:LYS:HB2	3	0.14	0.04	0.12
(4,172)	1:52:A:VAL:HG13	1:53:A:LYS:HB3	3	0.14	0.04	0.12
(4,2681)	1:215:A:MET:HA	1:223:A:VAL:HG21	3	0.14	0.01	0.14
(4,2681)	1:215:A:MET:HA	1:223:A:VAL:HG22	3	0.14	0.01	0.14
(4,2681)	1:215:A:MET:HA	1:223:A:VAL:HG23	3	0.14	0.01	0.14
(4,2364)	1:166:A:HIS:H	1:167:A:TYR:HD1	3	0.13	0.03	0.13
(4,2364)	1:166:A:HIS:H	1:167:A:TYR:HD2	3	0.13	0.03	0.13
(1,563)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	2	7.43	3.26	7.43
(1,498)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	2	6.23	1.92	6.23
(5,731)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	2	6.18	0.07	6.18
(5,827)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	2	6.1	0.15	6.1
(1,439)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	2	5.82	0.94	5.82
(5,814)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	2	5.32	2.66	5.32
(1,358)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	2	4.96	1.49	4.96
(1,432)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	2	4.94	0.95	4.94
(1,553)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	2	4.93	1.66	4.93
(5,763)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	2	4.7	3.17	4.7
(5,670)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	2	4.44	3.12	4.44
(5,736)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	2	4.4	1.62	4.4
(1,292)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	2	4.24	3.49	4.24
(1,499)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	2	4.24	2.52	4.24
(5,727)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	2	4.08	2.53	4.08
(5,695)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	2	3.81	0.46	3.81
(1,390)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	2	3.8	1.55	3.8
(2,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	2	3.74	0.27	3.74
(5,726)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	2	3.57	2.01	3.57
(1,296)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	2	3.53	1.72	3.53
(4,1263)	1:81:A:TRP:HZ3	1:83:A:LYS:H	2	3.46	1.88	3.46
(5,720)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	2	3.39	1.08	3.39
(1,362)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	2	3.38	1.72	3.38
(1,331)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	2	3.36	0.34	3.36
(1,352)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	2	3.34	1.59	3.34
(1,282)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	2	3.22	0.46	3.22
(1,312)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	2	3.2	0.9	3.2
(1,381)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	2	3.17	0.54	3.17
(4,1385)	1:173:A:GLU:H	1:178:A:PHE:HE1	2	3.12	2.68	3.12
(4,1385)	1:173:A:GLU:H	1:178:A:PHE:HE2	2	3.12	2.68	3.12
(1,326)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	2	3.1	0.15	3.1
(2,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	2	3.1	0.95	3.1
(4,3705)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HE1	2	3.09	2.87	3.09
(4,3705)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HE2	2	3.09	2.87	3.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,512)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	2	3.08	1.78	3.08
(1,322)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	2	3.07	1.92	3.07
(2,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	2	3.03	0.22	3.03
(2,617)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	2	2.99	0.34	2.99
(5,715)	1:5:A:ASN:ND2	1:20:A:ASN:H	2	2.98	1.66	2.98
(5,701)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	2	2.87	1.68	2.87
(1,526)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	2	2.76	0.16	2.76
(5,782)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	2	2.72	2.37	2.72
(5,522)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	2	2.68	0.88	2.68
(1,369)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	2	2.6	0.77	2.6
(2,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	2	2.54	0.36	2.54
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD11	2	2.51	1.44	2.51
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD12	2	2.51	1.44	2.51
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD13	2	2.51	1.44	2.51
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD11	2	2.51	1.44	2.51
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD12	2	2.51	1.44	2.51
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD13	2	2.51	1.44	2.51
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD11	2	2.51	1.44	2.51
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD12	2	2.51	1.44	2.51
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD13	2	2.51	1.44	2.51
(1,259)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	2	2.5	1.94	2.5
(1,339)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	2	2.37	1.87	2.37
(2,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	2	2.36	0.15	2.36
(2,566)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	2	2.34	0.92	2.34
(2,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	2	2.29	0.33	2.29
(4,1816)	1:79:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HE1	2	2.28	1.3	2.28
(4,1816)	1:79:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HE2	2	2.28	1.3	2.28
(4,1816)	1:79:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HE1	2	2.28	1.3	2.28
(4,1816)	1:79:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HE2	2	2.28	1.3	2.28
(4,1816)	1:79:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HE1	2	2.28	1.3	2.28
(4,1816)	1:79:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HE2	2	2.28	1.3	2.28
(1,272)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	2	2.18	1.3	2.18
(5,821)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	2	2.15	0.87	2.15
(2,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:213:A:SER:H	2	2.12	1.14	2.12
(4,1408)	1:80:A:ILE:HG21	1:100:A:SER:H	2	2.1	0.02	2.1
(4,1408)	1:80:A:ILE:HG22	1:100:A:SER:H	2	2.1	0.02	2.1
(4,1408)	1:80:A:ILE:HG23	1:100:A:SER:H	2	2.1	0.02	2.1
(1,334)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	2	2.1	0.65	2.1
(1,348)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	2	2.06	1.48	2.06
(1,427)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	2	2.05	0.09	2.05
(1,285)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	2	2.0	0.47	2.0
(5,757)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	2	2.0	1.48	2.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(5,803)	1:5:A:ASN:ND2	1:153:A:GLN:H	2	1.88	0.18	1.88
(1,258)	1:5:A:ASN:ND2	1:170:A:TYR:H	2	1.84	1.09	1.84
(4,1313)	1:79:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:CD2	2	1.78	1.63	1.78
(4,1313)	1:79:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:CD2	2	1.78	1.63	1.78
(4,1313)	1:79:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:CD2	2	1.78	1.63	1.78
(1,397)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	2	1.78	1.15	1.78
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:HD11	2	1.76	0.36	1.76
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:HD12	2	1.76	0.36	1.76
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:HD13	2	1.76	0.36	1.76
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:HD11	2	1.76	0.36	1.76
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:HD12	2	1.76	0.36	1.76
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:HD13	2	1.76	0.36	1.76
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:HD11	2	1.76	0.36	1.76
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:HD12	2	1.76	0.36	1.76
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:HD13	2	1.76	0.36	1.76
(5,756)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	2	1.76	0.94	1.76
(1,306)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	2	1.66	0.77	1.66
(2,493)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	2	1.66	0.78	1.66
(4,3807)	1:27:A:LEU:HG	1:105:A:LEU:HD11	2	1.63	0.55	1.63
(4,3807)	1:27:A:LEU:HG	1:105:A:LEU:HD12	2	1.63	0.55	1.63
(4,3807)	1:27:A:LEU:HG	1:105:A:LEU:HD13	2	1.63	0.55	1.63
(4,3807)	1:27:A:LEU:HG	1:105:A:LEU:HD21	2	1.63	0.55	1.63
(4,3807)	1:27:A:LEU:HG	1:105:A:LEU:HD22	2	1.63	0.55	1.63
(4,3807)	1:27:A:LEU:HG	1:105:A:LEU:HD23	2	1.63	0.55	1.63
(1,324)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	2	1.62	1.18	1.62
(1,412)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	2	1.6	0.7	1.6
(1,183)	1:159:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	2	1.56	0.55	1.56
(4,3277)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HB2	2	1.52	0.07	1.52
(4,3277)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HB3	2	1.52	0.07	1.52
(4,3277)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HB2	2	1.52	0.07	1.52
(4,3277)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HB3	2	1.52	0.07	1.52
(4,3277)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HB2	2	1.52	0.07	1.52
(4,3277)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HB3	2	1.52	0.07	1.52
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HE1	2	1.48	0.15	1.48
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HE2	2	1.48	0.15	1.48
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HE1	2	1.48	0.15	1.48
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HE2	2	1.48	0.15	1.48
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HE1	2	1.48	0.15	1.48
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HE2	2	1.48	0.15	1.48
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD21	1:167:A:TYR:HE1	2	1.48	0.15	1.48
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD21	1:167:A:TYR:HE2	2	1.48	0.15	1.48
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD22	1:167:A:TYR:HE1	2	1.48	0.15	1.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD22	1:167:A:TYR:HE2	2	1.48	0.15	1.48
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD23	1:167:A:TYR:HE1	2	1.48	0.15	1.48
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD23	1:167:A:TYR:HE2	2	1.48	0.15	1.48
(1,378)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	2	1.47	0.31	1.47
(1,420)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	2	1.39	0.55	1.39
(1,428)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	2	1.38	0.68	1.38
(2,610)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	2	1.36	0.44	1.36
(2,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	2	1.29	0.75	1.29
(4,2827)	1:82:A:PHE:HD1	1:134:A:THR:HG21	2	1.28	0.08	1.28
(4,2827)	1:82:A:PHE:HD1	1:134:A:THR:HG22	2	1.28	0.08	1.28
(4,2827)	1:82:A:PHE:HD1	1:134:A:THR:HG23	2	1.28	0.08	1.28
(4,2827)	1:82:A:PHE:HD2	1:134:A:THR:HG21	2	1.28	0.08	1.28
(4,2827)	1:82:A:PHE:HD2	1:134:A:THR:HG22	2	1.28	0.08	1.28
(4,2827)	1:82:A:PHE:HD2	1:134:A:THR:HG23	2	1.28	0.08	1.28
(4,1310)	1:86:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD11	2	1.28	0.26	1.28
(4,1310)	1:86:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD12	2	1.28	0.26	1.28
(4,1310)	1:86:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD13	2	1.28	0.26	1.28
(1,393)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	2	1.21	0.03	1.21
(1,229)	1:187:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	2	1.2	0.68	1.2
(1,402)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	2	1.18	0.16	1.18
(4,1696)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:HG21	2	1.18	0.37	1.18
(4,1696)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:HG22	2	1.18	0.37	1.18
(4,1696)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:HG23	2	1.18	0.37	1.18
(4,1272)	1:71:A:GLN:HG2	1:73:A:ILE:H	2	1.18	0.29	1.18
(4,1272)	1:71:A:GLN:HG3	1:73:A:ILE:H	2	1.18	0.29	1.18
(2,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	2	1.17	0.95	1.17
(4,112)	1:170:A:TYR:H	1:180:A:LEU:HD11	2	1.17	0.09	1.17
(4,112)	1:170:A:TYR:H	1:180:A:LEU:HD12	2	1.17	0.09	1.17
(4,112)	1:170:A:TYR:H	1:180:A:LEU:HD13	2	1.17	0.09	1.17
(4,112)	1:170:A:TYR:H	1:180:A:LEU:HD21	2	1.17	0.09	1.17
(4,112)	1:170:A:TYR:H	1:180:A:LEU:HD22	2	1.17	0.09	1.17
(4,112)	1:170:A:TYR:H	1:180:A:LEU:HD23	2	1.17	0.09	1.17
(4,3509)	1:55:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HB2	2	1.17	0.09	1.17
(4,3509)	1:55:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HB3	2	1.17	0.09	1.17
(4,3509)	1:55:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HB2	2	1.17	0.09	1.17
(4,3509)	1:55:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HB3	2	1.17	0.09	1.17
(4,3509)	1:55:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HB2	2	1.17	0.09	1.17
(4,3509)	1:55:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HB3	2	1.17	0.09	1.17
(5,794)	1:5:A:ASN:ND2	1:36:A:ILE:H	2	1.15	0.98	1.15
(4,218)	1:144:A:GLU:HB2	1:145:A:ASN:HD21	2	1.14	0.4	1.14
(4,218)	1:144:A:GLU:HB2	1:145:A:ASN:HD22	2	1.14	0.4	1.14
(4,218)	1:144:A:GLU:HB3	1:145:A:ASN:HD21	2	1.14	0.4	1.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,218)	1:144:A:GLU:HB3	1:145:A:ASN:HD22	2	1.14	0.4	1.14
(4,1641)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:HB2	2	1.13	0.12	1.13
(4,1641)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:HB3	2	1.13	0.12	1.13
(4,3703)	1:165:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	2	1.11	0.3	1.11
(4,3703)	1:165:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	2	1.11	0.3	1.11
(4,3703)	1:165:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	2	1.11	0.3	1.11
(4,3703)	1:165:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	2	1.11	0.3	1.11
(4,3703)	1:165:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	2	1.11	0.3	1.11
(4,3703)	1:165:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	2	1.11	0.3	1.11
(1,177)	1:204:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	2	1.1	1.0	1.1
(4,4196)	1:165:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	2	1.1	0.26	1.1
(4,4196)	1:165:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	2	1.1	0.26	1.1
(4,4196)	1:165:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	2	1.1	0.26	1.1
(4,4196)	1:165:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	2	1.1	0.26	1.1
(4,4196)	1:165:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	2	1.1	0.26	1.1
(4,4196)	1:165:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	2	1.1	0.26	1.1
(4,2110)	1:57:A:LEU:HD21	1:214:A:TYR:HD1	2	1.08	0.58	1.08
(4,2110)	1:57:A:LEU:HD21	1:214:A:TYR:HD2	2	1.08	0.58	1.08
(4,2110)	1:57:A:LEU:HD22	1:214:A:TYR:HD1	2	1.08	0.58	1.08
(4,2110)	1:57:A:LEU:HD22	1:214:A:TYR:HD2	2	1.08	0.58	1.08
(4,2110)	1:57:A:LEU:HD23	1:214:A:TYR:HD1	2	1.08	0.58	1.08
(4,2110)	1:57:A:LEU:HD23	1:214:A:TYR:HD2	2	1.08	0.58	1.08
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:HB2	2	1.08	0.22	1.08
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:HB3	2	1.08	0.22	1.08
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:HB2	2	1.08	0.22	1.08
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:HB3	2	1.08	0.22	1.08
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:HB2	2	1.08	0.22	1.08
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:HB3	2	1.08	0.22	1.08
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:HB2	2	1.08	0.22	1.08
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:HB3	2	1.08	0.22	1.08
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:HB2	2	1.08	0.22	1.08
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:HB3	2	1.08	0.22	1.08
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:HB2	2	1.08	0.22	1.08
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:HB3	2	1.08	0.22	1.08
(4,415)	1:95:A:ILE:HB	1:96:A:LEU:HD11	2	1.06	0.2	1.06
(4,415)	1:95:A:ILE:HB	1:96:A:LEU:HD12	2	1.06	0.2	1.06
(4,415)	1:95:A:ILE:HB	1:96:A:LEU:HD13	2	1.06	0.2	1.06
(4,415)	1:95:A:ILE:HB	1:96:A:LEU:HD21	2	1.06	0.2	1.06
(4,415)	1:95:A:ILE:HB	1:96:A:LEU:HD22	2	1.06	0.2	1.06
(4,415)	1:95:A:ILE:HB	1:96:A:LEU:HD23	2	1.06	0.2	1.06
(4,805)	1:48:A:LEU:HD11	1:50:A:ARG:H	2	1.02	0.01	1.02
(4,805)	1:48:A:LEU:HD12	1:50:A:ARG:H	2	1.02	0.01	1.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,805)	1:48:A:LEU:HD13	1:50:A:ARG:H	2	1.02	0.01	1.02
(4,805)	1:48:A:LEU:HD21	1:50:A:ARG:H	2	1.02	0.01	1.02
(4,805)	1:48:A:LEU:HD22	1:50:A:ARG:H	2	1.02	0.01	1.02
(4,805)	1:48:A:LEU:HD23	1:50:A:ARG:H	2	1.02	0.01	1.02
(4,884)	1:94:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HD11	2	1.01	0.12	1.01
(4,884)	1:94:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HD12	2	1.01	0.12	1.01
(4,884)	1:94:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HD13	2	1.01	0.12	1.01
(4,1549)	1:92:A:LEU:HD11	1:138:A:VAL:HA	2	1.0	0.45	1.0
(4,1549)	1:92:A:LEU:HD12	1:138:A:VAL:HA	2	1.0	0.45	1.0
(4,1549)	1:92:A:LEU:HD13	1:138:A:VAL:HA	2	1.0	0.45	1.0
(4,1549)	1:92:A:LEU:HD21	1:138:A:VAL:HA	2	1.0	0.45	1.0
(4,1549)	1:92:A:LEU:HD22	1:138:A:VAL:HA	2	1.0	0.45	1.0
(4,1549)	1:92:A:LEU:HD23	1:138:A:VAL:HA	2	1.0	0.45	1.0
(4,418)	1:14:A:ASN:H	1:16:A:GLU:H	2	0.98	0.64	0.98
(1,550)	1:5:A:ASN:ND2	1:154:A:SER:H	2	0.98	0.15	0.98
(4,400)	1:221:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG21	2	0.98	0.09	0.98
(4,400)	1:221:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG22	2	0.98	0.09	0.98
(4,400)	1:221:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG23	2	0.98	0.09	0.98
(4,3547)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HD11	2	0.98	0.64	0.98
(4,3547)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HD12	2	0.98	0.64	0.98
(4,3547)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HD13	2	0.98	0.64	0.98
(4,3081)	1:219:A:ASN:HD21	1:220:A:GLU:HB2	2	0.97	0.12	0.97
(4,3081)	1:219:A:ASN:HD21	1:220:A:GLU:HB3	2	0.97	0.12	0.97
(4,3081)	1:219:A:ASN:HD22	1:220:A:GLU:HB2	2	0.97	0.12	0.97
(4,3081)	1:219:A:ASN:HD22	1:220:A:GLU:HB3	2	0.97	0.12	0.97
(4,3252)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD11	2	0.97	0.03	0.97
(4,3252)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD12	2	0.97	0.03	0.97
(4,3252)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD13	2	0.97	0.03	0.97
(4,1938)	1:18:A:PHE:HE1	1:94:A:ALA:HB1	2	0.94	0.18	0.94
(4,1938)	1:18:A:PHE:HE1	1:94:A:ALA:HB2	2	0.94	0.18	0.94
(4,1938)	1:18:A:PHE:HE1	1:94:A:ALA:HB3	2	0.94	0.18	0.94
(4,1938)	1:18:A:PHE:HE2	1:94:A:ALA:HB1	2	0.94	0.18	0.94
(4,1938)	1:18:A:PHE:HE2	1:94:A:ALA:HB2	2	0.94	0.18	0.94
(4,1938)	1:18:A:PHE:HE2	1:94:A:ALA:HB3	2	0.94	0.18	0.94
(4,1727)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG11	2	0.94	0.36	0.94
(4,1727)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG12	2	0.94	0.36	0.94
(4,1727)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG13	2	0.94	0.36	0.94
(4,1727)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG11	2	0.94	0.36	0.94
(4,1727)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG12	2	0.94	0.36	0.94
(4,1727)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG13	2	0.94	0.36	0.94
(4,2439)	1:79:A:VAL:HG21	1:188:A:PRO:HB2	2	0.94	0.21	0.94
(4,2439)	1:79:A:VAL:HG22	1:188:A:PRO:HB2	2	0.94	0.21	0.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2439)	1:79:A:VAL:HG23	1:188:A:PRO:HB2	2	0.94	0.21	0.94
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:HD2	2	0.94	0.12	0.94
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:HD3	2	0.94	0.12	0.94
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:HD2	2	0.94	0.12	0.94
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:HD3	2	0.94	0.12	0.94
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:HD2	2	0.94	0.12	0.94
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:HD3	2	0.94	0.12	0.94
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:HD2	2	0.94	0.12	0.94
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:HD3	2	0.94	0.12	0.94
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:HD2	2	0.94	0.12	0.94
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:HD3	2	0.94	0.12	0.94
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:HD2	2	0.94	0.12	0.94
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:HD3	2	0.94	0.12	0.94
(4,1341)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:HD21	2	0.93	0.38	0.93
(4,1341)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:HD22	2	0.93	0.38	0.93
(4,1341)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:HD23	2	0.93	0.38	0.93
(4,2801)	1:39:A:LEU:H	1:45:A:LEU:HD11	2	0.93	0.19	0.93
(4,2801)	1:39:A:LEU:H	1:45:A:LEU:HD12	2	0.93	0.19	0.93
(4,2801)	1:39:A:LEU:H	1:45:A:LEU:HD13	2	0.93	0.19	0.93
(4,2801)	1:39:A:LEU:H	1:45:A:LEU:HD21	2	0.93	0.19	0.93
(4,2801)	1:39:A:LEU:H	1:45:A:LEU:HD22	2	0.93	0.19	0.93
(4,2801)	1:39:A:LEU:H	1:45:A:LEU:HD23	2	0.93	0.19	0.93
(1,118)	1:225:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	2	0.92	0.21	0.92
(4,2693)	1:18:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD11	2	0.91	0.21	0.91
(4,2693)	1:18:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD12	2	0.91	0.21	0.91
(4,2693)	1:18:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD13	2	0.91	0.21	0.91
(4,949)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG21	2	0.9	0.03	0.9
(4,949)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG22	2	0.9	0.03	0.9
(4,949)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG23	2	0.9	0.03	0.9
(4,2948)	1:25:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	2	0.9	0.15	0.9
(4,2948)	1:25:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	2	0.9	0.15	0.9
(4,2948)	1:25:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	2	0.9	0.15	0.9
(4,3768)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD11	2	0.9	0.17	0.9
(4,3768)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD12	2	0.9	0.17	0.9
(4,3768)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD13	2	0.9	0.17	0.9
(4,3794)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HE21	2	0.88	0.18	0.88
(4,3794)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HE21	2	0.88	0.18	0.88
(4,3794)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HE21	2	0.88	0.18	0.88
(4,571)	1:79:A:VAL:HG11	1:101:A:ASN:HD21	2	0.86	0.01	0.86
(4,571)	1:79:A:VAL:HG11	1:101:A:ASN:HD22	2	0.86	0.01	0.86
(4,571)	1:79:A:VAL:HG12	1:101:A:ASN:HD21	2	0.86	0.01	0.86
(4,571)	1:79:A:VAL:HG12	1:101:A:ASN:HD22	2	0.86	0.01	0.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,571)	1:79:A:VAL:HG13	1:101:A:ASN:HD21	2	0.86	0.01	0.86
(4,571)	1:79:A:VAL:HG13	1:101:A:ASN:HD22	2	0.86	0.01	0.86
(1,106)	1:190:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	2	0.86	0.72	0.86
(1,206)	1:186:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	2	0.86	0.74	0.86
(4,123)	1:144:A:GLU:H	1:145:A:ASN:HD21	2	0.83	0.3	0.83
(1,148)	1:70:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	2	0.81	0.55	0.81
(4,2490)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD11	2	0.81	0.1	0.81
(4,2490)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD12	2	0.81	0.1	0.81
(4,2490)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD13	2	0.81	0.1	0.81
(4,4032)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD21	2	0.81	0.66	0.81
(4,4032)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD22	2	0.81	0.66	0.81
(4,4032)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD23	2	0.81	0.66	0.81
(4,4032)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD21	2	0.81	0.66	0.81
(4,4032)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD22	2	0.81	0.66	0.81
(4,4032)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD23	2	0.81	0.66	0.81
(4,4119)	1:59:A:PHE:HA	1:225:A:ASN:HB2	2	0.8	0.62	0.8
(4,4119)	1:59:A:PHE:HA	1:225:A:ASN:HB3	2	0.8	0.62	0.8
(5,305)	1:9:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	2	0.8	0.16	0.8
(1,139)	1:202:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	2	0.8	0.68	0.8
(4,39)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:HD11	2	0.8	0.11	0.8
(4,39)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:HD12	2	0.8	0.11	0.8
(4,39)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:HD13	2	0.8	0.11	0.8
(4,1349)	1:169:A:THR:HB	1:180:A:LEU:H	2	0.78	0.01	0.78
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD11	1:189:A:LEU:HD11	2	0.78	0.23	0.78
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD11	1:189:A:LEU:HD12	2	0.78	0.23	0.78
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD11	1:189:A:LEU:HD13	2	0.78	0.23	0.78
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD11	1:189:A:LEU:HD21	2	0.78	0.23	0.78
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD11	1:189:A:LEU:HD22	2	0.78	0.23	0.78
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD11	1:189:A:LEU:HD23	2	0.78	0.23	0.78
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD12	1:189:A:LEU:HD11	2	0.78	0.23	0.78
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD12	1:189:A:LEU:HD12	2	0.78	0.23	0.78
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD12	1:189:A:LEU:HD13	2	0.78	0.23	0.78
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD12	1:189:A:LEU:HD21	2	0.78	0.23	0.78
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD12	1:189:A:LEU:HD22	2	0.78	0.23	0.78
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD12	1:189:A:LEU:HD23	2	0.78	0.23	0.78
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD13	1:189:A:LEU:HD11	2	0.78	0.23	0.78
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD13	1:189:A:LEU:HD12	2	0.78	0.23	0.78
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD13	1:189:A:LEU:HD13	2	0.78	0.23	0.78
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD13	1:189:A:LEU:HD21	2	0.78	0.23	0.78
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD13	1:189:A:LEU:HD22	2	0.78	0.23	0.78
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD13	1:189:A:LEU:HD23	2	0.78	0.23	0.78
(4,2090)	1:55:A:ILE:HD11	1:202:A:ILE:CD1	2	0.78	0.15	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2090)	1:55:A:ILE:HD12	1:202:A:ILE:CD1	2	0.78	0.15	0.78
(4,2090)	1:55:A:ILE:HD13	1:202:A:ILE:CD1	2	0.78	0.15	0.78
(4,3268)	1:210:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD1	2	0.78	0.05	0.78
(4,3268)	1:210:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD2	2	0.78	0.05	0.78
(4,3268)	1:210:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD1	2	0.78	0.05	0.78
(4,3268)	1:210:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD2	2	0.78	0.05	0.78
(4,3678)	1:45:A:LEU:HD11	1:200:A:ASP:H	2	0.78	0.43	0.78
(4,3678)	1:45:A:LEU:HD12	1:200:A:ASP:H	2	0.78	0.43	0.78
(4,3678)	1:45:A:LEU:HD13	1:200:A:ASP:H	2	0.78	0.43	0.78
(4,3678)	1:45:A:LEU:HD21	1:200:A:ASP:H	2	0.78	0.43	0.78
(4,3678)	1:45:A:LEU:HD22	1:200:A:ASP:H	2	0.78	0.43	0.78
(4,3678)	1:45:A:LEU:HD23	1:200:A:ASP:H	2	0.78	0.43	0.78
(4,3568)	1:33:A:TYR:HD1	1:229:A:LEU:HD21	2	0.78	0.12	0.78
(4,3568)	1:33:A:TYR:HD1	1:229:A:LEU:HD22	2	0.78	0.12	0.78
(4,3568)	1:33:A:TYR:HD1	1:229:A:LEU:HD23	2	0.78	0.12	0.78
(4,3568)	1:33:A:TYR:HD2	1:229:A:LEU:HD21	2	0.78	0.12	0.78
(4,3568)	1:33:A:TYR:HD2	1:229:A:LEU:HD22	2	0.78	0.12	0.78
(4,3568)	1:33:A:TYR:HD2	1:229:A:LEU:HD23	2	0.78	0.12	0.78
(4,126)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:HD11	2	0.76	0.56	0.76
(4,126)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:HD12	2	0.76	0.56	0.76
(4,126)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:HD13	2	0.76	0.56	0.76
(4,126)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:HD11	2	0.76	0.56	0.76
(4,126)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:HD12	2	0.76	0.56	0.76
(4,126)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:HD13	2	0.76	0.56	0.76
(4,126)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:HD11	2	0.76	0.56	0.76
(4,126)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:HD12	2	0.76	0.56	0.76
(4,126)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:HD13	2	0.76	0.56	0.76
(4,958)	1:31:A:TRP:HA	1:231:A:LEU:HD11	2	0.76	0.05	0.76
(4,958)	1:31:A:TRP:HA	1:231:A:LEU:HD12	2	0.76	0.05	0.76
(4,958)	1:31:A:TRP:HA	1:231:A:LEU:HD13	2	0.76	0.05	0.76
(4,958)	1:31:A:TRP:HA	1:231:A:LEU:HD21	2	0.76	0.05	0.76
(4,958)	1:31:A:TRP:HA	1:231:A:LEU:HD22	2	0.76	0.05	0.76
(4,958)	1:31:A:TRP:HA	1:231:A:LEU:HD23	2	0.76	0.05	0.76
(4,1060)	1:36:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:H	2	0.76	0.08	0.76
(4,1060)	1:36:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:H	2	0.76	0.08	0.76
(4,1060)	1:36:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:H	2	0.76	0.08	0.76
(4,1407)	1:25:A:LEU:HD11	1:96:A:LEU:H	2	0.75	0.34	0.75
(4,1407)	1:25:A:LEU:HD12	1:96:A:LEU:H	2	0.75	0.34	0.75
(4,1407)	1:25:A:LEU:HD13	1:96:A:LEU:H	2	0.75	0.34	0.75
(4,1407)	1:25:A:LEU:HD21	1:96:A:LEU:H	2	0.75	0.34	0.75
(4,1407)	1:25:A:LEU:HD22	1:96:A:LEU:H	2	0.75	0.34	0.75
(4,1407)	1:25:A:LEU:HD23	1:96:A:LEU:H	2	0.75	0.34	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,310)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	2	0.74	0.6	0.74
(4,2009)	1:80:A:ILE:H	1:180:A:LEU:HD11	2	0.72	0.04	0.72
(4,2009)	1:80:A:ILE:H	1:180:A:LEU:HD12	2	0.72	0.04	0.72
(4,2009)	1:80:A:ILE:H	1:180:A:LEU:HD13	2	0.72	0.04	0.72
(4,2009)	1:80:A:ILE:H	1:180:A:LEU:HD21	2	0.72	0.04	0.72
(4,2009)	1:80:A:ILE:H	1:180:A:LEU:HD22	2	0.72	0.04	0.72
(4,2009)	1:80:A:ILE:H	1:180:A:LEU:HD23	2	0.72	0.04	0.72
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD11	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD12	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD13	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD21	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD22	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD23	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD11	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD12	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD13	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD21	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD22	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD23	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD11	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD12	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD13	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD21	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD22	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD23	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD11	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD12	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD13	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD21	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD22	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD23	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD11	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD12	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD13	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD21	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD22	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD23	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD11	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD12	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD13	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD21	2	0.68	0.22	0.68
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD22	2	0.68	0.22	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD23	2	0.68	0.22	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD11	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD12	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD13	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD21	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD22	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD23	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD11	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD12	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD13	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD21	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD22	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD23	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD11	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD12	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD13	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD21	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD22	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD23	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD11	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD12	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD13	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD21	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD22	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD23	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD11	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD12	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD13	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD21	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD22	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD23	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD11	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD12	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD13	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD21	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD22	2	0.68	0.25	0.68
(4,26)	1:27:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD23	2	0.68	0.25	0.68
(4,2227)	1:57:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:HG2	2	0.68	0.03	0.68
(4,2227)	1:57:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:HG3	2	0.68	0.03	0.68
(4,2227)	1:57:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:HG2	2	0.68	0.03	0.68
(4,2227)	1:57:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:HG3	2	0.68	0.03	0.68
(4,2227)	1:57:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:HG2	2	0.68	0.03	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2227)	1:57:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:HG3	2	0.68	0.03	0.68
(1,386)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	2	0.67	0.02	0.67
(4,2071)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD11	2	0.66	0.22	0.66
(4,2071)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD12	2	0.66	0.22	0.66
(4,2071)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD13	2	0.66	0.22	0.66
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG2	1:206:A:LEU:HD11	2	0.66	0.32	0.66
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG2	1:206:A:LEU:HD12	2	0.66	0.32	0.66
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG2	1:206:A:LEU:HD13	2	0.66	0.32	0.66
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG2	1:206:A:LEU:HD21	2	0.66	0.32	0.66
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG2	1:206:A:LEU:HD22	2	0.66	0.32	0.66
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG2	1:206:A:LEU:HD23	2	0.66	0.32	0.66
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG3	1:206:A:LEU:HD11	2	0.66	0.32	0.66
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG3	1:206:A:LEU:HD12	2	0.66	0.32	0.66
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG3	1:206:A:LEU:HD13	2	0.66	0.32	0.66
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG3	1:206:A:LEU:HD21	2	0.66	0.32	0.66
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG3	1:206:A:LEU:HD22	2	0.66	0.32	0.66
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG3	1:206:A:LEU:HD23	2	0.66	0.32	0.66
(4,209)	1:99:A:LEU:H	1:231:A:LEU:HD11	2	0.66	0.26	0.66
(4,209)	1:99:A:LEU:H	1:231:A:LEU:HD12	2	0.66	0.26	0.66
(4,209)	1:99:A:LEU:H	1:231:A:LEU:HD13	2	0.66	0.26	0.66
(4,209)	1:99:A:LEU:H	1:231:A:LEU:HD21	2	0.66	0.26	0.66
(4,209)	1:99:A:LEU:H	1:231:A:LEU:HD22	2	0.66	0.26	0.66
(4,209)	1:99:A:LEU:H	1:231:A:LEU:HD23	2	0.66	0.26	0.66
(4,1090)	1:192:A:GLY:HA3	1:206:A:LEU:HD21	2	0.66	0.36	0.66
(4,1090)	1:192:A:GLY:HA3	1:206:A:LEU:HD22	2	0.66	0.36	0.66
(4,1090)	1:192:A:GLY:HA3	1:206:A:LEU:HD23	2	0.66	0.36	0.66
(4,1918)	1:39:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:HA	2	0.66	0.52	0.66
(4,1918)	1:39:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:HA	2	0.66	0.52	0.66
(4,1918)	1:39:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:HA	2	0.66	0.52	0.66
(4,1918)	1:39:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:HA	2	0.66	0.52	0.66
(4,1918)	1:39:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:HA	2	0.66	0.52	0.66
(4,1918)	1:39:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:HA	2	0.66	0.52	0.66
(1,33)	1:34:A:PHE:H	1:104:A:SER:OG	2	0.65	0.24	0.65
(4,1251)	1:147:A:GLN:HA	1:149:A:PHE:H	2	0.65	0.53	0.65
(4,1987)	1:92:A:LEU:HA	1:95:A:ILE:HD11	2	0.64	0.1	0.64
(4,1987)	1:92:A:LEU:HA	1:95:A:ILE:HD12	2	0.64	0.1	0.64
(4,1987)	1:92:A:LEU:HA	1:95:A:ILE:HD13	2	0.64	0.1	0.64
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB1	1:171:A:VAL:HG21	2	0.64	0.3	0.64
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB1	1:171:A:VAL:HG22	2	0.64	0.3	0.64
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB1	1:171:A:VAL:HG23	2	0.64	0.3	0.64
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB2	1:171:A:VAL:HG21	2	0.64	0.3	0.64
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB2	1:171:A:VAL:HG22	2	0.64	0.3	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB2	1:171:A:VAL:HG23	2	0.64	0.3	0.64
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB3	1:171:A:VAL:HG21	2	0.64	0.3	0.64
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB3	1:171:A:VAL:HG22	2	0.64	0.3	0.64
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB3	1:171:A:VAL:HG23	2	0.64	0.3	0.64
(4,242)	1:177:A:ILE:HB	1:206:A:LEU:HD11	2	0.63	0.47	0.63
(4,242)	1:177:A:ILE:HB	1:206:A:LEU:HD12	2	0.63	0.47	0.63
(4,242)	1:177:A:ILE:HB	1:206:A:LEU:HD13	2	0.63	0.47	0.63
(4,242)	1:177:A:ILE:HB	1:206:A:LEU:HD21	2	0.63	0.47	0.63
(4,242)	1:177:A:ILE:HB	1:206:A:LEU:HD22	2	0.63	0.47	0.63
(4,242)	1:177:A:ILE:HB	1:206:A:LEU:HD23	2	0.63	0.47	0.63
(2,529)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	2	0.62	0.3	0.62
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD11	2	0.62	0.3	0.62
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD12	2	0.62	0.3	0.62
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD13	2	0.62	0.3	0.62
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD11	2	0.62	0.3	0.62
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD12	2	0.62	0.3	0.62
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD13	2	0.62	0.3	0.62
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD11	2	0.62	0.3	0.62
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD12	2	0.62	0.3	0.62
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD13	2	0.62	0.3	0.62
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB2	1:206:A:LEU:HD11	2	0.62	0.12	0.62
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB2	1:206:A:LEU:HD12	2	0.62	0.12	0.62
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB2	1:206:A:LEU:HD13	2	0.62	0.12	0.62
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB2	1:206:A:LEU:HD21	2	0.62	0.12	0.62
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB2	1:206:A:LEU:HD22	2	0.62	0.12	0.62
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB2	1:206:A:LEU:HD23	2	0.62	0.12	0.62
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB3	1:206:A:LEU:HD11	2	0.62	0.12	0.62
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB3	1:206:A:LEU:HD12	2	0.62	0.12	0.62
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB3	1:206:A:LEU:HD13	2	0.62	0.12	0.62
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB3	1:206:A:LEU:HD21	2	0.62	0.12	0.62
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB3	1:206:A:LEU:HD22	2	0.62	0.12	0.62
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB3	1:206:A:LEU:HD23	2	0.62	0.12	0.62
(4,3229)	1:41:A:GLU:HB3	1:44:A:LEU:HD11	2	0.62	0.3	0.62
(4,3229)	1:41:A:GLU:HB3	1:44:A:LEU:HD12	2	0.62	0.3	0.62
(4,3229)	1:41:A:GLU:HB3	1:44:A:LEU:HD13	2	0.62	0.3	0.62
(4,494)	1:33:A:TYR:HA	1:231:A:LEU:HD11	2	0.6	0.01	0.6
(4,494)	1:33:A:TYR:HA	1:231:A:LEU:HD12	2	0.6	0.01	0.6
(4,494)	1:33:A:TYR:HA	1:231:A:LEU:HD13	2	0.6	0.01	0.6
(4,494)	1:33:A:TYR:HA	1:231:A:LEU:HD21	2	0.6	0.01	0.6
(4,494)	1:33:A:TYR:HA	1:231:A:LEU:HD22	2	0.6	0.01	0.6
(4,494)	1:33:A:TYR:HA	1:231:A:LEU:HD23	2	0.6	0.01	0.6
(4,3832)	1:64:A:ASP:H	1:217:A:ASN:HB2	2	0.6	0.1	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3832)	1:64:A:ASP:H	1:217:A:ASN:HB3	2	0.6	0.1	0.6
(4,4140)	1:110:A:SER:H	1:110:A:SER:HG	2	0.6	0.03	0.6
(4,1006)	1:17:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:H	2	0.58	0.23	0.58
(4,1006)	1:17:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:H	2	0.58	0.23	0.58
(4,1006)	1:17:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:H	2	0.58	0.23	0.58
(4,1006)	1:17:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:H	2	0.58	0.23	0.58
(4,1006)	1:17:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:H	2	0.58	0.23	0.58
(4,1006)	1:17:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:H	2	0.58	0.23	0.58
(4,4304)	1:86:A:VAL:H	1:89:A:ALA:HB1	2	0.58	0.02	0.58
(4,4304)	1:86:A:VAL:H	1:89:A:ALA:HB2	2	0.58	0.02	0.58
(4,4304)	1:86:A:VAL:H	1:89:A:ALA:HB3	2	0.58	0.02	0.58
(4,722)	1:27:A:LEU:HA	1:106:A:LEU:HD11	2	0.57	0.11	0.57
(4,722)	1:27:A:LEU:HA	1:106:A:LEU:HD12	2	0.57	0.11	0.57
(4,722)	1:27:A:LEU:HA	1:106:A:LEU:HD13	2	0.57	0.11	0.57
(4,722)	1:27:A:LEU:HA	1:106:A:LEU:HD21	2	0.57	0.11	0.57
(4,722)	1:27:A:LEU:HA	1:106:A:LEU:HD22	2	0.57	0.11	0.57
(4,722)	1:27:A:LEU:HA	1:106:A:LEU:HD23	2	0.57	0.11	0.57
(4,760)	1:57:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:CD1	2	0.57	0.47	0.57
(4,760)	1:57:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:CD1	2	0.57	0.47	0.57
(4,760)	1:57:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:CD1	2	0.57	0.47	0.57
(4,760)	1:57:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:CD1	2	0.57	0.47	0.57
(4,760)	1:57:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:CD1	2	0.57	0.47	0.57
(4,760)	1:57:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:CD1	2	0.57	0.47	0.57
(4,1416)	1:21:A:PHE:HB2	1:95:A:ILE:HD11	2	0.57	0.41	0.57
(4,1416)	1:21:A:PHE:HB2	1:95:A:ILE:HD12	2	0.57	0.41	0.57
(4,1416)	1:21:A:PHE:HB2	1:95:A:ILE:HD13	2	0.57	0.41	0.57
(4,3021)	1:15:A:PRO:HG2	1:35:A:ASP:HB3	2	0.57	0.14	0.57
(4,3021)	1:15:A:PRO:HG3	1:35:A:ASP:HB3	2	0.57	0.14	0.57
(4,566)	1:79:A:VAL:HB	1:101:A:ASN:HD21	2	0.55	0.02	0.55
(4,566)	1:79:A:VAL:HB	1:101:A:ASN:HD22	2	0.55	0.02	0.55
(4,2802)	1:57:A:LEU:HD21	1:59:A:PHE:HD1	2	0.55	0.09	0.55
(4,2802)	1:57:A:LEU:HD21	1:59:A:PHE:HD2	2	0.55	0.09	0.55
(4,2802)	1:57:A:LEU:HD22	1:59:A:PHE:HD1	2	0.55	0.09	0.55
(4,2802)	1:57:A:LEU:HD22	1:59:A:PHE:HD2	2	0.55	0.09	0.55
(4,2802)	1:57:A:LEU:HD23	1:59:A:PHE:HD1	2	0.55	0.09	0.55
(4,2802)	1:57:A:LEU:HD23	1:59:A:PHE:HD2	2	0.55	0.09	0.55
(4,506)	1:22:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD11	2	0.55	0.01	0.55
(4,506)	1:22:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD12	2	0.55	0.01	0.55
(4,506)	1:22:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD13	2	0.55	0.01	0.55
(4,506)	1:22:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD11	2	0.55	0.01	0.55
(4,506)	1:22:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD12	2	0.55	0.01	0.55
(4,506)	1:22:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD13	2	0.55	0.01	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,506)	1:22:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD11	2	0.55	0.01	0.55
(4,506)	1:22:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD12	2	0.55	0.01	0.55
(4,506)	1:22:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD13	2	0.55	0.01	0.55
(4,3048)	1:179:A:GLU:HB2	1:189:A:LEU:H	2	0.54	0.24	0.54
(4,3048)	1:179:A:GLU:HB3	1:189:A:LEU:H	2	0.54	0.24	0.54
(4,2730)	1:126:A:LYS:H	1:127:A:ASN:HB2	2	0.54	0.15	0.54
(4,2730)	1:126:A:LYS:H	1:127:A:ASN:HB3	2	0.54	0.15	0.54
(4,2048)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HD11	2	0.52	0.3	0.52
(4,2048)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HD12	2	0.52	0.3	0.52
(4,2048)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HD13	2	0.52	0.3	0.52
(4,1569)	1:45:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	2	0.52	0.38	0.52
(4,1569)	1:45:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	2	0.52	0.38	0.52
(4,1569)	1:45:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	2	0.52	0.38	0.52
(4,1884)	1:38:A:SER:HB2	1:44:A:LEU:H	2	0.52	0.04	0.52
(4,1884)	1:38:A:SER:HB3	1:44:A:LEU:H	2	0.52	0.04	0.52
(4,2614)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HD1	2	0.52	0.15	0.52
(4,2614)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HD2	2	0.52	0.15	0.52
(4,2929)	1:87:A:LYS:H	1:89:A:ALA:HB1	2	0.52	0.04	0.52
(4,2929)	1:87:A:LYS:H	1:89:A:ALA:HB2	2	0.52	0.04	0.52
(4,2929)	1:87:A:LYS:H	1:89:A:ALA:HB3	2	0.52	0.04	0.52
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG2	1:116:A:LEU:HD11	2	0.52	0.22	0.52
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG2	1:116:A:LEU:HD12	2	0.52	0.22	0.52
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG2	1:116:A:LEU:HD13	2	0.52	0.22	0.52
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG2	1:116:A:LEU:HD21	2	0.52	0.22	0.52
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG2	1:116:A:LEU:HD22	2	0.52	0.22	0.52
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG2	1:116:A:LEU:HD23	2	0.52	0.22	0.52
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG3	1:116:A:LEU:HD11	2	0.52	0.22	0.52
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG3	1:116:A:LEU:HD12	2	0.52	0.22	0.52
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG3	1:116:A:LEU:HD13	2	0.52	0.22	0.52
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG3	1:116:A:LEU:HD21	2	0.52	0.22	0.52
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG3	1:116:A:LEU:HD22	2	0.52	0.22	0.52
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG3	1:116:A:LEU:HD23	2	0.52	0.22	0.52
(4,2428)	1:136:A:GLN:HA	1:139:A:LEU:HD21	2	0.51	0.09	0.51
(4,2428)	1:136:A:GLN:HA	1:139:A:LEU:HD22	2	0.51	0.09	0.51
(4,2428)	1:136:A:GLN:HA	1:139:A:LEU:HD23	2	0.51	0.09	0.51
(4,2296)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD11	2	0.5	0.01	0.5
(4,2296)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD12	2	0.5	0.01	0.5
(4,2296)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD13	2	0.5	0.01	0.5
(5,328)	1:148:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	2	0.5	0.1	0.5
(4,674)	1:139:A:LEU:HA	1:142:A:ILE:HD11	2	0.5	0.05	0.5
(4,674)	1:139:A:LEU:HA	1:142:A:ILE:HD12	2	0.5	0.05	0.5
(4,674)	1:139:A:LEU:HA	1:142:A:ILE:HD13	2	0.5	0.05	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3285)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:HD11	2	0.49	0.37	0.49
(4,3285)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:HD12	2	0.49	0.37	0.49
(4,3285)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:HD13	2	0.49	0.37	0.49
(4,3285)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:HD21	2	0.49	0.37	0.49
(4,3285)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:HD22	2	0.49	0.37	0.49
(4,3285)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:HD23	2	0.49	0.37	0.49
(4,3908)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD11	2	0.48	0.21	0.48
(4,3908)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD12	2	0.48	0.21	0.48
(4,3908)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD13	2	0.48	0.21	0.48
(4,3908)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD21	2	0.48	0.21	0.48
(4,3908)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD22	2	0.48	0.21	0.48
(4,3908)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD23	2	0.48	0.21	0.48
(4,98)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HB2	2	0.45	0.22	0.45
(4,98)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HB3	2	0.45	0.22	0.45
(4,98)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HB2	2	0.45	0.22	0.45
(4,98)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HB3	2	0.45	0.22	0.45
(4,520)	1:137:A:PHE:HB3	1:139:A:LEU:H	2	0.45	0.16	0.45
(4,618)	1:78:A:ASP:HB2	1:173:A:GLU:HG2	2	0.44	0.2	0.44
(4,618)	1:78:A:ASP:HB2	1:173:A:GLU:HG3	2	0.44	0.2	0.44
(4,618)	1:78:A:ASP:HB3	1:173:A:GLU:HG2	2	0.44	0.2	0.44
(4,618)	1:78:A:ASP:HB3	1:173:A:GLU:HG3	2	0.44	0.2	0.44
(4,250)	1:57:A:LEU:HD11	1:210:A:ARG:HG2	2	0.43	0.23	0.43
(4,250)	1:57:A:LEU:HD11	1:210:A:ARG:HG3	2	0.43	0.23	0.43
(4,250)	1:57:A:LEU:HD12	1:210:A:ARG:HG2	2	0.43	0.23	0.43
(4,250)	1:57:A:LEU:HD12	1:210:A:ARG:HG3	2	0.43	0.23	0.43
(4,250)	1:57:A:LEU:HD13	1:210:A:ARG:HG2	2	0.43	0.23	0.43
(4,250)	1:57:A:LEU:HD13	1:210:A:ARG:HG3	2	0.43	0.23	0.43
(4,250)	1:57:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:HG2	2	0.43	0.23	0.43
(4,250)	1:57:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:HG3	2	0.43	0.23	0.43
(4,250)	1:57:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:HG2	2	0.43	0.23	0.43
(4,250)	1:57:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:HG3	2	0.43	0.23	0.43
(4,250)	1:57:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:HG2	2	0.43	0.23	0.43
(4,250)	1:57:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:HG3	2	0.43	0.23	0.43
(4,421)	1:91:A:GLY:H	1:92:A:LEU:HB3	2	0.43	0.05	0.43
(4,1114)	1:214:A:TYR:HB2	1:215:A:MET:HB2	2	0.43	0.08	0.43
(4,1114)	1:214:A:TYR:HB2	1:215:A:MET:HB3	2	0.43	0.08	0.43
(4,1114)	1:214:A:TYR:HB3	1:215:A:MET:HB2	2	0.43	0.08	0.43
(4,1114)	1:214:A:TYR:HB3	1:215:A:MET:HB3	2	0.43	0.08	0.43
(4,1619)	1:219:A:ASN:HD22	1:220:A:GLU:H	2	0.43	0.08	0.43
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG11	1:55:A:ILE:HD11	2	0.42	0.32	0.42
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG11	1:55:A:ILE:HD12	2	0.42	0.32	0.42
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG11	1:55:A:ILE:HD13	2	0.42	0.32	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG12	1:55:A:ILE:HD11	2	0.42	0.32	0.42
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG12	1:55:A:ILE:HD12	2	0.42	0.32	0.42
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG12	1:55:A:ILE:HD13	2	0.42	0.32	0.42
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG13	1:55:A:ILE:HD11	2	0.42	0.32	0.42
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG13	1:55:A:ILE:HD12	2	0.42	0.32	0.42
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG13	1:55:A:ILE:HD13	2	0.42	0.32	0.42
(4,1950)	1:208:A:ARG:HA	1:212:A:ALA:HB1	2	0.42	0.32	0.42
(4,1950)	1:208:A:ARG:HA	1:212:A:ALA:HB2	2	0.42	0.32	0.42
(4,1950)	1:208:A:ARG:HA	1:212:A:ALA:HB3	2	0.42	0.32	0.42
(4,2874)	1:92:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:CG2	2	0.42	0.09	0.42
(4,2874)	1:92:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:CG2	2	0.42	0.09	0.42
(4,2874)	1:92:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:CG2	2	0.42	0.09	0.42
(4,3188)	1:118:A:SER:HB2	1:119:A:GLN:HG2	2	0.42	0.15	0.42
(4,3188)	1:118:A:SER:HB2	1:119:A:GLN:HG3	2	0.42	0.15	0.42
(4,3188)	1:118:A:SER:HB3	1:119:A:GLN:HG2	2	0.42	0.15	0.42
(4,3188)	1:118:A:SER:HB3	1:119:A:GLN:HG3	2	0.42	0.15	0.42
(4,2068)	1:65:A:ARG:HG2	1:217:A:ASN:HB2	2	0.42	0.26	0.42
(4,2068)	1:65:A:ARG:HG2	1:217:A:ASN:HB3	2	0.42	0.26	0.42
(4,2068)	1:65:A:ARG:HG3	1:217:A:ASN:HB2	2	0.42	0.26	0.42
(4,2068)	1:65:A:ARG:HG3	1:217:A:ASN:HB3	2	0.42	0.26	0.42
(4,3955)	1:106:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	2	0.42	0.15	0.42
(4,3955)	1:106:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	2	0.42	0.15	0.42
(4,3955)	1:106:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	2	0.42	0.15	0.42
(4,2270)	1:66:A:LYS:H	1:67:A:SER:HB2	2	0.42	0.18	0.42
(4,2270)	1:66:A:LYS:H	1:67:A:SER:HB3	2	0.42	0.18	0.42
(4,2928)	1:138:A:VAL:HA	1:141:A:VAL:HB	2	0.42	0.19	0.42
(4,1334)	1:221:A:GLU:HA	1:224:A:LEU:HD11	2	0.41	0.02	0.41
(4,1334)	1:221:A:GLU:HA	1:224:A:LEU:HD12	2	0.41	0.02	0.41
(4,1334)	1:221:A:GLU:HA	1:224:A:LEU:HD13	2	0.41	0.02	0.41
(4,1303)	1:106:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	2	0.4	0.26	0.4
(4,1303)	1:106:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	2	0.4	0.26	0.4
(4,1303)	1:106:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	2	0.4	0.26	0.4
(4,3923)	1:59:A:PHE:HB2	1:226:A:PHE:HD1	2	0.4	0.08	0.4
(4,3923)	1:59:A:PHE:HB2	1:226:A:PHE:HD2	2	0.4	0.08	0.4
(4,3923)	1:59:A:PHE:HB3	1:226:A:PHE:HD1	2	0.4	0.08	0.4
(4,3923)	1:59:A:PHE:HB3	1:226:A:PHE:HD2	2	0.4	0.08	0.4
(4,3446)	1:222:A:ASP:H	1:223:A:VAL:HG21	2	0.4	0.01	0.4
(4,3446)	1:222:A:ASP:H	1:223:A:VAL:HG22	2	0.4	0.01	0.4
(4,3446)	1:222:A:ASP:H	1:223:A:VAL:HG23	2	0.4	0.01	0.4
(4,1188)	1:6:A:ARG:H	1:7:A:ALA:HB1	2	0.39	0.02	0.39
(4,1188)	1:6:A:ARG:H	1:7:A:ALA:HB2	2	0.39	0.02	0.39
(4,1188)	1:6:A:ARG:H	1:7:A:ALA:HB3	2	0.39	0.02	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE1	1:229:A:LEU:HD11	2	0.37	0.16	0.37
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE1	1:229:A:LEU:HD12	2	0.37	0.16	0.37
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE1	1:229:A:LEU:HD13	2	0.37	0.16	0.37
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE1	1:229:A:LEU:HD21	2	0.37	0.16	0.37
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE1	1:229:A:LEU:HD22	2	0.37	0.16	0.37
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE1	1:229:A:LEU:HD23	2	0.37	0.16	0.37
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE2	1:229:A:LEU:HD11	2	0.37	0.16	0.37
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE2	1:229:A:LEU:HD12	2	0.37	0.16	0.37
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE2	1:229:A:LEU:HD13	2	0.37	0.16	0.37
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE2	1:229:A:LEU:HD21	2	0.37	0.16	0.37
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE2	1:229:A:LEU:HD22	2	0.37	0.16	0.37
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE2	1:229:A:LEU:HD23	2	0.37	0.16	0.37
(4,3182)	1:184:A:ASN:HD21	1:186:A:SER:H	2	0.37	0.04	0.37
(4,3182)	1:184:A:ASN:HD22	1:186:A:SER:H	2	0.37	0.04	0.37
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:HD11	2	0.36	0.21	0.36
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:HD12	2	0.36	0.21	0.36
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:HD13	2	0.36	0.21	0.36
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:HD21	2	0.36	0.21	0.36
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:HD22	2	0.36	0.21	0.36
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:HD23	2	0.36	0.21	0.36
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:HD11	2	0.36	0.21	0.36
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:HD12	2	0.36	0.21	0.36
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:HD13	2	0.36	0.21	0.36
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:HD21	2	0.36	0.21	0.36
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:HD22	2	0.36	0.21	0.36
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:HD23	2	0.36	0.21	0.36
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:HD11	2	0.36	0.21	0.36
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:HD12	2	0.36	0.21	0.36
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:HD13	2	0.36	0.21	0.36
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:HD21	2	0.36	0.21	0.36
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:HD22	2	0.36	0.21	0.36
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:HD23	2	0.36	0.21	0.36
(4,3256)	1:81:A:TRP:H	1:180:A:LEU:HD11	2	0.36	0.17	0.36
(4,3256)	1:81:A:TRP:H	1:180:A:LEU:HD12	2	0.36	0.17	0.36
(4,3256)	1:81:A:TRP:H	1:180:A:LEU:HD13	2	0.36	0.17	0.36
(4,3256)	1:81:A:TRP:H	1:180:A:LEU:HD21	2	0.36	0.17	0.36
(4,3256)	1:81:A:TRP:H	1:180:A:LEU:HD22	2	0.36	0.17	0.36
(4,3256)	1:81:A:TRP:H	1:180:A:LEU:HD23	2	0.36	0.17	0.36
(4,3804)	1:40:A:THR:H	1:45:A:LEU:HD11	2	0.36	0.23	0.36
(4,3804)	1:40:A:THR:H	1:45:A:LEU:HD12	2	0.36	0.23	0.36
(4,3804)	1:40:A:THR:H	1:45:A:LEU:HD13	2	0.36	0.23	0.36
(4,3804)	1:40:A:THR:H	1:45:A:LEU:HD21	2	0.36	0.23	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3804)	1:40:A:THR:H	1:45:A:LEU:HD22	2	0.36	0.23	0.36
(4,3804)	1:40:A:THR:H	1:45:A:LEU:HD23	2	0.36	0.23	0.36
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD11	2	0.35	0.01	0.35
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD12	2	0.35	0.01	0.35
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD13	2	0.35	0.01	0.35
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD11	2	0.35	0.01	0.35
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD12	2	0.35	0.01	0.35
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD13	2	0.35	0.01	0.35
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD11	2	0.35	0.01	0.35
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD12	2	0.35	0.01	0.35
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD13	2	0.35	0.01	0.35
(4,1302)	1:172:A:GLU:HG2	1:177:A:ILE:HD11	2	0.34	0.2	0.34
(4,1302)	1:172:A:GLU:HG2	1:177:A:ILE:HD12	2	0.34	0.2	0.34
(4,1302)	1:172:A:GLU:HG2	1:177:A:ILE:HD13	2	0.34	0.2	0.34
(4,1302)	1:172:A:GLU:HG3	1:177:A:ILE:HD11	2	0.34	0.2	0.34
(4,1302)	1:172:A:GLU:HG3	1:177:A:ILE:HD12	2	0.34	0.2	0.34
(4,1302)	1:172:A:GLU:HG3	1:177:A:ILE:HD13	2	0.34	0.2	0.34
(4,1811)	1:104:A:SER:HB2	1:106:A:LEU:H	2	0.34	0.22	0.34
(4,1811)	1:104:A:SER:HB3	1:106:A:LEU:H	2	0.34	0.22	0.34
(4,3454)	1:89:A:ALA:H	1:91:A:GLY:H	2	0.34	0.11	0.34
(4,583)	1:57:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:HG2	2	0.34	0.08	0.34
(4,583)	1:57:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:HG3	2	0.34	0.08	0.34
(4,583)	1:57:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:HG2	2	0.34	0.08	0.34
(4,583)	1:57:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:HG3	2	0.34	0.08	0.34
(4,583)	1:57:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:HG2	2	0.34	0.08	0.34
(4,583)	1:57:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:HG3	2	0.34	0.08	0.34
(4,3333)	1:177:A:ILE:HG12	1:194:A:SER:HB2	2	0.34	0.02	0.34
(4,3333)	1:177:A:ILE:HG12	1:194:A:SER:HB3	2	0.34	0.02	0.34
(4,3333)	1:177:A:ILE:HG13	1:194:A:SER:HB2	2	0.34	0.02	0.34
(4,3333)	1:177:A:ILE:HG13	1:194:A:SER:HB3	2	0.34	0.02	0.34
(4,2716)	1:55:A:ILE:HG21	1:201:A:LEU:HB3	2	0.34	0.14	0.34
(4,2716)	1:55:A:ILE:HG22	1:201:A:LEU:HB3	2	0.34	0.14	0.34
(4,2716)	1:55:A:ILE:HG23	1:201:A:LEU:HB3	2	0.34	0.14	0.34
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HG11	2	0.34	0.01	0.34
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HG12	2	0.34	0.01	0.34
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HG13	2	0.34	0.01	0.34
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HG21	2	0.34	0.01	0.34
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HG22	2	0.34	0.01	0.34
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HG23	2	0.34	0.01	0.34
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HG11	2	0.34	0.01	0.34
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HG12	2	0.34	0.01	0.34
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HG13	2	0.34	0.01	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HG21	2	0.34	0.01	0.34
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HG22	2	0.34	0.01	0.34
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HG23	2	0.34	0.01	0.34
(4,1716)	1:219:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:H	2	0.33	0.11	0.33
(4,1716)	1:219:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:H	2	0.33	0.11	0.33
(4,1197)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG11	2	0.32	0.09	0.32
(4,1197)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG12	2	0.32	0.09	0.32
(4,1197)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG13	2	0.32	0.09	0.32
(4,1197)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG11	2	0.32	0.09	0.32
(4,1197)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG12	2	0.32	0.09	0.32
(4,1197)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG13	2	0.32	0.09	0.32
(4,2192)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG11	2	0.32	0.18	0.32
(4,2192)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG12	2	0.32	0.18	0.32
(4,2192)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG13	2	0.32	0.18	0.32
(4,2192)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG21	2	0.32	0.18	0.32
(4,2192)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG22	2	0.32	0.18	0.32
(4,2192)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG23	2	0.32	0.18	0.32
(4,4049)	1:214:A:TYR:HA	1:217:A:ASN:HD22	2	0.32	0.02	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD11	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD12	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD13	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD21	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD22	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD23	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD11	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD12	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD13	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD21	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD22	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD23	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD11	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD12	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD13	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD21	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD22	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD23	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD11	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD12	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD13	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD21	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD22	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD23	2	0.32	0.01	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,16)	1:171:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD11	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD12	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD13	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD21	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD22	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD23	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD11	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD12	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD13	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD21	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD22	2	0.32	0.01	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD23	2	0.32	0.01	0.32
(4,43)	1:101:A:ASN:HB2	1:180:A:LEU:HD11	2	0.32	0.16	0.32
(4,43)	1:101:A:ASN:HB2	1:180:A:LEU:HD12	2	0.32	0.16	0.32
(4,43)	1:101:A:ASN:HB2	1:180:A:LEU:HD13	2	0.32	0.16	0.32
(4,43)	1:101:A:ASN:HB2	1:180:A:LEU:HD21	2	0.32	0.16	0.32
(4,43)	1:101:A:ASN:HB2	1:180:A:LEU:HD22	2	0.32	0.16	0.32
(4,43)	1:101:A:ASN:HB2	1:180:A:LEU:HD23	2	0.32	0.16	0.32
(4,43)	1:101:A:ASN:HB3	1:180:A:LEU:HD11	2	0.32	0.16	0.32
(4,43)	1:101:A:ASN:HB3	1:180:A:LEU:HD12	2	0.32	0.16	0.32
(4,43)	1:101:A:ASN:HB3	1:180:A:LEU:HD13	2	0.32	0.16	0.32
(4,43)	1:101:A:ASN:HB3	1:180:A:LEU:HD21	2	0.32	0.16	0.32
(4,43)	1:101:A:ASN:HB3	1:180:A:LEU:HD22	2	0.32	0.16	0.32
(4,43)	1:101:A:ASN:HB3	1:180:A:LEU:HD23	2	0.32	0.16	0.32
(4,736)	1:80:A:ILE:HD11	1:100:A:SER:HB2	2	0.32	0.12	0.32
(4,736)	1:80:A:ILE:HD12	1:100:A:SER:HB2	2	0.32	0.12	0.32
(4,736)	1:80:A:ILE:HD13	1:100:A:SER:HB2	2	0.32	0.12	0.32
(4,1489)	1:116:A:LEU:H	1:118:A:SER:HB2	2	0.3	0.18	0.3
(4,1489)	1:116:A:LEU:H	1:118:A:SER:HB3	2	0.3	0.18	0.3
(4,3035)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:ILE:HA	2	0.3	0.15	0.3
(4,3035)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:ILE:HA	2	0.3	0.15	0.3
(4,3035)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:ILE:HA	2	0.3	0.15	0.3
(4,3035)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:ILE:HA	2	0.3	0.15	0.3
(4,3035)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:ILE:HA	2	0.3	0.15	0.3
(4,3035)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:ILE:HA	2	0.3	0.15	0.3
(1,230)	1:23:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	2	0.29	0.04	0.29
(4,4078)	1:57:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:HA	2	0.29	0.13	0.29
(4,4078)	1:57:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:HA	2	0.29	0.13	0.29
(4,4078)	1:57:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:HA	2	0.29	0.13	0.29
(4,601)	1:189:A:LEU:HD11	1:190:A:TYR:HB2	2	0.29	0.16	0.29
(4,601)	1:189:A:LEU:HD11	1:190:A:TYR:HB3	2	0.29	0.16	0.29
(4,601)	1:189:A:LEU:HD12	1:190:A:TYR:HB2	2	0.29	0.16	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,601)	1:189:A:LEU:HD12	1:190:A:TYR:HB3	2	0.29	0.16	0.29
(4,601)	1:189:A:LEU:HD13	1:190:A:TYR:HB2	2	0.29	0.16	0.29
(4,601)	1:189:A:LEU:HD13	1:190:A:TYR:HB3	2	0.29	0.16	0.29
(4,601)	1:189:A:LEU:HD21	1:190:A:TYR:HB2	2	0.29	0.16	0.29
(4,601)	1:189:A:LEU:HD21	1:190:A:TYR:HB3	2	0.29	0.16	0.29
(4,601)	1:189:A:LEU:HD22	1:190:A:TYR:HB2	2	0.29	0.16	0.29
(4,601)	1:189:A:LEU:HD22	1:190:A:TYR:HB3	2	0.29	0.16	0.29
(4,601)	1:189:A:LEU:HD23	1:190:A:TYR:HB2	2	0.29	0.16	0.29
(4,601)	1:189:A:LEU:HD23	1:190:A:TYR:HB3	2	0.29	0.16	0.29
(4,452)	1:115:A:PHE:H	1:118:A:SER:H	2	0.28	0.01	0.28
(4,725)	1:80:A:ILE:H	1:101:A:ASN:HB2	2	0.28	0.14	0.28
(4,725)	1:80:A:ILE:H	1:101:A:ASN:HB3	2	0.28	0.14	0.28
(4,354)	1:88:A:ASN:H	1:90:A:CYS:H	2	0.27	0.01	0.27
(4,2902)	1:79:A:VAL:H	1:188:A:PRO:HG2	2	0.27	0.05	0.27
(4,2902)	1:79:A:VAL:H	1:188:A:PRO:HG3	2	0.27	0.05	0.27
(4,334)	1:191:A:LEU:HD11	1:206:A:LEU:HG	2	0.26	0.02	0.26
(4,334)	1:191:A:LEU:HD12	1:206:A:LEU:HG	2	0.26	0.02	0.26
(4,334)	1:191:A:LEU:HD13	1:206:A:LEU:HG	2	0.26	0.02	0.26
(4,334)	1:191:A:LEU:HD21	1:206:A:LEU:HG	2	0.26	0.02	0.26
(4,334)	1:191:A:LEU:HD22	1:206:A:LEU:HG	2	0.26	0.02	0.26
(4,334)	1:191:A:LEU:HD23	1:206:A:LEU:HG	2	0.26	0.02	0.26
(4,636)	1:33:A:TYR:HD1	1:229:A:LEU:HD11	2	0.26	0.06	0.26
(4,636)	1:33:A:TYR:HD1	1:229:A:LEU:HD12	2	0.26	0.06	0.26
(4,636)	1:33:A:TYR:HD1	1:229:A:LEU:HD13	2	0.26	0.06	0.26
(4,636)	1:33:A:TYR:HD2	1:229:A:LEU:HD11	2	0.26	0.06	0.26
(4,636)	1:33:A:TYR:HD2	1:229:A:LEU:HD12	2	0.26	0.06	0.26
(4,636)	1:33:A:TYR:HD2	1:229:A:LEU:HD13	2	0.26	0.06	0.26
(4,1605)	1:25:A:LEU:CD2	1:96:A:LEU:HD11	2	0.26	0.14	0.26
(4,1605)	1:25:A:LEU:CD2	1:96:A:LEU:HD12	2	0.26	0.14	0.26
(4,1605)	1:25:A:LEU:CD2	1:96:A:LEU:HD13	2	0.26	0.14	0.26
(4,1605)	1:25:A:LEU:CD2	1:96:A:LEU:HD21	2	0.26	0.14	0.26
(4,1605)	1:25:A:LEU:CD2	1:96:A:LEU:HD22	2	0.26	0.14	0.26
(4,1605)	1:25:A:LEU:CD2	1:96:A:LEU:HD23	2	0.26	0.14	0.26
(4,4191)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:H	2	0.26	0.03	0.26
(4,4191)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:H	2	0.26	0.03	0.26
(4,291)	1:234:A:ASN:HD22	1:235:A:TRP:H	2	0.26	0.01	0.26
(4,2091)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HB2	2	0.26	0.15	0.26
(4,2091)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HB3	2	0.26	0.15	0.26
(4,2091)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HB2	2	0.26	0.15	0.26
(4,2091)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HB3	2	0.26	0.15	0.26
(4,3275)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:LEU:H	2	0.26	0.01	0.26
(4,3367)	1:169:A:THR:HA	1:170:A:TYR:HD1	2	0.26	0.03	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,3367)	1:169:A:THR:HA	1:170:A:TYR:HD2	2	0.26	0.03	0.26
(4,3871)	1:146:A:VAL:HG11	1:148:A:THR:H	2	0.26	0.05	0.26
(4,3871)	1:146:A:VAL:HG12	1:148:A:THR:H	2	0.26	0.05	0.26
(4,3871)	1:146:A:VAL:HG13	1:148:A:THR:H	2	0.26	0.05	0.26
(4,3871)	1:146:A:VAL:HG21	1:148:A:THR:H	2	0.26	0.05	0.26
(4,3871)	1:146:A:VAL:HG22	1:148:A:THR:H	2	0.26	0.05	0.26
(4,3871)	1:146:A:VAL:HG23	1:148:A:THR:H	2	0.26	0.05	0.26
(4,1260)	1:142:A:ILE:HG21	1:145:A:ASN:HD21	2	0.24	0.03	0.24
(4,1260)	1:142:A:ILE:HG22	1:145:A:ASN:HD21	2	0.24	0.03	0.24
(4,1260)	1:142:A:ILE:HG23	1:145:A:ASN:HD21	2	0.24	0.03	0.24
(4,167)	1:210:A:ARG:H	1:213:A:SER:HB2	2	0.24	0.09	0.24
(4,167)	1:210:A:ARG:H	1:213:A:SER:HB3	2	0.24	0.09	0.24
(4,1871)	1:55:A:ILE:HA	1:56:A:VAL:HB	2	0.24	0.02	0.24
(4,323)	1:7:A:ALA:HA	1:8:A:VAL:HB	2	0.24	0.04	0.24
(4,2707)	1:20:A:ASN:HB2	1:21:A:PHE:HD1	2	0.22	0.05	0.22
(4,2707)	1:20:A:ASN:HB2	1:21:A:PHE:HD2	2	0.22	0.05	0.22
(4,2707)	1:20:A:ASN:HB3	1:21:A:PHE:HD1	2	0.22	0.05	0.22
(4,2707)	1:20:A:ASN:HB3	1:21:A:PHE:HD2	2	0.22	0.05	0.22
(4,2402)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:H	2	0.22	0.08	0.22
(4,2402)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:H	2	0.22	0.08	0.22
(4,2402)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:H	2	0.22	0.08	0.22
(4,4277)	1:108:A:PRO:HB2	1:110:A:SER:H	2	0.22	0.02	0.22
(4,385)	1:106:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	2	0.22	0.04	0.22
(4,385)	1:106:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	2	0.22	0.04	0.22
(4,385)	1:106:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	2	0.22	0.04	0.22
(4,519)	1:17:A:VAL:HG21	1:19:A:THR:H	2	0.2	0.04	0.2
(4,519)	1:17:A:VAL:HG22	1:19:A:THR:H	2	0.2	0.04	0.2
(4,519)	1:17:A:VAL:HG23	1:19:A:THR:H	2	0.2	0.04	0.2
(4,536)	1:168:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HD1	2	0.2	0.06	0.2
(4,536)	1:168:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HD2	2	0.2	0.06	0.2
(4,536)	1:168:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HD1	2	0.2	0.06	0.2
(4,536)	1:168:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HD2	2	0.2	0.06	0.2
(4,536)	1:168:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HD1	2	0.2	0.06	0.2
(4,536)	1:168:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HD2	2	0.2	0.06	0.2
(4,3773)	1:80:A:ILE:H	1:101:A:ASN:HD21	2	0.2	0.02	0.2
(4,3773)	1:80:A:ILE:H	1:101:A:ASN:HD22	2	0.2	0.02	0.2
(4,261)	1:83:A:LYS:H	1:129:A:PHE:H	2	0.19	0.03	0.19
(4,689)	1:44:A:LEU:HD11	1:45:A:LEU:HB2	2	0.19	0.09	0.19
(4,689)	1:44:A:LEU:HD11	1:45:A:LEU:HB3	2	0.19	0.09	0.19
(4,689)	1:44:A:LEU:HD12	1:45:A:LEU:HB2	2	0.19	0.09	0.19
(4,689)	1:44:A:LEU:HD12	1:45:A:LEU:HB3	2	0.19	0.09	0.19
(4,689)	1:44:A:LEU:HD13	1:45:A:LEU:HB2	2	0.19	0.09	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,689)	1:44:A:LEU:HD13	1:45:A:LEU:HB3	2	0.19	0.09	0.19
(4,689)	1:44:A:LEU:HD21	1:45:A:LEU:HB2	2	0.19	0.09	0.19
(4,689)	1:44:A:LEU:HD21	1:45:A:LEU:HB3	2	0.19	0.09	0.19
(4,689)	1:44:A:LEU:HD22	1:45:A:LEU:HB2	2	0.19	0.09	0.19
(4,689)	1:44:A:LEU:HD22	1:45:A:LEU:HB3	2	0.19	0.09	0.19
(4,689)	1:44:A:LEU:HD23	1:45:A:LEU:HB2	2	0.19	0.09	0.19
(4,689)	1:44:A:LEU:HD23	1:45:A:LEU:HB3	2	0.19	0.09	0.19
(4,919)	1:18:A:PHE:HB2	1:22:A:ALA:H	2	0.19	0.03	0.19
(4,919)	1:18:A:PHE:HB3	1:22:A:ALA:H	2	0.19	0.03	0.19
(4,2426)	1:198:A:ALA:HB1	1:202:A:ILE:H	2	0.19	0.07	0.19
(4,2426)	1:198:A:ALA:HB2	1:202:A:ILE:H	2	0.19	0.07	0.19
(4,2426)	1:198:A:ALA:HB3	1:202:A:ILE:H	2	0.19	0.07	0.19
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD11	2	0.19	0.08	0.19
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD12	2	0.19	0.08	0.19
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD13	2	0.19	0.08	0.19
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD11	2	0.19	0.08	0.19
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD12	2	0.19	0.08	0.19
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD13	2	0.19	0.08	0.19
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD11	2	0.19	0.08	0.19
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD12	2	0.19	0.08	0.19
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD13	2	0.19	0.08	0.19
(4,3751)	1:196:A:PRO:HB2	1:197:A:THR:HG21	2	0.19	0.01	0.19
(4,3751)	1:196:A:PRO:HB2	1:197:A:THR:HG22	2	0.19	0.01	0.19
(4,3751)	1:196:A:PRO:HB2	1:197:A:THR:HG23	2	0.19	0.01	0.19
(4,3751)	1:196:A:PRO:HB3	1:197:A:THR:HG21	2	0.19	0.01	0.19
(4,3751)	1:196:A:PRO:HB3	1:197:A:THR:HG22	2	0.19	0.01	0.19
(4,3751)	1:196:A:PRO:HB3	1:197:A:THR:HG23	2	0.19	0.01	0.19
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG11	1:55:A:ILE:HG21	2	0.18	0.07	0.18
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG11	1:55:A:ILE:HG22	2	0.18	0.07	0.18
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG11	1:55:A:ILE:HG23	2	0.18	0.07	0.18
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG12	1:55:A:ILE:HG21	2	0.18	0.07	0.18
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG12	1:55:A:ILE:HG22	2	0.18	0.07	0.18
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG12	1:55:A:ILE:HG23	2	0.18	0.07	0.18
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG13	1:55:A:ILE:HG21	2	0.18	0.07	0.18
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG13	1:55:A:ILE:HG22	2	0.18	0.07	0.18
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG13	1:55:A:ILE:HG23	2	0.18	0.07	0.18
(4,2133)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:H	2	0.18	0.03	0.18
(4,2133)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:H	2	0.18	0.03	0.18
(4,2457)	1:56:A:VAL:HB	1:94:A:ALA:HB1	2	0.18	0.06	0.18
(4,2457)	1:56:A:VAL:HB	1:94:A:ALA:HB2	2	0.18	0.06	0.18
(4,2457)	1:56:A:VAL:HB	1:94:A:ALA:HB3	2	0.18	0.06	0.18
(4,1965)	1:143:A:LYS:HD2	1:144:A:GLU:H	2	0.17	0.0	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1965)	1:143:A:LYS:HD3	1:144:A:GLU:H	2	0.17	0.0	0.17
(4,1267)	1:45:A:LEU:HD11	1:202:A:ILE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(4,1267)	1:45:A:LEU:HD12	1:202:A:ILE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(4,1267)	1:45:A:LEU:HD13	1:202:A:ILE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(4,1267)	1:45:A:LEU:HD21	1:202:A:ILE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(4,1267)	1:45:A:LEU:HD22	1:202:A:ILE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(4,1267)	1:45:A:LEU:HD23	1:202:A:ILE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(4,1561)	1:177:A:ILE:HG21	1:192:A:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(4,1561)	1:177:A:ILE:HG22	1:192:A:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(4,1561)	1:177:A:ILE:HG23	1:192:A:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(5,320)	1:41:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	2	0.16	0.03	0.16
(4,434)	1:184:A:ASN:HD21	1:187:A:GLY:H	2	0.16	0.05	0.16
(4,434)	1:184:A:ASN:HD22	1:187:A:GLY:H	2	0.16	0.05	0.16
(4,1940)	1:211:A:VAL:HG11	1:228:A:MET:HG2	2	0.16	0.05	0.16
(4,1940)	1:211:A:VAL:HG11	1:228:A:MET:HG3	2	0.16	0.05	0.16
(4,1940)	1:211:A:VAL:HG12	1:228:A:MET:HG2	2	0.16	0.05	0.16
(4,1940)	1:211:A:VAL:HG12	1:228:A:MET:HG3	2	0.16	0.05	0.16
(4,1940)	1:211:A:VAL:HG13	1:228:A:MET:HG2	2	0.16	0.05	0.16
(4,1940)	1:211:A:VAL:HG13	1:228:A:MET:HG3	2	0.16	0.05	0.16
(5,284)	1:38:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	2	0.16	0.02	0.16
(4,1760)	1:178:A:PHE:H	1:179:A:GLU:HB2	2	0.15	0.03	0.15
(4,1760)	1:178:A:PHE:H	1:179:A:GLU:HB3	2	0.15	0.03	0.15
(4,2216)	1:210:A:ARG:HG2	1:213:A:SER:H	2	0.15	0.03	0.15
(4,2216)	1:210:A:ARG:HG3	1:213:A:SER:H	2	0.15	0.03	0.15
(4,212)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HA	2	0.15	0.0	0.15
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD11	2	0.15	0.04	0.15
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD12	2	0.15	0.04	0.15
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD13	2	0.15	0.04	0.15
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD21	2	0.15	0.04	0.15
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD22	2	0.15	0.04	0.15
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD23	2	0.15	0.04	0.15
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD11	2	0.15	0.04	0.15
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD12	2	0.15	0.04	0.15
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD13	2	0.15	0.04	0.15
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD21	2	0.15	0.04	0.15
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD22	2	0.15	0.04	0.15
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD23	2	0.15	0.04	0.15
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD11	2	0.15	0.04	0.15
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD12	2	0.15	0.04	0.15
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD13	2	0.15	0.04	0.15
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD21	2	0.15	0.04	0.15
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD22	2	0.15	0.04	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

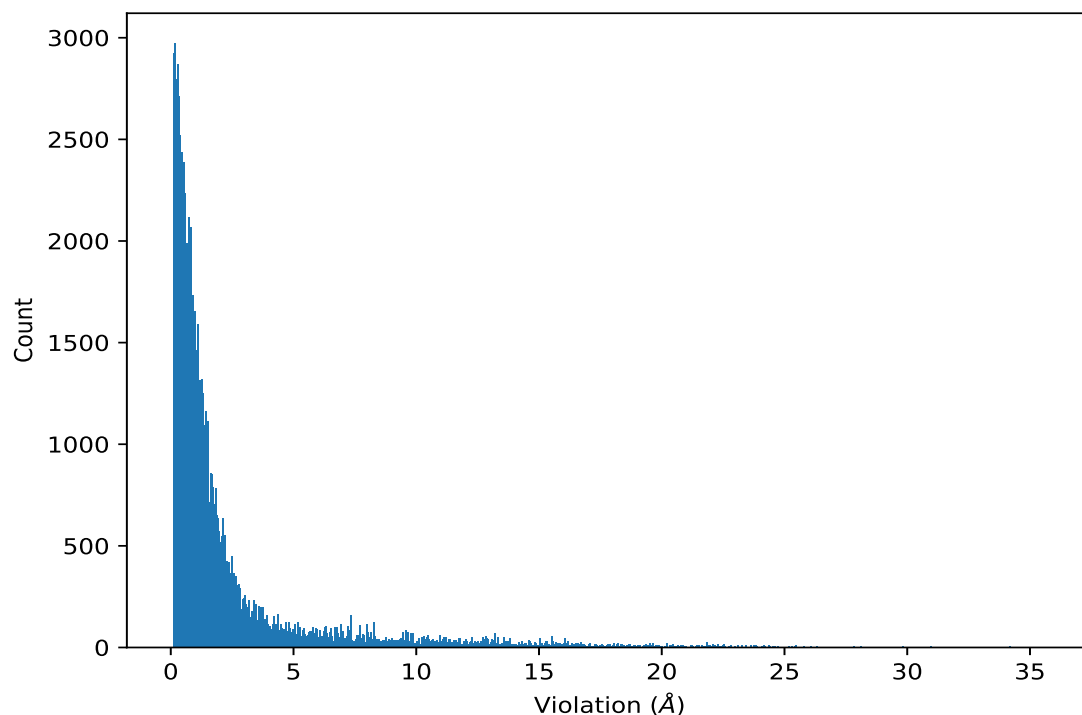
Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD23	2	0.15	0.04	0.15
(4,2040)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(4,3495)	1:141:A:VAL:H	1:144:A:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(3,23)	1:30:A:GLU:O	1:234:A:ASN:H	2	0.14	0.01	0.14
(4,842)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:H	2	0.13	0.02	0.13
(4,842)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:H	2	0.13	0.02	0.13
(4,842)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:H	2	0.13	0.02	0.13
(4,1446)	1:134:A:THR:HG21	1:136:A:GLN:H	2	0.13	0.01	0.13
(4,1446)	1:134:A:THR:HG22	1:136:A:GLN:H	2	0.13	0.01	0.13
(4,1446)	1:134:A:THR:HG23	1:136:A:GLN:H	2	0.13	0.01	0.13
(4,2333)	1:33:A:TYR:H	1:232:A:GLY:H	2	0.13	0.01	0.13
(4,2945)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:ILE:H	2	0.12	0.01	0.12
(4,2945)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:ILE:H	2	0.12	0.01	0.12
(4,2945)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:ILE:H	2	0.12	0.01	0.12
(4,2945)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:ILE:H	2	0.12	0.01	0.12
(4,2945)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:ILE:H	2	0.12	0.01	0.12
(4,2945)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:ILE:H	2	0.12	0.01	0.12
(4,2410)	1:57:A:LEU:HD11	1:227:A:ALA:H	2	0.12	0.01	0.12
(4,2410)	1:57:A:LEU:HD12	1:227:A:ALA:H	2	0.12	0.01	0.12
(4,2410)	1:57:A:LEU:HD13	1:227:A:ALA:H	2	0.12	0.01	0.12
(4,2410)	1:57:A:LEU:HD21	1:227:A:ALA:H	2	0.12	0.01	0.12
(4,2410)	1:57:A:LEU:HD22	1:227:A:ALA:H	2	0.12	0.01	0.12
(4,2410)	1:57:A:LEU:HD23	1:227:A:ALA:H	2	0.12	0.01	0.12
(4,3068)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:LEU:HD11	2	0.12	0.01	0.12
(4,3068)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:LEU:HD12	2	0.12	0.01	0.12
(4,3068)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:LEU:HD13	2	0.12	0.01	0.12
(4,3068)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:LEU:HD21	2	0.12	0.01	0.12
(4,3068)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:LEU:HD22	2	0.12	0.01	0.12
(4,3068)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:LEU:HD23	2	0.12	0.01	0.12
(4,3197)	1:36:A:ILE:H	1:37:A:TYR:H	2	0.12	0.0	0.12
(4,2081)	1:11:A:ILE:HG21	1:12:A:GLU:HB2	2	0.11	0.0	0.11
(4,2081)	1:11:A:ILE:HG21	1:12:A:GLU:HB3	2	0.11	0.0	0.11
(4,2081)	1:11:A:ILE:HG22	1:12:A:GLU:HB2	2	0.11	0.0	0.11
(4,2081)	1:11:A:ILE:HG22	1:12:A:GLU:HB3	2	0.11	0.0	0.11
(4,2081)	1:11:A:ILE:HG23	1:12:A:GLU:HB2	2	0.11	0.0	0.11
(4,2081)	1:11:A:ILE:HG23	1:12:A:GLU:HB3	2	0.11	0.0	0.11
(4,3238)	1:59:A:PHE:H	1:227:A:ALA:H	2	0.11	0.0	0.11

¹Number of violated models, ²Standard deviation

9.5 All violated distance restraints [i](#)

9.5.1 Histogram : Distribution of distance violations [i](#)

The following histogram shows the distribution of the absolute value of the violation for all violated restraints in the ensemble.



9.5.2 Table : All distance violations [i](#)

The following table lists the absolute value of the violation for each restraint in the ensemble sorted by its value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2982)	1:4:A:GLU:H	1:147:A:GLN:H	18	35.79
(4,2982)	1:4:A:GLU:H	1:147:A:GLN:H	9	35.49
(4,473)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:H	9	35.43
(4,2982)	1:4:A:GLU:H	1:147:A:GLN:H	12	35.4
(4,473)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:H	7	35.25
(4,473)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:H	12	35.0
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD2	9	34.73
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD3	9	34.73
(4,2982)	1:4:A:GLU:H	1:147:A:GLN:H	7	34.6
(4,2234)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:H	18	34.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2234)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:H	9	34.3
(4,473)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:H	18	34.18
(4,2234)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:H	12	34.17
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG2	7	34.16
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG3	7	34.16
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG2	7	34.16
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG3	7	34.16
(4,2234)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:H	7	33.69
(4,2982)	1:4:A:GLU:H	1:147:A:GLN:H	4	33.68
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD2	7	33.36
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD3	7	33.36
(4,4235)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:H	4	33.35
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD2	18	33.17
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD3	18	33.17
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD2	12	32.69
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD3	12	32.69
(4,2234)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:H	4	32.66
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG2	18	32.26
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG3	18	32.26
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG2	18	32.26
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG3	18	32.26
(4,473)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:H	4	32.13
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD2	4	32.08
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD3	4	32.08
(4,4235)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:H	9	31.81
(4,2982)	1:4:A:GLU:H	1:147:A:GLN:H	13	31.14
(4,473)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:H	13	31.09
(5,429)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	10	31.03
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD21	9	30.98
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD22	9	30.98
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG2	4	30.98
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG3	4	30.98
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG2	4	30.98
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG3	4	30.98
(5,429)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	20	30.87
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD2	13	30.82
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD3	13	30.82
(5,442)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	2	30.58
(4,473)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:H	17	30.27
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD21	4	30.14
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD22	4	30.14
(4,2982)	1:4:A:GLU:H	1:147:A:GLN:H	17	30.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD2	17	30.01
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD3	17	30.01
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG2	12	29.95
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG3	12	29.95
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG2	12	29.95
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG3	12	29.95
(5,373)	1:5:A:ASN:ND2	1:77:A:TYR:H	20	29.94
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD21	9	29.92
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD22	9	29.92
(4,4235)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:H	18	29.81
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG2	9	29.81
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG3	9	29.81
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG2	9	29.81
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG3	9	29.81
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD21	4	29.8
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD22	4	29.8
(4,2234)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:H	13	29.78
(5,655)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	7	29.76
(5,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	20	29.69
(5,347)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	7	29.65
(5,498)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	7	29.63
(4,788)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HA	12	29.54
(5,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	10	29.37
(5,388)	1:5:A:ASN:ND2	1:130:A:ASP:H	7	29.37
(5,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	7	29.19
(4,1837)	1:7:A:ALA:HA	1:88:A:ASN:H	4	28.98
(4,4235)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:H	7	28.93
(4,4235)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:H	13	28.81
(4,1837)	1:7:A:ALA:HA	1:88:A:ASN:H	14	28.71
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD21	18	28.66
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD22	18	28.66
(4,2234)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:H	17	28.59
(5,380)	1:5:A:ASN:ND2	1:200:A:ASP:H	2	28.47
(5,351)	1:5:A:ASN:ND2	1:123:A:SER:H	7	28.36
(4,788)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HA	14	28.36
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD21	13	28.25
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD22	13	28.25
(5,460)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	7	28.24
(5,373)	1:5:A:ASN:ND2	1:77:A:TYR:H	10	28.19
(4,4235)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:H	14	28.16
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG2	17	28.14
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG3	17	28.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG2	17	28.14
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG3	17	28.14
(4,669)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:H	14	28.14
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD21	18	28.12
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD22	18	28.12
(5,373)	1:5:A:ASN:ND2	1:77:A:TYR:H	7	28.05
(4,788)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HA	17	28.04
(4,788)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HA	9	27.87
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG2	13	27.83
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG3	13	27.83
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG2	13	27.83
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG3	13	27.83
(5,391)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	7	27.82
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD21	13	27.75
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD22	13	27.75
(5,481)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	7	27.7
(4,669)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:H	4	27.7
(5,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	7	27.67
(5,370)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	7	27.54
(4,788)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HA	7	27.23
(4,2982)	1:4:A:GLU:H	1:147:A:GLN:H	14	27.18
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD21	7	27.16
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD22	7	27.16
(4,1837)	1:7:A:ALA:HA	1:88:A:ASN:H	9	27.09
(4,788)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HA	13	26.94
(4,1232)	1:8:A:VAL:HB	1:159:A:ALA:HA	14	26.78
(5,442)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	10	26.76
(5,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	7	26.74
(5,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	2	26.66
(4,788)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HA	18	26.63
(5,432)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	20	26.62
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD2	14	26.57
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD3	14	26.57
(4,473)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:H	14	26.56
(5,442)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	20	26.54
(5,426)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	7	26.5
(5,394)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	7	26.44
(5,358)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	7	26.39
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG12	9	26.33
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG13	9	26.33
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG12	9	26.33
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG13	9	26.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2234)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:H	14	26.3
(4,788)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HA	4	26.28
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG12	18	26.21
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG13	18	26.21
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG12	18	26.21
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG13	18	26.21
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG21	9	26.06
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG22	9	26.06
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG23	9	26.06
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG21	9	26.06
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG22	9	26.06
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG23	9	26.06
(5,429)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	16	26.05
(5,373)	1:5:A:ASN:ND2	1:77:A:TYR:H	2	25.85
(5,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	20	25.84
(5,374)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	2	25.84
(5,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	16	25.83
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG11	9	25.77
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG12	9	25.77
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG13	9	25.77
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG21	9	25.77
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG22	9	25.77
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG23	9	25.77
(5,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	7	25.69
(5,369)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	20	25.68
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD21	7	25.66
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD22	7	25.66
(4,1837)	1:7:A:ALA:HA	1:88:A:ASN:H	12	25.63
(5,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	7	25.6
(5,499)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	20	25.57
(5,420)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	20	25.57
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB2	9	25.48
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB3	9	25.48
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB2	9	25.48
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB3	9	25.48
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG21	18	25.48
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG22	18	25.48
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG23	18	25.48
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG21	18	25.48
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG22	18	25.48
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG23	18	25.48
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD21	14	25.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD22	14	25.46
(4,669)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:H	9	25.45
(5,622)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	10	25.44
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG12	12	25.43
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG13	12	25.43
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG12	12	25.43
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG13	12	25.43
(5,429)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	4	25.36
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG2	14	25.34
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG3	14	25.34
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG2	14	25.34
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG3	14	25.34
(5,393)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	20	25.3
(5,622)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	20	25.28
(5,368)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	20	25.24
(5,504)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	20	25.23
(5,499)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	10	25.2
(5,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	2	25.2
(5,457)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	7	25.18
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG11	18	25.16
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG12	18	25.16
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG13	18	25.16
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG21	18	25.16
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG22	18	25.16
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG23	18	25.16
(5,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	7	25.11
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HB	12	25.1
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HB	12	25.1
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HB	12	25.1
(5,432)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	10	25.08
(5,373)	1:5:A:ASN:ND2	1:77:A:TYR:H	16	25.03
(5,388)	1:5:A:ASN:ND2	1:130:A:ASP:H	4	25.01
(5,437)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	7	24.96
(5,442)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	16	24.94
(5,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	2	24.89
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG11	12	24.74
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG12	12	24.74
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG13	12	24.74
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG21	12	24.74
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG22	12	24.74
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG23	12	24.74
(5,347)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	13	24.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,499)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	8	24.63
(5,483)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	20	24.63
(5,349)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	20	24.62
(4,4235)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:H	12	24.62
(5,413)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	20	24.61
(5,347)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	9	24.54
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG21	12	24.53
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG22	12	24.53
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG23	12	24.53
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG21	12	24.53
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG22	12	24.53
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG23	12	24.53
(5,356)	1:5:A:ASN:ND2	1:125:A:SER:H	7	24.52
(5,376)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	20	24.49
(5,369)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	10	24.44
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD21	4	24.44
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD22	4	24.44
(5,389)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	7	24.42
(4,1837)	1:7:A:ALA:HA	1:88:A:ASN:H	7	24.41
(5,419)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	2	24.4
(5,353)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	20	24.36
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HB	17	24.35
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HB	17	24.35
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HB	17	24.35
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG11	4	24.35
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG12	4	24.35
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG13	4	24.35
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG21	4	24.35
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG22	4	24.35
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG23	4	24.35
(4,1837)	1:7:A:ALA:HA	1:88:A:ASN:H	17	24.33
(5,347)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	4	24.29
(4,1232)	1:8:A:VAL:HB	1:159:A:ALA:HA	9	24.28
(5,384)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	20	24.27
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	9	24.24
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	9	24.24
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	9	24.24
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	9	24.24
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	9	24.24
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	9	24.24
(5,442)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	7	24.22
(5,626)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	7	24.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG11	4	24.16
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG12	4	24.16
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG13	4	24.16
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG21	4	24.16
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG22	4	24.16
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG23	4	24.16
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG11	4	24.16
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG12	4	24.16
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG13	4	24.16
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG21	4	24.16
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG22	4	24.16
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG23	4	24.16
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD21	14	24.15
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD22	14	24.15
(5,490)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	20	24.14
(5,401)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	7	24.09
(5,388)	1:5:A:ASN:ND2	1:130:A:ASP:H	9	24.07
(4,1222)	1:9:A:VAL:H	1:146:A:VAL:H	9	24.06
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	13	24.05
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	13	24.05
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	13	24.05
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	13	24.05
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	13	24.05
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	13	24.05
(5,384)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	10	23.98
(5,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	7	23.96
(5,533)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	7	23.94
(4,669)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:H	12	23.94
(5,625)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	20	23.9
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HB	4	23.89
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HB	4	23.89
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HB	4	23.89
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD21	12	23.89
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD22	12	23.89
(4,1232)	1:8:A:VAL:HB	1:159:A:ALA:HA	13	23.89
(5,359)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	2	23.88
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	7	23.83
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	7	23.83
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	7	23.83
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	7	23.83
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	7	23.83
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	7	23.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG11	4	23.81
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG12	4	23.81
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG13	4	23.81
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG21	4	23.81
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG22	4	23.81
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG23	4	23.81
(5,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	10	23.8
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG11	18	23.76
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG12	18	23.76
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG13	18	23.76
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG21	18	23.76
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG22	18	23.76
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG23	18	23.76
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG11	18	23.76
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG12	18	23.76
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG13	18	23.76
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG21	18	23.76
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG22	18	23.76
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG23	18	23.76
(5,449)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	7	23.74
(5,504)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	10	23.68
(5,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	2	23.66
(5,499)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	16	23.66
(5,348)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	7	23.64
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	4	23.64
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	4	23.64
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	4	23.64
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	4	23.64
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	4	23.64
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	4	23.64
(5,452)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	7	23.63
(5,625)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	10	23.61
(5,403)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	7	23.61
(5,499)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	2	23.6
(5,371)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	20	23.56
(5,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	20	23.51
(5,420)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	10	23.51
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD21	9	23.51
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD22	9	23.51
(5,490)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	10	23.49
(5,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	20	23.47
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG11	13	23.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG12	13	23.44
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG13	13	23.44
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG21	13	23.44
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG22	13	23.44
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG23	13	23.44
(5,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	7	23.43
(5,365)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	20	23.43
(5,481)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	13	23.42
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD21	14	23.41
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD22	14	23.41
(5,388)	1:5:A:ASN:ND2	1:130:A:ASP:H	14	23.36
(5,430)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	7	23.29
(5,429)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	9	23.29
(4,1232)	1:8:A:VAL:HB	1:159:A:ALA:HA	4	23.29
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG11	9	23.28
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG12	9	23.28
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG13	9	23.28
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG21	9	23.28
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG22	9	23.28
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG23	9	23.28
(5,490)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	8	23.27
(4,473)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:H	5	23.25
(5,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	7	23.23
(4,1222)	1:9:A:VAL:H	1:146:A:VAL:H	13	23.22
(4,1222)	1:9:A:VAL:H	1:146:A:VAL:H	18	23.2
(5,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	10	23.19
(5,359)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	8	23.17
(4,1837)	1:7:A:ALA:HA	1:88:A:ASN:H	13	23.17
(4,1837)	1:7:A:ALA:HA	1:88:A:ASN:H	18	23.14
(5,380)	1:5:A:ASN:ND2	1:200:A:ASP:H	10	23.13
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB2	4	23.12
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB3	4	23.12
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB2	4	23.12
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB3	4	23.12
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	14	23.12
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	14	23.12
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	14	23.12
(5,380)	1:5:A:ASN:ND2	1:200:A:ASP:H	20	23.11
(5,348)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	9	23.11
(4,1222)	1:9:A:VAL:H	1:146:A:VAL:H	12	23.07
(4,4235)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:H	20	23.05
(5,368)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	10	23.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,393)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	10	23.03
(4,669)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:H	7	23.02
(5,580)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	7	23.0
(5,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	10	22.98
(5,380)	1:5:A:ASN:ND2	1:200:A:ASP:H	8	22.98
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HB	14	22.98
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HB	14	22.98
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HB	14	22.98
(4,669)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:H	13	22.96
(5,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	7	22.92
(5,415)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	7	22.92
(4,1692)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:H	9	22.92
(4,1837)	1:7:A:ALA:HA	1:88:A:ASN:H	10	22.91
(5,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	20	22.88
(5,413)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	10	22.86
(5,388)	1:5:A:ASN:ND2	1:130:A:ASP:H	13	22.86
(4,1222)	1:9:A:VAL:H	1:146:A:VAL:H	7	22.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG11	7	22.83
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG12	7	22.83
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG13	7	22.83
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG21	7	22.83
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG22	7	22.83
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG23	7	22.83
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG11	7	22.83
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG12	7	22.83
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG13	7	22.83
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG21	7	22.83
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG22	7	22.83
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG23	7	22.83
(4,1805)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HA	14	22.82
(5,376)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	10	22.8
(5,499)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	19	22.78
(4,1805)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HA	9	22.73
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG12	7	22.7
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG13	7	22.7
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG12	7	22.7
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG13	7	22.7
(5,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	20	22.68
(5,429)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	14	22.66
(5,349)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	10	22.65
(5,373)	1:5:A:ASN:ND2	1:77:A:TYR:H	4	22.63
(4,1692)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:H	14	22.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,478)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	7	22.61
(4,1692)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:H	18	22.6
(5,490)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	2	22.58
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG11	7	22.57
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG12	7	22.57
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG13	7	22.57
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG21	7	22.57
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG22	7	22.57
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG23	7	22.57
(5,450)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	20	22.56
(5,347)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	14	22.56
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB1	14	22.54
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB2	14	22.54
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB3	14	22.54
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG11	9	22.54
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG12	9	22.54
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG13	9	22.54
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG21	9	22.54
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG22	9	22.54
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG23	9	22.54
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG11	14	22.54
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG12	14	22.54
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG13	14	22.54
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG21	14	22.54
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG22	14	22.54
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG23	14	22.54
(5,386)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	2	22.52
(5,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	10	22.51
(5,571)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	7	22.5
(5,391)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	2	22.49
(5,424)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	8	22.47
(5,348)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	13	22.45
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	18	22.45
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	18	22.45
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	18	22.45
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	18	22.45
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	18	22.45
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	18	22.45
(4,669)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:H	17	22.45
(5,591)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	2	22.44
(4,1222)	1:9:A:VAL:H	1:146:A:VAL:H	14	22.44
(5,621)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	20	22.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD21	12	22.43
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD22	12	22.43
(5,380)	1:5:A:ASN:ND2	1:200:A:ASP:H	19	22.4
(5,568)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	20	22.38
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB2	13	22.38
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB3	13	22.38
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB2	13	22.38
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB3	13	22.38
(5,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:83:A:LYS:H	7	22.37
(5,427)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	20	22.35
(5,424)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	20	22.35
(5,605)	1:5:A:ASN:ND2	1:198:A:ALA:H	2	22.34
(5,457)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	13	22.33
(5,380)	1:5:A:ASN:ND2	1:200:A:ASP:H	16	22.33
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG21	7	22.29
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG22	7	22.29
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG23	7	22.29
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG21	7	22.29
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG22	7	22.29
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG23	7	22.29
(5,483)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	10	22.28
(5,409)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	2	22.25
(5,353)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	10	22.25
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG11	13	22.25
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG12	13	22.25
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG13	13	22.25
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG21	13	22.25
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG22	13	22.25
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG23	13	22.25
(4,1222)	1:9:A:VAL:H	1:146:A:VAL:H	17	22.23
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG11	4	22.22
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG12	4	22.22
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG13	4	22.22
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG21	4	22.22
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG22	4	22.22
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG23	4	22.22
(5,426)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	13	22.21
(5,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	20	22.19
(5,490)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	16	22.19
(5,424)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	2	22.18
(4,669)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:H	18	22.17
(5,397)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	7	22.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG11	7	22.16
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG12	7	22.16
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG13	7	22.16
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG21	7	22.16
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG22	7	22.16
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG23	7	22.16
(5,529)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	20	22.11
(5,419)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	19	22.1
(5,500)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	2	22.09
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD21	12	22.09
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD22	12	22.09
(5,346)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	7	22.07
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG11	12	22.07
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG12	12	22.07
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG13	12	22.07
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG21	12	22.07
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG22	12	22.07
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG23	12	22.07
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG11	12	22.07
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG12	12	22.07
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG13	12	22.07
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG21	12	22.07
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG22	12	22.07
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG23	12	22.07
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD21	13	22.06
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD22	13	22.06
(5,359)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	19	22.04
(5,446)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	20	22.02
(5,589)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	20	22.01
(5,578)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	20	22.01
(4,1222)	1:9:A:VAL:H	1:146:A:VAL:H	4	22.01
(5,376)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	4	22.0
(5,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	2	21.99
(5,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	20	21.99
(5,528)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	2	21.98
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG11	7	21.97
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG12	7	21.97
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG13	7	21.97
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG21	7	21.97
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG22	7	21.97
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG23	7	21.97
(5,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	20	21.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	10	21.96
(5,423)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	20	21.94
(5,366)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	2	21.94
(5,481)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	9	21.91
(5,380)	1:5:A:ASN:ND2	1:200:A:ASP:H	1	21.88
(5,365)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	10	21.87
(5,620)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	7	21.86
(5,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	10	21.86
(5,388)	1:5:A:ASN:ND2	1:130:A:ASP:H	20	21.86
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG11	18	21.86
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG12	18	21.86
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG13	18	21.86
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG21	18	21.86
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG22	18	21.86
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG23	18	21.86
(5,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	16	21.84
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG11	4	21.84
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG12	4	21.84
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG13	4	21.84
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG21	4	21.84
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG22	4	21.84
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG23	4	21.84
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG11	9	21.83
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG12	9	21.83
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG13	9	21.83
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG21	9	21.83
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG22	9	21.83
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG23	9	21.83
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG11	9	21.83
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG12	9	21.83
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG13	9	21.83
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG21	9	21.83
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG22	9	21.83
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG23	9	21.83
(5,549)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	7	21.82
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG11	12	21.82
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG12	12	21.82
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG13	12	21.82
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG21	12	21.82
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG22	12	21.82
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG23	12	21.82
(5,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	20	21.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG11	12	21.76
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG12	12	21.76
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG13	12	21.76
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	12	21.76
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	12	21.76
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	12	21.76
(4,4235)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:H	10	21.75
(5,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	7	21.73
(5,344)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	2	21.73
(5,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	20	21.72
(5,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	2	21.7
(5,419)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	8	21.7
(4,669)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:H	10	21.7
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB2	18	21.62
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB3	18	21.62
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB2	18	21.62
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB3	18	21.62
(5,534)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	7	21.61
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	14	21.6
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	14	21.6
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	14	21.6
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	14	21.6
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	14	21.6
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	14	21.6
(5,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	2	21.57
(5,474)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	20	21.56
(5,442)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	1	21.55
(5,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	7	21.54
(5,424)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	10	21.54
(5,499)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	1	21.51
(5,371)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	10	21.51
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG11	7	21.51
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG12	7	21.51
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG13	7	21.51
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG21	7	21.51
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG22	7	21.51
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG23	7	21.51
(5,459)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	7	21.49
(5,490)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	19	21.48
(4,1692)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:H	4	21.48
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG11	13	21.47
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG12	13	21.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG13	13	21.47
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG21	13	21.47
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG22	13	21.47
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG23	13	21.47
(5,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	20	21.45
(5,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	20	21.44
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD2	5	21.44
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD3	5	21.44
(5,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	2	21.43
(5,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	2	21.41
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG11	12	21.41
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG12	12	21.41
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG13	12	21.41
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG21	12	21.41
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG22	12	21.41
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG23	12	21.41
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HB	7	21.39
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HB	7	21.39
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HB	7	21.39
(4,4235)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:H	17	21.37
(5,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	10	21.36
(5,432)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	16	21.3
(5,528)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	8	21.27
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD21	18	21.25
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD22	18	21.25
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG11	9	21.25
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG12	9	21.25
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG13	9	21.25
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	9	21.25
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	9	21.25
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	9	21.25
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG12	14	21.24
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG13	14	21.24
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG12	14	21.24
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG13	14	21.24
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG11	13	21.23
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG12	13	21.23
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG13	13	21.23
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG21	13	21.23
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG22	13	21.23
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG23	13	21.23
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB1	4	21.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB2	4	21.22
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB3	4	21.22
(5,621)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	10	21.19
(5,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	10	21.18
(5,481)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	4	21.18
(5,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	7	21.16
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG11	12	21.16
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG12	12	21.16
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG13	12	21.16
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG21	12	21.16
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG22	12	21.16
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG23	12	21.16
(5,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	2	21.15
(5,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	20	21.15
(5,395)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	20	21.13
(5,658)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	20	21.11
(5,358)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	4	21.11
(5,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	2	21.08
(5,716)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	20	21.05
(5,457)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	9	21.05
(5,500)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	8	21.01
(5,446)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	10	21.01
(5,384)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	2	21.01
(5,424)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	19	20.99
(5,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	10	20.98
(5,381)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	20	20.98
(4,1805)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HA	18	20.98
(5,348)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	12	20.97
(5,609)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	20	20.96
(5,384)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	16	20.96
(5,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	10	20.95
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB2	7	20.92
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB3	7	20.92
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB2	7	20.92
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB3	7	20.92
(4,2982)	1:4:A:GLU:H	1:147:A:GLN:H	5	20.91
(5,358)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	13	20.9
(5,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	19	20.88
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HB	9	20.86
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HB	9	20.86
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HB	9	20.86
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG11	14	20.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG12	14	20.86
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG13	14	20.86
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	14	20.86
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	14	20.86
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	14	20.86
(5,482)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	18	20.85
(5,362)	1:5:A:ASN:ND2	1:224:A:LEU:H	20	20.85
(5,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	20	20.84
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD21	7	20.84
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD22	7	20.84
(5,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	20	20.83
(5,482)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	9	20.83
(5,499)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	3	20.82
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	9	20.8
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	9	20.8
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	9	20.8
(5,619)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	2	20.79
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG11	9	20.78
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG12	9	20.78
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG13	9	20.78
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG21	9	20.78
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG22	9	20.78
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG23	9	20.78
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG11	14	20.77
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG12	14	20.77
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG13	14	20.77
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG21	14	20.77
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG22	14	20.77
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG23	14	20.77
(5,366)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	8	20.74
(5,339)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	7	20.74
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	7	20.73
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	7	20.73
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	7	20.73
(5,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	20	20.72
(5,441)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	7	20.71
(5,572)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	2	20.69
(5,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	10	20.68
(5,655)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	13	20.67
(5,348)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	18	20.67
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG11	17	20.65
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG12	17	20.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG13	17	20.65
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG21	17	20.65
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG22	17	20.65
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG23	17	20.65
(5,625)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	2	20.64
(5,427)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	10	20.61
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB1	9	20.6
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB2	9	20.6
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB3	9	20.6
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB1	14	20.6
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB2	14	20.6
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB3	14	20.6
(5,625)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	16	20.59
(5,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:83:A:LYS:H	4	20.58
(5,423)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	10	20.57
(4,473)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:H	2	20.54
(5,424)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	16	20.5
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB2	14	20.5
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB3	14	20.5
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB2	14	20.5
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB3	14	20.5
(5,570)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	20	20.48
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG11	13	20.48
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG12	13	20.48
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG13	13	20.48
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	13	20.48
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	13	20.48
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	13	20.48
(5,578)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	10	20.47
(5,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	10	20.47
(5,622)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	16	20.46
(5,359)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	1	20.46
(5,349)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	4	20.46
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	7	20.46
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	7	20.46
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	7	20.46
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG11	14	20.43
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG12	14	20.43
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG13	14	20.43
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG21	14	20.43
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG22	14	20.43
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG23	14	20.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,527)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	7	20.42
(5,393)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	16	20.41
(5,476)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	7	20.39
(5,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	2	20.38
(5,388)	1:5:A:ASN:ND2	1:130:A:ASP:H	10	20.37
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HB	13	20.36
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HB	13	20.36
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HB	13	20.36
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG11	14	20.35
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG12	14	20.35
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG13	14	20.35
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG21	14	20.35
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG22	14	20.35
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG23	14	20.35
(5,568)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	10	20.32
(5,410)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	7	20.32
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB2	12	20.31
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB3	12	20.31
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB2	12	20.31
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB3	12	20.31
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG11	4	20.31
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG12	4	20.31
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG13	4	20.31
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG21	4	20.31
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG22	4	20.31
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG23	4	20.31
(5,457)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	4	20.27
(5,450)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	10	20.26
(4,1805)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HA	4	20.25
(5,359)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	20	20.23
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG11	17	20.21
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG12	17	20.21
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG13	17	20.21
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	17	20.21
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	17	20.21
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	17	20.21
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG11	18	20.21
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG12	18	20.21
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG13	18	20.21
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG21	18	20.21
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG22	18	20.21
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG23	18	20.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	12	20.21
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	12	20.21
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	12	20.21
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	12	20.21
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	12	20.21
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	12	20.21
(5,575)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	2	20.2
(5,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	7	20.19
(5,504)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	16	20.17
(5,419)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	1	20.17
(5,529)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	10	20.14
(5,528)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	19	20.14
(5,426)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	9	20.11
(4,2234)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:H	5	20.11
(5,351)	1:5:A:ASN:ND2	1:123:A:SER:H	4	20.1
(5,374)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	19	20.06
(5,500)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	19	20.05
(5,427)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	4	20.05
(5,588)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	20	20.03
(5,376)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	9	20.03
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB1	9	20.03
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB2	9	20.03
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB3	9	20.03
(5,605)	1:5:A:ASN:ND2	1:198:A:ALA:H	20	20.02
(5,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	8	20.02
(5,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	10	20.02
(5,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	2	19.98
(5,490)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	1	19.98
(5,784)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	7	19.97
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HB	18	19.96
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HB	18	19.96
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HB	18	19.96
(5,595)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	2	19.92
(5,452)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	13	19.92
(5,367)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	7	19.91
(5,442)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	5	19.9
(5,400)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	7	19.9
(5,385)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	20	19.9
(5,343)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	4	19.9
(5,347)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	18	19.89
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG11	14	19.86
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG12	14	19.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG13	14	19.86
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG21	14	19.86
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG22	14	19.86
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG23	14	19.86
(4,1837)	1:7:A:ALA:HA	1:88:A:ASN:H	6	19.86
(5,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	10	19.85
(4,1805)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HA	13	19.85
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	13	19.85
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	13	19.85
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	13	19.85
(5,654)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	20	19.84
(5,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	10	19.84
(5,369)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	16	19.84
(5,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	4	19.83
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG21	4	19.83
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG22	4	19.83
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG23	4	19.83
(5,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	20	19.82
(5,355)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	7	19.82
(5,655)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	2	19.8
(5,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	20	19.8
(5,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	10	19.8
(5,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	8	19.79
(5,347)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	12	19.78
(5,622)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	4	19.77
(5,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	2	19.75
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG21	17	19.75
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG22	17	19.75
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG23	17	19.75
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG21	17	19.75
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG22	17	19.75
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG23	17	19.75
(5,609)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	10	19.74
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG2	6	19.73
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG3	6	19.73
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG2	6	19.73
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG3	6	19.73
(5,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	2	19.72
(5,661)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	7	19.68
(5,442)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	8	19.68
(5,589)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	10	19.66
(5,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	20	19.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,481)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	14	19.66
(5,358)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	9	19.66
(5,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	10	19.64
(5,366)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	19	19.64
(5,348)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	14	19.64
(5,605)	1:5:A:ASN:ND2	1:198:A:ALA:H	10	19.63
(5,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	20	19.62
(5,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	13	19.62
(5,348)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	4	19.62
(5,498)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	13	19.61
(5,382)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	9	19.61
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG12	17	19.61
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG13	17	19.61
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG12	17	19.61
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG13	17	19.61
(5,405)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	2	19.6
(5,373)	1:5:A:ASN:ND2	1:77:A:TYR:H	9	19.6
(5,343)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	9	19.6
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG11	17	19.6
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG12	17	19.6
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG13	17	19.6
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG21	17	19.6
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG22	17	19.6
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG23	17	19.6
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG11	17	19.59
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG12	17	19.59
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG13	17	19.59
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG21	17	19.59
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG22	17	19.59
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG23	17	19.59
(5,482)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	4	19.58
(5,424)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	1	19.58
(5,401)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	4	19.56
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD21	17	19.56
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD22	17	19.56
(5,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	20	19.55
(5,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	16	19.54
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG12	13	19.53
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG13	13	19.53
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG12	13	19.53
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG13	13	19.53
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG11	14	19.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG12	14	19.53
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG13	14	19.53
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG21	14	19.53
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG22	14	19.53
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG23	14	19.53
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG11	14	19.53
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG12	14	19.53
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG13	14	19.53
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG21	14	19.53
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG22	14	19.53
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG23	14	19.53
(5,498)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	2	19.52
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG11	7	19.52
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG12	7	19.52
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG13	7	19.52
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	7	19.52
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	7	19.52
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	7	19.52
(4,1837)	1:7:A:ALA:HA	1:88:A:ASN:H	20	19.49
(5,359)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	10	19.48
(5,474)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	10	19.47
(5,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	16	19.46
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:H	18	19.46
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD3	1:158:A:GLU:H	18	19.46
(5,359)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	3	19.45
(5,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:83:A:LYS:H	9	19.44
(5,409)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	19	19.44
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG11	9	19.44
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG12	9	19.44
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG13	9	19.44
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG21	9	19.44
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG22	9	19.44
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG23	9	19.44
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:H	14	19.41
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD3	1:158:A:GLU:H	14	19.41
(5,647)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	20	19.4
(4,1232)	1:8:A:VAL:HB	1:159:A:ALA:HA	18	19.39
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG11	7	19.39
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG12	7	19.39
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG13	7	19.39
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG21	7	19.39
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG22	7	19.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG23	7	19.39
(5,521)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	2	19.38
(5,374)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	7	19.37
(5,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	5	19.35
(5,446)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	16	19.35
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG11	4	19.35
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG12	4	19.35
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG13	4	19.35
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	4	19.35
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	4	19.35
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	4	19.35
(5,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	4	19.34
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD21	17	19.33
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD22	17	19.33
(5,668)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	7	19.31
(5,385)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	10	19.3
(5,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	16	19.29
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG21	13	19.29
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG22	13	19.29
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG23	13	19.29
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG21	13	19.29
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG22	13	19.29
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG23	13	19.29
(5,588)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	10	19.28
(5,462)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	20	19.27
(5,426)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	4	19.27
(5,656)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	20	19.26
(5,642)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	7	19.25
(5,421)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	4	19.25
(5,404)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	7	19.24
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD21	17	19.23
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD22	17	19.23
(5,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	10	19.22
(5,359)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	16	19.21
(5,374)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	8	19.2
(5,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	10	19.18
(5,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	13	19.17
(5,460)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	13	19.15
(5,429)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	7	19.15
(5,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	1	19.12
(5,481)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	12	19.12
(4,4235)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:H	6	19.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1692)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:H	13	19.11
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG21	4	19.11
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG22	4	19.11
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG23	4	19.11
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG21	4	19.11
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG22	4	19.11
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG23	4	19.11
(5,617)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	2	19.09
(5,656)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	7	19.08
(5,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	2	19.08
(5,380)	1:5:A:ASN:ND2	1:200:A:ASP:H	3	19.08
(5,345)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	2	19.06
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	13	19.06
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	13	19.06
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	13	19.06
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	13	19.06
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	13	19.06
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	13	19.06
(5,428)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	2	19.05
(5,490)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	3	19.03
(5,448)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	20	19.03
(5,444)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	7	19.02
(5,390)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	9	19.02
(5,716)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	10	19.01
(5,344)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	20	19.01
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG11	9	19.01
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG12	9	19.01
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG13	9	19.01
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG21	9	19.01
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG22	9	19.01
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG23	9	19.01
(5,442)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	19	19.0
(5,390)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	4	18.99
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD21	20	18.98
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD22	20	18.98
(5,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	19	18.97
(5,439)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	20	18.96
(5,371)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	4	18.94
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG12	4	18.92
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG13	4	18.92
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG12	4	18.92
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG13	4	18.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,658)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	10	18.91
(5,401)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	13	18.91
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG11	18	18.91
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG12	18	18.91
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG13	18	18.91
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	18	18.91
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	18	18.91
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	18	18.91
(5,349)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	9	18.9
(5,401)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	9	18.89
(5,339)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	13	18.89
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB1	4	18.89
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB2	4	18.89
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB3	4	18.89
(5,659)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	7	18.88
(5,526)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	2	18.88
(5,373)	1:5:A:ASN:ND2	1:77:A:TYR:H	14	18.87
(5,765)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	20	18.85
(5,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	2	18.85
(5,409)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	1	18.85
(5,459)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	13	18.84
(5,443)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	4	18.83
(4,1232)	1:8:A:VAL:HB	1:159:A:ALA:HA	12	18.8
(5,496)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	7	18.79
(5,443)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	9	18.79
(5,353)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	4	18.78
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:H	4	18.77
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD3	1:158:A:GLU:H	4	18.77
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB1	18	18.77
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB2	18	18.77
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB3	18	18.77
(5,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	16	18.74
(5,419)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	3	18.74
(5,570)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	10	18.73
(5,382)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	4	18.73
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG11	18	18.73
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG12	18	18.73
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG13	18	18.73
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG21	18	18.73
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG22	18	18.73
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG23	18	18.73
(5,457)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	12	18.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,370)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	2	18.72
(5,599)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	20	18.71
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB1	18	18.71
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB2	18	18.71
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB3	18	18.71
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	4	18.69
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	4	18.69
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	4	18.69
(5,358)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	14	18.68
(1,469)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	6	18.68
(5,723)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	20	18.67
(5,616)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	4	18.67
(5,481)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	18	18.67
(5,537)	1:5:A:ASN:ND2	1:213:A:SER:H	20	18.65
(5,362)	1:5:A:ASN:ND2	1:224:A:LEU:H	10	18.65
(5,344)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	10	18.65
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB2	17	18.65
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB3	17	18.65
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB2	17	18.65
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB3	17	18.65
(4,473)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:H	6	18.64
(5,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:83:A:LYS:H	20	18.63
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	13	18.63
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	13	18.63
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	13	18.63
(5,656)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	2	18.62
(5,351)	1:5:A:ASN:ND2	1:123:A:SER:H	13	18.62
(4,1232)	1:8:A:VAL:HB	1:159:A:ALA:HA	17	18.62
(5,365)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	16	18.61
(5,655)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	14	18.6
(5,415)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	9	18.6
(5,361)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	2	18.6
(5,409)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	8	18.59
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG11	13	18.59
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG12	13	18.59
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG13	13	18.59
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG21	13	18.59
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG22	13	18.59
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG23	13	18.59
(5,381)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	10	18.58
(5,528)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	1	18.56
(5,505)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	20	18.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,433)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	18	18.56
(5,424)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	3	18.54
(5,454)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	4	18.53
(5,374)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	5	18.53
(5,656)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	10	18.52
(5,462)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	10	18.52
(5,436)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	2	18.52
(5,461)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	20	18.51
(5,605)	1:5:A:ASN:ND2	1:198:A:ALA:H	16	18.5
(4,669)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:H	6	18.5
(5,420)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	4	18.48
(5,376)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	16	18.48
(5,732)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	7	18.47
(5,580)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	4	18.47
(5,368)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	16	18.47
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	18	18.47
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	18	18.47
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	18	18.47
(5,649)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	2	18.46
(5,500)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	1	18.46
(4,193)	1:10:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	14	18.45
(4,193)	1:10:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	14	18.45
(5,379)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	2	18.44
(5,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	10	18.42
(5,415)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	13	18.41
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	7	18.4
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	7	18.4
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	7	18.4
(5,572)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	19	18.39
(5,382)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	18	18.39
(5,538)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	20	18.38
(5,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	9	18.38
(5,425)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	7	18.38
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD2	6	18.38
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD3	6	18.38
(5,643)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	20	18.37
(5,616)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	9	18.37
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB1	14	18.37
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB2	14	18.37
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB3	14	18.37
(5,454)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	9	18.36
(5,394)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	2	18.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,345)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	8	18.35
(5,426)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	12	18.34
(1,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	6	18.34
(5,528)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	20	18.33
(5,366)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	1	18.33
(5,351)	1:5:A:ASN:ND2	1:123:A:SER:H	9	18.32
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG11	13	18.31
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG12	13	18.31
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG13	13	18.31
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG21	13	18.31
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG22	13	18.31
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG23	13	18.31
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG11	13	18.31
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG12	13	18.31
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG13	13	18.31
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG21	13	18.31
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG22	13	18.31
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG23	13	18.31
(5,390)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	7	18.29
(5,460)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	2	18.28
(5,655)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	4	18.27
(5,666)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	7	18.26
(5,439)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	10	18.26
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG12	5	18.26
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG13	5	18.26
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG12	5	18.26
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG13	5	18.26
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	12	18.24
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	12	18.24
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	12	18.24
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB1	9	18.24
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB2	9	18.24
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB3	9	18.24
(5,776)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	7	18.23
(5,524)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	7	18.22
(5,457)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	18	18.22
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD21	10	18.22
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD22	10	18.22
(5,448)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	10	18.21
(5,420)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	16	18.2
(5,354)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	4	18.2
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	7	18.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	7	18.2
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	7	18.2
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG11	17	18.2
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG12	17	18.2
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG13	17	18.2
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG21	17	18.2
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG22	17	18.2
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG23	17	18.2
(5,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	2	18.19
(5,366)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	20	18.19
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG11	13	18.19
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG12	13	18.19
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG13	13	18.19
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG21	13	18.19
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG22	13	18.19
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG23	13	18.19
(5,521)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	8	18.18
(5,461)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	10	18.18
(5,413)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	16	18.18
(5,575)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	8	18.17
(5,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:83:A:LYS:H	10	18.17
(5,457)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	14	18.16
(5,349)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	16	18.15
(5,516)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	20	18.14
(5,486)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	4	18.13
(5,666)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	2	18.12
(5,433)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	9	18.12
(5,388)	1:5:A:ASN:ND2	1:130:A:ASP:H	2	18.12
(5,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	15	18.1
(5,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	1	18.1
(5,648)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	2	18.08
(5,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	11	18.08
(5,523)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	7	18.08
(5,442)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	3	18.08
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG11	17	18.07
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG12	17	18.07
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG13	17	18.07
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG21	17	18.07
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG22	17	18.07
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG23	17	18.07
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG11	17	18.07
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG12	17	18.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG13	17	18.07
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG21	17	18.07
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG22	17	18.07
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG23	17	18.07
(5,347)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	17	18.06
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	13	18.05
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	13	18.05
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	13	18.05
(4,193)	1:10:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	4	18.03
(4,193)	1:10:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	4	18.03
(5,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	16	18.02
(5,617)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	8	18.01
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	17	18.01
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	17	18.01
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	17	18.01
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	17	18.01
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	17	18.01
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	17	18.01
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	12	18.0
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	12	18.0
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	12	18.0
(5,572)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	8	17.99
(5,427)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	9	17.99
(1,496)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	6	17.99
(5,426)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	14	17.98
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	12	17.96
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	12	17.96
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	12	17.96
(5,529)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	4	17.95
(5,364)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	2	17.94
(5,472)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	2	17.93
(5,415)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	4	17.93
(5,403)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	13	17.93
(5,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	16	17.92
(5,355)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	13	17.9
(5,342)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	7	17.9
(5,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	1	17.89
(5,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	2	17.89
(4,1481)	1:9:A:VAL:H	1:151:A:THR:H	12	17.89
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB1	13	17.88
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB2	13	17.88
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB3	13	17.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	8	17.87
(5,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	20	17.86
(5,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	16	17.86
(4,669)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:H	20	17.86
(5,647)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	10	17.85
(5,599)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	10	17.85
(5,591)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	10	17.85
(5,452)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	9	17.85
(5,399)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	7	17.85
(4,2982)	1:4:A:GLU:H	1:147:A:GLN:H	2	17.85
(5,684)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	7	17.84
(5,627)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	20	17.84
(5,575)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	19	17.84
(1,528)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	12	17.83
(5,580)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	13	17.82
(5,339)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	9	17.82
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG11	12	17.82
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG12	12	17.82
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG13	12	17.82
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG21	12	17.82
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG22	12	17.82
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG23	12	17.82
(5,388)	1:5:A:ASN:ND2	1:130:A:ASP:H	18	17.81
(5,628)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	20	17.8
(5,580)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	9	17.8
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD21	20	17.8
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD22	20	17.8
(5,811)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	10	17.79
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG21	14	17.79
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG22	14	17.79
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG23	14	17.79
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG21	14	17.79
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG22	14	17.79
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG23	14	17.79
(5,500)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	20	17.78
(5,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	16	17.76
(5,375)	1:5:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	20	17.76
(5,367)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	2	17.76
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	4	17.76
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	4	17.76
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	4	17.76
(5,423)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	16	17.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	18	17.73
(1,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	6	17.73
(5,399)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	2	17.71
(4,2982)	1:4:A:GLU:H	1:147:A:GLN:H	6	17.71
(4,1481)	1:9:A:VAL:H	1:151:A:THR:H	18	17.71
(5,622)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	9	17.7
(5,591)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	7	17.69
(5,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	10	17.69
(5,385)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	2	17.69
(5,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	7	17.66
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	9	17.66
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	9	17.66
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	9	17.66
(5,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	20	17.64
(5,354)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	9	17.64
(5,339)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	4	17.64
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG21	18	17.64
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG22	18	17.64
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG23	18	17.64
(5,811)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	20	17.63
(5,508)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	20	17.63
(5,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:83:A:LYS:H	14	17.61
(5,429)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	6	17.61
(5,355)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	9	17.61
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	14	17.61
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	14	17.61
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	14	17.61
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG11	14	17.59
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG12	14	17.59
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG13	14	17.59
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG21	14	17.59
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG22	14	17.59
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG23	14	17.59
(5,528)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	10	17.58
(5,514)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	7	17.58
(5,444)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	2	17.58
(5,354)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	20	17.58
(4,1805)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HA	17	17.58
(5,446)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	2	17.57
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB1	13	17.56
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB2	13	17.56
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB3	13	17.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	13	17.55
(5,528)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	3	17.55
(5,654)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	10	17.54
(5,590)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	8	17.54
(5,591)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	20	17.51
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	13	17.51
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	13	17.51
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	13	17.51
(5,609)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	16	17.5
(5,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	9	17.49
(5,380)	1:5:A:ASN:ND2	1:200:A:ASP:H	5	17.49
(5,351)	1:5:A:ASN:ND2	1:123:A:SER:H	2	17.49
(5,344)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	16	17.49
(5,445)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	4	17.48
(5,385)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	16	17.48
(5,353)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	16	17.48
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB1	18	17.48
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB2	18	17.48
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB3	18	17.48
(5,422)	1:5:A:ASN:ND2	1:55:A:ILE:H	2	17.46
(5,628)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	10	17.43
(5,555)	1:5:A:ASN:ND2	1:179:A:GLU:H	20	17.43
(5,351)	1:5:A:ASN:ND2	1:123:A:SER:H	14	17.43
(5,590)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	20	17.42
(5,370)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	13	17.42
(5,660)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	2	17.41
(5,514)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	2	17.4
(5,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	14	17.4
(5,574)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	7	17.39
(5,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	16	17.38
(5,538)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	10	17.37
(5,368)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	4	17.36
(5,363)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	7	17.36
(5,345)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	19	17.36
(5,344)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	8	17.36
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:H	9	17.36
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD3	1:158:A:GLU:H	9	17.36
(4,2234)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:H	6	17.36
(5,500)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	3	17.35
(5,526)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	7	17.34
(5,434)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	18	17.34
(5,380)	1:5:A:ASN:ND2	1:200:A:ASP:H	15	17.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG11	18	17.34
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG12	18	17.34
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG13	18	17.34
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG21	18	17.34
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG22	18	17.34
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG23	18	17.34
(5,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	10	17.33
(5,528)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	16	17.31
(5,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	7	17.3
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	9	17.3
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	9	17.3
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	9	17.3
(5,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	20	17.29
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG21	12	17.29
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG22	12	17.29
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG23	12	17.29
(5,374)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	15	17.28
(5,366)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	10	17.28
(1,528)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	17	17.28
(5,374)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	11	17.26
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	7	17.26
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	7	17.26
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	7	17.26
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	7	17.26
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	7	17.26
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	7	17.26
(5,590)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	2	17.25
(5,366)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	3	17.25
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:H	14	17.23
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:H	14	17.23
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:H	14	17.23
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:H	14	17.23
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:H	14	17.23
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:H	14	17.23
(5,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	16	17.22
(5,426)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	18	17.21
(5,391)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	13	17.2
(5,419)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	15	17.19
(5,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	4	17.18
(1,598)	1:5:A:ASN:ND2	1:236:A:GLU:H	4	17.18
(5,598)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	7	17.17
(4,2234)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:H	2	17.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1232)	1:8:A:VAL:HB	1:159:A:ALA:HA	7	17.17
(5,461)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	2	17.15
(5,459)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	9	17.14
(4,1692)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:H	6	17.14
(5,401)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	14	17.12
(5,437)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	2	17.11
(5,395)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	10	17.11
(4,1481)	1:9:A:VAL:H	1:151:A:THR:H	14	17.11
(5,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	20	17.1
(5,521)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	19	17.08
(5,460)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	14	17.08
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG11	4	17.08
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG12	4	17.08
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG13	4	17.08
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG21	4	17.08
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG22	4	17.08
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG23	4	17.08
(5,622)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	14	17.07
(5,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	10	17.07
(5,445)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	9	17.07
(5,434)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	9	17.07
(5,403)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	9	17.07
(5,374)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	1	17.07
(5,667)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	7	17.06
(5,588)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	4	17.06
(5,617)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	19	17.05
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	17	17.05
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	17	17.05
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	17	17.05
(5,652)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	2	17.04
(5,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	10	17.04
(5,342)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	20	17.04
(5,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	2	17.03
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG11	18	17.03
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG12	18	17.03
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG13	18	17.03
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG21	18	17.03
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG22	18	17.03
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG23	18	17.03
(5,500)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	10	17.02
(5,605)	1:5:A:ASN:ND2	1:198:A:ALA:H	8	17.01
(5,643)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	10	17.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	2	17.0
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB1	17	17.0
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB2	17	17.0
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB3	17	17.0
(5,396)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	7	16.99
(5,386)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	19	16.99
(5,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	8	16.97
(5,371)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	16	16.95
(5,345)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	20	16.95
(5,379)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	8	16.94
(5,620)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	13	16.93
(1,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	6	16.92
(5,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	7	16.9
(5,452)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	4	16.88
(5,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	3	16.87
(5,505)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	10	16.87
(5,430)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	2	16.87
(5,628)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	8	16.86
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG11	12	16.85
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG12	12	16.85
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG13	12	16.85
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG21	12	16.85
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG22	12	16.85
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG23	12	16.85
(5,342)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	10	16.84
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	13	16.84
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	13	16.84
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	13	16.84
(5,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	4	16.83
(4,2982)	1:4:A:GLU:H	1:147:A:GLN:H	11	16.83
(5,412)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	7	16.82
(5,626)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	2	16.81
(5,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	10	16.81
(5,391)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	5	16.81
(5,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	13	16.81
(5,345)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	10	16.81
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD21	6	16.81
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD22	6	16.81
(4,1864)	1:11:A:ILE:H	1:90:A:CYS:H	4	16.81
(5,817)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	7	16.8
(5,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	20	16.8
(5,376)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	14	16.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1864)	1:11:A:ILE:H	1:90:A:CYS:H	14	16.8
(5,765)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	10	16.79
(5,579)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	7	16.79
(5,500)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	16	16.79
(5,343)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	14	16.79
(5,565)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	7	16.77
(5,397)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	4	16.77
(5,403)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	4	16.76
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG11	17	16.76
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG12	17	16.76
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG13	17	16.76
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG21	17	16.76
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG22	17	16.76
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG23	17	16.76
(5,620)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	9	16.75
(5,460)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	4	16.75
(5,419)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	20	16.75
(5,373)	1:5:A:ASN:ND2	1:77:A:TYR:H	13	16.73
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG11	12	16.73
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG12	12	16.73
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG13	12	16.73
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG21	12	16.73
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG22	12	16.73
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG23	12	16.73
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG11	12	16.73
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG12	12	16.73
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG13	12	16.73
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG21	12	16.73
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG22	12	16.73
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG23	12	16.73
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG11	12	16.73
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG12	12	16.73
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG13	12	16.73
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG21	12	16.73
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG22	12	16.73
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG23	12	16.73
(5,615)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	7	16.71
(5,481)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	17	16.71
(5,428)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	20	16.71
(5,537)	1:5:A:ASN:ND2	1:213:A:SER:H	10	16.7
(5,355)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	18	16.7
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD21	10	16.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD22	10	16.7
(5,578)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	16	16.69
(5,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	4	16.69
(5,458)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	7	16.68
(5,388)	1:5:A:ASN:ND2	1:130:A:ASP:H	12	16.68
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	14	16.68
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	14	16.68
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	14	16.68
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	14	16.68
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	14	16.68
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	14	16.68
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	4	16.68
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	4	16.68
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	4	16.68
(5,681)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	20	16.67
(5,348)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	17	16.66
(5,555)	1:5:A:ASN:ND2	1:179:A:GLU:H	10	16.64
(5,611)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	7	16.63
(5,366)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	16	16.63
(4,132)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD2	4	16.62
(4,132)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD2	4	16.62
(5,590)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	10	16.61
(5,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	16	16.61
(1,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	17	16.61
(5,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	10	16.6
(5,621)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	16	16.59
(5,450)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	4	16.59
(5,344)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	19	16.59
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD2	2	16.59
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD3	2	16.59
(5,554)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	4	16.58
(5,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	16	16.57
(5,434)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	4	16.57
(5,371)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	9	16.57
(5,343)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	7	16.57
(5,605)	1:5:A:ASN:ND2	1:198:A:ALA:H	19	16.56
(5,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	16	16.56
(5,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	16	16.56
(5,449)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	2	16.56
(5,397)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	13	16.55
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	12	16.55
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	12	16.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	12	16.55
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	12	16.55
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	12	16.55
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	12	16.55
(5,655)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	9	16.54
(5,554)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	9	16.54
(5,667)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	9	16.53
(5,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	19	16.53
(5,379)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	19	16.52
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	13	16.52
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	13	16.52
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	13	16.52
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	13	16.52
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	13	16.52
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	13	16.52
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	13	16.52
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	13	16.52
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	13	16.52
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	13	16.52
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	13	16.52
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	13	16.52
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	13	16.52
(5,620)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	4	16.5
(5,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	2	16.5
(5,498)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	4	16.5
(5,459)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	4	16.5
(4,1481)	1:9:A:VAL:H	1:151:A:THR:H	17	16.5
(5,499)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	15	16.49
(5,344)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	1	16.49
(5,339)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	18	16.49
(5,525)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	20	16.48
(1,454)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	6	16.48
(5,786)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	7	16.47
(5,467)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	2	16.47
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	14	16.47
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	14	16.47
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	14	16.47
(5,572)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	1	16.46
(5,433)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	4	16.46
(5,498)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	14	16.45
(5,409)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	3	16.45
(5,652)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	20	16.44
(5,394)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	13	16.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	2	16.43
(5,575)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	1	16.42
(5,359)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	15	16.42
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD3	4	16.42
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD3	4	16.42
(5,342)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	2	16.41
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	17	16.41
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	17	16.41
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	17	16.41
(5,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	16	16.4
(5,428)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	10	16.4
(5,415)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	14	16.4
(5,364)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	7	16.4
(5,529)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	9	16.39
(5,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	13	16.38
(5,634)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	7	16.37
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD21	10	16.37
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD22	10	16.37
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	18	16.37
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	18	16.37
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	18	16.37
(5,352)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	4	16.35
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	9	16.35
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	9	16.35
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	9	16.35
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	9	16.35
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	9	16.35
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	9	16.35
(4,788)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HA	6	16.35
(5,611)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	2	16.34
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD3	18	16.34
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD3	18	16.34
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG21	4	16.33
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG22	4	16.33
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG23	4	16.33
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG21	4	16.33
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG22	4	16.33
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG23	4	16.33
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG21	4	16.33
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG22	4	16.33
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG23	4	16.33
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	7	16.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	7	16.33
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	7	16.33
(5,723)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	10	16.32
(4,193)	1:10:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	18	16.32
(4,193)	1:10:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	18	16.32
(1,596)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	12	16.32
(5,462)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	4	16.3
(5,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	2	16.29
(5,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	4	16.28
(5,733)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	7	16.27
(5,438)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	2	16.27
(5,376)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	6	16.27
(4,132)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD2	14	16.27
(4,132)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD2	14	16.27
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG21	14	16.26
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG22	14	16.26
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG23	14	16.26
(5,369)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	4	16.25
(5,605)	1:5:A:ASN:ND2	1:198:A:ALA:H	1	16.24
(5,351)	1:5:A:ASN:ND2	1:123:A:SER:H	10	16.22
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	14	16.22
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	14	16.22
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	14	16.22
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	4	16.22
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	4	16.22
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	4	16.22
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	4	16.22
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	4	16.22
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	4	16.22
(5,653)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	7	16.2
(5,390)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	14	16.2
(5,480)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	20	16.19
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	12	16.19
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	12	16.19
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	12	16.19
(4,1692)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:H	17	16.18
(5,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	2	16.17
(5,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	2	16.17
(5,390)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	18	16.17
(1,567)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	12	16.17
(1,554)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	12	16.16
(5,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	20	16.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,414)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	20	16.15
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG11	4	16.15
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG12	4	16.15
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG13	4	16.15
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG21	4	16.15
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG22	4	16.15
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG23	4	16.15
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG11	4	16.15
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG12	4	16.15
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG13	4	16.15
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG21	4	16.15
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG22	4	16.15
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG23	4	16.15
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG11	4	16.15
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG12	4	16.15
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG13	4	16.15
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG21	4	16.15
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG22	4	16.15
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG23	4	16.15
(5,413)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	4	16.14
(5,356)	1:5:A:ASN:ND2	1:125:A:SER:H	4	16.14
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG2	5	16.14
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG3	5	16.14
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG2	5	16.14
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG3	5	16.14
(5,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	7	16.13
(5,352)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	7	16.13
(5,473)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	18	16.12
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	9	16.12
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	9	16.12
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	9	16.12
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB1	12	16.12
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB2	12	16.12
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB3	12	16.12
(5,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	2	16.11
(5,390)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	13	16.11
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG11	7	16.11
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG12	7	16.11
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG13	7	16.11
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG21	7	16.11
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG22	7	16.11
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG23	7	16.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	16	16.1
(5,516)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	10	16.09
(5,439)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	16	16.09
(5,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	16	16.08
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:HA	14	16.08
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:HA	14	16.08
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:HA	14	16.08
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:HA	14	16.08
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:HA	14	16.08
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:HA	14	16.08
(4,1481)	1:9:A:VAL:H	1:151:A:THR:H	13	16.08
(5,505)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	4	16.07
(5,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	7	16.07
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:H	4	16.07
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:H	4	16.07
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:H	4	16.07
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:H	4	16.07
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:H	4	16.07
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:H	4	16.07
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:H	13	16.07
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:H	13	16.07
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:H	13	16.07
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:H	13	16.07
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:H	13	16.07
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:H	13	16.07
(5,590)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	19	16.06
(5,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	4	16.06
(5,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:83:A:LYS:H	13	16.06
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG11	17	16.05
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG12	17	16.05
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG13	17	16.05
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG21	17	16.05
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG22	17	16.05
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG23	17	16.05
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG11	17	16.05
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG12	17	16.05
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG13	17	16.05
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG21	17	16.05
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG22	17	16.05
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG23	17	16.05
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG11	17	16.05
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG12	17	16.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG13	17	16.05
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG21	17	16.05
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG22	17	16.05
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG23	17	16.05
(5,473)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	9	16.04
(5,430)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	10	16.04
(5,376)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	18	16.04
(5,353)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	9	16.04
(5,659)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	13	16.03
(5,580)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	14	16.03
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD21	6	16.03
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD22	6	16.03
(4,132)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD2	18	16.03
(4,132)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD2	18	16.03
(1,605)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	6	16.03
(5,729)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	7	16.02
(5,452)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	12	16.02
(5,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	14	16.01
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	12	16.01
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	12	16.01
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	12	16.01
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	17	16.01
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	17	16.01
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	17	16.01
(4,1481)	1:9:A:VAL:H	1:151:A:THR:H	9	16.0
(5,549)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	2	15.99
(5,541)	1:5:A:ASN:ND2	1:178:A:PHE:H	20	15.99
(5,356)	1:5:A:ASN:ND2	1:125:A:SER:H	20	15.98
(5,448)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	16	15.97
(5,652)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	10	15.96
(5,490)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	15	15.95
(1,586)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	12	15.95
(5,573)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	7	15.94
(5,418)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	2	15.94
(5,355)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	12	15.93
(5,627)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	10	15.91
(5,431)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	2	15.9
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	9	15.9
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	9	15.9
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	9	15.9
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	9	15.9
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	9	15.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	9	15.9
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	9	15.9
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	9	15.9
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	9	15.9
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	9	15.9
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	9	15.9
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	9	15.9
(5,737)	1:5:A:ASN:ND2	1:68:A:SER:H	20	15.89
(5,628)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	16	15.89
(5,443)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	18	15.89
(5,553)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	2	15.88
(1,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	12	15.88
(5,667)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	13	15.87
(5,483)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	4	15.87
(5,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	4	15.87
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	9	15.87
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	9	15.87
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	9	15.87
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	9	15.87
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	9	15.87
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	9	15.87
(5,533)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	2	15.86
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	18	15.86
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	18	15.86
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	18	15.86
(4,1481)	1:9:A:VAL:H	1:151:A:THR:H	4	15.86
(5,728)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	20	15.85
(5,393)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	8	15.85
(5,343)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	18	15.85
(5,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	7	15.84
(5,628)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	2	15.83
(5,473)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	13	15.83
(5,345)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	1	15.83
(5,427)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	16	15.82
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	17	15.82
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	17	15.82
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	17	15.82
(5,668)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	4	15.81
(5,473)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	7	15.81
(5,767)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	7	15.8
(5,352)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	9	15.8
(5,351)	1:5:A:ASN:ND2	1:123:A:SER:H	20	15.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,446)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	8	15.79
(5,343)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	13	15.79
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HA	4	15.78
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HA	4	15.78
(5,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	3	15.77
(5,521)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	1	15.77
(5,381)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	4	15.77
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	4	15.77
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	4	15.77
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	4	15.77
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	4	15.77
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	4	15.77
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	4	15.77
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	4	15.77
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	4	15.77
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	4	15.77
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	4	15.77
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	4	15.77
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	4	15.77
(5,388)	1:5:A:ASN:ND2	1:130:A:ASP:H	17	15.75
(5,437)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	13	15.74
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG2	2	15.74
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG3	2	15.74
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG2	2	15.74
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG3	2	15.74
(5,591)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	16	15.73
(5,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	8	15.73
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG11	20	15.73
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG12	20	15.73
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG13	20	15.73
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG21	20	15.73
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG22	20	15.73
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG23	20	15.73
(1,554)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	17	15.73
(5,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	4	15.72
(5,457)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	17	15.72
(5,450)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	16	15.72
(5,538)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	16	15.71
(5,419)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	11	15.71
(5,368)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	9	15.7
(4,1692)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:H	12	15.7
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	14	15.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	14	15.69
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	14	15.69
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	14	15.69
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	14	15.69
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	14	15.69
(4,1481)	1:9:A:VAL:H	1:151:A:THR:H	7	15.68
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	9	15.68
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	9	15.68
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	9	15.68
(5,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	10	15.67
(5,443)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	7	15.66
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:H	14	15.66
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:H	14	15.66
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:H	14	15.66
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:H	14	15.66
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:H	14	15.66
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:H	14	15.66
(1,596)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	17	15.66
(5,668)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	20	15.65
(5,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	5	15.65
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB2	20	15.65
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB3	20	15.65
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB2	20	15.65
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB3	20	15.65
(5,748)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	7	15.64
(5,529)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	16	15.64
(5,482)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	14	15.64
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	14	15.64
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	14	15.64
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	14	15.64
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	14	15.64
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	14	15.64
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	14	15.64
(5,521)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	20	15.63
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:H	18	15.63
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:H	18	15.63
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:H	18	15.63
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:H	18	15.63
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:H	18	15.63
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:H	18	15.63
(5,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	1	15.62
(5,356)	1:5:A:ASN:ND2	1:125:A:SER:H	10	15.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,406)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	7	15.59
(5,368)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	6	15.59
(5,354)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	10	15.59
(5,541)	1:5:A:ASN:ND2	1:178:A:PHE:H	10	15.58
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	17	15.58
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	17	15.58
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	17	15.58
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	17	15.58
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	17	15.58
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	17	15.58
(5,590)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	16	15.57
(5,354)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	18	15.57
(5,616)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	14	15.56
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	14	15.56
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	14	15.56
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	14	15.56
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	14	15.56
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	14	15.56
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	14	15.56
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	14	15.56
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	14	15.56
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	14	15.56
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	14	15.56
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	14	15.56
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	14	15.56
(1,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	6	15.56
(5,426)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	17	15.55
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB1	4	15.55
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB2	4	15.55
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB3	4	15.55
(5,386)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	8	15.54
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD2	11	15.54
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD3	11	15.54
(5,461)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	16	15.52
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG21	13	15.52
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG22	13	15.52
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG23	13	15.52
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG21	13	15.52
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG22	13	15.52
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG23	13	15.52
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG21	13	15.52
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG22	13	15.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG23	13	15.52
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG21	13	15.52
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG22	13	15.52
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG23	13	15.52
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG21	13	15.52
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG22	13	15.52
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG23	13	15.52
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG21	13	15.52
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG22	13	15.52
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG23	13	15.52
(4,1232)	1:8:A:VAL:HB	1:159:A:ALA:HA	6	15.52
(5,503)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	7	15.51
(5,486)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	9	15.51
(5,375)	1:5:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	10	15.51
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	18	15.51
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	18	15.51
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	18	15.51
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG11	14	15.51
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG12	14	15.51
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG13	14	15.51
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG21	14	15.51
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG22	14	15.51
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG23	14	15.51
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG11	14	15.51
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG12	14	15.51
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG13	14	15.51
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG21	14	15.51
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG22	14	15.51
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG23	14	15.51
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG11	14	15.51
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG12	14	15.51
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG13	14	15.51
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG21	14	15.51
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG22	14	15.51
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG23	14	15.51
(5,429)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	2	15.5
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG11	17	15.5
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG12	17	15.5
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG13	17	15.5
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG21	17	15.5
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG22	17	15.5
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG23	17	15.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,397)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	9	15.49
(5,445)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	20	15.48
(5,356)	1:5:A:ASN:ND2	1:125:A:SER:H	14	15.48
(5,483)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	16	15.47
(5,656)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	16	15.46
(5,617)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	1	15.46
(1,598)	1:5:A:ASN:ND2	1:236:A:GLU:H	9	15.46
(5,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	4	15.45
(5,486)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	18	15.45
(5,395)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	16	15.45
(5,388)	1:5:A:ASN:ND2	1:130:A:ASP:H	16	15.45
(4,4235)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:H	16	15.45
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	4	15.44
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	4	15.44
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	4	15.44
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	4	15.44
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	4	15.44
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	4	15.44
(5,737)	1:5:A:ASN:ND2	1:68:A:SER:H	10	15.43
(5,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	14	15.43
(5,432)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	4	15.43
(5,419)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	16	15.43
(5,373)	1:5:A:ASN:ND2	1:77:A:TYR:H	5	15.43
(4,1837)	1:7:A:ALA:HA	1:88:A:ASN:H	16	15.43
(5,432)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	8	15.42
(5,661)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	13	15.4
(5,433)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	13	15.4
(5,406)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	18	15.4
(4,1805)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HA	12	15.39
(5,345)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	16	15.38
(5,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	13	15.37
(5,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	16	15.36
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG11	10	15.36
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG12	10	15.36
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG13	10	15.36
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG21	10	15.36
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG22	10	15.36
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG23	10	15.36
(5,442)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	15	15.35
(5,616)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	7	15.34
(5,403)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	14	15.34
(5,347)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	2	15.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,508)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	10	15.33
(5,373)	1:5:A:ASN:ND2	1:77:A:TYR:H	1	15.33
(5,355)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	4	15.33
(5,339)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	12	15.33
(5,571)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	2	15.32
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	18	15.32
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	18	15.32
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	18	15.32
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	18	15.32
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	18	15.32
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	18	15.32
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG21	4	15.32
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG22	4	15.32
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG23	4	15.32
(5,439)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	2	15.31
(5,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	3	15.3
(5,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	5	15.3
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	17	15.3
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	17	15.3
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	17	15.3
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD3	14	15.3
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD3	14	15.3
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG21	5	15.3
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG22	5	15.3
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG23	5	15.3
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG21	5	15.3
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG22	5	15.3
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG23	5	15.3
(5,568)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	4	15.29
(5,407)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	2	15.29
(5,655)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	12	15.28
(5,623)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	20	15.27
(5,498)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	12	15.27
(1,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	18	15.27
(1,161)	1:59:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	13	15.27
(5,619)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	19	15.26
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	13	15.26
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	13	15.26
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	13	15.26
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	13	15.26
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	13	15.26
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	13	15.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG21	7	15.26
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG22	7	15.26
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG23	7	15.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	18	15.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	18	15.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	18	15.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	18	15.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	18	15.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	18	15.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	18	15.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	18	15.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	18	15.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	18	15.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	18	15.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	18	15.26
(5,668)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	9	15.25
(5,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	1	15.25
(5,421)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	9	15.25
(5,459)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	12	15.24
(5,419)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	10	15.24
(5,296)	1:5:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	20	15.24
(4,2234)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:H	11	15.24
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HA	18	15.24
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HA	18	15.24
(5,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	19	15.23
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG21	12	15.23
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG22	12	15.23
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG23	12	15.23
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG21	12	15.23
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG22	12	15.23
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG23	12	15.23
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG21	12	15.23
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG22	12	15.23
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG23	12	15.23
(5,567)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	20	15.22
(5,518)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	20	15.22
(1,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	17	15.22
(5,478)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	2	15.21
(5,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	2	15.21
(4,473)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:H	16	15.21
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HA	14	15.19
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HA	14	15.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,429)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	18	15.18
(5,382)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	13	15.18
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	4	15.17
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	4	15.17
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	4	15.17
(5,414)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	10	15.16
(5,346)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	2	15.16
(5,575)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	3	15.15
(5,443)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	14	15.15
(5,438)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	20	15.14
(5,685)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	7	15.13
(5,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	9	15.13
(5,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	16	15.12
(5,448)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	2	15.12
(5,443)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	13	15.11
(5,358)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	12	15.11
(4,193)	1:10:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	9	15.11
(4,193)	1:10:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	9	15.11
(1,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	17	15.11
(5,454)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	18	15.1
(5,452)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	18	15.1
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:H	9	15.1
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:H	9	15.1
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:H	9	15.1
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:H	9	15.1
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:H	9	15.1
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:H	9	15.1
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	14	15.1
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	14	15.1
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	14	15.1
(5,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	13	15.09
(5,349)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	14	15.09
(1,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	4	15.07
(1,505)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	18	15.07
(4,473)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:H	11	15.06
(5,459)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	18	15.05
(5,427)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	14	15.05
(5,415)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	18	15.05
(5,389)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	13	15.05
(5,353)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	6	15.05
(5,387)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	7	15.04
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG11	9	15.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG12	9	15.04
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG13	9	15.04
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG21	9	15.04
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG22	9	15.04
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG23	9	15.04
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG11	9	15.04
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG12	9	15.04
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG13	9	15.04
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG21	9	15.04
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG22	9	15.04
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG23	9	15.04
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG11	9	15.04
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG12	9	15.04
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG13	9	15.04
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG21	9	15.04
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG22	9	15.04
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG23	9	15.04
(5,572)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	3	15.03
(5,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	9	15.03
(5,460)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	9	15.02
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB1	17	15.02
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB2	17	15.02
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB3	17	15.02
(5,628)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	19	15.01
(5,568)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	16	15.01
(5,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	7	15.01
(5,424)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	15	15.01
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG21	18	15.01
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG22	18	15.01
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG23	18	15.01
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG21	18	15.01
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG22	18	15.01
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG23	18	15.01
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG21	18	15.01
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG22	18	15.01
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG23	18	15.01
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB1	17	15.01
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB2	17	15.01
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB3	17	15.01
(5,725)	1:5:A:ASN:ND2	1:69:A:THR:H	20	15.0
(5,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	2	15.0
(5,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	10	15.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,474)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	16	15.0
(5,500)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	15	14.99
(5,380)	1:5:A:ASN:ND2	1:200:A:ASP:H	7	14.99
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	18	14.97
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	18	14.97
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	18	14.97
(5,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	19	14.96
(5,588)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	9	14.96
(5,389)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	2	14.96
(5,386)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	1	14.96
(5,374)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	3	14.95
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG21	9	14.95
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG22	9	14.95
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG23	9	14.95
(5,445)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	18	14.93
(5,402)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	7	14.92
(1,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	12	14.92
(5,420)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	9	14.91
(5,385)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	8	14.91
(5,356)	1:5:A:ASN:ND2	1:125:A:SER:H	9	14.9
(1,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	11	14.9
(5,432)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	6	14.89
(5,338)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	7	14.89
(5,406)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	13	14.88
(5,430)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	20	14.87
(5,349)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	6	14.87
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB1	14	14.87
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB2	14	14.87
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB3	14	14.87
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB1	14	14.87
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB2	14	14.87
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB3	14	14.87
(5,655)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	10	14.86
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG12	20	14.86
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG13	20	14.86
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG12	20	14.86
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG13	20	14.86
(4,3472)	1:9:A:VAL:H	1:152:A:GLY:H	9	14.86
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG2	16	14.86
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG3	16	14.86
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG2	16	14.86
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG3	16	14.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,358)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	18	14.84
(4,3472)	1:9:A:VAL:H	1:152:A:GLY:H	12	14.84
(5,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	12	14.83
(5,574)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	2	14.82
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB1	12	14.82
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB2	12	14.82
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB3	12	14.82
(5,362)	1:5:A:ASN:ND2	1:224:A:LEU:H	4	14.81
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG11	7	14.81
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG12	7	14.81
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG13	7	14.81
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG21	7	14.81
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG22	7	14.81
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG23	7	14.81
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG11	7	14.81
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG12	7	14.81
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG13	7	14.81
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG21	7	14.81
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG22	7	14.81
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG23	7	14.81
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG11	7	14.81
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG12	7	14.81
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG13	7	14.81
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG21	7	14.81
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG22	7	14.81
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG23	7	14.81
(5,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	16	14.8
(5,421)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	18	14.8
(5,95)	1:39:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	16	14.8
(5,752)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	2	14.79
(5,474)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	4	14.79
(4,3976)	1:11:A:ILE:H	1:92:A:LEU:H	4	14.79
(5,617)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	20	14.78
(5,453)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	2	14.78
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG21	17	14.78
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG22	17	14.78
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG23	17	14.78
(5,620)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	14	14.77
(5,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	16	14.77
(5,366)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	15	14.77
(5,95)	1:39:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	3	14.77
(5,659)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	9	14.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,629)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	2	14.75
(5,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	13	14.74
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB1	13	14.73
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB2	13	14.73
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB3	13	14.73
(5,521)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	10	14.72
(4,4235)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:H	2	14.72
(5,681)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	10	14.7
(5,534)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	2	14.7
(5,784)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	4	14.69
(5,521)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	3	14.69
(5,393)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	2	14.69
(5,95)	1:39:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	9	14.68
(1,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	5	14.68
(5,339)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	14	14.67
(5,95)	1:39:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	5	14.67
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	20	14.67
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	20	14.67
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	20	14.67
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	20	14.67
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	20	14.67
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	20	14.67
(1,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	6	14.67
(5,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	1	14.66
(5,419)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	5	14.66
(5,664)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	2	14.65
(5,590)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	1	14.65
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:H	9	14.65
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:H	9	14.65
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:H	9	14.65
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:H	9	14.65
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:H	9	14.65
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:H	9	14.65
(5,576)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	7	14.64
(4,3976)	1:11:A:ILE:H	1:92:A:LEU:H	14	14.64
(5,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	1	14.63
(5,450)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	9	14.63
(5,391)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	12	14.63
(5,356)	1:5:A:ASN:ND2	1:125:A:SER:H	13	14.63
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:HA	9	14.63
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:HA	9	14.63
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:HA	9	14.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:HA	9	14.63
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:HA	9	14.63
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:HA	9	14.63
(1,491)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	6	14.63
(5,623)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	10	14.62
(5,616)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	18	14.62
(4,473)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:H	20	14.62
(5,422)	1:5:A:ASN:ND2	1:55:A:ILE:H	20	14.61
(4,1805)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HA	6	14.61
(5,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	14	14.6
(5,369)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	6	14.6
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB2	14	14.6
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB3	14	14.6
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB2	14	14.6
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB3	14	14.6
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB2	14	14.6
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB3	14	14.6
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB2	14	14.6
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB3	14	14.6
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB2	14	14.6
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB3	14	14.6
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB2	14	14.6
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB3	14	14.6
(5,764)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	20	14.58
(5,381)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	16	14.58
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG21	14	14.58
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG22	14	14.58
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG23	14	14.58
(1,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	18	14.58
(5,654)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	4	14.57
(5,441)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	2	14.57
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG11	13	14.57
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG12	13	14.57
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG13	13	14.57
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG21	13	14.57
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG22	13	14.57
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG23	13	14.57
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG11	13	14.57
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG12	13	14.57
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG13	13	14.57
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG21	13	14.57
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG22	13	14.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG23	13	14.57
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG11	13	14.57
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG12	13	14.57
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG13	13	14.57
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG21	13	14.57
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG22	13	14.57
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG23	13	14.57
(5,616)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	13	14.56
(5,476)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	2	14.56
(5,406)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	4	14.56
(5,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	9	14.56
(5,651)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	7	14.55
(5,409)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	15	14.55
(5,382)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	14	14.55
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	4	14.55
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	4	14.55
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	4	14.55
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	4	14.55
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	4	14.55
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	4	14.55
(4,788)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HA	10	14.54
(5,95)	1:39:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	7	14.53
(5,528)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	15	14.52
(5,652)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	16	14.51
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HB	10	14.51
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HB	10	14.51
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HB	10	14.51
(5,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	20	14.5
(5,541)	1:5:A:ASN:ND2	1:178:A:PHE:H	2	14.5
(5,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	4	14.5
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD21	6	14.5
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD22	6	14.5
(5,487)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	7	14.49
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:HA	18	14.49
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:HA	18	14.49
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:HA	18	14.49
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:HA	18	14.49
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:HA	18	14.49
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:HA	18	14.49
(5,784)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	13	14.48
(5,657)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	7	14.48
(5,575)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	20	14.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,608)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	14	14.48
(5,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	4	14.47
(5,420)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	14	14.47
(5,397)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	14	14.47
(5,370)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	14	14.47
(5,504)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	8	14.46
(5,626)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	13	14.45
(5,563)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	9	14.45
(5,540)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	18	14.45
(5,345)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	3	14.45
(1,572)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	14	14.45
(5,768)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	20	14.44
(5,420)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	6	14.44
(5,395)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	8	14.44
(5,347)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	20	14.44
(4,473)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:H	10	14.44
(5,540)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	9	14.43
(5,513)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	4	14.43
(5,379)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	1	14.42
(5,480)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	2	14.41
(5,623)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	8	14.4
(5,498)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	9	14.4
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB2	4	14.4
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB3	4	14.4
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB2	4	14.4
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB3	4	14.4
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB2	4	14.4
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB3	4	14.4
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB2	4	14.4
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB3	4	14.4
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB2	4	14.4
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB3	4	14.4
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB2	4	14.4
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB3	4	14.4
(5,667)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	12	14.39
(5,525)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	10	14.39
(5,480)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	10	14.39
(5,482)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	13	14.38
(5,380)	1:5:A:ASN:ND2	1:200:A:ASP:H	11	14.38
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:H	7	14.38
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD3	1:158:A:GLU:H	7	14.38
(5,523)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	13	14.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,416)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	4	14.37
(1,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	14	14.37
(5,483)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	9	14.36
(5,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	7	14.36
(5,617)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	3	14.35
(5,349)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	18	14.35
(5,95)	1:39:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	1	14.35
(4,1805)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HA	7	14.35
(5,658)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	16	14.34
(5,647)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	16	14.34
(5,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	8	14.34
(5,370)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	4	14.34
(5,355)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	14	14.34
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB2	13	14.34
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB3	13	14.34
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB2	13	14.34
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB3	13	14.34
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB2	13	14.34
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB3	13	14.34
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB2	13	14.34
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB3	13	14.34
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB2	13	14.34
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB3	13	14.34
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB2	13	14.34
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB3	13	14.34
(1,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	16	14.34
(5,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	4	14.33
(5,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	9	14.33
(1,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	6	14.33
(5,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	3	14.32
(5,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	9	14.32
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG21	20	14.32
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG22	20	14.32
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG23	20	14.32
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG21	20	14.32
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG22	20	14.32
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG23	20	14.32
(1,598)	1:5:A:ASN:ND2	1:236:A:GLU:H	14	14.32
(5,406)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	9	14.27
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:H	12	14.27
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD3	1:158:A:GLU:H	12	14.27
(5,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	8	14.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,454)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	14	14.26
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD2	10	14.26
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD3	10	14.26
(5,369)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	9	14.25
(5,353)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	18	14.25
(4,132)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD2	9	14.25
(4,132)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD2	9	14.25
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB2	9	14.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB3	9	14.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB2	9	14.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB3	9	14.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB2	9	14.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB3	9	14.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB2	9	14.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB3	9	14.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB2	9	14.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB3	9	14.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB2	9	14.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB3	9	14.24
(5,567)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	10	14.23
(5,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	4	14.22
(5,452)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	14	14.22
(5,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	7	14.2
(5,462)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	9	14.2
(5,368)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	18	14.2
(5,362)	1:5:A:ASN:ND2	1:224:A:LEU:H	16	14.2
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG21	9	14.19
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG22	9	14.19
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG23	9	14.19
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG21	9	14.19
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG22	9	14.19
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG23	9	14.19
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG21	9	14.19
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG22	9	14.19
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG23	9	14.19
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG21	9	14.19
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG22	9	14.19
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG23	9	14.19
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG21	9	14.19
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG22	9	14.19
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG23	9	14.19
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG21	9	14.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG22	9	14.19
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG23	9	14.19
(5,379)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	20	14.18
(5,95)	1:39:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	11	14.17
(5,643)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	16	14.16
(5,430)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	13	14.16
(5,668)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	14	14.15
(5,352)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	14	14.15
(4,1692)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:H	7	14.15
(1,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	6	14.15
(5,344)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	3	14.14
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB1	4	14.14
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB2	4	14.14
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB3	4	14.14
(5,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	7	14.13
(5,609)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	2	14.12
(5,504)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	4	14.12
(4,4234)	1:2:A:SER:HA	1:8:A:VAL:HA	4	14.12
(5,498)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	5	14.11
(5,415)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	12	14.11
(5,505)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	9	14.1
(5,667)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	18	14.09
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	4	14.09
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	4	14.09
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	4	14.09
(5,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	7	14.08
(5,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	2	14.08
(4,2982)	1:4:A:GLU:H	1:147:A:GLN:H	15	14.08
(5,655)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	17	14.07
(5,521)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	16	14.07
(5,480)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	8	14.07
(5,401)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	18	14.07
(5,358)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	17	14.07
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB1	7	14.07
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB2	7	14.07
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB3	7	14.07
(5,783)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	2	14.06
(5,570)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	16	14.05
(5,605)	1:5:A:ASN:ND2	1:198:A:ALA:H	3	14.04
(1,586)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	17	14.04
(5,612)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	7	14.03
(5,384)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	1	14.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,641)	1:9:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:H	18	14.03
(4,641)	1:9:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:H	18	14.03
(4,641)	1:9:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:H	18	14.03
(4,641)	1:9:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:H	18	14.03
(4,641)	1:9:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:H	18	14.03
(4,641)	1:9:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:H	18	14.03
(5,617)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	10	14.02
(5,573)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	13	14.02
(5,351)	1:5:A:ASN:ND2	1:123:A:SER:H	12	14.02
(5,379)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	10	14.01
(5,537)	1:5:A:ASN:ND2	1:213:A:SER:H	16	14.0
(5,95)	1:39:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	17	14.0
(1,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	12	14.0
(5,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	20	13.99
(5,785)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	7	13.98
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	18	13.98
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	18	13.98
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	18	13.98
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	18	13.98
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	18	13.98
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	18	13.98
(5,659)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	4	13.97
(5,532)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	4	13.97
(5,361)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	10	13.97
(5,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	9	13.96
(5,410)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	10	13.96
(1,476)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	17	13.96
(5,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	14	13.95
(5,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	2	13.95
(5,347)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	10	13.95
(5,533)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	13	13.94
(5,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	5	13.93
(5,538)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	2	13.93
(5,95)	1:39:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	19	13.93
(4,3976)	1:11:A:ILE:H	1:92:A:LEU:H	9	13.93
(5,730)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	7	13.92
(5,405)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	7	13.92
(5,473)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	4	13.91
(5,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	12	13.91
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB1	18	13.91
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB2	18	13.91
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB3	18	13.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB1	18	13.91
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB2	18	13.91
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB3	18	13.91
(1,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	3	13.91
(5,648)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	20	13.9
(5,524)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	9	13.9
(5,454)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	20	13.9
(5,661)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	9	13.89
(5,588)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	16	13.89
(5,484)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	20	13.88
(5,422)	1:5:A:ASN:ND2	1:55:A:ILE:H	10	13.88
(5,527)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	4	13.87
(5,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	19	13.87
(5,574)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	10	13.86
(1,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	13	13.86
(5,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	16	13.85
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	13	13.85
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	13	13.85
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	13	13.85
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	13	13.85
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	13	13.85
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	13	13.85
(4,1864)	1:11:A:ILE:H	1:90:A:CYS:H	9	13.85
(5,473)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	12	13.84
(5,428)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	16	13.84
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:H	18	13.84
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:H	18	13.84
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:H	18	13.84
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:H	18	13.84
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:H	18	13.84
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:H	18	13.84
(5,744)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	2	13.83
(5,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	12	13.83
(5,459)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	14	13.83
(5,433)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	14	13.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB1	14	13.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB2	14	13.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB3	14	13.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB1	14	13.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB2	14	13.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB3	14	13.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB1	14	13.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB2	14	13.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB3	14	13.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB1	14	13.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB2	14	13.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB3	14	13.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB1	14	13.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB2	14	13.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB3	14	13.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB1	14	13.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB2	14	13.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB3	14	13.83
(5,599)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	16	13.82
(5,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	2	13.82
(5,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	8	13.82
(5,352)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	13	13.82
(1,467)	1:5:A:ASN:ND2	1:33:A:TYR:H	6	13.82
(5,648)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	10	13.81
(5,619)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	8	13.81
(5,574)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	20	13.8
(5,532)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	9	13.8
(5,450)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	6	13.8
(5,404)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	9	13.8
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	14	13.8
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	14	13.8
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	14	13.8
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	14	13.8
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	14	13.8
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	14	13.8
(5,617)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	16	13.79
(5,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	13	13.79
(5,499)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	11	13.79
(5,409)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	20	13.79
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD3	9	13.79
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD3	9	13.79
(5,655)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	20	13.78
(5,356)	1:5:A:ASN:ND2	1:125:A:SER:H	2	13.78
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:H	4	13.78
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:H	4	13.78
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:H	4	13.78
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:H	4	13.78
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:H	4	13.78
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:H	4	13.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,476)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	12	13.78
(5,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	14	13.77
(5,460)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	12	13.76
(5,294)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	20	13.76
(5,95)	1:39:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	2	13.76
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB1	4	13.76
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB2	4	13.76
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB3	4	13.76
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB1	4	13.76
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB2	4	13.76
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB3	4	13.76
(5,663)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	4	13.75
(5,472)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	20	13.75
(1,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	18	13.75
(1,567)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	17	13.75
(5,628)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	1	13.74
(5,386)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	5	13.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	12	13.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	12	13.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	12	13.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	12	13.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	12	13.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	12	13.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	12	13.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	12	13.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	12	13.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	12	13.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	12	13.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	12	13.74
(5,573)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	9	13.73
(5,384)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	8	13.73
(5,413)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	9	13.72
(5,623)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	2	13.71
(5,524)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	13	13.71
(5,423)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	2	13.71
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB1	6	13.71
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB2	6	13.71
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB3	6	13.71
(1,482)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	17	13.71
(5,791)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	2	13.7
(5,776)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	4	13.7
(5,450)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	18	13.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	6	13.7
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	6	13.7
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	6	13.7
(5,527)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	20	13.69
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB2	10	13.69
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB3	10	13.69
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB2	10	13.69
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB3	10	13.69
(1,508)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	18	13.69
(5,527)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	10	13.68
(5,427)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	18	13.68
(5,588)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	14	13.67
(5,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	5	13.67
(5,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	14	13.67
(5,467)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	19	13.67
(5,449)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	13	13.67
(5,438)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	10	13.67
(5,810)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	2	13.66
(5,625)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	1	13.66
(5,587)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	2	13.66
(5,472)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	10	13.66
(5,413)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	6	13.66
(5,830)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	7	13.65
(5,728)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	10	13.65
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG21	17	13.65
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG22	17	13.65
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG23	17	13.65
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG21	17	13.65
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG22	17	13.65
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG23	17	13.65
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG21	17	13.65
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG22	17	13.65
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG23	17	13.65
(5,554)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	18	13.64
(5,403)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	12	13.64
(5,406)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	12	13.63
(5,404)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	13	13.63
(5,359)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	11	13.63
(5,446)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	1	13.62
(5,409)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	11	13.62
(5,590)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	3	13.61
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG11	6	13.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG12	6	13.6
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG13	6	13.6
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG21	6	13.6
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG22	6	13.6
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG23	6	13.6
(5,702)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	20	13.59
(5,393)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	1	13.58
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB1	10	13.58
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB2	10	13.58
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB3	10	13.58
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HB	6	13.58
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HB	6	13.58
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HB	6	13.58
(5,563)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	4	13.57
(5,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	13	13.57
(4,1864)	1:11:A:ILE:H	1:90:A:CYS:H	18	13.57
(5,655)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	5	13.56
(5,622)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	7	13.56
(5,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	7	13.56
(5,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	14	13.56
(5,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	18	13.56
(5,400)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	2	13.56
(5,363)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	2	13.56
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG21	18	13.56
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG22	18	13.56
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG23	18	13.56
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG21	18	13.56
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG22	18	13.56
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG23	18	13.56
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG21	18	13.56
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG22	18	13.56
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG23	18	13.56
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG21	18	13.56
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG22	18	13.56
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG23	18	13.56
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG21	18	13.56
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG22	18	13.56
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG23	18	13.56
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG21	18	13.56
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG22	18	13.56
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG23	18	13.56
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB2	6	13.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB3	6	13.56
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB2	6	13.56
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB3	6	13.56
(1,572)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	9	13.56
(5,485)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	4	13.55
(5,421)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	14	13.55
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	18	13.55
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	18	13.55
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	18	13.55
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	18	13.55
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	18	13.55
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	18	13.55
(1,161)	1:59:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	10	13.55
(5,709)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	20	13.54
(5,404)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	4	13.54
(5,351)	1:5:A:ASN:ND2	1:123:A:SER:H	17	13.54
(5,95)	1:39:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	12	13.54
(4,1222)	1:9:A:VAL:H	1:146:A:VAL:H	6	13.54
(5,618)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	20	13.53
(5,446)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	19	13.53
(5,95)	1:39:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	10	13.53
(4,3472)	1:9:A:VAL:H	1:152:A:GLY:H	17	13.53
(5,644)	1:5:A:ASN:ND2	1:180:A:LEU:H	20	13.52
(5,516)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	4	13.52
(5,401)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	12	13.52
(4,4158)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE22	18	13.52
(5,595)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	19	13.5
(1,588)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	12	13.5
(5,652)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	8	13.49
(5,595)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	8	13.49
(5,368)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	8	13.49
(4,3472)	1:9:A:VAL:H	1:152:A:GLY:H	18	13.49
(1,608)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	16	13.49
(5,690)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	20	13.48
(5,572)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	15	13.48
(5,518)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	10	13.48
(5,615)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	2	13.47
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	12	13.47
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	12	13.47
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	12	13.47
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	12	13.47
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	12	13.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	12	13.47
(5,411)	1:5:A:ASN:ND2	1:98:A:SER:H	7	13.46
(4,669)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:H	16	13.46
(5,416)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	20	13.45
(5,95)	1:39:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	4	13.45
(1,522)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	17	13.45
(5,711)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	20	13.44
(5,458)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	2	13.44
(5,725)	1:5:A:ASN:ND2	1:69:A:THR:H	10	13.43
(5,381)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	9	13.43
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG21	13	13.43
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG22	13	13.43
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG23	13	13.43
(5,436)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	19	13.42
(5,679)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	20	13.41
(5,669)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	7	13.41
(5,579)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	20	13.41
(5,554)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	7	13.41
(4,641)	1:9:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:H	14	13.41
(4,641)	1:9:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:H	14	13.41
(4,641)	1:9:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:H	14	13.41
(4,641)	1:9:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:H	14	13.41
(4,641)	1:9:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:H	14	13.41
(4,641)	1:9:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:H	14	13.41
(5,414)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	4	13.38
(1,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	8	13.38
(5,798)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	2	13.37
(5,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	2	13.37
(5,504)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	6	13.37
(5,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	14	13.37
(1,482)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	13	13.37
(5,625)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	8	13.36
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG2	10	13.36
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG3	10	13.36
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG2	10	13.36
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG3	10	13.36
(5,520)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	20	13.35
(5,663)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	9	13.34
(5,460)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	10	13.34
(5,430)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	4	13.34
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD2	20	13.34
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD3	20	13.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB1	20	13.33
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB2	20	13.33
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB3	20	13.33
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	10	13.33
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	10	13.33
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	10	13.33
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB1	9	13.33
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB2	9	13.33
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB3	9	13.33
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB1	9	13.33
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB2	9	13.33
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB3	9	13.33
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB1	7	13.33
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB2	7	13.33
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB3	7	13.33
(5,623)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	16	13.32
(5,575)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	10	13.32
(5,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	9	13.32
(5,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	10	13.32
(5,425)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	2	13.32
(5,410)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	2	13.32
(5,432)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	9	13.3
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:H	17	13.3
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD3	1:158:A:GLU:H	17	13.3
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	10	13.3
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	10	13.3
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	10	13.3
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	10	13.3
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	10	13.3
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	10	13.3
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG21	7	13.3
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG22	7	13.3
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG23	7	13.3
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG21	7	13.3
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG22	7	13.3
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG23	7	13.3
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG21	7	13.3
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG22	7	13.3
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG23	7	13.3
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG21	7	13.3
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG22	7	13.3
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG23	7	13.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG21	7	13.3
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG22	7	13.3
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG23	7	13.3
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG21	7	13.3
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG22	7	13.3
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG23	7	13.3
(4,3375)	1:11:A:ILE:H	1:227:A:ALA:H	16	13.29
(5,354)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	14	13.27
(5,588)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	7	13.26
(5,369)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	8	13.26
(5,589)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	4	13.25
(5,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	9	13.25
(5,483)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	6	13.25
(5,480)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	16	13.25
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	12	13.25
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	12	13.25
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	12	13.25
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	12	13.25
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	12	13.25
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	12	13.25
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:H	7	13.25
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:H	7	13.25
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:H	7	13.25
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:H	7	13.25
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:H	7	13.25
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:H	7	13.25
(5,784)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	9	13.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG21	9	13.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG22	9	13.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG23	9	13.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG21	9	13.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG22	9	13.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG23	9	13.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG21	9	13.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG22	9	13.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG23	9	13.24
(1,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	11	13.24
(5,658)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	4	13.23
(5,619)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	1	13.23
(5,563)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	18	13.23
(5,524)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	4	13.23
(5,480)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	19	13.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG21	14	13.23
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG22	14	13.23
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG23	14	13.23
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG21	14	13.23
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG22	14	13.23
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG23	14	13.23
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG21	14	13.23
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG22	14	13.23
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG23	14	13.23
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG21	14	13.23
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG22	14	13.23
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG23	14	13.23
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG21	14	13.23
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG22	14	13.23
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG23	14	13.23
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG21	14	13.23
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG22	14	13.23
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG23	14	13.23
(5,314)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	20	13.22
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG21	17	13.22
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG22	17	13.22
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG23	17	13.22
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG21	17	13.22
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG22	17	13.22
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG23	17	13.22
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG21	17	13.22
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG22	17	13.22
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG23	17	13.22
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG21	17	13.22
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG22	17	13.22
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG23	17	13.22
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG21	17	13.22
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG22	17	13.22
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG23	17	13.22
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG21	17	13.22
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG22	17	13.22
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG23	17	13.22
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	7	13.22
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	7	13.22
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	7	13.22
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	7	13.22
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	7	13.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	7	13.22
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	7	13.22
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	7	13.22
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	7	13.22
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	7	13.22
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	7	13.22
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	7	13.22
(5,483)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	14	13.21
(5,768)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	10	13.2
(5,606)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	2	13.2
(5,428)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	7	13.2
(5,452)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	17	13.19
(5,385)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	1	13.19
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG11	18	13.19
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG12	18	13.19
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG13	18	13.19
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG21	18	13.19
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG22	18	13.19
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG23	18	13.19
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG11	18	13.19
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG12	18	13.19
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG13	18	13.19
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG21	18	13.19
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG22	18	13.19
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG23	18	13.19
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG11	18	13.19
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG12	18	13.19
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG13	18	13.19
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG21	18	13.19
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG22	18	13.19
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG23	18	13.19
(5,704)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	20	13.18
(5,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	12	13.18
(5,540)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	4	13.18
(5,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	5	13.18
(5,402)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	2	13.18
(5,555)	1:5:A:ASN:ND2	1:179:A:GLU:H	16	13.17
(5,412)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	2	13.17
(4,3472)	1:9:A:VAL:H	1:152:A:GLY:H	14	13.17
(1,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	18	13.17
(5,661)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	4	13.16
(5,575)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	16	13.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,445)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	10	13.16
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG12	16	13.15
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG13	16	13.15
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG12	16	13.15
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG13	16	13.15
(5,732)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	2	13.14
(5,436)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	8	13.14
(5,585)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	20	13.13
(5,527)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	2	13.13
(5,498)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	17	13.13
(5,462)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	16	13.13
(5,416)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	9	13.13
(5,750)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	7	13.11
(5,642)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	2	13.11
(5,371)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	14	13.11
(5,467)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	8	13.1
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	5	13.1
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	5	13.1
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	5	13.1
(5,585)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	2	13.09
(5,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	5	13.09
(5,347)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	5	13.09
(4,473)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:H	15	13.09
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB1	14	13.09
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB2	14	13.09
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB3	14	13.09
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB1	14	13.09
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB2	14	13.09
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB3	14	13.09
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB1	14	13.09
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB2	14	13.09
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB3	14	13.09
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB1	14	13.09
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB2	14	13.09
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB3	14	13.09
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB1	14	13.09
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB2	14	13.09
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB3	14	13.09
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB1	14	13.09
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB2	14	13.09
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB3	14	13.09
(5,426)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	2	13.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,379)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	3	13.08
(5,498)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	10	13.07
(5,667)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	14	13.06
(5,435)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	20	13.06
(5,409)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	10	13.06
(5,776)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	13	13.05
(5,628)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	3	13.05
(5,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:83:A:LYS:H	18	13.05
(5,370)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	12	13.05
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB2	18	13.05
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB3	18	13.05
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB2	18	13.05
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB3	18	13.05
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB2	18	13.05
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB3	18	13.05
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB2	18	13.05
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB3	18	13.05
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB2	18	13.05
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB3	18	13.05
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB2	18	13.05
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB3	18	13.05
(5,703)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	20	13.04
(5,667)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	4	13.04
(5,572)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	20	13.04
(5,410)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	20	13.04
(5,392)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	7	13.04
(4,1232)	1:8:A:VAL:HB	1:159:A:ALA:HA	10	13.04
(5,776)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	9	13.03
(5,427)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	6	13.03
(4,1864)	1:11:A:ILE:H	1:90:A:CYS:H	13	13.03
(5,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	9	13.02
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG11	6	13.02
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG12	6	13.02
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG13	6	13.02
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG21	6	13.02
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG22	6	13.02
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG23	6	13.02
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG11	6	13.02
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG12	6	13.02
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG13	6	13.02
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG21	6	13.02
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG22	6	13.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG23	6	13.02
(1,501)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	1	13.02
(5,672)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	7	13.01
(5,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	3	13.01
(1,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	17	13.01
(5,621)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	4	13.0
(5,580)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	18	12.98
(5,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	5	12.98
(5,409)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	16	12.98
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB1	6	12.98
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB2	6	12.98
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB3	6	12.98
(1,501)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	18	12.98
(5,654)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	16	12.97
(5,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	4	12.97
(5,636)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	4	12.96
(5,395)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	19	12.96
(5,366)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	11	12.96
(5,810)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	8	12.95
(5,587)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	8	12.95
(5,481)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	2	12.95
(5,95)	1:39:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	8	12.95
(4,1692)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:H	20	12.95
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG21	4	12.94
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG22	4	12.94
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG23	4	12.94
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG21	4	12.94
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG22	4	12.94
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG23	4	12.94
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG21	4	12.94
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG22	4	12.94
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG23	4	12.94
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG21	4	12.94
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG22	4	12.94
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG23	4	12.94
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG21	4	12.94
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG22	4	12.94
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG23	4	12.94
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG21	4	12.94
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG22	4	12.94
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG23	4	12.94
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG21	10	12.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG22	10	12.93
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG23	10	12.93
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG21	13	12.93
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG22	13	12.93
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG23	13	12.93
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG21	1:93:A:TYR:H	9	12.93
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG22	1:93:A:TYR:H	9	12.93
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG23	1:93:A:TYR:H	9	12.93
(5,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	16	12.92
(5,518)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	4	12.92
(5,355)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	17	12.92
(1,533)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	12	12.92
(5,684)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	13	12.91
(5,462)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	14	12.91
(5,433)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	12	12.91
(4,132)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD2	12	12.91
(4,132)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD2	12	12.91
(5,554)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	14	12.9
(5,430)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	14	12.9
(5,385)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	19	12.9
(5,371)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	6	12.9
(5,764)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	10	12.89
(5,95)	1:39:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	14	12.89
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	19	12.89
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	19	12.89
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	19	12.89
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	19	12.89
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	19	12.89
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	19	12.89
(5,598)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	13	12.88
(5,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	5	12.88
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB1	18	12.88
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB2	18	12.88
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB3	18	12.88
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB1	18	12.88
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB2	18	12.88
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB3	18	12.88
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB1	18	12.88
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB2	18	12.88
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB3	18	12.88
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB1	18	12.88
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB2	18	12.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB3	18	12.88
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB1	18	12.88
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB2	18	12.88
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB3	18	12.88
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB1	18	12.88
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB2	18	12.88
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB3	18	12.88
(1,533)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	17	12.88
(5,741)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	2	12.87
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG21	12	12.87
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG22	12	12.87
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG23	12	12.87
(1,513)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	14	12.87
(5,704)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	10	12.86
(5,635)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	18	12.86
(5,554)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	13	12.86
(5,526)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	5	12.86
(5,393)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	19	12.86
(4,193)	1:10:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	7	12.86
(4,193)	1:10:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	7	12.86
(5,589)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	16	12.85
(5,478)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	13	12.85
(5,342)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	16	12.85
(4,3976)	1:11:A:ILE:H	1:92:A:LEU:H	13	12.85
(5,787)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	7	12.84
(5,762)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	2	12.84
(5,668)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	10	12.84
(5,379)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	16	12.84
(5,95)	1:39:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	6	12.84
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB2	18	12.84
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB3	18	12.84
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB2	18	12.84
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB3	18	12.84
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB2	18	12.84
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB3	18	12.84
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB2	18	12.84
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB3	18	12.84
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB2	18	12.84
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB3	18	12.84
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB2	18	12.84
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB3	18	12.84
(5,434)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	13	12.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:H	12	12.83
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:H	12	12.83
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:H	12	12.83
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:H	12	12.83
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:H	12	12.83
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:H	12	12.83
(5,646)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	20	12.82
(5,627)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	16	12.82
(5,597)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	2	12.82
(5,573)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	18	12.82
(5,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	1	12.82
(5,381)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	8	12.82
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG21	7	12.82
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG22	7	12.82
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG23	7	12.82
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG21	7	12.82
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG22	7	12.82
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG23	7	12.82
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG21	7	12.82
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG22	7	12.82
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG23	7	12.82
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD21	20	12.82
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD22	20	12.82
(5,811)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	16	12.81
(5,770)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	20	12.81
(5,609)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	8	12.8
(5,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	15	12.8
(5,575)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	15	12.8
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG21	4	12.8
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG22	4	12.8
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG23	4	12.8
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG21	4	12.8
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG22	4	12.8
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG23	4	12.8
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG21	4	12.8
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG22	4	12.8
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG23	4	12.8
(5,638)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	18	12.79
(5,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	17	12.79
(5,416)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	7	12.79
(5,295)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	18	12.79
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:HA	4	12.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:HA	4	12.79
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:HA	4	12.79
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:HA	4	12.79
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:HA	4	12.79
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:HA	4	12.79
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB1	13	12.79
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB2	13	12.79
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB3	13	12.79
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB1	13	12.79
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB2	13	12.79
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB3	13	12.79
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB1	13	12.79
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB2	13	12.79
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB3	13	12.79
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB1	13	12.79
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB2	13	12.79
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB3	13	12.79
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB1	13	12.79
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB2	13	12.79
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB3	13	12.79
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB1	13	12.79
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB2	13	12.79
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB3	13	12.79
(5,649)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	7	12.78
(5,445)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	14	12.78
(1,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	1	12.78
(1,161)	1:59:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	6	12.77
(5,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	8	12.76
(5,409)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	5	12.76
(4,4234)	1:2:A:SER:HA	1:8:A:VAL:HA	7	12.76
(5,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	19	12.75
(5,370)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	5	12.75
(5,339)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	17	12.75
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB1	12	12.75
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB2	12	12.75
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB3	12	12.75
(5,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	5	12.74
(5,517)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	7	12.74
(5,684)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	9	12.73
(5,403)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	18	12.73
(4,4235)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:H	5	12.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG21	12	12.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG22	12	12.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG23	12	12.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG21	12	12.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG22	12	12.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG23	12	12.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG21	12	12.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG22	12	12.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG23	12	12.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG21	12	12.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG22	12	12.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG23	12	12.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG21	12	12.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG22	12	12.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG23	12	12.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG21	12	12.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG22	12	12.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG23	12	12.73
(5,648)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	8	12.72
(5,555)	1:5:A:ASN:ND2	1:179:A:GLU:H	2	12.72
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG21	20	12.72
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG22	20	12.72
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG23	20	12.72
(1,501)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	9	12.72
(5,624)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	18	12.71
(5,485)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	9	12.71
(5,442)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	11	12.71
(4,3472)	1:9:A:VAL:H	1:152:A:GLY:H	13	12.71
(4,3375)	1:11:A:ILE:H	1:227:A:ALA:H	10	12.71
(5,381)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	18	12.7
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB1	9	12.7
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB2	9	12.7
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB3	9	12.7
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB1	9	12.7
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB2	9	12.7
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB3	9	12.7
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB1	9	12.7
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB2	9	12.7
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB3	9	12.7
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB1	9	12.7
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB2	9	12.7
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB3	9	12.7
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB1	9	12.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB2	9	12.7
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB3	9	12.7
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB1	9	12.7
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB2	9	12.7
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB3	9	12.7
(5,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	17	12.69
(5,393)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	3	12.69
(5,361)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	8	12.69
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB2	12	12.69
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB3	12	12.69
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB2	12	12.69
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB3	12	12.69
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB2	12	12.69
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB3	12	12.69
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB2	12	12.69
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB3	12	12.69
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB2	12	12.69
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB3	12	12.69
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB2	12	12.69
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB3	12	12.69
(5,389)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	4	12.68
(5,455)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	20	12.67
(1,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	18	12.67
(5,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	1	12.66
(5,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	12	12.66
(5,595)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	1	12.65
(5,446)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	3	12.65
(5,346)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	13	12.65
(5,547)	1:5:A:ASN:ND2	1:154:A:SER:H	18	12.64
(5,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:83:A:LYS:H	2	12.64
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG11	5	12.64
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG12	5	12.64
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG13	5	12.64
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG21	5	12.64
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG22	5	12.64
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG23	5	12.64
(5,657)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	13	12.63
(5,624)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	9	12.63
(5,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	10	12.63
(5,386)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	15	12.63
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	14	12.63
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	14	12.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	14	12.63
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	14	12.63
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	14	12.63
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	14	12.63
(5,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	12	12.62
(5,485)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	7	12.62
(4,2234)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:H	15	12.62
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	9	12.62
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	9	12.62
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	9	12.62
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	9	12.62
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	9	12.62
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	9	12.62
(5,623)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	19	12.61
(5,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	16	12.61
(5,579)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	10	12.61
(5,499)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	5	12.61
(5,345)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	15	12.61
(5,373)	1:5:A:ASN:ND2	1:77:A:TYR:H	3	12.59
(4,3375)	1:11:A:ILE:H	1:227:A:ALA:H	14	12.59
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB1	12	12.59
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB2	12	12.59
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB3	12	12.59
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB1	12	12.59
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB2	12	12.59
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB3	12	12.59
(5,529)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	14	12.58
(5,472)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	8	12.57
(5,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	1	12.57
(5,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	9	12.56
(5,490)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	11	12.56
(5,434)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	14	12.56
(1,595)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	13	12.56
(1,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	6	12.56
(5,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	18	12.55
(5,505)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	16	12.55
(5,460)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	17	12.55
(5,362)	1:5:A:ASN:ND2	1:224:A:LEU:H	8	12.55
(5,95)	1:39:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	18	12.55
(1,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	9	12.55
(5,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	14	12.54
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:H	17	12.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:H	17	12.54
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:H	17	12.54
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:H	17	12.54
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:H	17	12.54
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:H	17	12.54
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG11	16	12.54
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG12	16	12.54
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG13	16	12.54
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG21	16	12.54
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG22	16	12.54
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG23	16	12.54
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG11	16	12.54
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG12	16	12.54
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG13	16	12.54
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG21	16	12.54
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG22	16	12.54
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG23	16	12.54
(5,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	14	12.53
(5,362)	1:5:A:ASN:ND2	1:224:A:LEU:H	9	12.53
(4,1222)	1:9:A:VAL:H	1:146:A:VAL:H	2	12.53
(5,770)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	10	12.52
(5,638)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	9	12.52
(5,436)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	20	12.52
(5,681)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	4	12.51
(5,395)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	4	12.51
(1,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	13	12.51
(5,648)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	16	12.5
(5,462)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	7	12.5
(5,752)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	19	12.49
(5,541)	1:5:A:ASN:ND2	1:178:A:PHE:H	16	12.49
(5,684)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	4	12.48
(5,648)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	19	12.47
(5,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	10	12.47
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	16	12.47
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	16	12.47
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	16	12.47
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	16	12.47
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	16	12.47
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	16	12.47
(4,3375)	1:11:A:ILE:H	1:227:A:ALA:H	6	12.46
(1,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	20	12.46
(5,686)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	20	12.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,567)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	4	12.45
(5,358)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	2	12.44
(5,644)	1:5:A:ASN:ND2	1:180:A:LEU:H	10	12.43
(5,593)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	9	12.43
(5,580)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	12	12.43
(5,571)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	13	12.43
(5,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	7	12.43
(5,370)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	9	12.43
(4,193)	1:10:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	13	12.43
(4,193)	1:10:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	13	12.43
(4,193)	1:10:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	20	12.43
(4,193)	1:10:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	20	12.43
(1,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	13	12.43
(5,659)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	12	12.42
(5,635)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	9	12.42
(5,624)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	13	12.42
(5,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	6	12.42
(5,384)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	19	12.42
(5,491)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	2	12.41
(5,432)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	1	12.41
(5,624)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	7	12.4
(5,593)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	4	12.4
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:H	10	12.4
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:H	10	12.4
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:H	10	12.4
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:H	10	12.4
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:H	10	12.4
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:H	10	12.4
(5,716)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	4	12.39
(5,377)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	20	12.39
(5,566)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	4	12.38
(5,520)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	10	12.38
(5,451)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	7	12.38
(5,423)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	8	12.38
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG11	5	12.38
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG12	5	12.38
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG13	5	12.38
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG21	5	12.38
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG22	5	12.38
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG23	5	12.38
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD2	15	12.38
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD3	15	12.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG21	2	12.38
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG22	2	12.38
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG23	2	12.38
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG21	2	12.38
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG22	2	12.38
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG23	2	12.38
(4,193)	1:10:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	12	12.38
(4,193)	1:10:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	12	12.38
(5,654)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	9	12.37
(5,396)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	2	12.37
(5,699)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	2	12.36
(5,529)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	6	12.36
(5,742)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	2	12.35
(5,585)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	10	12.35
(5,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	5	12.35
(5,472)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	16	12.35
(5,471)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	20	12.34
(5,370)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	10	12.34
(5,343)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	20	12.34
(1,546)	1:5:A:ASN:ND2	1:19:A:THR:H	6	12.34
(5,375)	1:5:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	16	12.33
(5,361)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	20	12.33
(5,358)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	10	12.33
(5,472)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	19	12.32
(5,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	9	12.32
(5,395)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	9	12.32
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	7	12.32
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	7	12.32
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	7	12.32
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	7	12.32
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	7	12.32
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	7	12.32
(1,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	12	12.31
(5,523)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	9	12.3
(4,2234)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:H	16	12.3
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG21	17	12.3
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG22	17	12.3
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG23	17	12.3
(5,798)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	8	12.29
(5,703)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	10	12.29
(5,612)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	2	12.29
(5,591)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	5	12.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,484)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	10	12.29
(5,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	4	12.29
(5,474)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	9	12.29
(4,4234)	1:2:A:SER:HA	1:8:A:VAL:HA	18	12.29
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	18	12.29
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	18	12.29
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	18	12.29
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	18	12.29
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	18	12.29
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	18	12.29
(1,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	17	12.29
(5,791)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	20	12.28
(5,95)	1:39:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	20	12.28
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	5	12.28
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	5	12.28
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	5	12.28
(5,784)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	14	12.26
(5,581)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	7	12.26
(5,460)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	20	12.26
(5,386)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	3	12.26
(5,385)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	3	12.26
(5,371)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	18	12.26
(5,362)	1:5:A:ASN:ND2	1:224:A:LEU:H	18	12.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	17	12.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	17	12.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	17	12.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	17	12.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	17	12.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	17	12.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	17	12.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	17	12.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	17	12.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	17	12.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	17	12.26
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	17	12.26
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	5	12.26
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	5	12.26
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	5	12.26
(5,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:83:A:LYS:H	16	12.25
(5,416)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	10	12.25
(5,407)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	20	12.25
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG11	2	12.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG12	2	12.25
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG13	2	12.25
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG21	2	12.25
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG22	2	12.25
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG23	2	12.25
(5,496)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	4	12.24
(5,448)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	8	12.24
(5,618)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	10	12.23
(5,390)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	20	12.23
(5,358)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	20	12.23
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG11	6	12.23
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG12	6	12.23
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG13	6	12.23
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	6	12.23
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	6	12.23
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	6	12.23
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG21	16	12.23
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG22	16	12.23
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG23	16	12.23
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG21	16	12.23
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG22	16	12.23
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG23	16	12.23
(5,591)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	1	12.22
(5,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	3	12.22
(5,648)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	1	12.21
(5,521)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	15	12.21
(5,500)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	11	12.21
(5,373)	1:5:A:ASN:ND2	1:77:A:TYR:H	6	12.21
(5,351)	1:5:A:ASN:ND2	1:123:A:SER:H	5	12.21
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG21	6	12.21
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG22	6	12.21
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG23	6	12.21
(5,668)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	13	12.2
(5,501)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	20	12.2
(5,415)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	17	12.2
(5,365)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	4	12.2
(5,534)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	13	12.19
(1,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	2	12.19
(5,439)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	8	12.18
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG12	2	12.18
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG13	2	12.18
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG12	2	12.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG13	2	12.18
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD2	16	12.18
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD3	16	12.18
(5,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	4	12.17
(5,595)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	10	12.16
(5,501)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	2	12.16
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	5	12.16
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	5	12.16
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	5	12.16
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	5	12.16
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	5	12.16
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	5	12.16
(5,538)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	8	12.15
(5,503)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	2	12.15
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	17	12.15
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	17	12.15
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	17	12.15
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	17	12.15
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	17	12.15
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	17	12.15
(1,501)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	13	12.15
(5,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	16	12.14
(5,406)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	14	12.13
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG21	14	12.13
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG22	14	12.13
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG23	14	12.13
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG21	14	12.13
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG22	14	12.13
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG23	14	12.13
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG21	14	12.13
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG22	14	12.13
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG23	14	12.13
(5,811)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	4	12.12
(5,353)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	14	12.12
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD3	12	12.12
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD3	12	12.12
(1,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	19	12.12
(5,498)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	20	12.11
(5,620)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	18	12.1
(5,764)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	4	12.09
(5,752)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	8	12.09
(5,387)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	9	12.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	19	12.08
(5,359)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	5	12.08
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG21	6	12.08
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG22	6	12.08
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG23	6	12.08
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG21	6	12.08
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG22	6	12.08
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG23	6	12.08
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG21	6	12.08
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG22	6	12.08
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG23	6	12.08
(5,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	14	12.07
(5,424)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	11	12.07
(5,722)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	20	12.06
(5,700)	1:5:A:ASN:ND2	1:70:A:SER:H	20	12.06
(5,692)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	20	12.06
(5,496)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	20	12.06
(5,472)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	1	12.06
(1,571)	1:5:A:ASN:ND2	1:70:A:SER:H	11	12.06
(1,501)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	2	12.06
(5,625)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	19	12.05
(5,573)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	12	12.05
(5,504)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	9	12.05
(5,496)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	10	12.05
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG11	6	12.05
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG12	6	12.05
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG13	6	12.05
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG21	6	12.05
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG22	6	12.05
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG23	6	12.05
(1,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	10	12.05
(5,527)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	9	12.04
(5,460)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	5	12.04
(5,432)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	3	12.04
(5,430)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	9	12.04
(1,581)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	6	12.04
(1,491)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	4	12.04
(5,783)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	8	12.03
(5,389)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	14	12.03
(5,638)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	4	12.02
(5,622)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	6	12.02
(1,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	17	12.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,697)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	20	12.01
(5,619)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	5	12.01
(5,570)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	4	12.01
(5,486)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	14	12.01
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG11	6	12.01
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG12	6	12.01
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG13	6	12.01
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG21	6	12.01
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG22	6	12.01
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG23	6	12.01
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB1	14	12.01
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB2	14	12.01
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB3	14	12.01
(5,572)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	11	12.0
(5,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	8	12.0
(5,413)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	8	12.0
(5,373)	1:5:A:ASN:ND2	1:77:A:TYR:H	8	12.0
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB2	7	12.0
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB3	7	12.0
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB2	7	12.0
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB3	7	12.0
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB2	7	12.0
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB3	7	12.0
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB2	7	12.0
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB3	7	12.0
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB2	7	12.0
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB3	7	12.0
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB2	7	12.0
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB3	7	12.0
(5,620)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	12	11.99
(5,617)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	15	11.99
(5,435)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	10	11.99
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:H	18	11.99
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:H	18	11.99
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:H	18	11.99
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:H	18	11.99
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:H	18	11.99
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:H	18	11.99
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	2	11.99
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	2	11.99
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	2	11.99
(1,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	13	11.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:H	6	11.98
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD3	1:158:A:GLU:H	6	11.98
(4,641)	1:9:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:H	4	11.98
(4,641)	1:9:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:H	4	11.98
(4,641)	1:9:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:H	4	11.98
(4,641)	1:9:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:H	4	11.98
(4,641)	1:9:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:H	4	11.98
(4,641)	1:9:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:H	4	11.98
(5,587)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	19	11.96
(5,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	16	11.96
(5,394)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	5	11.96
(4,4234)	1:2:A:SER:HA	1:8:A:VAL:HA	9	11.96
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	20	11.96
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	20	11.96
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	20	11.96
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	20	11.96
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	20	11.96
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	20	11.96
(5,436)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	10	11.95
(5,429)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	13	11.95
(5,95)	1:39:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	15	11.95
(4,132)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD2	17	11.94
(4,132)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD2	17	11.94
(1,585)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	15	11.94
(5,401)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	17	11.93
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD21	2	11.93
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD22	2	11.93
(5,659)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	18	11.92
(5,487)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	2	11.92
(5,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	7	11.92
(5,383)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	2	11.92
(5,364)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	5	11.92
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	10	11.92
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	10	11.92
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	10	11.92
(5,473)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	14	11.91
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:H	14	11.91
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:H	14	11.91
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:H	14	11.91
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:H	14	11.91
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:H	14	11.91
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:H	14	11.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE1	18	11.91
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE2	18	11.91
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	5	11.91
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	5	11.91
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	5	11.91
(1,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	14	11.91
(5,711)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	10	11.9
(5,652)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	19	11.9
(5,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	2	11.9
(4,193)	1:10:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	17	11.9
(4,193)	1:10:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	17	11.9
(1,528)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	13	11.9
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD21	2	11.89
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD22	2	11.89
(5,442)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	4	11.88
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG21	1:93:A:TYR:H	4	11.88
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG22	1:93:A:TYR:H	4	11.88
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG23	1:93:A:TYR:H	4	11.88
(5,683)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	20	11.87
(5,504)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	1	11.87
(5,437)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	12	11.87
(5,379)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	15	11.87
(5,659)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	14	11.86
(5,362)	1:5:A:ASN:ND2	1:224:A:LEU:H	6	11.86
(5,295)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	4	11.86
(1,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	7	11.86
(1,505)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	6	11.86
(5,529)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	18	11.84
(5,405)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	5	11.84
(5,404)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	14	11.83
(1,482)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	12	11.83
(5,810)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	19	11.82
(5,566)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	9	11.82
(5,454)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	10	11.82
(4,3375)	1:11:A:ILE:H	1:227:A:ALA:H	20	11.82
(5,381)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	6	11.81
(5,375)	1:5:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	8	11.81
(4,3249)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE21	4	11.81
(1,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	17	11.81
(5,403)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	17	11.8
(5,791)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	10	11.79
(5,709)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	10	11.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,486)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	20	11.78
(5,394)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	12	11.78
(5,391)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	17	11.78
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:H	12	11.78
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:H	12	11.78
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:H	12	11.78
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:H	12	11.78
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:H	12	11.78
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:H	12	11.78
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG11	10	11.78
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG12	10	11.78
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG13	10	11.78
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG21	10	11.78
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG22	10	11.78
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG23	10	11.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB1	4	11.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB2	4	11.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB3	4	11.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB1	4	11.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB2	4	11.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB3	4	11.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB1	4	11.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB2	4	11.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB3	4	11.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB1	4	11.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB2	4	11.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB3	4	11.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB1	4	11.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB2	4	11.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB3	4	11.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB1	4	11.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB2	4	11.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB3	4	11.78
(5,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	12	11.77
(4,1692)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:H	10	11.77
(5,765)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	4	11.76
(5,696)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	2	11.76
(5,566)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	20	11.76
(5,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	6	11.76
(1,161)	1:59:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	18	11.76
(5,663)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	20	11.75
(5,486)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	10	11.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,474)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	6	11.75
(5,722)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	10	11.74
(5,589)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	9	11.74
(5,514)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	5	11.74
(5,420)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	18	11.74
(5,367)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	20	11.74
(5,341)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	2	11.74
(5,296)	1:5:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	9	11.74
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	16	11.74
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	16	11.74
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	16	11.74
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	16	11.74
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	16	11.74
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	16	11.74
(5,528)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	11	11.73
(5,366)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	5	11.73
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB1	12	11.73
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB2	12	11.73
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB3	12	11.73
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB1	12	11.73
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB2	12	11.73
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB3	12	11.73
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB1	12	11.73
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB2	12	11.73
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB3	12	11.73
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB1	12	11.73
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB2	12	11.73
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB3	12	11.73
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB1	12	11.73
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB2	12	11.73
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB3	12	11.73
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB1	12	11.73
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB2	12	11.73
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB3	12	11.73
(5,652)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	1	11.72
(5,618)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	4	11.72
(5,572)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	16	11.72
(5,568)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	9	11.72
(5,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	8	11.71
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	2	11.71
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	2	11.71
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	2	11.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,783)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	19	11.7
(5,606)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	8	11.7
(5,593)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	7	11.7
(5,524)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	14	11.7
(5,365)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	8	11.69
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD21	5	11.69
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD22	5	11.69
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB1	7	11.69
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB2	7	11.69
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB3	7	11.69
(5,599)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	2	11.68
(5,527)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	14	11.68
(5,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	9	11.67
(5,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	20	11.67
(5,373)	1:5:A:ASN:ND2	1:77:A:TYR:H	19	11.67
(5,508)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	4	11.66
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB2	17	11.66
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB3	17	11.66
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB2	17	11.66
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB3	17	11.66
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB2	17	11.66
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB3	17	11.66
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB2	17	11.66
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB3	17	11.66
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB2	17	11.66
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB3	17	11.66
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB2	17	11.66
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB3	17	11.66
(4,926)	1:11:A:ILE:HG12	1:92:A:LEU:HA	9	11.66
(4,926)	1:11:A:ILE:HG13	1:92:A:LEU:HA	9	11.66
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE1	18	11.65
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE2	18	11.65
(5,661)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	14	11.64
(5,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	6	11.64
(5,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	18	11.64
(1,161)	1:59:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	4	11.63
(4,1864)	1:11:A:ILE:H	1:90:A:CYS:H	7	11.62
(5,716)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	16	11.61
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	6	11.61
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	6	11.61
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	6	11.61
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	6	11.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	6	11.61
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	6	11.61
(1,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	15	11.61
(5,414)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	9	11.6
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	19	11.6
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	19	11.6
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	19	11.6
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	19	11.6
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	19	11.6
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	19	11.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB1	13	11.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB2	13	11.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB3	13	11.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB1	13	11.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB2	13	11.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB3	13	11.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB1	13	11.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB2	13	11.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB3	13	11.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB1	13	11.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB2	13	11.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB3	13	11.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB1	13	11.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB2	13	11.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB3	13	11.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB1	13	11.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB2	13	11.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB3	13	11.6
(5,579)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	2	11.59
(5,407)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	10	11.58
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	5	11.58
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	5	11.58
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	5	11.58
(5,658)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	9	11.57
(5,594)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	20	11.57
(5,547)	1:5:A:ASN:ND2	1:154:A:SER:H	9	11.57
(5,504)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	2	11.57
(5,387)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	4	11.57
(5,657)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	9	11.56
(5,655)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	18	11.56
(5,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	1	11.56
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:HA	17	11.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:HA	17	11.56
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:HA	17	11.56
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:HA	17	11.56
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:HA	17	11.56
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:HA	17	11.56
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG21	18	11.56
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG22	18	11.56
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG23	18	11.56
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	10	11.56
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	10	11.56
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	10	11.56
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	10	11.56
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	10	11.56
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	10	11.56
(5,587)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	20	11.55
(5,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	8	11.55
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	10	11.55
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	10	11.55
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	10	11.55
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	10	11.55
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	10	11.55
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	10	11.55
(1,518)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	15	11.55
(4,3472)	1:9:A:VAL:H	1:152:A:GLY:H	7	11.54
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG11	16	11.54
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG12	16	11.54
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG13	16	11.54
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG21	16	11.54
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG22	16	11.54
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG23	16	11.54
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB1	17	11.54
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB2	17	11.54
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB3	17	11.54
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB1	17	11.54
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB2	17	11.54
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB3	17	11.54
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB1	17	11.54
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB2	17	11.54
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB3	17	11.54
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB1	17	11.54
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB2	17	11.54
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB3	17	11.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB1	17	11.54
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB2	17	11.54
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB3	17	11.54
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB1	17	11.54
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB2	17	11.54
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB3	17	11.54
(5,805)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	10	11.53
(5,572)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	10	11.53
(5,516)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	16	11.53
(4,4234)	1:2:A:SER:HA	1:8:A:VAL:HA	1	11.53
(5,767)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	13	11.52
(1,501)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	12	11.52
(5,459)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	17	11.51
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE1	20	11.51
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE2	20	11.51
(5,496)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	2	11.5
(1,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	6	11.5
(5,527)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	13	11.49
(5,405)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	19	11.49
(5,765)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	16	11.48
(5,702)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	10	11.48
(5,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	9	11.48
(5,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	7	11.48
(5,367)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	10	11.48
(5,361)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	16	11.48
(4,641)	1:9:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:H	9	11.48
(4,641)	1:9:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:H	9	11.48
(4,641)	1:9:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:H	9	11.48
(4,641)	1:9:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:H	9	11.48
(4,641)	1:9:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:H	9	11.48
(4,641)	1:9:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:H	9	11.48
(1,596)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	13	11.48
(5,549)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	13	11.47
(5,296)	1:5:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	16	11.47
(1,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	3	11.47
(5,658)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	6	11.46
(5,565)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	2	11.46
(5,422)	1:5:A:ASN:ND2	1:55:A:ILE:H	16	11.46
(1,608)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	4	11.46
(5,573)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	4	11.45
(5,295)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	16	11.45
(4,132)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD2	7	11.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,132)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD2	7	11.45
(1,501)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	8	11.45
(5,395)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	18	11.44
(4,3249)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE21	18	11.44
(5,815)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	7	11.43
(5,103)	1:140:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	3	11.43
(5,501)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	10	11.42
(5,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	2	11.42
(5,401)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	20	11.42
(5,386)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	11	11.42
(5,351)	1:5:A:ASN:ND2	1:123:A:SER:H	16	11.42
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG21	9	11.42
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG22	9	11.42
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG23	9	11.42
(1,593)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	18	11.42
(1,501)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	15	11.42
(5,587)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	10	11.41
(5,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	4	11.41
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB1	10	11.41
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB2	10	11.41
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB3	10	11.41
(1,161)	1:59:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	15	11.41
(5,575)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	11	11.4
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG12	6	11.4
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG13	6	11.4
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG12	6	11.4
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG13	6	11.4
(5,474)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	8	11.39
(5,410)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	4	11.39
(5,361)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	19	11.39
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	10	11.39
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	10	11.39
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	10	11.39
(4,788)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HA	2	11.39
(1,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	14	11.39
(5,657)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	4	11.38
(5,490)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	5	11.38
(5,480)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	1	11.38
(5,471)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	10	11.37
(5,432)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	19	11.37
(5,437)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	5	11.36
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:H	13	11.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD3	1:158:A:GLU:H	13	11.36
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	7	11.36
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	7	11.36
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	7	11.36
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	7	11.36
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	7	11.36
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	7	11.36
(4,1222)	1:9:A:VAL:H	1:146:A:VAL:H	5	11.36
(1,540)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	18	11.36
(5,621)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	6	11.35
(5,352)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	18	11.35
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG21	14	11.35
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG22	14	11.35
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG23	14	11.35
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG21	14	11.35
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG22	14	11.35
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG23	14	11.35
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG21	14	11.35
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG22	14	11.35
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG23	14	11.35
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HA	9	11.35
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HA	9	11.35
(4,820)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:H	18	11.35
(4,820)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:H	18	11.35
(4,820)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:H	18	11.35
(5,394)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	4	11.34
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	9	11.34
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	9	11.34
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	9	11.34
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	9	11.34
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	9	11.34
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	9	11.34
(1,501)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	4	11.34
(5,798)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	19	11.33
(5,747)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	7	11.33
(5,523)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	4	11.33
(5,482)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	7	11.33
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG11	10	11.33
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG12	10	11.33
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG13	10	11.33
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	10	11.33
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	10	11.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	10	11.33
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG11	6	11.33
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG12	6	11.33
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG13	6	11.33
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG21	6	11.33
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG22	6	11.33
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG23	6	11.33
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	17	11.32
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	17	11.32
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	17	11.32
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	17	11.32
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	17	11.32
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	17	11.32
(5,373)	1:5:A:ASN:ND2	1:77:A:TYR:H	18	11.31
(5,668)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	2	11.3
(5,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	7	11.3
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG12	10	11.3
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG13	10	11.3
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG12	10	11.3
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG13	10	11.3
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG21	1:92:A:LEU:H	9	11.3
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG22	1:92:A:LEU:H	9	11.3
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG23	1:92:A:LEU:H	9	11.3
(4,3472)	1:9:A:VAL:H	1:152:A:GLY:H	4	11.3
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB1	20	11.3
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB2	20	11.3
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB3	20	11.3
(4,1805)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HA	10	11.29
(5,606)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	19	11.28
(5,576)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	2	11.28
(5,568)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	14	11.28
(5,662)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	7	11.27
(4,1222)	1:9:A:VAL:H	1:146:A:VAL:H	10	11.27
(1,458)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	14	11.27
(5,776)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	14	11.26
(5,481)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	5	11.26
(5,411)	1:5:A:ASN:ND2	1:98:A:SER:H	2	11.26
(5,343)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	10	11.26
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	4	11.26
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	4	11.26
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	4	11.26
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	4	11.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	4	11.26
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	4	11.26
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB1	6	11.26
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB2	6	11.26
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB3	6	11.26
(5,568)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	6	11.25
(5,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	18	11.25
(5,384)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	3	11.25
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG21	1:227:A:ALA:HA	16	11.25
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG22	1:227:A:ALA:HA	16	11.25
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG23	1:227:A:ALA:HA	16	11.25
(4,1232)	1:8:A:VAL:HB	1:159:A:ALA:HA	20	11.25
(1,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	14	11.25
(5,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	20	11.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG21	17	11.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG22	17	11.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG23	17	11.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG21	17	11.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG22	17	11.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG23	17	11.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG21	17	11.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG22	17	11.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG23	17	11.24
(1,608)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	7	11.24
(1,493)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	6	11.24
(5,609)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	1	11.23
(5,394)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	14	11.23
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB1	4	11.23
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB2	4	11.23
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB3	4	11.23
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB1	4	11.23
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB2	4	11.23
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB3	4	11.23
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB1	4	11.23
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB2	4	11.23
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB3	4	11.23
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB1	4	11.23
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB2	4	11.23
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB3	4	11.23
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB1	4	11.23
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB2	4	11.23
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB3	4	11.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB1	4	11.23
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB2	4	11.23
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB3	4	11.23
(1,491)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	9	11.22
(5,817)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	2	11.21
(5,805)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	20	11.21
(5,799)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	2	11.21
(5,595)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	20	11.21
(5,426)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	5	11.21
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG21	20	11.21
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG22	20	11.21
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG23	20	11.21
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG21	20	11.21
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG22	20	11.21
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG23	20	11.21
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG21	20	11.21
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG22	20	11.21
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG23	20	11.21
(5,663)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	18	11.2
(5,418)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	7	11.2
(5,296)	1:5:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	18	11.2
(1,161)	1:59:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	12	11.2
(5,697)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	10	11.19
(5,432)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	2	11.19
(5,368)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	14	11.19
(5,690)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	10	11.18
(5,416)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	14	11.18
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG21	10	11.18
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG22	10	11.18
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG23	10	11.18
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG21	10	11.18
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG22	10	11.18
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG23	10	11.18
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG21	10	11.18
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG22	10	11.18
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG23	10	11.18
(5,504)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	3	11.17
(5,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	3	11.17
(4,248)	1:8:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	13	11.17
(4,248)	1:8:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	13	11.17
(4,248)	1:8:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	13	11.17
(4,248)	1:8:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	13	11.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,248)	1:8:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	13	11.17
(4,248)	1:8:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	13	11.17
(5,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	3	11.16
(5,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	2	11.16
(5,438)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	16	11.16
(5,422)	1:5:A:ASN:ND2	1:55:A:ILE:H	7	11.16
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	5	11.16
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	5	11.16
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	5	11.16
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	5	11.16
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	5	11.16
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	5	11.16
(5,516)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	9	11.15
(5,391)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	11	11.15
(1,598)	1:5:A:ASN:ND2	1:236:A:GLU:H	6	11.15
(1,161)	1:59:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	16	11.15
(5,679)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	10	11.14
(5,553)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	7	11.14
(5,484)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	4	11.14
(4,2234)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:H	10	11.14
(5,599)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	4	11.13
(5,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	16	11.13
(5,450)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	8	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD11	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD12	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD13	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD21	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD22	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD23	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD11	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD12	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD13	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD21	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD22	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD23	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD11	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD12	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD13	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD21	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD22	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD23	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD11	13	11.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD12	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD13	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD21	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD22	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD23	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD11	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD12	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD13	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD21	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD22	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD23	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD11	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD12	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD13	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD21	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD22	13	11.13
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD23	13	11.13
(5,353)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	8	11.12
(5,623)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	1	11.11
(5,616)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	20	11.11
(5,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	17	11.11
(5,425)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	4	11.11
(5,370)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	20	11.11
(5,661)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	12	11.1
(5,640)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	7	11.1
(5,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	14	11.1
(5,786)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	4	11.08
(5,493)	1:5:A:ASN:ND2	1:59:A:PHE:H	20	11.08
(5,474)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	18	11.08
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG21	12	11.08
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG22	12	11.08
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG23	12	11.08
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG21	12	11.08
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG22	12	11.08
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG23	12	11.08
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG21	12	11.08
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG22	12	11.08
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG23	12	11.08
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB1	17	11.08
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB2	17	11.08
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB3	17	11.08
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB1	17	11.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB2	17	11.08
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB3	17	11.08
(5,692)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	10	11.07
(5,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	8	11.07
(4,4158)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE22	4	11.07
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB1	7	11.07
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB2	7	11.07
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB3	7	11.07
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB1	7	11.07
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB2	7	11.07
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB3	7	11.07
(1,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	6	11.07
(5,819)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	8	11.06
(5,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	14	11.06
(5,103)	1:140:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	15	11.06
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG11	6	11.06
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG12	6	11.06
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG13	6	11.06
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG21	6	11.06
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG22	6	11.06
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG23	6	11.06
(1,608)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	19	11.06
(1,161)	1:59:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	19	11.06
(5,683)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	10	11.05
(5,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	10	11.05
(5,506)	1:5:A:ASN:ND2	1:20:A:ASN:H	7	11.05
(5,354)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	16	11.05
(5,95)	1:39:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	13	11.05
(5,482)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	12	11.04
(5,441)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	13	11.04
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	2	11.04
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	2	11.04
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	2	11.04
(1,452)	1:5:A:ASN:ND2	1:170:A:TYR:H	17	11.04
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD11	1:91:A:GLY:H	18	11.03
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD12	1:91:A:GLY:H	18	11.03
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD13	1:91:A:GLY:H	18	11.03
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	14	11.03
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	14	11.03
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	14	11.03
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	14	11.03
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	14	11.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	14	11.03
(5,504)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	19	11.02
(1,513)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	9	11.02
(5,693)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	20	11.01
(5,499)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	6	11.01
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG21	13	11.01
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG22	13	11.01
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG23	13	11.01
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG21	13	11.01
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG22	13	11.01
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG23	13	11.01
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG21	13	11.01
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG22	13	11.01
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG23	13	11.01
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG21	1:93:A:TYR:H	18	11.01
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG22	1:93:A:TYR:H	18	11.01
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG23	1:93:A:TYR:H	18	11.01
(5,820)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	7	11.0
(5,621)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	9	11.0
(5,381)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	19	10.99
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB2	14	10.99
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB3	14	10.99
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB2	14	10.99
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB3	14	10.99
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB2	14	10.99
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB3	14	10.99
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB2	14	10.99
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB3	14	10.99
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB2	14	10.99
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB3	14	10.99
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB2	14	10.99
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB3	14	10.99
(1,161)	1:59:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	17	10.99
(5,370)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	17	10.98
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD21	5	10.98
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD22	5	10.98
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	8	10.98
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	8	10.98
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	8	10.98
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	8	10.98
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	8	10.98
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	8	10.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,820)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:H	14	10.98
(4,820)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:H	14	10.98
(4,820)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:H	14	10.98
(4,3976)	1:11:A:ILE:H	1:92:A:LEU:H	18	10.97
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	4	10.97
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	4	10.97
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	4	10.97
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	4	10.97
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	4	10.97
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	4	10.97
(1,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	6	10.97
(5,487)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	10	10.96
(1,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	14	10.96
(5,681)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	9	10.95
(5,572)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	5	10.95
(5,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	20	10.95
(5,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	19	10.95
(5,400)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	13	10.95
(5,344)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	15	10.95
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB1	7	10.95
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB2	7	10.95
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB3	7	10.95
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB1	7	10.95
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB2	7	10.95
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB3	7	10.95
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB1	7	10.95
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB2	7	10.95
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB3	7	10.95
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB1	7	10.95
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB2	7	10.95
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB3	7	10.95
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB1	7	10.95
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB2	7	10.95
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB3	7	10.95
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB1	7	10.95
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB2	7	10.95
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB3	7	10.95
(4,193)	1:10:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	6	10.95
(4,193)	1:10:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	6	10.95
(1,161)	1:59:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	8	10.95
(5,819)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	20	10.94
(5,423)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	1	10.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,361)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	1	10.94
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	10	10.94
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	10	10.94
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	10	10.94
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	10	10.94
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	10	10.94
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	10	10.94
(5,634)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	9	10.93
(5,595)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	16	10.93
(5,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	7	10.93
(4,3976)	1:11:A:ILE:H	1:92:A:LEU:H	7	10.93
(5,435)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	4	10.92
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD3	7	10.92
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD3	7	10.92
(1,501)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	16	10.92
(1,161)	1:59:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	7	10.92
(5,619)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	15	10.9
(5,487)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	20	10.9
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG11	10	10.9
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG12	10	10.9
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG13	10	10.9
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG21	10	10.9
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG22	10	10.9
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG23	10	10.9
(5,489)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	9	10.89
(5,485)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	18	10.89
(5,439)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	1	10.89
(5,386)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	7	10.89
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD21	16	10.89
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD22	16	10.89
(5,625)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	3	10.88
(5,583)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	20	10.88
(5,500)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	5	10.88
(4,1805)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HA	20	10.88
(1,491)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	14	10.88
(5,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	12	10.87
(5,505)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	14	10.87
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG21	1:92:A:LEU:H	4	10.87
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG22	1:92:A:LEU:H	4	10.87
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG23	1:92:A:LEU:H	4	10.87
(5,786)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	13	10.86
(5,518)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	9	10.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,589)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	17	10.86
(1,451)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	6	10.86
(5,449)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	5	10.85
(5,365)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	6	10.85
(5,665)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	7	10.84
(5,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	2	10.84
(5,580)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	17	10.84
(5,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	2	10.84
(5,395)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	1	10.84
(1,592)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	6	10.84
(5,660)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	7	10.83
(5,295)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	20	10.83
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	12	10.83
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	12	10.83
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	12	10.83
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	12	10.83
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	12	10.83
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	12	10.83
(5,578)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	4	10.82
(5,517)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	20	10.82
(5,373)	1:5:A:ASN:ND2	1:77:A:TYR:H	12	10.82
(1,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	9	10.82
(5,578)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	8	10.81
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	7	10.81
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	7	10.81
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	7	10.81
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	7	10.81
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	7	10.81
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	7	10.81
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD21	14	10.81
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD22	14	10.81
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD23	14	10.81
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD21	14	10.81
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD22	14	10.81
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD23	14	10.81
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD21	14	10.81
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD22	14	10.81
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD23	14	10.81
(5,633)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	2	10.8
(5,508)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	16	10.79
(5,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	5	10.79
(5,455)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	10	10.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	19	10.79
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	10	10.79
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	10	10.79
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	10	10.79
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	10	10.79
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	10	10.79
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	10	10.79
(1,533)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	13	10.79
(5,598)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	9	10.78
(5,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	7	10.78
(5,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	3	10.78
(1,161)	1:59:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	1	10.78
(1,117)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	13	10.78
(5,819)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	2	10.77
(5,436)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	1	10.77
(5,390)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	12	10.77
(5,369)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	14	10.77
(1,608)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	8	10.77
(5,654)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	6	10.76
(5,654)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	18	10.76
(5,635)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	4	10.76
(5,634)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	13	10.76
(5,632)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	7	10.76
(5,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	1	10.76
(5,684)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	14	10.75
(5,436)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	16	10.75
(5,352)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	20	10.75
(5,294)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	14	10.75
(1,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	17	10.75
(1,161)	1:59:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	3	10.75
(5,397)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	12	10.74
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:HA	13	10.73
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:HA	13	10.73
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:HA	13	10.73
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:HA	13	10.73
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:HA	13	10.73
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:HA	13	10.73
(5,646)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	10	10.72
(5,557)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	4	10.72
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG21	7	10.72
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG22	7	10.72
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG23	7	10.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,734)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	20	10.71
(5,389)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	9	10.71
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG11	2	10.71
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG12	2	10.71
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG13	2	10.71
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG21	2	10.71
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG22	2	10.71
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG23	2	10.71
(1,600)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	11	10.71
(5,649)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	5	10.7
(5,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	13	10.7
(5,375)	1:5:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	2	10.7
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE1	20	10.7
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE2	20	10.7
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG21	6	10.7
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG22	6	10.7
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG23	6	10.7
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG21	6	10.7
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG22	6	10.7
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG23	6	10.7
(5,745)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	7	10.69
(5,407)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	7	10.69
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:H	6	10.69
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:H	6	10.69
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:H	6	10.69
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:H	6	10.69
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:H	6	10.69
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:H	6	10.69
(1,563)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	6	10.69
(5,429)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	1	10.68
(5,424)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	5	10.68
(5,831)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	7	10.67
(5,634)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	4	10.67
(5,567)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	9	10.67
(5,425)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	13	10.67
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:H	17	10.67
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:H	17	10.67
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:H	17	10.67
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:H	17	10.67
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:H	17	10.67
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:H	17	10.67
(1,608)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	11	10.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,605)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	14	10.67
(1,501)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	7	10.67
(1,161)	1:59:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	2	10.67
(5,368)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	1	10.66
(5,294)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	16	10.66
(4,1864)	1:11:A:ILE:H	1:90:A:CYS:H	12	10.66
(1,522)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	12	10.66
(1,475)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	3	10.66
(5,791)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	16	10.65
(5,680)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	4	10.65
(5,661)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	18	10.65
(5,439)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	19	10.65
(5,365)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	2	10.65
(4,641)	1:9:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:H	12	10.65
(4,641)	1:9:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:H	12	10.65
(4,641)	1:9:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:H	12	10.65
(4,641)	1:9:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:H	12	10.65
(4,641)	1:9:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:H	12	10.65
(4,641)	1:9:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:H	12	10.65
(5,693)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	10	10.64
(5,372)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	20	10.64
(4,788)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HA	20	10.64
(5,609)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	19	10.63
(5,589)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	6	10.63
(5,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	19	10.63
(5,448)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	19	10.63
(5,390)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	10	10.63
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB1	9	10.63
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB2	9	10.63
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB3	9	10.63
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB1	9	10.63
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB2	9	10.63
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB3	9	10.63
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB1	9	10.63
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB2	9	10.63
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB3	9	10.63
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB1	9	10.63
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB2	9	10.63
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB3	9	10.63
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB1	9	10.63
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB2	9	10.63
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB3	9	10.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB1	9	10.63
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB2	9	10.63
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB3	9	10.63
(5,354)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	6	10.62
(1,522)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	13	10.62
(1,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	13	10.62
(5,743)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	20	10.61
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG11	5	10.61
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG12	5	10.61
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG13	5	10.61
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG21	5	10.61
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG22	5	10.61
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG23	5	10.61
(5,645)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	2	10.6
(5,579)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	4	10.6
(5,403)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	2	10.6
(5,589)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	14	10.59
(5,397)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	18	10.59
(5,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	2	10.58
(5,393)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	6	10.58
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD3	17	10.58
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD3	17	10.58
(5,454)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	6	10.57
(5,382)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	20	10.57
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	2	10.57
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	2	10.57
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	2	10.57
(1,557)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	5	10.57
(5,752)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	1	10.56
(4,2234)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:H	20	10.56
(5,425)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	9	10.55
(5,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	5	10.55
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD21	18	10.55
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD22	18	10.55
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD23	18	10.55
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD21	18	10.55
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD22	18	10.55
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD23	18	10.55
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD21	18	10.55
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD22	18	10.55
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD23	18	10.55
(4,248)	1:8:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	12	10.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,248)	1:8:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	12	10.55
(4,248)	1:8:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	12	10.55
(4,248)	1:8:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	12	10.55
(4,248)	1:8:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	12	10.55
(4,248)	1:8:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	12	10.55
(1,511)	1:5:A:ASN:ND2	1:36:A:ILE:H	17	10.55
(5,532)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	18	10.54
(5,430)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	5	10.54
(5,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	11	10.54
(4,4234)	1:2:A:SER:HA	1:8:A:VAL:HA	16	10.54
(5,619)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	3	10.53
(5,605)	1:5:A:ASN:ND2	1:198:A:ALA:H	15	10.53
(5,375)	1:5:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	19	10.53
(5,103)	1:140:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	17	10.53
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA2	4	10.53
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA3	4	10.53
(1,501)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	20	10.53
(1,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	17	10.53
(1,466)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	18	10.53
(5,599)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	7	10.52
(1,505)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	17	10.52
(5,745)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	2	10.51
(5,595)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	5	10.51
(5,346)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	12	10.51
(5,624)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	4	10.5
(5,557)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	7	10.5
(5,437)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	4	10.5
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB2	4	10.5
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB3	4	10.5
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB2	4	10.5
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB3	4	10.5
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB2	4	10.5
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB3	4	10.5
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB2	4	10.5
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB3	4	10.5
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB2	4	10.5
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB3	4	10.5
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB2	4	10.5
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB3	4	10.5
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	2	10.5
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	2	10.5
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	2	10.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	2	10.5
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	2	10.5
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	2	10.5
(1,161)	1:59:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	14	10.5
(5,655)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	16	10.49
(5,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	6	10.49
(5,448)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	1	10.49
(5,433)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	7	10.49
(5,769)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	20	10.48
(5,103)	1:140:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	14	10.48
(5,820)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	9	10.47
(5,523)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	12	10.47
(5,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	9	10.47
(5,413)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	18	10.47
(5,401)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	10	10.47
(5,373)	1:5:A:ASN:ND2	1:77:A:TYR:H	17	10.47
(5,338)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	2	10.47
(1,608)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	1	10.47
(5,573)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	14	10.46
(5,410)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	13	10.46
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG12	11	10.46
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG13	11	10.46
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG12	11	10.46
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG13	11	10.46
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG21	13	10.46
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG22	13	10.46
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG23	13	10.46
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG21	13	10.46
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG22	13	10.46
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG23	13	10.46
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG21	13	10.46
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG22	13	10.46
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG23	13	10.46
(1,501)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	6	10.46
(1,161)	1:59:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	20	10.46
(5,410)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	14	10.45
(4,926)	1:11:A:ILE:HG12	1:92:A:LEU:HA	18	10.45
(4,926)	1:11:A:ILE:HG13	1:92:A:LEU:HA	18	10.45
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG11	6	10.45
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG12	6	10.45
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG13	6	10.45
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG21	6	10.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG22	6	10.45
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG23	6	10.45
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB1	18	10.45
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB2	18	10.45
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB3	18	10.45
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB1	18	10.45
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB2	18	10.45
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB3	18	10.45
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB1	18	10.45
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB2	18	10.45
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB3	18	10.45
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB1	18	10.45
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB2	18	10.45
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB3	18	10.45
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB1	18	10.45
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB2	18	10.45
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB3	18	10.45
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB1	18	10.45
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB2	18	10.45
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB3	18	10.45
(1,518)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	3	10.45
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG21	1:93:A:TYR:H	14	10.44
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG22	1:93:A:TYR:H	14	10.44
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG23	1:93:A:TYR:H	14	10.44
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HA	13	10.44
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HA	13	10.44
(1,476)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	13	10.44
(5,624)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	12	10.43
(5,587)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	1	10.43
(5,513)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	9	10.43
(5,436)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	7	10.43
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA2	14	10.43
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA3	14	10.43
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:H	4	10.43
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:H	4	10.43
(1,532)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	5	10.43
(5,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	1	10.42
(5,401)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	2	10.42
(5,369)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	1	10.42
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG21	1:93:A:TYR:H	16	10.42
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG22	1:93:A:TYR:H	16	10.42
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG23	1:93:A:TYR:H	16	10.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,788)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HA	5	10.42
(5,496)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	9	10.41
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	10	10.41
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	10	10.41
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB1	7	10.41
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB2	7	10.41
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB3	7	10.41
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB1	7	10.41
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB2	7	10.41
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB3	7	10.41
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB1	7	10.41
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB2	7	10.41
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB3	7	10.41
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB1	7	10.41
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB2	7	10.41
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB3	7	10.41
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB1	7	10.41
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB2	7	10.41
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB3	7	10.41
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB1	7	10.41
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB2	7	10.41
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB3	7	10.41
(1,608)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	3	10.41
(1,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	13	10.41
(1,501)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	5	10.41
(5,686)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	10	10.4
(5,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	13	10.4
(5,521)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	11	10.4
(5,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	5	10.4
(5,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	17	10.4
(5,103)	1:140:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	10	10.4
(4,3976)	1:11:A:ILE:H	1:92:A:LEU:H	12	10.4
(5,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	5	10.39
(5,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	1	10.39
(5,449)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	12	10.39
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:H	10	10.39
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD3	1:158:A:GLU:H	10	10.39
(4,1515)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HA	4	10.39
(1,602)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	3	10.39
(1,81)	1:13:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	1	10.39
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	9	10.38
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	9	10.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	9	10.38
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	9	10.38
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	9	10.38
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	9	10.38
(4,926)	1:11:A:ILE:HG12	1:92:A:LEU:HA	4	10.38
(4,926)	1:11:A:ILE:HG13	1:92:A:LEU:HA	4	10.38
(1,606)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	17	10.38
(5,831)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	2	10.37
(5,595)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	7	10.37
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	17	10.37
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	17	10.37
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	17	10.37
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	17	10.37
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	17	10.37
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	17	10.37
(5,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	5	10.36
(5,485)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	14	10.36
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	13	10.36
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	13	10.36
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	13	10.36
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	13	10.36
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	13	10.36
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	13	10.36
(5,680)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	9	10.35
(5,677)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	20	10.35
(5,649)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	19	10.35
(5,524)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	18	10.35
(5,406)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	17	10.35
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:H	20	10.35
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:H	20	10.35
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:H	20	10.35
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:H	20	10.35
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:H	20	10.35
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:H	20	10.35
(5,729)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	13	10.34
(5,636)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	9	10.34
(5,530)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	20	10.34
(5,505)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	6	10.34
(5,434)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	20	10.34
(5,396)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	20	10.34
(5,393)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	4	10.34
(5,580)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	20	10.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,438)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	8	10.33
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG11	10	10.33
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG12	10	10.33
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG13	10	10.33
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG21	10	10.33
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG22	10	10.33
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG23	10	10.33
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	20	10.33
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	20	10.33
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	20	10.33
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	20	10.33
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	20	10.33
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	20	10.33
(4,13)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:H	6	10.33
(4,13)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:H	12	10.33
(1,572)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	4	10.33
(5,652)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	3	10.32
(5,430)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	16	10.32
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB1	12	10.32
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB2	12	10.32
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB3	12	10.32
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB1	12	10.32
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB2	12	10.32
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB3	12	10.32
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB1	12	10.32
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB2	12	10.32
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB3	12	10.32
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB1	12	10.32
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB2	12	10.32
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB3	12	10.32
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB1	12	10.32
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB2	12	10.32
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB3	12	10.32
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB1	12	10.32
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB2	12	10.32
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB3	12	10.32
(1,588)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	17	10.32
(1,572)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	18	10.32
(5,488)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	7	10.31
(5,396)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	4	10.31
(5,609)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	3	10.3
(5,405)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	8	10.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,395)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	3	10.3
(5,388)	1:5:A:ASN:ND2	1:130:A:ASP:H	5	10.3
(4,926)	1:11:A:ILE:HG12	1:92:A:LEU:HA	14	10.3
(4,926)	1:11:A:ILE:HG13	1:92:A:LEU:HA	14	10.3
(1,501)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	3	10.3
(5,362)	1:5:A:ASN:ND2	1:224:A:LEU:H	19	10.29
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	6	10.29
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	6	10.29
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	6	10.29
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	6	10.29
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	6	10.29
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	6	10.29
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	6	10.29
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	6	10.29
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	6	10.29
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	6	10.29
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	6	10.29
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	6	10.29
(1,585)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	3	10.29
(5,783)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	1	10.28
(5,636)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	18	10.28
(5,578)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	6	10.28
(5,377)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	10	10.28
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB1	13	10.28
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB2	13	10.28
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB3	13	10.28
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB1	13	10.28
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB2	13	10.28
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB3	13	10.28
(5,620)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	17	10.27
(5,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	6	10.27
(5,368)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	19	10.27
(5,103)	1:140:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	18	10.27
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG11	4	10.27
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG12	4	10.27
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG13	4	10.27
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG21	4	10.27
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG22	4	10.27
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG23	4	10.27
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG11	4	10.27
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG12	4	10.27
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG13	4	10.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG21	4	10.27
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG22	4	10.27
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG23	4	10.27
(1,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	11	10.27
(5,389)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	12	10.26
(5,413)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	14	10.25
(4,3249)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE21	9	10.25
(1,161)	1:59:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	5	10.25
(5,810)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	1	10.24
(5,716)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	9	10.24
(5,605)	1:5:A:ASN:ND2	1:198:A:ALA:H	5	10.24
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG21	16	10.24
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG22	16	10.24
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG23	16	10.24
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB2	16	10.24
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB3	16	10.24
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB2	16	10.24
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB3	16	10.24
(1,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	6	10.24
(5,657)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	18	10.23
(5,438)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	7	10.23
(5,344)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	5	10.23
(1,609)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	5	10.23
(5,482)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	17	10.22
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD11	1:91:A:GLY:H	14	10.22
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD12	1:91:A:GLY:H	14	10.22
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD13	1:91:A:GLY:H	14	10.22
(1,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	17	10.22
(5,730)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	13	10.21
(5,444)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	5	10.21
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HB	20	10.21
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HB	20	10.21
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HB	20	10.21
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	3	10.21
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	3	10.21
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	3	10.21
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	3	10.21
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	3	10.21
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	3	10.21
(1,608)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	15	10.21
(1,525)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	12	10.21
(5,681)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	16	10.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,677)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	10	10.2
(5,575)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	5	10.2
(5,539)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	7	10.2
(5,414)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	16	10.2
(5,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	15	10.2
(4,2982)	1:4:A:GLU:H	1:147:A:GLN:H	16	10.2
(4,2433)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:H	4	10.2
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:H	17	10.2
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:H	17	10.2
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:H	17	10.2
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:H	17	10.2
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:H	17	10.2
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:H	17	10.2
(1,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	14	10.2
(1,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	18	10.2
(1,501)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	11	10.2
(5,591)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	8	10.18
(5,528)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	5	10.18
(5,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	4	10.18
(5,423)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	3	10.18
(1,533)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	18	10.18
(1,501)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	17	10.18
(5,713)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	20	10.17
(5,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	5	10.17
(5,557)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	9	10.17
(5,485)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	13	10.17
(5,467)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	1	10.17
(5,382)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	7	10.17
(4,788)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HA	11	10.17
(5,623)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	3	10.16
(5,387)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	13	10.16
(4,4234)	1:2:A:SER:HA	1:8:A:VAL:HA	12	10.16
(5,372)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	2	10.15
(5,358)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	5	10.15
(5,643)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	2	10.14
(5,314)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	10	10.14
(5,314)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	14	10.14
(1,608)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	12	10.14
(1,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	1	10.14
(1,493)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	18	10.14
(1,486)	1:5:A:ASN:ND2	1:20:A:ASN:H	6	10.14
(5,819)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	10	10.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,480)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	3	10.13
(5,433)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	17	10.13
(5,348)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	5	10.13
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:H	13	10.13
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:H	13	10.13
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:H	13	10.13
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:H	13	10.13
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:H	13	10.13
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:H	13	10.13
(4,248)	1:8:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	14	10.13
(4,248)	1:8:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	14	10.13
(4,248)	1:8:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	14	10.13
(4,248)	1:8:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	14	10.13
(4,248)	1:8:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	14	10.13
(4,248)	1:8:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	14	10.13
(5,764)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	9	10.12
(5,369)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	3	10.12
(4,1692)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:H	16	10.12
(5,505)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	18	10.11
(5,484)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	9	10.11
(5,473)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	17	10.11
(5,346)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	5	10.11
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG11	11	10.11
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG12	11	10.11
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG13	11	10.11
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG21	11	10.11
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG22	11	10.11
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG23	11	10.11
(1,589)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	13	10.11
(5,367)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	5	10.1
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:H	18	10.1
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:H	18	10.1
(4,248)	1:8:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	17	10.1
(4,248)	1:8:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	17	10.1
(4,248)	1:8:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	17	10.1
(4,248)	1:8:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	17	10.1
(4,248)	1:8:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	17	10.1
(4,248)	1:8:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	17	10.1
(5,713)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	2	10.09
(5,705)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	2	10.09
(5,396)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	9	10.09
(1,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	15	10.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,667)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	17	10.08
(5,590)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	15	10.08
(5,585)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	16	10.08
(4,3375)	1:11:A:ILE:H	1:227:A:ALA:H	4	10.08
(4,2982)	1:4:A:GLU:H	1:147:A:GLN:H	10	10.08
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG2	11	10.08
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG3	11	10.08
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG2	11	10.08
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG3	11	10.08
(5,703)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	4	10.07
(5,693)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	8	10.07
(5,658)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	18	10.07
(1,605)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	9	10.07
(1,567)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	13	10.07
(5,367)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	13	10.06
(1,608)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	18	10.06
(5,811)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	9	10.05
(5,626)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	12	10.05
(5,534)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	12	10.05
(5,496)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	14	10.05
(5,423)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	19	10.05
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:H	6	10.05
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:H	6	10.05
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:H	6	10.05
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:H	6	10.05
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:H	6	10.05
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:H	6	10.05
(5,717)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	7	10.04
(5,476)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	13	10.04
(5,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	17	10.04
(5,460)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	18	10.04
(5,439)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	3	10.04
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	12	10.04
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	12	10.04
(5,762)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	19	10.03
(5,616)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	10	10.03
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG21	10	10.03
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG22	10	10.03
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG23	10	10.03
(1,406)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	6	10.03
(5,818)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	7	10.02
(5,563)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	13	10.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,566)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	17	10.02
(5,810)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	20	10.01
(5,799)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	8	10.01
(5,767)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	9	10.01
(5,621)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	8	10.01
(5,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	19	10.01
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	2	10.01
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	2	10.01
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	2	10.01
(5,352)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	10	10.0
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	11	10.0
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	11	10.0
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	11	10.0
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	11	10.0
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	11	10.0
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	11	10.0
(5,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	17	9.99
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG11	5	9.99
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG12	5	9.99
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG13	5	9.99
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG21	5	9.99
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG22	5	9.99
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG23	5	9.99
(5,737)	1:5:A:ASN:ND2	1:68:A:SER:H	16	9.98
(5,587)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	16	9.98
(5,538)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	1	9.98
(5,513)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	18	9.98
(5,386)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	16	9.98
(5,103)	1:140:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	12	9.98
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD21	11	9.98
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD22	11	9.98
(5,365)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	9	9.97
(5,743)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	10	9.96
(5,443)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	12	9.96
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD21	16	9.96
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD22	16	9.96
(5,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	16	9.95
(4,1864)	1:11:A:ILE:H	1:90:A:CYS:H	10	9.95
(5,759)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	18	9.94
(5,598)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	4	9.94
(5,549)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	5	9.94
(5,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	7	9.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,294)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	4	9.94
(5,746)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	7	9.93
(5,450)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	14	9.93
(5,437)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	14	9.93
(5,365)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	1	9.93
(5,800)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	20	9.92
(5,759)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	9	9.92
(5,525)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	16	9.92
(1,491)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	18	9.92
(5,723)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	4	9.91
(5,622)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	2	9.91
(5,583)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	10	9.91
(5,443)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	20	9.91
(5,410)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	9	9.91
(5,395)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	2	9.91
(5,626)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	5	9.9
(5,348)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	11	9.9
(4,4158)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE22	14	9.9
(5,538)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	19	9.89
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD3	13	9.89
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD3	13	9.89
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG11	2	9.89
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG12	2	9.89
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG13	2	9.89
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG21	2	9.89
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG22	2	9.89
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG23	2	9.89
(4,2433)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:H	14	9.89
(5,490)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	6	9.88
(5,425)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	20	9.88
(5,388)	1:5:A:ASN:ND2	1:130:A:ASP:H	6	9.88
(5,618)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	9	9.87
(5,432)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	14	9.87
(5,429)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	8	9.87
(5,368)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	3	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD11	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD12	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD13	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD21	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD22	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD23	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD11	14	9.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD12	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD13	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD21	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD22	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD23	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD11	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD12	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD13	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD21	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD22	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD23	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD11	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD12	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD13	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD21	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD22	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD23	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD11	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD12	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD13	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD21	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD22	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD23	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD11	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD12	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD13	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD21	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD22	14	9.87
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD23	14	9.87
(1,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	3	9.87
(1,501)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	19	9.87
(5,653)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	2	9.86
(5,496)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	13	9.86
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE1	17	9.86
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE2	17	9.86
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG2	15	9.86
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG3	15	9.86
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG2	15	9.86
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG3	15	9.86
(1,518)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	1	9.86
(5,405)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	11	9.85
(4,248)	1:8:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	9	9.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,248)	1:8:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	9	9.85
(4,248)	1:8:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	9	9.85
(4,248)	1:8:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	9	9.85
(4,248)	1:8:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	9	9.85
(4,248)	1:8:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	9	9.85
(5,591)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	19	9.84
(5,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	11	9.84
(5,404)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	18	9.84
(5,807)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	4	9.83
(5,656)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	4	9.83
(1,517)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	18	9.83
(5,438)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	19	9.82
(4,3391)	1:11:A:ILE:HA	1:151:A:THR:HA	14	9.82
(5,820)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	13	9.81
(5,345)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	11	9.81
(1,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	9	9.81
(1,508)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	6	9.81
(1,474)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	5	9.81
(5,786)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	9	9.8
(5,807)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	9	9.79
(5,404)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	12	9.79
(5,397)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	17	9.79
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB2	2	9.79
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB3	2	9.79
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB2	2	9.79
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB3	2	9.79
(5,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	5	9.78
(5,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	8	9.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB1	17	9.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB2	17	9.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB3	17	9.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB1	17	9.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB2	17	9.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB3	17	9.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB1	17	9.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB2	17	9.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB3	17	9.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB1	17	9.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB2	17	9.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB3	17	9.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB1	17	9.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB2	17	9.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB3	17	9.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB1	17	9.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB2	17	9.78
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB3	17	9.78
(1,554)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	13	9.78
(1,501)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	14	9.78
(5,566)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	10	9.77
(5,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	14	9.77
(5,422)	1:5:A:ASN:ND2	1:55:A:ILE:H	8	9.77
(5,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	3	9.77
(5,392)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	9	9.77
(5,295)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	9	9.77
(1,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	12	9.77
(1,458)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	9	9.77
(5,626)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	4	9.76
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD21	11	9.76
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD22	11	9.76
(4,2956)	1:11:A:ILE:HG12	1:153:A:GLN:H	4	9.76
(4,641)	1:9:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:H	17	9.76
(4,641)	1:9:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:H	17	9.76
(4,641)	1:9:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:H	17	9.76
(4,641)	1:9:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:H	17	9.76
(4,641)	1:9:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:H	17	9.76
(4,641)	1:9:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:H	17	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB1	10	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB2	10	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB3	10	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB1	10	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB2	10	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB3	10	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB1	10	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB2	10	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB3	10	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB1	10	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB2	10	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB3	10	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB1	10	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB2	10	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB3	10	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB1	10	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB2	10	9.76
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB3	10	9.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	15	9.76
(5,566)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	18	9.75
(5,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	7	9.75
(5,425)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	10	9.75
(5,414)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	14	9.75
(5,314)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	9	9.75
(4,132)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD2	13	9.75
(4,132)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD2	13	9.75
(5,798)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	1	9.74
(5,743)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	8	9.74
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG21	18	9.74
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG22	18	9.74
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG23	18	9.74
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG21	18	9.74
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG22	18	9.74
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG23	18	9.74
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG21	18	9.74
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG22	18	9.74
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG23	18	9.74
(4,3391)	1:11:A:ILE:HA	1:151:A:THR:HA	4	9.74
(4,1864)	1:11:A:ILE:H	1:90:A:CYS:H	6	9.74
(5,749)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	20	9.73
(5,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	7	9.73
(5,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	1	9.73
(4,13)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:H	9	9.73
(5,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	2	9.72
(5,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	5	9.72
(5,457)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	5	9.72
(1,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	6	9.72
(5,774)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	20	9.71
(5,525)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	4	9.71
(5,314)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	6	9.71
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	20	9.71
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	20	9.71
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	20	9.71
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	20	9.71
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	20	9.71
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	20	9.71
(5,635)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	13	9.7
(5,532)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	14	9.7
(5,508)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	9	9.7
(5,489)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	18	9.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,619)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	11	9.69
(5,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	13	9.69
(5,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	18	9.69
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:HA	12	9.69
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:HA	12	9.69
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:HA	12	9.69
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:HA	12	9.69
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:HA	12	9.69
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:HA	12	9.69
(5,369)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	18	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD11	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD12	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD13	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD21	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD22	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD23	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD11	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD12	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD13	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD21	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD22	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD23	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD11	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD12	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD13	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD21	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD22	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD23	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD11	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD12	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD13	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD21	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD22	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD23	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD11	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD12	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD13	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD21	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD22	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD23	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD11	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD12	20	9.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD13	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD21	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD22	20	9.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD23	20	9.68
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE1	4	9.67
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE2	4	9.67
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG11	10	9.67
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG12	10	9.67
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG13	10	9.67
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG21	10	9.67
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG22	10	9.67
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG23	10	9.67
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG11	10	9.67
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG12	10	9.67
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG13	10	9.67
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG21	10	9.67
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG22	10	9.67
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG23	10	9.67
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG11	10	9.67
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG12	10	9.67
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG13	10	9.67
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG21	10	9.67
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG22	10	9.67
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG23	10	9.67
(5,785)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	9	9.66
(5,735)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	20	9.66
(5,574)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	16	9.66
(5,356)	1:5:A:ASN:ND2	1:125:A:SER:H	5	9.66
(5,103)	1:140:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	11	9.66
(5,534)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	5	9.65
(5,343)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	12	9.65
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	10	9.65
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	10	9.65
(1,608)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	20	9.65
(5,517)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	10	9.64
(5,296)	1:5:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	4	9.64
(4,2956)	1:11:A:ILE:HG12	1:153:A:GLN:H	18	9.64
(1,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	12	9.64
(5,421)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	20	9.63
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:H	4	9.63
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:H	4	9.63
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:H	4	9.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:H	4	9.63
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:H	4	9.63
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:H	4	9.63
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	6	9.63
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	6	9.63
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	6	9.63
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	6	9.63
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	6	9.63
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	6	9.63
(5,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	13	9.62
(5,448)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	3	9.62
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB2	9	9.62
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB3	9	9.62
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB2	9	9.62
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB3	9	9.62
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB2	9	9.62
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB3	9	9.62
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB2	9	9.62
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB3	9	9.62
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB2	9	9.62
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB3	9	9.62
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB2	9	9.62
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB3	9	9.62
(4,1515)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HA	8	9.62
(5,721)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	7	9.61
(5,593)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	14	9.61
(5,571)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	5	9.61
(5,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	3	9.61
(5,384)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	7	9.61
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HA	20	9.61
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HA	20	9.61
(5,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	8	9.6
(5,700)	1:5:A:ASN:ND2	1:70:A:SER:H	10	9.59
(5,622)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	18	9.59
(5,570)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	9	9.59
(5,550)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	20	9.59
(5,356)	1:5:A:ASN:ND2	1:125:A:SER:H	16	9.59
(5,103)	1:140:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	8	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD11	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD12	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD13	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD21	9	9.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD22	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD23	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD11	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD12	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD13	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD21	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD22	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD23	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD11	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD12	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD13	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD21	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD22	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD23	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD11	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD12	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD13	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD21	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD22	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD23	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD11	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD12	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD13	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD21	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD22	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD23	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD11	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD12	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD13	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD21	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD22	9	9.59
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD23	9	9.59
(1,585)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	19	9.59
(1,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	6	9.59
(1,161)	1:59:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	11	9.59
(5,819)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	19	9.58
(5,642)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	13	9.58
(5,593)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	18	9.58
(5,457)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	2	9.58
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB2	13	9.58
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB3	13	9.58
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB2	13	9.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB3	13	9.58
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB2	13	9.58
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB3	13	9.58
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB2	13	9.58
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB3	13	9.58
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB2	13	9.58
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB3	13	9.58
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB2	13	9.58
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB3	13	9.58
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	8	9.58
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	8	9.58
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	8	9.58
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	8	9.58
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	8	9.58
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	8	9.58
(4,473)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:H	19	9.58
(5,713)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	10	9.57
(5,498)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	18	9.57
(5,420)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	8	9.57
(5,103)	1:140:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	6	9.57
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA2	9	9.57
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA3	9	9.57
(4,2433)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:H	9	9.57
(1,487)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	6	9.57
(5,379)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	11	9.56
(5,103)	1:140:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	7	9.56
(4,193)	1:10:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	10	9.56
(4,193)	1:10:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	10	9.56
(1,317)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	6	9.56
(5,770)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	2	9.55
(5,523)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	18	9.55
(5,395)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	6	9.55
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:H	20	9.55
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD3	1:158:A:GLU:H	20	9.55
(1,518)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	19	9.55
(5,668)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	16	9.54
(5,437)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	9	9.54
(4,3976)	1:11:A:ILE:H	1:92:A:LEU:H	10	9.54
(1,609)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	11	9.54
(5,570)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	6	9.53
(5,436)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	3	9.53
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:H	12	9.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:H	12	9.53
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:H	12	9.53
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:H	12	9.53
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:H	12	9.53
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:H	12	9.53
(5,593)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	13	9.52
(5,435)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	9	9.52
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG21	9	9.52
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG22	9	9.52
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG23	9	9.52
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG21	9	9.52
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG22	9	9.52
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG23	9	9.52
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG21	9	9.52
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG22	9	9.52
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG23	9	9.52
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE1	13	9.52
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE2	13	9.52
(5,723)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	16	9.51
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HA	17	9.51
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HA	17	9.51
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG21	11	9.51
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG22	11	9.51
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG23	11	9.51
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG21	11	9.51
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG22	11	9.51
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG23	11	9.51
(1,608)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	5	9.51
(1,608)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	13	9.51
(1,605)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	18	9.51
(5,770)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	16	9.5
(5,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	4	9.5
(5,734)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	10	9.49
(5,428)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	1	9.49
(5,747)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	13	9.48
(5,729)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	9	9.48
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	6	9.48
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	6	9.48
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	6	9.48
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	6	9.48
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	6	9.48
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	6	9.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,785)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	13	9.47
(5,351)	1:5:A:ASN:ND2	1:123:A:SER:H	18	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	10	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	10	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	10	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	10	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	10	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	10	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	10	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	10	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	10	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	10	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	10	9.47
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	10	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD11	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD12	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD13	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD21	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD22	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD23	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD11	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD12	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD13	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD21	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD22	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD23	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD11	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD12	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD13	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD21	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD22	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD23	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD11	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD12	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD13	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD21	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD22	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD23	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD11	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD12	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD13	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD21	7	9.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD22	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD23	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD11	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD12	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD13	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD21	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD22	7	9.47
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD23	7	9.47
(5,533)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	5	9.46
(5,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	19	9.46
(5,397)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	2	9.46
(5,394)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	17	9.46
(4,4158)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE22	9	9.46
(1,505)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	14	9.46
(1,501)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	10	9.46
(5,517)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	4	9.45
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	10	9.45
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	10	9.45
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	10	9.45
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG2	20	9.45
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG3	20	9.45
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG2	20	9.45
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG3	20	9.45
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	12	9.45
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	12	9.45
(5,762)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	1	9.44
(5,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	16	9.44
(5,489)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	7	9.44
(4,3375)	1:11:A:ILE:H	1:227:A:ALA:H	2	9.44
(1,608)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	17	9.44
(5,663)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	10	9.43
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG11	16	9.43
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG12	16	9.43
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG13	16	9.43
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG21	16	9.43
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG22	16	9.43
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG23	16	9.43
(5,811)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	14	9.42
(5,780)	1:5:A:ASN:ND2	1:236:A:GLU:H	2	9.42
(5,737)	1:5:A:ASN:ND2	1:68:A:SER:H	4	9.42
(5,671)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	2	9.42
(5,671)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	20	9.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,666)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	5	9.42
(5,659)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	17	9.42
(5,626)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	14	9.42
(5,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	17	9.42
(5,396)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	13	9.42
(5,394)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	9	9.42
(5,524)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	12	9.41
(5,365)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	3	9.41
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB2	10	9.41
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB3	10	9.41
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB2	10	9.41
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB3	10	9.41
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB2	10	9.41
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB3	10	9.41
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB2	10	9.41
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB3	10	9.41
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB2	10	9.41
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB3	10	9.41
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB2	10	9.41
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB3	10	9.41
(5,648)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	3	9.4
(1,161)	1:59:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	9	9.4
(5,671)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	10	9.39
(5,563)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	14	9.39
(5,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	20	9.39
(5,429)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	3	9.39
(5,407)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	16	9.39
(1,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	17	9.39
(5,644)	1:5:A:ASN:ND2	1:180:A:LEU:H	2	9.38
(5,580)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	10	9.38
(5,363)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	13	9.38
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG21	1:92:A:LEU:H	18	9.38
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG22	1:92:A:LEU:H	18	9.38
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG23	1:92:A:LEU:H	18	9.38
(1,580)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	5	9.38
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	2	9.37
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	2	9.37
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	2	9.37
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	2	9.37
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	2	9.37
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	2	9.37
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG11	20	9.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG12	20	9.37
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG13	20	9.37
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG21	20	9.37
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG22	20	9.37
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG23	20	9.37
(4,669)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:H	5	9.37
(5,658)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	8	9.36
(5,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	9	9.36
(5,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	15	9.36
(4,3976)	1:11:A:ILE:H	1:92:A:LEU:H	5	9.36
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	3	9.36
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	3	9.36
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	3	9.36
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	3	9.36
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	3	9.36
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	3	9.36
(1,81)	1:13:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	15	9.36
(5,725)	1:5:A:ASN:ND2	1:69:A:THR:H	16	9.35
(5,493)	1:5:A:ASN:ND2	1:59:A:PHE:H	10	9.35
(5,461)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	1	9.35
(5,389)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	5	9.35
(5,375)	1:5:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	4	9.35
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB2	5	9.35
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB3	5	9.35
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB2	5	9.35
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB3	5	9.35
(5,532)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	20	9.34
(5,489)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	13	9.34
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD21	20	9.34
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD22	20	9.34
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD21	20	9.34
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD22	20	9.34
(1,117)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	10	9.34
(5,735)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	10	9.33
(5,580)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	2	9.33
(5,414)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	7	9.33
(4,3249)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE21	14	9.33
(5,704)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	16	9.32
(5,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	1	9.32
(5,431)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	7	9.32
(5,103)	1:140:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	1	9.32
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE1	14	9.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE2	14	9.32
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:H	7	9.32
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:H	7	9.32
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:H	7	9.32
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:H	7	9.32
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:H	7	9.32
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:H	7	9.32
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	12	9.32
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	12	9.32
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	12	9.32
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	12	9.32
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	12	9.32
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	12	9.32
(1,117)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	4	9.32
(5,795)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	9	9.31
(4,3375)	1:11:A:ILE:H	1:227:A:ALA:H	19	9.31
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	18	9.31
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	18	9.31
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	18	9.31
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	18	9.31
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	18	9.31
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	18	9.31
(1,585)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	1	9.31
(5,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:83:A:LYS:H	12	9.3
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD21	16	9.3
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD22	16	9.3
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HA	12	9.3
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HA	12	9.3
(5,692)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	4	9.29
(5,644)	1:5:A:ASN:ND2	1:180:A:LEU:H	16	9.29
(5,569)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	20	9.29
(5,445)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	6	9.29
(5,438)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	1	9.29
(5,767)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	4	9.28
(5,755)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	20	9.28
(5,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	12	9.28
(5,533)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	12	9.28
(5,527)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	16	9.28
(5,442)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	14	9.28
(5,418)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	5	9.28
(1,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	8	9.28
(5,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	11	9.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,567)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	16	9.27
(5,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	4	9.27
(5,421)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	13	9.27
(5,396)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	10	9.27
(4,3391)	1:11:A:ILE:HA	1:151:A:THR:HA	12	9.27
(1,359)	1:5:A:ASN:ND2	1:213:A:SER:H	12	9.27
(5,810)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	10	9.26
(5,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	7	9.26
(5,437)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	17	9.26
(5,405)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	15	9.26
(5,397)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	20	9.26
(4,3391)	1:11:A:ILE:HA	1:151:A:THR:HA	17	9.26
(1,586)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	13	9.26
(5,808)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	20	9.25
(5,472)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	3	9.25
(5,392)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	4	9.25
(4,3375)	1:11:A:ILE:H	1:227:A:ALA:H	5	9.25
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	15	9.25
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	15	9.25
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	15	9.25
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	15	9.25
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	15	9.25
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	15	9.25
(1,521)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	15	9.25
(5,744)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	10	9.24
(5,625)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	7	9.24
(5,611)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	5	9.24
(5,540)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	14	9.24
(5,356)	1:5:A:ASN:ND2	1:125:A:SER:H	12	9.24
(5,810)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	3	9.23
(5,526)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	19	9.23
(5,296)	1:5:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	14	9.23
(5,294)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	9	9.23
(5,294)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	10	9.23
(5,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	11	9.22
(5,553)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	5	9.22
(1,608)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	10	9.22
(1,493)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	14	9.22
(1,488)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	18	9.22
(5,617)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	11	9.21
(5,435)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	7	9.21
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG21	1:93:A:TYR:H	13	9.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG22	1:93:A:TYR:H	13	9.21
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG23	1:93:A:TYR:H	13	9.21
(5,387)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	14	9.2
(5,386)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	10	9.2
(5,546)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	7	9.19
(5,436)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	15	9.19
(4,52)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:H	2	9.19
(5,762)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	8	9.18
(5,606)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	1	9.18
(5,467)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	11	9.18
(5,405)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	1	9.18
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB1	16	9.18
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB2	16	9.18
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB3	16	9.18
(1,585)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	8	9.18
(1,577)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	16	9.18
(5,729)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	4	9.17
(5,594)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	10	9.17
(5,521)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	5	9.17
(5,445)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	16	9.17
(1,480)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	11	9.17
(5,649)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	8	9.16
(5,619)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	7	9.16
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	6	9.16
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	6	9.16
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	6	9.16
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	6	9.16
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	6	9.16
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	6	9.16
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	6	9.16
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	6	9.16
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	6	9.16
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	6	9.16
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	6	9.16
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	6	9.16
(5,571)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	12	9.15
(5,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	15	9.15
(5,501)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	16	9.15
(1,117)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	6	9.15
(5,314)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	16	9.14
(1,605)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	4	9.14
(1,578)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	16	9.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,505)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	9	9.14
(5,752)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	3	9.13
(5,749)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	10	9.13
(5,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	18	9.13
(5,422)	1:5:A:ASN:ND2	1:55:A:ILE:H	1	9.13
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG11	6	9.12
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG12	6	9.12
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG13	6	9.12
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG21	6	9.12
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG22	6	9.12
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG23	6	9.12
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG11	6	9.12
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG12	6	9.12
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG13	6	9.12
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG21	6	9.12
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG22	6	9.12
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG23	6	9.12
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG11	6	9.12
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG12	6	9.12
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG13	6	9.12
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG21	6	9.12
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG22	6	9.12
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG23	6	9.12
(5,755)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	7	9.1
(5,693)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	16	9.1
(4,641)	1:9:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:H	13	9.1
(4,641)	1:9:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:H	13	9.1
(4,641)	1:9:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:H	13	9.1
(4,641)	1:9:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:H	13	9.1
(4,641)	1:9:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:H	13	9.1
(4,641)	1:9:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:H	13	9.1
(5,819)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	16	9.09
(5,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	6	9.09
(5,103)	1:140:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	20	9.09
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD11	1:58:A:LEU:HG	6	9.09
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD12	1:58:A:LEU:HG	6	9.09
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD13	1:58:A:LEU:HG	6	9.09
(4,788)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HA	16	9.09
(1,606)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	12	9.09
(1,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	5	9.09
(5,744)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	7	9.08
(5,728)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	16	9.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,400)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	5	9.08
(5,392)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	20	9.08
(5,657)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	12	9.07
(5,356)	1:5:A:ASN:ND2	1:125:A:SER:H	17	9.07
(5,295)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	14	9.07
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	16	9.07
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	16	9.07
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	16	9.07
(5,798)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	20	9.06
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG21	1:227:A:ALA:HA	6	9.06
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG22	1:227:A:ALA:HA	6	9.06
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG23	1:227:A:ALA:HA	6	9.06
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD11	10	9.06
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD12	10	9.06
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD13	10	9.06
(5,743)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	2	9.05
(5,741)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	10	9.05
(5,663)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	14	9.05
(5,587)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	3	9.05
(5,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	1	9.05
(4,3461)	1:11:A:ILE:HG13	1:153:A:GLN:H	9	9.05
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	16	9.05
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	16	9.05
(4,13)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:H	15	9.05
(5,693)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	2	9.04
(5,573)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	17	9.04
(5,103)	1:140:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	19	9.04
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG21	1:92:A:LEU:H	14	9.04
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG22	1:92:A:LEU:H	14	9.04
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG23	1:92:A:LEU:H	14	9.04
(5,595)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	3	9.03
(5,547)	1:5:A:ASN:ND2	1:154:A:SER:H	4	9.03
(5,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	1	9.03
(5,413)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	1	9.03
(5,410)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	16	9.03
(5,389)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	10	9.03
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	10	9.03
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	10	9.03
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	10	9.03
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	10	9.03
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD21	9	9.03
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD22	9	9.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD23	9	9.03
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD21	9	9.03
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD22	9	9.03
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD23	9	9.03
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD21	9	9.03
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD22	9	9.03
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD23	9	9.03
(5,660)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	19	9.02
(5,595)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	15	9.02
(5,442)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	13	9.02
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG21	1:93:A:TYR:H	7	9.02
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG22	1:93:A:TYR:H	7	9.02
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG23	1:93:A:TYR:H	7	9.02
(5,801)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	4	9.01
(5,783)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	3	9.01
(5,598)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	12	9.01
(5,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	19	9.01
(5,538)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	3	9.01
(5,399)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	5	9.01
(5,382)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	12	9.01
(5,773)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	4	9.0
(5,688)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	20	9.0
(5,546)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	18	9.0
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	10	9.0
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	10	9.0
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	10	9.0
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HA	7	9.0
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HA	7	9.0
(5,810)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	16	8.99
(5,785)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	4	8.99
(5,482)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	20	8.99
(4,1864)	1:11:A:ILE:H	1:90:A:CYS:H	5	8.99
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD2	19	8.99
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD3	19	8.99
(1,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	15	8.99
(5,511)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	4	8.98
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG11	10	8.98
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG12	10	8.98
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG13	10	8.98
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG21	10	8.98
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG22	10	8.98
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG23	10	8.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	14	8.98
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	14	8.98
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	14	8.98
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	14	8.98
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	14	8.98
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	14	8.98
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:H	20	8.98
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:H	20	8.98
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:H	20	8.98
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:H	20	8.98
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:H	20	8.98
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:H	20	8.98
(5,460)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	16	8.97
(5,381)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	3	8.97
(1,476)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	18	8.97
(1,466)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	17	8.97
(5,634)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	14	8.96
(5,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	5	8.96
(5,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	8	8.96
(5,391)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	14	8.96
(4,3461)	1:11:A:ILE:HG13	1:153:A:GLN:H	18	8.96
(5,606)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	20	8.94
(5,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	8	8.94
(1,566)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	12	8.94
(5,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	14	8.93
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:HA	7	8.93
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:HA	7	8.93
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:HA	7	8.93
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:HA	7	8.93
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:HA	7	8.93
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:HA	7	8.93
(5,660)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	8	8.92
(5,381)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	1	8.92
(5,799)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	19	8.91
(5,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	8	8.91
(5,467)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	10	8.91
(5,744)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	20	8.9
(5,719)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	2	8.9
(5,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	10	8.9
(5,461)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	7	8.9
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB1	16	8.9
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB2	16	8.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB3	16	8.9
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:HA	6	8.9
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:HA	6	8.9
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:HA	6	8.9
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:HA	6	8.9
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:HA	6	8.9
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:HA	6	8.9
(4,820)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:H	4	8.9
(4,820)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:H	4	8.9
(4,820)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:H	4	8.9
(5,434)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	7	8.89
(5,412)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	13	8.89
(5,369)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	19	8.89
(4,13)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:H	19	8.89
(5,716)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	14	8.88
(5,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	10	8.88
(5,526)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	11	8.88
(5,338)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	20	8.88
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:H	9	8.88
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:H	9	8.88
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:H	9	8.88
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:H	9	8.88
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:H	9	8.88
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:H	9	8.88
(4,1864)	1:11:A:ILE:H	1:90:A:CYS:H	17	8.88
(4,248)	1:8:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	7	8.88
(4,248)	1:8:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	7	8.88
(4,248)	1:8:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	7	8.88
(4,248)	1:8:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	7	8.88
(4,248)	1:8:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	7	8.88
(4,248)	1:8:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	7	8.88
(5,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	5	8.87
(5,508)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	6	8.87
(5,467)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	15	8.87
(5,371)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	8	8.87
(1,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	12	8.87
(5,474)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	19	8.86
(5,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:83:A:LYS:H	17	8.86
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	2	8.86
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	2	8.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG11	10	8.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG12	10	8.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG13	10	8.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG21	10	8.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG22	10	8.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG23	10	8.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG11	10	8.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG12	10	8.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG13	10	8.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG21	10	8.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG22	10	8.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG23	10	8.86
(1,452)	1:5:A:ASN:ND2	1:170:A:TYR:H	12	8.86
(5,801)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	9	8.84
(5,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	3	8.84
(5,533)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	4	8.84
(5,377)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	2	8.84
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE1	17	8.84
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE2	17	8.84
(1,576)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	5	8.84
(5,741)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	20	8.83
(5,103)	1:140:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	2	8.83
(5,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	5	8.82
(5,567)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	14	8.82
(5,482)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	6	8.82
(4,1864)	1:11:A:ILE:H	1:90:A:CYS:H	20	8.82
(1,595)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	17	8.82
(1,541)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	11	8.82
(1,81)	1:13:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	11	8.82
(5,643)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	8	8.81
(5,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	8	8.81
(1,539)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	3	8.81
(5,526)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	15	8.8
(5,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	19	8.8
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB2	12	8.8
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB3	12	8.8
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB2	12	8.8
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB3	12	8.8
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB2	12	8.8
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB3	12	8.8
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB2	12	8.8
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB3	12	8.8
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB2	12	8.8
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB3	12	8.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB2	12	8.8
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB3	12	8.8
(5,579)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	9	8.79
(5,375)	1:5:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	1	8.79
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	19	8.79
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	19	8.79
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG21	1:93:A:TYR:H	6	8.79
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG22	1:93:A:TYR:H	6	8.79
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG23	1:93:A:TYR:H	6	8.79
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	20	8.79
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	20	8.79
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	20	8.79
(1,330)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	17	8.79
(5,815)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	13	8.78
(5,786)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	14	8.78
(5,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	15	8.78
(5,627)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	2	8.78
(5,627)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	8	8.78
(5,367)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	4	8.78
(5,103)	1:140:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	4	8.78
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	12	8.78
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	12	8.78
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	12	8.78
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	12	8.78
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD3	6	8.78
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD3	6	8.78
(4,248)	1:8:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	18	8.78
(4,248)	1:8:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	18	8.78
(4,248)	1:8:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	18	8.78
(4,248)	1:8:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	18	8.78
(4,248)	1:8:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	18	8.78
(4,248)	1:8:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	18	8.78
(5,804)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	4	8.77
(5,606)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	10	8.77
(5,508)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	18	8.77
(5,387)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	20	8.77
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	18	8.77
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	18	8.77
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	18	8.77
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	18	8.77
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	18	8.77
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	18	8.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,432)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	18	8.76
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	20	8.76
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	20	8.76
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	20	8.76
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	20	8.76
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	20	8.76
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	20	8.76
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	2	8.76
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	2	8.76
(1,119)	1:166:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	13	8.76
(5,362)	1:5:A:ASN:ND2	1:224:A:LEU:H	1	8.75
(5,555)	1:5:A:ASN:ND2	1:179:A:GLU:H	7	8.74
(5,541)	1:5:A:ASN:ND2	1:178:A:PHE:H	7	8.74
(5,461)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	8	8.74
(4,3391)	1:11:A:ILE:HA	1:151:A:THR:HA	18	8.74
(5,666)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	20	8.73
(5,533)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	14	8.73
(5,513)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	14	8.73
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG21	7	8.73
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG22	7	8.73
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG23	7	8.73
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG21	7	8.73
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG22	7	8.73
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG23	7	8.73
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG21	7	8.73
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG22	7	8.73
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG23	7	8.73
(1,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	12	8.73
(5,628)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	15	8.72
(5,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	13	8.72
(5,577)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	7	8.72
(5,547)	1:5:A:ASN:ND2	1:154:A:SER:H	13	8.72
(5,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	19	8.72
(5,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	9	8.72
(1,475)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	15	8.72
(5,707)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	20	8.71
(5,689)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	4	8.71
(5,649)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	11	8.71
(5,425)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	14	8.71
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE1	20	8.71
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE2	20	8.71
(1,580)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	11	8.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2982)	1:4:A:GLU:H	1:147:A:GLN:H	20	8.7
(5,784)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	12	8.69
(5,704)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	2	8.69
(5,665)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	2	8.69
(5,661)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	17	8.69
(5,578)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	9	8.69
(5,518)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	16	8.69
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:H	12	8.69
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:H	12	8.69
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE1	5	8.69
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE2	5	8.69
(5,443)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	10	8.68
(4,2982)	1:4:A:GLU:H	1:147:A:GLN:H	19	8.68
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	6	8.68
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	6	8.68
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	6	8.68
(5,759)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	4	8.67
(5,523)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	14	8.67
(5,428)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	8	8.67
(5,348)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	2	8.67
(5,344)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	11	8.67
(1,472)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	17	8.67
(1,467)	1:5:A:ASN:ND2	1:33:A:TYR:H	14	8.67
(5,743)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	16	8.66
(5,489)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	12	8.66
(5,422)	1:5:A:ASN:ND2	1:55:A:ILE:H	19	8.66
(5,413)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	3	8.66
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:H	14	8.66
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:H	14	8.66
(4,1222)	1:9:A:VAL:H	1:146:A:VAL:H	11	8.66
(1,81)	1:13:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	3	8.66
(5,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	20	8.65
(5,598)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	14	8.65
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG21	1:227:A:ALA:HA	15	8.65
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG22	1:227:A:ALA:HA	15	8.65
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG23	1:227:A:ALA:HA	15	8.65
(5,755)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	2	8.64
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HB	2	8.64
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HB	2	8.64
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HB	2	8.64
(5,798)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	3	8.63
(5,647)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	8	8.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	19	8.63
(5,429)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	17	8.63
(5,103)	1:140:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	16	8.63
(5,613)	1:5:A:ASN:ND2	1:153:A:GLN:H	18	8.62
(5,512)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	2	8.62
(5,416)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	18	8.62
(5,389)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	17	8.62
(5,374)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	16	8.62
(5,372)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	10	8.62
(5,338)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	10	8.62
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:H	10	8.62
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:H	10	8.62
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:H	10	8.62
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:H	10	8.62
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:H	10	8.62
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:H	10	8.62
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG21	20	8.62
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG22	20	8.62
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG23	20	8.62
(1,475)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	1	8.62
(4,3976)	1:11:A:ILE:H	1:92:A:LEU:H	17	8.61
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD21	2	8.61
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD22	2	8.61
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD23	2	8.61
(5,791)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	8	8.6
(5,768)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	16	8.6
(5,717)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	2	8.6
(5,520)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	4	8.6
(5,400)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	12	8.6
(5,342)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	4	8.6
(1,117)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	3	8.6
(5,591)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	3	8.59
(1,343)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	9	8.59
(5,596)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	20	8.58
(4,13)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:H	17	8.58
(1,583)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	4	8.58
(5,764)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	16	8.57
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG21	16	8.57
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG22	16	8.57
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG23	16	8.57
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG21	16	8.57
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG22	16	8.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG23	16	8.57
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG21	16	8.57
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG22	16	8.57
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG23	16	8.57
(1,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	16	8.57
(5,444)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	13	8.56
(5,382)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	17	8.56
(5,568)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	18	8.55
(5,504)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	14	8.55
(5,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	14	8.55
(5,390)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	17	8.55
(5,365)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	19	8.55
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG21	10	8.55
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG22	10	8.55
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG23	10	8.55
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG21	10	8.55
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG22	10	8.55
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG23	10	8.55
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG21	10	8.55
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG22	10	8.55
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG23	10	8.55
(4,132)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD2	20	8.55
(4,132)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD2	20	8.55
(5,755)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	10	8.54
(5,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	9	8.54
(5,488)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	2	8.54
(5,485)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	20	8.54
(5,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	11	8.53
(4,2461)	1:3:A:GLY:H	1:7:A:ALA:H	4	8.53
(4,669)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:H	2	8.53
(5,679)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	16	8.52
(5,557)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	14	8.52
(4,3391)	1:11:A:ILE:HA	1:151:A:THR:HA	9	8.52
(5,476)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	5	8.51
(5,345)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	5	8.51
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:H	9	8.51
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:H	9	8.51
(5,624)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	14	8.5
(5,579)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	16	8.5
(5,363)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	5	8.5
(5,362)	1:5:A:ASN:ND2	1:224:A:LEU:H	3	8.5
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG11	10	8.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG12	10	8.5
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG13	10	8.5
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG21	10	8.5
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG22	10	8.5
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG23	10	8.5
(5,629)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	7	8.49
(5,353)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	1	8.49
(4,4234)	1:2:A:SER:HA	1:8:A:VAL:HA	14	8.49
(4,4161)	1:11:A:ILE:HA	1:153:A:GLN:HA	18	8.49
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HA	6	8.49
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HA	6	8.49
(4,827)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA3	14	8.49
(5,546)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	13	8.48
(5,441)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	5	8.48
(5,436)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	5	8.48
(5,415)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	2	8.47
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD11	1:91:A:GLY:H	4	8.47
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD12	1:91:A:GLY:H	4	8.47
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD13	1:91:A:GLY:H	4	8.47
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG11	2	8.47
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG12	2	8.47
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG13	2	8.47
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG21	2	8.47
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG22	2	8.47
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG23	2	8.47
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG11	2	8.47
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG12	2	8.47
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG13	2	8.47
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG21	2	8.47
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG22	2	8.47
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG23	2	8.47
(1,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	17	8.47
(5,581)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	2	8.46
(5,530)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	10	8.46
(5,374)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	12	8.46
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:H	7	8.46
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:H	7	8.46
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:H	7	8.46
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:H	7	8.46
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:H	7	8.46
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:H	7	8.46
(1,508)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	9	8.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	19	8.45
(5,549)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	12	8.45
(5,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	3	8.45
(5,478)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	12	8.45
(5,391)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	15	8.45
(5,367)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	16	8.45
(5,738)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	2	8.44
(5,498)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	16	8.44
(5,795)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	4	8.43
(5,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	15	8.43
(5,397)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	10	8.43
(5,384)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	5	8.43
(4,248)	1:8:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	4	8.43
(4,248)	1:8:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	4	8.43
(4,248)	1:8:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	4	8.43
(4,248)	1:8:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	4	8.43
(4,248)	1:8:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	4	8.43
(4,248)	1:8:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	4	8.43
(5,784)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	18	8.42
(5,616)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	12	8.42
(5,430)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	12	8.42
(5,29)	1:104:A:SER:OG	1:161:A:ALA:H	15	8.42
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:H	13	8.42
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:H	13	8.42
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:H	13	8.42
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:H	13	8.42
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:H	13	8.42
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:H	13	8.42
(4,3375)	1:11:A:ILE:H	1:227:A:ALA:H	18	8.42
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG21	10	8.42
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG22	10	8.42
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG23	10	8.42
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG21	10	8.42
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG22	10	8.42
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG23	10	8.42
(1,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	19	8.42
(5,774)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	10	8.41
(5,747)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	9	8.41
(5,657)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	14	8.41
(5,467)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	3	8.41
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD11	1:58:A:LEU:HG	16	8.41
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD12	1:58:A:LEU:HG	16	8.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD13	1:58:A:LEU:HG	16	8.41
(4,132)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD2	6	8.41
(4,132)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD2	6	8.41
(5,723)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	9	8.4
(5,675)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	2	8.4
(5,567)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	7	8.4
(5,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	9	8.4
(4,1805)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HA	16	8.4
(5,558)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	2	8.39
(5,555)	1:5:A:ASN:ND2	1:179:A:GLU:H	4	8.39
(5,418)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	19	8.39
(4,3461)	1:11:A:ILE:HG13	1:153:A:GLN:H	4	8.38
(5,800)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	10	8.37
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD21	18	8.37
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD22	18	8.37
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD21	18	8.37
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD22	18	8.37
(1,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	15	8.37
(1,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	9	8.37
(1,119)	1:166:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	10	8.37
(5,644)	1:5:A:ASN:ND2	1:180:A:LEU:H	7	8.36
(5,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	4	8.36
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	17	8.36
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	17	8.36
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	17	8.36
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	17	8.36
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	17	8.36
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	17	8.36
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG11	7	8.36
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG12	7	8.36
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG13	7	8.36
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG21	7	8.36
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG22	7	8.36
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG23	7	8.36
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG11	7	8.36
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG12	7	8.36
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG13	7	8.36
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG21	7	8.36
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG22	7	8.36
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG23	7	8.36
(1,583)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	14	8.36
(1,405)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	15	8.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,117)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	1	8.36
(5,453)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	7	8.35
(5,387)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	18	8.35
(5,242)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	18	8.35
(1,160)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	18	8.35
(1,117)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	16	8.35
(5,832)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	4	8.34
(5,783)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	20	8.34
(5,483)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	3	8.34
(4,3976)	1:11:A:ILE:H	1:92:A:LEU:H	2	8.34
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	2	8.34
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	2	8.34
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	2	8.34
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	2	8.34
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	2	8.34
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	2	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG21	10	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG22	10	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG23	10	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG21	10	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG22	10	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG23	10	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG21	10	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG22	10	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG23	10	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG21	10	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG22	10	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG23	10	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG21	10	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG22	10	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG23	10	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG21	10	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG22	10	8.34
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG23	10	8.34
(1,466)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	12	8.34
(5,820)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	12	8.33
(5,553)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	19	8.33
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD21	4	8.33
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD22	4	8.33
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD21	4	8.33
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD22	4	8.33
(1,117)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	18	8.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,806)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	20	8.32
(5,651)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	2	8.32
(5,514)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	11	8.32
(5,399)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	20	8.32
(1,81)	1:13:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	6	8.32
(5,394)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	10	8.31
(4,2956)	1:11:A:ILE:HG12	1:153:A:GLN:H	14	8.31
(5,798)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	10	8.3
(5,735)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	2	8.3
(5,689)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	9	8.3
(5,688)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	10	8.3
(5,656)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	1	8.3
(5,478)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	5	8.3
(5,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	4	8.3
(5,384)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	4	8.3
(5,381)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	14	8.3
(5,314)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	18	8.3
(1,461)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	6	8.3
(1,314)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	6	8.3
(5,647)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	4	8.29
(5,579)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	14	8.29
(5,364)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	19	8.29
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	13	8.29
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	13	8.29
(4,2433)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:H	13	8.29
(4,2433)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:H	18	8.29
(1,602)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	8	8.29
(5,638)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	13	8.28
(5,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	13	8.28
(5,86)	1:12:A:GLU:H	1:140:A:ASN:ND2	9	8.28
(4,4235)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:H	11	8.28
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG11	20	8.28
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG12	20	8.28
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG13	20	8.28
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG21	20	8.28
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG22	20	8.28
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG23	20	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD11	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD12	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD13	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD21	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD22	12	8.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD23	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD11	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD12	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD13	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD21	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD22	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD23	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD11	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD12	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD13	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD21	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD22	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD23	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD11	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD12	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD13	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD21	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD22	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD23	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD11	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD12	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD13	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD21	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD22	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD23	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD11	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD12	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD13	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD21	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD22	12	8.28
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD23	12	8.28
(4,13)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:H	18	8.28
(1,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	9	8.28
(1,424)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	12	8.28
(5,613)	1:5:A:ASN:ND2	1:153:A:GLN:H	9	8.27
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE1	9	8.27
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE2	9	8.27
(5,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	17	8.26
(5,375)	1:5:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	9	8.26
(5,369)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	2	8.26
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	10	8.26
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	10	8.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	10	8.26
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	10	8.26
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	10	8.26
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	10	8.26
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:H	17	8.26
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:H	17	8.26
(1,593)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	17	8.26
(5,619)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	16	8.25
(5,481)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	20	8.25
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG21	1:92:A:LEU:H	13	8.25
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG22	1:92:A:LEU:H	13	8.25
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG23	1:92:A:LEU:H	13	8.25
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG11	20	8.25
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG12	20	8.25
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG13	20	8.25
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	20	8.25
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	20	8.25
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	20	8.25
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	16	8.25
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD11	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD12	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD13	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD21	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD22	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD23	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD11	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD12	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD13	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD21	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD22	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD23	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD11	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD12	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD13	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD21	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD22	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD23	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD11	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD12	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD13	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD21	16	8.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD22	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD23	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD11	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD12	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD13	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD21	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD22	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD23	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD11	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD12	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD13	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD21	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD22	16	8.25
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD23	16	8.25
(1,485)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	5	8.25
(1,117)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	17	8.25
(5,452)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	5	8.24
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD21	14	8.24
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD22	14	8.24
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD21	14	8.24
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD22	14	8.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB2	6	8.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB3	6	8.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB2	6	8.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB3	6	8.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB2	6	8.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB3	6	8.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB2	6	8.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB3	6	8.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB2	6	8.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB3	6	8.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB2	6	8.24
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB3	6	8.24
(5,747)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	4	8.23
(5,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	3	8.23
(5,693)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	19	8.22
(5,664)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	7	8.22
(5,629)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	19	8.22
(5,569)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	10	8.22
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:H	19	8.22
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:H	19	8.22
(4,827)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA3	18	8.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,830)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	9	8.21
(5,776)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	18	8.21
(5,626)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	9	8.21
(1,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	3	8.21
(5,660)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	5	8.2
(5,379)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	5	8.2
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG21	1:92:A:LEU:H	16	8.2
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG22	1:92:A:LEU:H	16	8.2
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG23	1:92:A:LEU:H	16	8.2
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA2	13	8.2
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA3	13	8.2
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB1	18	8.2
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB2	18	8.2
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB3	18	8.2
(5,765)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	9	8.19
(5,557)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	13	8.19
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG11	16	8.19
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG12	16	8.19
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG13	16	8.19
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG21	16	8.19
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG22	16	8.19
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG23	16	8.19
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG11	16	8.19
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG12	16	8.19
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG13	16	8.19
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG21	16	8.19
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG22	16	8.19
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG23	16	8.19
(1,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	12	8.19
(5,769)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	10	8.18
(5,819)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	1	8.17
(5,474)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	1	8.17
(4,4161)	1:11:A:ILE:HA	1:153:A:GLN:HA	14	8.17
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	9	8.17
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	9	8.17
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	9	8.17
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	9	8.17
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	9	8.17
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	9	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD11	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD12	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD13	17	8.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD21	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD22	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD23	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD11	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD12	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD13	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD21	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD22	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD23	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD11	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD12	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD13	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD21	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD22	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD23	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD11	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD12	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD13	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD21	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD22	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD23	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD11	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD12	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD13	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD21	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD22	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD23	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD11	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD12	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD13	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD21	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD22	17	8.17
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD23	17	8.17
(5,668)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	18	8.16
(5,546)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	4	8.16
(5,478)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	4	8.16
(5,296)	1:5:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	10	8.16
(5,29)	1:104:A:SER:OG	1:161:A:ALA:H	10	8.16
(1,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	4	8.16
(5,660)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	1	8.15
(5,585)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	7	8.15
(5,314)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	4	8.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4158)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE22	17	8.15
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE1	1:98:A:SER:H	19	8.15
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE2	1:98:A:SER:H	19	8.15
(1,498)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	11	8.15
(1,160)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	1	8.15
(5,730)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	9	8.14
(5,511)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	9	8.14
(5,441)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	12	8.14
(5,386)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	20	8.14
(1,508)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	14	8.14
(5,829)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	2	8.13
(5,635)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	14	8.13
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD11	1:21:A:PHE:H	18	8.13
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD12	1:21:A:PHE:H	18	8.13
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD13	1:21:A:PHE:H	18	8.13
(1,493)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	9	8.13
(5,766)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	18	8.12
(5,711)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	16	8.12
(5,649)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	15	8.12
(5,450)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	1	8.12
(1,117)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	11	8.12
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB1	9	8.11
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB2	9	8.11
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB3	9	8.11
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB1	9	8.11
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB2	9	8.11
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB3	9	8.11
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB1	9	8.11
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB2	9	8.11
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB3	9	8.11
(5,818)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	13	8.1
(5,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	11	8.1
(1,453)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	15	8.1
(1,157)	1:163:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	15	8.1
(5,795)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	18	8.09
(5,483)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	8	8.09
(5,450)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	19	8.09
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD11	1:58:A:LEU:HG	10	8.09
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD12	1:58:A:LEU:HG	10	8.09
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD13	1:58:A:LEU:HG	10	8.09
(4,3431)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HZ2	13	8.09
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:HA	10	8.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:HA	10	8.09
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:HA	10	8.09
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:HA	10	8.09
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:HA	10	8.09
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:HA	10	8.09
(5,684)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	18	8.08
(5,411)	1:5:A:ASN:ND2	1:98:A:SER:H	20	8.08
(5,103)	1:140:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	5	8.08
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD11	2	8.08
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD12	2	8.08
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD13	2	8.08
(4,2234)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:H	19	8.08
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG11	16	8.08
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG12	16	8.08
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG13	16	8.08
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG21	16	8.08
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG22	16	8.08
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG23	16	8.08
(4,820)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:H	16	8.08
(4,820)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:H	16	8.08
(4,820)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:H	16	8.08
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE1	17	8.08
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE2	17	8.08
(1,117)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	8	8.08
(5,798)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	16	8.07
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE1	14	8.07
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE2	14	8.07
(1,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	13	8.07
(5,654)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	8	8.06
(5,625)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	5	8.06
(5,467)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	20	8.06
(5,442)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	6	8.06
(5,427)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	8	8.06
(5,374)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	10	8.06
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:H	13	8.06
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:H	13	8.06
(4,1038)	1:174:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HE1	13	8.06
(4,1038)	1:174:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HE2	13	8.06
(1,504)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	3	8.06
(5,614)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	20	8.05
(5,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	12	8.05
(5,511)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	7	8.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,336)	1:8:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	20	8.05
(4,141)	1:170:A:TYR:HE1	1:211:A:VAL:H	1	8.05
(4,141)	1:170:A:TYR:HE2	1:211:A:VAL:H	1	8.05
(5,830)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	13	8.04
(5,649)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	1	8.04
(5,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	19	8.04
(5,294)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	19	8.04
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	9	8.04
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	9	8.04
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	9	8.04
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	9	8.04
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	9	8.04
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	9	8.04
(4,820)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:H	9	8.04
(4,820)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:H	9	8.04
(4,820)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:H	9	8.04
(1,608)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	9	8.04
(1,503)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	16	8.04
(1,483)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	3	8.04
(5,820)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	18	8.03
(5,474)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	14	8.03
(1,513)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	4	8.03
(1,506)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	11	8.03
(5,660)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	10	8.02
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG12	15	8.02
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG13	15	8.02
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG12	15	8.02
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG13	15	8.02
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG21	1:92:A:LEU:H	7	8.02
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG22	1:92:A:LEU:H	7	8.02
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG23	1:92:A:LEU:H	7	8.02
(1,160)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	16	8.02
(5,702)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	4	8.01
(5,660)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	20	8.01
(5,638)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	14	8.01
(5,600)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	7	8.01
(5,520)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	16	8.01
(1,595)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	14	8.01
(1,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	4	8.01
(5,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	16	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD11	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD12	18	8.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD13	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD21	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD22	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD23	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD11	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD12	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD13	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD21	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD22	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD23	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD11	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD12	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD13	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD21	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD22	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD23	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD11	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD12	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD13	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD21	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD22	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD23	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD11	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD12	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD13	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD21	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD22	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD23	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD11	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD12	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD13	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD21	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD22	18	8.0
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD23	18	8.0
(1,379)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	6	8.0
(4,2461)	1:3:A:GLY:H	1:7:A:ALA:H	9	7.99
(1,500)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	3	7.99
(5,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	18	7.98
(5,540)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	13	7.98
(5,517)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	9	7.98
(5,449)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	17	7.98
(4,2998)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HA	2	7.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1837)	1:7:A:ALA:HA	1:88:A:ASN:H	5	7.98
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG11	11	7.98
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG12	11	7.98
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG13	11	7.98
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG21	11	7.98
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG22	11	7.98
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG23	11	7.98
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:H	2	7.98
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:H	2	7.98
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:H	2	7.98
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:H	2	7.98
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:H	2	7.98
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:H	2	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD11	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD12	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD13	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD21	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD22	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD23	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD11	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD12	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD13	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD21	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD22	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD23	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD11	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD12	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD13	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD21	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD22	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD23	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD11	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD12	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD13	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD21	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD22	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD23	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD11	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD12	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD13	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD21	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD22	10	7.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD23	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD11	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD12	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD13	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD21	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD22	10	7.98
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD23	10	7.98
(5,814)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	7	7.97
(5,728)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	4	7.97
(5,703)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	9	7.97
(5,684)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	12	7.97
(5,343)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	17	7.97
(4,3391)	1:11:A:ILE:HA	1:151:A:THR:HA	13	7.97
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	2	7.97
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	2	7.97
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	2	7.97
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	2	7.97
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG21	1:227:A:ALA:HA	19	7.97
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG22	1:227:A:ALA:HA	19	7.97
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG23	1:227:A:ALA:HA	19	7.97
(5,599)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	9	7.96
(5,362)	1:5:A:ASN:ND2	1:224:A:LEU:H	14	7.96
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE1	1:98:A:SER:H	10	7.96
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE2	1:98:A:SER:H	10	7.96
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD3	20	7.96
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD3	20	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD11	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD12	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD13	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD21	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD22	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD23	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD11	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD12	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD13	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD21	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD22	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD23	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD11	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD12	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD13	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD21	18	7.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD22	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD23	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD11	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD12	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD13	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD21	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD22	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD23	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD11	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD12	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD13	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD21	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD22	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD23	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD11	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD12	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD13	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD21	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD22	18	7.96
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD23	18	7.96
(5,830)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	4	7.95
(5,743)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	19	7.95
(4,1233)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HH2	13	7.95
(5,364)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	11	7.94
(4,3389)	1:81:A:TRP:HZ2	1:186:A:SER:H	2	7.94
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG11	2	7.94
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG12	2	7.94
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG13	2	7.94
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG21	2	7.94
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG22	2	7.94
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG23	2	7.94
(4,1515)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HA	14	7.94
(1,588)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	13	7.94
(5,791)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	1	7.93
(5,625)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	4	7.93
(5,389)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	20	7.93
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:H	5	7.93
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:H	5	7.93
(1,157)	1:163:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	18	7.93
(5,518)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	14	7.92
(4,926)	1:11:A:ILE:HG12	1:92:A:LEU:HA	13	7.92
(4,926)	1:11:A:ILE:HG13	1:92:A:LEU:HA	13	7.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,523)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	17	7.92
(5,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	9	7.91
(5,436)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	11	7.91
(5,413)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	19	7.91
(5,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	18	7.91
(5,404)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	17	7.91
(1,313)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	12	7.91
(5,774)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	4	7.9
(5,481)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	10	7.9
(5,374)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	13	7.9
(5,565)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	13	7.89
(5,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	16	7.89
(5,428)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	5	7.89
(4,2956)	1:11:A:ILE:HG12	1:153:A:GLN:H	9	7.89
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG21	1:93:A:TYR:H	17	7.89
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG22	1:93:A:TYR:H	17	7.89
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG23	1:93:A:TYR:H	17	7.89
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG12	16	7.89
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG13	16	7.89
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG12	16	7.89
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG13	16	7.89
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG12	16	7.89
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG13	16	7.89
(4,1515)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HA	7	7.89
(5,617)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	5	7.88
(5,598)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	18	7.88
(5,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	15	7.88
(5,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	3	7.88
(5,376)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	8	7.88
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD1	9	7.88
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD2	9	7.88
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD1	9	7.88
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD2	9	7.88
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD1	9	7.88
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD2	9	7.88
(5,763)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	7	7.87
(5,570)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	8	7.87
(5,546)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	9	7.87
(5,421)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	10	7.87
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD11	14	7.87
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD12	14	7.87
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD13	14	7.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB1	20	7.87
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB2	20	7.87
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB3	20	7.87
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB1	20	7.87
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB2	20	7.87
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB3	20	7.87
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB1	20	7.87
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB2	20	7.87
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB3	20	7.87
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB1	20	7.87
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB2	20	7.87
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB3	20	7.87
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB1	20	7.87
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB2	20	7.87
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB3	20	7.87
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB1	20	7.87
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB2	20	7.87
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB3	20	7.87
(5,504)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	18	7.86
(5,364)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	15	7.86
(1,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	9	7.86
(1,95)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	18	7.86
(5,804)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	20	7.85
(5,732)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	13	7.85
(5,707)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	10	7.85
(5,480)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	15	7.85
(5,442)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	9	7.85
(5,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	6	7.85
(1,424)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	17	7.85
(5,606)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	3	7.84
(5,588)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	18	7.84
(5,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	10	7.84
(4,4234)	1:2:A:SER:HA	1:8:A:VAL:HA	3	7.84
(4,3375)	1:11:A:ILE:H	1:227:A:ALA:H	8	7.84
(4,2445)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HE1	5	7.84
(4,2445)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HE2	5	7.84
(5,686)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	4	7.83
(5,374)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	20	7.83
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE1	20	7.83
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE2	20	7.83
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE1	1:98:A:SER:H	5	7.83
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE2	1:98:A:SER:H	5	7.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:H	16	7.83
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:H	16	7.83
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:H	16	7.83
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:H	16	7.83
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:H	16	7.83
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:H	16	7.83
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD11	18	7.83
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD12	18	7.83
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD13	18	7.83
(1,589)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	12	7.83
(1,117)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	15	7.83
(5,478)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	14	7.82
(5,349)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	8	7.82
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG21	20	7.82
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG22	20	7.82
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG23	20	7.82
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG21	20	7.82
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG22	20	7.82
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG23	20	7.82
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG21	20	7.82
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG22	20	7.82
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG23	20	7.82
(5,818)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	9	7.81
(5,618)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	14	7.81
(5,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	12	7.81
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG11	2	7.81
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG12	2	7.81
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG13	2	7.81
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG21	2	7.81
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG22	2	7.81
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG23	2	7.81
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG11	5	7.81
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG12	5	7.81
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG13	5	7.81
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG21	5	7.81
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG22	5	7.81
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG23	5	7.81
(4,926)	1:11:A:ILE:HG12	1:92:A:LEU:HA	16	7.81
(4,926)	1:11:A:ILE:HG13	1:92:A:LEU:HA	16	7.81
(1,453)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	11	7.81
(1,385)	1:5:A:ASN:ND2	1:236:A:GLU:H	4	7.81
(5,578)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	1	7.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,416)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	13	7.8
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG12	9	7.8
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG13	9	7.8
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG12	9	7.8
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG13	9	7.8
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG12	9	7.8
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG13	9	7.8
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE1	9	7.8
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE2	9	7.8
(5,725)	1:5:A:ASN:ND2	1:69:A:THR:H	4	7.79
(5,489)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	4	7.79
(5,452)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	2	7.79
(5,450)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	3	7.79
(5,396)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	14	7.79
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:H	10	7.79
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:H	10	7.79
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	16	7.79
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	16	7.79
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	16	7.79
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	16	7.79
(1,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	12	7.79
(5,791)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	19	7.78
(5,595)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	11	7.78
(5,454)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	16	7.78
(5,424)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	6	7.78
(5,347)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	16	7.78
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG11	20	7.78
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG12	20	7.78
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG13	20	7.78
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG21	20	7.78
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG22	20	7.78
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG23	20	7.78
(1,592)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	18	7.78
(5,474)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	3	7.77
(4,3375)	1:11:A:ILE:H	1:227:A:ALA:H	11	7.77
(5,805)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	16	7.76
(5,767)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	14	7.76
(5,716)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	18	7.76
(5,370)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	16	7.76
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE1	10	7.76
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE2	10	7.76
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB1	11	7.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB2	11	7.76
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB3	11	7.76
(1,188)	1:161:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	6	7.76
(5,765)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	14	7.75
(5,729)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	14	7.75
(5,574)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	4	7.75
(5,520)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	7	7.75
(5,375)	1:5:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	3	7.75
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA2	9	7.75
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA3	9	7.75
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA2	9	7.75
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA3	9	7.75
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA2	9	7.75
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA3	9	7.75
(5,506)	1:5:A:ASN:ND2	1:20:A:ASN:H	2	7.74
(5,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	18	7.74
(5,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	14	7.74
(4,1481)	1:9:A:VAL:H	1:151:A:THR:H	6	7.74
(4,141)	1:170:A:TYR:HE1	1:211:A:VAL:H	11	7.74
(4,141)	1:170:A:TYR:HE2	1:211:A:VAL:H	11	7.74
(1,489)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	5	7.74
(5,391)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	4	7.73
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:H	17	7.73
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:H	17	7.73
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD21	9	7.73
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD22	9	7.73
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD21	9	7.73
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD22	9	7.73
(4,1222)	1:9:A:VAL:H	1:146:A:VAL:H	16	7.73
(1,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	14	7.73
(1,292)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	18	7.73
(1,117)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	9	7.73
(5,765)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	6	7.72
(5,392)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	10	7.72
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB1	16	7.72
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB2	16	7.72
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB3	16	7.72
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB1	16	7.72
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB2	16	7.72
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB3	16	7.72
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB1	16	7.72
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB2	16	7.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB3	16	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD11	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD12	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD13	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD21	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD22	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD23	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD11	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD12	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD13	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD21	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD22	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD23	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD11	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD12	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD13	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD21	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD22	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD23	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD11	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD12	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD13	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD21	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD22	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD23	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD11	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD12	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD13	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD21	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD22	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD23	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD11	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD12	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD13	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD21	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD22	10	7.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD23	10	7.72
(5,554)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	12	7.71
(5,338)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	4	7.71
(4,3976)	1:11:A:ILE:H	1:92:A:LEU:H	6	7.71
(4,3976)	1:11:A:ILE:H	1:92:A:LEU:H	20	7.71
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HA	10	7.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HA	10	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD11	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD12	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD13	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD21	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD22	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD23	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD11	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD12	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD13	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD21	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD22	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD23	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD11	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD12	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD13	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD21	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD22	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD23	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD11	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD12	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD13	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD21	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD22	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD23	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD11	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD12	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD13	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD21	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD22	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD23	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD11	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD12	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD13	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD21	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD22	4	7.71
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD23	4	7.71
(1,573)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	6	7.71
(1,171)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	5	7.71
(1,157)	1:163:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	1	7.71
(5,403)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	5	7.7
(4,1864)	1:11:A:ILE:H	1:90:A:CYS:H	16	7.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,808)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	10	7.69
(5,666)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	10	7.69
(5,516)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	14	7.69
(5,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	9	7.69
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG11	5	7.69
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG12	5	7.69
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG13	5	7.69
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG21	5	7.69
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG22	5	7.69
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG23	5	7.69
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG11	5	7.69
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG12	5	7.69
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG13	5	7.69
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG21	5	7.69
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG22	5	7.69
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG23	5	7.69
(1,574)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	6	7.69
(5,766)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	9	7.68
(5,713)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	16	7.68
(5,646)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	16	7.68
(5,461)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	19	7.68
(4,4158)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE22	3	7.68
(4,926)	1:11:A:ILE:HG12	1:92:A:LEU:HA	7	7.68
(4,926)	1:11:A:ILE:HG13	1:92:A:LEU:HA	7	7.68
(1,372)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	6	7.68
(1,355)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	6	7.68
(5,654)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	14	7.67
(5,610)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	9	7.67
(5,361)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	3	7.67
(5,29)	1:104:A:SER:OG	1:161:A:ALA:H	8	7.67
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE1	1:98:A:SER:H	13	7.67
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE2	1:98:A:SER:H	13	7.67
(1,529)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	12	7.67
(5,776)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	12	7.66
(5,739)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	2	7.66
(5,554)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	20	7.66
(5,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	15	7.66
(5,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	15	7.66
(4,2461)	1:3:A:GLY:H	1:7:A:ALA:H	12	7.66
(1,188)	1:161:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	16	7.66
(5,784)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	17	7.65
(5,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	6	7.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,496)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	16	7.65
(1,575)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	3	7.65
(1,117)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	12	7.65
(1,95)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	10	7.65
(5,523)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	17	7.64
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG11	20	7.64
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG12	20	7.64
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG13	20	7.64
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG21	20	7.64
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG22	20	7.64
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG23	20	7.64
(4,13)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:H	16	7.64
(1,523)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	5	7.64
(1,511)	1:5:A:ASN:ND2	1:36:A:ILE:H	14	7.64
(1,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	4	7.64
(1,493)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	4	7.64
(1,117)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	19	7.64
(5,716)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	6	7.63
(5,514)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	15	7.63
(5,483)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	18	7.63
(5,662)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	2	7.62
(5,646)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	2	7.62
(5,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	1	7.62
(5,453)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	20	7.62
(5,391)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	19	7.62
(5,373)	1:5:A:ASN:ND2	1:77:A:TYR:H	15	7.62
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:H	9	7.62
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:H	9	7.62
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG11	11	7.62
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG12	11	7.62
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG13	11	7.62
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG21	11	7.62
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG22	11	7.62
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG23	11	7.62
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	11	7.61
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	11	7.61
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	11	7.61
(4,1232)	1:8:A:VAL:HB	1:159:A:ALA:HA	16	7.61
(1,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	17	7.61
(1,117)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	2	7.61
(5,799)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	1	7.6
(5,606)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	16	7.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,537)	1:5:A:ASN:ND2	1:213:A:SER:H	8	7.6
(5,514)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	13	7.6
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG21	2	7.6
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG22	2	7.6
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG23	2	7.6
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG21	2	7.6
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG22	2	7.6
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG23	2	7.6
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG21	2	7.6
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG22	2	7.6
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG23	2	7.6
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG21	2	7.6
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG22	2	7.6
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG23	2	7.6
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG21	2	7.6
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG22	2	7.6
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG23	2	7.6
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG21	2	7.6
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG22	2	7.6
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG23	2	7.6
(1,117)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	20	7.6
(5,579)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	13	7.59
(5,294)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	18	7.59
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD1	9	7.59
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD2	9	7.59
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD1	9	7.59
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD2	9	7.59
(1,407)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	12	7.59
(5,752)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	15	7.58
(5,395)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	14	7.58
(5,353)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	19	7.58
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	4	7.58
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	4	7.58
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	4	7.58
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	4	7.58
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	4	7.58
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	4	7.58
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG12	4	7.58
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG13	4	7.58
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG12	4	7.58
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG13	4	7.58
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG12	4	7.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG13	4	7.58
(1,460)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	16	7.58
(1,157)	1:163:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	5	7.58
(5,526)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	1	7.57
(5,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	6	7.57
(1,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	13	7.57
(1,458)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	13	7.57
(5,748)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	2	7.56
(5,670)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	7	7.56
(5,614)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	2	7.56
(5,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	14	7.56
(5,435)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	14	7.56
(5,353)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	3	7.56
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG12	19	7.56
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG13	19	7.56
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG12	19	7.56
(4,4314)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG13	19	7.56
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA2	18	7.56
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA3	18	7.56
(1,583)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	6	7.56
(5,620)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	2	7.55
(5,615)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	13	7.55
(5,412)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	5	7.55
(5,29)	1:104:A:SER:OG	1:161:A:ALA:H	17	7.55
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	15	7.55
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	15	7.55
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	15	7.55
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	15	7.55
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	15	7.55
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	15	7.55
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB1	18	7.55
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB2	18	7.55
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB3	18	7.55
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB1	18	7.55
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB2	18	7.55
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB3	18	7.55
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB1	18	7.55
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB2	18	7.55
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB3	18	7.55
(5,680)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	14	7.54
(5,647)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	6	7.54
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG21	1:153:A:GLN:HE21	4	7.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG22	1:153:A:GLN:HE21	4	7.54
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG23	1:153:A:GLN:HE21	4	7.54
(4,1232)	1:8:A:VAL:HB	1:159:A:ALA:HA	5	7.54
(5,804)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	9	7.53
(5,486)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	13	7.53
(5,443)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	17	7.53
(5,401)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	5	7.53
(5,344)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	7	7.53
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	19	7.53
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	19	7.53
(5,749)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	2	7.52
(5,621)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	14	7.52
(5,458)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	13	7.52
(5,428)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	19	7.52
(5,393)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	9	7.52
(5,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	4	7.52
(5,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	13	7.52
(4,3976)	1:11:A:ILE:H	1:92:A:LEU:H	16	7.52
(1,608)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	2	7.52
(5,692)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	9	7.51
(5,690)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	4	7.51
(5,431)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	19	7.51
(5,377)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	16	7.51
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:H	14	7.51
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:H	14	7.51
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	11	7.51
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	11	7.51
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	11	7.51
(1,160)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	7	7.51
(1,117)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	14	7.51
(5,618)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	16	7.5
(5,524)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	17	7.5
(5,402)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	20	7.5
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG21	15	7.5
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG22	15	7.5
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG23	15	7.5
(1,525)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	17	7.5
(1,505)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	12	7.5
(5,664)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	20	7.49
(5,626)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	10	7.48
(5,550)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	10	7.48
(5,516)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	6	7.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,514)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	19	7.48
(5,411)	1:5:A:ASN:ND2	1:98:A:SER:H	10	7.48
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE1	14	7.48
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE2	14	7.48
(4,2612)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HA	2	7.48
(4,2144)	1:81:A:TRP:HH2	1:84:A:GLN:H	2	7.48
(1,160)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	6	7.48
(5,737)	1:5:A:ASN:ND2	1:68:A:SER:H	6	7.47
(5,619)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	10	7.47
(5,446)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	15	7.47
(5,295)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	3	7.47
(5,103)	1:140:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	9	7.47
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	6	7.47
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	6	7.47
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	6	7.47
(1,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	3	7.47
(5,799)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	20	7.46
(5,785)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	14	7.46
(5,732)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	5	7.46
(5,626)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	17	7.46
(5,430)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	17	7.46
(5,402)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	10	7.46
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG21	1:93:A:TYR:H	12	7.46
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG22	1:93:A:TYR:H	12	7.46
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG23	1:93:A:TYR:H	12	7.46
(5,566)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	14	7.45
(5,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	17	7.45
(5,361)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	5	7.45
(1,532)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	11	7.45
(5,367)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	9	7.44
(4,13)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:H	8	7.44
(1,73)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	17	7.44
(5,578)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	3	7.43
(5,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	18	7.43
(5,484)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	16	7.43
(5,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	19	7.43
(5,387)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	10	7.43
(5,829)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	8	7.42
(5,242)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	4	7.42
(4,3249)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE21	17	7.42
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD11	1:21:A:PHE:H	13	7.42
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD12	1:21:A:PHE:H	13	7.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD13	1:21:A:PHE:H	13	7.42
(5,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	12	7.41
(5,451)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	2	7.41
(5,431)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	8	7.41
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	20	7.41
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	20	7.41
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	20	7.41
(4,926)	1:11:A:ILE:HG12	1:92:A:LEU:HA	12	7.41
(4,926)	1:11:A:ILE:HG13	1:92:A:LEU:HA	12	7.41
(5,618)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	7	7.39
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD1	4	7.39
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD2	4	7.39
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD1	4	7.39
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD2	4	7.39
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD1	4	7.39
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD2	4	7.39
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE1	1:98:A:SER:H	14	7.39
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE2	1:98:A:SER:H	14	7.39
(4,1864)	1:11:A:ILE:H	1:90:A:CYS:H	2	7.38
(5,705)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	20	7.37
(5,643)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	1	7.37
(5,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	20	7.37
(5,455)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	2	7.37
(5,391)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	9	7.37
(5,29)	1:104:A:SER:OG	1:161:A:ALA:H	20	7.37
(4,4158)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE22	8	7.37
(5,719)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	7	7.36
(5,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	19	7.36
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	11	7.36
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	11	7.36
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	11	7.36
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	11	7.36
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	11	7.36
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	11	7.36
(1,516)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	3	7.36
(5,615)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	5	7.35
(5,449)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	4	7.35
(5,435)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	16	7.35
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:H	5	7.35
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:H	5	7.35
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:H	5	7.35
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:H	5	7.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:H	5	7.35
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:H	5	7.35
(1,523)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	12	7.35
(1,517)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	17	7.35
(4,3431)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HZ2	4	7.34
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD11	1:91:A:GLY:H	16	7.34
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD12	1:91:A:GLY:H	16	7.34
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD13	1:91:A:GLY:H	16	7.34
(4,13)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:H	2	7.34
(5,482)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	10	7.33
(5,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	5	7.33
(5,356)	1:5:A:ASN:ND2	1:125:A:SER:H	18	7.33
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA2	18	7.33
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA3	18	7.33
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA2	18	7.33
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA3	18	7.33
(4,2821)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HE1	4	7.33
(4,2445)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HE1	20	7.33
(4,2445)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HE2	20	7.33
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	20	7.33
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	20	7.33
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	20	7.33
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	20	7.33
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	20	7.33
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	20	7.33
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	20	7.33
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	20	7.33
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	20	7.33
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	20	7.33
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	20	7.33
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	20	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD11	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD12	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD13	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD21	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD22	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD23	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD11	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD12	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD13	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD21	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD22	19	7.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD23	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD11	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD12	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD13	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD21	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD22	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD23	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD11	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD12	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD13	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD21	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD22	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD23	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD11	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD12	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD13	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD21	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD22	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD23	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD11	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD12	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD13	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD21	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD22	19	7.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD23	19	7.33
(1,569)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	18	7.33
(1,500)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	8	7.33
(1,472)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	18	7.33
(5,680)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	7	7.32
(5,458)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	5	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD11	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD12	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD13	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD21	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD22	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD23	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD11	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD12	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD13	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD21	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD22	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD23	2	7.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD11	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD12	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD13	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD21	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD22	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD23	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD11	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD12	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD13	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD21	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD22	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD23	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD11	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD12	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD13	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD21	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD22	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD23	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD11	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD12	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD13	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD21	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD22	2	7.32
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD23	2	7.32
(5,806)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	10	7.31
(5,749)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	16	7.31
(5,656)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	14	7.31
(5,407)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	1	7.31
(5,336)	1:8:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	14	7.31
(1,459)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	6	7.31
(5,666)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	16	7.3
(5,370)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	18	7.3
(5,336)	1:8:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	10	7.3
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA2	4	7.3
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA3	4	7.3
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA2	4	7.3
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA3	4	7.3
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	19	7.3
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	19	7.3
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	19	7.3
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	19	7.3
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:H	13	7.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:H	13	7.3
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	11	7.3
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	11	7.3
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	11	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD11	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD12	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD13	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD21	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD22	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD23	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD11	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD12	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD13	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD21	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD22	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD23	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD11	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD12	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD13	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD21	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD22	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD23	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD11	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD12	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD13	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD21	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD22	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD23	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD11	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD12	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD13	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD21	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD22	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD23	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD11	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD12	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD13	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD21	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD22	6	7.3
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD23	6	7.3
(5,723)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	6	7.29
(5,605)	1:5:A:ASN:ND2	1:198:A:ALA:H	7	7.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,599)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	14	7.29
(5,484)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	18	7.29
(5,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	18	7.29
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:H	17	7.29
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:H	17	7.29
(5,399)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	10	7.28
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD11	4	7.28
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD12	4	7.28
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD13	4	7.28
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD21	4	7.28
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD22	4	7.28
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD23	4	7.28
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD11	4	7.28
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD12	4	7.28
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD13	4	7.28
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD21	4	7.28
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD22	4	7.28
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD23	4	7.28
(4,1809)	1:81:A:TRP:HZ2	1:184:A:ASN:H	2	7.28
(5,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	14	7.27
(5,467)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	7	7.27
(5,434)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	17	7.27
(5,422)	1:5:A:ASN:ND2	1:55:A:ILE:H	5	7.27
(5,355)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	11	7.27
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD21	2	7.27
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD22	2	7.27
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB1	16	7.27
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB2	16	7.27
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB3	16	7.27
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB1	16	7.27
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB2	16	7.27
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB3	16	7.27
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB1	16	7.27
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB2	16	7.27
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB3	16	7.27
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG21	5	7.27
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG22	5	7.27
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG23	5	7.27
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG21	5	7.27
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG22	5	7.27
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG23	5	7.27
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG21	5	7.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG22	5	7.27
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG23	5	7.27
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG21	5	7.27
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG22	5	7.27
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG23	5	7.27
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG21	5	7.27
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG22	5	7.27
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG23	5	7.27
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG21	5	7.27
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG22	5	7.27
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG23	5	7.27
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG11	2	7.27
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG12	2	7.27
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG13	2	7.27
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	2	7.27
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	2	7.27
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	2	7.27
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB2	9	7.27
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB3	9	7.27
(5,656)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	5	7.26
(5,588)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	2	7.26
(5,558)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	20	7.26
(5,532)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	10	7.26
(5,449)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	14	7.26
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:HA	20	7.26
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:HA	20	7.26
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:HA	20	7.26
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:HA	20	7.26
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:HA	20	7.26
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:HA	20	7.26
(4,641)	1:9:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:H	7	7.26
(4,641)	1:9:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:H	7	7.26
(4,641)	1:9:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:H	7	7.26
(4,641)	1:9:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:H	7	7.26
(4,641)	1:9:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:H	7	7.26
(4,641)	1:9:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:H	7	7.26
(5,734)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	16	7.25
(5,723)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	14	7.25
(5,653)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	13	7.25
(5,648)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	15	7.25
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE1	1:98:A:SER:H	9	7.25
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE2	1:98:A:SER:H	9	7.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,648)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	5	7.24
(5,392)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	13	7.24
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE1	6	7.24
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE2	6	7.24
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:H	20	7.24
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:H	20	7.24
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE1	9	7.24
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE2	9	7.24
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE1	9	7.24
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE2	9	7.24
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE1	9	7.24
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE2	9	7.24
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:H	7	7.24
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:H	7	7.24
(5,741)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	16	7.23
(5,546)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	12	7.23
(5,767)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	12	7.22
(5,501)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	7	7.22
(5,372)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	8	7.22
(4,4161)	1:11:A:ILE:HA	1:153:A:GLN:HA	4	7.22
(4,3472)	1:9:A:VAL:H	1:152:A:GLY:H	6	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD11	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD12	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD13	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD21	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD22	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD23	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD11	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD12	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD13	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD21	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD22	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD23	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD11	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD12	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD13	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD21	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD22	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD23	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD11	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD12	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD13	15	7.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD21	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD22	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD23	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD11	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD12	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD13	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD21	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD22	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD23	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD11	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD12	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD13	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD21	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD22	15	7.22
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD23	15	7.22
(1,608)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	6	7.22
(1,583)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	9	7.22
(5,635)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	12	7.21
(5,587)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	15	7.21
(5,525)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	9	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD11	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD12	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD13	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD21	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD22	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD23	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD11	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD12	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD13	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD21	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD22	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD23	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD11	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD12	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD13	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD21	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD22	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD23	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD11	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD12	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD13	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD21	5	7.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD22	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD23	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD11	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD12	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD13	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD21	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD22	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD23	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD11	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD12	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD13	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD21	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD22	5	7.21
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD23	5	7.21
(1,540)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	17	7.21
(1,117)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	7	7.21
(5,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	10	7.2
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE1	5	7.2
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE2	5	7.2
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE1	1:98:A:SER:H	20	7.2
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE2	1:98:A:SER:H	20	7.2
(4,827)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA3	9	7.2
(1,117)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	5	7.2
(1,95)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	13	7.2
(5,804)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	7	7.19
(5,526)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	8	7.19
(4,3472)	1:9:A:VAL:H	1:152:A:GLY:H	10	7.19
(1,547)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	5	7.19
(5,783)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	10	7.18
(5,453)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	10	7.18
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	5	7.18
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	5	7.18
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	5	7.18
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	5	7.18
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	5	7.18
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	5	7.18
(5,730)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	4	7.17
(5,621)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	1	7.17
(4,4158)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE22	19	7.17
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	20	7.17
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	20	7.17
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	20	7.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3437)	1:81:A:TRP:HZ2	1:187:A:GLY:H	2	7.17
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA2	4	7.17
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA3	4	7.17
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA2	4	7.17
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA3	4	7.17
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA2	4	7.17
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA3	4	7.17
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB1	2	7.17
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB2	2	7.17
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB3	2	7.17
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB1	2	7.17
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB2	2	7.17
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB3	2	7.17
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB1	2	7.17
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB2	2	7.17
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB3	2	7.17
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB1	2	7.17
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB2	2	7.17
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB3	2	7.17
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB1	2	7.17
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB2	2	7.17
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB3	2	7.17
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB1	2	7.17
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB2	2	7.17
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB3	2	7.17
(1,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	14	7.17
(1,495)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	5	7.17
(1,119)	1:166:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	6	7.17
(5,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	13	7.16
(5,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:83:A:LYS:H	6	7.16
(5,314)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	19	7.16
(1,547)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	11	7.16
(1,81)	1:13:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	8	7.16
(5,600)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	4	7.15
(5,569)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	4	7.15
(1,81)	1:13:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	12	7.15
(5,778)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	4	7.14
(5,752)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	20	7.14
(5,681)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	14	7.14
(5,605)	1:5:A:ASN:ND2	1:198:A:ALA:H	11	7.14
(5,590)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	11	7.14
(5,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	4	7.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD11	13	7.14
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD12	13	7.14
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD13	13	7.14
(4,13)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:H	13	7.14
(1,602)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	1	7.14
(5,819)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	3	7.13
(5,696)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	10	7.13
(4,827)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA3	4	7.13
(5,744)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	16	7.12
(5,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	1	7.12
(5,392)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	2	7.12
(5,372)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	16	7.12
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD1	17	7.12
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD2	17	7.12
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD1	17	7.12
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD2	17	7.12
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD1	17	7.12
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD2	17	7.12
(4,926)	1:11:A:ILE:HG12	1:92:A:LEU:HA	17	7.12
(4,926)	1:11:A:ILE:HG13	1:92:A:LEU:HA	17	7.12
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD11	6	7.12
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD12	6	7.12
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD13	6	7.12
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD1	18	7.12
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD2	18	7.12
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD1	18	7.12
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD2	18	7.12
(1,504)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	8	7.12
(5,709)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	16	7.11
(5,683)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	16	7.11
(5,588)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	6	7.11
(5,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	18	7.11
(5,472)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	15	7.1
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB2	4	7.1
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB3	4	7.1
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB2	4	7.1
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB3	4	7.1
(4,1604)	1:233:A:PRO:HB3	1:235:A:TRP:HE1	13	7.1
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD11	16	7.1
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD12	16	7.1
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD13	16	7.1
(1,157)	1:163:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	8	7.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	17	7.09
(5,475)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	7	7.09
(5,472)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	5	7.09
(1,511)	1:5:A:ASN:ND2	1:36:A:ILE:H	13	7.09
(5,815)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	9	7.08
(5,747)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	18	7.08
(5,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	5	7.08
(5,623)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	15	7.08
(5,591)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	15	7.08
(5,462)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	18	7.08
(5,296)	1:5:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	3	7.08
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB2	20	7.08
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB3	20	7.08
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB2	20	7.08
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB3	20	7.08
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB2	20	7.08
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB3	20	7.08
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB2	20	7.08
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB3	20	7.08
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB2	20	7.08
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB3	20	7.08
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB2	20	7.08
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB3	20	7.08
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	13	7.07
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	13	7.07
(1,521)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	11	7.07
(1,505)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	4	7.07
(1,261)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	6	7.07
(5,658)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	14	7.06
(5,114)	1:78:A:ASP:H	1:140:A:ASN:ND2	3	7.06
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA2	9	7.06
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA3	9	7.06
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA2	9	7.06
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA3	9	7.06
(4,3461)	1:11:A:ILE:HG13	1:153:A:GLN:H	14	7.06
(4,2445)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HE1	14	7.06
(4,2445)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HE2	14	7.06
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG11	16	7.06
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG12	16	7.06
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG13	16	7.06
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	16	7.06
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	16	7.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	16	7.06
(1,472)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	12	7.06
(5,733)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	13	7.05
(5,664)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	10	7.05
(5,762)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	3	7.04
(5,429)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	5	7.04
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	16	7.04
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	16	7.04
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	16	7.04
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	16	7.04
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	16	7.04
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	16	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD11	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD12	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD13	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD21	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD22	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD23	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD11	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD12	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD13	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD21	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD22	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD23	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD11	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD12	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD13	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD21	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD22	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD23	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD11	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD12	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD13	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD21	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD22	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD23	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD11	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD12	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD13	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD21	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD22	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD23	8	7.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD11	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD12	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD13	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD21	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD22	8	7.04
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD23	8	7.04
(1,524)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	7	7.04
(1,407)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	17	7.04
(5,423)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	4	7.03
(5,394)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	20	7.03
(5,259)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	20	7.03
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE1	9	7.03
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE2	9	7.03
(4,13)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:H	1	7.03
(1,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	9	7.03
(5,783)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	16	7.02
(5,642)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	5	7.02
(5,476)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	12	7.02
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG21	19	7.02
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG22	19	7.02
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG23	19	7.02
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG21	19	7.02
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG22	19	7.02
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG23	19	7.02
(1,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	1	7.02
(5,705)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	10	7.01
(5,242)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	16	7.01
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE1	1:98:A:SER:H	17	7.01
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE2	1:98:A:SER:H	17	7.01
(5,820)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	14	7.0
(5,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	3	7.0
(4,3249)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE21	13	7.0
(4,2821)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HE1	13	7.0
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD21	5	7.0
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD22	5	7.0
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD21	5	7.0
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD22	5	7.0
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG21	1:153:A:GLN:HE21	18	7.0
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG22	1:153:A:GLN:HE21	18	7.0
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG23	1:153:A:GLN:HE21	18	7.0
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HA	16	7.0
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HA	16	7.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	14	6.99
(5,596)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	10	6.99
(5,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	11	6.99
(5,425)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	12	6.99
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG21	6	6.99
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG22	6	6.99
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG23	6	6.99
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG21	6	6.99
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG22	6	6.99
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG23	6	6.99
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG21	6	6.99
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG22	6	6.99
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG23	6	6.99
(4,2956)	1:11:A:ILE:HG12	1:153:A:GLN:H	13	6.99
(1,359)	1:5:A:ASN:ND2	1:213:A:SER:H	17	6.99
(5,820)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	4	6.98
(5,574)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	5	6.98
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HA	17	6.98
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HA	17	6.98
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG21	1:227:A:ALA:HA	10	6.98
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG22	1:227:A:ALA:HA	10	6.98
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG23	1:227:A:ALA:HA	10	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD11	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD12	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD13	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD21	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD22	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD23	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD11	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD12	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD13	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD21	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD22	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD23	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD11	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD12	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD13	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD21	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD22	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD23	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD11	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD12	9	6.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD13	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD21	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD22	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD23	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD11	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD12	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD13	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD21	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD22	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD23	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD11	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD12	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD13	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD21	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD22	9	6.98
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD23	9	6.98
(1,496)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	4	6.98
(5,634)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	18	6.97
(5,533)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	17	6.96
(5,409)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	7	6.96
(1,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	18	6.96
(1,366)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	14	6.96
(1,171)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	13	6.96
(1,81)	1:13:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	16	6.96
(5,693)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	1	6.95
(4,1481)	1:9:A:VAL:H	1:151:A:THR:H	15	6.95
(4,926)	1:11:A:ILE:HG12	1:92:A:LEU:HA	2	6.95
(4,926)	1:11:A:ILE:HG13	1:92:A:LEU:HA	2	6.95
(4,113)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:HA	4	6.95
(4,113)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:HA	4	6.95
(1,95)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	1	6.95
(5,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	5	6.94
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD21	20	6.94
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD22	20	6.94
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD23	20	6.94
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD21	20	6.94
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD22	20	6.94
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD23	20	6.94
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD21	4	6.94
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD22	4	6.94
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD23	4	6.94
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD21	4	6.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD22	4	6.94
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD23	4	6.94
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD21	4	6.94
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD22	4	6.94
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD23	4	6.94
(5,330)	1:225:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	20	6.93
(4,2445)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HE1	17	6.93
(4,2445)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HE2	17	6.93
(4,13)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:H	7	6.93
(5,778)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	7	6.92
(5,681)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	6	6.92
(5,634)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	12	6.92
(5,533)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	9	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB1	6	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB2	6	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB3	6	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB1	6	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB2	6	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB3	6	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB1	6	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB2	6	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB3	6	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB1	6	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB2	6	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB3	6	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB1	6	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB2	6	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB3	6	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB1	6	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB2	6	6.92
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB3	6	6.92
(1,357)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	17	6.92
(5,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	8	6.91
(5,459)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	5	6.91
(5,419)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	7	6.91
(5,338)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	9	6.91
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD21	2	6.91
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD22	2	6.91
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	18	6.91
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	18	6.91
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	18	6.91
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	18	6.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	18	6.91
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	18	6.91
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG11	5	6.91
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG12	5	6.91
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG13	5	6.91
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG21	5	6.91
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG22	5	6.91
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG23	5	6.91
(1,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	19	6.91
(1,517)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	12	6.91
(5,818)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	18	6.9
(5,703)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	16	6.9
(5,656)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	9	6.9
(5,415)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	20	6.9
(5,361)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	15	6.9
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE1	17	6.9
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE2	17	6.9
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG12	12	6.9
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG13	12	6.9
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG12	12	6.9
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG13	12	6.9
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG12	12	6.9
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG13	12	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD11	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD12	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD13	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD21	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD22	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD23	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD11	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD12	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD13	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD21	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD22	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD23	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD11	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD12	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD13	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD21	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD22	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD23	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD11	14	6.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD12	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD13	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD21	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD22	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD23	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD11	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD12	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD13	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD21	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD22	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD23	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD11	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD12	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD13	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD21	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD22	14	6.9
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD23	14	6.9
(4,788)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HA	15	6.9
(1,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	3	6.9
(5,807)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	18	6.89
(5,764)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	14	6.89
(5,671)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	16	6.89
(5,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	15	6.89
(5,399)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	16	6.89
(4,3395)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA2	14	6.89
(5,771)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	7	6.88
(4,4161)	1:11:A:ILE:HA	1:153:A:GLN:HA	9	6.88
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB1	5	6.88
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB2	5	6.88
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB3	5	6.88
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB1	5	6.88
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB2	5	6.88
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB3	5	6.88
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB1	5	6.88
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB2	5	6.88
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB3	5	6.88
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB1	5	6.88
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB2	5	6.88
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB3	5	6.88
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB1	5	6.88
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB2	5	6.88
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB3	5	6.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB1	5	6.88
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB2	5	6.88
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB3	5	6.88
(1,160)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	12	6.88
(1,104)	1:56:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	13	6.88
(5,621)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	3	6.87
(5,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	5	6.87
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	13	6.87
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	13	6.87
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	13	6.87
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	13	6.87
(1,119)	1:166:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	18	6.87
(5,471)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	16	6.86
(5,426)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	20	6.86
(5,416)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	16	6.86
(4,3391)	1:11:A:ILE:HA	1:151:A:THR:HA	7	6.86
(4,926)	1:11:A:ILE:HG12	1:92:A:LEU:HA	6	6.86
(4,926)	1:11:A:ILE:HG13	1:92:A:LEU:HA	6	6.86
(1,278)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	9	6.86
(5,420)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	3	6.85
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE1	13	6.85
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE2	13	6.85
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD1	1	6.85
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD2	1	6.85
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD1	1	6.85
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD2	1	6.85
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD1	1	6.85
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD2	1	6.85
(5,733)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	2	6.84
(5,636)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	14	6.84
(5,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	10	6.84
(5,516)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	18	6.84
(5,467)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	16	6.84
(5,461)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	3	6.84
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG21	1:92:A:LEU:H	17	6.84
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG22	1:92:A:LEU:H	17	6.84
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG23	1:92:A:LEU:H	17	6.84
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG21	6	6.84
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG22	6	6.84
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG23	6	6.84
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG21	6	6.84
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG22	6	6.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG23	6	6.84
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG21	6	6.84
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG22	6	6.84
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG23	6	6.84
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG21	6	6.84
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG22	6	6.84
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG23	6	6.84
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG21	6	6.84
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG22	6	6.84
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG23	6	6.84
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG21	6	6.84
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG22	6	6.84
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG23	6	6.84
(5,699)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	19	6.83
(5,629)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	8	6.83
(5,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	8	6.83
(5,365)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	14	6.83
(4,3472)	1:9:A:VAL:H	1:152:A:GLY:H	5	6.83
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD11	10	6.83
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD12	10	6.83
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD13	10	6.83
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD11	10	6.83
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD12	10	6.83
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD13	10	6.83
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD11	10	6.83
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD12	10	6.83
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD13	10	6.83
(4,141)	1:170:A:TYR:HE1	1:211:A:VAL:H	7	6.83
(4,141)	1:170:A:TYR:HE2	1:211:A:VAL:H	7	6.83
(5,403)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	20	6.82
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD1	7	6.82
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD2	7	6.82
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD1	7	6.82
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD2	7	6.82
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD1	7	6.82
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD2	7	6.82
(1,575)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	1	6.82
(1,520)	1:5:A:ASN:ND2	1:180:A:LEU:H	17	6.82
(1,95)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	5	6.82
(4,113)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:HA	9	6.81
(4,113)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:HA	9	6.81
(5,330)	1:225:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	12	6.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3472)	1:9:A:VAL:H	1:152:A:GLY:H	2	6.8
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD11	6	6.8
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD12	6	6.8
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD13	6	6.8
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD21	6	6.8
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD22	6	6.8
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD23	6	6.8
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD11	14	6.8
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD12	14	6.8
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD13	14	6.8
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD21	14	6.8
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD22	14	6.8
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD23	14	6.8
(1,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	18	6.8
(5,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	6	6.79
(5,330)	1:225:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	7	6.79
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD11	9	6.79
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD12	9	6.79
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD13	9	6.79
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD11	9	6.79
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD12	9	6.79
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD13	9	6.79
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD11	9	6.79
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD12	9	6.79
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD13	9	6.79
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD11	9	6.79
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD12	9	6.79
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD13	9	6.79
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD21	9	6.79
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD22	9	6.79
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD23	9	6.79
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD11	9	6.79
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD12	9	6.79
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD13	9	6.79
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD21	9	6.79
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD22	9	6.79
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD23	9	6.79
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD1	4	6.79
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD2	4	6.79
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD1	4	6.79
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD2	4	6.79
(5,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	13	6.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	6	6.78
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	6	6.78
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	6	6.78
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	6	6.78
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	6	6.78
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	6	6.78
(4,1481)	1:9:A:VAL:H	1:151:A:THR:H	2	6.78
(1,171)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	12	6.78
(5,767)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	18	6.77
(5,517)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	14	6.77
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE1	17	6.77
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE2	17	6.77
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD21	13	6.77
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD22	13	6.77
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD23	13	6.77
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD21	13	6.77
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD22	13	6.77
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD23	13	6.77
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD21	13	6.77
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD22	13	6.77
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD23	13	6.77
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	11	6.77
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	11	6.77
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	11	6.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB1	6	6.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB2	6	6.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB3	6	6.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB1	6	6.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB2	6	6.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB3	6	6.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB1	6	6.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB2	6	6.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB3	6	6.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB1	6	6.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB2	6	6.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB3	6	6.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB1	6	6.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB2	6	6.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB3	6	6.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB1	6	6.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB2	6	6.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB3	6	6.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,508)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	17	6.77
(1,458)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	18	6.77
(5,691)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	7	6.76
(5,578)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	19	6.76
(5,537)	1:5:A:ASN:ND2	1:213:A:SER:H	2	6.76
(5,487)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	16	6.76
(5,485)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	10	6.76
(5,420)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	1	6.76
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG21	1:92:A:LEU:H	12	6.76
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG22	1:92:A:LEU:H	12	6.76
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG23	1:92:A:LEU:H	12	6.76
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	1	6.76
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	1	6.76
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	1	6.76
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	1	6.76
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	1	6.76
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	1	6.76
(1,499)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	6	6.76
(1,439)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	12	6.76
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG21	1:92:A:LEU:H	6	6.75
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG22	1:92:A:LEU:H	6	6.75
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG23	1:92:A:LEU:H	6	6.75
(4,3472)	1:9:A:VAL:H	1:152:A:GLY:H	11	6.75
(4,3375)	1:11:A:ILE:H	1:227:A:ALA:H	9	6.75
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD11	18	6.75
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD12	18	6.75
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD13	18	6.75
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD21	18	6.75
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD22	18	6.75
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD23	18	6.75
(5,616)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	17	6.74
(5,571)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	17	6.74
(5,387)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	2	6.74
(5,103)	1:140:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	13	6.74
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD21	5	6.74
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD22	5	6.74
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG11	16	6.74
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG12	16	6.74
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG13	16	6.74
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG21	16	6.74
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG22	16	6.74
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG23	16	6.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	15	6.74
(5,597)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	19	6.73
(5,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	6	6.73
(5,404)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	2	6.73
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	11	6.73
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	11	6.73
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	11	6.73
(4,1604)	1:233:A:PRO:HB3	1:235:A:TRP:HE1	9	6.73
(1,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	17	6.73
(1,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	12	6.73
(1,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	14	6.73
(5,385)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	15	6.72
(5,260)	1:200:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	12	6.72
(5,702)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	16	6.71
(5,689)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	20	6.71
(5,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	20	6.71
(5,421)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	17	6.71
(5,354)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	7	6.71
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA2	14	6.71
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA3	14	6.71
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA2	14	6.71
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA3	14	6.71
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG11	5	6.71
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG12	5	6.71
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG13	5	6.71
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	5	6.71
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	5	6.71
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	5	6.71
(4,13)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:H	3	6.71
(1,405)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	3	6.71
(5,624)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	17	6.7
(4,3375)	1:11:A:ILE:H	1:227:A:ALA:H	15	6.7
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG21	1:227:A:ALA:HA	14	6.7
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG22	1:227:A:ALA:HA	14	6.7
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG23	1:227:A:ALA:HA	14	6.7
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG21	1:93:A:TYR:H	1	6.7
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG22	1:93:A:TYR:H	1	6.7
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG23	1:93:A:TYR:H	1	6.7
(1,216)	1:171:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	13	6.7
(1,160)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	8	6.7
(5,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	15	6.69
(5,431)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	5	6.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,260)	1:200:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	5	6.69
(4,4013)	1:11:A:ILE:HG12	1:14:A:ASN:H	6	6.69
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	6	6.69
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	6	6.69
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	6	6.69
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB1	14	6.69
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB2	14	6.69
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB3	14	6.69
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB1	14	6.69
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB2	14	6.69
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB3	14	6.69
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB1	14	6.69
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB2	14	6.69
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB3	14	6.69
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	2	6.69
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	2	6.69
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	2	6.69
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	2	6.69
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	2	6.69
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	2	6.69
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE1	17	6.69
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE2	17	6.69
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE1	17	6.69
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE2	17	6.69
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE1	17	6.69
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE2	17	6.69
(1,540)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	13	6.69
(1,384)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	12	6.69
(5,703)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	14	6.68
(5,660)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	16	6.68
(5,642)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	12	6.68
(5,547)	1:5:A:ASN:ND2	1:154:A:SER:H	14	6.68
(5,330)	1:225:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	14	6.68
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE1	9	6.68
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE2	9	6.68
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD11	1:91:A:GLY:H	9	6.68
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD12	1:91:A:GLY:H	9	6.68
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD13	1:91:A:GLY:H	9	6.68
(5,735)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	16	6.67
(5,525)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	6	6.67
(5,486)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	6	6.67
(5,438)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	3	6.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,354)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	13	6.67
(4,3375)	1:11:A:ILE:H	1:227:A:ALA:H	3	6.67
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD21	7	6.67
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD22	7	6.67
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD23	7	6.67
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD21	7	6.67
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD22	7	6.67
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD23	7	6.67
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD21	7	6.67
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD22	7	6.67
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD23	7	6.67
(4,2433)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:H	7	6.67
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG21	20	6.67
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG22	20	6.67
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG23	20	6.67
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG21	20	6.67
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG22	20	6.67
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG23	20	6.67
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG21	20	6.67
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG22	20	6.67
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG23	20	6.67
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG21	20	6.67
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG22	20	6.67
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG23	20	6.67
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG21	20	6.67
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG22	20	6.67
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG23	20	6.67
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG21	20	6.67
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG22	20	6.67
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG23	20	6.67
(4,1604)	1:233:A:PRO:HB3	1:235:A:TRP:HE1	8	6.67
(4,248)	1:8:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	5	6.67
(4,248)	1:8:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	5	6.67
(4,248)	1:8:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	5	6.67
(4,248)	1:8:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	5	6.67
(4,248)	1:8:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	5	6.67
(4,248)	1:8:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	5	6.67
(1,540)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	12	6.67
(1,513)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	18	6.67
(1,105)	1:91:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	6	6.67
(5,807)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	7	6.66
(5,783)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	15	6.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:83:A:LYS:H	5	6.66
(5,375)	1:5:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	18	6.66
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	5	6.66
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	5	6.66
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA2	10	6.66
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA3	10	6.66
(1,585)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	11	6.66
(1,475)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	19	6.66
(5,804)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	10	6.65
(5,672)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	10	6.65
(5,646)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	7	6.65
(5,620)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	20	6.65
(5,455)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	16	6.65
(4,3431)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HZ2	9	6.65
(4,1837)	1:7:A:ALA:HA	1:88:A:ASN:H	2	6.65
(5,690)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	16	6.64
(5,673)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	2	6.64
(5,431)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	1	6.64
(5,355)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	5	6.64
(4,4158)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE22	15	6.64
(5,613)	1:5:A:ASN:ND2	1:153:A:GLN:H	4	6.63
(5,606)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	15	6.63
(5,364)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	1	6.63
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE1	16	6.63
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE2	16	6.63
(5,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	15	6.62
(5,597)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	7	6.62
(5,330)	1:225:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	17	6.62
(5,260)	1:200:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	7	6.62
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HB	11	6.62
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HB	11	6.62
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HB	11	6.62
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	17	6.62
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	17	6.62
(5,727)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	7	6.61
(5,643)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	3	6.61
(5,636)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	20	6.61
(5,612)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	20	6.61
(5,478)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	9	6.61
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE1	11	6.61
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE2	11	6.61
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB2	11	6.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB3	11	6.61
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB2	11	6.61
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB3	11	6.61
(5,680)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	18	6.6
(1,553)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	11	6.6
(1,457)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	18	6.6
(5,778)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	9	6.59
(5,737)	1:5:A:ASN:ND2	1:68:A:SER:H	9	6.59
(5,517)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	2	6.59
(1,74)	1:221:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	17	6.59
(5,636)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	10	6.58
(5,600)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	9	6.58
(5,578)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	2	6.58
(5,395)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	15	6.58
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	20	6.58
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	20	6.58
(4,1604)	1:233:A:PRO:HB3	1:235:A:TRP:HE1	3	6.58
(1,357)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	13	6.58
(1,171)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	18	6.58
(5,742)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	19	6.57
(5,612)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	10	6.57
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD11	2	6.57
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD12	2	6.57
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD13	2	6.57
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD21	2	6.57
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD22	2	6.57
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD23	2	6.57
(4,837)	1:22:A:ALA:HB1	1:31:A:TRP:HZ3	12	6.57
(4,837)	1:22:A:ALA:HB2	1:31:A:TRP:HZ3	12	6.57
(4,837)	1:22:A:ALA:HB3	1:31:A:TRP:HZ3	12	6.57
(1,598)	1:5:A:ASN:ND2	1:236:A:GLU:H	18	6.57
(5,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	8	6.56
(5,405)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	3	6.56
(5,396)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	18	6.56
(5,363)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	12	6.56
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG12	6	6.56
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG13	6	6.56
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG12	6	6.56
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG13	6	6.56
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG12	6	6.56
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG13	6	6.56
(1,210)	1:219:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	17	6.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,73)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	20	6.56
(5,799)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	10	6.55
(5,518)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	18	6.55
(5,418)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	8	6.55
(5,346)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	17	6.55
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE1	1	6.55
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE2	1	6.55
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB1	6	6.55
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB2	6	6.55
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB3	6	6.55
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB1	6	6.55
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB2	6	6.55
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB3	6	6.55
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD1	1	6.55
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD2	1	6.55
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD1	1	6.55
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD2	1	6.55
(1,530)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	17	6.55
(1,458)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	4	6.55
(1,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	17	6.55
(5,680)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	13	6.54
(5,597)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	8	6.54
(5,382)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	6	6.54
(5,381)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	2	6.54
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE1	1:152:A:GLY:H	15	6.54
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE2	1:152:A:GLY:H	15	6.54
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD21	18	6.54
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD22	18	6.54
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD23	18	6.54
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG11	18	6.54
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG12	18	6.54
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG13	18	6.54
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG21	18	6.54
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG22	18	6.54
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG23	18	6.54
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG11	18	6.54
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG12	18	6.54
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG13	18	6.54
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG21	18	6.54
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG22	18	6.54
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG23	18	6.54
(5,658)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	1	6.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,425)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	18	6.53
(5,423)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	6	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD11	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD12	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD13	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD21	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD22	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD23	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD11	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD12	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD13	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD21	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD22	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD23	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD11	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD12	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD13	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD21	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD22	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD23	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD11	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD12	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD13	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD21	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD22	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD23	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD11	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD12	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD13	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD21	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD22	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD23	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD11	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD12	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD13	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD21	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD22	4	6.53
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD23	4	6.53
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG21	18	6.53
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG22	18	6.53
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG23	18	6.53
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG21	18	6.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG22	18	6.53
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG23	18	6.53
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG21	18	6.53
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG22	18	6.53
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG23	18	6.53
(1,595)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	12	6.53
(1,73)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	2	6.53
(5,799)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	3	6.52
(5,627)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	1	6.52
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA2	7	6.52
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA3	7	6.52
(4,1820)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA3	7	6.52
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG12	13	6.52
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG13	13	6.52
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG12	13	6.52
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG13	13	6.52
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG12	13	6.52
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG13	13	6.52
(4,1481)	1:9:A:VAL:H	1:151:A:THR:H	10	6.52
(5,741)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	7	6.51
(5,449)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	9	6.51
(5,431)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	10	6.51
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB2	1:8:A:VAL:H	12	6.51
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB3	1:8:A:VAL:H	12	6.51
(1,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	18	6.51
(1,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	3	6.51
(5,718)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	9	6.5
(5,669)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	2	6.5
(5,526)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	13	6.5
(5,462)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	2	6.5
(5,431)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	20	6.5
(5,367)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	14	6.5
(4,3249)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE21	3	6.5
(1,589)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	14	6.5
(5,813)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	20	6.49
(5,657)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	17	6.49
(5,553)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	8	6.49
(5,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	4	6.49
(5,437)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	10	6.49
(5,347)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	6	6.49
(4,3395)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA2	18	6.49
(4,3249)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE21	8	6.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2445)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HE1	9	6.49
(4,2445)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HE2	9	6.49
(1,529)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	17	6.49
(1,95)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	2	6.49
(5,643)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	19	6.48
(5,610)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	18	6.48
(5,597)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	20	6.48
(5,425)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	5	6.48
(5,412)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	12	6.48
(5,342)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	5	6.48
(5,79)	1:39:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	9	6.48
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB2	14	6.48
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB3	14	6.48
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB2	14	6.48
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB3	14	6.48
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB1	14	6.48
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB2	14	6.48
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB3	14	6.48
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB1	14	6.48
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB2	14	6.48
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB3	14	6.48
(4,1832)	1:78:A:ASP:H	1:178:A:PHE:HE1	13	6.48
(4,1832)	1:78:A:ASP:H	1:178:A:PHE:HE2	13	6.48
(1,511)	1:5:A:ASN:ND2	1:36:A:ILE:H	12	6.48
(5,718)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	4	6.47
(5,602)	1:5:A:ASN:ND2	1:19:A:THR:H	7	6.47
(5,520)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	9	6.47
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG11	16	6.47
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG12	16	6.47
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG13	16	6.47
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG21	16	6.47
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG22	16	6.47
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG23	16	6.47
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB1	18	6.47
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB2	18	6.47
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB3	18	6.47
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB1	18	6.47
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB2	18	6.47
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB3	18	6.47
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB1	18	6.47
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB2	18	6.47
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB3	18	6.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HB	5	6.47
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HB	5	6.47
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HB	5	6.47
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:H	7	6.47
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:H	7	6.47
(1,343)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	18	6.47
(1,81)	1:13:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	7	6.47
(5,392)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	14	6.46
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD11	5	6.46
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD12	5	6.46
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD13	5	6.46
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD11	5	6.46
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD12	5	6.46
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD13	5	6.46
(4,641)	1:9:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:H	6	6.46
(4,641)	1:9:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:H	6	6.46
(4,641)	1:9:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:H	6	6.46
(4,641)	1:9:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:H	6	6.46
(4,641)	1:9:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:H	6	6.46
(4,641)	1:9:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:H	6	6.46
(1,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	6	6.46
(1,73)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	7	6.46
(5,743)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	1	6.45
(5,656)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	8	6.45
(5,541)	1:5:A:ASN:ND2	1:178:A:PHE:H	1	6.45
(1,508)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	4	6.45
(1,358)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	5	6.45
(5,815)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	4	6.44
(5,580)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	5	6.44
(5,348)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	6	6.44
(4,3431)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HZ2	8	6.44
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG21	1:93:A:TYR:H	5	6.44
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG22	1:93:A:TYR:H	5	6.44
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG23	1:93:A:TYR:H	5	6.44
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD11	1:21:A:PHE:H	14	6.44
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD12	1:21:A:PHE:H	14	6.44
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD13	1:21:A:PHE:H	14	6.44
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB1	1	6.44
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB2	1	6.44
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB3	1	6.44
(1,485)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	7	6.44
(5,829)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	19	6.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,621)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	18	6.43
(5,554)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	10	6.43
(5,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	14	6.43
(5,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	1	6.43
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	7	6.43
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	7	6.43
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	7	6.43
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	7	6.43
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	7	6.43
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	7	6.43
(4,1604)	1:233:A:PRO:HB3	1:235:A:TRP:HE1	1	6.43
(5,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	19	6.42
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE1	18	6.42
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE2	18	6.42
(1,524)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	5	6.42
(1,188)	1:161:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	1	6.42
(1,171)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	17	6.42
(1,95)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	7	6.42
(5,651)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	13	6.41
(5,619)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	20	6.41
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE1	9	6.41
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE2	9	6.41
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE1	9	6.41
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE2	9	6.41
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG21	1:227:A:ALA:HA	11	6.41
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG22	1:227:A:ALA:HA	11	6.41
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG23	1:227:A:ALA:HA	11	6.41
(4,1604)	1:233:A:PRO:HB3	1:235:A:TRP:HE1	4	6.41
(4,1357)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:HA	18	6.41
(1,521)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	19	6.41
(1,157)	1:163:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	12	6.41
(1,105)	1:91:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	18	6.41
(5,681)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	18	6.4
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:H	9	6.4
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:H	9	6.4
(4,849)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:H	12	6.4
(1,495)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	12	6.4
(5,260)	1:200:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	19	6.39
(5,242)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	20	6.39
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB2	6	6.39
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB3	6	6.39
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB2	6	6.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB3	6	6.39
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB2	6	6.39
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB3	6	6.39
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB2	6	6.39
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB3	6	6.39
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB2	6	6.39
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB3	6	6.39
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB2	6	6.39
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB3	6	6.39
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD21	14	6.39
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD22	14	6.39
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD23	14	6.39
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD21	14	6.39
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD22	14	6.39
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD23	14	6.39
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB1	6	6.39
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB2	6	6.39
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB3	6	6.39
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB1	6	6.39
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB2	6	6.39
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB3	6	6.39
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB1	6	6.39
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB2	6	6.39
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB3	6	6.39
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD11	1:91:A:GLY:H	6	6.39
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD12	1:91:A:GLY:H	6	6.39
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD13	1:91:A:GLY:H	6	6.39
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG21	2	6.39
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG22	2	6.39
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG23	2	6.39
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD11	1:152:A:GLY:H	18	6.39
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD12	1:152:A:GLY:H	18	6.39
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD13	1:152:A:GLY:H	18	6.39
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	17	6.39
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	17	6.39
(5,568)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	8	6.38
(5,565)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	5	6.38
(5,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	14	6.38
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:H	16	6.38
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD3	1:158:A:GLU:H	16	6.38
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	5	6.38
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	5	6.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD1	13	6.37
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD2	13	6.37
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD1	13	6.37
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD2	13	6.37
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD1	13	6.37
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD2	13	6.37
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	9	6.37
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	9	6.37
(4,193)	1:10:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	1	6.37
(4,193)	1:10:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	1	6.37
(1,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	1	6.37
(5,764)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	6	6.36
(5,622)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	13	6.36
(5,594)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	4	6.36
(5,574)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	13	6.36
(5,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	12	6.36
(4,653)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HE1	11	6.36
(4,653)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HE2	11	6.36
(1,537)	1:5:A:ASN:ND2	1:69:A:THR:H	11	6.36
(5,471)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	4	6.35
(5,462)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	6	6.35
(1,557)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	7	6.35
(1,518)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	8	6.35
(5,632)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	2	6.34
(5,629)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	5	6.34
(5,570)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	18	6.34
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB1	4	6.34
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB2	4	6.34
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB3	4	6.34
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB1	4	6.34
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB2	4	6.34
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB3	4	6.34
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB1	4	6.34
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB2	4	6.34
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB3	4	6.34
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE1	2	6.34
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE2	2	6.34
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:H	1	6.34
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:H	1	6.34
(4,653)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HE1	1	6.34
(4,653)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HE2	1	6.34
(4,248)	1:8:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	11	6.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,248)	1:8:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	11	6.34
(4,248)	1:8:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	11	6.34
(4,248)	1:8:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	11	6.34
(4,248)	1:8:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	11	6.34
(4,248)	1:8:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	11	6.34
(1,95)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	19	6.34
(5,503)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	10	6.33
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HB	17	6.33
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HB	17	6.33
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	1	6.33
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	1	6.33
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	1	6.33
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD11	1:58:A:LEU:HG	18	6.33
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD12	1:58:A:LEU:HG	18	6.33
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD13	1:58:A:LEU:HG	18	6.33
(4,3249)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE21	15	6.33
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB2	1:8:A:VAL:H	3	6.33
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB3	1:8:A:VAL:H	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD11	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD12	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD13	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD21	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD22	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD23	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD11	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD12	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD13	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD21	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD22	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD23	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD11	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD12	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD13	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD21	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD22	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD23	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD11	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD12	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD13	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD21	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD22	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD23	3	6.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD11	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD12	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD13	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD21	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD22	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD23	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD11	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD12	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD13	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD21	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD22	3	6.33
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD23	3	6.33
(1,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	9	6.33
(1,489)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	11	6.33
(5,613)	1:5:A:ASN:ND2	1:153:A:GLN:H	13	6.32
(5,511)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	18	6.32
(5,79)	1:39:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	1	6.32
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD21	12	6.32
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD22	12	6.32
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD23	12	6.32
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD21	7	6.32
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD22	7	6.32
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD21	7	6.32
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD22	7	6.32
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	2	6.32
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	2	6.32
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	2	6.32
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	2	6.32
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	2	6.32
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	2	6.32
(1,452)	1:5:A:ASN:ND2	1:170:A:TYR:H	18	6.32
(5,730)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	12	6.31
(5,728)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	9	6.31
(5,722)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	16	6.31
(5,525)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	8	6.31
(5,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	8	6.31
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HB	18	6.31
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HB	18	6.31
(5,668)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	12	6.3
(5,434)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	10	6.3
(4,3814)	1:79:A:VAL:H	1:178:A:PHE:HE1	13	6.3
(4,3814)	1:79:A:VAL:H	1:178:A:PHE:HE2	13	6.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2821)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HE1	8	6.3
(4,1820)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA3	18	6.3
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB2	7	6.3
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB3	7	6.3
(5,426)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	10	6.29
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	16	6.29
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	16	6.29
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	16	6.29
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	16	6.29
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	16	6.29
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	16	6.29
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG12	7	6.29
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG13	7	6.29
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG12	7	6.29
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG13	7	6.29
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG12	7	6.29
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG13	7	6.29
(4,1515)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HA	18	6.29
(1,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	1	6.29
(1,530)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	12	6.29
(1,119)	1:166:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	7	6.29
(5,694)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	7	6.28
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA2	18	6.28
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA3	18	6.28
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA2	18	6.28
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA3	18	6.28
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA2	18	6.28
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA3	18	6.28
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG21	6	6.28
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG22	6	6.28
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG23	6	6.28
(4,1933)	1:81:A:TRP:HE1	1:187:A:GLY:H	2	6.28
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD11	1:21:A:PHE:H	7	6.28
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD12	1:21:A:PHE:H	7	6.28
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD13	1:21:A:PHE:H	7	6.28
(4,1233)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HH2	4	6.28
(1,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	3	6.28
(1,534)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	6	6.28
(1,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	12	6.28
(5,798)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	15	6.27
(5,703)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	7	6.27
(5,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	8	6.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,446)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	6	6.27
(5,372)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	19	6.27
(5,343)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	6	6.27
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB1	6	6.27
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB2	6	6.27
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB3	6	6.27
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB1	6	6.27
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB2	6	6.27
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB3	6	6.27
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB1	6	6.27
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB2	6	6.27
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB3	6	6.27
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG11	20	6.27
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG12	20	6.27
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG13	20	6.27
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG21	20	6.27
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG22	20	6.27
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG23	20	6.27
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG11	20	6.27
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG12	20	6.27
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG13	20	6.27
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG21	20	6.27
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG22	20	6.27
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG23	20	6.27
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG11	20	6.27
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG12	20	6.27
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG13	20	6.27
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG21	20	6.27
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG22	20	6.27
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG23	20	6.27
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	13	6.27
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	13	6.27
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	13	6.27
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	13	6.27
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	13	6.27
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	13	6.27
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	5	6.27
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	5	6.27
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	5	6.27
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	5	6.27
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	5	6.27
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	5	6.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,693)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	3	6.26
(5,626)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	20	6.26
(5,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	19	6.26
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD11	1:58:A:LEU:HG	20	6.26
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD12	1:58:A:LEU:HG	20	6.26
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD13	1:58:A:LEU:HG	20	6.26
(4,2461)	1:3:A:GLY:H	1:7:A:ALA:H	7	6.26
(4,1233)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HH2	9	6.26
(5,827)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	7	6.25
(5,731)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	7	6.25
(5,684)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	17	6.25
(5,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	17	6.25
(5,514)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	12	6.25
(5,364)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	8	6.25
(4,1222)	1:9:A:VAL:H	1:146:A:VAL:H	20	6.25
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD1	13	6.25
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD2	13	6.25
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD1	13	6.25
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD2	13	6.25
(1,521)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	3	6.25
(5,830)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	14	6.24
(5,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	5	6.24
(5,79)	1:39:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	7	6.24
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB2	17	6.24
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB3	17	6.24
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB2	17	6.24
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB3	17	6.24
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB2	17	6.24
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB3	17	6.24
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB2	17	6.24
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB3	17	6.24
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB2	17	6.24
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB3	17	6.24
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB2	17	6.24
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB3	17	6.24
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD21	10	6.24
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD22	10	6.24
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD21	10	6.24
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD22	10	6.24
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD11	19	6.24
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD12	19	6.24
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD13	19	6.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD11	19	6.24
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD12	19	6.24
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD13	19	6.24
(4,1357)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:HA	4	6.24
(1,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	13	6.24
(1,527)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	3	6.24
(5,475)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	4	6.23
(5,453)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	8	6.23
(5,433)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	6	6.23
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	4	6.23
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	4	6.23
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG21	15	6.23
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG22	15	6.23
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG23	15	6.23
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG21	15	6.23
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG22	15	6.23
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG23	15	6.23
(1,95)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	17	6.23
(5,647)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	9	6.22
(5,610)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	7	6.22
(5,598)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	17	6.22
(5,415)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	10	6.22
(5,79)	1:39:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	17	6.22
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE1	7	6.22
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE2	7	6.22
(1,105)	1:91:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	10	6.22
(1,81)	1:13:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	13	6.22
(5,467)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	5	6.21
(5,359)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	6	6.21
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD1	5	6.21
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD2	5	6.21
(2,612)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	18	6.21
(5,810)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	15	6.2
(5,728)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	6	6.2
(5,644)	1:5:A:ASN:ND2	1:180:A:LEU:H	4	6.2
(5,527)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	5	6.2
(5,508)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	8	6.2
(5,367)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	12	6.2
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE2	1:214:A:TYR:HA	14	6.2
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE3	1:214:A:TYR:HA	14	6.2
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:H	16	6.2
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:H	16	6.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:H	16	6.2
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:H	16	6.2
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:H	16	6.2
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:H	16	6.2
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG11	1	6.2
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG12	1	6.2
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG13	1	6.2
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG21	1	6.2
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG22	1	6.2
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG23	1	6.2
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG11	1	6.2
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG12	1	6.2
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG13	1	6.2
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG21	1	6.2
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG22	1	6.2
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG23	1	6.2
(5,541)	1:5:A:ASN:ND2	1:178:A:PHE:H	8	6.19
(5,338)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	13	6.19
(4,3472)	1:9:A:VAL:H	1:152:A:GLY:H	15	6.19
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB2	1:8:A:VAL:H	4	6.19
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB3	1:8:A:VAL:H	4	6.19
(4,820)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:H	6	6.19
(4,820)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:H	6	6.19
(4,820)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:H	6	6.19
(1,527)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	8	6.19
(1,495)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	7	6.19
(5,403)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	10	6.18
(5,358)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	16	6.18
(5,260)	1:200:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	18	6.18
(4,926)	1:11:A:ILE:HG12	1:92:A:LEU:HA	1	6.18
(4,926)	1:11:A:ILE:HG13	1:92:A:LEU:HA	1	6.18
(4,827)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA3	7	6.18
(4,820)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:H	13	6.18
(4,820)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:H	13	6.18
(4,820)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:H	13	6.18
(1,601)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	6	6.18
(1,171)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	3	6.18
(1,95)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	3	6.18
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE1	4	6.17
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE2	4	6.17
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	4	6.17
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	4	6.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	4	6.17
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	4	6.17
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	4	6.17
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	4	6.17
(1,95)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	6	6.17
(5,739)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	8	6.16
(5,689)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	18	6.16
(5,620)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	10	6.16
(5,611)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	13	6.16
(5,114)	1:78:A:ASP:H	1:140:A:ASN:ND2	17	6.16
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE1	15	6.16
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE2	15	6.16
(4,896)	1:82:A:PHE:HE1	1:127:A:ASN:H	11	6.16
(4,896)	1:82:A:PHE:HE2	1:127:A:ASN:H	11	6.16
(1,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	3	6.16
(1,458)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	17	6.16
(1,457)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	17	6.16
(1,95)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	15	6.16
(5,807)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	14	6.15
(5,491)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	7	6.15
(5,459)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	2	6.15
(5,384)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	15	6.15
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	11	6.15
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	11	6.15
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	11	6.15
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	11	6.15
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	11	6.15
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	11	6.15
(4,992)	1:81:A:TRP:HE1	1:84:A:GLN:H	2	6.15
(1,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	6	6.15
(5,658)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	19	6.14
(5,330)	1:225:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	2	6.14
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD1	17	6.14
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD2	17	6.14
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD1	17	6.14
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD2	17	6.14
(5,818)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	12	6.13
(5,764)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	18	6.13
(5,688)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	16	6.13
(5,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	18	6.13
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD21	15	6.13
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD22	15	6.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	20	6.13
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	20	6.13
(1,466)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	13	6.13
(1,95)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	8	6.13
(5,610)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	13	6.12
(5,570)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	14	6.12
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	2	6.12
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	2	6.12
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	2	6.12
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	2	6.12
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	2	6.12
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	2	6.12
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	2	6.12
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	2	6.12
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	2	6.12
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	2	6.12
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	2	6.12
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	2	6.12
(4,1232)	1:8:A:VAL:HB	1:159:A:ALA:HA	2	6.12
(4,132)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD2	10	6.12
(4,132)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD2	10	6.12
(5,807)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	13	6.11
(5,785)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	18	6.11
(5,731)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	2	6.11
(5,692)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	16	6.11
(5,571)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	4	6.11
(5,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	1	6.11
(5,352)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	12	6.11
(5,341)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	19	6.11
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	16	6.11
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	16	6.11
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD11	14	6.11
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD12	14	6.11
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD13	14	6.11
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD11	14	6.11
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD12	14	6.11
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD13	14	6.11
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG21	1:153:A:GLN:HE21	9	6.11
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG22	1:153:A:GLN:HE21	9	6.11
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG23	1:153:A:GLN:HE21	9	6.11
(1,571)	1:5:A:ASN:ND2	1:70:A:SER:H	15	6.11
(5,752)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	11	6.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,664)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	8	6.1
(4,827)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA3	12	6.1
(1,403)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	6	6.1
(1,105)	1:91:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	4	6.1
(5,677)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	16	6.09
(5,534)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	17	6.09
(5,453)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	19	6.09
(5,415)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	5	6.09
(5,413)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	2	6.09
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HA	2	6.09
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HA	2	6.09
(4,849)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:H	9	6.09
(4,92)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HZ	4	6.09
(4,92)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HZ	4	6.09
(4,92)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HZ	4	6.09
(1,484)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	17	6.09
(1,385)	1:5:A:ASN:ND2	1:236:A:GLU:H	9	6.09
(1,173)	1:58:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	13	6.09
(1,73)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	14	6.09
(5,740)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	20	6.08
(5,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	15	6.08
(5,29)	1:104:A:SER:OG	1:161:A:ALA:H	9	6.08
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE1	17	6.08
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE2	17	6.08
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE1	14	6.08
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE2	14	6.08
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA2	6	6.08
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA3	6	6.08
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA2	12	6.08
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA3	12	6.08
(4,13)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:H	20	6.08
(1,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	18	6.08
(1,73)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	12	6.08
(5,776)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	17	6.07
(5,428)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	3	6.07
(5,260)	1:200:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	9	6.07
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD11	16	6.07
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD12	16	6.07
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD13	16	6.07
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD11	16	6.07
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD12	16	6.07
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD13	16	6.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD11	16	6.07
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD12	16	6.07
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD13	16	6.07
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD11	1:58:A:LEU:HG	14	6.07
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD12	1:58:A:LEU:HG	14	6.07
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD13	1:58:A:LEU:HG	14	6.07
(5,775)	1:5:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	20	6.06
(5,588)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	13	6.06
(5,396)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	12	6.06
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG21	15	6.06
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG22	15	6.06
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG23	15	6.06
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG21	15	6.06
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG22	15	6.06
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG23	15	6.06
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG21	15	6.06
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG22	15	6.06
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG23	15	6.06
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG21	11	6.06
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG22	11	6.06
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG23	11	6.06
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	1	6.06
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	1	6.06
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	1	6.06
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	1	6.06
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	1	6.06
(4,1860)	1:9:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	1	6.06
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD11	18	6.06
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD12	18	6.06
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD13	18	6.06
(1,480)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	15	6.06
(1,171)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	20	6.06
(5,774)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	9	6.05
(5,729)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	12	6.05
(5,484)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	14	6.05
(5,260)	1:200:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	17	6.05
(4,3736)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HZ3	20	6.05
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG11	16	6.05
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG12	16	6.05
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG13	16	6.05
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG21	16	6.05
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG22	16	6.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG23	16	6.05
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD11	1:21:A:PHE:H	1	6.05
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD12	1:21:A:PHE:H	1	6.05
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD13	1:21:A:PHE:H	1	6.05
(1,105)	1:91:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	15	6.05
(5,647)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	1	6.04
(5,640)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	2	6.04
(5,550)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	2	6.04
(5,79)	1:39:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	10	6.04
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE1	5	6.04
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE2	5	6.04
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HB	12	6.04
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HB	12	6.04
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HB	12	6.04
(4,910)	1:78:A:ASP:H	1:174:A:ASN:HD22	12	6.04
(1,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	4	6.04
(5,614)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	10	6.03
(5,597)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	10	6.03
(5,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	5	6.03
(5,397)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	5	6.03
(4,2821)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HE1	9	6.03
(5,829)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	20	6.02
(5,784)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	2	6.02
(5,766)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	4	6.02
(5,736)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	7	6.02
(5,628)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	11	6.02
(5,571)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	14	6.02
(5,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	15	6.02
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG2	1:157:A:PRO:HB3	16	6.02
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG3	1:157:A:PRO:HB3	16	6.02
(4,737)	1:81:A:TRP:HZ3	1:84:A:GLN:H	2	6.02
(1,467)	1:5:A:ASN:ND2	1:33:A:TYR:H	9	6.02
(5,672)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	2	6.01
(5,532)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	6	6.01
(4,3736)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HZ3	5	6.01
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE1	19	6.01
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE2	19	6.01
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB2	5	6.01
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB3	5	6.01
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB2	5	6.01
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB3	5	6.01
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB2	5	6.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB3	5	6.01
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB2	5	6.01
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB3	5	6.01
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB2	5	6.01
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB3	5	6.01
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB2	5	6.01
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB3	5	6.01
(1,405)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	19	6.01
(1,119)	1:166:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	19	6.01
(1,81)	1:13:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	10	6.01
(5,525)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	18	6.0
(5,429)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	12	6.0
(1,336)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	6	6.0
(1,330)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	12	6.0
(1,313)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	17	6.0
(5,520)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	2	5.99
(5,473)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	11	5.99
(5,427)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	7	5.99
(5,425)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	16	5.99
(5,79)	1:39:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	5	5.99
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE1	10	5.99
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE2	10	5.99
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE1	10	5.99
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE2	10	5.99
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE1	10	5.99
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE2	10	5.99
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	15	5.99
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	15	5.99
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	15	5.99
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	15	5.99
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	15	5.99
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	15	5.99
(1,520)	1:5:A:ASN:ND2	1:180:A:LEU:H	11	5.99
(5,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	19	5.98
(5,79)	1:39:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	12	5.98
(4,4280)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:HE1	11	5.98
(4,4280)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:HE2	11	5.98
(4,4280)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:HE1	11	5.98
(4,4280)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:HE2	11	5.98
(1,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	8	5.98
(1,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	14	5.98
(5,438)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	5	5.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,342)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	9	5.97
(5,260)	1:200:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	14	5.97
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HA	1	5.97
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HA	1	5.97
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE1	15	5.97
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE2	15	5.97
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD11	16	5.97
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD12	16	5.97
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD13	16	5.97
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD21	16	5.97
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD22	16	5.97
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD23	16	5.97
(5,827)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	2	5.96
(5,664)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	19	5.96
(5,549)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	17	5.96
(5,384)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	6	5.96
(5,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	1	5.96
(5,260)	1:200:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	20	5.96
(4,3705)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HE1	13	5.96
(4,3705)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HE2	13	5.96
(4,2854)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:HG2	2	5.96
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA2	16	5.96
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA3	16	5.96
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA2	16	5.96
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA3	16	5.96
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA2	16	5.96
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA3	16	5.96
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD11	1:21:A:PHE:H	4	5.96
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD12	1:21:A:PHE:H	4	5.96
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD13	1:21:A:PHE:H	4	5.96
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD21	18	5.96
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD22	18	5.96
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD23	18	5.96
(1,330)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	13	5.96
(5,391)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	1	5.95
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE1	8	5.95
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE2	8	5.95
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD11	18	5.95
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD12	18	5.95
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD13	18	5.95
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD21	18	5.95
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD22	18	5.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD23	18	5.95
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD11	18	5.95
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD12	18	5.95
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD13	18	5.95
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD21	18	5.95
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD22	18	5.95
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD23	18	5.95
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD11	9	5.95
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD12	9	5.95
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD13	9	5.95
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD11	9	5.95
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD12	9	5.95
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD13	9	5.95
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	1	5.95
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	1	5.95
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	1	5.95
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD11	6	5.95
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD12	6	5.95
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD13	6	5.95
(4,1515)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HA	1	5.95
(5,697)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	16	5.94
(5,486)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	16	5.94
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	14	5.94
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	14	5.94
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	17	5.94
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	17	5.94
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	14	5.94
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	14	5.94
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG12	18	5.94
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG13	18	5.94
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG12	18	5.94
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG13	18	5.94
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG12	18	5.94
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG13	18	5.94
(4,820)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:H	10	5.94
(4,820)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:H	10	5.94
(4,820)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:H	10	5.94
(1,171)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	1	5.94
(1,81)	1:13:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	4	5.94
(1,74)	1:221:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	20	5.94
(5,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	5	5.93
(5,393)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	15	5.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,341)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	8	5.93
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG12	17	5.93
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG13	17	5.93
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG12	17	5.93
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG13	17	5.93
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG12	17	5.93
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG13	17	5.93
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB1	11	5.93
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB2	11	5.93
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB3	11	5.93
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB1	11	5.93
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB2	11	5.93
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB3	11	5.93
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB1	11	5.93
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB2	11	5.93
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB3	11	5.93
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB1	11	5.93
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB2	11	5.93
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB3	11	5.93
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB1	11	5.93
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB2	11	5.93
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB3	11	5.93
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB1	11	5.93
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB2	11	5.93
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB3	11	5.93
(4,13)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:H	4	5.93
(5,805)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	7	5.92
(5,747)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	12	5.92
(5,355)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	2	5.92
(5,260)	1:200:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	8	5.92
(4,3919)	1:82:A:PHE:HZ	1:100:A:SER:H	4	5.92
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD11	13	5.92
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD12	13	5.92
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD13	13	5.92
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD11	13	5.92
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD12	13	5.92
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD13	13	5.92
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD11	1:21:A:PHE:H	17	5.92
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD12	1:21:A:PHE:H	17	5.92
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD13	1:21:A:PHE:H	17	5.92
(4,999)	1:81:A:TRP:HZ3	1:129:A:PHE:H	2	5.92
(1,483)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	1	5.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,214)	1:155:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	16	5.92
(5,811)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	7	5.91
(5,784)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	10	5.91
(5,781)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	7	5.91
(5,627)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	19	5.91
(5,418)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	11	5.91
(5,86)	1:12:A:GLU:H	1:140:A:ASN:ND2	7	5.91
(5,79)	1:39:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	8	5.91
(5,79)	1:39:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	15	5.91
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD21	7	5.91
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD22	7	5.91
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD23	7	5.91
(4,3919)	1:82:A:PHE:HZ	1:100:A:SER:H	10	5.91
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	17	5.91
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	17	5.91
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	17	5.91
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	17	5.91
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HB	17	5.91
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HB	17	5.91
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HB	17	5.91
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB2	14	5.91
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB3	14	5.91
(1,566)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	13	5.91
(1,119)	1:166:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	4	5.91
(1,119)	1:166:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	15	5.91
(5,799)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	16	5.9
(5,646)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	4	5.9
(5,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	1	5.9
(5,518)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	6	5.9
(5,503)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	20	5.9
(5,461)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	5	5.9
(1,171)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	2	5.9
(5,724)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	18	5.89
(5,330)	1:225:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	5	5.89
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB1	10	5.89
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB2	10	5.89
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB3	10	5.89
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB1	10	5.89
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB2	10	5.89
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB3	10	5.89
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB1	10	5.89
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB2	10	5.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB3	10	5.89
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB1	4	5.89
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB2	4	5.89
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB3	4	5.89
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB1	4	5.89
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB2	4	5.89
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB3	4	5.89
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	19	5.89
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	19	5.89
(1,521)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	8	5.89
(1,432)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	11	5.89
(5,829)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	10	5.88
(5,742)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	7	5.88
(5,491)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	19	5.88
(5,478)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	10	5.88
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD11	14	5.88
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD12	14	5.88
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD13	14	5.88
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD11	14	5.88
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD12	14	5.88
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD13	14	5.88
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD11	14	5.88
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD12	14	5.88
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD13	14	5.88
(4,910)	1:78:A:ASP:H	1:174:A:ASN:HD22	10	5.88
(1,171)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	7	5.88
(4,4158)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE22	13	5.87
(4,3249)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE21	12	5.87
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE1	1:194:A:SER:H	8	5.87
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE2	1:194:A:SER:H	8	5.87
(1,146)	1:189:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	13	5.87
(1,119)	1:166:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	2	5.87
(1,74)	1:221:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	7	5.87
(5,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	15	5.86
(5,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	3	5.86
(5,480)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	11	5.86
(5,478)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	17	5.86
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD11	18	5.86
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD12	18	5.86
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD13	18	5.86
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD11	18	5.86
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD12	18	5.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD13	18	5.86
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD11	18	5.86
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD12	18	5.86
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD13	18	5.86
(1,119)	1:166:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	12	5.86
(5,705)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	16	5.85
(5,700)	1:5:A:ASN:ND2	1:70:A:SER:H	16	5.85
(5,696)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	8	5.85
(5,553)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	11	5.85
(5,410)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	5	5.85
(5,363)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	11	5.85
(5,352)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	17	5.85
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:H	12	5.85
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:H	12	5.85
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD1	18	5.85
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD2	18	5.85
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD1	18	5.85
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD2	18	5.85
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD1	18	5.85
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD2	18	5.85
(5,686)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	16	5.84
(5,652)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	15	5.84
(5,596)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	4	5.84
(4,3395)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA2	4	5.84
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	5	5.84
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	5	5.84
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	5	5.84
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	5	5.84
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	5	5.84
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	5	5.84
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	9	5.84
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	9	5.84
(5,676)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	2	5.83
(5,517)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	16	5.83
(5,383)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	19	5.83
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB1	18	5.83
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB2	18	5.83
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB3	18	5.83
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB1	18	5.83
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB2	18	5.83
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB3	18	5.83
(1,496)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	9	5.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	16	5.83
(1,179)	1:57:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	13	5.83
(5,752)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	16	5.82
(5,656)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	13	5.82
(5,512)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	19	5.82
(5,342)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	14	5.82
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD11	1:152:A:GLY:H	14	5.82
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD12	1:152:A:GLY:H	14	5.82
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD13	1:152:A:GLY:H	14	5.82
(1,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	12	5.82
(5,784)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	20	5.81
(5,724)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	9	5.81
(5,677)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	2	5.81
(5,533)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	10	5.81
(5,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	18	5.81
(5,489)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	14	5.81
(5,79)	1:39:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	20	5.81
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE1	20	5.81
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE2	20	5.81
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD21	16	5.81
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD22	16	5.81
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD23	16	5.81
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD21	16	5.81
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD22	16	5.81
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD23	16	5.81
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD21	16	5.81
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD22	16	5.81
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD23	16	5.81
(4,1385)	1:173:A:GLU:H	1:178:A:PHE:HE1	13	5.81
(4,1385)	1:173:A:GLU:H	1:178:A:PHE:HE2	13	5.81
(1,119)	1:166:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	16	5.81
(5,660)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	15	5.8
(5,629)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	1	5.8
(5,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	20	5.8
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB1	10	5.8
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB2	10	5.8
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB3	10	5.8
(4,248)	1:8:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	2	5.8
(4,248)	1:8:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	2	5.8
(4,248)	1:8:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	2	5.8
(4,248)	1:8:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	2	5.8
(4,248)	1:8:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	2	5.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,248)	1:8:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	2	5.8
(5,638)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	20	5.79
(5,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	11	5.79
(5,558)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	10	5.79
(5,537)	1:5:A:ASN:ND2	1:213:A:SER:H	1	5.79
(5,511)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	14	5.79
(5,392)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	18	5.79
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD11	4	5.79
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD12	4	5.79
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD13	4	5.79
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD11	4	5.79
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD12	4	5.79
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD13	4	5.79
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD11	4	5.79
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD12	4	5.79
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD13	4	5.79
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD11	1:58:A:LEU:HG	2	5.79
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD12	1:58:A:LEU:HG	2	5.79
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD13	1:58:A:LEU:HG	2	5.79
(4,1481)	1:9:A:VAL:H	1:151:A:THR:H	5	5.79
(5,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	19	5.78
(5,625)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	15	5.78
(5,382)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	10	5.78
(5,29)	1:104:A:SER:OG	1:161:A:ALA:H	12	5.78
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	16	5.78
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	16	5.78
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	16	5.78
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	16	5.78
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	16	5.78
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	16	5.78
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	16	5.78
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	16	5.78
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	16	5.78
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	16	5.78
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	16	5.78
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	16	5.78
(5,718)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	7	5.77
(5,656)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	3	5.77
(5,577)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	9	5.77
(5,527)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	12	5.77
(5,389)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	18	5.77
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB1	3	5.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB2	3	5.77
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB3	3	5.77
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD11	4	5.77
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD12	4	5.77
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD13	4	5.77
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD21	4	5.77
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD22	4	5.77
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD23	4	5.77
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB2	11	5.77
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB3	11	5.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB1	16	5.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB2	16	5.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB3	16	5.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB1	16	5.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB2	16	5.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB3	16	5.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB1	16	5.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB2	16	5.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB3	16	5.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB1	16	5.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB2	16	5.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB3	16	5.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB1	16	5.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB2	16	5.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB3	16	5.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB1	16	5.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB2	16	5.77
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB3	16	5.77
(5,685)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	13	5.76
(5,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	4	5.76
(5,29)	1:104:A:SER:OG	1:161:A:ALA:H	4	5.76
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD11	7	5.76
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD12	7	5.76
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD13	7	5.76
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD11	7	5.76
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD12	7	5.76
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD13	7	5.76
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD11	7	5.76
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD12	7	5.76
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD13	7	5.76
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE1	11	5.76
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE2	11	5.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,113)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:HA	18	5.76
(4,113)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:HA	18	5.76
(1,549)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	11	5.76
(1,496)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	18	5.76
(5,590)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	5	5.75
(5,569)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	9	5.75
(5,418)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	1	5.75
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE1	4	5.75
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE2	4	5.75
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HA	5	5.75
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HA	5	5.75
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD1	14	5.75
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD2	14	5.75
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD1	14	5.75
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD2	14	5.75
(1,171)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	19	5.75
(5,739)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	19	5.74
(5,658)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	3	5.74
(5,647)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	2	5.74
(5,627)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	3	5.74
(4,3395)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA2	9	5.74
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA2	14	5.74
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA3	14	5.74
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA2	14	5.74
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA3	14	5.74
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA2	14	5.74
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA3	14	5.74
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD21	6	5.74
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD22	6	5.74
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD21	6	5.74
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD22	6	5.74
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD11	19	5.74
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD12	19	5.74
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD13	19	5.74
(1,188)	1:161:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	7	5.74
(5,672)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	20	5.73
(5,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	9	5.73
(5,546)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	14	5.73
(5,526)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	12	5.73
(5,260)	1:200:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	1	5.73
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD11	17	5.73
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD12	17	5.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD13	17	5.73
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD11	17	5.73
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD12	17	5.73
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD13	17	5.73
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD11	17	5.73
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD12	17	5.73
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD13	17	5.73
(4,1515)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HA	16	5.73
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD11	9	5.73
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD12	9	5.73
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD13	9	5.73
(1,405)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	1	5.73
(1,375)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	18	5.73
(1,188)	1:161:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	18	5.73
(5,832)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	9	5.72
(5,705)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	8	5.72
(5,589)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	3	5.72
(5,557)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	18	5.72
(5,483)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	2	5.72
(5,422)	1:5:A:ASN:ND2	1:55:A:ILE:H	3	5.72
(5,383)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	7	5.72
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD1	20	5.72
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD2	20	5.72
(4,849)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:H	4	5.72
(4,64)	1:81:A:TRP:HZ2	1:183:A:ARG:H	2	5.72
(5,817)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	5	5.71
(5,750)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	2	5.71
(5,742)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	8	5.71
(5,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	8	5.71
(5,173)	1:8:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	20	5.71
(4,3917)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:H	2	5.71
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	5	5.71
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	5	5.71
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE1	1:210:A:ARG:HB2	7	5.71
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE1	1:210:A:ARG:HB3	7	5.71
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE2	1:210:A:ARG:HB2	7	5.71
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE2	1:210:A:ARG:HB3	7	5.71
(4,1623)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HE1	20	5.71
(4,1623)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HE2	20	5.71
(1,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	19	5.71
(1,81)	1:13:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	9	5.71
(4,1515)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HA	6	5.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG21	14	5.7
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG22	14	5.7
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG23	14	5.7
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG21	14	5.7
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG22	14	5.7
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG23	14	5.7
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG21	14	5.7
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG22	14	5.7
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG23	14	5.7
(1,467)	1:5:A:ASN:ND2	1:33:A:TYR:H	4	5.7
(1,160)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	9	5.7
(1,74)	1:221:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	14	5.7
(5,553)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	1	5.69
(5,367)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	19	5.69
(1,475)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	8	5.69
(5,791)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	3	5.68
(5,483)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	1	5.68
(5,29)	1:104:A:SER:OG	1:161:A:ALA:H	1	5.68
(5,29)	1:104:A:SER:OG	1:161:A:ALA:H	11	5.68
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE1	1:98:A:SER:H	12	5.68
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE2	1:98:A:SER:H	12	5.68
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG11	15	5.68
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG12	15	5.68
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG13	15	5.68
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG21	15	5.68
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG22	15	5.68
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG23	15	5.68
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:H	12	5.68
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:H	12	5.68
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	20	5.68
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	20	5.68
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB2	2	5.68
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB3	2	5.68
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB2	2	5.68
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB3	2	5.68
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB2	2	5.68
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB3	2	5.68
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB2	2	5.68
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB3	2	5.68
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB2	2	5.68
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB3	2	5.68
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB2	2	5.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB3	2	5.68
(1,160)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	15	5.68
(5,706)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	7	5.67
(5,685)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	2	5.67
(5,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	17	5.67
(5,29)	1:104:A:SER:OG	1:161:A:ALA:H	3	5.67
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	9	5.67
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	9	5.67
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE1	1:194:A:SER:H	4	5.67
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE2	1:194:A:SER:H	4	5.67
(4,2461)	1:3:A:GLY:H	1:7:A:ALA:H	14	5.67
(4,1222)	1:9:A:VAL:H	1:146:A:VAL:H	1	5.67
(1,483)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	16	5.67
(5,832)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	18	5.66
(5,692)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	14	5.66
(5,486)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	17	5.66
(5,475)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	9	5.66
(5,453)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	1	5.66
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB2	1:8:A:VAL:H	18	5.66
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB3	1:8:A:VAL:H	18	5.66
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	9	5.66
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	9	5.66
(1,597)	1:5:A:ASN:ND2	1:68:A:SER:H	11	5.66
(1,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	3	5.66
(5,806)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	16	5.65
(5,754)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	2	5.65
(5,260)	1:200:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	16	5.65
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD3	10	5.65
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD3	10	5.65
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA2	5	5.65
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA3	5	5.65
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD11	17	5.65
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD12	17	5.65
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD13	17	5.65
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD11	17	5.65
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD12	17	5.65
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD13	17	5.65
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB1	6	5.65
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB2	6	5.65
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB3	6	5.65
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG11	11	5.65
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG12	11	5.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG13	11	5.65
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG21	11	5.65
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG22	11	5.65
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG23	11	5.65
(1,448)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	16	5.65
(1,343)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	14	5.65
(1,74)	1:221:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	2	5.65
(5,748)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	13	5.64
(5,621)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	19	5.64
(5,593)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	20	5.64
(5,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	16	5.64
(5,488)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	13	5.64
(5,396)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	16	5.64
(5,383)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	8	5.64
(5,330)	1:225:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	9	5.64
(5,29)	1:104:A:SER:OG	1:161:A:ALA:H	14	5.64
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD1	14	5.64
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD2	14	5.64
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HB	16	5.64
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HB	16	5.64
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HB	16	5.64
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA2	16	5.64
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA3	16	5.64
(4,92)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HZ	3	5.64
(4,92)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HZ	3	5.64
(4,92)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HZ	3	5.64
(1,595)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	9	5.64
(1,567)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	5	5.64
(1,119)	1:166:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	17	5.64
(5,752)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	10	5.63
(5,648)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	7	5.63
(4,4280)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:HE1	1	5.63
(4,4280)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:HE2	1	5.63
(4,4280)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:HE1	1	5.63
(4,4280)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:HE2	1	5.63
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE1	1	5.63
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE2	1	5.63
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:HD21	7	5.63
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:HD22	7	5.63
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:HD23	7	5.63
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:HD21	7	5.63
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:HD22	7	5.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:HD23	7	5.63
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	5	5.63
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	5	5.63
(4,926)	1:11:A:ILE:HG12	1:92:A:LEU:HA	10	5.63
(4,926)	1:11:A:ILE:HG13	1:92:A:LEU:HA	10	5.63
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD11	4	5.63
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD12	4	5.63
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD13	4	5.63
(1,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	3	5.63
(1,95)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	11	5.63
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG21	1:92:A:LEU:H	1	5.62
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG22	1:92:A:LEU:H	1	5.62
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG23	1:92:A:LEU:H	1	5.62
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HA	18	5.62
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HA	18	5.62
(4,464)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HE1	13	5.62
(1,593)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	12	5.62
(1,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	19	5.62
(1,539)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	1	5.62
(1,343)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	4	5.62
(1,95)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	14	5.62
(1,72)	1:170:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	13	5.62
(5,697)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	4	5.61
(5,433)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	11	5.61
(5,260)	1:200:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	15	5.61
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD11	14	5.61
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD12	14	5.61
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD13	14	5.61
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD21	14	5.61
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD22	14	5.61
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD23	14	5.61
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD11	14	5.61
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD12	14	5.61
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD13	14	5.61
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD21	14	5.61
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD22	14	5.61
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD23	14	5.61
(4,896)	1:82:A:PHE:HE1	1:127:A:ASN:H	13	5.61
(4,896)	1:82:A:PHE:HE2	1:127:A:ASN:H	13	5.61
(1,119)	1:166:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	1	5.61
(5,724)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	13	5.6
(5,511)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	13	5.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,405)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	8	5.6
(5,625)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	6	5.59
(5,488)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	19	5.59
(5,380)	1:5:A:ASN:ND2	1:200:A:ASP:H	6	5.59
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	2	5.59
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	2	5.59
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	2	5.59
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	2	5.59
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	2	5.59
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	2	5.59
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG21	1:93:A:TYR:H	10	5.59
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG22	1:93:A:TYR:H	10	5.59
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG23	1:93:A:TYR:H	10	5.59
(1,157)	1:163:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	19	5.59
(5,804)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	14	5.58
(5,801)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	18	5.58
(5,726)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	20	5.58
(5,724)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	7	5.58
(5,656)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	19	5.58
(5,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	14	5.58
(5,493)	1:5:A:ASN:ND2	1:59:A:PHE:H	4	5.58
(5,451)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	13	5.58
(5,383)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	20	5.58
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB2	8	5.58
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB3	8	5.58
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB2	8	5.58
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB3	8	5.58
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	20	5.58
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	20	5.58
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	20	5.58
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD11	14	5.58
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD12	14	5.58
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD13	14	5.58
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	5	5.58
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	5	5.58
(4,1233)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HH2	8	5.58
(1,455)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	15	5.58
(5,812)	1:5:A:ASN:ND2	1:155:A:GLU:H	18	5.57
(1,575)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	8	5.57
(1,377)	1:5:A:ASN:ND2	1:19:A:THR:H	6	5.57
(1,95)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	4	5.57
(5,776)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	20	5.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,663)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	6	5.56
(5,514)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	1	5.56
(5,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	4	5.56
(5,364)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	13	5.56
(5,690)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	9	5.55
(5,609)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	6	5.55
(5,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	3	5.55
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB2	7	5.55
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB3	7	5.55
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB2	7	5.55
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB3	7	5.55
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD1	20	5.55
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD2	20	5.55
(4,2433)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:H	12	5.55
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG21	1:153:A:GLN:HE21	13	5.55
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG22	1:153:A:GLN:HE21	13	5.55
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG23	1:153:A:GLN:HE21	13	5.55
(1,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	11	5.55
(1,171)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	11	5.55
(1,95)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	20	5.55
(5,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	9	5.54
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB1	5	5.54
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB2	5	5.54
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB3	5	5.54
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB1	5	5.54
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB2	5	5.54
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB3	5	5.54
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB1	9	5.54
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB2	9	5.54
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB3	9	5.54
(5,818)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	4	5.53
(5,664)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	1	5.53
(5,391)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	10	5.53
(5,260)	1:200:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	2	5.53
(4,837)	1:22:A:ALA:HB1	1:31:A:TRP:HZ3	6	5.53
(4,837)	1:22:A:ALA:HB2	1:31:A:TRP:HZ3	6	5.53
(4,837)	1:22:A:ALA:HB3	1:31:A:TRP:HZ3	6	5.53
(1,157)	1:163:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	13	5.53
(5,418)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	15	5.52
(4,3391)	1:11:A:ILE:HA	1:151:A:THR:HA	1	5.52
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE1	17	5.52
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE2	17	5.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE1	17	5.52
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE2	17	5.52
(1,171)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	10	5.52
(1,105)	1:91:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	13	5.52
(5,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	18	5.51
(5,490)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	4	5.51
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE1	13	5.51
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE2	13	5.51
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA2	16	5.51
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA3	16	5.51
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA2	16	5.51
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA3	16	5.51
(4,2461)	1:3:A:GLY:H	1:7:A:ALA:H	18	5.51
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD21	2	5.51
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD22	2	5.51
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD23	2	5.51
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD1	7	5.51
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD2	7	5.51
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD1	7	5.51
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD2	7	5.51
(1,95)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	16	5.51
(5,743)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	3	5.5
(5,645)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	19	5.5
(5,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	1	5.5
(5,79)	1:39:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	19	5.5
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB1	11	5.5
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB2	11	5.5
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB3	11	5.5
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG11	2	5.5
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG12	2	5.5
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG13	2	5.5
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG21	2	5.5
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG22	2	5.5
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG23	2	5.5
(4,113)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:HA	12	5.5
(4,113)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:HA	12	5.5
(5,696)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	20	5.49
(5,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	10	5.49
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE1	20	5.49
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE2	20	5.49
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE1	20	5.49
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE2	20	5.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	6	5.49
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	6	5.49
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	6	5.49
(4,468)	1:81:A:TRP:HE1	1:183:A:ARG:H	19	5.49
(1,182)	1:61:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	13	5.49
(5,755)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	16	5.48
(5,472)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	7	5.48
(5,434)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	6	5.48
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	9	5.48
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	9	5.48
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	9	5.48
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	9	5.48
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	5	5.48
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	5	5.48
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	5	5.48
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	5	5.48
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	5	5.48
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	5	5.48
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	5	5.48
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	5	5.48
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	5	5.48
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	5	5.48
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	5	5.48
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	5	5.48
(4,1515)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HA	12	5.48
(1,457)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	12	5.48
(5,589)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	8	5.47
(5,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	4	5.47
(5,376)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	3	5.47
(5,342)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	1	5.47
(4,2521)	1:81:A:TRP:H	1:82:A:PHE:HZ	4	5.47
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	20	5.47
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	20	5.47
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	20	5.47
(4,599)	1:11:A:ILE:HG13	1:14:A:ASN:H	6	5.47
(4,468)	1:81:A:TRP:HE1	1:183:A:ARG:H	2	5.47
(1,469)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	18	5.47
(5,686)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	9	5.46
(5,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	6	5.46
(5,576)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	10	5.46
(5,553)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	15	5.46
(5,396)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	5	5.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	16	5.46
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	16	5.46
(1,95)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	9	5.46
(1,74)	1:221:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	12	5.46
(5,666)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	13	5.45
(5,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	11	5.45
(5,339)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	5	5.45
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE1	14	5.45
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE2	14	5.45
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG21	1:93:A:TYR:H	2	5.45
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG22	1:93:A:TYR:H	2	5.45
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG23	1:93:A:TYR:H	2	5.45
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD21	17	5.45
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD22	17	5.45
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD23	17	5.45
(1,557)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	12	5.45
(1,516)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	8	5.45
(5,663)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	16	5.44
(5,610)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	12	5.44
(5,569)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	7	5.44
(5,79)	1:39:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	16	5.44
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG11	11	5.44
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG12	11	5.44
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG13	11	5.44
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG21	11	5.44
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG22	11	5.44
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG23	11	5.44
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG21	1:227:A:ALA:HA	2	5.44
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG22	1:227:A:ALA:HA	2	5.44
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG23	1:227:A:ALA:HA	2	5.44
(4,631)	1:30:A:GLU:HG3	1:31:A:TRP:HE1	5	5.44
(1,558)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	15	5.44
(1,539)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	15	5.44
(1,182)	1:61:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	10	5.44
(5,817)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	13	5.43
(5,427)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	2	5.43
(5,374)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	17	5.43
(5,367)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	8	5.43
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:H	7	5.43
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:H	7	5.43
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	5	5.43
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	5	5.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	5	5.43
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	5	5.43
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD11	20	5.43
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD12	20	5.43
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD13	20	5.43
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD11	20	5.43
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD12	20	5.43
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD13	20	5.43
(4,1623)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HE1	14	5.43
(4,1623)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HE2	14	5.43
(4,1247)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD22	19	5.43
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB2	18	5.43
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB3	18	5.43
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB1	10	5.43
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB2	10	5.43
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB3	10	5.43
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB1	10	5.43
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB2	10	5.43
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB3	10	5.43
(4,468)	1:81:A:TRP:HE1	1:183:A:ARG:H	12	5.43
(1,579)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	12	5.43
(5,649)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	3	5.42
(5,574)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	9	5.42
(5,537)	1:5:A:ASN:ND2	1:213:A:SER:H	4	5.42
(5,489)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	17	5.42
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA2	6	5.42
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA3	6	5.42
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA2	6	5.42
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA3	6	5.42
(4,3461)	1:11:A:ILE:HG13	1:153:A:GLN:H	13	5.42
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD21	17	5.42
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD22	17	5.42
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD23	17	5.42
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD21	17	5.42
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD22	17	5.42
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD23	17	5.42
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD21	17	5.42
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD22	17	5.42
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD23	17	5.42
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB1	4	5.42
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB2	4	5.42
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB3	4	5.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE1	13	5.42
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE2	13	5.42
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE1	13	5.42
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE2	13	5.42
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE1	13	5.42
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE2	13	5.42
(1,495)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	17	5.42
(1,277)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	6	5.42
(1,165)	1:180:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	13	5.42
(5,611)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	19	5.41
(5,563)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	20	5.41
(5,412)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	11	5.41
(5,367)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	1	5.41
(5,361)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	7	5.41
(4,3375)	1:11:A:ILE:H	1:227:A:ALA:H	1	5.41
(4,1371)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HE22	3	5.41
(4,1371)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HE22	13	5.41
(1,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	4	5.41
(5,583)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	16	5.4
(5,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	4	5.4
(5,426)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	11	5.4
(4,2839)	1:31:A:TRP:HZ3	1:53:A:LYS:H	2	5.4
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB1	14	5.4
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB2	14	5.4
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB3	14	5.4
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB1	14	5.4
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB2	14	5.4
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB3	14	5.4
(4,181)	1:162:A:ASP:HB2	1:164:A:ASN:HD21	19	5.4
(4,181)	1:162:A:ASP:HB3	1:164:A:ASN:HD21	19	5.4
(5,730)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	18	5.39
(5,330)	1:225:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	19	5.39
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD2	5	5.39
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD3	5	5.39
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE1	1:152:A:GLY:H	8	5.39
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE2	1:152:A:GLY:H	8	5.39
(4,2821)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HE1	3	5.39
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD1	14	5.39
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD2	14	5.39
(4,1357)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:HA	12	5.39
(4,1247)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD22	7	5.39
(4,1081)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA2	7	5.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,160)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	19	5.39
(5,722)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	4	5.38
(5,699)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	8	5.38
(5,654)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	19	5.38
(5,653)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	5	5.38
(5,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	7	5.38
(4,3872)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HE1	13	5.38
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:H	4	5.38
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:H	4	5.38
(4,1371)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HE22	17	5.38
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD11	1:21:A:PHE:H	16	5.38
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD12	1:21:A:PHE:H	16	5.38
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD13	1:21:A:PHE:H	16	5.38
(2,326)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	2	5.38
(1,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	9	5.38
(5,714)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	4	5.37
(5,481)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	11	5.37
(5,346)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	14	5.37
(5,260)	1:200:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	11	5.37
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	20	5.37
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	20	5.37
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	20	5.37
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	20	5.37
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE1	9	5.37
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE2	9	5.37
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG21	1:153:A:GLN:HE21	17	5.37
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG22	1:153:A:GLN:HE21	17	5.37
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG23	1:153:A:GLN:HE21	17	5.37
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD21	18	5.37
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD22	18	5.37
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD23	18	5.37
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD11	7	5.37
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD12	7	5.37
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD13	7	5.37
(5,668)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	17	5.36
(5,499)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	7	5.36
(5,437)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	18	5.36
(5,375)	1:5:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	6	5.36
(4,4158)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE22	6	5.36
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD21	17	5.36
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD22	17	5.36
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD21	17	5.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD22	17	5.36
(4,1481)	1:9:A:VAL:H	1:151:A:THR:H	20	5.36
(4,926)	1:11:A:ILE:HG12	1:92:A:LEU:HA	5	5.36
(4,926)	1:11:A:ILE:HG13	1:92:A:LEU:HA	5	5.36
(4,181)	1:162:A:ASP:HB2	1:164:A:ASN:HD21	20	5.36
(4,181)	1:162:A:ASP:HB3	1:164:A:ASN:HD21	20	5.36
(1,565)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	8	5.36
(1,119)	1:166:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	20	5.36
(1,104)	1:56:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	10	5.36
(5,688)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	2	5.35
(5,453)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	5	5.35
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:H	2	5.35
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:H	2	5.35
(4,2521)	1:81:A:TRP:H	1:82:A:PHE:HZ	3	5.35
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE1	1:231:A:LEU:H	17	5.35
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE2	1:231:A:LEU:H	17	5.35
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB1	8	5.35
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB2	8	5.35
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB3	8	5.35
(4,1604)	1:233:A:PRO:HB3	1:235:A:TRP:HE1	5	5.35
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG21	4	5.35
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG22	4	5.35
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG23	4	5.35
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG21	4	5.35
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG22	4	5.35
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG23	4	5.35
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG21	4	5.35
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG22	4	5.35
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG23	4	5.35
(4,193)	1:10:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	16	5.35
(4,193)	1:10:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	16	5.35
(1,390)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	11	5.35
(5,647)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	3	5.34
(5,586)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	7	5.34
(5,453)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	16	5.34
(4,3461)	1:11:A:ILE:HG13	1:153:A:GLN:H	17	5.34
(4,3402)	1:30:A:GLU:HG2	1:31:A:TRP:HE1	5	5.34
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG21	1:227:A:ALA:HA	20	5.34
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG22	1:227:A:ALA:HA	20	5.34
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG23	1:227:A:ALA:HA	20	5.34
(4,1820)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA3	20	5.34
(4,1371)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HE22	12	5.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1263)	1:81:A:TRP:HZ3	1:83:A:LYS:H	2	5.34
(1,380)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	3	5.34
(5,376)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	1	5.33
(5,336)	1:8:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	4	5.33
(5,242)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	9	5.33
(4,1222)	1:9:A:VAL:H	1:146:A:VAL:H	15	5.33
(4,896)	1:82:A:PHE:HE1	1:127:A:ASN:H	4	5.33
(4,896)	1:82:A:PHE:HE2	1:127:A:ASN:H	4	5.33
(1,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	17	5.33
(5,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	13	5.32
(5,480)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	4	5.32
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD1	17	5.32
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD2	17	5.32
(1,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	10	5.32
(1,162)	1:98:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	13	5.32
(5,529)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	8	5.31
(5,455)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	8	5.31
(5,338)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	14	5.31
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD11	1:91:A:GLY:H	10	5.31
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD12	1:91:A:GLY:H	10	5.31
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD13	1:91:A:GLY:H	10	5.31
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG21	14	5.31
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG22	14	5.31
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG23	14	5.31
(1,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	18	5.31
(1,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	16	5.31
(1,105)	1:91:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	19	5.31
(5,620)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	5	5.3
(5,462)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	13	5.3
(5,420)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	2	5.3
(4,1820)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA3	4	5.3
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG21	1:93:A:TYR:H	20	5.3
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG22	1:93:A:TYR:H	20	5.3
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG23	1:93:A:TYR:H	20	5.3
(4,1357)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:HA	3	5.3
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	16	5.3
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	16	5.3
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	16	5.3
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	16	5.3
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	16	5.3
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	16	5.3
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE21	6	5.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE22	6	5.3
(4,113)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:HA	14	5.3
(4,113)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:HA	14	5.3
(1,566)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	5	5.3
(5,373)	1:5:A:ASN:ND2	1:77:A:TYR:H	11	5.29
(4,2839)	1:31:A:TRP:HZ3	1:53:A:LYS:H	4	5.29
(4,2839)	1:31:A:TRP:HZ3	1:53:A:LYS:H	15	5.29
(4,248)	1:8:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	10	5.29
(4,248)	1:8:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	10	5.29
(4,248)	1:8:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	10	5.29
(4,248)	1:8:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	10	5.29
(4,248)	1:8:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	10	5.29
(4,248)	1:8:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	10	5.29
(1,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	8	5.29
(1,212)	1:179:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	13	5.29
(1,104)	1:56:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	6	5.29
(5,732)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	12	5.28
(5,554)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	17	5.28
(5,520)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	14	5.28
(5,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	20	5.28
(5,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	13	5.28
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB1	14	5.28
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB2	14	5.28
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB3	14	5.28
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB1	14	5.28
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB2	14	5.28
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB3	14	5.28
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB1	14	5.28
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB2	14	5.28
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB3	14	5.28
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE1	19	5.28
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE2	19	5.28
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	16	5.28
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	16	5.28
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	16	5.28
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	16	5.28
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE2	1:214:A:TYR:HA	13	5.28
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE3	1:214:A:TYR:HA	13	5.28
(4,1357)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:HA	16	5.28
(1,529)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	18	5.28
(5,702)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	9	5.27
(5,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	18	5.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,571)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	9	5.27
(5,444)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	12	5.27
(5,381)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	15	5.27
(5,346)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	11	5.27
(4,4158)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE22	7	5.27
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD11	20	5.27
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD12	20	5.27
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD13	20	5.27
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD21	20	5.27
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD22	20	5.27
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD23	20	5.27
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD11	20	5.27
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD12	20	5.27
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD13	20	5.27
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD21	20	5.27
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD22	20	5.27
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD23	20	5.27
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	4	5.27
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	4	5.27
(1,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	15	5.27
(1,171)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	15	5.27
(5,783)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	11	5.26
(5,747)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	14	5.26
(5,578)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	14	5.26
(5,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	16	5.26
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE2	1:217:A:ASN:HA	14	5.26
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE3	1:217:A:ASN:HA	14	5.26
(4,3461)	1:11:A:ILE:HG13	1:153:A:GLN:H	12	5.26
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD21	10	5.26
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD22	10	5.26
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD23	10	5.26
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD21	10	5.26
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD22	10	5.26
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD23	10	5.26
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE1	1:194:A:SER:H	5	5.26
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE2	1:194:A:SER:H	5	5.26
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD1	5	5.26
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD2	5	5.26
(4,113)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:HA	7	5.26
(4,113)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:HA	7	5.26
(1,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	19	5.26
(5,577)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	4	5.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	11	5.25
(5,512)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	8	5.25
(4,3709)	1:81:A:TRP:HE1	1:181:A:ASP:HA	19	5.25
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	15	5.25
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	15	5.25
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	15	5.25
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	15	5.25
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	15	5.25
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	15	5.25
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE1	10	5.25
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE2	10	5.25
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE1	10	5.25
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE2	10	5.25
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA2	20	5.25
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA3	20	5.25
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE1	1:231:A:LEU:H	1	5.25
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE2	1:231:A:LEU:H	1	5.25
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD21	4	5.25
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD22	4	5.25
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD23	4	5.25
(1,539)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	5	5.25
(5,692)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	7	5.24
(5,527)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	18	5.24
(4,2839)	1:31:A:TRP:HZ3	1:53:A:LYS:H	17	5.24
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD11	16	5.24
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD12	16	5.24
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD13	16	5.24
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD11	16	5.24
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD12	16	5.24
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD13	16	5.24
(4,837)	1:22:A:ALA:HB1	1:31:A:TRP:HZ3	19	5.24
(4,837)	1:22:A:ALA:HB2	1:31:A:TRP:HZ3	19	5.24
(4,837)	1:22:A:ALA:HB3	1:31:A:TRP:HZ3	19	5.24
(1,558)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	11	5.24
(1,344)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	6	5.24
(1,296)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	18	5.24
(1,171)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	8	5.24
(1,95)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	12	5.24
(5,654)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	1	5.23
(5,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	1	5.23
(5,566)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	16	5.23
(5,539)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	2	5.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HA	9	5.23
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HA	9	5.23
(1,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	18	5.23
(5,664)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	5	5.22
(5,645)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	8	5.22
(5,434)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	12	5.22
(5,390)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	6	5.22
(5,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	8	5.22
(5,769)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	4	5.21
(5,664)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	16	5.21
(5,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	12	5.21
(5,79)	1:39:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	6	5.21
(4,3395)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA2	7	5.21
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD1	9	5.21
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD2	9	5.21
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	4	5.21
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	4	5.21
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	4	5.21
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	4	5.21
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:HA	16	5.21
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:HA	16	5.21
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:HA	16	5.21
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:HA	16	5.21
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:HA	16	5.21
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:HA	16	5.21
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD11	16	5.21
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD12	16	5.21
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD13	16	5.21
(1,483)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	8	5.21
(5,527)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	17	5.2
(5,488)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	11	5.2
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD21	10	5.2
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD22	10	5.2
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD23	10	5.2
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD21	10	5.2
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD22	10	5.2
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD23	10	5.2
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD21	10	5.2
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD22	10	5.2
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD23	10	5.2
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	20	5.2
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	20	5.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB1	3	5.2
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB2	3	5.2
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB3	3	5.2
(4,1247)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD22	5	5.2
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD21	7	5.2
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD22	7	5.2
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD23	7	5.2
(4,181)	1:162:A:ASP:HB2	1:164:A:ASN:HD21	3	5.2
(4,181)	1:162:A:ASP:HB3	1:164:A:ASN:HD21	3	5.2
(5,647)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	19	5.19
(4,3736)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HZ3	19	5.19
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD11	6	5.19
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD12	6	5.19
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD13	6	5.19
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD11	6	5.19
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD12	6	5.19
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD13	6	5.19
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD11	6	5.19
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD12	6	5.19
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD13	6	5.19
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB1	12	5.19
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB2	12	5.19
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB3	12	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD11	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD12	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD13	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD21	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD22	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD23	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD11	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD12	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD13	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD21	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD22	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD23	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD11	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD12	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD13	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD21	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD22	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD23	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD11	20	5.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD12	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD13	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD21	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD22	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD23	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD11	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD12	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD13	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD21	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD22	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD23	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD11	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD12	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD13	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD21	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD22	20	5.19
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD23	20	5.19
(1,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	8	5.19
(1,426)	1:5:A:ASN:ND2	1:199:A:THR:H	18	5.19
(5,815)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	12	5.18
(5,687)	1:5:A:ASN:ND2	1:154:A:SER:H	18	5.18
(5,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	4	5.18
(5,390)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	2	5.18
(5,296)	1:5:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	19	5.18
(4,4158)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE22	12	5.18
(4,3395)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA2	12	5.18
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB1	4	5.18
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB2	4	5.18
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB3	4	5.18
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB1	4	5.18
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB2	4	5.18
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB3	4	5.18
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD11	1:21:A:PHE:H	9	5.18
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD12	1:21:A:PHE:H	9	5.18
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD13	1:21:A:PHE:H	9	5.18
(1,572)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	17	5.18
(1,341)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	6	5.18
(1,300)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	6	5.18
(1,105)	1:91:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	16	5.18
(5,785)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	12	5.17
(5,633)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	19	5.17
(5,594)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	16	5.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,547)	1:5:A:ASN:ND2	1:154:A:SER:H	12	5.17
(5,514)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	8	5.17
(5,431)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	16	5.17
(5,407)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	8	5.17
(5,402)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	5	5.17
(4,3789)	1:157:A:PRO:HA	1:161:A:ALA:H	18	5.17
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB1	9	5.17
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB2	9	5.17
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB3	9	5.17
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB1	9	5.17
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB2	9	5.17
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB3	9	5.17
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB1	9	5.17
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB2	9	5.17
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB3	9	5.17
(4,1604)	1:233:A:PRO:HB3	1:235:A:TRP:HE1	20	5.17
(4,896)	1:82:A:PHE:HE1	1:127:A:ASN:H	3	5.17
(4,896)	1:82:A:PHE:HE2	1:127:A:ASN:H	3	5.17
(4,464)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HE1	9	5.17
(1,105)	1:91:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	3	5.17
(5,499)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	4	5.16
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD21	6	5.16
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD22	6	5.16
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD23	6	5.16
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB2	16	5.16
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB3	16	5.16
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB2	16	5.16
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB3	16	5.16
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB2	16	5.16
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB3	16	5.16
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB2	16	5.16
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB3	16	5.16
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB2	16	5.16
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB3	16	5.16
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB2	16	5.16
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB3	16	5.16
(4,896)	1:82:A:PHE:HE1	1:127:A:ASN:H	10	5.16
(4,896)	1:82:A:PHE:HE2	1:127:A:ASN:H	10	5.16
(4,193)	1:10:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	5	5.16
(4,193)	1:10:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	5	5.16
(2,326)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	7	5.16
(1,455)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	11	5.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,574)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	14	5.15
(5,485)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	12	5.15
(5,427)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	13	5.15
(4,4158)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE22	1	5.15
(4,820)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:H	7	5.15
(4,820)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:H	7	5.15
(4,820)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:H	7	5.15
(5,762)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	15	5.14
(5,729)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	18	5.14
(5,349)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	1	5.14
(4,3709)	1:81:A:TRP:HE1	1:181:A:ASP:HA	12	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB2	7	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB3	7	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB2	7	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB3	7	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB2	7	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB3	7	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB2	7	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB3	7	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB2	7	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB3	7	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB2	7	5.14
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB3	7	5.14
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB1	18	5.14
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB2	18	5.14
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB3	18	5.14
(4,1515)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HA	3	5.14
(4,248)	1:8:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	15	5.14
(4,248)	1:8:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	15	5.14
(4,248)	1:8:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	15	5.14
(4,248)	1:8:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	15	5.14
(4,248)	1:8:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	15	5.14
(4,248)	1:8:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	15	5.14
(1,216)	1:171:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	10	5.14
(5,407)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	5	5.13
(5,383)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	10	5.13
(4,3709)	1:81:A:TRP:HE1	1:181:A:ASP:HA	10	5.13
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD11	11	5.13
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD12	11	5.13
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD13	11	5.13
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	9	5.13
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	9	5.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,395)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	14	5.13
(5,557)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	20	5.12
(5,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	9	5.12
(5,537)	1:5:A:ASN:ND2	1:213:A:SER:H	3	5.12
(5,503)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	13	5.12
(5,471)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	2	5.12
(5,471)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	9	5.12
(5,454)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	13	5.12
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD21	19	5.12
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD22	19	5.12
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD23	19	5.12
(4,3872)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HE1	8	5.12
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE1	2	5.12
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE2	2	5.12
(4,2828)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:H	2	5.12
(4,464)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HE1	8	5.12
(1,525)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	5	5.12
(1,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	15	5.12
(1,119)	1:166:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	5	5.12
(5,437)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	20	5.11
(5,367)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	11	5.11
(4,1623)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HE1	5	5.11
(4,1623)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HE2	5	5.11
(1,366)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	9	5.11
(1,182)	1:61:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	12	5.11
(5,737)	1:5:A:ASN:ND2	1:68:A:SER:H	14	5.1
(5,446)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	4	5.1
(4,3736)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HZ3	14	5.1
(4,3249)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE21	19	5.1
(4,468)	1:81:A:TRP:HE1	1:183:A:ARG:H	10	5.1
(1,518)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	11	5.1
(5,782)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	2	5.09
(5,622)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	1	5.09
(5,414)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	18	5.09
(4,4122)	1:81:A:TRP:HH2	1:187:A:GLY:H	2	5.09
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE1	16	5.09
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE2	16	5.09
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE1	16	5.09
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE2	16	5.09
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE1	16	5.09
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE2	16	5.09
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG11	15	5.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG12	15	5.09
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG13	15	5.09
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG21	15	5.09
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG22	15	5.09
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG23	15	5.09
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB1	18	5.09
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB2	18	5.09
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB3	18	5.09
(1,362)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	18	5.09
(1,157)	1:163:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	7	5.09
(5,652)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	5	5.08
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB2	12	5.08
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB3	12	5.08
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB2	12	5.08
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB3	12	5.08
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB2	11	5.08
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB3	11	5.08
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB2	11	5.08
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB3	11	5.08
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB2	11	5.08
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB3	11	5.08
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB2	11	5.08
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB3	11	5.08
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB2	11	5.08
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB3	11	5.08
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB2	11	5.08
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB3	11	5.08
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD11	16	5.08
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD12	16	5.08
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD13	16	5.08
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD11	16	5.08
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD12	16	5.08
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD13	16	5.08
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD11	16	5.08
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD12	16	5.08
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD13	16	5.08
(4,1247)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD22	12	5.08
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB1	19	5.08
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB2	19	5.08
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB3	19	5.08
(4,837)	1:22:A:ALA:HB1	1:31:A:TRP:HZ3	9	5.08
(4,837)	1:22:A:ALA:HB2	1:31:A:TRP:HZ3	9	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,837)	1:22:A:ALA:HB3	1:31:A:TRP:HZ3	9	5.08
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB2	12	5.08
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB3	12	5.08
(4,28)	1:57:A:LEU:HD11	1:170:A:TYR:HE1	1	5.08
(4,28)	1:57:A:LEU:HD11	1:170:A:TYR:HE2	1	5.08
(4,28)	1:57:A:LEU:HD12	1:170:A:TYR:HE1	1	5.08
(4,28)	1:57:A:LEU:HD12	1:170:A:TYR:HE2	1	5.08
(4,28)	1:57:A:LEU:HD13	1:170:A:TYR:HE1	1	5.08
(4,28)	1:57:A:LEU:HD13	1:170:A:TYR:HE2	1	5.08
(1,520)	1:5:A:ASN:ND2	1:180:A:LEU:H	12	5.08
(1,484)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	12	5.08
(1,209)	1:21:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	6	5.08
(5,709)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	4	5.07
(5,648)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	11	5.07
(5,555)	1:5:A:ASN:ND2	1:179:A:GLU:H	9	5.07
(5,488)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	18	5.07
(5,29)	1:104:A:SER:OG	1:161:A:ALA:H	18	5.07
(4,4013)	1:11:A:ILE:HG12	1:14:A:ASN:H	16	5.07
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD11	13	5.07
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD12	13	5.07
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD13	13	5.07
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD11	13	5.07
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD12	13	5.07
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD13	13	5.07
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD11	13	5.07
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD12	13	5.07
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD13	13	5.07
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB1	16	5.07
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB2	16	5.07
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB3	16	5.07
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB1	16	5.07
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB2	16	5.07
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB3	16	5.07
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG21	1:153:A:GLN:HE21	14	5.07
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG22	1:153:A:GLN:HE21	14	5.07
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG23	1:153:A:GLN:HE21	14	5.07
(4,1357)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:HA	14	5.07
(5,342)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	13	5.06
(5,294)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	6	5.06
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG21	1:227:A:ALA:HA	8	5.06
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG22	1:227:A:ALA:HA	8	5.06
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG23	1:227:A:ALA:HA	8	5.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1357)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:HA	9	5.06
(1,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	13	5.06
(1,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	15	5.06
(1,119)	1:166:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	14	5.06
(5,786)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	12	5.05
(5,781)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	20	5.05
(5,752)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	5	5.05
(5,330)	1:225:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	16	5.05
(5,90)	1:140:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	16	5.05
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HA	12	5.05
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HA	12	5.05
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG21	1:153:A:GLN:HE21	8	5.05
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG22	1:153:A:GLN:HE21	8	5.05
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG23	1:153:A:GLN:HE21	8	5.05
(4,181)	1:162:A:ASP:HB2	1:164:A:ASN:HD21	1	5.05
(4,181)	1:162:A:ASP:HB3	1:164:A:ASN:HD21	1	5.05
(1,571)	1:5:A:ASN:ND2	1:70:A:SER:H	5	5.05
(1,169)	1:9:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	7	5.05
(5,742)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	5	5.04
(5,634)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	17	5.04
(5,616)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	6	5.04
(5,530)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	2	5.04
(5,399)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	13	5.04
(4,3789)	1:157:A:PRO:HA	1:161:A:ALA:H	1	5.04
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD21	12	5.04
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD22	12	5.04
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD23	12	5.04
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD21	12	5.04
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD22	12	5.04
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD23	12	5.04
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD21	12	5.04
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD22	12	5.04
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD23	12	5.04
(4,1623)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HE1	9	5.04
(4,1623)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HE2	9	5.04
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD11	10	5.04
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD12	10	5.04
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD13	10	5.04
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD21	10	5.04
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD22	10	5.04
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD23	10	5.04
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE1	19	5.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE2	19	5.04
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE1	19	5.04
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE2	19	5.04
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE1	19	5.04
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE2	19	5.04
(2,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	14	5.04
(1,565)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	3	5.04
(1,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	8	5.04
(1,357)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	12	5.04
(1,171)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	6	5.04
(5,576)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	20	5.03
(5,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	8	5.03
(5,442)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	12	5.03
(4,2433)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:H	17	5.03
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD21	19	5.03
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD22	19	5.03
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD23	19	5.03
(1,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	11	5.03
(1,234)	1:100:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	13	5.03
(1,210)	1:219:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	20	5.03
(5,765)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	18	5.02
(5,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	12	5.02
(5,385)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	5	5.02
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE1	2	5.02
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE2	2	5.02
(1,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	12	5.02
(5,768)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	4	5.01
(5,621)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	2	5.01
(5,589)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	18	5.01
(5,563)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	7	5.01
(5,517)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	13	5.01
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD11	13	5.01
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD12	13	5.01
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD13	13	5.01
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD11	13	5.01
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD12	13	5.01
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD13	13	5.01
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD11	13	5.01
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD12	13	5.01
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD13	13	5.01
(4,2956)	1:11:A:ILE:HG12	1:153:A:GLN:H	17	5.01
(4,999)	1:81:A:TRP:HZ3	1:129:A:PHE:H	5	5.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,849)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:H	18	5.01
(1,104)	1:56:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	4	5.01
(5,773)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	9	5.0
(5,508)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	14	5.0
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG21	11	5.0
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG22	11	5.0
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG23	11	5.0
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD11	17	5.0
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD12	17	5.0
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD13	17	5.0
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD11	17	5.0
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD12	17	5.0
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD13	17	5.0
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG21	1:153:A:GLN:HE21	12	5.0
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG22	1:153:A:GLN:HE21	12	5.0
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG23	1:153:A:GLN:HE21	12	5.0
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:H	11	5.0
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:H	11	5.0
(4,837)	1:22:A:ALA:HB1	1:31:A:TRP:HZ3	1	5.0
(4,837)	1:22:A:ALA:HB2	1:31:A:TRP:HZ3	1	5.0
(4,837)	1:22:A:ALA:HB3	1:31:A:TRP:HZ3	1	5.0
(1,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	15	5.0
(1,169)	1:9:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	17	5.0
(5,815)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	18	4.99
(5,787)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	2	4.99
(5,633)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	8	4.99
(5,600)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	13	4.99
(5,565)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	12	4.99
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD1	12	4.99
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD2	12	4.99
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD1	12	4.99
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD2	12	4.99
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD1	12	4.99
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD2	12	4.99
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD1	16	4.99
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD2	16	4.99
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD1	16	4.99
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD2	16	4.99
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD1	16	4.99
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD2	16	4.99
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE1	5	4.99
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE2	5	4.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,837)	1:22:A:ALA:HB1	1:31:A:TRP:HZ3	15	4.99
(4,837)	1:22:A:ALA:HB2	1:31:A:TRP:HZ3	15	4.99
(4,837)	1:22:A:ALA:HB3	1:31:A:TRP:HZ3	15	4.99
(1,322)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	11	4.99
(5,654)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	3	4.98
(5,541)	1:5:A:ASN:ND2	1:178:A:PHE:H	19	4.98
(5,349)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	3	4.98
(4,3213)	1:29:A:ASN:H	1:31:A:TRP:HE1	5	4.98
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD11	1:152:A:GLY:H	4	4.98
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD12	1:152:A:GLY:H	4	4.98
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD13	1:152:A:GLY:H	4	4.98
(4,372)	1:81:A:TRP:HE3	1:129:A:PHE:H	2	4.98
(5,503)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	5	4.97
(5,202)	1:53:A:LYS:H	1:225:A:ASN:ND2	7	4.97
(5,173)	1:8:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	14	4.97
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	9	4.97
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	9	4.97
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	9	4.97
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	9	4.97
(4,3138)	1:5:A:ASN:H	1:8:A:VAL:H	9	4.97
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD21	11	4.97
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD22	11	4.97
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD23	11	4.97
(1,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	6	4.97
(1,73)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	5	4.97
(5,802)	1:5:A:ASN:ND2	1:178:A:PHE:H	20	4.96
(5,766)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	13	4.96
(5,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	4	4.96
(5,371)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	2	4.96
(5,173)	1:8:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	10	4.96
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD21	2	4.96
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD22	2	4.96
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD23	2	4.96
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD1	9	4.96
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD2	9	4.96
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG11	11	4.96
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG12	11	4.96
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG13	11	4.96
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	11	4.96
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	11	4.96
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	11	4.96
(4,837)	1:22:A:ALA:HB1	1:31:A:TRP:HZ3	18	4.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,837)	1:22:A:ALA:HB2	1:31:A:TRP:HZ3	18	4.96
(4,837)	1:22:A:ALA:HB3	1:31:A:TRP:HZ3	18	4.96
(4,653)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HE1	19	4.96
(4,653)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HE2	19	4.96
(1,541)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	15	4.96
(5,705)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	19	4.95
(5,490)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	7	4.95
(5,400)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	17	4.95
(5,230)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	20	4.95
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE1	19	4.95
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE2	19	4.95
(4,3395)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA2	17	4.95
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD11	6	4.95
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD12	6	4.95
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD13	6	4.95
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD11	6	4.95
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD12	6	4.95
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD13	6	4.95
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD11	6	4.95
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD12	6	4.95
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD13	6	4.95
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD11	7	4.95
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD12	7	4.95
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD13	7	4.95
(4,1515)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HA	9	4.95
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB2	5	4.95
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB3	5	4.95
(1,385)	1:5:A:ASN:ND2	1:236:A:GLU:H	14	4.95
(1,209)	1:21:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	4	4.95
(5,778)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	14	4.94
(5,389)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	16	4.94
(5,372)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	1	4.94
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG21	1:92:A:LEU:H	5	4.94
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG22	1:92:A:LEU:H	5	4.94
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG23	1:92:A:LEU:H	5	4.94
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:H	9	4.94
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:H	9	4.94
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:H	9	4.94
(4,2461)	1:3:A:GLY:H	1:7:A:ALA:H	16	4.94
(4,1809)	1:81:A:TRP:HZ2	1:184:A:ASN:H	12	4.94
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:H	1	4.94
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:H	1	4.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	4	4.94
(1,547)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	15	4.94
(1,210)	1:219:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	12	4.94
(5,661)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	2	4.93
(5,549)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	14	4.93
(5,540)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	7	4.93
(5,493)	1:5:A:ASN:ND2	1:59:A:PHE:H	16	4.93
(5,338)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	16	4.93
(5,86)	1:12:A:GLU:H	1:140:A:ASN:ND2	4	4.93
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD21	17	4.93
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD22	17	4.93
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD23	17	4.93
(4,181)	1:162:A:ASP:HB2	1:164:A:ASN:HD21	18	4.93
(4,181)	1:162:A:ASP:HB3	1:164:A:ASN:HD21	18	4.93
(2,326)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	17	4.93
(1,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	15	4.93
(1,352)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	12	4.93
(5,472)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	11	4.92
(5,393)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	14	4.92
(5,260)	1:200:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	3	4.92
(5,79)	1:39:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	18	4.92
(4,4234)	1:2:A:SER:HA	1:8:A:VAL:HA	8	4.92
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE2	1:217:A:ASN:HA	2	4.92
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE3	1:217:A:ASN:HA	2	4.92
(4,4179)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:HD1	8	4.92
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	14	4.92
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	14	4.92
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG21	5	4.92
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG22	5	4.92
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG23	5	4.92
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG11	1	4.92
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG12	1	4.92
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG13	1	4.92
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG21	1	4.92
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG22	1	4.92
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG23	1	4.92
(4,1820)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA3	10	4.92
(4,1820)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA3	14	4.92
(1,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	20	4.92
(1,105)	1:91:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	1	4.92
(5,678)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	20	4.91
(5,534)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	14	4.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,433)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	20	4.91
(5,394)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	18	4.91
(4,1809)	1:81:A:TRP:HZ2	1:184:A:ASN:H	19	4.91
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG12	10	4.91
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG13	10	4.91
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG12	10	4.91
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG13	10	4.91
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG12	10	4.91
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG13	10	4.91
(5,829)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	1	4.9
(5,786)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	18	4.9
(5,653)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	12	4.9
(5,611)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	11	4.9
(5,570)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	1	4.9
(5,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	16	4.9
(5,387)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	12	4.9
(5,346)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	4	4.9
(5,114)	1:78:A:ASP:H	1:140:A:ASN:ND2	14	4.9
(4,468)	1:81:A:TRP:HE1	1:183:A:ARG:H	7	4.9
(5,583)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	4	4.89
(5,537)	1:5:A:ASN:ND2	1:213:A:SER:H	6	4.89
(5,429)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	19	4.89
(4,3976)	1:11:A:ILE:H	1:92:A:LEU:H	1	4.89
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD21	19	4.89
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD22	19	4.89
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD23	19	4.89
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA2	6	4.89
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA3	6	4.89
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA2	6	4.89
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA3	6	4.89
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA2	6	4.89
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA3	6	4.89
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HB	2	4.89
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HB	2	4.89
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HB	2	4.89
(4,820)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:H	12	4.89
(4,820)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:H	12	4.89
(4,820)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:H	12	4.89
(4,464)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HE1	3	4.89
(1,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	14	4.89
(1,493)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	17	4.89
(1,439)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	17	4.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,160)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	2	4.89
(5,795)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	13	4.88
(5,660)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	11	4.88
(5,446)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	5	4.88
(5,114)	1:78:A:ASP:H	1:140:A:ASN:ND2	7	4.88
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB1	9	4.88
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB2	9	4.88
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB3	9	4.88
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB1	9	4.88
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB2	9	4.88
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB3	9	4.88
(4,1555)	1:62:A:ASN:H	1:164:A:ASN:HD22	8	4.88
(4,342)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:H	7	4.88
(4,342)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:H	7	4.88
(4,113)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:HA	16	4.88
(4,113)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:HA	16	4.88
(1,496)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	14	4.88
(1,182)	1:61:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	7	4.88
(5,441)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	17	4.87
(4,2956)	1:11:A:ILE:HG12	1:153:A:GLN:H	7	4.87
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA2	1:6:A:ARG:HA	8	4.87
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA3	1:6:A:ARG:HA	8	4.87
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE1	1:210:A:ARG:HB2	1	4.87
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE1	1:210:A:ARG:HB3	1	4.87
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE2	1:210:A:ARG:HB2	1	4.87
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE2	1:210:A:ARG:HB3	1	4.87
(4,837)	1:22:A:ALA:HB1	1:31:A:TRP:HZ3	8	4.87
(4,837)	1:22:A:ALA:HB2	1:31:A:TRP:HZ3	8	4.87
(4,837)	1:22:A:ALA:HB3	1:31:A:TRP:HZ3	8	4.87
(1,512)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	11	4.87
(5,800)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	16	4.86
(5,401)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	16	4.86
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE2	1:217:A:ASN:HA	13	4.86
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE3	1:217:A:ASN:HA	13	4.86
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG21	11	4.86
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG22	11	4.86
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG23	11	4.86
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG21	11	4.86
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG22	11	4.86
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG23	11	4.86
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG21	11	4.86
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG22	11	4.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG23	11	4.86
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE1	1:194:A:SER:H	11	4.86
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE2	1:194:A:SER:H	11	4.86
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	5	4.86
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	5	4.86
(4,801)	1:48:A:LEU:HD21	1:201:A:LEU:H	18	4.86
(4,801)	1:48:A:LEU:HD22	1:201:A:LEU:H	18	4.86
(4,801)	1:48:A:LEU:HD23	1:201:A:LEU:H	18	4.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG11	15	4.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG12	15	4.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG13	15	4.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG21	15	4.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG22	15	4.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG23	15	4.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG11	15	4.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG12	15	4.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG13	15	4.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG21	15	4.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG22	15	4.86
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG23	15	4.86
(1,567)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	7	4.86
(5,781)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	10	4.85
(5,745)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	5	4.85
(5,705)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	1	4.85
(5,487)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	4	4.85
(5,444)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	11	4.85
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD11	12	4.85
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD12	12	4.85
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD13	12	4.85
(4,1433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:H	12	4.85
(4,464)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HE1	4	4.85
(5,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	10	4.84
(5,628)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	5	4.84
(5,615)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	12	4.84
(5,549)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	4	4.84
(5,362)	1:5:A:ASN:ND2	1:224:A:LEU:H	2	4.84
(5,86)	1:12:A:GLU:H	1:140:A:ASN:ND2	14	4.84
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE1	1:194:A:SER:H	1	4.84
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE2	1:194:A:SER:H	1	4.84
(4,1555)	1:62:A:ASN:H	1:164:A:ASN:HD22	4	4.84
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB1	2	4.84
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB2	2	4.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB3	2	4.84
(4,1247)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD22	10	4.84
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE21	13	4.84
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE21	13	4.84
(4,837)	1:22:A:ALA:HB1	1:31:A:TRP:HZ3	16	4.84
(4,837)	1:22:A:ALA:HB2	1:31:A:TRP:HZ3	16	4.84
(4,837)	1:22:A:ALA:HB3	1:31:A:TRP:HZ3	16	4.84
(1,182)	1:61:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	17	4.84
(5,438)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	15	4.83
(5,295)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	8	4.83
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD2	17	4.83
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD3	17	4.83
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE1	1:194:A:SER:H	7	4.83
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE2	1:194:A:SER:H	7	4.83
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD11	1:91:A:GLY:H	13	4.83
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD12	1:91:A:GLY:H	13	4.83
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD13	1:91:A:GLY:H	13	4.83
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD1	13	4.83
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD2	13	4.83
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD1	13	4.83
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD2	13	4.83
(1,73)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	19	4.83
(5,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	13	4.82
(5,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	3	4.82
(5,421)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	7	4.82
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD21	9	4.82
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD22	9	4.82
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD23	9	4.82
(4,3789)	1:157:A:PRO:HA	1:161:A:ALA:H	6	4.82
(4,3709)	1:81:A:TRP:HE1	1:181:A:ASP:HA	7	4.82
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD21	2	4.82
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD22	2	4.82
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD21	2	4.82
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD22	2	4.82
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB2	1:8:A:VAL:H	7	4.82
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB3	1:8:A:VAL:H	7	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD11	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD12	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD13	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD21	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD22	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD23	1	4.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD11	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD12	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD13	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD21	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD22	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD23	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD11	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD12	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD13	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD21	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD22	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD23	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD11	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD12	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD13	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD21	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD22	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD23	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD11	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD12	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD13	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD21	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD22	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD23	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD11	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD12	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD13	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD21	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD22	1	4.82
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD23	1	4.82
(1,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	1	4.82
(5,767)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	17	4.81
(5,728)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	18	4.81
(5,714)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	9	4.81
(5,710)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	2	4.81
(5,596)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	9	4.81
(5,534)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	11	4.81
(5,513)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	20	4.81
(5,458)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	12	4.81
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG11	20	4.81
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG12	20	4.81
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG13	20	4.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG21	20	4.81
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG22	20	4.81
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG23	20	4.81
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB2	1:8:A:VAL:H	1	4.81
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB3	1:8:A:VAL:H	1	4.81
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	3	4.81
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	3	4.81
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD1	17	4.81
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD2	17	4.81
(4,372)	1:81:A:TRP:HE3	1:129:A:PHE:H	5	4.81
(1,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	1	4.81
(5,780)	1:5:A:ASN:ND2	1:236:A:GLU:H	19	4.8
(5,699)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	1	4.8
(5,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	11	4.8
(5,602)	1:5:A:ASN:ND2	1:19:A:THR:H	2	4.8
(5,566)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	6	4.8
(4,4179)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:HD1	4	4.8
(4,3872)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HE1	9	4.8
(4,3433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:234:A:ASN:H	11	4.8
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	14	4.8
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	14	4.8
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	14	4.8
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	14	4.8
(4,2436)	1:157:A:PRO:HB2	1:160:A:THR:HA	2	4.8
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD11	17	4.8
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD12	17	4.8
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD13	17	4.8
(4,1247)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD22	15	4.8
(5,775)	1:5:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	10	4.79
(5,635)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	7	4.79
(5,371)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	3	4.79
(5,364)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	12	4.79
(5,363)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	19	4.79
(4,3803)	1:158:A:GLU:H	1:161:A:ALA:H	7	4.79
(4,1481)	1:9:A:VAL:H	1:151:A:THR:H	11	4.79
(2,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	12	4.79
(5,668)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	5	4.78
(5,402)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	16	4.78
(5,202)	1:53:A:LYS:H	1:225:A:ASN:ND2	20	4.78
(5,114)	1:78:A:ASP:H	1:140:A:ASN:ND2	8	4.78
(5,90)	1:140:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	5	4.78
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE1	7	4.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE2	7	4.78
(4,3213)	1:29:A:ASN:H	1:31:A:TRP:HE1	15	4.78
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	17	4.78
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	17	4.78
(4,1247)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD22	8	4.78
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG21	1	4.78
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG22	1	4.78
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG23	1	4.78
(5,346)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	9	4.77
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA2	2	4.77
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA3	2	4.77
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	14	4.77
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	14	4.77
(4,468)	1:81:A:TRP:HE1	1:183:A:ARG:H	15	4.77
(2,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	11	4.77
(2,620)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	5	4.77
(2,326)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	20	4.77
(1,523)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	7	4.77
(5,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	3	4.76
(5,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	6	4.76
(5,457)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	11	4.76
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	5	4.76
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	5	4.76
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	5	4.76
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	5	4.76
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB2	1:8:A:VAL:H	16	4.76
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB3	1:8:A:VAL:H	16	4.76
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE1	1:231:A:LEU:H	2	4.76
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE2	1:231:A:LEU:H	2	4.76
(4,28)	1:57:A:LEU:HD11	1:170:A:TYR:HE1	11	4.76
(4,28)	1:57:A:LEU:HD11	1:170:A:TYR:HE2	11	4.76
(4,28)	1:57:A:LEU:HD12	1:170:A:TYR:HE1	11	4.76
(4,28)	1:57:A:LEU:HD12	1:170:A:TYR:HE2	11	4.76
(4,28)	1:57:A:LEU:HD13	1:170:A:TYR:HE1	11	4.76
(4,28)	1:57:A:LEU:HD13	1:170:A:TYR:HE2	11	4.76
(1,452)	1:5:A:ASN:ND2	1:170:A:TYR:H	6	4.76
(5,714)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	20	4.75
(5,632)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	20	4.75
(5,371)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	1	4.75
(4,4179)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:HD1	10	4.75
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	19	4.75
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	19	4.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	19	4.75
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	19	4.75
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD11	1:21:A:PHE:H	10	4.75
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD12	1:21:A:PHE:H	10	4.75
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD13	1:21:A:PHE:H	10	4.75
(4,849)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:H	3	4.75
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB2	2	4.75
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB3	2	4.75
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB2	16	4.75
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB3	16	4.75
(4,495)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD22	14	4.75
(4,181)	1:162:A:ASP:HB2	1:164:A:ASN:HD21	12	4.75
(4,181)	1:162:A:ASP:HB3	1:164:A:ASN:HD21	12	4.75
(2,599)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	18	4.75
(1,579)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	17	4.75
(5,805)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	4	4.74
(5,801)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	14	4.74
(5,749)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	8	4.74
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:H	16	4.74
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:H	16	4.74
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HE1	5	4.74
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HE1	5	4.74
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HE1	5	4.74
(4,2998)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HA	10	4.74
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG11	15	4.74
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG12	15	4.74
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG13	15	4.74
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG21	15	4.74
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG22	15	4.74
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG23	15	4.74
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE2	1:214:A:TYR:HA	16	4.74
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE3	1:214:A:TYR:HA	16	4.74
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD11	1:152:A:GLY:H	9	4.74
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD12	1:152:A:GLY:H	9	4.74
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD13	1:152:A:GLY:H	9	4.74
(2,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	14	4.74
(1,278)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	18	4.74
(1,81)	1:13:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	2	4.74
(5,759)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	14	4.73
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE1	1:194:A:SER:H	18	4.73
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE2	1:194:A:SER:H	18	4.73
(4,2998)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HA	19	4.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:CD2	1	4.73
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:CD2	1	4.73
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:CD2	1	4.73
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG21	1:227:A:ALA:HA	3	4.73
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG22	1:227:A:ALA:HA	3	4.73
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG23	1:227:A:ALA:HA	3	4.73
(2,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	3	4.73
(1,394)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	3	4.73
(5,690)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	6	4.72
(5,400)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	11	4.72
(5,86)	1:12:A:GLU:H	1:140:A:ASN:ND2	18	4.72
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE1	5	4.72
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE2	5	4.72
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD21	13	4.72
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD22	13	4.72
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD23	13	4.72
(4,2998)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HA	7	4.72
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB1	19	4.72
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB2	19	4.72
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB3	19	4.72
(4,1041)	1:23:A:HIS:HD2	1:31:A:TRP:H	6	4.72
(4,464)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HE1	1	4.72
(4,45)	1:151:A:THR:HA	1:154:A:SER:HA	16	4.72
(2,636)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	3	4.72
(1,572)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	13	4.72
(5,550)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	16	4.71
(4,3919)	1:82:A:PHE:HZ	1:100:A:SER:H	3	4.71
(4,3213)	1:29:A:ASN:H	1:31:A:TRP:HE1	17	4.71
(4,3138)	1:5:A:ASN:H	1:8:A:VAL:H	18	4.71
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD11	1:164:A:ASN:HD21	10	4.71
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD12	1:164:A:ASN:HD21	10	4.71
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD13	1:164:A:ASN:HD21	10	4.71
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB2	1	4.71
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB3	1	4.71
(5,410)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	12	4.7
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD21	5	4.7
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD22	5	4.7
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD23	5	4.7
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD21	5	4.7
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD22	5	4.7
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD23	5	4.7
(4,1692)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:H	11	4.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1623)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HE1	17	4.7
(4,1623)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HE2	17	4.7
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	19	4.7
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	19	4.7
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE21	13	4.7
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE22	13	4.7
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	1	4.7
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	1	4.7
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	1	4.7
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB2	17	4.7
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB3	17	4.7
(1,503)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	1	4.7
(5,340)	1:5:A:ASN:ND2	1:13:A:SER:H	18	4.69
(4,4179)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:HD1	1	4.69
(4,3976)	1:11:A:ILE:H	1:92:A:LEU:H	11	4.69
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA2	1:6:A:ARG:HA	9	4.69
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA3	1:6:A:ARG:HA	9	4.69
(1,594)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	1	4.69
(5,600)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	18	4.68
(5,407)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	19	4.68
(5,330)	1:225:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	8	4.68
(4,4179)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:HD1	18	4.68
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG21	15	4.68
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG22	15	4.68
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG23	15	4.68
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG21	15	4.68
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG22	15	4.68
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG23	15	4.68
(4,3709)	1:81:A:TRP:HE1	1:181:A:ASP:HA	15	4.68
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG21	8	4.68
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG22	8	4.68
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG23	8	4.68
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG21	8	4.68
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG22	8	4.68
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG23	8	4.68
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG21	8	4.68
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG22	8	4.68
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG23	8	4.68
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG21	19	4.68
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG22	19	4.68
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG23	19	4.68
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG21	19	4.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG22	19	4.68
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG23	19	4.68
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG21	19	4.68
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG22	19	4.68
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG23	19	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD11	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD12	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD13	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD21	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD22	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD23	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD11	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD12	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD13	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD21	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD22	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD23	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD11	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD12	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD13	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD21	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD22	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD23	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD11	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD12	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD13	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD21	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD22	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD23	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD11	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD12	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD13	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD21	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD22	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD23	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD11	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD12	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD13	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD21	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD22	5	4.68
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD23	5	4.68
(5,362)	1:5:A:ASN:ND2	1:224:A:LEU:H	15	4.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,79)	1:39:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	4	4.67
(5,79)	1:39:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	11	4.67
(5,29)	1:104:A:SER:OG	1:161:A:ALA:H	7	4.67
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD22	13	4.67
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD22	13	4.67
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD22	13	4.67
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD22	13	4.67
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD22	13	4.67
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD22	13	4.67
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HB3	17	4.67
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HB3	17	4.67
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HB3	17	4.67
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:H	12	4.67
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:H	12	4.67
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:H	12	4.67
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD11	1:21:A:PHE:H	2	4.67
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD12	1:21:A:PHE:H	2	4.67
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD13	1:21:A:PHE:H	2	4.67
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB1	10	4.67
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB2	10	4.67
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB3	10	4.67
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB2	6	4.67
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB3	6	4.67
(4,495)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD22	4	4.67
(1,105)	1:91:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	8	4.67
(1,81)	1:13:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	5	4.67
(5,478)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	20	4.66
(5,365)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	18	4.66
(4,2858)	1:79:A:VAL:HB	1:127:A:ASN:HD21	3	4.66
(1,505)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	13	4.66
(5,314)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	8	4.65
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HA	13	4.65
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HA	13	4.65
(4,3943)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:H	3	4.65
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE21	18	4.65
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE22	18	4.65
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE21	18	4.65
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE22	18	4.65
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE1	10	4.65
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE2	10	4.65
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE2	1:214:A:TYR:HA	7	4.65
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE3	1:214:A:TYR:HA	7	4.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD11	10	4.65
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD12	10	4.65
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD13	10	4.65
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD11	10	4.65
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD12	10	4.65
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD13	10	4.65
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB2	15	4.65
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB3	15	4.65
(4,495)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD22	3	4.65
(5,812)	1:5:A:ASN:ND2	1:155:A:GLU:H	9	4.64
(5,696)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	16	4.64
(5,540)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	12	4.64
(5,90)	1:140:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	7	4.64
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD11	18	4.64
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD12	18	4.64
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD13	18	4.64
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD11	18	4.64
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD12	18	4.64
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD13	18	4.64
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD11	18	4.64
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD12	18	4.64
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD13	18	4.64
(4,3215)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:H	10	4.64
(4,3215)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:H	10	4.64
(4,2289)	1:82:A:PHE:HZ	1:97:A:HIS:H	10	4.64
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD11	9	4.64
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD12	9	4.64
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD13	9	4.64
(1,528)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	18	4.64
(1,521)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	1	4.64
(1,503)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	3	4.64
(1,146)	1:189:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	10	4.64
(5,715)	1:5:A:ASN:ND2	1:20:A:ASN:H	7	4.63
(5,614)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	8	4.63
(5,611)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	15	4.63
(5,441)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	4	4.63
(5,242)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	14	4.63
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE1	14	4.63
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE2	14	4.63
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE1	14	4.63
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE2	14	4.63
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE1	14	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE2	14	4.63
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG12	1	4.63
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG13	1	4.63
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG12	1	4.63
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG13	1	4.63
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG12	1	4.63
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG13	1	4.63
(4,1041)	1:23:A:HIS:HD2	1:31:A:TRP:H	2	4.63
(4,641)	1:9:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:H	11	4.63
(4,641)	1:9:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:H	11	4.63
(4,641)	1:9:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:H	11	4.63
(4,641)	1:9:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:H	11	4.63
(4,641)	1:9:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:H	11	4.63
(4,641)	1:9:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:H	11	4.63
(5,690)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	18	4.62
(5,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	9	4.62
(5,443)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	6	4.62
(5,202)	1:53:A:LYS:H	1:225:A:ASN:ND2	12	4.62
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD21	15	4.62
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD22	15	4.62
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD21	20	4.62
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD22	20	4.62
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD23	20	4.62
(1,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	16	4.62
(5,778)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	13	4.61
(5,776)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	10	4.61
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG2	1:178:A:PHE:HD1	13	4.61
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG2	1:178:A:PHE:HD2	13	4.61
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG3	1:178:A:PHE:HD1	13	4.61
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG3	1:178:A:PHE:HD2	13	4.61
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE1	6	4.61
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE2	6	4.61
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE1	6	4.61
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE2	6	4.61
(2,599)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	7	4.61
(1,451)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	3	4.61
(1,323)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	6	4.61
(5,645)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	20	4.6
(5,579)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	5	4.6
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD11	10	4.6
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD12	10	4.6
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD13	10	4.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD11	10	4.6
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD12	10	4.6
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD13	10	4.6
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD11	10	4.6
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD12	10	4.6
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD13	10	4.6
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:H	3	4.6
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:H	3	4.6
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB1	2	4.6
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB2	2	4.6
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB3	2	4.6
(4,45)	1:151:A:THR:HA	1:154:A:SER:HA	3	4.6
(1,539)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	19	4.6
(1,525)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	13	4.6
(1,209)	1:21:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	13	4.6
(5,613)	1:5:A:ASN:ND2	1:153:A:GLN:H	7	4.59
(5,354)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	8	4.59
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB1	10	4.59
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB2	10	4.59
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB3	10	4.59
(1,210)	1:219:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	2	4.59
(5,597)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	1	4.58
(5,347)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	11	4.58
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB2	18	4.58
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB3	18	4.58
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB2	18	4.58
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB3	18	4.58
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB2	18	4.58
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB3	18	4.58
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD11	6	4.58
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD12	6	4.58
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD13	6	4.58
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD21	6	4.58
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD22	6	4.58
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD23	6	4.58
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD11	6	4.58
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD12	6	4.58
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD13	6	4.58
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD21	6	4.58
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD22	6	4.58
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD23	6	4.58
(4,837)	1:22:A:ALA:HB1	1:31:A:TRP:HZ3	17	4.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,837)	1:22:A:ALA:HB2	1:31:A:TRP:HZ3	17	4.58
(4,837)	1:22:A:ALA:HB3	1:31:A:TRP:HZ3	17	4.58
(4,827)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA3	17	4.58
(4,473)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:H	1	4.58
(1,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	13	4.58
(1,113)	1:182:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	13	4.58
(1,72)	1:170:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	10	4.58
(5,629)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	15	4.57
(5,610)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	4	4.57
(5,496)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	5	4.57
(5,430)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	18	4.57
(5,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	13	4.57
(5,330)	1:225:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	18	4.57
(5,29)	1:104:A:SER:OG	1:161:A:ALA:H	19	4.57
(4,4179)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:HD1	2	4.57
(1,216)	1:171:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	6	4.57
(5,776)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	2	4.56
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG12	14	4.56
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG13	14	4.56
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG12	14	4.56
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG13	14	4.56
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG12	14	4.56
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG13	14	4.56
(1,171)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	4	4.56
(5,802)	1:5:A:ASN:ND2	1:178:A:PHE:H	10	4.55
(5,773)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	18	4.55
(5,708)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	4	4.55
(5,701)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	7	4.55
(5,696)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	19	4.55
(5,421)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	6	4.55
(5,391)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	18	4.55
(5,377)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	7	4.55
(5,341)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	7	4.55
(5,330)	1:225:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	15	4.55
(5,90)	1:140:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	2	4.55
(4,3943)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:H	1	4.55
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	20	4.55
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	20	4.55
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	20	4.55
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	20	4.55
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	20	4.55
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	20	4.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2956)	1:11:A:ILE:HG12	1:153:A:GLN:H	12	4.55
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA2	17	4.55
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA3	17	4.55
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA2	13	4.55
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA3	13	4.55
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA2	13	4.55
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA3	13	4.55
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA2	13	4.55
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA3	13	4.55
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG21	1:227:A:ALA:HA	5	4.55
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG22	1:227:A:ALA:HA	5	4.55
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG23	1:227:A:ALA:HA	5	4.55
(4,1809)	1:81:A:TRP:HZ2	1:184:A:ASN:H	10	4.55
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG21	1:153:A:GLN:HE21	3	4.55
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG22	1:153:A:GLN:HE21	3	4.55
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG23	1:153:A:GLN:HE21	3	4.55
(4,64)	1:81:A:TRP:HZ2	1:183:A:ARG:H	12	4.55
(2,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	5	4.55
(1,500)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	1	4.55
(1,81)	1:13:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	19	4.55
(5,818)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	14	4.54
(5,666)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	1	4.54
(5,537)	1:5:A:ASN:ND2	1:213:A:SER:H	19	4.54
(5,339)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	2	4.54
(4,1081)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA2	18	4.54
(1,513)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	13	4.54
(5,614)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	16	4.53
(5,570)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	3	4.53
(5,533)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	20	4.53
(5,488)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	8	4.53
(5,476)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	17	4.53
(4,4161)	1:11:A:ILE:HA	1:153:A:GLN:HA	13	4.53
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD11	12	4.53
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD12	12	4.53
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD13	12	4.53
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD11	12	4.53
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD12	12	4.53
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD13	12	4.53
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD11	12	4.53
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD12	12	4.53
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD13	12	4.53
(4,3138)	1:5:A:ASN:H	1:8:A:VAL:H	3	4.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2694)	1:62:A:ASN:HD22	1:65:A:ARG:H	10	4.53
(4,64)	1:81:A:TRP:HZ2	1:183:A:ARG:H	19	4.53
(1,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	11	4.53
(1,157)	1:163:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	2	4.53
(4,4179)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:HD1	13	4.52
(4,2854)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:HG2	19	4.52
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB1	18	4.52
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB2	18	4.52
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB3	18	4.52
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB1	18	4.52
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB2	18	4.52
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB3	18	4.52
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HE1	5	4.52
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HE2	5	4.52
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HE1	5	4.52
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HE2	5	4.52
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HE1	5	4.52
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HE2	5	4.52
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE1	4	4.52
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE2	4	4.52
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE1	4	4.52
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE2	4	4.52
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE1	4	4.52
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE2	4	4.52
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD21	2	4.52
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD22	2	4.52
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD23	2	4.52
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD11	17	4.52
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD12	17	4.52
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD13	17	4.52
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG21	16	4.52
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG22	16	4.52
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG23	16	4.52
(4,661)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:HE22	11	4.52
(4,661)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:HE22	11	4.52
(1,590)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	11	4.52
(5,730)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	14	4.51
(5,375)	1:5:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	15	4.51
(5,202)	1:53:A:LYS:H	1:225:A:ASN:ND2	5	4.51
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB1	20	4.51
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB2	20	4.51
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB3	20	4.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB1	20	4.51
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB2	20	4.51
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB3	20	4.51
(4,2289)	1:82:A:PHE:HZ	1:97:A:HIS:H	2	4.51
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA2	1:6:A:ARG:HA	4	4.51
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA3	1:6:A:ARG:HA	4	4.51
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD11	1:21:A:PHE:H	12	4.51
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD12	1:21:A:PHE:H	12	4.51
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD13	1:21:A:PHE:H	12	4.51
(1,451)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	8	4.51
(1,73)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	9	4.51
(1,73)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	15	4.51
(5,651)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	5	4.5
(4,4013)	1:11:A:ILE:HG12	1:14:A:ASN:H	10	4.5
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD3	1	4.5
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD3	1	4.5
(4,2461)	1:3:A:GLY:H	1:7:A:ALA:H	3	4.5
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE1	1:210:A:ARG:HB2	11	4.5
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE1	1:210:A:ARG:HB3	11	4.5
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE2	1:210:A:ARG:HB2	11	4.5
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE2	1:210:A:ARG:HB3	11	4.5
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE1	7	4.5
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE2	7	4.5
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD11	2	4.5
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD12	2	4.5
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD13	2	4.5
(4,837)	1:22:A:ALA:HB1	1:31:A:TRP:HZ3	7	4.5
(4,837)	1:22:A:ALA:HB2	1:31:A:TRP:HZ3	7	4.5
(4,837)	1:22:A:ALA:HB3	1:31:A:TRP:HZ3	7	4.5
(1,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	10	4.5
(1,422)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	3	4.5
(1,209)	1:21:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	1	4.5
(5,632)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	10	4.49
(5,585)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	8	4.49
(5,491)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	8	4.49
(5,394)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	11	4.49
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:H	9	4.49
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:H	9	4.49
(4,2998)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HA	12	4.49
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD21	2	4.49
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD22	2	4.49
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD23	2	4.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD21	2	4.49
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD22	2	4.49
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD23	2	4.49
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD21	2	4.49
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD22	2	4.49
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD23	2	4.49
(4,2694)	1:62:A:ASN:HD22	1:65:A:ARG:H	14	4.49
(4,910)	1:78:A:ASP:H	1:174:A:ASN:HD22	6	4.49
(2,326)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	12	4.49
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD21	20	4.48
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD22	20	4.48
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD23	20	4.48
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE1	1:152:A:GLY:H	5	4.48
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE2	1:152:A:GLY:H	5	4.48
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD21	7	4.48
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD22	7	4.48
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG2	5	4.48
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG3	5	4.48
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG2	5	4.48
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG3	5	4.48
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD11	1	4.48
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD12	1	4.48
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD13	1	4.48
(2,326)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	14	4.48
(1,210)	1:219:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	7	4.48
(5,720)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	7	4.47
(5,455)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	4	4.47
(4,3803)	1:158:A:GLU:H	1:161:A:ALA:H	15	4.47
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:H	1	4.47
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:H	1	4.47
(4,3074)	1:173:A:GLU:H	1:178:A:PHE:HD1	13	4.47
(4,3074)	1:173:A:GLU:H	1:178:A:PHE:HD2	13	4.47
(4,1515)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HA	17	4.47
(1,173)	1:58:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	10	4.47
(5,697)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	9	4.46
(5,457)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	10	4.46
(5,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	1	4.46
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD21	9	4.46
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD22	9	4.46
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD23	9	4.46
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD21	9	4.46
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD22	9	4.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD23	9	4.46
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD21	1	4.46
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD22	1	4.46
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD23	1	4.46
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD21	1	4.46
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD22	1	4.46
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD23	1	4.46
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD21	1	4.46
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD22	1	4.46
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD23	1	4.46
(4,2854)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:HG2	7	4.46
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD21	11	4.46
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD22	11	4.46
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD23	11	4.46
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG11	11	4.46
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG12	11	4.46
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG13	11	4.46
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG21	11	4.46
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG22	11	4.46
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG23	11	4.46
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG11	11	4.46
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG12	11	4.46
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG13	11	4.46
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG21	11	4.46
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG22	11	4.46
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG23	11	4.46
(4,277)	1:82:A:PHE:HE1	1:99:A:LEU:H	4	4.46
(4,277)	1:82:A:PHE:HE2	1:99:A:LEU:H	4	4.46
(2,480)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	6	4.46
(1,401)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	13	4.46
(1,171)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	9	4.46
(5,829)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	16	4.45
(5,660)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	3	4.45
(5,555)	1:5:A:ASN:ND2	1:179:A:GLU:H	1	4.45
(5,513)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	13	4.45
(5,351)	1:5:A:ASN:ND2	1:123:A:SER:H	6	4.45
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD21	10	4.45
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD22	10	4.45
(4,3431)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HZ2	3	4.45
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB2	20	4.45
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB3	20	4.45
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB2	20	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB3	20	4.45
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB2	20	4.45
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB3	20	4.45
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB2	20	4.45
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB3	20	4.45
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB2	20	4.45
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB3	20	4.45
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB2	20	4.45
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB3	20	4.45
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	5	4.45
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	5	4.45
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	5	4.45
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	5	4.45
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	5	4.45
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	5	4.45
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA2	7	4.45
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA3	7	4.45
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA2	7	4.45
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA3	7	4.45
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA2	7	4.45
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA3	7	4.45
(1,575)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	16	4.45
(1,119)	1:166:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	3	4.45
(5,534)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	4	4.44
(5,489)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	11	4.44
(5,452)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	11	4.44
(5,390)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	16	4.44
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD2	14	4.44
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD3	14	4.44
(4,3445)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HB2	2	4.44
(4,3445)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HB3	2	4.44
(1,259)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	18	4.44
(1,209)	1:21:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	18	4.44
(5,823)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	20	4.43
(5,808)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	16	4.43
(5,700)	1:5:A:ASN:ND2	1:70:A:SER:H	4	4.43
(5,635)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	17	4.43
(5,585)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	1	4.43
(5,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	6	4.43
(5,461)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	4	4.43
(5,114)	1:78:A:ASP:H	1:140:A:ASN:ND2	4	4.43
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB1	9	4.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB2	9	4.43
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB3	9	4.43
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB1	9	4.43
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB2	9	4.43
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB3	9	4.43
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG11	9	4.43
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG12	9	4.43
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG13	9	4.43
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG21	9	4.43
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG22	9	4.43
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG23	9	4.43
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG11	9	4.43
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG12	9	4.43
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG13	9	4.43
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG21	9	4.43
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG22	9	4.43
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG23	9	4.43
(1,119)	1:166:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	9	4.43
(5,781)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	2	4.42
(5,725)	1:5:A:ASN:ND2	1:69:A:THR:H	9	4.42
(5,506)	1:5:A:ASN:ND2	1:20:A:ASN:H	13	4.42
(5,488)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	12	4.42
(5,432)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	15	4.42
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE1	1:194:A:SER:H	2	4.42
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE2	1:194:A:SER:H	2	4.42
(5,587)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	11	4.41
(5,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	17	4.41
(5,406)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	2	4.41
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE1	1:231:A:LEU:H	20	4.41
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE2	1:231:A:LEU:H	20	4.41
(4,277)	1:82:A:PHE:HE1	1:99:A:LEU:H	10	4.41
(4,277)	1:82:A:PHE:HE2	1:99:A:LEU:H	10	4.41
(1,157)	1:163:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	4	4.41
(1,74)	1:221:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	19	4.41
(5,683)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	2	4.4
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD2	8	4.4
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD3	8	4.4
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD1	5	4.4
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD2	5	4.4
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD1	5	4.4
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD2	5	4.4
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD1	5	4.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD2	5	4.4
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB1	2	4.4
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB2	2	4.4
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB3	2	4.4
(4,2521)	1:81:A:TRP:H	1:82:A:PHE:HZ	10	4.4
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG2	11	4.4
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG3	11	4.4
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG2	11	4.4
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG3	11	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG11	14	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG12	14	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG13	14	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG21	14	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG22	14	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG23	14	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG11	14	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG12	14	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG13	14	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG21	14	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG22	14	4.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG23	14	4.4
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD11	15	4.4
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD12	15	4.4
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD13	15	4.4
(1,380)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	8	4.4
(1,182)	1:61:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	2	4.4
(5,813)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	10	4.39
(5,689)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	10	4.39
(5,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	5	4.39
(4,3138)	1:5:A:ASN:H	1:8:A:VAL:H	4	4.39
(4,2436)	1:157:A:PRO:HB2	1:160:A:THR:HA	20	4.39
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE1	16	4.39
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE2	16	4.39
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE1	16	4.39
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE2	16	4.39
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE1	16	4.39
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE2	16	4.39
(4,2086)	1:61:A:ILE:HB	1:164:A:ASN:HD21	10	4.39
(4,1864)	1:11:A:ILE:H	1:90:A:CYS:H	1	4.39
(4,896)	1:82:A:PHE:HE1	1:127:A:ASN:H	19	4.39
(4,896)	1:82:A:PHE:HE2	1:127:A:ASN:H	19	4.39
(4,653)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HE1	15	4.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,653)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HE2	15	4.39
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE1	9	4.39
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE2	9	4.39
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE1	9	4.39
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE2	9	4.39
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE1	9	4.39
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE2	9	4.39
(2,326)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	19	4.39
(1,119)	1:166:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	8	4.39
(5,801)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	20	4.38
(5,762)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	20	4.38
(5,609)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	15	4.38
(5,441)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	14	4.38
(5,314)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	3	4.38
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD2	12	4.38
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD3	12	4.38
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB1	12	4.38
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB2	12	4.38
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB3	12	4.38
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB1	19	4.38
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB2	19	4.38
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB3	19	4.38
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE1	1:194:A:SER:H	19	4.38
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE2	1:194:A:SER:H	19	4.38
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG11	18	4.38
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG12	18	4.38
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG13	18	4.38
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG21	18	4.38
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG22	18	4.38
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG23	18	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD11	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD12	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD13	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD21	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD22	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD23	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD11	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD12	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD13	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD21	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD22	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD23	11	4.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD11	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD12	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD13	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD21	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD22	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD23	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD11	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD12	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD13	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD21	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD22	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD23	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD11	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD12	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD13	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD21	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD22	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD23	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD11	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD12	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD13	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD21	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD22	11	4.38
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD23	11	4.38
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB1	17	4.38
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB2	17	4.38
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB3	17	4.38
(4,780)	1:73:A:ILE:HG12	1:76:A:SER:H	18	4.38
(4,780)	1:73:A:ILE:HG13	1:76:A:SER:H	18	4.38
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD1	2	4.38
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD2	2	4.38
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD1	2	4.38
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD2	2	4.38
(4,372)	1:81:A:TRP:HE3	1:129:A:PHE:H	10	4.38
(1,609)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	15	4.38
(1,484)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	11	4.38
(1,171)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	16	4.38
(5,811)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	6	4.37
(5,609)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	4	4.37
(5,557)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	10	4.37
(5,454)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	7	4.37
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD21	20	4.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD22	20	4.37
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD23	20	4.37
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD21	20	4.37
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD22	20	4.37
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD23	20	4.37
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD21	20	4.37
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD22	20	4.37
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD23	20	4.37
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HB	20	4.37
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HB	20	4.37
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HB	20	4.37
(4,641)	1:9:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:H	20	4.37
(4,641)	1:9:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:H	20	4.37
(4,641)	1:9:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:H	20	4.37
(4,641)	1:9:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:H	20	4.37
(4,641)	1:9:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:H	20	4.37
(4,641)	1:9:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:H	20	4.37
(1,209)	1:21:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	10	4.37
(5,694)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	20	4.36
(5,630)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	7	4.36
(5,591)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	4	4.36
(5,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	18	4.36
(5,504)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	15	4.36
(5,471)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	7	4.36
(5,294)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	8	4.36
(4,4179)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:HD1	3	4.36
(4,3917)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:H	19	4.36
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD2	19	4.36
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD3	19	4.36
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	1	4.36
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	1	4.36
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	1	4.36
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD21	7	4.36
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD22	7	4.36
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD21	7	4.36
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD22	7	4.36
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	15	4.36
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	15	4.36
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	15	4.36
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG21	13	4.36
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG22	13	4.36
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG23	13	4.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,606)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	13	4.36
(1,74)	1:221:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	5	4.36
(5,448)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	15	4.35
(5,86)	1:12:A:GLU:H	1:140:A:ASN:ND2	17	4.35
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB2	1	4.35
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB3	1	4.35
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB2	1	4.35
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB3	1	4.35
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB2	1	4.35
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB3	1	4.35
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB2	1	4.35
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB3	1	4.35
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB2	1	4.35
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB3	1	4.35
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB2	1	4.35
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB3	1	4.35
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	2	4.35
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	2	4.35
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG21	1:164:A:ASN:HD21	10	4.35
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG22	1:164:A:ASN:HD21	10	4.35
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG23	1:164:A:ASN:HD21	10	4.35
(4,849)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:H	5	4.35
(5,638)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	7	4.34
(5,422)	1:5:A:ASN:ND2	1:55:A:ILE:H	15	4.34
(5,410)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	17	4.34
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD3	16	4.34
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD3	16	4.34
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	9	4.34
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	9	4.34
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	13	4.34
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	13	4.34
(4,837)	1:22:A:ALA:HB1	1:31:A:TRP:HZ3	3	4.34
(4,837)	1:22:A:ALA:HB2	1:31:A:TRP:HZ3	3	4.34
(4,837)	1:22:A:ALA:HB3	1:31:A:TRP:HZ3	3	4.34
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD11	19	4.34
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD12	19	4.34
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD13	19	4.34
(5,777)	1:5:A:ASN:ND2	1:180:A:LEU:H	20	4.33
(5,435)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	2	4.33
(5,412)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	19	4.33
(5,348)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	15	4.33
(5,202)	1:53:A:LYS:H	1:225:A:ASN:ND2	19	4.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3943)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:H	18	4.33
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD2	2	4.33
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD3	2	4.33
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB1	2	4.33
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB2	2	4.33
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB3	2	4.33
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD21	2	4.33
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD22	2	4.33
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD23	2	4.33
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB1	4	4.33
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB2	4	4.33
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB3	4	4.33
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB1	4	4.33
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB2	4	4.33
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB3	4	4.33
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB1	4	4.33
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB2	4	4.33
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB3	4	4.33
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	19	4.33
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	19	4.33
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	19	4.33
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	19	4.33
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	19	4.33
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	19	4.33
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB1	20	4.33
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB2	20	4.33
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB3	20	4.33
(4,447)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	9	4.33
(1,594)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	3	4.33
(5,606)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	11	4.32
(5,530)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	16	4.32
(5,414)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	2	4.32
(4,4234)	1:2:A:SER:HA	1:8:A:VAL:HA	11	4.32
(4,3789)	1:157:A:PRO:HA	1:161:A:ALA:H	3	4.32
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE1	1	4.32
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE2	1	4.32
(4,3138)	1:5:A:ASN:H	1:8:A:VAL:H	16	4.32
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD21	19	4.32
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD22	19	4.32
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE1	4	4.32
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE2	4	4.32
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE1	4	4.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE2	4	4.32
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE1	5	4.32
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE2	5	4.32
(1,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	14	4.32
(1,504)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	1	4.32
(5,771)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	2	4.31
(5,534)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	9	4.31
(5,528)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	6	4.31
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD21	10	4.31
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD22	10	4.31
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD23	10	4.31
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	15	4.31
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	15	4.31
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	15	4.31
(4,2196)	1:18:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	5	4.31
(4,2196)	1:18:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	5	4.31
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB1	13	4.31
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB2	13	4.31
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB3	13	4.31
(1,593)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	6	4.31
(1,498)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	15	4.31
(1,210)	1:219:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	14	4.31
(1,160)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	5	4.31
(5,630)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	2	4.3
(5,597)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	16	4.3
(5,489)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	2	4.3
(5,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	7	4.3
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD2	13	4.3
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD3	13	4.3
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE1	6	4.3
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE2	6	4.3
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	8	4.3
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	8	4.3
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	8	4.3
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE1	11	4.3
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE2	11	4.3
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE1	11	4.3
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE2	11	4.3
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE1	11	4.3
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE2	11	4.3
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HE22	3	4.3
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HE22	3	4.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HE22	3	4.3
(1,411)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	3	4.3
(5,431)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	15	4.29
(5,90)	1:140:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	1	4.29
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD21	13	4.29
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD21	13	4.29
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD21	13	4.29
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD21	13	4.29
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD21	13	4.29
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD21	13	4.29
(4,3507)	1:153:A:GLN:HE22	1:155:A:GLU:H	16	4.29
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG21	16	4.29
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG22	16	4.29
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG23	16	4.29
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG21	16	4.29
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG22	16	4.29
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG23	16	4.29
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG21	16	4.29
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG22	16	4.29
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG23	16	4.29
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG21	16	4.29
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG22	16	4.29
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG23	16	4.29
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG21	16	4.29
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG22	16	4.29
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG23	16	4.29
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG21	16	4.29
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG22	16	4.29
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG23	16	4.29
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE1	18	4.29
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE2	18	4.29
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE1	18	4.29
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE2	18	4.29
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE1	18	4.29
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE2	18	4.29
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD21	13	4.29
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD22	13	4.29
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD23	13	4.29
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD11	20	4.29
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD12	20	4.29
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD13	20	4.29
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD21	20	4.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD22	20	4.29
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD23	20	4.29
(4,669)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:H	1	4.29
(1,557)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	17	4.29
(5,702)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	6	4.28
(5,622)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	8	4.28
(5,612)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	5	4.28
(5,581)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	13	4.28
(5,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	15	4.28
(5,202)	1:53:A:LYS:H	1:225:A:ASN:ND2	17	4.28
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD11	7	4.28
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD12	7	4.28
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD13	7	4.28
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD21	19	4.28
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD22	19	4.28
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD23	19	4.28
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD21	19	4.28
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD22	19	4.28
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD23	19	4.28
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG21	19	4.28
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG22	19	4.28
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG23	19	4.28
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	1	4.28
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	1	4.28
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	1	4.28
(1,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	8	4.28
(1,275)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	6	4.28
(1,162)	1:98:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	10	4.28
(5,695)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	7	4.27
(5,79)	1:39:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	3	4.27
(4,3872)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HE1	4	4.27
(4,3213)	1:29:A:ASN:H	1:31:A:TRP:HE1	2	4.27
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	11	4.27
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	11	4.27
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	11	4.27
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	11	4.27
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	11	4.27
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	11	4.27
(4,2497)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HZ3	1	4.27
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE1	2	4.27
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE2	2	4.27
(4,495)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD22	2	4.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,60)	1:79:A:VAL:HG11	1:190:A:TYR:H	1	4.27
(4,60)	1:79:A:VAL:HG12	1:190:A:TYR:H	1	4.27
(4,60)	1:79:A:VAL:HG13	1:190:A:TYR:H	1	4.27
(1,384)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	17	4.27
(1,87)	1:220:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	17	4.27
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE1	11	4.26
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE2	11	4.26
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:H	20	4.26
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:H	20	4.26
(4,2735)	1:153:A:GLN:HE22	1:156:A:ALA:H	5	4.26
(4,992)	1:81:A:TRP:HE1	1:84:A:GLN:H	7	4.26
(1,578)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	3	4.26
(5,830)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	18	4.25
(5,795)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	14	4.25
(5,576)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	13	4.25
(5,406)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	11	4.25
(5,400)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	9	4.25
(5,394)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	16	4.25
(5,260)	1:200:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	10	4.25
(4,3433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:234:A:ASN:H	10	4.25
(4,3220)	1:31:A:TRP:HE3	1:53:A:LYS:H	15	4.25
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE1	13	4.25
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE2	13	4.25
(4,2694)	1:62:A:ASN:HD22	1:65:A:ARG:H	8	4.25
(4,2622)	1:5:A:ASN:HD21	1:7:A:ALA:H	6	4.25
(4,2497)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HZ3	7	4.25
(4,2497)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HZ3	19	4.25
(4,2289)	1:82:A:PHE:HZ	1:97:A:HIS:H	5	4.25
(4,1820)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA3	9	4.25
(4,818)	1:31:A:TRP:HZ3	1:232:A:GLY:HA2	4	4.25
(4,818)	1:31:A:TRP:HZ3	1:232:A:GLY:HA3	4	4.25
(4,102)	1:150:A:SER:H	1:157:A:PRO:HD2	3	4.25
(1,81)	1:13:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	17	4.25
(5,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	6	4.24
(5,526)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	3	4.24
(5,260)	1:200:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	6	4.24
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE1	18	4.24
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE2	18	4.24
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HA	7	4.24
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HA	7	4.24
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD2	15	4.24
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD3	15	4.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD21	4	4.24
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD22	4	4.24
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD23	4	4.24
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD21	5	4.24
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD22	5	4.24
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD23	5	4.24
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD21	5	4.24
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD22	5	4.24
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD23	5	4.24
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD21	5	4.24
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD22	5	4.24
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD23	5	4.24
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE1	16	4.24
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE2	16	4.24
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE1	16	4.24
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE2	16	4.24
(4,1233)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HH2	5	4.24
(4,113)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:HA	8	4.24
(4,113)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:HA	8	4.24
(2,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	14	4.24
(1,599)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	6	4.24
(1,339)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	13	4.24
(5,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	8	4.23
(5,480)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	9	4.23
(5,473)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	2	4.23
(5,114)	1:78:A:ASP:H	1:140:A:ASN:ND2	1	4.23
(5,79)	1:39:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	14	4.23
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD21	17	4.23
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD22	17	4.23
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD23	17	4.23
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD21	17	4.23
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD22	17	4.23
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD23	17	4.23
(4,3220)	1:31:A:TRP:HE3	1:53:A:LYS:H	17	4.23
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB1	15	4.23
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB2	15	4.23
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB3	15	4.23
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HE1	20	4.23
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HE1	20	4.23
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HE1	20	4.23
(4,2497)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HZ3	13	4.23
(4,2497)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HZ3	18	4.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:H	6	4.23
(4,1081)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA2	20	4.23
(4,788)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HA	19	4.23
(1,513)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	17	4.23
(5,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	4	4.22
(5,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	14	4.22
(5,457)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	20	4.22
(5,391)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	8	4.22
(4,4251)	1:81:A:TRP:HH2	1:184:A:ASN:H	2	4.22
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE1	4	4.22
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE2	4	4.22
(4,3917)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:H	12	4.22
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG21	2	4.22
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG22	2	4.22
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG23	2	4.22
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG21	2	4.22
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG22	2	4.22
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG23	2	4.22
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG11	17	4.22
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG12	17	4.22
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG13	17	4.22
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG11	17	4.22
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG12	17	4.22
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG13	17	4.22
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB1	5	4.22
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB2	5	4.22
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB3	5	4.22
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB1	5	4.22
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB2	5	4.22
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB3	5	4.22
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG21	8	4.22
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG22	8	4.22
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG23	8	4.22
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	15	4.22
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	15	4.22
(4,1321)	1:8:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	15	4.22
(1,169)	1:9:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	12	4.22
(1,104)	1:56:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	3	4.22
(5,762)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	11	4.21
(5,729)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	17	4.21
(5,710)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	20	4.21
(5,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	20	4.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG11	11	4.21
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG12	11	4.21
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG13	11	4.21
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG21	11	4.21
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG22	11	4.21
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG23	11	4.21
(4,2885)	1:119:A:GLN:HE22	1:133:A:THR:H	15	4.21
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG21	9	4.21
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG22	9	4.21
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG23	9	4.21
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB1	5	4.21
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB2	5	4.21
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB3	5	4.21
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:H	7	4.21
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:H	7	4.21
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:H	7	4.21
(4,1247)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD22	16	4.21
(2,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	16	4.21
(1,182)	1:61:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	15	4.21
(5,830)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	12	4.2
(5,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	18	4.2
(5,376)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	13	4.2
(4,3872)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HE1	3	4.2
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB1	7	4.2
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB2	7	4.2
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB3	7	4.2
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB1	7	4.2
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB2	7	4.2
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB3	7	4.2
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB1	7	4.2
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB2	7	4.2
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB3	7	4.2
(4,3300)	1:163:A:THR:HG21	1:166:A:HIS:HA	1	4.2
(4,3300)	1:163:A:THR:HG22	1:166:A:HIS:HA	1	4.2
(4,3300)	1:163:A:THR:HG23	1:166:A:HIS:HA	1	4.2
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD21	13	4.2
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD22	13	4.2
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD23	13	4.2
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD21	13	4.2
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD22	13	4.2
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD23	13	4.2
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD21	12	4.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD22	12	4.2
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	10	4.2
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	10	4.2
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	10	4.2
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	10	4.2
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	10	4.2
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	10	4.2
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE2	1:214:A:TYR:HA	10	4.2
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE3	1:214:A:TYR:HA	10	4.2
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:H	8	4.2
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:H	8	4.2
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:H	8	4.2
(4,2461)	1:3:A:GLY:H	1:7:A:ALA:H	1	4.2
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE21	14	4.2
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE22	14	4.2
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE1	11	4.2
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE2	11	4.2
(4,447)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	13	4.2
(1,347)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	14	4.2
(1,234)	1:100:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	10	4.2
(1,179)	1:57:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	10	4.2
(5,591)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	11	4.19
(5,421)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	16	4.19
(5,377)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	8	4.19
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HA	4	4.19
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HA	4	4.19
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD21	1:170:A:TYR:HE1	11	4.19
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD21	1:170:A:TYR:HE2	11	4.19
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD22	1:170:A:TYR:HE1	11	4.19
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD22	1:170:A:TYR:HE2	11	4.19
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD23	1:170:A:TYR:HE1	11	4.19
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD23	1:170:A:TYR:HE2	11	4.19
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	20	4.19
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	20	4.19
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD11	11	4.19
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD12	11	4.19
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD13	11	4.19
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD11	11	4.19
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD12	11	4.19
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD13	11	4.19
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB1	15	4.19
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB2	15	4.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB3	15	4.19
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD21	9	4.19
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD22	9	4.19
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD23	9	4.19
(4,941)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:H	19	4.19
(4,941)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:H	19	4.19
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD11	12	4.19
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD12	12	4.19
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD13	12	4.19
(4,676)	1:81:A:TRP:HE1	1:182:A:GLY:HA3	19	4.19
(1,506)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	15	4.19
(5,812)	1:5:A:ASN:ND2	1:155:A:GLU:H	13	4.18
(5,593)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	12	4.18
(5,404)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	20	4.18
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD21	5	4.18
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD22	5	4.18
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD23	5	4.18
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG2	1:157:A:PRO:HB3	3	4.18
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG3	1:157:A:PRO:HB3	3	4.18
(4,1555)	1:62:A:ASN:H	1:164:A:ASN:HD22	10	4.18
(4,992)	1:81:A:TRP:HE1	1:84:A:GLN:H	12	4.18
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB1	5	4.18
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB2	5	4.18
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB3	5	4.18
(1,160)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	13	4.18
(5,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	3	4.17
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD2	9	4.17
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD3	9	4.17
(4,3919)	1:82:A:PHE:HZ	1:100:A:SER:H	11	4.17
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD21	15	4.17
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD22	15	4.17
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB1	5	4.17
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB2	5	4.17
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB3	5	4.17
(4,3215)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:H	19	4.17
(4,3215)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:H	19	4.17
(4,2497)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HZ3	8	4.17
(4,2100)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HE3	19	4.17
(4,1837)	1:7:A:ALA:HA	1:88:A:ASN:H	1	4.17
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG21	1:153:A:GLN:HE21	1	4.17
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG22	1:153:A:GLN:HE21	1	4.17
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG23	1:153:A:GLN:HE21	1	4.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1431)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HZ	10	4.17
(4,1431)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HZ	10	4.17
(4,1431)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HZ	10	4.17
(4,661)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:HE22	17	4.17
(4,661)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:HE22	17	4.17
(4,102)	1:150:A:SER:H	1:157:A:PRO:HD2	1	4.17
(4,102)	1:150:A:SER:H	1:157:A:PRO:HD2	2	4.17
(1,563)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	18	4.17
(5,567)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	18	4.16
(5,446)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	7	4.16
(5,371)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	19	4.16
(5,86)	1:12:A:GLU:H	1:140:A:ASN:ND2	13	4.16
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD11	1	4.16
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD12	1	4.16
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD13	1	4.16
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD11	1	4.16
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD12	1	4.16
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD13	1	4.16
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD11	1	4.16
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD12	1	4.16
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD13	1	4.16
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD1	14	4.16
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD2	14	4.16
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD1	14	4.16
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD2	14	4.16
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD1	14	4.16
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD2	14	4.16
(4,3213)	1:29:A:ASN:H	1:31:A:TRP:HE1	4	4.16
(4,2497)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HZ3	6	4.16
(4,1864)	1:11:A:ILE:H	1:90:A:CYS:H	11	4.16
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD11	18	4.16
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD12	18	4.16
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD13	18	4.16
(5,780)	1:5:A:ASN:ND2	1:236:A:GLU:H	8	4.15
(5,578)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	18	4.15
(5,363)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	15	4.15
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG12	17	4.15
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG13	17	4.15
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG12	17	4.15
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG13	17	4.15
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG12	17	4.15
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG13	17	4.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG2	16	4.15
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG3	16	4.15
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG2	16	4.15
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG3	16	4.15
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD11	11	4.15
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD12	11	4.15
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD13	11	4.15
(2,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	9	4.15
(5,496)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	12	4.14
(4,4294)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:HD22	13	4.14
(4,3872)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HE1	1	4.14
(4,3395)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA2	13	4.14
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:H	5	4.14
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:H	5	4.14
(4,2735)	1:153:A:GLN:HE22	1:156:A:ALA:H	12	4.14
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	10	4.14
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	10	4.14
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	10	4.14
(4,1809)	1:81:A:TRP:HZ2	1:184:A:ASN:H	7	4.14
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE21	7	4.14
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE22	7	4.14
(4,992)	1:81:A:TRP:HE1	1:84:A:GLN:H	19	4.14
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD11	9	4.14
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD12	9	4.14
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD13	9	4.14
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD21	9	4.14
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD22	9	4.14
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD23	9	4.14
(1,188)	1:161:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	12	4.14
(5,629)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	11	4.13
(5,597)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	5	4.13
(5,427)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	19	4.13
(5,399)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	1	4.13
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD2	1:214:A:TYR:HA	18	4.13
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD3	1:214:A:TYR:HA	18	4.13
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG21	16	4.13
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG22	16	4.13
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG23	16	4.13
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG21	16	4.13
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG22	16	4.13
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG23	16	4.13
(4,3433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:234:A:ASN:H	5	4.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB1	6	4.13
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB2	6	4.13
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB3	6	4.13
(4,2563)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HD1	20	4.13
(4,2563)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HD2	20	4.13
(4,1357)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:HA	7	4.13
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE1	8	4.13
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE2	8	4.13
(1,452)	1:5:A:ASN:ND2	1:170:A:TYR:H	11	4.13
(5,713)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	8	4.12
(5,646)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	9	4.12
(5,439)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	15	4.12
(5,421)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	12	4.12
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	17	4.12
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	17	4.12
(4,1820)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA3	1	4.12
(4,938)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	11	4.12
(2,326)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	5	4.12
(5,687)	1:5:A:ASN:ND2	1:154:A:SER:H	9	4.11
(5,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	15	4.11
(5,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	20	4.11
(5,442)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	17	4.11
(5,437)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	11	4.11
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD21	17	4.11
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD22	17	4.11
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD23	17	4.11
(4,3789)	1:157:A:PRO:HA	1:161:A:ALA:H	13	4.11
(4,1805)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HA	5	4.11
(4,1232)	1:8:A:VAL:HB	1:159:A:ALA:HA	11	4.11
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD11	14	4.11
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD12	14	4.11
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD13	14	4.11
(4,64)	1:81:A:TRP:HZ2	1:183:A:ARG:H	10	4.11
(1,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	3	4.11
(1,376)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	3	4.11
(5,786)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	17	4.1
(5,728)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	8	4.1
(5,696)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	1	4.1
(5,576)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	5	4.1
(5,86)	1:12:A:GLU:H	1:140:A:ASN:ND2	1	4.1
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE1	1:194:A:SER:H	13	4.1
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE2	1:194:A:SER:H	13	4.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG21	16	4.1
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG22	16	4.1
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG23	16	4.1
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE1	18	4.1
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE2	18	4.1
(4,910)	1:78:A:ASP:H	1:174:A:ASN:HD22	5	4.1
(4,820)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:H	20	4.1
(4,820)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:H	20	4.1
(4,820)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:H	20	4.1
(1,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	16	4.1
(1,312)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	5	4.1
(1,171)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	14	4.1
(5,406)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	5	4.09
(5,406)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	20	4.09
(4,3433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:234:A:ASN:H	14	4.09
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD11	17	4.09
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD12	17	4.09
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD13	17	4.09
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD11	17	4.09
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD12	17	4.09
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD13	17	4.09
(4,619)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:H	9	4.09
(4,619)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:H	9	4.09
(4,495)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD22	6	4.09
(1,600)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	15	4.09
(5,672)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	4	4.08
(5,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	1	4.08
(5,487)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	5	4.08
(4,3943)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:H	13	4.08
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE1	1:152:A:GLY:H	1	4.08
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE2	1:152:A:GLY:H	1	4.08
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD21	14	4.08
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD22	14	4.08
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	18	4.08
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	18	4.08
(4,2735)	1:153:A:GLN:HE22	1:156:A:ALA:H	3	4.08
(4,2497)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HZ3	3	4.08
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE1	14	4.08
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE2	14	4.08
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE1	14	4.08
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE2	14	4.08
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE1	14	4.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE2	14	4.08
(4,801)	1:48:A:LEU:HD21	1:201:A:LEU:H	5	4.08
(4,801)	1:48:A:LEU:HD22	1:201:A:LEU:H	5	4.08
(4,801)	1:48:A:LEU:HD23	1:201:A:LEU:H	5	4.08
(4,641)	1:9:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:H	10	4.08
(4,641)	1:9:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:H	10	4.08
(4,641)	1:9:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:H	10	4.08
(4,641)	1:9:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:H	10	4.08
(4,641)	1:9:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:H	10	4.08
(4,641)	1:9:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:H	10	4.08
(1,504)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	19	4.08
(1,209)	1:21:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	3	4.08
(5,549)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	9	4.07
(5,475)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	13	4.07
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE1	3	4.07
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE2	3	4.07
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HE1	2	4.07
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HE1	2	4.07
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HE1	2	4.07
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HE1	10	4.07
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HE1	10	4.07
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HE1	10	4.07
(4,849)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:H	2	4.07
(1,475)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	11	4.07
(1,209)	1:21:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	11	4.07
(1,72)	1:170:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	6	4.07
(5,783)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	5	4.06
(5,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	1	4.06
(5,555)	1:5:A:ASN:ND2	1:179:A:GLU:H	8	4.06
(5,340)	1:5:A:ASN:ND2	1:13:A:SER:H	2	4.06
(4,4235)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:H	8	4.06
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE2	1:217:A:ASN:HA	16	4.06
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE3	1:217:A:ASN:HA	16	4.06
(4,3943)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:H	6	4.06
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE1	5	4.06
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE2	5	4.06
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE1	5	4.06
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE2	5	4.06
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE1	5	4.06
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE2	5	4.06
(2,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	12	4.06
(2,326)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	9	4.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,498)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	11	4.05
(5,340)	1:5:A:ASN:ND2	1:13:A:SER:H	9	4.05
(5,296)	1:5:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	8	4.05
(4,3917)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:H	10	4.05
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD1	6	4.05
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD2	6	4.05
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD1	6	4.05
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD2	6	4.05
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD1	6	4.05
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD2	6	4.05
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG21	13	4.05
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG22	13	4.05
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG23	13	4.05
(4,661)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:HE22	1	4.05
(4,661)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:HE22	1	4.05
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD1	12	4.05
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD2	12	4.05
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD1	12	4.05
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD2	12	4.05
(5,799)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	15	4.04
(5,593)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	10	4.04
(5,455)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	19	4.04
(5,411)	1:5:A:ASN:ND2	1:98:A:SER:H	4	4.04
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE1	7	4.04
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE2	7	4.04
(4,4179)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:HD1	7	4.04
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG12	12	4.04
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG13	12	4.04
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG12	12	4.04
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG13	12	4.04
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG12	12	4.04
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG13	12	4.04
(4,3469)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HD1	13	4.04
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG11	9	4.04
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG12	9	4.04
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG13	9	4.04
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG21	9	4.04
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG22	9	4.04
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG23	9	4.04
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE1	4	4.04
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE2	4	4.04
(1,5)	1:99:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	2	4.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,666)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	8	4.03
(5,666)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	11	4.03
(5,645)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	10	4.03
(5,541)	1:5:A:ASN:ND2	1:178:A:PHE:H	4	4.03
(5,441)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	9	4.03
(4,4179)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:HD1	9	4.03
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE1	1:98:A:SER:H	2	4.03
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE2	1:98:A:SER:H	2	4.03
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD21	20	4.03
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD22	20	4.03
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD23	20	4.03
(4,2497)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HZ3	12	4.03
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:H	15	4.03
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:H	15	4.03
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:H	15	4.03
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE1	6	4.03
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE2	6	4.03
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE1	6	4.03
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE2	6	4.03
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE1	6	4.03
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE2	6	4.03
(4,1433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:H	7	4.03
(4,324)	1:153:A:GLN:HE21	1:156:A:ALA:H	5	4.03
(5,820)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	17	4.02
(5,805)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	2	4.02
(5,725)	1:5:A:ASN:ND2	1:69:A:THR:H	14	4.02
(5,594)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	9	4.02
(5,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	6	4.02
(5,503)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	4	4.02
(5,500)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	6	4.02
(5,411)	1:5:A:ASN:ND2	1:98:A:SER:H	16	4.02
(5,259)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	14	4.02
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE1	1:98:A:SER:H	16	4.02
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE2	1:98:A:SER:H	16	4.02
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD21	12	4.02
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD22	12	4.02
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD23	12	4.02
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE1	1:231:A:LEU:H	5	4.02
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE2	1:231:A:LEU:H	5	4.02
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD21	5	4.02
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD22	5	4.02
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD23	5	4.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB1	20	4.02
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB2	20	4.02
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB3	20	4.02
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB1	20	4.02
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB2	20	4.02
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB3	20	4.02
(2,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	12	4.02
(1,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	11	4.02
(1,467)	1:5:A:ASN:ND2	1:33:A:TYR:H	18	4.02
(1,105)	1:91:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	20	4.02
(5,713)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	1	4.01
(5,689)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	14	4.01
(5,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	3	4.01
(5,114)	1:78:A:ASP:H	1:140:A:ASN:ND2	18	4.01
(4,3220)	1:31:A:TRP:HE3	1:53:A:LYS:H	2	4.01
(4,3138)	1:5:A:ASN:H	1:8:A:VAL:H	7	4.01
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB1	7	4.01
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB2	7	4.01
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB3	7	4.01
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD11	1:201:A:LEU:H	5	4.01
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD12	1:201:A:LEU:H	5	4.01
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD13	1:201:A:LEU:H	5	4.01
(1,279)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	17	4.01
(1,219)	1:183:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	13	4.01
(5,491)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	5	4.0
(5,90)	1:140:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	9	4.0
(5,86)	1:12:A:GLU:H	1:140:A:ASN:ND2	12	4.0
(4,3220)	1:31:A:TRP:HE3	1:53:A:LYS:H	4	4.0
(4,2956)	1:11:A:ILE:HG12	1:153:A:GLN:H	1	4.0
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB1	6	4.0
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB2	6	4.0
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB3	6	4.0
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB1	6	4.0
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB2	6	4.0
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB3	6	4.0
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE2	1:214:A:TYR:HA	2	4.0
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE3	1:214:A:TYR:HA	2	4.0
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD21	4	4.0
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD22	4	4.0
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD23	4	4.0
(4,676)	1:81:A:TRP:HE1	1:182:A:GLY:HA3	15	4.0
(1,234)	1:100:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	6	4.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,774)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	14	3.99
(5,669)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	13	3.99
(5,449)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	11	3.99
(5,202)	1:53:A:LYS:H	1:225:A:ASN:ND2	2	3.99
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:H	1	3.99
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD3	1:158:A:GLU:H	1	3.99
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG21	1:139:A:LEU:CD1	15	3.99
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG22	1:139:A:LEU:CD1	15	3.99
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG23	1:139:A:LEU:CD1	15	3.99
(4,2839)	1:31:A:TRP:HZ3	1:53:A:LYS:H	9	3.99
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD11	14	3.99
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD12	14	3.99
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD13	14	3.99
(4,676)	1:81:A:TRP:HE1	1:182:A:GLY:HA3	12	3.99
(1,594)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	5	3.99
(1,432)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	15	3.99
(5,651)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	12	3.98
(5,600)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	14	3.98
(5,493)	1:5:A:ASN:ND2	1:59:A:PHE:H	9	3.98
(5,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	13	3.98
(5,423)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	9	3.98
(5,330)	1:225:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	11	3.98
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD21	8	3.98
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD22	8	3.98
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD23	8	3.98
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE1	8	3.98
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE2	8	3.98
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG11	10	3.98
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG12	10	3.98
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG13	10	3.98
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG21	10	3.98
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG22	10	3.98
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG23	10	3.98
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE22	13	3.98
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE22	13	3.98
(4,1433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:H	19	3.98
(1,490)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	11	3.98
(5,511)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	20	3.97
(5,114)	1:78:A:ASP:H	1:140:A:ASN:ND2	19	3.97
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HE1	3	3.97
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HE1	3	3.97
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HE1	3	3.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD11	1:91:A:GLY:H	20	3.97
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD12	1:91:A:GLY:H	20	3.97
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD13	1:91:A:GLY:H	20	3.97
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB1	6	3.97
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB2	6	3.97
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB3	6	3.97
(4,818)	1:31:A:TRP:HZ3	1:232:A:GLY:HA2	2	3.97
(4,818)	1:31:A:TRP:HZ3	1:232:A:GLY:HA3	2	3.97
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD11	1	3.97
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD12	1	3.97
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD13	1	3.97
(4,102)	1:150:A:SER:H	1:157:A:PRO:HD2	20	3.97
(5,679)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	8	3.96
(4,4161)	1:11:A:ILE:HA	1:153:A:GLN:HA	12	3.96
(4,3736)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HZ3	11	3.96
(4,3500)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD22	11	3.96
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD21	19	3.96
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD22	19	3.96
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD21	19	3.96
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD22	19	3.96
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB1	3	3.96
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB2	3	3.96
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB3	3	3.96
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB1	3	3.96
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB2	3	3.96
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB3	3	3.96
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG21	8	3.96
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG22	8	3.96
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG23	8	3.96
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE1	9	3.96
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE2	9	3.96
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE1	9	3.96
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE2	9	3.96
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE1	9	3.96
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE2	9	3.96
(4,1520)	1:23:A:HIS:HD2	1:29:A:ASN:H	6	3.96
(1,547)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	17	3.96
(1,188)	1:161:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	15	3.96
(5,546)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	17	3.95
(5,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	11	3.95
(5,294)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	3	3.95
(5,260)	1:200:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	4	3.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE1	1	3.95
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE2	1	3.95
(4,3433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:234:A:ASN:H	2	3.95
(4,2885)	1:119:A:GLN:HE22	1:133:A:THR:H	11	3.95
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD22	4	3.95
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD22	4	3.95
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD22	4	3.95
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE1	20	3.95
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE2	20	3.95
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE1	20	3.95
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE2	20	3.95
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE1	20	3.95
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE2	20	3.95
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD11	10	3.95
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD12	10	3.95
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD13	10	3.95
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD11	10	3.95
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD12	10	3.95
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD13	10	3.95
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD11	10	3.95
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD12	10	3.95
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD13	10	3.95
(4,599)	1:11:A:ILE:HG13	1:14:A:ASN:H	10	3.95
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG21	11	3.95
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG22	11	3.95
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG23	11	3.95
(1,602)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	19	3.95
(1,596)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	18	3.95
(1,188)	1:161:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	9	3.95
(1,119)	1:166:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	11	3.95
(1,5)	1:99:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	4	3.95
(5,444)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	15	3.94
(5,400)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	4	3.94
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG11	18	3.94
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG12	18	3.94
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG13	18	3.94
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG11	18	3.94
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG12	18	3.94
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG13	18	3.94
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE21	15	3.94
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE22	15	3.94
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE21	15	3.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE22	15	3.94
(4,2694)	1:62:A:ASN:HD22	1:65:A:ARG:H	15	3.94
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD11	1:201:A:LEU:H	6	3.94
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD12	1:201:A:LEU:H	6	3.94
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD13	1:201:A:LEU:H	6	3.94
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB2	1:7:A:ALA:H	12	3.94
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB3	1:7:A:ALA:H	12	3.94
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE22	3	3.94
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE22	3	3.94
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD11	19	3.94
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD12	19	3.94
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD13	19	3.94
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG21	1	3.94
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG22	1	3.94
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG23	1	3.94
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG21	1	3.94
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG22	1	3.94
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG23	1	3.94
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG21	1	3.94
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG22	1	3.94
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG23	1	3.94
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE1	13	3.94
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE2	13	3.94
(4,18)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD22	14	3.94
(4,18)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD22	14	3.94
(4,18)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD22	14	3.94
(1,588)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	5	3.94
(1,581)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	3	3.94
(1,74)	1:221:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	9	3.94
(5,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	1	3.93
(5,259)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	16	3.93
(5,202)	1:53:A:LYS:H	1:225:A:ASN:ND2	14	3.93
(4,4161)	1:11:A:ILE:HA	1:153:A:GLN:HA	1	3.93
(4,3469)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HD1	8	3.93
(4,2858)	1:79:A:VAL:HB	1:127:A:ASN:HD21	6	3.93
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB2	1:8:A:VAL:H	9	3.93
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB3	1:8:A:VAL:H	9	3.93
(4,2735)	1:153:A:GLN:HE22	1:156:A:ALA:H	16	3.93
(4,2603)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HD1	13	3.93
(4,2603)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HD2	13	3.93
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD11	1:164:A:ASN:HD21	8	3.93
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD12	1:164:A:ASN:HD21	8	3.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD13	1:164:A:ASN:HD21	8	3.93
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG21	1:227:A:ALA:HA	18	3.93
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG22	1:227:A:ALA:HA	18	3.93
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG23	1:227:A:ALA:HA	18	3.93
(4,1233)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HH2	20	3.93
(4,849)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:H	14	3.93
(4,849)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:H	16	3.93
(4,631)	1:30:A:GLU:HG3	1:31:A:TRP:HE1	17	3.93
(4,18)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD22	10	3.93
(4,18)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD22	10	3.93
(4,18)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD22	10	3.93
(5,342)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	8	3.92
(4,3976)	1:11:A:ILE:H	1:92:A:LEU:H	3	3.92
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE1	4	3.92
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE2	4	3.92
(4,3213)	1:29:A:ASN:H	1:31:A:TRP:HE1	14	3.92
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	16	3.92
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	16	3.92
(4,3070)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	16	3.92
(4,3051)	1:163:A:THR:HA	1:165:A:LEU:HB3	12	3.92
(4,2854)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:HG2	12	3.92
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	16	3.92
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	16	3.92
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	16	3.92
(4,1187)	1:82:A:PHE:HE1	1:100:A:SER:H	4	3.92
(4,1187)	1:82:A:PHE:HE2	1:100:A:SER:H	4	3.92
(4,1002)	1:118:A:SER:H	1:119:A:GLN:HE22	17	3.92
(4,638)	1:73:A:ILE:HG21	1:186:A:SER:H	20	3.92
(4,638)	1:73:A:ILE:HG22	1:186:A:SER:H	20	3.92
(4,638)	1:73:A:ILE:HG23	1:186:A:SER:H	20	3.92
(2,613)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	3	3.92
(1,474)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	11	3.92
(1,278)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	14	3.92
(1,85)	1:206:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	13	3.92
(1,73)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	16	3.92
(5,484)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	6	3.91
(5,473)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	5	3.91
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	13	3.91
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	13	3.91
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	13	3.91
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD2	5	3.91
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD3	5	3.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HE1	4	3.91
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HE2	4	3.91
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HE1	4	3.91
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HE2	4	3.91
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HE1	4	3.91
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HE2	4	3.91
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG21	8	3.91
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG22	8	3.91
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG23	8	3.91
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG21	8	3.91
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG22	8	3.91
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG23	8	3.91
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG21	8	3.91
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG22	8	3.91
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG23	8	3.91
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD21	20	3.91
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD22	20	3.91
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD23	20	3.91
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD21	10	3.91
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD22	10	3.91
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD23	10	3.91
(4,181)	1:162:A:ASP:HB2	1:164:A:ASN:HD21	11	3.91
(4,181)	1:162:A:ASP:HB3	1:164:A:ASN:HD21	11	3.91
(4,60)	1:79:A:VAL:HG11	1:190:A:TYR:H	11	3.91
(4,60)	1:79:A:VAL:HG12	1:190:A:TYR:H	11	3.91
(4,60)	1:79:A:VAL:HG13	1:190:A:TYR:H	11	3.91
(4,18)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD22	4	3.91
(4,18)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD22	4	3.91
(4,18)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD22	4	3.91
(5,336)	1:8:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	6	3.9
(5,330)	1:225:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	1	3.9
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD21	7	3.9
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD22	7	3.9
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD23	7	3.9
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HE1	1	3.9
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HE1	1	3.9
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HE1	1	3.9
(4,2885)	1:119:A:GLN:HE22	1:133:A:THR:H	10	3.9
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:H	5	3.9
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:H	5	3.9
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:H	5	3.9
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG11	16	3.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG12	16	3.9
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG13	16	3.9
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE21	15	3.9
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE22	15	3.9
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:HE22	3	3.9
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:HE22	3	3.9
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:HE22	3	3.9
(4,1041)	1:23:A:HIS:HD2	1:31:A:TRP:H	11	3.9
(4,515)	1:81:A:TRP:HE3	1:83:A:LYS:H	2	3.9
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG21	12	3.9
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG22	12	3.9
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG23	12	3.9
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG21	12	3.9
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG22	12	3.9
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG23	12	3.9
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG21	12	3.9
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG22	12	3.9
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG23	12	3.9
(4,324)	1:153:A:GLN:HE21	1:156:A:ALA:H	14	3.9
(1,588)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	7	3.9
(1,209)	1:21:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	16	3.9
(1,104)	1:56:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	18	3.9
(5,612)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	16	3.89
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	6	3.89
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	6	3.89
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	6	3.89
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	6	3.89
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	6	3.89
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	6	3.89
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG11	2	3.89
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG12	2	3.89
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG13	2	3.89
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG21	2	3.89
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG22	2	3.89
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG23	2	3.89
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG11	2	3.89
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG12	2	3.89
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG13	2	3.89
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG21	2	3.89
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG22	2	3.89
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG23	2	3.89
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG11	2	3.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG12	2	3.89
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG13	2	3.89
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG21	2	3.89
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG22	2	3.89
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG23	2	3.89
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HB3	12	3.89
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HB3	12	3.89
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HB3	12	3.89
(4,2699)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:H	1	3.89
(4,2699)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:H	1	3.89
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE1	1:231:A:LEU:H	9	3.89
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE2	1:231:A:LEU:H	9	3.89
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD21	17	3.89
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD22	17	3.89
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD23	17	3.89
(4,938)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	3	3.89
(4,181)	1:162:A:ASP:HB2	1:164:A:ASN:HD21	8	3.89
(4,181)	1:162:A:ASP:HB3	1:164:A:ASN:HD21	8	3.89
(4,18)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD22	6	3.89
(4,18)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD22	6	3.89
(4,18)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD22	6	3.89
(2,271)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:ND2	13	3.89
(1,278)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	4	3.89
(1,188)	1:161:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	8	3.89
(1,169)	1:9:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	5	3.89
(5,438)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	4	3.88
(5,414)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	6	3.88
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG11	14	3.88
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG12	14	3.88
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG13	14	3.88
(4,3300)	1:163:A:THR:HG21	1:166:A:HIS:HA	6	3.88
(4,3300)	1:163:A:THR:HG22	1:166:A:HIS:HA	6	3.88
(4,3300)	1:163:A:THR:HG23	1:166:A:HIS:HA	6	3.88
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG11	19	3.88
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG12	19	3.88
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG13	19	3.88
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG21	19	3.88
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG22	19	3.88
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG23	19	3.88
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD11	13	3.88
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD12	13	3.88
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD13	13	3.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,619)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:H	2	3.88
(4,619)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:H	2	3.88
(1,367)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	5	3.88
(1,173)	1:58:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	6	3.88
(5,806)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	2	3.87
(5,734)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	2	3.87
(5,613)	1:5:A:ASN:ND2	1:153:A:GLN:H	14	3.87
(5,425)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	17	3.87
(5,375)	1:5:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	14	3.87
(5,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	3	3.87
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:H	11	3.87
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:H	11	3.87
(4,3810)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD21	1	3.87
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	1	3.87
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	1	3.87
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	1	3.87
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	1	3.87
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	1	3.87
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	1	3.87
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD11	1:58:A:LEU:HG	5	3.87
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD12	1:58:A:LEU:HG	5	3.87
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD13	1:58:A:LEU:HG	5	3.87
(4,3127)	1:31:A:TRP:HE1	1:106:A:LEU:H	15	3.87
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE1	1:194:A:SER:H	17	3.87
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE2	1:194:A:SER:H	17	3.87
(4,2563)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HD1	14	3.87
(4,2563)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HD2	14	3.87
(1,594)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	2	3.87
(1,162)	1:98:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	6	3.87
(5,644)	1:5:A:ASN:ND2	1:180:A:LEU:H	9	3.86
(5,634)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	2	3.86
(5,427)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	1	3.86
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG21	19	3.86
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG22	19	3.86
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG23	19	3.86
(4,1830)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD22	19	3.86
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE1	1	3.86
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE2	1	3.86
(2,599)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	17	3.86
(1,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	20	3.86
(1,123)	1:97:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	13	3.86
(1,5)	1:99:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	14	3.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,666)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	19	3.85
(5,563)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	12	3.85
(5,488)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	15	3.85
(5,14)	1:87:A:LYS:H	1:104:A:SER:OG	7	3.85
(4,3917)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:H	7	3.85
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD2	16	3.85
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD3	16	3.85
(4,3803)	1:158:A:GLU:H	1:161:A:ALA:H	18	3.85
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD21	7	3.85
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD22	7	3.85
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD23	7	3.85
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD21	7	3.85
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD22	7	3.85
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD23	7	3.85
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE1	7	3.85
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE2	7	3.85
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB2	1:7:A:ALA:H	3	3.85
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB3	1:7:A:ALA:H	3	3.85
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB1	19	3.85
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB2	19	3.85
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB3	19	3.85
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB1	19	3.85
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB2	19	3.85
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB3	19	3.85
(4,2196)	1:18:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	14	3.85
(4,2196)	1:18:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	14	3.85
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB2	8	3.85
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB3	8	3.85
(1,216)	1:171:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	4	3.85
(1,165)	1:180:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	10	3.85
(5,741)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	1	3.84
(5,678)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	10	3.84
(5,577)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	13	3.84
(5,444)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	19	3.84
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:H	2	3.84
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:H	2	3.84
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD22	18	3.84
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD22	18	3.84
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD22	18	3.84
(4,926)	1:11:A:ILE:HG12	1:92:A:LEU:HA	20	3.84
(4,926)	1:11:A:ILE:HG13	1:92:A:LEU:HA	20	3.84
(4,619)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:H	4	3.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,619)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:H	4	3.84
(1,577)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	3	3.84
(5,640)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	4	3.83
(5,538)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	15	3.83
(5,14)	1:87:A:LYS:H	1:104:A:SER:OG	1	3.83
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB2	2	3.83
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB3	2	3.83
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB2	2	3.83
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB3	2	3.83
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB2	2	3.83
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB3	2	3.83
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD2	7	3.83
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD3	7	3.83
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG11	7	3.83
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG12	7	3.83
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG13	7	3.83
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD11	2	3.83
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD12	2	3.83
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD13	2	3.83
(4,2839)	1:31:A:TRP:HZ3	1:53:A:LYS:H	5	3.83
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD22	10	3.83
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD22	10	3.83
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD22	10	3.83
(4,2622)	1:5:A:ASN:HD21	1:7:A:ALA:H	2	3.83
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD11	1:91:A:GLY:H	7	3.83
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD12	1:91:A:GLY:H	7	3.83
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD13	1:91:A:GLY:H	7	3.83
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HB	3	3.83
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HB	3	3.83
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HB	3	3.83
(4,1830)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD22	7	3.83
(4,676)	1:81:A:TRP:HE1	1:182:A:GLY:HA3	2	3.83
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG21	9	3.83
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG22	9	3.83
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG23	9	3.83
(4,18)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD22	18	3.83
(4,18)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD22	18	3.83
(4,18)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD22	18	3.83
(1,279)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	12	3.83
(5,707)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	16	3.82
(5,540)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	17	3.82
(5,423)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	15	3.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,14)	1:87:A:LYS:H	1:104:A:SER:OG	5	3.82
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE1	13	3.82
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE2	13	3.82
(4,2735)	1:153:A:GLN:HE22	1:156:A:ALA:H	19	3.82
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB1	10	3.82
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB2	10	3.82
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB3	10	3.82
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB1	10	3.82
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB2	10	3.82
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB3	10	3.82
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG21	1:93:A:TYR:H	11	3.82
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG22	1:93:A:TYR:H	11	3.82
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG23	1:93:A:TYR:H	11	3.82
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG12	2	3.82
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG13	2	3.82
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG12	2	3.82
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG13	2	3.82
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG12	2	3.82
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG13	2	3.82
(4,1357)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:HA	8	3.82
(4,1081)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA2	10	3.82
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD1	6	3.82
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD2	6	3.82
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD1	6	3.82
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD2	6	3.82
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE1	13	3.82
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE2	13	3.82
(4,64)	1:81:A:TRP:HZ2	1:183:A:ARG:H	7	3.82
(1,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	1	3.82
(1,182)	1:61:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	18	3.82
(1,146)	1:189:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	6	3.82
(1,74)	1:221:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	15	3.82
(5,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	15	3.81
(5,402)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	13	3.81
(4,3469)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HD1	9	3.81
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE21	20	3.81
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE22	20	3.81
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE21	20	3.81
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE22	20	3.81
(4,2521)	1:81:A:TRP:H	1:82:A:PHE:HZ	13	3.81
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD11	17	3.81
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD12	17	3.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD13	17	3.81
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD11	17	3.81
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD12	17	3.81
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD13	17	3.81
(4,2445)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HE1	13	3.81
(4,2445)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HE2	13	3.81
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA2	1:6:A:ARG:HA	12	3.81
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA3	1:6:A:ARG:HA	12	3.81
(4,324)	1:153:A:GLN:HE21	1:156:A:ALA:H	3	3.81
(1,469)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	4	3.81
(5,622)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	3	3.8
(5,541)	1:5:A:ASN:ND2	1:178:A:PHE:H	3	3.8
(5,427)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	3	3.8
(4,3736)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HZ3	15	3.8
(4,3461)	1:11:A:ILE:HG13	1:153:A:GLN:H	1	3.8
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD21	15	3.8
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD22	15	3.8
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD21	15	3.8
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD22	15	3.8
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HE1	14	3.8
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HE2	14	3.8
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HE1	14	3.8
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HE2	14	3.8
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HE1	14	3.8
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HE2	14	3.8
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG11	10	3.8
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG12	10	3.8
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG13	10	3.8
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG11	10	3.8
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG12	10	3.8
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG13	10	3.8
(4,2100)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HE3	14	3.8
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD11	1:152:A:GLY:H	13	3.8
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD12	1:152:A:GLY:H	13	3.8
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD13	1:152:A:GLY:H	13	3.8
(4,1604)	1:233:A:PRO:HB3	1:235:A:TRP:HE1	16	3.8
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD11	16	3.8
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD12	16	3.8
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD13	16	3.8
(4,938)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	1	3.8
(4,528)	1:117:A:LYS:H	1:119:A:GLN:HE21	8	3.8
(4,165)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	17	3.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,165)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	17	3.8
(4,165)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	17	3.8
(1,179)	1:57:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	6	3.8
(5,746)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	2	3.79
(5,742)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	15	3.79
(5,569)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	14	3.79
(5,549)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	11	3.79
(5,366)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	7	3.79
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD2	10	3.79
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD3	10	3.79
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE1	13	3.79
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE2	13	3.79
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD1	10	3.79
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD2	10	3.79
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD1	10	3.79
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD2	10	3.79
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD1	10	3.79
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD2	10	3.79
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE1	14	3.79
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE2	14	3.79
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE1	14	3.79
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE2	14	3.79
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE1	7	3.79
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE2	7	3.79
(4,2086)	1:61:A:ILE:HB	1:164:A:ASN:HD21	8	3.79
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG21	11	3.79
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG22	11	3.79
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG23	11	3.79
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE1	10	3.79
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE2	10	3.79
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD11	9	3.79
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD12	9	3.79
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD13	9	3.79
(1,524)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	12	3.79
(1,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	3	3.79
(5,570)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	19	3.78
(5,525)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	19	3.78
(4,3461)	1:11:A:ILE:HG13	1:153:A:GLN:H	7	3.78
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD21	11	3.78
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD22	11	3.78
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD23	11	3.78
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HE1	20	3.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HE2	20	3.78
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HE1	20	3.78
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HE2	20	3.78
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HE1	20	3.78
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HE2	20	3.78
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD11	20	3.78
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD12	20	3.78
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD13	20	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD11	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD12	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD13	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD21	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD22	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD23	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD11	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD12	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD13	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD21	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD22	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD23	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD11	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD12	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD13	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD21	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD22	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD23	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD11	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD12	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD13	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD21	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD22	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD23	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD11	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD12	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD13	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD21	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD22	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD23	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD11	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD12	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD13	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD21	13	3.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD22	13	3.78
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD23	13	3.78
(4,992)	1:81:A:TRP:HE1	1:84:A:GLN:H	15	3.78
(4,638)	1:73:A:ILE:HG21	1:186:A:SER:H	18	3.78
(4,638)	1:73:A:ILE:HG22	1:186:A:SER:H	18	3.78
(4,638)	1:73:A:ILE:HG23	1:186:A:SER:H	18	3.78
(2,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	3	3.78
(1,567)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	11	3.78
(1,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	16	3.78
(1,436)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	3	3.78
(1,182)	1:61:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	5	3.78
(5,815)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	14	3.77
(5,786)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	2	3.77
(5,742)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	11	3.77
(5,580)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	16	3.77
(5,524)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	2	3.77
(4,3249)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE21	1	3.77
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD22	6	3.77
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD22	6	3.77
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD22	6	3.77
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE1	17	3.77
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE2	17	3.77
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE1	17	3.77
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE2	17	3.77
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE1	17	3.77
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE2	17	3.77
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE1	6	3.77
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE2	6	3.77
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE1	6	3.77
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE2	6	3.77
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE1	6	3.77
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE2	6	3.77
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD11	7	3.77
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD12	7	3.77
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD13	7	3.77
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD21	7	3.77
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD22	7	3.77
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD23	7	3.77
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD11	7	3.77
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD12	7	3.77
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD13	7	3.77
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD21	7	3.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD22	7	3.77
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD23	7	3.77
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG21	13	3.77
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG22	13	3.77
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG23	13	3.77
(2,599)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	15	3.77
(5,555)	1:5:A:ASN:ND2	1:179:A:GLU:H	14	3.76
(5,480)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	5	3.76
(5,475)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	18	3.76
(5,114)	1:78:A:ASP:H	1:140:A:ASN:ND2	12	3.76
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:H	6	3.76
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:H	6	3.76
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:H	6	3.76
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:H	6	3.76
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:H	6	3.76
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:H	6	3.76
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD21	17	3.76
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD22	17	3.76
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB1	3	3.76
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB2	3	3.76
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB3	3	3.76
(4,3127)	1:31:A:TRP:HE1	1:106:A:LEU:H	17	3.76
(4,849)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:H	13	3.76
(1,205)	1:62:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	17	3.76
(1,182)	1:61:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	20	3.76
(1,104)	1:56:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	1	3.76
(5,598)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	2	3.75
(5,336)	1:8:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	9	3.75
(5,202)	1:53:A:LYS:H	1:225:A:ASN:ND2	15	3.75
(5,86)	1:12:A:GLU:H	1:140:A:ASN:ND2	2	3.75
(5,29)	1:104:A:SER:OG	1:161:A:ALA:H	5	3.75
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:H	10	3.75
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:H	10	3.75
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:H	10	3.75
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:H	10	3.75
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:H	10	3.75
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:H	10	3.75
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD2	8	3.75
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD3	8	3.75
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD11	10	3.75
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD12	10	3.75
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD13	10	3.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD21	12	3.75
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD22	12	3.75
(4,3469)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HD1	1	3.75
(4,3138)	1:5:A:ASN:H	1:8:A:VAL:H	12	3.75
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD22	14	3.75
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD22	14	3.75
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD22	14	3.75
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB1	5	3.75
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB2	5	3.75
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB3	5	3.75
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB1	5	3.75
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB2	5	3.75
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB3	5	3.75
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB1	5	3.75
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB2	5	3.75
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB3	5	3.75
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB1	5	3.75
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB2	5	3.75
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB3	5	3.75
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB1	5	3.75
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB2	5	3.75
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB3	5	3.75
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB1	5	3.75
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB2	5	3.75
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB3	5	3.75
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB1	13	3.75
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB2	13	3.75
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB3	13	3.75
(4,837)	1:22:A:ALA:HB1	1:31:A:TRP:HZ3	13	3.75
(4,837)	1:22:A:ALA:HB2	1:31:A:TRP:HZ3	13	3.75
(4,837)	1:22:A:ALA:HB3	1:31:A:TRP:HZ3	13	3.75
(2,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	16	3.75
(2,326)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	8	3.75
(1,116)	1:169:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	13	3.75
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG11	4	3.74
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG12	4	3.74
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG13	4	3.74
(4,3064)	1:48:A:LEU:CD2	1:52:A:VAL:HG21	18	3.74
(4,3064)	1:48:A:LEU:CD2	1:52:A:VAL:HG22	18	3.74
(4,3064)	1:48:A:LEU:CD2	1:52:A:VAL:HG23	18	3.74
(4,2982)	1:4:A:GLU:H	1:147:A:GLN:H	3	3.74
(4,1123)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HD22	3	3.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB1	15	3.74
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB2	15	3.74
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB3	15	3.74
(1,595)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	18	3.74
(1,197)	1:85:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	18	3.74
(5,784)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	5	3.73
(5,710)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	10	3.73
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD22	2	3.73
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD22	2	3.73
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD22	2	3.73
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD22	2	3.73
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD22	2	3.73
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD22	2	3.73
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB2	1:8:A:VAL:H	11	3.73
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB3	1:8:A:VAL:H	11	3.73
(4,2436)	1:157:A:PRO:HB2	1:160:A:THR:HA	3	3.73
(4,2086)	1:61:A:ILE:HB	1:164:A:ASN:HD21	14	3.73
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB1	18	3.73
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB2	18	3.73
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB3	18	3.73
(4,528)	1:117:A:LYS:H	1:119:A:GLN:HE21	11	3.73
(2,596)	1:5:A:ASN:ND2	1:20:A:ASN:H	6	3.73
(1,591)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	11	3.73
(1,160)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	4	3.73
(5,599)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	1	3.72
(5,377)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	4	3.72
(5,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	10	3.72
(4,3789)	1:157:A:PRO:HA	1:161:A:ALA:H	7	3.72
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB1	16	3.72
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB2	16	3.72
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB3	16	3.72
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB1	16	3.72
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB2	16	3.72
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB3	16	3.72
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE2	1:214:A:TYR:HA	20	3.72
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE3	1:214:A:TYR:HA	20	3.72
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD11	1:164:A:ASN:HD21	14	3.72
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD12	1:164:A:ASN:HD21	14	3.72
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD13	1:164:A:ASN:HD21	14	3.72
(4,2053)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD21	7	3.72
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG12	5	3.72
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG13	5	3.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG12	5	3.72
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG13	5	3.72
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG12	5	3.72
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG13	5	3.72
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB1	8	3.72
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB2	8	3.72
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB3	8	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD11	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD12	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD13	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD21	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD22	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG11	1:224:A:LEU:HD23	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD11	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD12	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD13	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD21	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD22	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG12	1:224:A:LEU:HD23	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD11	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD12	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD13	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD21	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD22	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG13	1:224:A:LEU:HD23	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD11	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD12	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD13	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD21	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD22	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG21	1:224:A:LEU:HD23	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD11	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD12	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD13	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD21	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD22	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG22	1:224:A:LEU:HD23	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD11	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD12	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD13	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD21	2	3.72
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD22	2	3.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1200)	1:9:A:VAL:HG23	1:224:A:LEU:HD23	2	3.72
(4,910)	1:78:A:ASP:H	1:174:A:ASN:HD22	20	3.72
(1,538)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	17	3.72
(1,104)	1:56:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	11	3.72
(5,708)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	9	3.71
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG21	1:92:A:LEU:H	2	3.71
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG22	1:92:A:LEU:H	2	3.71
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG23	1:92:A:LEU:H	2	3.71
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE2	1:217:A:ASN:HA	10	3.71
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE3	1:217:A:ASN:HA	10	3.71
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD21	18	3.71
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD22	18	3.71
(4,3500)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD22	5	3.71
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE1	1:194:A:SER:H	15	3.71
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE2	1:194:A:SER:H	15	3.71
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB1	7	3.71
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB2	7	3.71
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB3	7	3.71
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB1	7	3.71
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB2	7	3.71
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB3	7	3.71
(4,2196)	1:18:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	20	3.71
(4,2196)	1:18:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	20	3.71
(4,2053)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD21	19	3.71
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE21	19	3.71
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE22	19	3.71
(4,346)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HD1	1	3.71
(1,381)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	17	3.71
(1,205)	1:62:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	13	3.71
(5,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	3	3.7
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD11	17	3.7
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD12	17	3.7
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD13	17	3.7
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HB	9	3.7
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HB	9	3.7
(4,4013)	1:11:A:ILE:HG12	1:14:A:ASN:H	20	3.7
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD21	6	3.7
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD22	6	3.7
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD1	1:152:A:GLY:H	7	3.7
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD2	1:152:A:GLY:H	7	3.7
(4,447)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	18	3.7
(1,454)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	16	3.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,356)	1:5:A:ASN:ND2	1:36:A:ILE:H	17	3.7
(5,623)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	11	3.69
(5,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	1	3.69
(5,474)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	2	3.69
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD22	3	3.69
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD22	3	3.69
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD22	3	3.69
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD22	3	3.69
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD22	3	3.69
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD22	3	3.69
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB1	13	3.69
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB2	13	3.69
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB3	13	3.69
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB1	13	3.69
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB2	13	3.69
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB3	13	3.69
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB1	13	3.69
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB2	13	3.69
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB3	13	3.69
(4,3500)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD22	13	3.69
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB1	9	3.69
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB2	9	3.69
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB3	9	3.69
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD11	17	3.69
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD12	17	3.69
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD13	17	3.69
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD21	17	3.69
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD22	17	3.69
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD23	17	3.69
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD11	17	3.69
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD12	17	3.69
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD13	17	3.69
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD21	17	3.69
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD22	17	3.69
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD23	17	3.69
(4,1371)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HE22	6	3.69
(4,1371)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HE22	8	3.69
(1,566)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	7	3.69
(1,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	13	3.69
(1,331)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	5	3.69
(5,774)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	16	3.68
(5,744)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	5	3.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,740)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	10	3.68
(5,724)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	4	3.68
(5,718)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	14	3.68
(5,614)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	19	3.68
(5,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	8	3.68
(5,391)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	20	3.68
(5,383)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	1	3.68
(5,14)	1:87:A:LYS:H	1:104:A:SER:OG	20	3.68
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB2	6	3.68
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB3	6	3.68
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB2	6	3.68
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB3	6	3.68
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB2	6	3.68
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB3	6	3.68
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE1	5	3.68
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE2	5	3.68
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD11	14	3.68
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD12	14	3.68
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD13	14	3.68
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD11	14	3.68
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD12	14	3.68
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD13	14	3.68
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG21	3	3.68
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG22	3	3.68
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG23	3	3.68
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG21	3	3.68
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG22	3	3.68
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG23	3	3.68
(4,2563)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HD1	5	3.68
(4,2563)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HD2	5	3.68
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD11	1:164:A:ASN:HD21	7	3.68
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD12	1:164:A:ASN:HD21	7	3.68
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD13	1:164:A:ASN:HD21	7	3.68
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB1	16	3.68
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB2	16	3.68
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB3	16	3.68
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD21	12	3.68
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD22	12	3.68
(4,495)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD22	1	3.68
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG21	17	3.68
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG22	17	3.68
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG23	17	3.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,346)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HD1	13	3.68
(1,282)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	17	3.68
(1,210)	1:219:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	5	3.68
(1,105)	1:91:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	7	3.68
(1,105)	1:91:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	12	3.68
(5,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	9	3.67
(5,376)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	19	3.67
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD21	18	3.67
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD22	18	3.67
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD23	18	3.67
(4,3789)	1:157:A:PRO:HA	1:161:A:ALA:H	19	3.67
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE21	4	3.67
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE22	4	3.67
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE21	4	3.67
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE22	4	3.67
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD21	1:160:A:THR:H	1	3.67
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD22	1:160:A:THR:H	1	3.67
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD21	1:160:A:THR:H	15	3.67
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD22	1:160:A:THR:H	15	3.67
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:H	19	3.67
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:H	19	3.67
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG11	13	3.67
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG12	13	3.67
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG13	13	3.67
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG21	13	3.67
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG22	13	3.67
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG23	13	3.67
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HB	4	3.67
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HB	4	3.67
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HB	4	3.67
(4,1333)	1:153:A:GLN:HG2	1:157:A:PRO:HD3	16	3.67
(4,1333)	1:153:A:GLN:HG3	1:157:A:PRO:HD3	16	3.67
(4,1123)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HD22	2	3.67
(4,1041)	1:23:A:HIS:HD2	1:31:A:TRP:H	8	3.67
(4,999)	1:81:A:TRP:HZ3	1:129:A:PHE:H	10	3.67
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD11	13	3.67
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD12	13	3.67
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD13	13	3.67
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD21	13	3.67
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD22	13	3.67
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD23	13	3.67
(4,181)	1:162:A:ASP:HB2	1:164:A:ASN:HD21	17	3.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,181)	1:162:A:ASP:HB3	1:164:A:ASN:HD21	17	3.67
(2,271)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:ND2	5	3.67
(1,422)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	1	3.67
(1,182)	1:61:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	19	3.67
(5,583)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	2	3.66
(5,583)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	9	3.66
(5,568)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	3	3.66
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD2	15	3.66
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD3	15	3.66
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD21	12	3.66
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD22	12	3.66
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG21	1	3.66
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG22	1	3.66
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG23	1	3.66
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD11	10	3.66
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD12	10	3.66
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD13	10	3.66
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD21	10	3.66
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD22	10	3.66
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD23	10	3.66
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD11	10	3.66
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD12	10	3.66
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD13	10	3.66
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD21	10	3.66
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD22	10	3.66
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD23	10	3.66
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	18	3.66
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	18	3.66
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	18	3.66
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HD1	8	3.66
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG3	1:235:A:TRP:HD1	8	3.66
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG11	20	3.66
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG12	20	3.66
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG13	20	3.66
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG21	20	3.66
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG22	20	3.66
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG23	20	3.66
(4,1805)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HA	2	3.66
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:H	18	3.66
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:H	18	3.66
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG21	1:153:A:GLN:HE21	15	3.66
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG22	1:153:A:GLN:HE21	15	3.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG23	1:153:A:GLN:HE21	15	3.66
(4,1081)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA2	4	3.66
(4,992)	1:81:A:TRP:HE1	1:84:A:GLN:H	10	3.66
(4,837)	1:22:A:ALA:HB1	1:31:A:TRP:HZ3	20	3.66
(4,837)	1:22:A:ALA:HB2	1:31:A:TRP:HZ3	20	3.66
(4,837)	1:22:A:ALA:HB3	1:31:A:TRP:HZ3	20	3.66
(4,528)	1:117:A:LYS:H	1:119:A:GLN:HE21	19	3.66
(2,396)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	17	3.66
(1,523)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	13	3.66
(1,5)	1:99:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	3	3.66
(5,762)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	10	3.65
(5,718)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	18	3.65
(5,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	3	3.65
(5,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	11	3.65
(5,392)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	16	3.65
(5,367)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	15	3.65
(5,340)	1:5:A:ASN:ND2	1:13:A:SER:H	13	3.65
(5,90)	1:140:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	12	3.65
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD1	1	3.65
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD2	1	3.65
(4,4013)	1:11:A:ILE:HG12	1:14:A:ASN:H	1	3.65
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB2	18	3.65
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB3	18	3.65
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB2	18	3.65
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB3	18	3.65
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG11	1:139:A:LEU:CD1	8	3.65
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG12	1:139:A:LEU:CD1	8	3.65
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG13	1:139:A:LEU:CD1	8	3.65
(4,3220)	1:31:A:TRP:HE3	1:53:A:LYS:H	5	3.65
(4,2735)	1:153:A:GLN:HE22	1:156:A:ALA:H	14	3.65
(4,2399)	1:118:A:SER:HA	1:119:A:GLN:HE21	17	3.65
(4,1371)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HE22	10	3.65
(4,495)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD22	20	3.65
(1,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	4	3.65
(5,739)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	1	3.64
(4,4179)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:HD1	6	3.64
(4,3820)	1:119:A:GLN:HE22	1:128:A:ARG:H	4	3.64
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG21	2	3.64
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG22	2	3.64
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG23	2	3.64
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG21	2	3.64
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG22	2	3.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG23	2	3.64
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG21	2	3.64
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG22	2	3.64
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG23	2	3.64
(4,3300)	1:163:A:THR:HG21	1:166:A:HIS:HA	5	3.64
(4,3300)	1:163:A:THR:HG22	1:166:A:HIS:HA	5	3.64
(4,3300)	1:163:A:THR:HG23	1:166:A:HIS:HA	5	3.64
(4,3075)	1:74:A:THR:H	1:77:A:TYR:H	3	3.64
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD1	1:190:A:TYR:H	1	3.64
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD2	1:190:A:TYR:H	1	3.64
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD11	3	3.64
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD12	3	3.64
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD13	3	3.64
(4,1371)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HE22	11	3.64
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB1	15	3.64
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB2	15	3.64
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB3	15	3.64
(4,495)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD22	13	3.64
(4,447)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	4	3.64
(1,73)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	10	3.64
(5,618)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	18	3.63
(5,486)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	7	3.63
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD21	15	3.63
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD22	15	3.63
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD23	15	3.63
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HA	2	3.63
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HA	2	3.63
(4,4036)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD21	1	3.63
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE1	10	3.63
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE2	10	3.63
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD1	1:152:A:GLY:H	18	3.63
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD2	1:152:A:GLY:H	18	3.63
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD11	18	3.63
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD12	18	3.63
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD13	18	3.63
(4,2521)	1:81:A:TRP:H	1:82:A:PHE:HZ	11	3.63
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HE1	17	3.63
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HE2	17	3.63
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HE1	17	3.63
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HE2	17	3.63
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HE1	17	3.63
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HE2	17	3.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD21	7	3.63
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD22	7	3.63
(4,1247)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD22	6	3.63
(4,1022)	1:30:A:GLU:H	1:31:A:TRP:HE1	5	3.63
(4,248)	1:8:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	6	3.63
(4,248)	1:8:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	6	3.63
(4,248)	1:8:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	6	3.63
(4,248)	1:8:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	6	3.63
(4,248)	1:8:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	6	3.63
(4,248)	1:8:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	6	3.63
(2,326)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	11	3.63
(2,271)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:ND2	2	3.63
(2,271)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:ND2	7	3.63
(1,395)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	9	3.63
(5,787)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	13	3.62
(5,713)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	19	3.62
(5,708)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	7	3.62
(5,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	6	3.62
(5,399)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	8	3.62
(5,399)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	11	3.62
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD21	8	3.62
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD22	8	3.62
(4,4136)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG2	2	3.62
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HB	4	3.62
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HB	4	3.62
(4,3571)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	18	3.62
(4,3571)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	18	3.62
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HB	15	3.62
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HB	15	3.62
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HB	15	3.62
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD21	6	3.62
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD22	6	3.62
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD23	6	3.62
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD21	6	3.62
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD22	6	3.62
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD23	6	3.62
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD21	6	3.62
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD22	6	3.62
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD23	6	3.62
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE1	11	3.62
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE2	11	3.62
(4,2582)	1:163:A:THR:HB	1:165:A:LEU:HB3	6	3.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD11	9	3.62
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD12	9	3.62
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD13	9	3.62
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD11	9	3.62
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD12	9	3.62
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD13	9	3.62
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD11	9	3.62
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD12	9	3.62
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD13	9	3.62
(4,2100)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HE3	5	3.62
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD11	4	3.62
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD12	4	3.62
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD13	4	3.62
(4,1692)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:H	5	3.62
(4,938)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	16	3.62
(1,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	17	3.62
(1,182)	1:61:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	6	3.62
(5,769)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	16	3.61
(5,744)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	1	3.61
(5,724)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	12	3.61
(5,633)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	7	3.61
(5,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	11	3.61
(5,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	15	3.61
(5,496)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	18	3.61
(5,345)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	6	3.61
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE1	2	3.61
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE2	2	3.61
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD11	4	3.61
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD12	4	3.61
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD13	4	3.61
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD11	4	3.61
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD12	4	3.61
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD13	4	3.61
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD11	4	3.61
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD12	4	3.61
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD13	4	3.61
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD21	14	3.61
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD22	14	3.61
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD23	14	3.61
(4,1371)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HE22	1	3.61
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG11	3	3.61
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG12	3	3.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG13	3	3.61
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG21	3	3.61
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG22	3	3.61
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG23	3	3.61
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG11	3	3.61
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG12	3	3.61
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG13	3	3.61
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG21	3	3.61
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG22	3	3.61
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG23	3	3.61
(4,495)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD22	17	3.61
(4,324)	1:153:A:GLN:HE21	1:156:A:ALA:H	16	3.61
(2,326)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	16	3.61
(1,105)	1:91:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	9	3.61
(5,819)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	15	3.6
(5,626)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	18	3.6
(5,445)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	13	3.6
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG21	1:92:A:LEU:H	10	3.6
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG22	1:92:A:LEU:H	10	3.6
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG23	1:92:A:LEU:H	10	3.6
(4,3127)	1:31:A:TRP:HE1	1:106:A:LEU:H	4	3.6
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	3	3.6
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	3	3.6
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	3	3.6
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	3	3.6
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD11	5	3.6
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD12	5	3.6
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD13	5	3.6
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD21	5	3.6
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD22	5	3.6
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD23	5	3.6
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD11	5	3.6
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD12	5	3.6
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD13	5	3.6
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD21	5	3.6
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD22	5	3.6
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD23	5	3.6
(4,1977)	1:56:A:VAL:H	1:170:A:TYR:HD1	1	3.6
(4,1977)	1:56:A:VAL:H	1:170:A:TYR:HD2	1	3.6
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE1	20	3.6
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE2	20	3.6
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE1	20	3.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE2	20	3.6
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE1	20	3.6
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE2	20	3.6
(4,64)	1:81:A:TRP:HZ2	1:183:A:ARG:H	15	3.6
(1,459)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	8	3.6
(1,458)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	12	3.6
(1,146)	1:189:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	7	3.6
(5,718)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	13	3.59
(5,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	18	3.59
(5,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	1	3.59
(5,455)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	1	3.59
(5,406)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	15	3.59
(5,352)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	16	3.59
(5,336)	1:8:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	16	3.59
(5,14)	1:87:A:LYS:H	1:104:A:SER:OG	9	3.59
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD21	16	3.59
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD22	16	3.59
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD23	16	3.59
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD1	1:152:A:GLY:H	10	3.59
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD2	1:152:A:GLY:H	10	3.59
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	16	3.59
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	16	3.59
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	16	3.59
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	16	3.59
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	16	3.59
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	16	3.59
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD11	7	3.59
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD12	7	3.59
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD13	7	3.59
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD21	7	3.59
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD22	7	3.59
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD23	7	3.59
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD11	7	3.59
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD12	7	3.59
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD13	7	3.59
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD21	7	3.59
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD22	7	3.59
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD23	7	3.59
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD11	2	3.59
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD12	2	3.59
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD13	2	3.59
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD11	2	3.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD12	2	3.59
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD13	2	3.59
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD21	6	3.59
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD22	6	3.59
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD23	6	3.59
(4,1247)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD22	2	3.59
(4,820)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:H	17	3.59
(4,820)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:H	17	3.59
(4,820)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:H	17	3.59
(4,464)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HE1	5	3.59
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE1	17	3.59
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE2	17	3.59
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE1	17	3.59
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE2	17	3.59
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE1	17	3.59
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE2	17	3.59
(1,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	11	3.59
(1,154)	1:172:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	13	3.59
(5,742)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	1	3.58
(5,699)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	5	3.58
(5,632)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	4	3.58
(5,569)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	16	3.58
(5,295)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	10	3.58
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD21	3	3.58
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD22	3	3.58
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD21	10	3.58
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD22	10	3.58
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HE1	5	3.58
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HE2	5	3.58
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HE1	5	3.58
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HE2	5	3.58
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HE1	5	3.58
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HE2	5	3.58
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA2	13	3.58
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA3	13	3.58
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA2	13	3.58
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA3	13	3.58
(4,3500)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD22	3	3.58
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD21	18	3.58
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD22	18	3.58
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD21	18	3.58
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD22	18	3.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2885)	1:119:A:GLN:HE22	1:133:A:THR:H	19	3.58
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA2	17	3.58
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA3	17	3.58
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA2	17	3.58
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA3	17	3.58
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA2	17	3.58
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA3	17	3.58
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD11	1:152:A:GLY:H	12	3.58
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD12	1:152:A:GLY:H	12	3.58
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD13	1:152:A:GLY:H	12	3.58
(4,827)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA3	13	3.58
(4,676)	1:81:A:TRP:HE1	1:182:A:GLY:HA3	10	3.58
(4,528)	1:117:A:LYS:H	1:119:A:GLN:HE21	10	3.58
(5,786)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	20	3.57
(5,774)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	7	3.57
(5,762)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	16	3.57
(5,568)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	1	3.57
(5,522)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	7	3.57
(5,496)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	17	3.57
(5,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	9	3.57
(5,384)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	9	3.57
(5,202)	1:53:A:LYS:H	1:225:A:ASN:ND2	8	3.57
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:H	1	3.57
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:H	1	3.57
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD11	12	3.57
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD12	12	3.57
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD13	12	3.57
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD11	14	3.57
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD12	14	3.57
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD13	14	3.57
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD11	14	3.57
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD12	14	3.57
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD13	14	3.57
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD11	14	3.57
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD12	14	3.57
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD13	14	3.57
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB1	18	3.57
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB2	18	3.57
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB3	18	3.57
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG11	7	3.57
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG12	7	3.57
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG13	7	3.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG21	7	3.57
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG22	7	3.57
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG23	7	3.57
(4,1816)	1:79:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HE1	13	3.57
(4,1816)	1:79:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HE2	13	3.57
(4,1816)	1:79:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HE1	13	3.57
(4,1816)	1:79:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HE2	13	3.57
(4,1816)	1:79:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HE1	13	3.57
(4,1816)	1:79:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HE2	13	3.57
(4,1300)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD11	1	3.57
(4,1300)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD12	1	3.57
(4,1300)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD13	1	3.57
(4,365)	1:177:A:ILE:HD11	1:191:A:LEU:CD2	13	3.57
(4,365)	1:177:A:ILE:HD12	1:191:A:LEU:CD2	13	3.57
(4,365)	1:177:A:ILE:HD13	1:191:A:LEU:CD2	13	3.57
(4,346)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HD1	9	3.57
(2,326)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	15	3.57
(5,501)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	8	3.56
(5,361)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	11	3.56
(5,340)	1:5:A:ASN:ND2	1:13:A:SER:H	7	3.56
(5,202)	1:53:A:LYS:H	1:225:A:ASN:ND2	9	3.56
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD21	8	3.56
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD22	8	3.56
(4,2100)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HE3	20	3.56
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD1	4	3.56
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD2	4	3.56
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD1	4	3.56
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD2	4	3.56
(4,1431)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HZ	4	3.56
(4,1431)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HZ	4	3.56
(4,1431)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HZ	4	3.56
(4,1123)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HD22	14	3.56
(1,157)	1:163:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	16	3.56
(5,667)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	5	3.55
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD11	1:58:A:LEU:HG	8	3.55
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD12	1:58:A:LEU:HG	8	3.55
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD13	1:58:A:LEU:HG	8	3.55
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA2	7	3.55
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA3	7	3.55
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA2	7	3.55
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA3	7	3.55
(4,3519)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	3	3.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3469)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HD1	3	3.55
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE1	8	3.55
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE2	8	3.55
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE1	8	3.55
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE2	8	3.55
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE1	12	3.55
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE2	12	3.55
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE1	12	3.55
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE2	12	3.55
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE1	12	3.55
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE2	12	3.55
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD21	10	3.55
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD22	10	3.55
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD21	10	3.55
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD22	10	3.55
(4,2694)	1:62:A:ASN:HD22	1:65:A:ARG:H	12	3.55
(4,2053)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD21	5	3.55
(4,1644)	1:31:A:TRP:HE3	1:232:A:GLY:H	4	3.55
(4,1644)	1:31:A:TRP:HE3	1:232:A:GLY:H	15	3.55
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD21	17	3.55
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD22	17	3.55
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD23	17	3.55
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD21	17	3.55
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD22	17	3.55
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD23	17	3.55
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD11	5	3.55
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD12	5	3.55
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD13	5	3.55
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG11	20	3.55
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG12	20	3.55
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG13	20	3.55
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG21	20	3.55
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG22	20	3.55
(4,779)	1:2:A:SER:HB2	1:146:A:VAL:HG23	20	3.55
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG11	20	3.55
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG12	20	3.55
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG13	20	3.55
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG21	20	3.55
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG22	20	3.55
(4,779)	1:2:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG23	20	3.55
(4,528)	1:117:A:LYS:H	1:119:A:GLN:HE21	13	3.55
(4,528)	1:117:A:LYS:H	1:119:A:GLN:HE21	20	3.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,495)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	14	3.55
(5,611)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	12	3.54
(4,4179)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:HD1	16	3.54
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG11	9	3.54
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG12	9	3.54
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG13	9	3.54
(4,3570)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD21	3	3.54
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB1	20	3.54
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB2	20	3.54
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB3	20	3.54
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB1	20	3.54
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB2	20	3.54
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB3	20	3.54
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB1	20	3.54
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB2	20	3.54
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB3	20	3.54
(4,2436)	1:157:A:PRO:HB2	1:160:A:THR:HA	13	3.54
(4,2053)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD21	3	3.54
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE1	7	3.54
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE2	7	3.54
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE1	7	3.54
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE2	7	3.54
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE1	7	3.54
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE2	7	3.54
(4,464)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HE1	20	3.54
(1,348)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	17	3.54
(5,684)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	2	3.53
(5,448)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	7	3.53
(5,444)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	17	3.53
(5,412)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	15	3.53
(5,114)	1:78:A:ASP:H	1:140:A:ASN:ND2	11	3.53
(4,4122)	1:81:A:TRP:HH2	1:187:A:GLY:H	5	3.53
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG21	17	3.53
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG22	17	3.53
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG23	17	3.53
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG21	17	3.53
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG22	17	3.53
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG23	17	3.53
(4,2563)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HD1	9	3.53
(4,2563)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HD2	9	3.53
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:H	15	3.53
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:H	15	3.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1371)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HE22	16	3.53
(4,837)	1:22:A:ALA:HB1	1:31:A:TRP:HZ3	2	3.53
(4,837)	1:22:A:ALA:HB2	1:31:A:TRP:HZ3	2	3.53
(4,837)	1:22:A:ALA:HB3	1:31:A:TRP:HZ3	2	3.53
(4,528)	1:117:A:LYS:H	1:119:A:GLN:HE21	12	3.53
(2,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	15	3.53
(1,578)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	1	3.53
(5,829)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	3	3.52
(5,340)	1:5:A:ASN:ND2	1:13:A:SER:H	8	3.52
(5,90)	1:140:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	19	3.52
(4,3810)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD21	19	3.52
(4,3570)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD21	20	3.52
(4,2821)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HE1	1	3.52
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE1	1:231:A:LEU:H	3	3.52
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE2	1:231:A:LEU:H	3	3.52
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG11	4	3.52
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG12	4	3.52
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG13	4	3.52
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG21	4	3.52
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG22	4	3.52
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG23	4	3.52
(4,342)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:H	12	3.52
(4,342)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:H	12	3.52
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD11	14	3.52
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD12	14	3.52
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD13	14	3.52
(4,60)	1:79:A:VAL:HG11	1:190:A:TYR:H	2	3.52
(4,60)	1:79:A:VAL:HG12	1:190:A:TYR:H	2	3.52
(4,60)	1:79:A:VAL:HG13	1:190:A:TYR:H	2	3.52
(1,565)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	19	3.52
(1,549)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	17	3.52
(1,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	13	3.52
(1,104)	1:56:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	16	3.52
(5,600)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	20	3.51
(5,459)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	11	3.51
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB2	19	3.51
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB3	19	3.51
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB2	19	3.51
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB3	19	3.51
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB2	19	3.51
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB3	19	3.51
(4,2885)	1:119:A:GLN:HE22	1:133:A:THR:H	9	3.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD11	9	3.51
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD12	9	3.51
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD13	9	3.51
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD11	9	3.51
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD12	9	3.51
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD13	9	3.51
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD11	9	3.51
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD12	9	3.51
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD13	9	3.51
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD11	9	3.51
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD12	9	3.51
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD13	9	3.51
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD11	9	3.51
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD12	9	3.51
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD13	9	3.51
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD11	9	3.51
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD12	9	3.51
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD13	9	3.51
(4,2053)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD21	6	3.51
(4,1653)	1:17:A:VAL:H	1:152:A:GLY:HA2	10	3.51
(4,619)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:H	13	3.51
(4,619)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:H	13	3.51
(1,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	11	3.51
(1,213)	1:160:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	6	3.51
(5,501)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	1	3.5
(5,476)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	14	3.5
(5,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	8	3.5
(5,363)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	17	3.5
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD21	1	3.5
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD22	1	3.5
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD23	1	3.5
(4,4234)	1:2:A:SER:HA	1:8:A:VAL:HA	5	3.5
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD11	20	3.5
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD12	20	3.5
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD13	20	3.5
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD11	20	3.5
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD12	20	3.5
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD13	20	3.5
(4,3469)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HD1	4	3.5
(4,3127)	1:31:A:TRP:HE1	1:106:A:LEU:H	2	3.5
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE1	4	3.5
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE2	4	3.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2885)	1:119:A:GLN:HE22	1:133:A:THR:H	8	3.5
(4,1604)	1:233:A:PRO:HB3	1:235:A:TRP:HE1	18	3.5
(4,1123)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HD22	4	3.5
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB1	12	3.5
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB2	12	3.5
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB3	12	3.5
(4,102)	1:150:A:SER:H	1:157:A:PRO:HD2	6	3.5
(1,546)	1:5:A:ASN:ND2	1:19:A:THR:H	16	3.5
(5,798)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	11	3.49
(5,384)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	14	3.49
(5,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	19	3.49
(5,341)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	1	3.49
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD11	1:138:A:VAL:H	8	3.49
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD12	1:138:A:VAL:H	8	3.49
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD13	1:138:A:VAL:H	8	3.49
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD21	1:138:A:VAL:H	8	3.49
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD22	1:138:A:VAL:H	8	3.49
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD23	1:138:A:VAL:H	8	3.49
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD21	4	3.49
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD22	4	3.49
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	11	3.49
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	11	3.49
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	11	3.49
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	11	3.49
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	11	3.49
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	11	3.49
(4,3500)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD22	20	3.49
(4,3391)	1:11:A:ILE:HA	1:151:A:THR:HA	20	3.49
(4,2795)	1:119:A:GLN:HE21	1:127:A:ASN:H	3	3.49
(4,2399)	1:118:A:SER:HA	1:119:A:GLN:HE21	19	3.49
(4,1604)	1:233:A:PRO:HB3	1:235:A:TRP:HE1	10	3.49
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD11	10	3.49
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD12	10	3.49
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD13	10	3.49
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD21	5	3.49
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD22	5	3.49
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD23	5	3.49
(4,910)	1:78:A:ASP:H	1:174:A:ASN:HD22	18	3.49
(2,599)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	2	3.49
(1,205)	1:62:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	10	3.49
(5,793)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	7	3.48
(5,730)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	17	3.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,702)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	18	3.48
(5,506)	1:5:A:ASN:ND2	1:20:A:ASN:H	11	3.48
(5,59)	1:104:A:SER:OG	1:214:A:TYR:H	9	3.48
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD1	1:151:A:THR:H	11	3.48
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD2	1:151:A:THR:H	11	3.48
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD11	17	3.48
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD12	17	3.48
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD13	17	3.48
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD11	17	3.48
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD12	17	3.48
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD13	17	3.48
(4,3762)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:H	2	3.48
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE21	17	3.48
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE22	17	3.48
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE21	17	3.48
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE22	17	3.48
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD1	4	3.48
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD2	4	3.48
(4,2497)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HZ3	9	3.48
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA2	1:6:A:ARG:HA	18	3.48
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA3	1:6:A:ARG:HA	18	3.48
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG2	13	3.48
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG3	13	3.48
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG2	13	3.48
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG3	13	3.48
(4,1433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:H	9	3.48
(4,1371)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HE22	19	3.48
(4,938)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	10	3.48
(4,755)	1:16:A:GLU:H	1:34:A:PHE:HA	19	3.48
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD1	16	3.48
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD2	16	3.48
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD1	16	3.48
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD2	16	3.48
(4,497)	1:29:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD21	14	3.48
(4,141)	1:170:A:TYR:HE1	1:211:A:VAL:H	19	3.48
(4,141)	1:170:A:TYR:HE2	1:211:A:VAL:H	19	3.48
(1,546)	1:5:A:ASN:ND2	1:19:A:THR:H	14	3.48
(5,802)	1:5:A:ASN:ND2	1:178:A:PHE:H	2	3.47
(5,759)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	13	3.47
(5,757)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	7	3.47
(4,3872)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HE1	5	3.47
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD11	1:58:A:LEU:HG	4	3.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD12	1:58:A:LEU:HG	4	3.47
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD13	1:58:A:LEU:HG	4	3.47
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	1	3.47
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	1	3.47
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	1	3.47
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	1	3.47
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	1	3.47
(4,3137)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	1	3.47
(4,1977)	1:56:A:VAL:H	1:170:A:TYR:HD1	11	3.47
(4,1977)	1:56:A:VAL:H	1:170:A:TYR:HD2	11	3.47
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG11	17	3.47
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG12	17	3.47
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG13	17	3.47
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD1	18	3.47
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD2	18	3.47
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD1	18	3.47
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD2	18	3.47
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD21	20	3.47
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD22	20	3.47
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD23	20	3.47
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD21	20	3.47
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD22	20	3.47
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD23	20	3.47
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	18	3.47
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	18	3.47
(4,346)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HD1	10	3.47
(2,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	17	3.47
(1,539)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	11	3.47
(1,358)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	11	3.47
(1,272)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	6	3.47
(1,94)	1:205:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	13	3.47
(5,643)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	4	3.46
(5,491)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	1	3.46
(5,487)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	13	3.46
(5,343)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	16	3.46
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	2	3.46
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	2	3.46
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	2	3.46
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	2	3.46
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	2	3.46
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	2	3.46
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD21	5	3.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD22	5	3.46
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD21	5	3.46
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD22	5	3.46
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE1	18	3.46
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE2	18	3.46
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE1	12	3.46
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE2	12	3.46
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE1	12	3.46
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE2	12	3.46
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE1	12	3.46
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE2	12	3.46
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB1	3	3.46
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB2	3	3.46
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB3	3	3.46
(4,755)	1:16:A:GLU:H	1:34:A:PHE:HA	13	3.46
(4,720)	1:56:A:VAL:HG11	1:169:A:THR:H	7	3.46
(4,720)	1:56:A:VAL:HG12	1:169:A:THR:H	7	3.46
(4,720)	1:56:A:VAL:HG13	1:169:A:THR:H	7	3.46
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG21	9	3.46
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG22	9	3.46
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG23	9	3.46
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG21	9	3.46
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG22	9	3.46
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG23	9	3.46
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG21	9	3.46
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG22	9	3.46
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG23	9	3.46
(1,213)	1:160:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	16	3.46
(1,157)	1:163:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	11	3.46
(5,652)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	7	3.45
(5,516)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	8	3.45
(5,368)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	15	3.45
(5,339)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	11	3.45
(4,4158)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE22	16	3.45
(4,3943)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:H	2	3.45
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB2	3	3.45
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB3	3	3.45
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB2	3	3.45
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB3	3	3.45
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB2	3	3.45
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB3	3	3.45
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB1	17	3.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB2	17	3.45
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB3	17	3.45
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB1	17	3.45
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB2	17	3.45
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB3	17	3.45
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB1	17	3.45
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB2	17	3.45
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB3	17	3.45
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD11	5	3.45
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD12	5	3.45
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD13	5	3.45
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD11	5	3.45
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD12	5	3.45
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD13	5	3.45
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD11	5	3.45
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD12	5	3.45
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD13	5	3.45
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE1	11	3.45
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE2	11	3.45
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE1	11	3.45
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE2	11	3.45
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE1	11	3.45
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE2	11	3.45
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	2	3.45
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	2	3.45
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	2	3.45
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	2	3.45
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB2	1:8:A:VAL:H	13	3.45
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB3	1:8:A:VAL:H	13	3.45
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB1	3	3.45
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB2	3	3.45
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB3	3	3.45
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB1	3	3.45
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB2	3	3.45
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB3	3	3.45
(4,1520)	1:23:A:HIS:HD2	1:29:A:ASN:H	2	3.45
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	15	3.45
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	15	3.45
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE21	2	3.45
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE22	2	3.45
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG11	8	3.45
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG12	8	3.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG13	8	3.45
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG21	8	3.45
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG22	8	3.45
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG23	8	3.45
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG11	8	3.45
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG12	8	3.45
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG13	8	3.45
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG21	8	3.45
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG22	8	3.45
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG23	8	3.45
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG21	19	3.45
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG22	19	3.45
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG23	19	3.45
(1,376)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	8	3.45
(5,404)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	10	3.44
(5,399)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	19	3.44
(5,340)	1:5:A:ASN:ND2	1:13:A:SER:H	20	3.44
(5,330)	1:225:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	10	3.44
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE2	1:217:A:ASN:HA	20	3.44
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE3	1:217:A:ASN:HA	20	3.44
(4,4179)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:HD1	5	3.44
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD22	14	3.44
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD22	14	3.44
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD22	14	3.44
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD22	14	3.44
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD22	14	3.44
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD22	14	3.44
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HE1	20	3.44
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HE2	20	3.44
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HE1	20	3.44
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HE2	20	3.44
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HE1	20	3.44
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HE2	20	3.44
(4,3075)	1:74:A:THR:H	1:77:A:TYR:H	15	3.44
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD21	15	3.44
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD22	15	3.44
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD23	15	3.44
(4,1002)	1:118:A:SER:H	1:119:A:GLN:HE22	19	3.44
(4,346)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HD1	3	3.44
(1,570)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	3	3.44
(1,87)	1:220:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	20	3.44
(1,72)	1:170:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	4	3.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD21	1:170:A:TYR:HE1	1	3.43
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD21	1:170:A:TYR:HE2	1	3.43
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD22	1:170:A:TYR:HE1	1	3.43
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD22	1:170:A:TYR:HE2	1	3.43
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD23	1:170:A:TYR:HE1	1	3.43
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD23	1:170:A:TYR:HE2	1	3.43
(4,3402)	1:30:A:GLU:HG2	1:31:A:TRP:HE1	17	3.43
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	15	3.43
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	15	3.43
(4,2497)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HZ3	16	3.43
(4,2289)	1:82:A:PHE:HZ	1:97:A:HIS:H	20	3.43
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD21	2	3.43
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD22	2	3.43
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB1	9	3.43
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB2	9	3.43
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB3	9	3.43
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG21	7	3.43
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG22	7	3.43
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG23	7	3.43
(4,957)	1:62:A:ASN:HD21	1:65:A:ARG:H	20	3.43
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB2	19	3.43
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB3	19	3.43
(4,631)	1:30:A:GLU:HG3	1:31:A:TRP:HE1	15	3.43
(2,271)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:ND2	19	3.43
(1,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	19	3.43
(1,205)	1:62:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	7	3.43
(5,659)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	5	3.42
(5,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	6	3.42
(5,445)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	7	3.42
(5,368)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	2	3.42
(5,90)	1:140:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	3	3.42
(4,3400)	1:234:A:ASN:HD22	1:236:A:GLU:H	4	3.42
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD21	10	3.42
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD22	10	3.42
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG21	1:227:A:ALA:HA	9	3.42
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG22	1:227:A:ALA:HA	9	3.42
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG23	1:227:A:ALA:HA	9	3.42
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD11	1:21:A:PHE:H	6	3.42
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD12	1:21:A:PHE:H	6	3.42
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD13	1:21:A:PHE:H	6	3.42
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD11	2	3.42
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD12	2	3.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD13	2	3.42
(4,619)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:H	11	3.42
(4,619)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:H	11	3.42
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG21	16	3.42
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG22	16	3.42
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG23	16	3.42
(4,277)	1:82:A:PHE:HE1	1:99:A:LEU:H	3	3.42
(4,277)	1:82:A:PHE:HE2	1:99:A:LEU:H	3	3.42
(4,18)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD22	17	3.42
(4,18)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD22	17	3.42
(4,18)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD22	17	3.42
(2,271)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:ND2	16	3.42
(1,453)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	19	3.42
(1,157)	1:163:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	3	3.42
(1,157)	1:163:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	10	3.42
(5,810)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	11	3.41
(5,642)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	17	3.41
(5,594)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	8	3.41
(5,476)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	4	3.41
(5,349)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	19	3.41
(5,341)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	5	3.41
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE1	1:230:A:GLY:H	17	3.41
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE2	1:230:A:GLY:H	17	3.41
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	20	3.41
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	20	3.41
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD11	7	3.41
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD12	7	3.41
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD13	7	3.41
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD11	7	3.41
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD12	7	3.41
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD13	7	3.41
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD11	7	3.41
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD12	7	3.41
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD13	7	3.41
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:H	11	3.41
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:H	11	3.41
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:H	11	3.41
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE21	17	3.41
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE22	17	3.41
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HD1	13	3.41
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG3	1:235:A:TRP:HD1	13	3.41
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD21	19	3.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD22	19	3.41
(4,1313)	1:79:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:CD2	2	3.41
(4,1313)	1:79:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:CD2	2	3.41
(4,1313)	1:79:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:CD2	2	3.41
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE21	3	3.41
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE21	3	3.41
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE21	11	3.41
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE21	11	3.41
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD21	19	3.41
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD22	19	3.41
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD23	19	3.41
(4,755)	1:16:A:GLU:H	1:34:A:PHE:HA	2	3.41
(1,210)	1:219:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	9	3.41
(5,739)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	20	3.4
(5,581)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	5	3.4
(5,563)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	17	3.4
(5,539)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	13	3.4
(5,438)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	11	3.4
(5,412)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	17	3.4
(5,404)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	5	3.4
(5,383)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	16	3.4
(5,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	3	3.4
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD1	1:151:A:THR:H	18	3.4
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD2	1:151:A:THR:H	18	3.4
(4,3570)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD21	19	3.4
(4,3300)	1:163:A:THR:HG21	1:166:A:HIS:HA	12	3.4
(4,3300)	1:163:A:THR:HG22	1:166:A:HIS:HA	12	3.4
(4,3300)	1:163:A:THR:HG23	1:166:A:HIS:HA	12	3.4
(4,2910)	1:138:A:VAL:HB	1:141:A:VAL:HB	4	3.4
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE1	1	3.4
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE2	1	3.4
(4,2858)	1:79:A:VAL:HB	1:127:A:ASN:HD21	2	3.4
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG12	10	3.4
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG13	10	3.4
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG12	10	3.4
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG13	10	3.4
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG12	10	3.4
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG13	10	3.4
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG12	10	3.4
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG13	10	3.4
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG12	10	3.4
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG13	10	3.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG12	10	3.4
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG13	10	3.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG11	12	3.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG12	12	3.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG13	12	3.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG21	12	3.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG22	12	3.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG23	12	3.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG11	12	3.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG12	12	3.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG13	12	3.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG21	12	3.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG22	12	3.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG23	12	3.4
(2,271)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:ND2	11	3.4
(1,570)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	8	3.4
(1,516)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	1	3.4
(1,495)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	13	3.4
(1,182)	1:61:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	16	3.4
(5,766)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	14	3.39
(5,685)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	4	3.39
(5,640)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	13	3.39
(5,573)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	11	3.39
(5,567)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	2	3.39
(5,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	11	3.39
(5,367)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	17	3.39
(5,358)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	6	3.39
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG21	1:92:A:LEU:H	20	3.39
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG22	1:92:A:LEU:H	20	3.39
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG23	1:92:A:LEU:H	20	3.39
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG11	16	3.39
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG12	16	3.39
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG13	16	3.39
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG21	16	3.39
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG22	16	3.39
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG23	16	3.39
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG11	16	3.39
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG12	16	3.39
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG13	16	3.39
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG21	16	3.39
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG22	16	3.39
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG23	16	3.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG11	16	3.39
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG12	16	3.39
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG13	16	3.39
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG21	16	3.39
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG22	16	3.39
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG23	16	3.39
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD21	16	3.39
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD22	16	3.39
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD21	16	3.39
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD22	16	3.39
(4,2885)	1:119:A:GLN:HE22	1:133:A:THR:H	6	3.39
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG21	1	3.39
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG22	1	3.39
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG23	1	3.39
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG21	1	3.39
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG22	1	3.39
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG23	1	3.39
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG21	1	3.39
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG22	1	3.39
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG23	1	3.39
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG21	1	3.39
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG22	1	3.39
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG23	1	3.39
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG21	1	3.39
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG22	1	3.39
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG23	1	3.39
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG21	1	3.39
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG22	1	3.39
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG23	1	3.39
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HB	15	3.39
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HB	15	3.39
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HB	15	3.39
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD21	15	3.39
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD22	15	3.39
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD21	15	3.39
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD22	15	3.39
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD21	15	3.39
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD22	15	3.39
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD21	15	3.39
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD22	15	3.39
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD21	15	3.39
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD22	15	3.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD21	15	3.39
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD22	15	3.39
(4,528)	1:117:A:LYS:H	1:119:A:GLN:HE21	6	3.39
(2,636)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	1	3.39
(1,595)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	4	3.39
(1,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	15	3.39
(5,655)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	11	3.38
(5,480)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	7	3.38
(5,411)	1:5:A:ASN:ND2	1:98:A:SER:H	13	3.38
(5,114)	1:78:A:ASP:H	1:140:A:ASN:ND2	9	3.38
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD21	20	3.38
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD22	20	3.38
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG11	5	3.38
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG12	5	3.38
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG13	5	3.38
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG21	5	3.38
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG22	5	3.38
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG23	5	3.38
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG11	5	3.38
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG12	5	3.38
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG13	5	3.38
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG21	5	3.38
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG22	5	3.38
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG23	5	3.38
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG11	5	3.38
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG12	5	3.38
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG13	5	3.38
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG21	5	3.38
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG22	5	3.38
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG23	5	3.38
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE1	16	3.38
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE2	16	3.38
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HE1	3	3.38
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HE2	3	3.38
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HE1	3	3.38
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HE2	3	3.38
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HE1	3	3.38
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HE2	3	3.38
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE1	18	3.38
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE2	18	3.38
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE1	18	3.38
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE2	18	3.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD11	1:91:A:GLY:H	12	3.38
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD12	1:91:A:GLY:H	12	3.38
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD13	1:91:A:GLY:H	12	3.38
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD21	1	3.38
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD22	1	3.38
(4,1371)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HE22	20	3.38
(4,1247)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD22	18	3.38
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD21	14	3.38
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD22	14	3.38
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD23	14	3.38
(4,910)	1:78:A:ASP:H	1:174:A:ASN:HD22	19	3.38
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB1	16	3.38
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB2	16	3.38
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB3	16	3.38
(4,599)	1:11:A:ILE:HG13	1:14:A:ASN:H	16	3.38
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG21	20	3.38
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG22	20	3.38
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG23	20	3.38
(5,541)	1:5:A:ASN:ND2	1:178:A:PHE:H	5	3.37
(5,480)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	18	3.37
(5,431)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	11	3.37
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG12	1:214:A:TYR:HD1	11	3.37
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG12	1:214:A:TYR:HD2	11	3.37
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG13	1:214:A:TYR:HD1	11	3.37
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG13	1:214:A:TYR:HD2	11	3.37
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD21	2	3.37
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD21	2	3.37
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD21	2	3.37
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD21	2	3.37
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD21	2	3.37
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD21	2	3.37
(4,3300)	1:163:A:THR:HG21	1:166:A:HIS:HA	13	3.37
(4,3300)	1:163:A:THR:HG22	1:166:A:HIS:HA	13	3.37
(4,3300)	1:163:A:THR:HG23	1:166:A:HIS:HA	13	3.37
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB1	3	3.37
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB2	3	3.37
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB3	3	3.37
(4,2885)	1:119:A:GLN:HE22	1:133:A:THR:H	1	3.37
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA2	12	3.37
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA3	12	3.37
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA2	12	3.37
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA3	12	3.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA2	12	3.37
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA3	12	3.37
(4,2582)	1:163:A:THR:HB	1:165:A:LEU:HB3	2	3.37
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	3	3.37
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	3	3.37
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB2	9	3.37
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB3	9	3.37
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB2	9	3.37
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB3	9	3.37
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB2	9	3.37
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB3	9	3.37
(4,957)	1:62:A:ASN:HD21	1:65:A:ARG:H	17	3.37
(4,528)	1:117:A:LYS:H	1:119:A:GLN:HE21	17	3.37
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG21	14	3.37
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG22	14	3.37
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG23	14	3.37
(4,181)	1:162:A:ASP:HB2	1:164:A:ASN:HD21	15	3.37
(4,181)	1:162:A:ASP:HB3	1:164:A:ASN:HD21	15	3.37
(4,132)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD2	16	3.37
(4,132)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD2	16	3.37
(2,271)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:ND2	1	3.37
(2,172)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	5	3.37
(1,517)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	13	3.37
(1,369)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	14	3.37
(1,104)	1:56:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	15	3.37
(1,83)	1:36:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	4	3.37
(1,73)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	8	3.37
(5,768)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	6	3.36
(5,59)	1:104:A:SER:OG	1:214:A:TYR:H	1	3.36
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE1	1:95:A:ILE:H	17	3.36
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE2	1:95:A:ILE:H	17	3.36
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD11	17	3.36
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD12	17	3.36
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD13	17	3.36
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD21	17	3.36
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD22	17	3.36
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD23	17	3.36
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD11	17	3.36
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD12	17	3.36
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD13	17	3.36
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD21	17	3.36
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD22	17	3.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD23	17	3.36
(4,619)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:H	16	3.36
(4,619)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:H	16	3.36
(2,599)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	1	3.36
(1,176)	1:84:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	13	3.36
(1,112)	1:211:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	13	3.36
(5,771)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	10	3.35
(5,762)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	5	3.35
(5,750)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	13	3.35
(5,695)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	2	3.35
(5,555)	1:5:A:ASN:ND2	1:179:A:GLU:H	19	3.35
(5,114)	1:78:A:ASP:H	1:140:A:ASN:ND2	15	3.35
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD21	20	3.35
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD22	20	3.35
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD21	20	3.35
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD22	20	3.35
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HE1	9	3.35
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HE2	9	3.35
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HE1	9	3.35
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HE2	9	3.35
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HE1	9	3.35
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HE2	9	3.35
(4,2053)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD21	12	3.35
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG11	5	3.35
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG12	5	3.35
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG13	5	3.35
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD21	15	3.35
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD22	15	3.35
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD23	15	3.35
(4,818)	1:31:A:TRP:HZ3	1:232:A:GLY:HA2	15	3.35
(4,818)	1:31:A:TRP:HZ3	1:232:A:GLY:HA3	15	3.35
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD1	5	3.35
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD2	5	3.35
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD1	5	3.35
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD2	5	3.35
(4,528)	1:117:A:LYS:H	1:119:A:GLN:HE21	1	3.35
(4,342)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:H	17	3.35
(4,342)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:H	17	3.35
(4,180)	1:153:A:GLN:H	1:156:A:ALA:HA	3	3.35
(2,599)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	13	3.35
(1,527)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	19	3.35
(1,459)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	3	3.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,805)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	9	3.34
(5,747)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	17	3.34
(5,662)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	13	3.34
(5,629)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	10	3.34
(5,611)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	1	3.34
(5,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	19	3.34
(5,372)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	3	3.34
(5,354)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	12	3.34
(5,330)	1:225:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	6	3.34
(5,34)	1:104:A:SER:OG	1:126:A:LYS:H	18	3.34
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB3	10	3.34
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB3	10	3.34
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB3	10	3.34
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD11	10	3.34
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD12	10	3.34
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD13	10	3.34
(4,2155)	1:141:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	15	3.34
(4,2155)	1:141:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	15	3.34
(4,2155)	1:141:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	15	3.34
(4,2100)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HE3	11	3.34
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG11	20	3.34
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG12	20	3.34
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG13	20	3.34
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG21	1:93:A:TYR:H	3	3.34
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG22	1:93:A:TYR:H	3	3.34
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG23	1:93:A:TYR:H	3	3.34
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD21	1	3.34
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD22	1	3.34
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD23	1	3.34
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB2	3	3.34
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB3	3	3.34
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB2	3	3.34
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB3	3	3.34
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB2	3	3.34
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB3	3	3.34
(4,346)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HD1	8	3.34
(1,508)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	12	3.34
(1,160)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	14	3.34
(5,14)	1:87:A:LYS:H	1:104:A:SER:OG	16	3.33
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD21	13	3.33
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD22	13	3.33
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD23	13	3.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB2	10	3.33
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB3	10	3.33
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB2	10	3.33
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB3	10	3.33
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB2	10	3.33
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB3	10	3.33
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB2	10	3.33
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB3	10	3.33
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB2	10	3.33
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB3	10	3.33
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB2	10	3.33
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB3	10	3.33
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB1	8	3.33
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB2	8	3.33
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB3	8	3.33
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB1	8	3.33
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB2	8	3.33
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB3	8	3.33
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD11	15	3.33
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD12	15	3.33
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD13	15	3.33
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD21	6	3.33
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD22	6	3.33
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD23	6	3.33
(4,827)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA3	20	3.33
(4,497)	1:29:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD21	20	3.33
(2,617)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	5	3.33
(2,271)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:ND2	9	3.33
(1,205)	1:62:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	20	3.33
(1,87)	1:220:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	2	3.33
(5,667)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	11	3.32
(5,626)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	16	3.32
(5,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	1	3.32
(5,385)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	7	3.32
(5,330)	1:225:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	3	3.32
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HB	1	3.32
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HB	1	3.32
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD1	1:151:A:THR:H	10	3.32
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD2	1:151:A:THR:H	10	3.32
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD21	6	3.32
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD22	6	3.32
(4,3433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:234:A:ASN:H	4	3.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3112)	1:119:A:GLN:HE21	1:130:A:ASP:H	5	3.32
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	13	3.32
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	13	3.32
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	13	3.32
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	13	3.32
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE1	5	3.32
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE2	5	3.32
(4,1864)	1:11:A:ILE:H	1:90:A:CYS:H	3	3.32
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD11	13	3.32
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD12	13	3.32
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD13	13	3.32
(1,511)	1:5:A:ASN:ND2	1:36:A:ILE:H	9	3.32
(1,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	8	3.32
(1,485)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	12	3.32
(5,481)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	6	3.31
(5,400)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	18	3.31
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HE1	10	3.31
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HE2	10	3.31
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HE1	10	3.31
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HE2	10	3.31
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HE1	10	3.31
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HE2	10	3.31
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG2	1	3.31
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG3	1	3.31
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG2	1	3.31
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG3	1	3.31
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG2	1	3.31
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG3	1	3.31
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HE1	18	3.31
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HE1	18	3.31
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HE1	18	3.31
(4,2854)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:HG2	11	3.31
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD11	2	3.31
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD12	2	3.31
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD13	2	3.31
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD11	2	3.31
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD12	2	3.31
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD13	2	3.31
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HB	19	3.31
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HB	19	3.31
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HB	19	3.31
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD21	7	3.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD22	7	3.31
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD23	7	3.31
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HA	6	3.31
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HA	6	3.31
(4,938)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	20	3.31
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE1	19	3.31
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE2	19	3.31
(1,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	14	3.31
(1,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	1	3.31
(1,320)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	3	3.31
(5,773)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	14	3.3
(5,364)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	3	3.3
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG21	8	3.3
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG22	8	3.3
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG23	8	3.3
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG21	8	3.3
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG22	8	3.3
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG23	8	3.3
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE21	9	3.3
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE22	9	3.3
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE21	9	3.3
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE22	9	3.3
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG21	1	3.3
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG22	1	3.3
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG23	1	3.3
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD11	16	3.3
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD12	16	3.3
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD13	16	3.3
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD11	17	3.3
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD12	17	3.3
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD13	17	3.3
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD1	3	3.3
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD2	3	3.3
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE21	14	3.3
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE22	14	3.3
(4,1993)	1:55:A:ILE:HB	1:170:A:TYR:HD1	1	3.3
(4,1993)	1:55:A:ILE:HB	1:170:A:TYR:HD2	1	3.3
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG11	14	3.3
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG12	14	3.3
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG13	14	3.3
(4,1653)	1:17:A:VAL:H	1:152:A:GLY:HA2	7	3.3
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB1	14	3.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB2	14	3.3
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB3	14	3.3
(4,82)	1:34:A:PHE:HE1	1:235:A:TRP:H	16	3.3
(4,82)	1:34:A:PHE:HE2	1:235:A:TRP:H	16	3.3
(4,18)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD22	15	3.3
(4,18)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD22	15	3.3
(4,18)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD22	15	3.3
(1,449)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	8	3.3
(1,158)	1:153:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	4	3.3
(1,73)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	18	3.3
(5,771)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	20	3.29
(5,594)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	18	3.29
(5,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	12	3.29
(5,428)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	4	3.29
(5,412)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	4	3.29
(5,114)	1:78:A:ASP:H	1:140:A:ASN:ND2	5	3.29
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE21	5	3.29
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE22	5	3.29
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE21	5	3.29
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE22	5	3.29
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB1	1	3.29
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB2	1	3.29
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB3	1	3.29
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD11	16	3.29
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD12	16	3.29
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD13	16	3.29
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE2	1:214:A:TYR:HA	11	3.29
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE3	1:214:A:TYR:HA	11	3.29
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD21	15	3.29
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD22	15	3.29
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	2	3.29
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	2	3.29
(4,372)	1:81:A:TRP:HE3	1:129:A:PHE:H	19	3.29
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE1	1	3.29
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE2	1	3.29
(2,638)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	1	3.29
(1,105)	1:91:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	11	3.29
(1,105)	1:91:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	17	3.29
(1,104)	1:56:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	8	3.29
(5,697)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	14	3.28
(5,659)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	2	3.28
(5,558)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	16	3.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	8	3.28
(5,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	5	3.28
(5,480)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	6	3.28
(5,202)	1:53:A:LYS:H	1:225:A:ASN:ND2	16	3.28
(4,3762)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:H	13	3.28
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD21	20	3.28
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD22	20	3.28
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HE1	13	3.28
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HE2	13	3.28
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HE1	13	3.28
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HE2	13	3.28
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HE1	13	3.28
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HE2	13	3.28
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD2	14	3.28
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD3	14	3.28
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG21	1:139:A:LEU:CD1	12	3.28
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG22	1:139:A:LEU:CD1	12	3.28
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG23	1:139:A:LEU:CD1	12	3.28
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD21	12	3.28
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD22	12	3.28
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD23	12	3.28
(4,2461)	1:3:A:GLY:H	1:7:A:ALA:H	6	3.28
(4,2445)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HE1	19	3.28
(4,2445)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HE2	19	3.28
(4,2406)	1:81:A:TRP:HZ2	1:182:A:GLY:HA2	2	3.28
(4,2406)	1:81:A:TRP:HZ2	1:182:A:GLY:HA3	2	3.28
(4,1187)	1:82:A:PHE:HE1	1:100:A:SER:H	10	3.28
(4,1187)	1:82:A:PHE:HE2	1:100:A:SER:H	10	3.28
(4,324)	1:153:A:GLN:HE21	1:156:A:ALA:H	12	3.28
(2,326)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	13	3.28
(1,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	6	3.28
(1,425)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	6	3.28
(1,216)	1:171:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	18	3.28
(1,123)	1:97:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	10	3.28
(1,87)	1:220:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	7	3.28
(5,640)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	9	3.27
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD1	10	3.27
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD2	10	3.27
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE1	8	3.27
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE2	8	3.27
(4,1604)	1:233:A:PRO:HB3	1:235:A:TRP:HE1	7	3.27
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD21	14	3.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD21	14	3.27
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD21	14	3.27
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB1	11	3.27
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB2	11	3.27
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB3	11	3.27
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB1	11	3.27
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB2	11	3.27
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB3	11	3.27
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD11	2	3.27
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD12	2	3.27
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD13	2	3.27
(1,553)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	5	3.27
(1,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	15	3.27
(1,157)	1:163:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	6	3.27
(5,785)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	17	3.26
(5,691)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	4	3.26
(5,627)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	4	3.26
(5,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	17	3.26
(5,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	19	3.26
(4,4179)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:HD1	20	3.26
(4,3748)	1:18:A:PHE:HE1	1:95:A:ILE:H	11	3.26
(4,3748)	1:18:A:PHE:HE2	1:95:A:ILE:H	11	3.26
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE1	12	3.26
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE2	12	3.26
(4,2289)	1:82:A:PHE:HZ	1:97:A:HIS:H	4	3.26
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD21	11	3.26
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD22	11	3.26
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD23	11	3.26
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD21	11	3.26
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD22	11	3.26
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD23	11	3.26
(4,957)	1:62:A:ASN:HD21	1:65:A:ARG:H	14	3.26
(4,755)	1:16:A:GLU:H	1:34:A:PHE:HA	10	3.26
(4,248)	1:8:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	20	3.26
(4,248)	1:8:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	20	3.26
(4,248)	1:8:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	20	3.26
(4,248)	1:8:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	20	3.26
(4,248)	1:8:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	20	3.26
(4,248)	1:8:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	20	3.26
(2,566)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	14	3.26
(2,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:213:A:SER:H	12	3.26
(2,326)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	4	3.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,326)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	10	3.26
(2,189)	1:140:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	20	3.26
(1,594)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	8	3.26
(1,500)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	19	3.26
(1,474)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	15	3.26
(1,160)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	10	3.26
(1,73)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	13	3.26
(5,342)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	19	3.25
(5,79)	1:39:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	2	3.25
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG21	4	3.25
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG22	4	3.25
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG23	4	3.25
(4,3112)	1:119:A:GLN:HE21	1:130:A:ASP:H	15	3.25
(4,2483)	1:31:A:TRP:HZ2	1:106:A:LEU:H	7	3.25
(4,2461)	1:3:A:GLY:H	1:7:A:ALA:H	8	3.25
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD21	6	3.25
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD21	6	3.25
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD21	6	3.25
(4,938)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	18	3.25
(4,497)	1:29:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD21	16	3.25
(2,638)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	18	3.25
(2,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	8	3.25
(1,326)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	15	3.25
(1,81)	1:13:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	18	3.25
(1,5)	1:99:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	11	3.25
(5,777)	1:5:A:ASN:ND2	1:180:A:LEU:H	10	3.24
(5,661)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	5	3.24
(5,628)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	6	3.24
(5,59)	1:104:A:SER:OG	1:214:A:TYR:H	7	3.24
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD2	4	3.24
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD3	4	3.24
(4,3762)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:H	14	3.24
(4,3570)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD21	14	3.24
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD11	1	3.24
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD12	1	3.24
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD13	1	3.24
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD21	1:144:A:GLU:H	5	3.24
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD22	1:144:A:GLU:H	5	3.24
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD23	1:144:A:GLU:H	5	3.24
(4,2483)	1:31:A:TRP:HZ2	1:106:A:LEU:H	17	3.24
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:H	19	3.24
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:H	19	3.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:H	19	3.24
(4,1247)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD22	3	3.24
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	8	3.24
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	8	3.24
(4,18)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD22	3	3.24
(4,18)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD22	3	3.24
(4,18)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD22	3	3.24
(2,599)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	16	3.24
(2,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	12	3.24
(1,484)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	15	3.24
(1,469)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	9	3.24
(5,739)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	10	3.23
(5,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	3	3.23
(5,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	11	3.23
(5,400)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	14	3.23
(5,383)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	5	3.23
(4,3507)	1:153:A:GLN:HE22	1:155:A:GLU:H	13	3.23
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD1	13	3.23
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD2	13	3.23
(4,3249)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE21	7	3.23
(4,2445)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HE1	10	3.23
(4,2445)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HE2	10	3.23
(4,2399)	1:118:A:SER:HA	1:119:A:GLN:HE21	8	3.23
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HD1	9	3.23
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG3	1:235:A:TRP:HD1	9	3.23
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE1	7	3.23
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE2	7	3.23
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE1	7	3.23
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE2	7	3.23
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE1	7	3.23
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE2	7	3.23
(4,1081)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA2	14	3.23
(4,957)	1:62:A:ASN:HD21	1:65:A:ARG:H	3	3.23
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD21	20	3.23
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD22	20	3.23
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD11	1	3.23
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD12	1	3.23
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD13	1	3.23
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD21	1	3.23
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD22	1	3.23
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD23	1	3.23
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD11	1	3.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD12	1	3.23
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD13	1	3.23
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD21	1	3.23
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD22	1	3.23
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD23	1	3.23
(4,538)	1:81:A:TRP:HE1	1:182:A:GLY:HA2	2	3.23
(1,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	19	3.23
(1,81)	1:13:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	20	3.23
(5,532)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	16	3.22
(5,488)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	9	3.22
(5,34)	1:104:A:SER:OG	1:126:A:LYS:H	7	3.22
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD2	1:214:A:TYR:HA	10	3.22
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD3	1:214:A:TYR:HA	10	3.22
(4,3500)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD22	1	3.22
(4,3500)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD22	19	3.22
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD11	14	3.22
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD12	14	3.22
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD13	14	3.22
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	15	3.22
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	15	3.22
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	15	3.22
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	15	3.22
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD11	17	3.22
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD12	17	3.22
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD13	17	3.22
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD21	17	3.22
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD22	17	3.22
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD23	17	3.22
(4,2289)	1:82:A:PHE:HZ	1:97:A:HIS:H	1	3.22
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA2	1:6:A:ARG:HA	14	3.22
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA3	1:6:A:ARG:HA	14	3.22
(4,1029)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	1	3.22
(4,1029)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	4	3.22
(4,676)	1:81:A:TRP:HE1	1:182:A:GLY:HA3	7	3.22
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG21	5	3.22
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG22	5	3.22
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG23	5	3.22
(5,591)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	13	3.21
(5,259)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	4	3.21
(5,114)	1:78:A:ASP:H	1:140:A:ASN:ND2	16	3.21
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD11	13	3.21
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD12	13	3.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD13	13	3.21
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD11	13	3.21
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD12	13	3.21
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD13	13	3.21
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD1	20	3.21
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD2	20	3.21
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD1	20	3.21
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD2	20	3.21
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD1	20	3.21
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD2	20	3.21
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD21	9	3.21
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD22	9	3.21
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD23	9	3.21
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HB	5	3.21
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HB	5	3.21
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HB	5	3.21
(4,780)	1:73:A:ILE:HG12	1:76:A:SER:H	20	3.21
(4,780)	1:73:A:ILE:HG13	1:76:A:SER:H	20	3.21
(4,132)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD2	1	3.21
(4,132)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD2	1	3.21
(2,326)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	1	3.21
(1,452)	1:5:A:ASN:ND2	1:170:A:TYR:H	13	3.21
(5,629)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	3	3.2
(5,625)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	9	3.2
(5,572)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	7	3.2
(5,488)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	5	3.2
(5,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	16	3.2
(5,416)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	2	3.2
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD11	3	3.2
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD12	3	3.2
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD13	3	3.2
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD21	3	3.2
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD22	3	3.2
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD23	3	3.2
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD21	4	3.2
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD21	4	3.2
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD21	4	3.2
(4,3249)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE21	6	3.2
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG21	1:139:A:LEU:CD1	18	3.2
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG22	1:139:A:LEU:CD1	18	3.2
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG23	1:139:A:LEU:CD1	18	3.2
(4,2694)	1:62:A:ASN:HD22	1:65:A:ARG:H	17	3.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE1	15	3.2
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE2	15	3.2
(4,346)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HD1	4	3.2
(4,346)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HD1	16	3.2
(1,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	13	3.2
(1,583)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	18	3.2
(1,473)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	11	3.2
(1,97)	1:218:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	17	3.2
(5,508)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	1	3.19
(5,34)	1:104:A:SER:OG	1:126:A:LYS:H	5	3.19
(5,29)	1:104:A:SER:OG	1:161:A:ALA:H	6	3.19
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG21	19	3.19
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG22	19	3.19
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG23	19	3.19
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG21	19	3.19
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG22	19	3.19
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG23	19	3.19
(4,3753)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:H	14	3.19
(4,3472)	1:9:A:VAL:H	1:152:A:GLY:H	20	3.19
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD21	15	3.19
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD22	15	3.19
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD1	20	3.19
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD2	20	3.19
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD1	20	3.19
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD2	20	3.19
(4,1590)	1:15:A:PRO:HG2	1:34:A:PHE:HA	13	3.19
(4,1492)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG3	11	3.19
(4,1081)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA2	1	3.19
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	16	3.19
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	16	3.19
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	16	3.19
(4,1029)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	6	3.19
(4,938)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	9	3.19
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD21	7	3.19
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD22	7	3.19
(4,447)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	19	3.19
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG21	20	3.19
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG22	20	3.19
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG23	20	3.19
(2,326)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	6	3.19
(1,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	18	3.19
(1,87)	1:220:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	14	3.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,694)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	10	3.18
(5,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	15	3.18
(5,428)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	15	3.18
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB1	10	3.18
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB2	10	3.18
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB3	10	3.18
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB1	10	3.18
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB2	10	3.18
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB3	10	3.18
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB1	10	3.18
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB2	10	3.18
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB3	10	3.18
(4,2694)	1:62:A:ASN:HD22	1:65:A:ARG:H	3	3.18
(4,2234)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:H	3	3.18
(4,2053)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD21	10	3.18
(4,1492)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG3	2	3.18
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB1	10	3.18
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB2	10	3.18
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB3	10	3.18
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB1	10	3.18
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB2	10	3.18
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB3	10	3.18
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB1	10	3.18
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB2	10	3.18
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB3	10	3.18
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB1	10	3.18
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB2	10	3.18
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB3	10	3.18
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB1	10	3.18
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB2	10	3.18
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB3	10	3.18
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB1	10	3.18
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB2	10	3.18
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB3	10	3.18
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB1	11	3.18
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB2	11	3.18
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB3	11	3.18
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB1	11	3.18
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB2	11	3.18
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB3	11	3.18
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB1	11	3.18
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB2	11	3.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB3	11	3.18
(4,619)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:H	1	3.18
(4,619)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:H	1	3.18
(1,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	11	3.18
(1,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	7	3.18
(1,275)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	18	3.18
(5,642)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	4	3.17
(5,414)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	13	3.17
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB2	14	3.17
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB3	14	3.17
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB2	14	3.17
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB3	14	3.17
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB2	14	3.17
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB3	14	3.17
(4,3803)	1:158:A:GLU:H	1:161:A:ALA:H	6	3.17
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD11	11	3.17
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD12	11	3.17
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD13	11	3.17
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD21	11	3.17
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD22	11	3.17
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD23	11	3.17
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD11	4	3.17
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD12	4	3.17
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD13	4	3.17
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	6	3.17
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	6	3.17
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	6	3.17
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	6	3.17
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	6	3.17
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	6	3.17
(4,2575)	1:19:A:THR:HG21	1:235:A:TRP:H	10	3.17
(4,2575)	1:19:A:THR:HG22	1:235:A:TRP:H	10	3.17
(4,2575)	1:19:A:THR:HG23	1:235:A:TRP:H	10	3.17
(4,2574)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HD22	10	3.17
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG2	1:157:A:PRO:HB3	20	3.17
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG3	1:157:A:PRO:HB3	20	3.17
(4,2196)	1:18:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	9	3.17
(4,2196)	1:18:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	9	3.17
(4,1837)	1:7:A:ALA:HA	1:88:A:ASN:H	15	3.17
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG11	18	3.17
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG12	18	3.17
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG13	18	3.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD21	1:151:A:THR:H	7	3.17
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD22	1:151:A:THR:H	7	3.17
(4,1112)	1:81:A:TRP:HZ2	1:181:A:ASP:H	12	3.17
(4,1030)	1:31:A:TRP:HE3	1:233:A:PRO:HD2	4	3.17
(4,1030)	1:31:A:TRP:HE3	1:233:A:PRO:HD3	4	3.17
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG21	3	3.17
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG22	3	3.17
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG23	3	3.17
(4,296)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD21	11	3.17
(4,102)	1:150:A:SER:H	1:157:A:PRO:HD2	4	3.17
(2,326)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	3	3.17
(5,508)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	19	3.16
(5,441)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	11	3.16
(4,3736)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HZ3	13	3.16
(4,3570)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD21	5	3.16
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD21	1	3.16
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD22	1	3.16
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD21	1	3.16
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD22	1	3.16
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD11	20	3.16
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD12	20	3.16
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD13	20	3.16
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD21	20	3.16
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD22	20	3.16
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD23	20	3.16
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD11	20	3.16
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD12	20	3.16
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD13	20	3.16
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD21	20	3.16
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD22	20	3.16
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD23	20	3.16
(4,2196)	1:18:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	17	3.16
(4,2196)	1:18:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	17	3.16
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD21	19	3.16
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD22	19	3.16
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD23	19	3.16
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD21	19	3.16
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD22	19	3.16
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD23	19	3.16
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:H	1	3.16
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:H	1	3.16
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:H	1	3.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:H	1	3.16
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:H	1	3.16
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:H	1	3.16
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE21	4	3.16
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE22	4	3.16
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB1	8	3.16
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB2	8	3.16
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB3	8	3.16
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD11	14	3.16
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD12	14	3.16
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD13	14	3.16
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD21	14	3.16
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD22	14	3.16
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD23	14	3.16
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD11	14	3.16
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD12	14	3.16
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD13	14	3.16
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD21	14	3.16
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD22	14	3.16
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD23	14	3.16
(4,45)	1:151:A:THR:HA	1:154:A:SER:HA	11	3.16
(2,172)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	13	3.16
(1,74)	1:221:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	16	3.16
(5,672)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	13	3.15
(5,629)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	20	3.15
(5,576)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	4	3.15
(5,391)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	3	3.15
(4,3762)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:H	16	3.15
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB2	16	3.15
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB3	16	3.15
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB2	16	3.15
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB3	16	3.15
(4,3500)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD22	15	3.15
(4,3500)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD22	17	3.15
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD21	15	3.15
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD22	15	3.15
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD23	15	3.15
(4,2854)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:HG2	3	3.15
(4,2289)	1:82:A:PHE:HZ	1:97:A:HIS:H	9	3.15
(4,1433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:H	13	3.15
(4,1431)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HZ	3	3.15
(4,1431)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HZ	3	3.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1431)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HZ	3	3.15
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB1	15	3.15
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB2	15	3.15
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB3	15	3.15
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB1	15	3.15
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB2	15	3.15
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB3	15	3.15
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB1	15	3.15
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB2	15	3.15
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB3	15	3.15
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB1	15	3.15
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB2	15	3.15
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB3	15	3.15
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB1	15	3.15
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB2	15	3.15
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB3	15	3.15
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB1	15	3.15
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB2	15	3.15
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB3	15	3.15
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD11	6	3.15
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD12	6	3.15
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD13	6	3.15
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD11	6	3.15
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD12	6	3.15
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD13	6	3.15
(4,957)	1:62:A:ASN:HD21	1:65:A:ARG:H	8	3.15
(4,910)	1:78:A:ASP:H	1:174:A:ASN:HD22	16	3.15
(4,818)	1:31:A:TRP:HZ3	1:232:A:GLY:HA2	17	3.15
(4,818)	1:31:A:TRP:HZ3	1:232:A:GLY:HA3	17	3.15
(1,490)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	12	3.15
(5,672)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	14	3.14
(5,611)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	8	3.14
(5,547)	1:5:A:ASN:ND2	1:154:A:SER:H	17	3.14
(5,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	14	3.14
(5,412)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	18	3.14
(5,397)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	16	3.14
(5,90)	1:140:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	6	3.14
(5,14)	1:87:A:LYS:H	1:104:A:SER:OG	18	3.14
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB2	10	3.14
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB3	10	3.14
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB2	10	3.14
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB3	10	3.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB2	10	3.14
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB3	10	3.14
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD1	19	3.14
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD2	19	3.14
(4,3402)	1:30:A:GLU:HG2	1:31:A:TRP:HE1	15	3.14
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD21	11	3.14
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD22	11	3.14
(4,2858)	1:79:A:VAL:HB	1:127:A:ASN:HD21	5	3.14
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG21	19	3.14
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG22	19	3.14
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG23	19	3.14
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD11	7	3.14
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD12	7	3.14
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD13	7	3.14
(4,1433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:H	1	3.14
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD1	1:85:A:SER:H	5	3.14
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD2	1:85:A:SER:H	5	3.14
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD11	11	3.14
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD12	11	3.14
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD13	11	3.14
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD21	11	3.14
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD22	11	3.14
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD23	11	3.14
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD11	11	3.14
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD12	11	3.14
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD13	11	3.14
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD21	11	3.14
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD22	11	3.14
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD23	11	3.14
(4,592)	1:81:A:TRP:HE1	1:181:A:ASP:H	7	3.14
(4,296)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD21	15	3.14
(4,296)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD21	19	3.14
(1,525)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	11	3.14
(5,473)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	15	3.13
(4,3075)	1:74:A:THR:H	1:77:A:TYR:H	13	3.13
(4,2563)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HD1	17	3.13
(4,2563)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HD2	17	3.13
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD21	1	3.13
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD22	1	3.13
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD23	1	3.13
(4,1002)	1:118:A:SER:H	1:119:A:GLN:HE22	8	3.13
(4,957)	1:62:A:ASN:HD21	1:65:A:ARG:H	10	3.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB2	5	3.13
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB3	5	3.13
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB2	5	3.13
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB3	5	3.13
(5,818)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	17	3.12
(5,625)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	14	3.12
(4,4280)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:HE1	19	3.12
(4,4280)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:HE2	19	3.12
(4,4280)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:HE1	19	3.12
(4,4280)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:HE2	19	3.12
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG21	18	3.12
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG22	18	3.12
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG23	18	3.12
(4,3893)	1:119:A:GLN:HE21	1:125:A:SER:H	18	3.12
(4,3300)	1:163:A:THR:HG21	1:166:A:HIS:HA	19	3.12
(4,3300)	1:163:A:THR:HG22	1:166:A:HIS:HA	19	3.12
(4,3300)	1:163:A:THR:HG23	1:166:A:HIS:HA	19	3.12
(4,2956)	1:11:A:ILE:HG12	1:153:A:GLN:H	15	3.12
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD11	3	3.12
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD12	3	3.12
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD13	3	3.12
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD11	3	3.12
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD12	3	3.12
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD13	3	3.12
(4,2483)	1:31:A:TRP:HZ2	1:106:A:LEU:H	15	3.12
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD11	12	3.12
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD12	12	3.12
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD13	12	3.12
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD11	12	3.12
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD12	12	3.12
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD13	12	3.12
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	1	3.12
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	1	3.12
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB2	10	3.12
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB3	10	3.12
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB2	10	3.12
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB3	10	3.12
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB2	10	3.12
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB3	10	3.12
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG21	20	3.12
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG22	20	3.12
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG23	20	3.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG21	20	3.12
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG22	20	3.12
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG23	20	3.12
(4,102)	1:150:A:SER:H	1:157:A:PRO:HD2	8	3.12
(2,599)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	8	3.12
(1,113)	1:182:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	4	3.12
(5,587)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	5	3.11
(5,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	11	3.11
(4,3893)	1:119:A:GLN:HE21	1:125:A:SER:H	4	3.11
(4,3893)	1:119:A:GLN:HE21	1:125:A:SER:H	14	3.11
(4,3606)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB2	14	3.11
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HE1	9	3.11
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HE2	9	3.11
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HE1	9	3.11
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HE2	9	3.11
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HE1	9	3.11
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HE2	9	3.11
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA2	10	3.11
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA3	10	3.11
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA2	10	3.11
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA3	10	3.11
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD21	1	3.11
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD22	1	3.11
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD23	1	3.11
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD1	19	3.11
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD2	19	3.11
(4,2483)	1:31:A:TRP:HZ2	1:106:A:LEU:H	1	3.11
(4,2053)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD21	8	3.11
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	13	3.11
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	13	3.11
(4,1123)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HD22	13	3.11
(4,1112)	1:81:A:TRP:HZ2	1:181:A:ASP:H	7	3.11
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB2	18	3.11
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB3	18	3.11
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB2	18	3.11
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB3	18	3.11
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB2	18	3.11
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB3	18	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD11	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD12	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD13	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD21	6	3.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD22	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD23	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD11	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD12	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD13	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD21	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD22	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD23	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD11	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD12	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD13	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD21	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD22	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD23	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD11	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD12	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD13	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD21	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD22	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD23	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD11	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD12	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD13	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD21	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD22	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD23	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD11	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD12	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD13	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD21	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD22	6	3.11
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD23	6	3.11
(4,296)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD21	17	3.11
(1,210)	1:219:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	10	3.11
(5,691)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	20	3.1
(5,652)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	11	3.1
(5,589)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	2	3.1
(5,446)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	11	3.1
(5,395)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	11	3.1
(5,342)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	3	3.1
(5,79)	1:39:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	13	3.1
(4,3803)	1:158:A:GLU:H	1:161:A:ALA:H	16	3.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3051)	1:163:A:THR:HA	1:165:A:LEU:HB3	5	3.1
(4,1992)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HB3	4	3.1
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:H	6	3.1
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:H	6	3.1
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD21	10	3.1
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD21	10	3.1
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD21	10	3.1
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB2	12	3.1
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB3	12	3.1
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB2	12	3.1
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB3	12	3.1
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB2	12	3.1
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB3	12	3.1
(4,346)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HD1	7	3.1
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD11	12	3.1
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD12	12	3.1
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD13	12	3.1
(4,169)	1:145:A:ASN:H	1:150:A:SER:H	13	3.1
(5,680)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	20	3.09
(5,525)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	1	3.09
(5,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	8	3.09
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE1	1:152:A:GLY:H	11	3.09
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE2	1:152:A:GLY:H	11	3.09
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE1	10	3.09
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE2	10	3.09
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD21	10	3.09
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD21	10	3.09
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD21	10	3.09
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG21	11	3.09
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG22	11	3.09
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG23	11	3.09
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD11	1:200:A:ASP:H	18	3.09
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD12	1:200:A:ASP:H	18	3.09
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD13	1:200:A:ASP:H	18	3.09
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD21	1:200:A:ASP:H	18	3.09
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD22	1:200:A:ASP:H	18	3.09
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD23	1:200:A:ASP:H	18	3.09
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HB	13	3.09
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HB	13	3.09
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HB	13	3.09
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HE22	14	3.09
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HE22	14	3.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HE22	14	3.09
(4,1603)	1:97:A:HIS:HD1	1:182:A:GLY:H	11	3.09
(4,1508)	1:79:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HE1	13	3.09
(4,1508)	1:79:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HE2	13	3.09
(4,1508)	1:79:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HE1	13	3.09
(4,1508)	1:79:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HE2	13	3.09
(4,1508)	1:79:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HE1	13	3.09
(4,1508)	1:79:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HE2	13	3.09
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD1	1	3.09
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD2	1	3.09
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE1	1:134:A:THR:HG21	11	3.09
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE1	1:134:A:THR:HG22	11	3.09
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE1	1:134:A:THR:HG23	11	3.09
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE2	1:134:A:THR:HG21	11	3.09
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE2	1:134:A:THR:HG22	11	3.09
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE2	1:134:A:THR:HG23	11	3.09
(4,169)	1:145:A:ASN:H	1:150:A:SER:H	7	3.09
(1,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	6	3.09
(1,105)	1:91:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	2	3.09
(1,5)	1:99:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	13	3.09
(5,506)	1:5:A:ASN:ND2	1:20:A:ASN:H	12	3.08
(4,3893)	1:119:A:GLN:HE21	1:125:A:SER:H	9	3.08
(4,3461)	1:11:A:ILE:HG13	1:153:A:GLN:H	15	3.08
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB1	1	3.08
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB2	1	3.08
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB3	1	3.08
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD21	13	3.08
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD22	13	3.08
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD23	13	3.08
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD21	13	3.08
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD22	13	3.08
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD23	13	3.08
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD2	19	3.08
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD3	19	3.08
(4,2858)	1:79:A:VAL:HB	1:127:A:ASN:HD21	4	3.08
(4,2694)	1:62:A:ASN:HD22	1:65:A:ARG:H	20	3.08
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE1	1:95:A:ILE:H	3	3.08
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE2	1:95:A:ILE:H	3	3.08
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD11	4	3.08
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD12	4	3.08
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD13	4	3.08
(4,1809)	1:81:A:TRP:HZ2	1:184:A:ASN:H	15	3.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG21	1:153:A:GLN:HE21	19	3.08
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG22	1:153:A:GLN:HE21	19	3.08
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG23	1:153:A:GLN:HE21	19	3.08
(4,1242)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:H	7	3.08
(4,1030)	1:31:A:TRP:HE3	1:233:A:PRO:HD2	2	3.08
(4,1030)	1:31:A:TRP:HE3	1:233:A:PRO:HD3	2	3.08
(4,837)	1:22:A:ALA:HB1	1:31:A:TRP:HZ3	4	3.08
(4,837)	1:22:A:ALA:HB2	1:31:A:TRP:HZ3	4	3.08
(4,837)	1:22:A:ALA:HB3	1:31:A:TRP:HZ3	4	3.08
(4,324)	1:153:A:GLN:HE21	1:156:A:ALA:H	11	3.08
(4,82)	1:34:A:PHE:HE1	1:235:A:TRP:H	11	3.08
(4,82)	1:34:A:PHE:HE2	1:235:A:TRP:H	11	3.08
(2,606)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	16	3.08
(1,405)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	11	3.08
(1,173)	1:58:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	4	3.08
(5,338)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	5	3.07
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB1	12	3.07
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB2	12	3.07
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB3	12	3.07
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB1	12	3.07
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB2	12	3.07
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB3	12	3.07
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB1	12	3.07
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB2	12	3.07
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB3	12	3.07
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD11	1:126:A:LYS:H	8	3.07
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD12	1:126:A:LYS:H	8	3.07
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD13	1:126:A:LYS:H	8	3.07
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	20	3.07
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	20	3.07
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	20	3.07
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	20	3.07
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG12	11	3.07
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG13	11	3.07
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG12	11	3.07
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG13	11	3.07
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD21	11	3.07
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD22	11	3.07
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD23	11	3.07
(4,2053)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD21	15	3.07
(4,801)	1:48:A:LEU:HD21	1:201:A:LEU:H	15	3.07
(4,801)	1:48:A:LEU:HD22	1:201:A:LEU:H	15	3.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,801)	1:48:A:LEU:HD23	1:201:A:LEU:H	15	3.07
(4,365)	1:177:A:ILE:HD11	1:191:A:LEU:CD2	8	3.07
(4,365)	1:177:A:ILE:HD12	1:191:A:LEU:CD2	8	3.07
(4,365)	1:177:A:ILE:HD13	1:191:A:LEU:CD2	8	3.07
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD11	5	3.07
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD12	5	3.07
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD13	5	3.07
(1,576)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	2	3.07
(5,721)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	4	3.06
(5,589)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	1	3.06
(5,475)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	14	3.06
(5,435)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	18	3.06
(4,3997)	1:80:A:ILE:HD11	1:103:A:GLN:HE22	8	3.06
(4,3997)	1:80:A:ILE:HD12	1:103:A:GLN:HE22	8	3.06
(4,3997)	1:80:A:ILE:HD13	1:103:A:GLN:HE22	8	3.06
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HE1	14	3.06
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HE2	14	3.06
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HE1	14	3.06
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HE2	14	3.06
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HE1	14	3.06
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HE2	14	3.06
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG12	2	3.06
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG13	2	3.06
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG12	2	3.06
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG13	2	3.06
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG12	2	3.06
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG13	2	3.06
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD2	12	3.06
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD3	12	3.06
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB1	5	3.06
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB2	5	3.06
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB3	5	3.06
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG21	1	3.06
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG22	1	3.06
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG23	1	3.06
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG21	1	3.06
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG22	1	3.06
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG23	1	3.06
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE1	2	3.06
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE2	2	3.06
(4,2399)	1:118:A:SER:HA	1:119:A:GLN:HE21	11	3.06
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB2	1	3.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB3	1	3.06
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB2	1	3.06
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB3	1	3.06
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB2	1	3.06
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB3	1	3.06
(4,325)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HE1	15	3.06
(1,113)	1:182:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	10	3.06
(5,513)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	10	3.05
(5,412)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	9	3.05
(5,405)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	16	3.05
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE1	18	3.05
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE2	18	3.05
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD11	19	3.05
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD12	19	3.05
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD13	19	3.05
(4,3500)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD22	12	3.05
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD21	20	3.05
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD22	20	3.05
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD21	20	3.05
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD22	20	3.05
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD21	20	3.05
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD22	20	3.05
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD21	20	3.05
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD22	20	3.05
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD21	20	3.05
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD22	20	3.05
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD21	20	3.05
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD22	20	3.05
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD22	17	3.05
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD22	17	3.05
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD22	17	3.05
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE1	18	3.05
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE2	18	3.05
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE1	18	3.05
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE2	18	3.05
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE1	18	3.05
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE2	18	3.05
(4,1992)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HB3	2	3.05
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG11	9	3.05
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG12	9	3.05
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG13	9	3.05
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HE22	4	3.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HE22	4	3.05
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HE22	4	3.05
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE1	10	3.05
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE2	10	3.05
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE1	10	3.05
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE2	10	3.05
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE1	10	3.05
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE2	10	3.05
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG2	7	3.05
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG3	7	3.05
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG2	7	3.05
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG3	7	3.05
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD1	1:85:A:SER:H	9	3.05
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD2	1:85:A:SER:H	9	3.05
(4,269)	1:144:A:GLU:HB2	1:147:A:GLN:HE21	16	3.05
(4,269)	1:144:A:GLU:HB2	1:147:A:GLN:HE22	16	3.05
(4,269)	1:144:A:GLU:HB3	1:147:A:GLN:HE21	16	3.05
(4,269)	1:144:A:GLU:HB3	1:147:A:GLN:HE22	16	3.05
(4,169)	1:145:A:ASN:H	1:150:A:SER:H	9	3.05
(1,216)	1:171:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	15	3.05
(1,176)	1:84:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	10	3.05
(5,666)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	15	3.04
(5,622)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	17	3.04
(5,451)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	12	3.04
(4,4179)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:HD1	12	3.04
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE1	12	3.04
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE2	12	3.04
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD11	1	3.04
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD12	1	3.04
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD13	1	3.04
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD11	1	3.04
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD12	1	3.04
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD13	1	3.04
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD21	16	3.04
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD22	16	3.04
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD23	16	3.04
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD21	16	3.04
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD22	16	3.04
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD23	16	3.04
(4,3039)	1:77:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD21	1	3.04
(4,2910)	1:138:A:VAL:HB	1:141:A:VAL:HB	1	3.04
(4,2893)	1:153:A:GLN:HA	1:157:A:PRO:HD3	20	3.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2876)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:H	11	3.04
(4,2483)	1:31:A:TRP:HZ2	1:106:A:LEU:H	13	3.04
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE1	12	3.04
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE2	12	3.04
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE1	12	3.04
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE2	12	3.04
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE1	12	3.04
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE2	12	3.04
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD11	19	3.04
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD12	19	3.04
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD13	19	3.04
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD21	19	3.04
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD22	19	3.04
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD23	19	3.04
(4,780)	1:73:A:ILE:HG12	1:76:A:SER:H	6	3.04
(4,780)	1:73:A:ILE:HG13	1:76:A:SER:H	6	3.04
(4,324)	1:153:A:GLN:HE21	1:156:A:ALA:H	19	3.04
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD11	8	3.04
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD12	8	3.04
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD13	8	3.04
(1,414)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	18	3.04
(1,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	5	3.04
(1,162)	1:98:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	4	3.04
(1,113)	1:182:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	6	3.04
(1,86)	1:225:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	13	3.04
(5,242)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	3	3.03
(4,4161)	1:11:A:ILE:HA	1:153:A:GLN:HA	17	3.03
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE1	17	3.03
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE2	17	3.03
(4,4036)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD21	3	3.03
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD21	14	3.03
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD21	14	3.03
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD21	14	3.03
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB1	16	3.03
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB2	16	3.03
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB3	16	3.03
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD11	1:201:A:LEU:H	8	3.03
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD12	1:201:A:LEU:H	8	3.03
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD13	1:201:A:LEU:H	8	3.03
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG12	13	3.03
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG13	13	3.03
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG12	13	3.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG13	13	3.03
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:H	16	3.03
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:H	16	3.03
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:H	16	3.03
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:H	6	3.03
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:H	6	3.03
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:H	6	3.03
(4,1626)	1:95:A:ILE:H	1:98:A:SER:HG	19	3.03
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD1	4	3.03
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD2	4	3.03
(4,940)	1:153:A:GLN:HE21	1:154:A:SER:HA	11	3.03
(4,813)	1:36:A:ILE:HD11	1:48:A:LEU:CD2	11	3.03
(4,813)	1:36:A:ILE:HD12	1:48:A:LEU:CD2	11	3.03
(4,813)	1:36:A:ILE:HD13	1:48:A:LEU:CD2	11	3.03
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG21	20	3.03
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG22	20	3.03
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG23	20	3.03
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD1	10	3.03
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD2	10	3.03
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD1	10	3.03
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD2	10	3.03
(4,296)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD21	1	3.03
(4,165)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	12	3.03
(4,165)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	12	3.03
(4,165)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	12	3.03
(1,511)	1:5:A:ASN:ND2	1:36:A:ILE:H	18	3.03
(1,182)	1:61:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	4	3.03
(1,146)	1:189:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	17	3.03
(1,105)	1:91:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	5	3.03
(1,5)	1:99:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	8	3.03
(5,821)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	7	3.02
(5,804)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	18	3.02
(5,749)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	1	3.02
(5,599)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	8	3.02
(5,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	19	3.02
(5,407)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	3	3.02
(5,23)	1:13:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	17	3.02
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE1	18	3.02
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE2	18	3.02
(4,3606)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB2	1	3.02
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG2	9	3.02
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG3	9	3.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG2	9	3.02
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG3	9	3.02
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG2	9	3.02
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG3	9	3.02
(4,3051)	1:163:A:THR:HA	1:165:A:LEU:HB3	13	3.02
(4,2998)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HA	15	3.02
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD11	2	3.02
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD12	2	3.02
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD13	2	3.02
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD21	2	3.02
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD22	2	3.02
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD23	2	3.02
(4,2482)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:SER:HG	12	3.02
(4,1837)	1:7:A:ALA:HA	1:88:A:ASN:H	11	3.02
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:H	9	3.02
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:H	9	3.02
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:H	9	3.02
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD11	1	3.02
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD12	1	3.02
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD13	1	3.02
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD1	3	3.02
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD2	3	3.02
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB1	12	3.02
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB2	12	3.02
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB3	12	3.02
(4,820)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:H	2	3.02
(4,820)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:H	2	3.02
(4,820)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:H	2	3.02
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB1	2	3.02
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB2	2	3.02
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB3	2	3.02
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD11	7	3.02
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD12	7	3.02
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD13	7	3.02
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD21	7	3.02
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD22	7	3.02
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD23	7	3.02
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD11	7	3.02
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD12	7	3.02
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD13	7	3.02
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD21	7	3.02
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD22	7	3.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD23	7	3.02
(4,191)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD11	13	3.02
(4,191)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD12	13	3.02
(4,191)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD13	13	3.02
(4,191)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD11	13	3.02
(4,191)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD12	13	3.02
(4,191)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD13	13	3.02
(2,189)	1:140:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	4	3.02
(2,134)	1:103:A:GLN:H	1:104:A:SER:OG	15	3.02
(1,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	10	3.02
(1,469)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	14	3.02
(1,331)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	11	3.02
(1,216)	1:171:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	3	3.02
(1,165)	1:180:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	6	3.02
(5,788)	1:5:A:ASN:ND2	1:33:A:TYR:H	2	3.01
(5,769)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	9	3.01
(5,768)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	9	3.01
(5,729)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	2	3.01
(5,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	19	3.01
(5,202)	1:53:A:LYS:H	1:225:A:ASN:ND2	11	3.01
(5,34)	1:104:A:SER:OG	1:126:A:LYS:H	16	3.01
(4,3789)	1:157:A:PRO:HA	1:161:A:ALA:H	2	3.01
(4,3431)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HZ2	5	3.01
(4,3368)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HD1	1	3.01
(4,3368)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HD2	1	3.01
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB2	1:8:A:VAL:H	14	3.01
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB3	1:8:A:VAL:H	14	3.01
(4,1993)	1:55:A:ILE:HB	1:170:A:TYR:HD1	11	3.01
(4,1993)	1:55:A:ILE:HB	1:170:A:TYR:HD2	11	3.01
(4,1560)	1:80:A:ILE:HB	1:101:A:ASN:HD21	2	3.01
(4,1560)	1:80:A:ILE:HB	1:101:A:ASN:HD22	2	3.01
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB1	5	3.01
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB2	5	3.01
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB3	5	3.01
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB1	17	3.01
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB2	17	3.01
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB3	17	3.01
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD11	13	3.01
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD12	13	3.01
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD13	13	3.01
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD21	4	3.01
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD21	4	3.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD21	4	3.01
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HA	15	3.01
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HA	15	3.01
(4,1112)	1:81:A:TRP:HZ2	1:181:A:ASP:H	10	3.01
(4,1002)	1:118:A:SER:H	1:119:A:GLN:HE22	12	3.01
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG21	18	3.01
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG22	18	3.01
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG23	18	3.01
(4,169)	1:145:A:ASN:H	1:150:A:SER:H	3	3.01
(4,169)	1:145:A:ASN:H	1:150:A:SER:H	17	3.01
(4,141)	1:170:A:TYR:HE1	1:211:A:VAL:H	15	3.01
(4,141)	1:170:A:TYR:HE2	1:211:A:VAL:H	15	3.01
(4,113)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:HA	3	3.01
(4,113)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:HA	3	3.01
(2,189)	1:140:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	15	3.01
(2,134)	1:103:A:GLN:H	1:104:A:SER:OG	11	3.01
(1,587)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	8	3.01
(1,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	1	3.01
(1,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	11	3.01
(1,157)	1:163:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	9	3.01
(5,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	3	3.0
(5,454)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	17	3.0
(4,3762)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:H	19	3.0
(4,3734)	1:56:A:VAL:HG11	1:169:A:THR:HG1	7	3.0
(4,3734)	1:56:A:VAL:HG12	1:169:A:THR:HG1	7	3.0
(4,3734)	1:56:A:VAL:HG13	1:169:A:THR:HG1	7	3.0
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD21	14	3.0
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD21	14	3.0
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD21	14	3.0
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD21	14	3.0
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD21	14	3.0
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD21	14	3.0
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG21	20	3.0
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG22	20	3.0
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG23	20	3.0
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG21	20	3.0
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG22	20	3.0
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG23	20	3.0
(4,3051)	1:163:A:THR:HA	1:165:A:LEU:HB3	1	3.0
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB1	20	3.0
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB2	20	3.0
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB3	20	3.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB1	20	3.0
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB2	20	3.0
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB3	20	3.0
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HD1	1	3.0
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG3	1:235:A:TRP:HD1	1	3.0
(4,1644)	1:31:A:TRP:HE3	1:232:A:GLY:H	17	3.0
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD21	11	3.0
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD22	11	3.0
(4,1247)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD22	11	3.0
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG11	12	3.0
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG12	12	3.0
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG13	12	3.0
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG11	12	3.0
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG12	12	3.0
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG13	12	3.0
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG11	12	3.0
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG12	12	3.0
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG13	12	3.0
(4,118)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HG	6	3.0
(4,118)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HG	6	3.0
(2,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	6	3.0
(2,172)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	2	3.0
(2,172)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	19	3.0
(1,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	11	3.0
(1,401)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	14	3.0
(1,210)	1:219:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	15	3.0
(5,694)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	4	2.99
(5,547)	1:5:A:ASN:ND2	1:154:A:SER:H	7	2.99
(5,506)	1:5:A:ASN:ND2	1:20:A:ASN:H	5	2.99
(5,416)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	6	2.99
(5,173)	1:8:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	4	2.99
(5,114)	1:78:A:ASP:H	1:140:A:ASN:ND2	10	2.99
(5,34)	1:104:A:SER:OG	1:126:A:LYS:H	9	2.99
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE1	8	2.99
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE2	8	2.99
(4,3709)	1:81:A:TRP:HE1	1:181:A:ASP:HA	2	2.99
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG11	4	2.99
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG12	4	2.99
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG13	4	2.99
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG11	4	2.99
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG12	4	2.99
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG13	4	2.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3249)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE21	16	2.99
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD2	15	2.99
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD3	15	2.99
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD21	13	2.99
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD22	13	2.99
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD23	13	2.99
(4,2162)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	20	2.99
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG21	1:227:A:ALA:HA	4	2.99
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG22	1:227:A:ALA:HA	4	2.99
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG23	1:227:A:ALA:HA	4	2.99
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD11	19	2.99
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD12	19	2.99
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD13	19	2.99
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD21	19	2.99
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD22	19	2.99
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD23	19	2.99
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:H	7	2.99
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:H	7	2.99
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	15	2.99
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	15	2.99
(4,1642)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	15	2.99
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD11	8	2.99
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD12	8	2.99
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD13	8	2.99
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB1	8	2.99
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB2	8	2.99
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB3	8	2.99
(4,1123)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HD22	6	2.99
(4,346)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HD1	18	2.99
(2,638)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	9	2.99
(1,209)	1:21:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	15	2.99
(5,530)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	8	2.98
(5,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	5	2.98
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD2	7	2.98
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD3	7	2.98
(4,4246)	1:62:A:ASN:H	1:65:A:ARG:H	18	2.98
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB3	7	2.98
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB3	7	2.98
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB3	7	2.98
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD21	18	2.98
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD21	18	2.98
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD21	18	2.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3500)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD22	18	2.98
(4,3368)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HD1	11	2.98
(4,3368)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HD2	11	2.98
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD2	2	2.98
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD3	2	2.98
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG21	4	2.98
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG22	4	2.98
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG23	4	2.98
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD21	1:144:A:GLU:H	1	2.98
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD22	1:144:A:GLU:H	1	2.98
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD23	1:144:A:GLU:H	1	2.98
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	20	2.98
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	20	2.98
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	20	2.98
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	20	2.98
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	20	2.98
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	20	2.98
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	20	2.98
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	20	2.98
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	20	2.98
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	20	2.98
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	20	2.98
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	20	2.98
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD21	3	2.98
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD22	3	2.98
(4,2399)	1:118:A:SER:HA	1:119:A:GLN:HE21	12	2.98
(4,375)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	13	2.98
(4,375)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	13	2.98
(4,375)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	13	2.98
(4,305)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG21	7	2.98
(4,305)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG22	7	2.98
(4,305)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG23	7	2.98
(4,305)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG21	7	2.98
(4,305)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG22	7	2.98
(4,305)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG23	7	2.98
(4,193)	1:10:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	2	2.98
(4,193)	1:10:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	2	2.98
(1,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	8	2.98
(1,73)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	11	2.98
(5,626)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	11	2.97
(5,420)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	19	2.97
(5,353)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	2	2.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD1	4	2.97
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD2	4	2.97
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD1	8	2.97
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD2	8	2.97
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD22	20	2.97
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD22	20	2.97
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD22	20	2.97
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD22	20	2.97
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD22	20	2.97
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD22	20	2.97
(4,3519)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	10	2.97
(4,3373)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:H	6	2.97
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE1	1:231:A:LEU:H	14	2.97
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE2	1:231:A:LEU:H	14	2.97
(4,1653)	1:17:A:VAL:H	1:152:A:GLY:HA2	19	2.97
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB2	20	2.97
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB3	20	2.97
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB2	20	2.97
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB3	20	2.97
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB2	20	2.97
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB3	20	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD11	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD12	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD13	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD21	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD22	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD23	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD11	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD12	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD13	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD21	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD22	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD23	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD11	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD12	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD13	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD21	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD22	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD23	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD11	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD12	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD13	1	2.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD21	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD22	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD23	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD11	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD12	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD13	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD21	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD22	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD23	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD11	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD12	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD13	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD21	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD22	1	2.97
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD23	1	2.97
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD21	12	2.97
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD22	12	2.97
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD23	12	2.97
(4,102)	1:150:A:SER:H	1:157:A:PRO:HD2	10	2.97
(2,326)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	18	2.97
(1,234)	1:100:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	4	2.97
(5,643)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	6	2.96
(5,606)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	5	2.96
(5,486)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	12	2.96
(5,411)	1:5:A:ASN:ND2	1:98:A:SER:H	9	2.96
(4,3919)	1:82:A:PHE:HZ	1:100:A:SER:H	2	2.96
(4,3810)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD21	7	2.96
(4,3803)	1:158:A:GLU:H	1:161:A:ALA:H	19	2.96
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE1	1:230:A:GLY:H	2	2.96
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE2	1:230:A:GLY:H	2	2.96
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE1	1:230:A:GLY:H	3	2.96
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE2	1:230:A:GLY:H	3	2.96
(4,3730)	1:29:A:ASN:HB3	1:30:A:GLU:HG2	9	2.96
(4,3051)	1:163:A:THR:HA	1:165:A:LEU:HB3	15	2.96
(4,2854)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:HG2	20	2.96
(4,2795)	1:119:A:GLN:HE21	1:127:A:ASN:H	14	2.96
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD11	17	2.96
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD12	17	2.96
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD13	17	2.96
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD21	17	2.96
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD22	17	2.96
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD23	17	2.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD11	17	2.96
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD12	17	2.96
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD13	17	2.96
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD21	17	2.96
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD22	17	2.96
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD23	17	2.96
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE2	1:214:A:TYR:HA	12	2.96
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE3	1:214:A:TYR:HA	12	2.96
(4,2289)	1:82:A:PHE:HZ	1:97:A:HIS:H	7	2.96
(4,2289)	1:82:A:PHE:HZ	1:97:A:HIS:H	14	2.96
(4,1476)	1:29:A:ASN:HB2	1:30:A:GLU:HG2	2	2.96
(4,1433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:H	3	2.96
(4,1371)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HE22	14	2.96
(4,1247)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD22	9	2.96
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB2	12	2.96
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB3	12	2.96
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB2	12	2.96
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB3	12	2.96
(4,52)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:H	10	2.96
(4,45)	1:151:A:THR:HA	1:154:A:SER:HA	6	2.96
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD21	18	2.96
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD22	18	2.96
(1,540)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	9	2.96
(1,326)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	11	2.96
(1,182)	1:61:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	14	2.96
(5,567)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	6	2.95
(5,525)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	14	2.95
(5,422)	1:5:A:ASN:ND2	1:55:A:ILE:H	11	2.95
(5,418)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	3	2.95
(5,352)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	6	2.95
(4,3730)	1:29:A:ASN:HB3	1:30:A:GLU:HG2	13	2.95
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE1	18	2.95
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE2	18	2.95
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE1	18	2.95
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE2	18	2.95
(4,3112)	1:119:A:GLN:HE21	1:130:A:ASP:H	2	2.95
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:H	14	2.95
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:H	14	2.95
(4,2910)	1:138:A:VAL:HB	1:141:A:VAL:HB	10	2.95
(4,2699)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:H	17	2.95
(4,2699)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:H	17	2.95
(4,2483)	1:31:A:TRP:HZ2	1:106:A:LEU:H	3	2.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2399)	1:118:A:SER:HA	1:119:A:GLN:HE21	10	2.95
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD11	1:152:A:GLY:H	17	2.95
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD12	1:152:A:GLY:H	17	2.95
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD13	1:152:A:GLY:H	17	2.95
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	11	2.95
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	11	2.95
(4,938)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	12	2.95
(4,829)	1:73:A:ILE:HD11	1:187:A:GLY:H	19	2.95
(4,829)	1:73:A:ILE:HD12	1:187:A:GLY:H	19	2.95
(4,829)	1:73:A:ILE:HD13	1:187:A:GLY:H	19	2.95
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG21	1	2.95
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG22	1	2.95
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG23	1	2.95
(4,180)	1:153:A:GLN:H	1:156:A:ALA:HA	5	2.95
(2,134)	1:103:A:GLN:H	1:104:A:SER:OG	4	2.95
(1,538)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	11	2.95
(1,528)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	11	2.95
(1,146)	1:189:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	4	2.95
(1,83)	1:36:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	13	2.95
(5,474)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	15	2.94
(5,431)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	3	2.94
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD1	7	2.94
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD2	7	2.94
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB2	16	2.94
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB3	16	2.94
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB2	16	2.94
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB3	16	2.94
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB2	16	2.94
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB3	16	2.94
(4,3839)	1:97:A:HIS:HD1	1:169:A:THR:HG1	9	2.94
(4,3803)	1:158:A:GLU:H	1:161:A:ALA:H	9	2.94
(4,3341)	1:146:A:VAL:H	1:150:A:SER:H	1	2.94
(4,3341)	1:146:A:VAL:H	1:150:A:SER:H	14	2.94
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB1	12	2.94
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB2	12	2.94
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB3	12	2.94
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB1	12	2.94
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB2	12	2.94
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB3	12	2.94
(4,2622)	1:5:A:ASN:HD21	1:7:A:ALA:H	9	2.94
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG11	5	2.94
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG12	5	2.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG13	5	2.94
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG11	5	2.94
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG12	5	2.94
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG13	5	2.94
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG21	1:58:A:LEU:HG	6	2.94
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG22	1:58:A:LEU:HG	6	2.94
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG23	1:58:A:LEU:HG	6	2.94
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD1	9	2.94
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD2	9	2.94
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:HE22	17	2.94
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:HE22	17	2.94
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:HE22	17	2.94
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE21	2	2.94
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE22	2	2.94
(4,305)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG21	1	2.94
(4,305)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG22	1	2.94
(4,305)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG23	1	2.94
(4,305)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG21	1	2.94
(4,305)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG22	1	2.94
(4,305)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG23	1	2.94
(4,149)	1:234:A:ASN:HD21	1:236:A:GLU:H	4	2.94
(2,172)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	7	2.94
(1,520)	1:5:A:ASN:ND2	1:180:A:LEU:H	15	2.94
(1,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	16	2.94
(1,104)	1:56:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	19	2.94
(5,574)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	1	2.93
(5,400)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	15	2.93
(4,3803)	1:158:A:GLU:H	1:161:A:ALA:H	1	2.93
(4,3507)	1:153:A:GLN:HE22	1:155:A:GLU:H	3	2.93
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG21	14	2.93
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG22	14	2.93
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG23	14	2.93
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD11	18	2.93
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD12	18	2.93
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD13	18	2.93
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG11	1	2.93
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG12	1	2.93
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG13	1	2.93
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD1	14	2.93
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD2	14	2.93
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD1	14	2.93
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD2	14	2.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD1	14	2.93
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD2	14	2.93
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG21	17	2.93
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG22	17	2.93
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG23	17	2.93
(4,2436)	1:157:A:PRO:HB2	1:160:A:THR:HA	1	2.93
(4,2399)	1:118:A:SER:HA	1:119:A:GLN:HE21	1	2.93
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG11	17	2.93
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG12	17	2.93
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG13	17	2.93
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG11	17	2.93
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG12	17	2.93
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG13	17	2.93
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG21	20	2.93
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG22	20	2.93
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG23	20	2.93
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD11	14	2.93
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD12	14	2.93
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD13	14	2.93
(4,1604)	1:233:A:PRO:HB3	1:235:A:TRP:HE1	2	2.93
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD1	20	2.93
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD2	20	2.93
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD11	17	2.93
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD12	17	2.93
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD13	17	2.93
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD21	13	2.93
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD22	13	2.93
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD23	13	2.93
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD21	20	2.93
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD22	20	2.93
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD23	20	2.93
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG11	17	2.93
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG12	17	2.93
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG13	17	2.93
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG11	17	2.93
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG12	17	2.93
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG13	17	2.93
(1,397)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	17	2.93
(1,258)	1:5:A:ASN:ND2	1:170:A:TYR:H	17	2.93
(5,725)	1:5:A:ASN:ND2	1:69:A:THR:H	6	2.92
(5,682)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	2	2.92
(5,642)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	14	2.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,612)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	13	2.92
(5,90)	1:140:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	17	2.92
(4,3893)	1:119:A:GLN:HE21	1:125:A:SER:H	15	2.92
(4,3839)	1:97:A:HIS:HD1	1:169:A:THR:HG1	1	2.92
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HG3	9	2.92
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HG3	9	2.92
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HG3	9	2.92
(4,3570)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD21	15	2.92
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB1	2	2.92
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB2	2	2.92
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB3	2	2.92
(4,3300)	1:163:A:THR:HG21	1:166:A:HIS:HA	11	2.92
(4,3300)	1:163:A:THR:HG22	1:166:A:HIS:HA	11	2.92
(4,3300)	1:163:A:THR:HG23	1:166:A:HIS:HA	11	2.92
(4,3220)	1:31:A:TRP:HE3	1:53:A:LYS:H	9	2.92
(4,2910)	1:138:A:VAL:HB	1:141:A:VAL:HB	6	2.92
(4,2885)	1:119:A:GLN:HE22	1:133:A:THR:H	16	2.92
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD21	15	2.92
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD22	15	2.92
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB2	1:7:A:ALA:H	2	2.92
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB3	1:7:A:ALA:H	2	2.92
(4,1845)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:HD21	13	2.92
(4,1845)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:HD21	15	2.92
(4,1002)	1:118:A:SER:H	1:119:A:GLN:HE22	10	2.92
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB1	1	2.92
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB2	1	2.92
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB3	1	2.92
(4,497)	1:29:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD21	15	2.92
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG11	15	2.92
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG12	15	2.92
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG13	15	2.92
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG21	15	2.92
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG22	15	2.92
(4,465)	1:7:A:ALA:HA	1:146:A:VAL:HG23	15	2.92
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE1	20	2.92
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE2	20	2.92
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG21	2	2.92
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG22	2	2.92
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG23	2	2.92
(4,296)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD21	3	2.92
(4,31)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:H	11	2.92
(4,31)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:H	11	2.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,6)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HA	3	2.92
(2,134)	1:103:A:GLN:H	1:104:A:SER:OG	8	2.92
(1,526)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	3	2.92
(1,388)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	18	2.92
(1,87)	1:220:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	12	2.92
(1,74)	1:221:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	8	2.92
(5,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	10	2.91
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG21	5	2.91
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG22	5	2.91
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG23	5	2.91
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG21	5	2.91
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG22	5	2.91
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG23	5	2.91
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD21	6	2.91
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD22	6	2.91
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD23	6	2.91
(4,3835)	1:153:A:GLN:HB2	1:157:A:PRO:HD2	3	2.91
(4,3835)	1:153:A:GLN:HB3	1:157:A:PRO:HD2	3	2.91
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD21	3	2.91
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD22	3	2.91
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD23	3	2.91
(4,3203)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:H	19	2.91
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG21	4	2.91
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG22	4	2.91
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG23	4	2.91
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG21	4	2.91
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG22	4	2.91
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG23	4	2.91
(4,2854)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:HG2	14	2.91
(4,2699)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:H	5	2.91
(4,2699)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:H	5	2.91
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG21	12	2.91
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG22	12	2.91
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG23	12	2.91
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG21	12	2.91
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG22	12	2.91
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG23	12	2.91
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE21	11	2.91
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE22	11	2.91
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG11	6	2.91
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG12	6	2.91
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG13	6	2.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1820)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA3	12	2.91
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD11	17	2.91
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD12	17	2.91
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD13	17	2.91
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD21	15	2.91
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD22	15	2.91
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD21	15	2.91
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD22	15	2.91
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD11	1:21:A:PHE:H	3	2.91
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD12	1:21:A:PHE:H	3	2.91
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD13	1:21:A:PHE:H	3	2.91
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD21	12	2.91
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD22	12	2.91
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD23	12	2.91
(2,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	17	2.91
(2,271)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:ND2	20	2.91
(1,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	12	2.91
(1,210)	1:219:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	13	2.91
(5,585)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	19	2.9
(5,583)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	7	2.9
(4,3203)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:H	5	2.9
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD11	19	2.9
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD12	19	2.9
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD13	19	2.9
(4,2699)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:H	20	2.9
(4,2699)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:H	20	2.9
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG21	18	2.9
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG22	18	2.9
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG23	18	2.9
(4,1992)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HB3	5	2.9
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:H	14	2.9
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:H	14	2.9
(4,1433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:H	18	2.9
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB1	5	2.9
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB2	5	2.9
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB3	5	2.9
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE1	17	2.9
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE2	17	2.9
(4,1022)	1:30:A:GLU:H	1:31:A:TRP:HE1	17	2.9
(4,829)	1:73:A:ILE:HD11	1:187:A:GLY:H	13	2.9
(4,829)	1:73:A:ILE:HD12	1:187:A:GLY:H	13	2.9
(4,829)	1:73:A:ILE:HD13	1:187:A:GLY:H	13	2.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,592)	1:81:A:TRP:HE1	1:181:A:ASP:H	12	2.9
(4,464)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HE1	16	2.9
(4,169)	1:145:A:ASN:H	1:150:A:SER:H	1	2.9
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD11	10	2.9
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD12	10	2.9
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD13	10	2.9
(1,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	17	2.9
(5,697)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	7	2.89
(5,630)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	19	2.89
(5,553)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	3	2.89
(5,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	12	2.89
(5,448)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	5	2.89
(5,314)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	15	2.89
(5,29)	1:104:A:SER:OG	1:161:A:ALA:H	16	2.89
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD21	2	2.89
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD22	2	2.89
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD23	2	2.89
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD1	13	2.89
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD2	13	2.89
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD21	13	2.89
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD22	13	2.89
(4,3789)	1:157:A:PRO:HA	1:161:A:ALA:H	15	2.89
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD11	13	2.89
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD12	13	2.89
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD13	13	2.89
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD11	13	2.89
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD12	13	2.89
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD13	13	2.89
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD11	11	2.89
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD12	11	2.89
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD13	11	2.89
(4,2795)	1:119:A:GLN:HE21	1:127:A:ASN:H	2	2.89
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD21	17	2.89
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD22	17	2.89
(4,2399)	1:118:A:SER:HA	1:119:A:GLN:HE21	20	2.89
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD21	2	2.89
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD22	2	2.89
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD23	2	2.89
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD11	10	2.89
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD12	10	2.89
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD13	10	2.89
(4,1492)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG3	12	2.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1123)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HD22	20	2.89
(4,849)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:H	8	2.89
(4,495)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD22	5	2.89
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD11	17	2.89
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD12	17	2.89
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD13	17	2.89
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD21	17	2.89
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD22	17	2.89
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD23	17	2.89
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD11	17	2.89
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD12	17	2.89
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD13	17	2.89
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD21	17	2.89
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD22	17	2.89
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD23	17	2.89
(2,599)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	6	2.89
(1,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	18	2.89
(1,602)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	16	2.89
(5,722)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	9	2.88
(5,721)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	20	2.88
(5,719)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	5	2.88
(5,577)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	14	2.88
(5,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	11	2.88
(5,73)	1:89:A:ALA:H	1:104:A:SER:OG	7	2.88
(4,3127)	1:31:A:TRP:HE1	1:106:A:LEU:H	14	2.88
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB2	1:7:A:ALA:H	4	2.88
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB3	1:7:A:ALA:H	4	2.88
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB2	1:7:A:ALA:H	5	2.88
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB3	1:7:A:ALA:H	5	2.88
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG21	1:13:A:SER:HA	17	2.88
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG22	1:13:A:SER:HA	17	2.88
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG23	1:13:A:SER:HA	17	2.88
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:HD21	13	2.88
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:HD22	13	2.88
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:HD23	13	2.88
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:HD21	13	2.88
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:HD22	13	2.88
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:HD23	13	2.88
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:H	5	2.88
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:H	5	2.88
(4,1555)	1:62:A:ASN:H	1:164:A:ASN:HD22	7	2.88
(4,938)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	17	2.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,619)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:H	5	2.88
(4,619)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:H	5	2.88
(4,592)	1:81:A:TRP:HE1	1:181:A:ASP:H	10	2.88
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG21	13	2.88
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG22	13	2.88
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG23	13	2.88
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG21	13	2.88
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG22	13	2.88
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG23	13	2.88
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG21	13	2.88
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG22	13	2.88
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG23	13	2.88
(4,296)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD21	20	2.88
(4,181)	1:162:A:ASP:HB2	1:164:A:ASN:HD21	5	2.88
(4,181)	1:162:A:ASP:HB3	1:164:A:ASN:HD21	5	2.88
(1,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	5	2.88
(1,414)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	17	2.88
(1,219)	1:183:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	10	2.88
(5,831)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	5	2.87
(5,721)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	10	2.87
(5,629)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	16	2.87
(5,411)	1:5:A:ASN:ND2	1:98:A:SER:H	5	2.87
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	16	2.87
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	16	2.87
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	16	2.87
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	10	2.87
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	10	2.87
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	10	2.87
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	10	2.87
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	10	2.87
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	10	2.87
(4,2893)	1:153:A:GLN:HA	1:157:A:PRO:HD3	16	2.87
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE2	1:214:A:TYR:HA	17	2.87
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE3	1:214:A:TYR:HA	17	2.87
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:H	1	2.87
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:H	1	2.87
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:H	1	2.87
(4,1626)	1:95:A:ILE:H	1:98:A:SER:HG	12	2.87
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD21	18	2.87
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD21	18	2.87
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD21	18	2.87
(4,447)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	11	2.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG21	18	2.87
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG22	18	2.87
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG23	18	2.87
(1,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	3	2.87
(5,615)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	11	2.86
(5,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	3	2.86
(5,508)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	3	2.86
(5,295)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	1	2.86
(5,59)	1:104:A:SER:OG	1:214:A:TYR:H	5	2.86
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD1	14	2.86
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD2	14	2.86
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD11	1	2.86
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD12	1	2.86
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD13	1	2.86
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD21	1	2.86
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD22	1	2.86
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD23	1	2.86
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:H	3	2.86
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:H	3	2.86
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD11	1:114:A:ASN:H	10	2.86
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD12	1:114:A:ASN:H	10	2.86
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD13	1:114:A:ASN:H	10	2.86
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD2	1:217:A:ASN:HD22	3	2.86
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD3	1:217:A:ASN:HD22	3	2.86
(4,910)	1:78:A:ASP:H	1:174:A:ASN:HD22	13	2.86
(4,31)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:H	20	2.86
(4,31)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:H	20	2.86
(2,599)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	10	2.86
(2,172)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	1	2.86
(5,765)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	8	2.85
(5,754)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	19	2.85
(5,645)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	1	2.85
(5,590)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	6	2.85
(5,377)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	1	2.85
(5,14)	1:87:A:LYS:H	1:104:A:SER:OG	17	2.85
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG21	14	2.85
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG22	14	2.85
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG23	14	2.85
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG21	14	2.85
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG22	14	2.85
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG23	14	2.85
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG11	18	2.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG12	18	2.85
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG13	18	2.85
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD11	11	2.85
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD12	11	2.85
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD13	11	2.85
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD11	11	2.85
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD12	11	2.85
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD13	11	2.85
(4,3570)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD21	17	2.85
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA2	2	2.85
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA3	2	2.85
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA2	2	2.85
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA3	2	2.85
(4,3485)	1:126:A:LYS:HG2	1:127:A:ASN:HD21	18	2.85
(4,3485)	1:126:A:LYS:HG3	1:127:A:ASN:HD21	18	2.85
(4,3391)	1:11:A:ILE:HA	1:151:A:THR:HA	2	2.85
(4,3341)	1:146:A:VAL:H	1:150:A:SER:H	8	2.85
(4,1830)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD22	8	2.85
(4,1515)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HA	20	2.85
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	8	2.85
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	8	2.85
(4,1187)	1:82:A:PHE:HE1	1:100:A:SER:H	3	2.85
(4,1187)	1:82:A:PHE:HE2	1:100:A:SER:H	3	2.85
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HA	19	2.85
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HA	19	2.85
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE1	19	2.85
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE2	19	2.85
(4,941)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:H	16	2.85
(4,941)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:H	16	2.85
(4,827)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA3	10	2.85
(5,823)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	10	2.84
(5,733)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	4	2.84
(5,59)	1:104:A:SER:OG	1:214:A:TYR:H	18	2.84
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD1	18	2.84
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD2	18	2.84
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG11	11	2.84
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG12	11	2.84
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG13	11	2.84
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG11	11	2.84
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG12	11	2.84
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG13	11	2.84
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD2	1:214:A:TYR:HA	4	2.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD3	1:214:A:TYR:HA	4	2.84
(4,3863)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE22	3	2.84
(4,3500)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD22	6	2.84
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	14	2.84
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	14	2.84
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD22	3	2.84
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD22	3	2.84
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD22	3	2.84
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE1	1:95:A:ILE:H	4	2.84
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE2	1:95:A:ILE:H	4	2.84
(4,1992)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HB3	8	2.84
(4,1626)	1:95:A:ILE:H	1:98:A:SER:HG	15	2.84
(4,1604)	1:233:A:PRO:HB3	1:235:A:TRP:HE1	11	2.84
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD11	19	2.84
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD12	19	2.84
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD13	19	2.84
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD11	19	2.84
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD12	19	2.84
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD13	19	2.84
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD11	19	2.84
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD12	19	2.84
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD13	19	2.84
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB1	1	2.84
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB2	1	2.84
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB3	1	2.84
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB1	1	2.84
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB2	1	2.84
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB3	1	2.84
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB1	1	2.84
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB2	1	2.84
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB3	1	2.84
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB1	1	2.84
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB2	1	2.84
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB3	1	2.84
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB1	1	2.84
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB2	1	2.84
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB3	1	2.84
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB1	1	2.84
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB2	1	2.84
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB3	1	2.84
(4,346)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HD1	2	2.84
(4,296)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD21	18	2.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE1	20	2.84
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE2	20	2.84
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE1	20	2.84
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE2	20	2.84
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE1	20	2.84
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE2	20	2.84
(1,478)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	8	2.84
(5,645)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	16	2.83
(5,458)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	11	2.83
(5,363)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	8	2.83
(5,340)	1:5:A:ASN:ND2	1:13:A:SER:H	19	2.83
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD21	10	2.83
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD22	10	2.83
(4,3943)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:H	4	2.83
(4,3919)	1:82:A:PHE:HZ	1:100:A:SER:H	5	2.83
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	5	2.83
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	5	2.83
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	5	2.83
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	5	2.83
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	5	2.83
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	5	2.83
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:CD2	17	2.83
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:CD2	17	2.83
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:CD2	17	2.83
(4,3300)	1:163:A:THR:HG21	1:166:A:HIS:HA	2	2.83
(4,3300)	1:163:A:THR:HG22	1:166:A:HIS:HA	2	2.83
(4,3300)	1:163:A:THR:HG23	1:166:A:HIS:HA	2	2.83
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG21	13	2.83
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG22	13	2.83
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG23	13	2.83
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG21	13	2.83
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG22	13	2.83
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG23	13	2.83
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE1	11	2.83
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE2	11	2.83
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:H	9	2.83
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:H	9	2.83
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:H	9	2.83
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:CD1	20	2.83
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:CD1	20	2.83
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:CD1	20	2.83
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:CD1	20	2.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:CD1	20	2.83
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:CD1	20	2.83
(4,1644)	1:31:A:TRP:HE3	1:232:A:GLY:H	2	2.83
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB1	13	2.83
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB2	13	2.83
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB3	13	2.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB1	20	2.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB2	20	2.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB3	20	2.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB1	20	2.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB2	20	2.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB3	20	2.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB1	20	2.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB2	20	2.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB3	20	2.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB1	20	2.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB2	20	2.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB3	20	2.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB1	20	2.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB2	20	2.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB3	20	2.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB1	20	2.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB2	20	2.83
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB3	20	2.83
(4,1002)	1:118:A:SER:H	1:119:A:GLN:HE22	13	2.83
(4,169)	1:145:A:ASN:H	1:150:A:SER:H	15	2.83
(4,18)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD22	8	2.83
(4,18)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD22	8	2.83
(4,18)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD22	8	2.83
(4,18)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD22	12	2.83
(4,18)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD22	12	2.83
(4,18)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD22	12	2.83
(4,6)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HA	4	2.83
(1,104)	1:56:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	12	2.83
(1,73)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	6	2.83
(5,451)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	5	2.82
(5,387)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	16	2.82
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE1	19	2.82
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE2	19	2.82
(4,3722)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HG	16	2.82
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD11	19	2.82
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD12	19	2.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD13	19	2.82
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:H	3	2.82
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:H	3	2.82
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:H	3	2.82
(4,1992)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HB3	17	2.82
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE21	2	2.82
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE21	2	2.82
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD11	13	2.82
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD12	13	2.82
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD13	13	2.82
(4,1007)	1:81:A:TRP:HZ2	1:82:A:PHE:H	2	2.82
(4,181)	1:162:A:ASP:HB2	1:164:A:ASN:HD21	13	2.82
(4,181)	1:162:A:ASP:HB3	1:164:A:ASN:HD21	13	2.82
(4,169)	1:145:A:ASN:H	1:150:A:SER:H	14	2.82
(4,113)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:HA	1	2.82
(4,113)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:HA	1	2.82
(2,599)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	9	2.82
(2,396)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	20	2.82
(1,394)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	8	2.82
(1,169)	1:9:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	13	2.82
(5,780)	1:5:A:ASN:ND2	1:236:A:GLU:H	5	2.81
(5,780)	1:5:A:ASN:ND2	1:236:A:GLU:H	7	2.81
(5,489)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	5	2.81
(5,457)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	6	2.81
(4,3606)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB2	13	2.81
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA2	12	2.81
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA3	12	2.81
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA2	12	2.81
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA3	12	2.81
(4,3500)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD22	9	2.81
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB2	16	2.81
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB3	16	2.81
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB2	16	2.81
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB3	16	2.81
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB2	16	2.81
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB3	16	2.81
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB2	16	2.81
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB3	16	2.81
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB2	16	2.81
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB3	16	2.81
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB2	16	2.81
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB3	16	2.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3264)	1:79:A:VAL:HB	1:173:A:GLU:H	10	2.81
(4,3215)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:H	13	2.81
(4,3215)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:H	13	2.81
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG21	12	2.81
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG22	12	2.81
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG23	12	2.81
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG21	12	2.81
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG22	12	2.81
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG23	12	2.81
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG21	11	2.81
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG22	11	2.81
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG23	11	2.81
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG21	11	2.81
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG22	11	2.81
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG23	11	2.81
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE1	19	2.81
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE2	19	2.81
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD1	1	2.81
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD2	1	2.81
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD1	1	2.81
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD2	1	2.81
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD1	1	2.81
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD2	1	2.81
(4,2735)	1:153:A:GLN:HE22	1:156:A:ALA:H	20	2.81
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD21	9	2.81
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD22	9	2.81
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD23	9	2.81
(4,2582)	1:163:A:THR:HB	1:165:A:LEU:HB3	9	2.81
(4,2483)	1:31:A:TRP:HZ2	1:106:A:LEU:H	12	2.81
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	10	2.81
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	10	2.81
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	10	2.81
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HA	5	2.81
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HA	5	2.81
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HA	5	2.81
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HA	5	2.81
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HA	5	2.81
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HA	5	2.81
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD1	9	2.81
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD2	9	2.81
(4,1520)	1:23:A:HIS:HD2	1:29:A:ASN:H	8	2.81
(4,1433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:H	8	2.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1112)	1:81:A:TRP:HZ2	1:181:A:ASP:H	19	2.81
(4,1092)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:H	20	2.81
(4,102)	1:150:A:SER:H	1:157:A:PRO:HD2	16	2.81
(2,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	17	2.81
(2,396)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	2	2.81
(1,324)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	12	2.81
(1,182)	1:61:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	1	2.81
(5,679)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	2	2.8
(5,73)	1:89:A:ALA:H	1:104:A:SER:OG	9	2.8
(5,23)	1:13:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	7	2.8
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD11	3	2.8
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD12	3	2.8
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD13	3	2.8
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD21	3	2.8
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD22	3	2.8
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD23	3	2.8
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HB	6	2.8
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HB	6	2.8
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD21	8	2.8
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD22	8	2.8
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD23	8	2.8
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD11	2	2.8
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD12	2	2.8
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD13	2	2.8
(4,2854)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:HG2	15	2.8
(4,2399)	1:118:A:SER:HA	1:119:A:GLN:HE21	6	2.8
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG11	18	2.8
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG12	18	2.8
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG13	18	2.8
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:H	8	2.8
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:H	8	2.8
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:H	8	2.8
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD21	1:139:A:LEU:H	8	2.8
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD22	1:139:A:LEU:H	8	2.8
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD23	1:139:A:LEU:H	8	2.8
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE1	1:49:A:PRO:HG2	17	2.8
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE1	1:49:A:PRO:HG3	17	2.8
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE2	1:49:A:PRO:HG2	17	2.8
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE2	1:49:A:PRO:HG3	17	2.8
(4,1492)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG3	5	2.8
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD1	18	2.8
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD2	18	2.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB1	7	2.8
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB2	7	2.8
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB3	7	2.8
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG12	14	2.8
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG12	14	2.8
(4,1233)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HH2	19	2.8
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	20	2.8
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	20	2.8
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD11	1	2.8
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD12	1	2.8
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD13	1	2.8
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE2	7	2.8
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE3	7	2.8
(4,926)	1:11:A:ILE:HG12	1:92:A:LEU:HA	11	2.8
(4,926)	1:11:A:ILE:HG13	1:92:A:LEU:HA	11	2.8
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG2	19	2.8
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG3	19	2.8
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG2	19	2.8
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG3	19	2.8
(4,277)	1:82:A:PHE:HE1	1:99:A:LEU:H	2	2.8
(4,277)	1:82:A:PHE:HE2	1:99:A:LEU:H	2	2.8
(4,224)	1:39:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:CG1	9	2.8
(4,224)	1:39:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:CG1	9	2.8
(4,224)	1:39:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:CG1	9	2.8
(4,169)	1:145:A:ASN:H	1:150:A:SER:H	6	2.8
(2,189)	1:140:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	18	2.8
(1,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	5	2.8
(1,210)	1:219:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	19	2.8
(5,676)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	20	2.79
(5,668)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	6	2.79
(5,599)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	6	2.79
(5,488)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	1	2.79
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD2	11	2.79
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD3	11	2.79
(4,4246)	1:62:A:ASN:H	1:65:A:ARG:H	10	2.79
(4,4234)	1:2:A:SER:HA	1:8:A:VAL:HA	15	2.79
(4,3326)	1:138:A:VAL:HB	1:139:A:LEU:HG	13	2.79
(4,3203)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:H	11	2.79
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:CG1	17	2.79
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:CG1	17	2.79
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:CG1	17	2.79
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB1	19	2.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB2	19	2.79
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB3	19	2.79
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB1	19	2.79
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB2	19	2.79
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB3	19	2.79
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	12	2.79
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	12	2.79
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	12	2.79
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HD1	4	2.79
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG3	1:235:A:TRP:HD1	4	2.79
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD11	13	2.79
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD12	13	2.79
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD13	13	2.79
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD11	13	2.79
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD12	13	2.79
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD13	13	2.79
(4,1832)	1:78:A:ASP:H	1:178:A:PHE:HE1	10	2.79
(4,1832)	1:78:A:ASP:H	1:178:A:PHE:HE2	10	2.79
(4,1357)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:HA	6	2.79
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD21	11	2.79
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD22	11	2.79
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD23	11	2.79
(4,780)	1:73:A:ILE:HG12	1:76:A:SER:H	12	2.79
(4,780)	1:73:A:ILE:HG13	1:76:A:SER:H	12	2.79
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG21	17	2.79
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG22	17	2.79
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG23	17	2.79
(4,372)	1:81:A:TRP:HE3	1:129:A:PHE:H	15	2.79
(2,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	15	2.79
(1,444)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	14	2.79
(5,736)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	2	2.78
(5,632)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	9	2.78
(5,503)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	16	2.78
(5,59)	1:104:A:SER:OG	1:214:A:TYR:H	16	2.78
(5,14)	1:87:A:LYS:H	1:104:A:SER:OG	12	2.78
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD11	15	2.78
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD12	15	2.78
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD13	15	2.78
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:H	20	2.78
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:H	20	2.78
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:H	20	2.78
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:H	20	2.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:H	20	2.78
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:H	20	2.78
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD11	8	2.78
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD12	8	2.78
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD13	8	2.78
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD11	19	2.78
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD12	19	2.78
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD13	19	2.78
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD11	19	2.78
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD12	19	2.78
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD13	19	2.78
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG11	16	2.78
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG12	16	2.78
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG13	16	2.78
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG11	16	2.78
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG12	16	2.78
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG13	16	2.78
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD21	12	2.78
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD22	12	2.78
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD23	12	2.78
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE21	6	2.78
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE22	6	2.78
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE21	6	2.78
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE22	6	2.78
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB2	20	2.78
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB3	20	2.78
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB2	20	2.78
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB3	20	2.78
(4,2982)	1:4:A:GLU:H	1:147:A:GLN:H	1	2.78
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE1	15	2.78
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE2	15	2.78
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG21	12	2.78
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG22	12	2.78
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG23	12	2.78
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD11	4	2.78
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD12	4	2.78
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD13	4	2.78
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD11	4	2.78
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD12	4	2.78
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD13	4	2.78
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD11	4	2.78
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD12	4	2.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD13	4	2.78
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD11	4	2.78
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD12	4	2.78
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD13	4	2.78
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD11	4	2.78
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD12	4	2.78
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD13	4	2.78
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD11	4	2.78
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD12	4	2.78
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD13	4	2.78
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD11	4	2.78
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD12	4	2.78
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD13	4	2.78
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD11	7	2.78
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD12	7	2.78
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD13	7	2.78
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD21	7	2.78
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD22	7	2.78
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD23	7	2.78
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD1	19	2.78
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD2	19	2.78
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD1	19	2.78
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD2	19	2.78
(4,1590)	1:15:A:PRO:HG2	1:34:A:PHE:HA	19	2.78
(4,1229)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:CD1	4	2.78
(4,1229)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:CD1	4	2.78
(4,1229)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:CD1	4	2.78
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD21	4	2.78
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD22	4	2.78
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD23	4	2.78
(4,1002)	1:118:A:SER:H	1:119:A:GLN:HE22	11	2.78
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB1	5	2.78
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB2	5	2.78
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB3	5	2.78
(4,868)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HB2	7	2.78
(4,868)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HB3	7	2.78
(4,868)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HB2	7	2.78
(4,868)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HB3	7	2.78
(4,849)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:H	7	2.78
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD11	14	2.78
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD12	14	2.78
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD13	14	2.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD21	14	2.78
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD22	14	2.78
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD23	14	2.78
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD11	16	2.78
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD12	16	2.78
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD13	16	2.78
(4,211)	1:83:A:LYS:HD2	1:86:A:VAL:H	17	2.78
(4,211)	1:83:A:LYS:HD3	1:86:A:VAL:H	17	2.78
(1,589)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	9	2.78
(1,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	5	2.78
(1,123)	1:97:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	6	2.78
(1,116)	1:169:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	10	2.78
(5,678)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	4	2.77
(5,412)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	8	2.77
(5,34)	1:104:A:SER:OG	1:126:A:LYS:H	1	2.77
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD1	9	2.77
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD2	9	2.77
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG12	1:214:A:TYR:HD1	12	2.77
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG12	1:214:A:TYR:HD2	12	2.77
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG13	1:214:A:TYR:HD1	12	2.77
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG13	1:214:A:TYR:HD2	12	2.77
(4,3648)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HD21	10	2.77
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD21	6	2.77
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD21	6	2.77
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD21	6	2.77
(4,2910)	1:138:A:VAL:HB	1:141:A:VAL:HB	8	2.77
(4,2436)	1:157:A:PRO:HB2	1:160:A:THR:HA	4	2.77
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HD1	3	2.77
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG3	1:235:A:TRP:HD1	3	2.77
(4,1357)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:HA	2	2.77
(4,1184)	1:97:A:HIS:HD1	1:169:A:THR:H	2	2.77
(4,447)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	16	2.77
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG21	6	2.77
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG22	6	2.77
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG23	6	2.77
(4,92)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HZ	13	2.77
(4,92)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HZ	13	2.77
(4,92)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HZ	13	2.77
(2,172)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	16	2.77
(1,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	8	2.77
(1,482)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	18	2.77
(1,452)	1:5:A:ASN:ND2	1:170:A:TYR:H	15	2.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,282)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	12	2.77
(5,738)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	7	2.76
(5,714)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	10	2.76
(5,573)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	5	2.76
(5,422)	1:5:A:ASN:ND2	1:55:A:ILE:H	4	2.76
(5,114)	1:78:A:ASP:H	1:140:A:ASN:ND2	20	2.76
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HA	14	2.76
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HA	14	2.76
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD1	1:151:A:THR:H	2	2.76
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD2	1:151:A:THR:H	2	2.76
(4,3820)	1:119:A:GLN:HE22	1:128:A:ARG:H	2	2.76
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD21	18	2.76
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD22	18	2.76
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD23	18	2.76
(4,3507)	1:153:A:GLN:HE22	1:155:A:GLU:H	12	2.76
(4,3469)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HD1	16	2.76
(4,3341)	1:146:A:VAL:H	1:150:A:SER:H	17	2.76
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD2	13	2.76
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD3	13	2.76
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG21	7	2.76
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG22	7	2.76
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG23	7	2.76
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB2	14	2.76
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB3	14	2.76
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB2	14	2.76
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB3	14	2.76
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB1	11	2.76
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB2	11	2.76
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB3	11	2.76
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB1	11	2.76
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB2	11	2.76
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB3	11	2.76
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB1	11	2.76
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB2	11	2.76
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB3	11	2.76
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG11	9	2.76
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG12	9	2.76
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG13	9	2.76
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG11	9	2.76
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG12	9	2.76
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG13	9	2.76
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:H	10	2.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:H	10	2.76
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:H	10	2.76
(4,1242)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:H	10	2.76
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE1	13	2.76
(4,1101)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HE2	13	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD11	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD12	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD13	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD21	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD22	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD23	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD11	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD12	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD13	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD21	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD22	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD23	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD11	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD12	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD13	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD21	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD22	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD23	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD11	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD12	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD13	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD21	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD22	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD23	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD11	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD12	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD13	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD21	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD22	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD23	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD11	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD12	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD13	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD21	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD22	11	2.76
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD23	11	2.76
(4,169)	1:145:A:ASN:H	1:150:A:SER:H	8	2.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE1	5	2.76
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE2	5	2.76
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE1	5	2.76
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE2	5	2.76
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE1	5	2.76
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE2	5	2.76
(1,173)	1:58:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	18	2.76
(1,162)	1:98:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	1	2.76
(5,571)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	11	2.75
(5,370)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	11	2.75
(5,202)	1:53:A:LYS:H	1:225:A:ASN:ND2	18	2.75
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD21	18	2.75
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD22	18	2.75
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD23	18	2.75
(4,3745)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD22	9	2.75
(4,3745)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD22	10	2.75
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG11	2	2.75
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG12	2	2.75
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG13	2	2.75
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG11	20	2.75
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG12	20	2.75
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG13	20	2.75
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG11	20	2.75
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG12	20	2.75
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG13	20	2.75
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG21	9	2.75
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG22	9	2.75
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG23	9	2.75
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD11	11	2.75
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD12	11	2.75
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD13	11	2.75
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD21	1:151:A:THR:H	9	2.75
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD22	1:151:A:THR:H	9	2.75
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:HB2	7	2.75
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:HB3	7	2.75
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:HB2	7	2.75
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:HB3	7	2.75
(4,1333)	1:153:A:GLN:HG2	1:157:A:PRO:HD3	3	2.75
(4,1333)	1:153:A:GLN:HG3	1:157:A:PRO:HD3	3	2.75
(4,1029)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	13	2.75
(4,1002)	1:118:A:SER:H	1:119:A:GLN:HE22	1	2.75
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB2	10	2.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB3	10	2.75
(2,172)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	11	2.75
(1,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	3	2.75
(1,482)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	14	2.75
(1,289)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	12	2.75
(1,209)	1:21:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	5	2.75
(5,786)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	10	2.74
(5,733)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	14	2.74
(5,714)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	18	2.74
(5,685)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	14	2.74
(5,385)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	11	2.74
(4,4246)	1:62:A:ASN:H	1:65:A:ARG:H	20	2.74
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD1	3	2.74
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD2	3	2.74
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	15	2.74
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	15	2.74
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	15	2.74
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD21	13	2.74
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD22	13	2.74
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD23	13	2.74
(4,3373)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:H	4	2.74
(4,3341)	1:146:A:VAL:H	1:150:A:SER:H	15	2.74
(4,3112)	1:119:A:GLN:HE21	1:130:A:ASP:H	14	2.74
(4,2868)	1:15:A:PRO:HG2	1:35:A:ASP:H	10	2.74
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD11	1:201:A:LEU:H	14	2.74
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD12	1:201:A:LEU:H	14	2.74
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD13	1:201:A:LEU:H	14	2.74
(4,2483)	1:31:A:TRP:HZ2	1:106:A:LEU:H	6	2.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	11	2.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	11	2.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	11	2.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	11	2.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	11	2.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	11	2.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	11	2.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	11	2.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	11	2.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	11	2.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	11	2.74
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	11	2.74
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:H	5	2.74
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:H	5	2.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:H	5	2.74
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD1	14	2.74
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD2	14	2.74
(4,1357)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:HA	1	2.74
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE2	3	2.74
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE3	3	2.74
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE2	13	2.74
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE3	13	2.74
(4,957)	1:62:A:ASN:HD21	1:65:A:ARG:H	12	2.74
(4,849)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:H	6	2.74
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG21	12	2.74
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG22	12	2.74
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG23	12	2.74
(4,649)	1:88:A:ASN:HB2	1:146:A:VAL:H	19	2.74
(4,649)	1:88:A:ASN:HB3	1:146:A:VAL:H	19	2.74
(4,619)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:H	18	2.74
(4,619)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:H	18	2.74
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB2	19	2.74
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB3	19	2.74
(1,547)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	12	2.74
(1,334)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	17	2.74
(1,216)	1:171:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	16	2.74
(1,159)	1:191:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	13	2.74
(1,5)	1:99:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	16	2.74
(5,749)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	19	2.73
(5,435)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	13	2.73
(5,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	18	2.73
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD21	3	2.73
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD22	3	2.73
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD23	3	2.73
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD11	10	2.73
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD12	10	2.73
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD13	10	2.73
(4,3789)	1:157:A:PRO:HA	1:161:A:ALA:H	5	2.73
(4,3745)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD22	6	2.73
(4,3745)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD22	17	2.73
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG21	9	2.73
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG22	9	2.73
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG23	9	2.73
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:H	6	2.73
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:H	6	2.73
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:H	6	2.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3606)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB2	9	2.73
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:CD2	11	2.73
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:CD2	11	2.73
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:CD2	11	2.73
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	20	2.73
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	20	2.73
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	20	2.73
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	20	2.73
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	20	2.73
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	20	2.73
(4,3075)	1:74:A:THR:H	1:77:A:TYR:H	19	2.73
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE1	17	2.73
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE2	17	2.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG21	11	2.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG22	11	2.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG23	11	2.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG21	11	2.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG22	11	2.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG23	11	2.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG21	11	2.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG22	11	2.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG23	11	2.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG21	11	2.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG22	11	2.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG23	11	2.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG21	11	2.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG22	11	2.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG23	11	2.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG21	11	2.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG22	11	2.73
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG23	11	2.73
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB1	19	2.73
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB2	19	2.73
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB3	19	2.73
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD1	8	2.73
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD2	8	2.73
(4,1233)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HH2	3	2.73
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB2	11	2.73
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB3	11	2.73
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB2	11	2.73
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB3	11	2.73
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB2	11	2.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB3	11	2.73
(4,982)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HD1	5	2.73
(4,982)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HD2	5	2.73
(4,982)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HD1	5	2.73
(4,982)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HD2	5	2.73
(4,982)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HD1	5	2.73
(4,982)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HD2	5	2.73
(4,855)	1:190:A:TYR:HE1	1:193:A:LYS:H	8	2.73
(4,855)	1:190:A:TYR:HE2	1:193:A:LYS:H	8	2.73
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB1	15	2.73
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB2	15	2.73
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB3	15	2.73
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB1	15	2.73
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB2	15	2.73
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB3	15	2.73
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE21	5	2.73
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE22	5	2.73
(4,658)	1:76:A:SER:H	1:188:A:PRO:HG3	10	2.73
(2,513)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	15	2.73
(2,172)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	9	2.73
(1,486)	1:5:A:ASN:ND2	1:20:A:ASN:H	16	2.73
(1,146)	1:189:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	15	2.73
(1,74)	1:221:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	11	2.73
(5,647)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	14	2.72
(5,638)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	17	2.72
(5,366)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	6	2.72
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD11	1	2.72
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD12	1	2.72
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD13	1	2.72
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD21	1	2.72
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD22	1	2.72
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD23	1	2.72
(4,4036)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD21	2	2.72
(4,3762)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:H	10	2.72
(4,3745)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD22	5	2.72
(4,3745)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD22	20	2.72
(4,3722)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HG	9	2.72
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD21	20	2.72
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD21	20	2.72
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD21	20	2.72
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD21	20	2.72
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD21	20	2.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD21	20	2.72
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD11	1:58:A:LEU:HG	9	2.72
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD12	1:58:A:LEU:HG	9	2.72
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD13	1:58:A:LEU:HG	9	2.72
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG21	9	2.72
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG22	9	2.72
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG23	9	2.72
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG2	3	2.72
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG3	3	2.72
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG2	3	2.72
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG3	3	2.72
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG2	3	2.72
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG3	3	2.72
(4,2483)	1:31:A:TRP:HZ2	1:106:A:LEU:H	19	2.72
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA2	1:6:A:ARG:HA	10	2.72
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA3	1:6:A:ARG:HA	10	2.72
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD11	15	2.72
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD12	15	2.72
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD13	15	2.72
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG11	1:20:A:ASN:HD21	11	2.72
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG12	1:20:A:ASN:HD21	11	2.72
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG13	1:20:A:ASN:HD21	11	2.72
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG11	1:20:A:ASN:HD21	20	2.72
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG12	1:20:A:ASN:HD21	20	2.72
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG13	1:20:A:ASN:HD21	20	2.72
(4,1029)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	3	2.72
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB2	3	2.72
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB3	3	2.72
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB2	3	2.72
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB3	3	2.72
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB2	3	2.72
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB3	3	2.72
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD11	19	2.72
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD12	19	2.72
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD13	19	2.72
(4,325)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HE1	2	2.72
(4,59)	1:20:A:ASN:HD21	1:24:A:LYS:H	16	2.72
(1,318)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	6	2.72
(1,107)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	5	2.72
(1,104)	1:56:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	17	2.72
(1,72)	1:170:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	18	2.72
(5,772)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	7	2.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	8	2.71
(5,296)	1:5:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	6	2.71
(4,3810)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD21	10	2.71
(4,3745)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD22	13	2.71
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HE1	19	2.71
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HE2	19	2.71
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HE1	19	2.71
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HE2	19	2.71
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HE1	19	2.71
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HE2	19	2.71
(4,3500)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD22	14	2.71
(4,3341)	1:146:A:VAL:H	1:150:A:SER:H	13	2.71
(4,3264)	1:79:A:VAL:HB	1:173:A:GLU:H	2	2.71
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD11	12	2.71
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD12	12	2.71
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD13	12	2.71
(4,3075)	1:74:A:THR:H	1:77:A:TYR:H	5	2.71
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD11	1:201:A:LEU:H	18	2.71
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD12	1:201:A:LEU:H	18	2.71
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD13	1:201:A:LEU:H	18	2.71
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD11	1	2.71
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD12	1	2.71
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD13	1	2.71
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD21	1	2.71
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD22	1	2.71
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD23	1	2.71
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD11	1	2.71
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD12	1	2.71
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD13	1	2.71
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD21	1	2.71
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD22	1	2.71
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD23	1	2.71
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE1	18	2.71
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE2	18	2.71
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE1	18	2.71
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE2	18	2.71
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE1	18	2.71
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE2	18	2.71
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB1	14	2.71
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB2	14	2.71
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB3	14	2.71
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB1	14	2.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB2	14	2.71
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB3	14	2.71
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB1	14	2.71
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB2	14	2.71
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB3	14	2.71
(4,592)	1:81:A:TRP:HE1	1:181:A:ASP:H	19	2.71
(4,164)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG12	1	2.71
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE1	14	2.71
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE2	14	2.71
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE1	14	2.71
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE2	14	2.71
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE1	14	2.71
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE2	14	2.71
(1,549)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	12	2.71
(1,461)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	3	2.71
(1,289)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	17	2.71
(5,809)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	20	2.7
(5,756)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	20	2.7
(5,691)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	9	2.7
(5,396)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	17	2.7
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD1	17	2.7
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD2	17	2.7
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD11	6	2.7
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD12	6	2.7
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD13	6	2.7
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD2	1:214:A:TYR:HA	12	2.7
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD3	1:214:A:TYR:HA	12	2.7
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:H	12	2.7
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:H	12	2.7
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:H	12	2.7
(4,3264)	1:79:A:VAL:HB	1:173:A:GLU:H	11	2.7
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB2	18	2.7
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB3	18	2.7
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB2	18	2.7
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB3	18	2.7
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:CG1	1	2.7
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:CG1	1	2.7
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:CG1	1	2.7
(4,2868)	1:15:A:PRO:HG2	1:35:A:ASP:H	13	2.7
(4,2839)	1:31:A:TRP:HZ3	1:53:A:LYS:H	12	2.7
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD21	3	2.7
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD22	3	2.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD23	3	2.7
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD21	11	2.7
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD22	11	2.7
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD23	11	2.7
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD11	19	2.7
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD12	19	2.7
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD13	19	2.7
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HA	11	2.7
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HA	11	2.7
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD11	7	2.7
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD12	7	2.7
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD13	7	2.7
(4,164)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG12	11	2.7
(4,59)	1:20:A:ASN:HD21	1:24:A:LYS:H	12	2.7
(1,591)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	17	2.7
(1,216)	1:171:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	2	2.7
(1,216)	1:171:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	7	2.7
(5,525)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	3	2.69
(5,523)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	5	2.69
(5,379)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	7	2.69
(5,90)	1:140:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	11	2.69
(4,3917)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:H	15	2.69
(4,3872)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HE1	20	2.69
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD1	1:228:A:MET:HG2	14	2.69
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD1	1:228:A:MET:HG3	14	2.69
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD2	1:228:A:MET:HG2	14	2.69
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD2	1:228:A:MET:HG3	14	2.69
(4,3745)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD22	3	2.69
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD2	10	2.69
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD3	10	2.69
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG21	5	2.69
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG22	5	2.69
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG23	5	2.69
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD21	2	2.69
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD22	2	2.69
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD21	2	2.69
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD22	2	2.69
(4,2497)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HZ3	20	2.69
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:H	6	2.69
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:H	6	2.69
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:H	6	2.69
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:H	7	2.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:H	7	2.69
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:H	7	2.69
(4,2433)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:H	15	2.69
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:H	20	2.69
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:H	20	2.69
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:H	20	2.69
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD21	17	2.69
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD22	17	2.69
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD23	17	2.69
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:H	18	2.69
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:H	18	2.69
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:H	18	2.69
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD21	14	2.69
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD22	14	2.69
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD23	14	2.69
(4,1029)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	10	2.69
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB1	14	2.69
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB2	14	2.69
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB3	14	2.69
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB1	14	2.69
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB2	14	2.69
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB3	14	2.69
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB1	14	2.69
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB2	14	2.69
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB3	14	2.69
(4,659)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HG	18	2.69
(2,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	1	2.69
(1,537)	1:5:A:ASN:ND2	1:69:A:THR:H	12	2.69
(5,817)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	12	2.68
(5,449)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	10	2.68
(5,439)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	5	2.68
(4,4246)	1:62:A:ASN:H	1:65:A:ARG:H	14	2.68
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG11	17	2.68
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG12	17	2.68
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG13	17	2.68
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG21	17	2.68
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG22	17	2.68
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG23	17	2.68
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG11	17	2.68
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG12	17	2.68
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG13	17	2.68
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG21	17	2.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG22	17	2.68
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG23	17	2.68
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG11	17	2.68
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG12	17	2.68
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG13	17	2.68
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG21	17	2.68
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG22	17	2.68
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG23	17	2.68
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD11	1:138:A:VAL:H	15	2.68
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD12	1:138:A:VAL:H	15	2.68
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD13	1:138:A:VAL:H	15	2.68
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD21	1:138:A:VAL:H	15	2.68
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD22	1:138:A:VAL:H	15	2.68
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD23	1:138:A:VAL:H	15	2.68
(4,3789)	1:157:A:PRO:HA	1:161:A:ALA:H	11	2.68
(4,3745)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD22	14	2.68
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE21	17	2.68
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE22	17	2.68
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE21	17	2.68
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE22	17	2.68
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE21	17	2.68
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE22	17	2.68
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE21	17	2.68
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE22	17	2.68
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE21	17	2.68
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE22	17	2.68
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE21	17	2.68
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE22	17	2.68
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG11	1:139:A:LEU:CD1	20	2.68
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG12	1:139:A:LEU:CD1	20	2.68
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG13	1:139:A:LEU:CD1	20	2.68
(4,2735)	1:153:A:GLN:HE22	1:156:A:ALA:H	2	2.68
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD11	5	2.68
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD12	5	2.68
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD13	5	2.68
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD21	5	2.68
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD22	5	2.68
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD23	5	2.68
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD11	5	2.68
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD12	5	2.68
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD13	5	2.68
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD21	5	2.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD22	5	2.68
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD23	5	2.68
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD11	5	2.68
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD12	5	2.68
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD13	5	2.68
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD21	5	2.68
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD22	5	2.68
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD23	5	2.68
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD11	1:201:A:LEU:H	2	2.68
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD12	1:201:A:LEU:H	2	2.68
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD13	1:201:A:LEU:H	2	2.68
(4,1560)	1:80:A:ILE:HB	1:101:A:ASN:HD21	1	2.68
(4,1560)	1:80:A:ILE:HB	1:101:A:ASN:HD22	1	2.68
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD21	14	2.68
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD22	14	2.68
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD21	14	2.68
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD22	14	2.68
(4,1153)	1:81:A:TRP:HZ3	1:82:A:PHE:H	2	2.68
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:HE22	1	2.68
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:HE22	1	2.68
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:HE22	1	2.68
(4,813)	1:36:A:ILE:HD11	1:48:A:LEU:CD2	7	2.68
(4,813)	1:36:A:ILE:HD12	1:48:A:LEU:CD2	7	2.68
(4,813)	1:36:A:ILE:HD13	1:48:A:LEU:CD2	7	2.68
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE1	16	2.68
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE2	16	2.68
(4,180)	1:153:A:GLN:H	1:156:A:ALA:HA	11	2.68
(4,102)	1:150:A:SER:H	1:157:A:PRO:HD2	15	2.68
(4,60)	1:79:A:VAL:HG11	1:190:A:TYR:H	15	2.68
(4,60)	1:79:A:VAL:HG12	1:190:A:TYR:H	15	2.68
(4,60)	1:79:A:VAL:HG13	1:190:A:TYR:H	15	2.68
(2,189)	1:140:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	13	2.68
(2,134)	1:103:A:GLN:H	1:104:A:SER:OG	17	2.68
(1,383)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	18	2.68
(1,209)	1:21:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	8	2.68
(1,5)	1:99:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	17	2.68
(5,665)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	20	2.67
(5,73)	1:89:A:ALA:H	1:104:A:SER:OG	5	2.67
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG11	14	2.67
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG12	14	2.67
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG13	14	2.67
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG21	14	2.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG22	14	2.67
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG23	14	2.67
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG11	14	2.67
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG12	14	2.67
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG13	14	2.67
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG21	14	2.67
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG22	14	2.67
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG23	14	2.67
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG11	14	2.67
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG12	14	2.67
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG13	14	2.67
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG21	14	2.67
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG22	14	2.67
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG23	14	2.67
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:H	16	2.67
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:H	16	2.67
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:H	16	2.67
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD11	1:51:A:PRO:HB3	18	2.67
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD12	1:51:A:PRO:HB3	18	2.67
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD13	1:51:A:PRO:HB3	18	2.67
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD21	1:51:A:PRO:HB3	18	2.67
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD22	1:51:A:PRO:HB3	18	2.67
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD23	1:51:A:PRO:HB3	18	2.67
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD1	1	2.67
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD2	1	2.67
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE1	6	2.67
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE2	6	2.67
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE1	6	2.67
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE2	6	2.67
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE1	6	2.67
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE2	6	2.67
(4,3138)	1:5:A:ASN:H	1:8:A:VAL:H	10	2.67
(4,2893)	1:153:A:GLN:HA	1:157:A:PRO:HD3	3	2.67
(4,2854)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:HG2	18	2.67
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD11	13	2.67
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD12	13	2.67
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD13	13	2.67
(4,2582)	1:163:A:THR:HB	1:165:A:LEU:HB3	14	2.67
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD11	1	2.67
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD12	1	2.67
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD13	1	2.67
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD11	1	2.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD12	1	2.67
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD13	1	2.67
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD11	1	2.67
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD12	1	2.67
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD13	1	2.67
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB1	15	2.67
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB2	15	2.67
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB3	15	2.67
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB1	15	2.67
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB2	15	2.67
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB3	15	2.67
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG11	1:189:A:LEU:H	1	2.67
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG12	1:189:A:LEU:H	1	2.67
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG13	1:189:A:LEU:H	1	2.67
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:H	11	2.67
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:H	11	2.67
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:H	11	2.67
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:H	20	2.67
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:H	20	2.67
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:H	20	2.67
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB1	11	2.67
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB2	11	2.67
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB3	11	2.67
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD11	12	2.67
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD12	12	2.67
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD13	12	2.67
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG21	5	2.67
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG22	5	2.67
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG23	5	2.67
(4,940)	1:153:A:GLN:HE21	1:154:A:SER:HA	5	2.67
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB2	8	2.67
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB3	8	2.67
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB2	8	2.67
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB3	8	2.67
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD11	8	2.67
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD12	8	2.67
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD13	8	2.67
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD21	8	2.67
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD22	8	2.67
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD23	8	2.67
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB2	10	2.67
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB3	10	2.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB2	10	2.67
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB3	10	2.67
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG21	2	2.67
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG22	2	2.67
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG23	2	2.67
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG21	2	2.67
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG22	2	2.67
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG23	2	2.67
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	12	2.67
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	12	2.67
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	12	2.67
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG21	7	2.67
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG22	7	2.67
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG23	7	2.67
(2,599)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	14	2.67
(1,136)	1:207:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	13	2.67
(5,814)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	2	2.66
(5,809)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	2	2.66
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB3	19	2.66
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB3	19	2.66
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB3	19	2.66
(4,3762)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:H	20	2.66
(4,3745)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD22	18	2.66
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:CD2	13	2.66
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:CD2	13	2.66
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:CD2	13	2.66
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD21	14	2.66
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD22	14	2.66
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE1	1:95:A:ILE:H	20	2.66
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE2	1:95:A:ILE:H	20	2.66
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE2	1:214:A:TYR:HA	5	2.66
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE3	1:214:A:TYR:HA	5	2.66
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG21	1:58:A:LEU:HG	10	2.66
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG22	1:58:A:LEU:HG	10	2.66
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG23	1:58:A:LEU:HG	10	2.66
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:H	2	2.66
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:H	2	2.66
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:H	2	2.66
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD1	2	2.66
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD2	2	2.66
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE1	10	2.66
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE2	10	2.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE1	12	2.66
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE2	12	2.66
(1,197)	1:85:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	6	2.66
(5,709)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	9	2.65
(5,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	2	2.65
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD1	15	2.65
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD2	15	2.65
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB2	15	2.65
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB3	15	2.65
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB2	15	2.65
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB3	15	2.65
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB2	15	2.65
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB3	15	2.65
(4,3820)	1:119:A:GLN:HE22	1:128:A:ARG:H	7	2.65
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE1	1:230:A:GLY:H	1	2.65
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE2	1:230:A:GLY:H	1	2.65
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD1	1:152:A:GLY:H	11	2.65
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD2	1:152:A:GLY:H	11	2.65
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG12	20	2.65
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG13	20	2.65
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG12	20	2.65
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG13	20	2.65
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG12	20	2.65
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG13	20	2.65
(4,3431)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HZ2	1	2.65
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG21	9	2.65
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG22	9	2.65
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG23	9	2.65
(4,3373)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:H	2	2.65
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD11	13	2.65
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD12	13	2.65
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD13	13	2.65
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD1	16	2.65
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD2	16	2.65
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD1	16	2.65
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD2	16	2.65
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD1	16	2.65
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD2	16	2.65
(4,2858)	1:79:A:VAL:HB	1:127:A:ASN:HD21	14	2.65
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	17	2.65
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	17	2.65
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	17	2.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	17	2.65
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	17	2.65
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	17	2.65
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD21	19	2.65
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD22	19	2.65
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD21	19	2.65
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD22	19	2.65
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD11	4	2.65
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD12	4	2.65
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD13	4	2.65
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD11	4	2.65
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD12	4	2.65
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD13	4	2.65
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD1	16	2.65
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD2	16	2.65
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD1	16	2.65
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD2	16	2.65
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD1	13	2.65
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD2	13	2.65
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG11	1	2.65
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG12	1	2.65
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG13	1	2.65
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD1	1:85:A:SER:H	16	2.65
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD2	1:85:A:SER:H	16	2.65
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD1	1:85:A:SER:H	20	2.65
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD2	1:85:A:SER:H	20	2.65
(4,659)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HG	5	2.65
(4,447)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	6	2.65
(4,169)	1:145:A:ASN:H	1:150:A:SER:H	18	2.65
(4,52)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:H	19	2.65
(2,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	1	2.65
(1,210)	1:219:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	16	2.65
(1,83)	1:36:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	11	2.65
(5,537)	1:5:A:ASN:ND2	1:213:A:SER:H	9	2.64
(5,476)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	9	2.64
(5,295)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	19	2.64
(4,4161)	1:11:A:ILE:HA	1:153:A:GLN:HA	7	2.64
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HD1	4	2.64
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HD2	4	2.64
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HD1	4	2.64
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HD2	4	2.64
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HD1	4	2.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HD2	4	2.64
(4,3820)	1:119:A:GLN:HE22	1:128:A:ARG:H	18	2.64
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	20	2.64
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	20	2.64
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	20	2.64
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	20	2.64
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	20	2.64
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	20	2.64
(4,3606)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB2	17	2.64
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD1	1:152:A:GLY:H	2	2.64
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD2	1:152:A:GLY:H	2	2.64
(4,3506)	1:61:A:ILE:CD1	1:168:A:ILE:HD11	4	2.64
(4,3506)	1:61:A:ILE:CD1	1:168:A:ILE:HD12	4	2.64
(4,3506)	1:61:A:ILE:CD1	1:168:A:ILE:HD13	4	2.64
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD11	20	2.64
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD12	20	2.64
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD13	20	2.64
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD11	20	2.64
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD12	20	2.64
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD13	20	2.64
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD11	1	2.64
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD12	1	2.64
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD13	1	2.64
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB1	12	2.64
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB2	12	2.64
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB3	12	2.64
(4,2836)	1:98:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	1	2.64
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD11	19	2.64
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD12	19	2.64
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD13	19	2.64
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	17	2.64
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	17	2.64
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB2	8	2.64
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB3	8	2.64
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB2	8	2.64
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB3	8	2.64
(4,1992)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HB3	19	2.64
(4,1603)	1:97:A:HIS:HD1	1:182:A:GLY:H	2	2.64
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB1	19	2.64
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB2	19	2.64
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB3	19	2.64
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE21	5	2.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE22	5	2.64
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE2	10	2.64
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE3	10	2.64
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD11	1	2.64
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD12	1	2.64
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD13	1	2.64
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD21	1	2.64
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD22	1	2.64
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD23	1	2.64
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD11	1	2.64
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD12	1	2.64
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD13	1	2.64
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD21	1	2.64
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD22	1	2.64
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD23	1	2.64
(2,617)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	11	2.64
(1,472)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	6	2.64
(5,684)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	20	2.63
(5,538)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	6	2.63
(5,529)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	1	2.63
(5,399)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	15	2.63
(5,14)	1:87:A:LYS:H	1:104:A:SER:OG	11	2.63
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD11	1:111:A:ASP:H	10	2.63
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD12	1:111:A:ASP:H	10	2.63
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD13	1:111:A:ASP:H	10	2.63
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD11	15	2.63
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD12	15	2.63
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD13	15	2.63
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:H	9	2.63
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:H	9	2.63
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB1	6	2.63
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB2	6	2.63
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB3	6	2.63
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	7	2.63
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	7	2.63
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD11	13	2.63
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD12	13	2.63
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD13	13	2.63
(4,3138)	1:5:A:ASN:H	1:8:A:VAL:H	1	2.63
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD21	8	2.63
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD22	8	2.63
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD23	8	2.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	15	2.63
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	15	2.63
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	15	2.63
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE1	1:95:A:ILE:H	16	2.63
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE2	1:95:A:ILE:H	16	2.63
(4,2575)	1:19:A:THR:HG21	1:235:A:TRP:H	6	2.63
(4,2575)	1:19:A:THR:HG22	1:235:A:TRP:H	6	2.63
(4,2575)	1:19:A:THR:HG23	1:235:A:TRP:H	6	2.63
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	18	2.63
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	18	2.63
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD11	2	2.63
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD12	2	2.63
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD13	2	2.63
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD11	2	2.63
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD12	2	2.63
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD13	2	2.63
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD11	2	2.63
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD12	2	2.63
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD13	2	2.63
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG12	1	2.63
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG13	1	2.63
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG12	1	2.63
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG13	1	2.63
(4,1955)	1:72:A:GLN:HB2	1:74:A:THR:H	2	2.63
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD11	17	2.63
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD12	17	2.63
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD13	17	2.63
(4,102)	1:150:A:SER:H	1:157:A:PRO:HD2	13	2.63
(1,381)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	12	2.63
(5,260)	1:200:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	13	2.62
(4,3789)	1:157:A:PRO:HA	1:161:A:ALA:H	4	2.62
(4,3745)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD22	12	2.62
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG11	4	2.62
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG12	4	2.62
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG13	4	2.62
(4,3707)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:HD1	11	2.62
(4,3606)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB2	19	2.62
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD1	1:152:A:GLY:H	19	2.62
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD2	1:152:A:GLY:H	19	2.62
(4,3370)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE21	3	2.62
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD1	10	2.62
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD2	10	2.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3138)	1:5:A:ASN:H	1:8:A:VAL:H	17	2.62
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD1	19	2.62
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD2	19	2.62
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD1	19	2.62
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD2	19	2.62
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD1	19	2.62
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD2	19	2.62
(4,2978)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:HA	2	2.62
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	17	2.62
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	17	2.62
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	17	2.62
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	17	2.62
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	17	2.62
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	17	2.62
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	17	2.62
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	17	2.62
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	17	2.62
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	17	2.62
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	17	2.62
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	17	2.62
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD11	17	2.62
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD12	17	2.62
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD13	17	2.62
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD11	17	2.62
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD12	17	2.62
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD13	17	2.62
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD11	17	2.62
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD12	17	2.62
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD13	17	2.62
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	4	2.62
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	4	2.62
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	4	2.62
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD11	10	2.62
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD12	10	2.62
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD13	10	2.62
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD11	10	2.62
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD12	10	2.62
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD13	10	2.62
(4,2053)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD21	16	2.62
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB2	1	2.62
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB3	1	2.62
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD1	17	2.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD2	17	2.62
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD21	15	2.62
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD21	15	2.62
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD21	15	2.62
(4,1022)	1:30:A:GLU:H	1:31:A:TRP:HE1	15	2.62
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB1	9	2.62
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB2	9	2.62
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB3	9	2.62
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB1	9	2.62
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB2	9	2.62
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB3	9	2.62
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB1	9	2.62
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB2	9	2.62
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB3	9	2.62
(4,941)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:H	9	2.62
(4,941)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:H	9	2.62
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB2	11	2.62
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB3	11	2.62
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB2	11	2.62
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB3	11	2.62
(4,296)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD21	5	2.62
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD21	19	2.62
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD22	19	2.62
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD21	19	2.62
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD22	19	2.62
(2,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	12	2.62
(1,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	8	2.62
(1,104)	1:56:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	2	2.62
(1,5)	1:99:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	6	2.62
(5,202)	1:53:A:LYS:H	1:225:A:ASN:ND2	1	2.61
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD21	9	2.61
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD22	9	2.61
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD23	9	2.61
(4,3803)	1:158:A:GLU:H	1:161:A:ALA:H	12	2.61
(4,3745)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD22	19	2.61
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	8	2.61
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	8	2.61
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD21	4	2.61
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD22	4	2.61
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD23	4	2.61
(4,1300)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD11	11	2.61
(4,1300)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD12	11	2.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1300)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD13	11	2.61
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB2	16	2.61
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB3	16	2.61
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB2	16	2.61
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB3	16	2.61
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB2	20	2.61
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB3	20	2.61
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB2	20	2.61
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB3	20	2.61
(4,296)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD21	13	2.61
(2,134)	1:103:A:GLN:H	1:104:A:SER:OG	12	2.61
(2,134)	1:103:A:GLN:H	1:104:A:SER:OG	14	2.61
(1,526)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	1	2.61
(1,514)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	6	2.61
(1,166)	1:210:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	13	2.61
(1,86)	1:225:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	4	2.61
(5,672)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	9	2.6
(5,640)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	20	2.6
(5,455)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	9	2.6
(5,367)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	18	2.6
(5,330)	1:225:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	13	2.6
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD1	1:151:A:THR:H	13	2.6
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD2	1:151:A:THR:H	13	2.6
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD21	6	2.6
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD22	6	2.6
(4,3753)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:H	20	2.6
(4,3736)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HZ3	17	2.6
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG21	16	2.6
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG22	16	2.6
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG23	16	2.6
(4,3570)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD21	8	2.6
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD11	5	2.6
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD12	5	2.6
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD13	5	2.6
(4,2622)	1:5:A:ASN:HD21	1:7:A:ALA:H	5	2.6
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:H	13	2.6
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:H	13	2.6
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:H	13	2.6
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE22	2	2.6
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE22	2	2.6
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG2	9	2.6
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG3	9	2.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG2	9	2.6
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG3	9	2.6
(4,1437)	1:58:A:LEU:HG	1:228:A:MET:HA	6	2.6
(4,1433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:H	16	2.6
(4,1037)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:HA	2	2.6
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB2	20	2.6
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB3	20	2.6
(4,6)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HA	6	2.6
(1,580)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	15	2.6
(1,570)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	19	2.6
(5,709)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	6	2.59
(5,610)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	14	2.59
(5,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	1	2.59
(5,540)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	20	2.59
(5,475)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	20	2.59
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD21	4	2.59
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD22	4	2.59
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD23	4	2.59
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG11	12	2.59
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG12	12	2.59
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG13	12	2.59
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG21	12	2.59
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG22	12	2.59
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG23	12	2.59
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG11	12	2.59
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG12	12	2.59
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG13	12	2.59
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG21	12	2.59
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG22	12	2.59
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG23	12	2.59
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG11	12	2.59
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG12	12	2.59
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG13	12	2.59
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG21	12	2.59
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG22	12	2.59
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG23	12	2.59
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG21	11	2.59
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG22	11	2.59
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG23	11	2.59
(4,3606)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB2	15	2.59
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG21	6	2.59
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG22	6	2.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG23	6	2.59
(4,3264)	1:79:A:VAL:HB	1:173:A:GLU:H	1	2.59
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	8	2.59
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	8	2.59
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	8	2.59
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	8	2.59
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	8	2.59
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	8	2.59
(4,2858)	1:79:A:VAL:HB	1:127:A:ASN:HD21	20	2.59
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA2	1	2.59
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA3	1	2.59
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA2	1	2.59
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA3	1	2.59
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA2	1	2.59
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA3	1	2.59
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD21	16	2.59
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD22	16	2.59
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD23	16	2.59
(4,1904)	1:119:A:GLN:HE21	1:128:A:ARG:H	15	2.59
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:HA2	1	2.59
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:HA3	1	2.59
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:HA2	1	2.59
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:HA3	1	2.59
(4,1626)	1:95:A:ILE:H	1:98:A:SER:HG	2	2.59
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG2	8	2.59
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG3	8	2.59
(1,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	14	2.59
(1,286)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	11	2.59
(5,624)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	11	2.58
(5,294)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	15	2.58
(4,4280)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:HE1	15	2.58
(4,4280)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:HE2	15	2.58
(4,4280)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:HE1	15	2.58
(4,4280)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:HE2	15	2.58
(4,3789)	1:157:A:PRO:HA	1:161:A:ALA:H	16	2.58
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG21	14	2.58
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG22	14	2.58
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG23	14	2.58
(4,3341)	1:146:A:VAL:H	1:150:A:SER:H	3	2.58
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD1	13	2.58
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD2	13	2.58
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD1	13	2.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD2	13	2.58
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD1	13	2.58
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD2	13	2.58
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG2	5	2.58
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG3	5	2.58
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG2	5	2.58
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG3	5	2.58
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG2	5	2.58
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG3	5	2.58
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	8	2.58
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	8	2.58
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	8	2.58
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	8	2.58
(4,2854)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:HG2	17	2.58
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD21	19	2.58
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD22	19	2.58
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	11	2.58
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	11	2.58
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD11	6	2.58
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD12	6	2.58
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD13	6	2.58
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD11	6	2.58
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD12	6	2.58
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD13	6	2.58
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD11	6	2.58
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD12	6	2.58
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD13	6	2.58
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD11	6	2.58
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD12	6	2.58
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD13	6	2.58
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD11	6	2.58
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD12	6	2.58
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD13	6	2.58
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD11	6	2.58
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD12	6	2.58
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD13	6	2.58
(4,1955)	1:72:A:GLN:HB2	1:74:A:THR:H	3	2.58
(4,1081)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA2	9	2.58
(4,956)	1:100:A:SER:HB2	1:103:A:GLN:HE21	17	2.58
(4,956)	1:100:A:SER:HB2	1:103:A:GLN:HE22	17	2.58
(4,956)	1:100:A:SER:HB3	1:103:A:GLN:HE21	17	2.58
(4,956)	1:100:A:SER:HB3	1:103:A:GLN:HE22	17	2.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,538)	1:81:A:TRP:HE1	1:182:A:GLY:HA2	19	2.58
(4,224)	1:39:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:CG1	16	2.58
(4,224)	1:39:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:CG1	16	2.58
(4,224)	1:39:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:CG1	16	2.58
(4,33)	1:72:A:GLN:HG2	1:74:A:THR:H	13	2.58
(4,33)	1:72:A:GLN:HG3	1:74:A:THR:H	13	2.58
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD21	4	2.58
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD22	4	2.58
(1,188)	1:161:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	19	2.58
(1,162)	1:98:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	18	2.58
(1,157)	1:163:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	17	2.58
(1,73)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	3	2.58
(5,770)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	1	2.57
(5,642)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	9	2.57
(5,597)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	15	2.57
(5,461)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	15	2.57
(5,439)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	7	2.57
(5,312)	1:149:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	17	2.57
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE1	7	2.57
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE2	7	2.57
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB1	1	2.57
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB2	1	2.57
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB3	1	2.57
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB1	1	2.57
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB2	1	2.57
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB3	1	2.57
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB1	1	2.57
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB2	1	2.57
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB3	1	2.57
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG11	13	2.57
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG12	13	2.57
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG13	13	2.57
(4,3707)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:HD1	4	2.57
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:H	4	2.57
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:H	4	2.57
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:H	4	2.57
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD11	9	2.57
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD12	9	2.57
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD13	9	2.57
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD11	9	2.57
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD12	9	2.57
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD13	9	2.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD11	9	2.57
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD12	9	2.57
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD13	9	2.57
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG11	4	2.57
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG12	4	2.57
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG13	4	2.57
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG21	4	2.57
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG22	4	2.57
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG23	4	2.57
(4,3341)	1:146:A:VAL:H	1:150:A:SER:H	9	2.57
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	11	2.57
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	11	2.57
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	11	2.57
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	11	2.57
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:H	10	2.57
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:H	10	2.57
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD11	1:201:A:LEU:H	4	2.57
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD12	1:201:A:LEU:H	4	2.57
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD13	1:201:A:LEU:H	4	2.57
(4,2521)	1:81:A:TRP:H	1:82:A:PHE:HZ	19	2.57
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	2	2.57
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	2	2.57
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG11	7	2.57
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG12	7	2.57
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG13	7	2.57
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD21	18	2.57
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD22	18	2.57
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB2	15	2.57
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB3	15	2.57
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD11	3	2.57
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD12	3	2.57
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD13	3	2.57
(4,1002)	1:118:A:SER:H	1:119:A:GLN:HE22	20	2.57
(4,649)	1:88:A:ASN:HB2	1:146:A:VAL:H	8	2.57
(4,649)	1:88:A:ASN:HB3	1:146:A:VAL:H	8	2.57
(4,599)	1:11:A:ILE:HG13	1:14:A:ASN:H	20	2.57
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD11	2	2.57
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD12	2	2.57
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD13	2	2.57
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD11	10	2.57
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD12	10	2.57
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD13	10	2.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD21	10	2.57
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD22	10	2.57
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD23	10	2.57
(1,104)	1:56:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	9	2.57
(5,656)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	12	2.56
(5,391)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	16	2.56
(5,34)	1:104:A:SER:OG	1:126:A:LYS:H	20	2.56
(4,4137)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HD1	20	2.56
(4,4137)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HD2	20	2.56
(4,4137)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HD1	20	2.56
(4,4137)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HD2	20	2.56
(4,4137)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HD1	20	2.56
(4,4137)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HD2	20	2.56
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD1	13	2.56
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD2	13	2.56
(4,3943)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:H	19	2.56
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG21	11	2.56
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG22	11	2.56
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG23	11	2.56
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG21	11	2.56
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG22	11	2.56
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG23	11	2.56
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG21	11	2.56
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG22	11	2.56
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG23	11	2.56
(4,3707)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:HD1	9	2.56
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG12	3	2.56
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG13	3	2.56
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG12	3	2.56
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG13	3	2.56
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG12	3	2.56
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG13	3	2.56
(4,3341)	1:146:A:VAL:H	1:150:A:SER:H	7	2.56
(4,2910)	1:138:A:VAL:HB	1:141:A:VAL:HB	15	2.56
(4,2876)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:H	20	2.56
(4,2795)	1:119:A:GLN:HE21	1:127:A:ASN:H	4	2.56
(4,2699)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:H	9	2.56
(4,2699)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:H	9	2.56
(4,2574)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HD22	8	2.56
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD11	11	2.56
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD12	11	2.56
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD13	11	2.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD21	11	2.56
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD22	11	2.56
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD23	11	2.56
(4,2234)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:H	1	2.56
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	5	2.56
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	5	2.56
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG11	15	2.56
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG12	15	2.56
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG13	15	2.56
(4,2162)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	17	2.56
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG21	17	2.56
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG22	17	2.56
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG23	17	2.56
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD2	1:217:A:ASN:HD22	8	2.56
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD3	1:217:A:ASN:HD22	8	2.56
(4,1955)	1:72:A:GLN:HB2	1:74:A:THR:H	9	2.56
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD11	10	2.56
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD12	10	2.56
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD13	10	2.56
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD11	10	2.56
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD12	10	2.56
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD13	10	2.56
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD11	10	2.56
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD12	10	2.56
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD13	10	2.56
(4,224)	1:39:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:CG1	12	2.56
(4,224)	1:39:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:CG1	12	2.56
(4,224)	1:39:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:CG1	12	2.56
(2,495)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	16	2.56
(1,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	4	2.56
(1,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	3	2.56
(1,359)	1:5:A:ASN:ND2	1:213:A:SER:H	13	2.56
(1,153)	1:212:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	13	2.56
(5,734)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	8	2.55
(5,633)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	1	2.55
(5,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	16	2.55
(5,34)	1:104:A:SER:OG	1:126:A:LYS:H	13	2.55
(4,4226)	1:97:A:HIS:H	1:100:A:SER:HG	16	2.55
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD1	1:151:A:THR:H	7	2.55
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD2	1:151:A:THR:H	7	2.55
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG11	10	2.55
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG12	10	2.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG13	10	2.55
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG21	10	2.55
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG22	10	2.55
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG23	10	2.55
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG11	10	2.55
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG12	10	2.55
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG13	10	2.55
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG21	10	2.55
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG22	10	2.55
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG23	10	2.55
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG11	10	2.55
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG12	10	2.55
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG13	10	2.55
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG21	10	2.55
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG22	10	2.55
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG23	10	2.55
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG11	16	2.55
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG12	16	2.55
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG13	16	2.55
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD21	19	2.55
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD22	19	2.55
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD21	19	2.55
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD22	19	2.55
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD21	19	2.55
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD22	19	2.55
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD21	19	2.55
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD22	19	2.55
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD21	19	2.55
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD22	19	2.55
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD21	19	2.55
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD22	19	2.55
(4,2795)	1:119:A:GLN:HE21	1:127:A:ASN:H	15	2.55
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG21	1:13:A:SER:HA	15	2.55
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG22	1:13:A:SER:HA	15	2.55
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG23	1:13:A:SER:HA	15	2.55
(4,1955)	1:72:A:GLN:HB2	1:74:A:THR:H	10	2.55
(4,1904)	1:119:A:GLN:HE21	1:128:A:ARG:H	3	2.55
(4,1805)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HA	11	2.55
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD1	10	2.55
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD2	10	2.55
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD1	10	2.55
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD2	10	2.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1540)	1:33:A:TYR:HD1	1:231:A:LEU:H	10	2.55
(4,1540)	1:33:A:TYR:HD2	1:231:A:LEU:H	10	2.55
(4,1292)	1:98:A:SER:HB2	1:102:A:ASN:HD21	12	2.55
(4,1292)	1:98:A:SER:HB2	1:102:A:ASN:HD22	12	2.55
(4,1292)	1:98:A:SER:HB3	1:102:A:ASN:HD21	12	2.55
(4,1292)	1:98:A:SER:HB3	1:102:A:ASN:HD22	12	2.55
(4,1242)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:H	17	2.55
(4,1092)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:H	2	2.55
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD11	6	2.55
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD12	6	2.55
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD13	6	2.55
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD11	6	2.55
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD12	6	2.55
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD13	6	2.55
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD11	6	2.55
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD12	6	2.55
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD13	6	2.55
(4,592)	1:81:A:TRP:HE1	1:181:A:ASP:H	15	2.55
(4,498)	1:73:A:ILE:HB	1:188:A:PRO:HG2	13	2.55
(4,498)	1:73:A:ILE:HB	1:188:A:PRO:HG3	13	2.55
(4,404)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG13	1	2.55
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB1	9	2.55
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB2	9	2.55
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB3	9	2.55
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB1	9	2.55
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB2	9	2.55
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB3	9	2.55
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB1	9	2.55
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB2	9	2.55
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB3	9	2.55
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD11	6	2.55
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD12	6	2.55
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD13	6	2.55
(4,52)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:H	7	2.55
(1,576)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	11	2.55
(1,532)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	15	2.55
(1,209)	1:21:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	12	2.55
(1,197)	1:85:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	10	2.55
(1,181)	1:208:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	13	2.55
(5,449)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	18	2.54
(5,312)	1:149:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	2	2.54
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	17	2.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	17	2.54
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	17	2.54
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	17	2.54
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	17	2.54
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	17	2.54
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	19	2.54
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	19	2.54
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD22	4	2.54
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD22	4	2.54
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD22	4	2.54
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD22	4	2.54
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD22	4	2.54
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD22	4	2.54
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB1	5	2.54
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB2	5	2.54
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB3	5	2.54
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB1	5	2.54
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB2	5	2.54
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB3	5	2.54
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB1	5	2.54
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB2	5	2.54
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB3	5	2.54
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE1	1:230:A:GLY:H	20	2.54
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE2	1:230:A:GLY:H	20	2.54
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG11	7	2.54
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG12	7	2.54
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG13	7	2.54
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG11	7	2.54
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG12	7	2.54
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG13	7	2.54
(4,2856)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE3	19	2.54
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	19	2.54
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	19	2.54
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	19	2.54
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE1	6	2.54
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE2	6	2.54
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE1	6	2.54
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE2	6	2.54
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE1	6	2.54
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE2	6	2.54
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG2	11	2.54
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG3	11	2.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG2	11	2.54
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG3	11	2.54
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG2	11	2.54
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG3	11	2.54
(4,1476)	1:29:A:ASN:HB2	1:30:A:GLU:HG2	9	2.54
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	8	2.54
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	8	2.54
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	8	2.54
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	8	2.54
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	8	2.54
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	8	2.54
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:HE22	8	2.54
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:HE22	8	2.54
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:HE22	8	2.54
(4,1029)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	18	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD11	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD12	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD13	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD21	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD22	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD23	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD11	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD12	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD13	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD21	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD22	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD23	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD11	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD12	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD13	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD21	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD22	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD23	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD11	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD12	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD13	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD21	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD22	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD23	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD11	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD12	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD13	16	2.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD21	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD22	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD23	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD11	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD12	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD13	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD21	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD22	16	2.54
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD23	16	2.54
(4,659)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HG	11	2.54
(4,169)	1:145:A:ASN:H	1:150:A:SER:H	20	2.54
(4,164)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG12	15	2.54
(4,131)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HG12	6	2.54
(4,131)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HG13	6	2.54
(4,131)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HG12	6	2.54
(4,131)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HG13	6	2.54
(4,92)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HZ	11	2.54
(4,92)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HZ	11	2.54
(4,92)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HZ	11	2.54
(4,60)	1:79:A:VAL:HG11	1:190:A:TYR:H	13	2.54
(4,60)	1:79:A:VAL:HG12	1:190:A:TYR:H	13	2.54
(4,60)	1:79:A:VAL:HG13	1:190:A:TYR:H	13	2.54
(2,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	18	2.54
(1,576)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	3	2.54
(1,291)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	18	2.54
(1,173)	1:58:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	3	2.54
(1,105)	1:91:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	14	2.54
(5,627)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	6	2.53
(5,445)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	8	2.53
(5,73)	1:89:A:ALA:H	1:104:A:SER:OG	18	2.53
(5,59)	1:104:A:SER:OG	1:214:A:TYR:H	17	2.53
(5,34)	1:104:A:SER:OG	1:126:A:LYS:H	3	2.53
(4,4094)	1:86:A:VAL:H	1:93:A:TYR:HD1	1	2.53
(4,4094)	1:86:A:VAL:H	1:93:A:TYR:HD2	1	2.53
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE1	8	2.53
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE2	8	2.53
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HE1	17	2.53
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HE2	17	2.53
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HE1	17	2.53
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HE2	17	2.53
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HE1	17	2.53
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HE2	17	2.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HE1	7	2.53
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HE1	7	2.53
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HE1	7	2.53
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD11	12	2.53
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD12	12	2.53
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD13	12	2.53
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD11	12	2.53
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD12	12	2.53
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD13	12	2.53
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD11	12	2.53
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD12	12	2.53
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD13	12	2.53
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD21	1:102:A:ASN:HD21	12	2.53
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD21	1:102:A:ASN:HD22	12	2.53
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD22	1:102:A:ASN:HD21	12	2.53
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD22	1:102:A:ASN:HD22	12	2.53
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE1	4	2.53
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE2	4	2.53
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE1	4	2.53
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE2	4	2.53
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE1	4	2.53
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE2	4	2.53
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB2	3	2.53
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB2	3	2.53
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB2	3	2.53
(4,1002)	1:118:A:SER:H	1:119:A:GLN:HE22	6	2.53
(4,940)	1:153:A:GLN:HE21	1:154:A:SER:HA	18	2.53
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG21	7	2.53
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG22	7	2.53
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG23	7	2.53
(4,45)	1:151:A:THR:HA	1:154:A:SER:HA	8	2.53
(1,173)	1:58:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	8	2.53
(5,772)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	18	2.52
(5,487)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	9	2.52
(5,485)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	17	2.52
(5,312)	1:149:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	14	2.52
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE1	12	2.52
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE2	12	2.52
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB2	1:172:A:GLU:H	1	2.52
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB3	1:172:A:GLU:H	1	2.52
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE1	11	2.52
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE2	11	2.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:HA	10	2.52
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:HA	10	2.52
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:HA	10	2.52
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:HA	10	2.52
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:HA	10	2.52
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:HA	10	2.52
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD2	5	2.52
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD3	5	2.52
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD11	6	2.52
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD12	6	2.52
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD13	6	2.52
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	7	2.52
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	7	2.52
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	7	2.52
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:H	9	2.52
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:H	9	2.52
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:H	9	2.52
(4,1955)	1:72:A:GLN:HB2	1:74:A:THR:H	15	2.52
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:H	6	2.52
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:H	6	2.52
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:H	6	2.52
(4,1692)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:H	2	2.52
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD21	1:151:A:THR:H	18	2.52
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD22	1:151:A:THR:H	18	2.52
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD21	17	2.52
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD22	17	2.52
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD23	17	2.52
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG21	18	2.52
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG22	18	2.52
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG23	18	2.52
(4,82)	1:34:A:PHE:HE1	1:235:A:TRP:H	12	2.52
(4,82)	1:34:A:PHE:HE2	1:235:A:TRP:H	12	2.52
(2,599)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	12	2.52
(1,594)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	15	2.52
(1,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	20	2.52
(1,234)	1:100:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	18	2.52
(1,216)	1:171:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	17	2.52
(1,122)	1:154:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	16	2.52
(1,74)	1:221:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	10	2.52
(5,645)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	7	2.51
(5,623)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	5	2.51
(5,490)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	9	2.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,330)	1:225:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	4	2.51
(4,4036)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD21	6	2.51
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD21	14	2.51
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD22	14	2.51
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD23	14	2.51
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB2	14	2.51
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB3	14	2.51
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB2	14	2.51
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB3	14	2.51
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB2	14	2.51
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB3	14	2.51
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE1	1	2.51
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE2	1	2.51
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD21	3	2.51
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD21	3	2.51
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD21	3	2.51
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD21	3	2.51
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD21	3	2.51
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD21	3	2.51
(4,3215)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:H	12	2.51
(4,3215)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:H	12	2.51
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG21	2	2.51
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG22	2	2.51
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG23	2	2.51
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE1	11	2.51
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE2	11	2.51
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE1	11	2.51
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE2	11	2.51
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB1	2	2.51
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB2	2	2.51
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB3	2	2.51
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB1	2	2.51
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB2	2	2.51
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB3	2	2.51
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB1	2	2.51
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB2	2	2.51
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB3	2	2.51
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD21	12	2.51
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD22	12	2.51
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD11	19	2.51
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD12	19	2.51
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD13	19	2.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:H	6	2.51
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:H	6	2.51
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:H	6	2.51
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB2	7	2.51
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB3	7	2.51
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	3	2.51
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	3	2.51
(4,1794)	1:80:A:ILE:HG12	1:128:A:ARG:H	1	2.51
(4,1794)	1:80:A:ILE:HG13	1:128:A:ARG:H	1	2.51
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG2	19	2.51
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG3	19	2.51
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG2	19	2.51
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG3	19	2.51
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG2	19	2.51
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG3	19	2.51
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:H	16	2.51
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:H	16	2.51
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD1	16	2.51
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD2	16	2.51
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	18	2.51
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	18	2.51
(4,1030)	1:31:A:TRP:HE3	1:233:A:PRO:HD2	5	2.51
(4,1030)	1:31:A:TRP:HE3	1:233:A:PRO:HD3	5	2.51
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE2	14	2.51
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE3	14	2.51
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB2	15	2.51
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB3	15	2.51
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB2	15	2.51
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB3	15	2.51
(4,496)	1:79:A:VAL:HG21	1:189:A:LEU:H	1	2.51
(4,496)	1:79:A:VAL:HG22	1:189:A:LEU:H	1	2.51
(4,496)	1:79:A:VAL:HG23	1:189:A:LEU:H	1	2.51
(4,18)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD22	20	2.51
(4,18)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD22	20	2.51
(4,18)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD22	20	2.51
(2,366)	1:9:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	7	2.51
(1,88)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	17	2.51
(5,775)	1:5:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	4	2.5
(5,705)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	3	2.5
(5,276)	1:150:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	2	2.5
(5,259)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	9	2.5
(5,259)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	10	2.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4036)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD21	14	2.5
(4,3789)	1:157:A:PRO:HA	1:161:A:ALA:H	12	2.5
(4,3606)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB2	8	2.5
(4,3431)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HZ2	20	2.5
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG21	9	2.5
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG22	9	2.5
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG23	9	2.5
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG21	9	2.5
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG22	9	2.5
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG23	9	2.5
(4,3190)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HB	20	2.5
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD21	3	2.5
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD22	3	2.5
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD23	3	2.5
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD21	3	2.5
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD22	3	2.5
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD21	3	2.5
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD22	3	2.5
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB2	13	2.5
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB3	13	2.5
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB2	13	2.5
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB3	13	2.5
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB2	13	2.5
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB3	13	2.5
(4,2482)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:SER:HG	3	2.5
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG2	1:157:A:PRO:HB3	2	2.5
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG3	1:157:A:PRO:HB3	2	2.5
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:CG1	20	2.5
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:CG1	20	2.5
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:CG1	20	2.5
(4,1112)	1:81:A:TRP:HZ2	1:181:A:ASP:H	15	2.5
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD11	15	2.5
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD12	15	2.5
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD13	15	2.5
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD21	6	2.5
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD22	6	2.5
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD23	6	2.5
(4,496)	1:79:A:VAL:HG21	1:189:A:LEU:H	11	2.5
(4,496)	1:79:A:VAL:HG22	1:189:A:LEU:H	11	2.5
(4,496)	1:79:A:VAL:HG23	1:189:A:LEU:H	11	2.5
(2,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	15	2.5
(1,577)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	1	2.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,83)	1:36:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	6	2.5
(1,72)	1:170:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	8	2.5
(5,655)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	6	2.49
(5,591)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	14	2.49
(5,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	1	2.49
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:H	19	2.49
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:H	19	2.49
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:H	19	2.49
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB2	1:173:A:GLU:H	10	2.49
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB3	1:173:A:GLU:H	10	2.49
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD11	19	2.49
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD12	19	2.49
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD13	19	2.49
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD21	19	2.49
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD22	19	2.49
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD23	19	2.49
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HE1	17	2.49
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HE2	17	2.49
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HE1	17	2.49
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HE2	17	2.49
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HE1	17	2.49
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HE2	17	2.49
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG11	17	2.49
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG12	17	2.49
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG13	17	2.49
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG11	1	2.49
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG12	1	2.49
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG13	1	2.49
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:CD2	1	2.49
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:CD2	1	2.49
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:CD2	1	2.49
(4,3472)	1:9:A:VAL:H	1:152:A:GLY:H	8	2.49
(4,3341)	1:146:A:VAL:H	1:150:A:SER:H	6	2.49
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG21	1:139:A:LEU:CD1	1	2.49
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG22	1:139:A:LEU:CD1	1	2.49
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG23	1:139:A:LEU:CD1	1	2.49
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG21	1:139:A:LEU:CD1	16	2.49
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG22	1:139:A:LEU:CD1	16	2.49
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG23	1:139:A:LEU:CD1	16	2.49
(4,2867)	1:36:A:ILE:HD11	1:55:A:ILE:HB	4	2.49
(4,2867)	1:36:A:ILE:HD12	1:55:A:ILE:HB	4	2.49
(4,2867)	1:36:A:ILE:HD13	1:55:A:ILE:HB	4	2.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2836)	1:98:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	16	2.49
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	5	2.49
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	5	2.49
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	5	2.49
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	5	2.49
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	5	2.49
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	5	2.49
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	18	2.49
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	18	2.49
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	18	2.49
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD11	1:200:A:ASP:H	5	2.49
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD12	1:200:A:ASP:H	5	2.49
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD13	1:200:A:ASP:H	5	2.49
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD21	1:200:A:ASP:H	5	2.49
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD22	1:200:A:ASP:H	5	2.49
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD23	1:200:A:ASP:H	5	2.49
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD11	5	2.49
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD12	5	2.49
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD13	5	2.49
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG12	18	2.49
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG13	18	2.49
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG12	18	2.49
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG13	18	2.49
(4,1904)	1:119:A:GLN:HE21	1:128:A:ARG:H	14	2.49
(4,1800)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD21	8	2.49
(4,1242)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:H	6	2.49
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG21	1:168:A:ILE:HB	4	2.49
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG22	1:168:A:ILE:HB	4	2.49
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG23	1:168:A:ILE:HB	4	2.49
(4,947)	1:177:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	18	2.49
(4,947)	1:177:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	18	2.49
(4,947)	1:177:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	18	2.49
(4,599)	1:11:A:ILE:HG13	1:14:A:ASN:H	5	2.49
(4,211)	1:83:A:LYS:HD2	1:86:A:VAL:H	2	2.49
(4,211)	1:83:A:LYS:HD3	1:86:A:VAL:H	2	2.49
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD21	8	2.49
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD22	8	2.49
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD21	8	2.49
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD22	8	2.49
(2,599)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	3	2.49
(2,134)	1:103:A:GLN:H	1:104:A:SER:OG	2	2.49
(1,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	8	2.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,448)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	3	2.49
(5,499)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	9	2.48
(5,372)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	7	2.48
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	20	2.48
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	20	2.48
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	20	2.48
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	20	2.48
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	20	2.48
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	20	2.48
(4,4036)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD21	4	2.48
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HB	12	2.48
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HB	12	2.48
(4,3835)	1:153:A:GLN:HB2	1:157:A:PRO:HD2	16	2.48
(4,3835)	1:153:A:GLN:HB3	1:157:A:PRO:HD2	16	2.48
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG21	7	2.48
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG22	7	2.48
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG23	7	2.48
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG21	7	2.48
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG22	7	2.48
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG23	7	2.48
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG21	7	2.48
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG22	7	2.48
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG23	7	2.48
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB2	1:172:A:GLU:H	11	2.48
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB3	1:172:A:GLU:H	11	2.48
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD11	16	2.48
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD12	16	2.48
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD13	16	2.48
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG2	6	2.48
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG3	6	2.48
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG2	6	2.48
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG3	6	2.48
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG2	6	2.48
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG3	6	2.48
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD11	16	2.48
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD12	16	2.48
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD13	16	2.48
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD21	16	2.48
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD22	16	2.48
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD23	16	2.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD11	10	2.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD12	10	2.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD13	10	2.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD21	10	2.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD22	10	2.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD23	10	2.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD11	10	2.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD12	10	2.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD13	10	2.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD21	10	2.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD22	10	2.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD23	10	2.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD11	10	2.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD12	10	2.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD13	10	2.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD21	10	2.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD22	10	2.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD23	10	2.48
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD11	14	2.48
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD12	14	2.48
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD13	14	2.48
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD11	11	2.48
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD12	11	2.48
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD13	11	2.48
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD21	11	2.48
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD22	11	2.48
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD23	11	2.48
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG11	14	2.48
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG12	14	2.48
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG13	14	2.48
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG11	14	2.48
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG12	14	2.48
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG13	14	2.48
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HB	8	2.48
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HB	8	2.48
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HB	8	2.48
(4,2086)	1:61:A:ILE:HB	1:164:A:ASN:HD21	7	2.48
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:H	17	2.48
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:H	17	2.48
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:H	17	2.48
(4,1944)	1:11:A:ILE:H	1:13:A:SER:H	6	2.48
(4,1944)	1:11:A:ILE:H	1:13:A:SER:H	13	2.48
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	10	2.48
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	10	2.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	10	2.48
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	10	2.48
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	10	2.48
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	10	2.48
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB2	2	2.48
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB3	2	2.48
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB1	9	2.48
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB2	9	2.48
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB3	9	2.48
(4,1437)	1:58:A:LEU:HG	1:228:A:MET:HA	10	2.48
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:H	16	2.48
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:H	16	2.48
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB1	9	2.48
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB2	9	2.48
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB3	9	2.48
(4,1232)	1:8:A:VAL:HB	1:159:A:ALA:HA	8	2.48
(4,649)	1:88:A:ASN:HB2	1:146:A:VAL:H	7	2.48
(4,649)	1:88:A:ASN:HB3	1:146:A:VAL:H	7	2.48
(4,599)	1:11:A:ILE:HG13	1:14:A:ASN:H	1	2.48
(4,404)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG13	19	2.48
(1,209)	1:21:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	9	2.48
(5,766)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	12	2.47
(5,699)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	15	2.47
(5,644)	1:5:A:ASN:ND2	1:180:A:LEU:H	14	2.47
(5,640)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	10	2.47
(5,633)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	5	2.47
(5,585)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	4	2.47
(5,529)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	3	2.47
(5,396)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	19	2.47
(5,14)	1:87:A:LYS:H	1:104:A:SER:OG	8	2.47
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB2	9	2.47
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB3	9	2.47
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB2	9	2.47
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB3	9	2.47
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG11	12	2.47
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG12	12	2.47
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG13	12	2.47
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	15	2.47
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	15	2.47
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	15	2.47
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	15	2.47
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	15	2.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	15	2.47
(4,3632)	1:88:A:ASN:HA	1:159:A:ALA:HB1	15	2.47
(4,3632)	1:88:A:ASN:HA	1:159:A:ALA:HB2	15	2.47
(4,3632)	1:88:A:ASN:HA	1:159:A:ALA:HB3	15	2.47
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB2	7	2.47
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB3	7	2.47
(4,3519)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	16	2.47
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD11	20	2.47
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD12	20	2.47
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD13	20	2.47
(4,2885)	1:119:A:GLN:HE22	1:133:A:THR:H	18	2.47
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD11	5	2.47
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD12	5	2.47
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD13	5	2.47
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD21	5	2.47
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD22	5	2.47
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD23	5	2.47
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE1	1:231:A:LEU:H	10	2.47
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE2	1:231:A:LEU:H	10	2.47
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB2	8	2.47
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB3	8	2.47
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:H	10	2.47
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:H	10	2.47
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:H	10	2.47
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:H	18	2.47
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:H	18	2.47
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:H	18	2.47
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG21	1:227:A:ALA:HA	1	2.47
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG22	1:227:A:ALA:HA	1	2.47
(4,2140)	1:11:A:ILE:HG23	1:227:A:ALA:HA	1	2.47
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG21	20	2.47
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG22	20	2.47
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG23	20	2.47
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG21	20	2.47
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG22	20	2.47
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG23	20	2.47
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE1	1:180:A:LEU:H	7	2.47
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE2	1:180:A:LEU:H	7	2.47
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD1	1:85:A:SER:H	18	2.47
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD2	1:85:A:SER:H	18	2.47
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD11	14	2.47
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD12	14	2.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD13	14	2.47
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD21	14	2.47
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD22	14	2.47
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD23	14	2.47
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD11	14	2.47
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD12	14	2.47
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD13	14	2.47
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD21	14	2.47
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD22	14	2.47
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD23	14	2.47
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD11	14	2.47
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD12	14	2.47
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD13	14	2.47
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD21	14	2.47
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD22	14	2.47
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD23	14	2.47
(4,1129)	1:144:A:GLU:H	1:145:A:ASN:HD22	13	2.47
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD11	13	2.47
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD12	13	2.47
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD13	13	2.47
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD21	13	2.47
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD22	13	2.47
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD23	13	2.47
(4,447)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	5	2.47
(4,387)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:HG2	3	2.47
(4,387)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:HG3	3	2.47
(4,387)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:HG2	3	2.47
(4,387)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:HG3	3	2.47
(4,387)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:HG2	3	2.47
(4,387)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:HG3	3	2.47
(2,396)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	12	2.47
(2,134)	1:103:A:GLN:H	1:104:A:SER:OG	13	2.47
(1,285)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	3	2.47
(1,216)	1:171:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	8	2.47
(1,104)	1:56:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	14	2.47
(1,5)	1:99:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	15	2.47
(5,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	18	2.46
(5,392)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	12	2.46
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD1	2	2.46
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD2	2	2.46
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD1	2	2.46
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD2	2	2.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD1	2	2.46
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD2	2	2.46
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB3	13	2.46
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB3	13	2.46
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB3	13	2.46
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE1	15	2.46
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE2	15	2.46
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB1	11	2.46
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB2	11	2.46
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB3	11	2.46
(4,3810)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD21	12	2.46
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:H	2	2.46
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:H	2	2.46
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG11	11	2.46
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG12	11	2.46
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG13	11	2.46
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG21	11	2.46
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG22	11	2.46
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG23	11	2.46
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG11	11	2.46
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG12	11	2.46
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG13	11	2.46
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG21	11	2.46
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG22	11	2.46
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG23	11	2.46
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG11	11	2.46
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG12	11	2.46
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG13	11	2.46
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG21	11	2.46
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG22	11	2.46
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG23	11	2.46
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA2	17	2.46
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA3	17	2.46
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA2	17	2.46
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA3	17	2.46
(4,3214)	1:80:A:ILE:HD11	1:103:A:GLN:HE21	10	2.46
(4,3214)	1:80:A:ILE:HD12	1:103:A:GLN:HE21	10	2.46
(4,3214)	1:80:A:ILE:HD13	1:103:A:GLN:HE21	10	2.46
(4,2876)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:H	3	2.46
(4,2821)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HE1	7	2.46
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD11	4	2.46
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD12	4	2.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD13	4	2.46
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:H	16	2.46
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:H	16	2.46
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:H	16	2.46
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD11	19	2.46
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD12	19	2.46
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD13	19	2.46
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD11	19	2.46
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD12	19	2.46
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD13	19	2.46
(4,2100)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HE3	15	2.46
(4,1433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:H	17	2.46
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE2	18	2.46
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE3	18	2.46
(4,632)	1:82:A:PHE:HD1	1:100:A:SER:H	4	2.46
(4,632)	1:82:A:PHE:HD2	1:100:A:SER:H	4	2.46
(4,599)	1:11:A:ILE:HG13	1:14:A:ASN:H	3	2.46
(4,599)	1:11:A:ILE:HG13	1:14:A:ASN:H	8	2.46
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD11	11	2.46
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD12	11	2.46
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD13	11	2.46
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD11	4	2.46
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD12	4	2.46
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD13	4	2.46
(4,92)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HZ	10	2.46
(4,92)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HZ	10	2.46
(4,92)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HZ	10	2.46
(4,33)	1:72:A:GLN:HG2	1:74:A:THR:H	1	2.46
(4,33)	1:72:A:GLN:HG3	1:74:A:THR:H	1	2.46
(2,396)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	7	2.46
(2,366)	1:9:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	17	2.46
(1,605)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	17	2.46
(1,587)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	6	2.46
(1,527)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	1	2.46
(1,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	3	2.46
(5,577)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	20	2.45
(5,558)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	8	2.45
(4,4226)	1:97:A:HIS:H	1:100:A:SER:HG	6	2.45
(4,4226)	1:97:A:HIS:H	1:100:A:SER:HG	9	2.45
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD11	19	2.45
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD12	19	2.45
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD13	19	2.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD21	19	2.45
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD22	19	2.45
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD23	19	2.45
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD11	15	2.45
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD12	15	2.45
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD13	15	2.45
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD11	15	2.45
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD12	15	2.45
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD13	15	2.45
(4,3650)	1:222:A:ASP:HA	1:225:A:ASN:HD21	4	2.45
(4,3650)	1:222:A:ASP:HA	1:225:A:ASN:HD22	4	2.45
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG2	8	2.45
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG3	8	2.45
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG2	8	2.45
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG3	8	2.45
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG2	8	2.45
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG3	8	2.45
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	4	2.45
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	4	2.45
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	4	2.45
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	4	2.45
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	4	2.45
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	4	2.45
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD21	6	2.45
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD22	6	2.45
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD21	6	2.45
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD22	6	2.45
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD21	6	2.45
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD22	6	2.45
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD21	6	2.45
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD22	6	2.45
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD21	6	2.45
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD22	6	2.45
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD21	6	2.45
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD22	6	2.45
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	14	2.45
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	14	2.45
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	14	2.45
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	14	2.45
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	14	2.45
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	14	2.45
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	1	2.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	1	2.45
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	1	2.45
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	1	2.45
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG2	11	2.45
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG3	11	2.45
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG2	11	2.45
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG3	11	2.45
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG2	11	2.45
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG3	11	2.45
(4,2920)	1:80:A:ILE:HG12	1:127:A:ASN:HD21	2	2.45
(4,2920)	1:80:A:ILE:HG13	1:127:A:ASN:HD21	2	2.45
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HB3	2	2.45
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HB3	2	2.45
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HB3	2	2.45
(4,2858)	1:79:A:VAL:HB	1:127:A:ASN:HD21	1	2.45
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:H	3	2.45
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:H	3	2.45
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:H	3	2.45
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD21	7	2.45
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD22	7	2.45
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD23	7	2.45
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD21	7	2.45
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD22	7	2.45
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD23	7	2.45
(4,820)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:H	1	2.45
(4,820)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:H	1	2.45
(4,820)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:H	1	2.45
(2,493)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	13	2.45
(1,577)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	10	2.45
(1,179)	1:57:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	18	2.45
(5,733)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	12	2.44
(5,683)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	4	2.44
(5,597)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	3	2.44
(5,59)	1:104:A:SER:OG	1:214:A:TYR:H	20	2.44
(4,3884)	1:155:A:GLU:H	1:157:A:PRO:HB3	20	2.44
(4,3810)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD21	3	2.44
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG21	5	2.44
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG22	5	2.44
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG23	5	2.44
(4,3341)	1:146:A:VAL:H	1:150:A:SER:H	10	2.44
(4,2956)	1:11:A:ILE:HG12	1:153:A:GLN:H	19	2.44
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:H	18	2.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:H	18	2.44
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:H	18	2.44
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB2	1:7:A:ALA:H	13	2.44
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB3	1:7:A:ALA:H	13	2.44
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG11	12	2.44
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG12	12	2.44
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG13	12	2.44
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HA	1	2.44
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HA	1	2.44
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HA	1	2.44
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HA	1	2.44
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HA	1	2.44
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HA	1	2.44
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:H	4	2.44
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:H	4	2.44
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:H	4	2.44
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE1	1:49:A:PRO:HG2	16	2.44
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE1	1:49:A:PRO:HG3	16	2.44
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE2	1:49:A:PRO:HG2	16	2.44
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE2	1:49:A:PRO:HG3	16	2.44
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB3	1	2.44
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB3	1	2.44
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB1	11	2.44
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB2	11	2.44
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB3	11	2.44
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HD1	1	2.44
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HD2	1	2.44
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HD1	1	2.44
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HD2	1	2.44
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HD1	1	2.44
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HD2	1	2.44
(4,813)	1:36:A:ILE:HD11	1:48:A:LEU:CD2	17	2.44
(4,813)	1:36:A:ILE:HD12	1:48:A:LEU:CD2	17	2.44
(4,813)	1:36:A:ILE:HD13	1:48:A:LEU:CD2	17	2.44
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD11	6	2.44
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD12	6	2.44
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD13	6	2.44
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD21	6	2.44
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD22	6	2.44
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD23	6	2.44
(4,6)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HA	2	2.44
(2,599)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	4	2.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,599)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	5	2.44
(2,189)	1:140:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	10	2.44
(1,549)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	15	2.44
(1,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	4	2.44
(1,113)	1:182:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	5	2.44
(5,732)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	17	2.43
(5,448)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	4	2.43
(5,349)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	2	2.43
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE1	13	2.43
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE2	13	2.43
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	10	2.43
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	10	2.43
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	10	2.43
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	10	2.43
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	10	2.43
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	10	2.43
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE21	19	2.43
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE22	19	2.43
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE21	19	2.43
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE22	19	2.43
(4,3445)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HB2	19	2.43
(4,3445)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HB3	19	2.43
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD2	7	2.43
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD3	7	2.43
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD21	9	2.43
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD22	9	2.43
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD23	9	2.43
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD1	2	2.43
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD2	2	2.43
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD1	1:190:A:TYR:H	15	2.43
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD2	1:190:A:TYR:H	15	2.43
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB2	12	2.43
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB3	12	2.43
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD11	15	2.43
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD12	15	2.43
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD13	15	2.43
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD11	15	2.43
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD12	15	2.43
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD13	15	2.43
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD11	15	2.43
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD12	15	2.43
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD13	15	2.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD11	15	2.43
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD12	15	2.43
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD13	15	2.43
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD11	15	2.43
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD12	15	2.43
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD13	15	2.43
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD11	15	2.43
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD12	15	2.43
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD13	15	2.43
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD1	1:190:A:TYR:H	10	2.43
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD2	1:190:A:TYR:H	10	2.43
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:H	3	2.43
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:H	3	2.43
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:H	3	2.43
(4,1645)	1:109:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	16	2.43
(4,1626)	1:95:A:ILE:H	1:98:A:SER:HG	3	2.43
(4,1476)	1:29:A:ASN:HB2	1:30:A:GLU:HG2	13	2.43
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD21	5	2.43
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD22	5	2.43
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD23	5	2.43
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD21	5	2.43
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD22	5	2.43
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD23	5	2.43
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD21	5	2.43
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD22	5	2.43
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD23	5	2.43
(4,1081)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA2	11	2.43
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB2	8	2.43
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB3	8	2.43
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB2	8	2.43
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB3	8	2.43
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB2	8	2.43
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB3	8	2.43
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB2	6	2.43
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB3	6	2.43
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB2	10	2.43
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB3	10	2.43
(4,277)	1:82:A:PHE:HE1	1:99:A:LEU:H	5	2.43
(4,277)	1:82:A:PHE:HE2	1:99:A:LEU:H	5	2.43
(4,165)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	3	2.43
(4,165)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	3	2.43
(4,165)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	3	2.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	3	2.43
(1,530)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	11	2.43
(1,306)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	14	2.43
(1,179)	1:57:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	3	2.43
(1,146)	1:189:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	1	2.43
(1,81)	1:13:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	14	2.43
(1,5)	1:99:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	10	2.43
(5,743)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	15	2.42
(5,540)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	6	2.42
(5,352)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	2	2.42
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB2	1:173:A:GLU:H	7	2.42
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB3	1:173:A:GLU:H	7	2.42
(4,3863)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE22	11	2.42
(4,3803)	1:158:A:GLU:H	1:161:A:ALA:H	3	2.42
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD11	6	2.42
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD12	6	2.42
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD13	6	2.42
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD21	6	2.42
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD22	6	2.42
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD23	6	2.42
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD2	16	2.42
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD3	16	2.42
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG21	19	2.42
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG22	19	2.42
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG23	19	2.42
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD21	1:160:A:THR:H	12	2.42
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD22	1:160:A:THR:H	12	2.42
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD21	1:144:A:GLU:H	14	2.42
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD22	1:144:A:GLU:H	14	2.42
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD23	1:144:A:GLU:H	14	2.42
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG11	16	2.42
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG12	16	2.42
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG13	16	2.42
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG11	16	2.42
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG12	16	2.42
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG13	16	2.42
(4,2482)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:SER:HG	15	2.42
(4,1992)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HB3	13	2.42
(4,1207)	1:28:A:LYS:HB3	1:31:A:TRP:HE1	15	2.42
(4,1207)	1:28:A:LYS:HB3	1:31:A:TRP:HE1	17	2.42
(4,1092)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:H	15	2.42
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG2	15	2.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG3	15	2.42
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG2	15	2.42
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG3	15	2.42
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD11	19	2.42
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD12	19	2.42
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD13	19	2.42
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD21	19	2.42
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD22	19	2.42
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD23	19	2.42
(4,277)	1:82:A:PHE:HE1	1:99:A:LEU:H	11	2.42
(4,277)	1:82:A:PHE:HE2	1:99:A:LEU:H	11	2.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD11	11	2.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD12	11	2.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD13	11	2.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD21	11	2.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD22	11	2.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD23	11	2.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD11	11	2.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD12	11	2.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD13	11	2.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD21	11	2.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD22	11	2.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD23	11	2.42
(4,193)	1:10:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	11	2.42
(4,193)	1:10:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	11	2.42
(2,638)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	13	2.42
(2,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	9	2.42
(2,189)	1:140:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	6	2.42
(2,134)	1:103:A:GLN:H	1:104:A:SER:OG	6	2.42
(1,422)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	8	2.42
(5,665)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	10	2.41
(5,533)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	18	2.41
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD11	3	2.41
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD12	3	2.41
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD13	3	2.41
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD21	3	2.41
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD22	3	2.41
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD23	3	2.41
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:H	20	2.41
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:H	20	2.41
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:H	20	2.41
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	12	2.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	12	2.41
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB2	10	2.41
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB3	10	2.41
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB2	10	2.41
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB3	10	2.41
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB2	10	2.41
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB3	10	2.41
(4,3722)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HG	17	2.41
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG11	8	2.41
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG12	8	2.41
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG13	8	2.41
(4,3709)	1:81:A:TRP:HE1	1:181:A:ASP:HA	5	2.41
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD21	20	2.41
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD22	20	2.41
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD23	20	2.41
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB2	12	2.41
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB3	12	2.41
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB2	12	2.41
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB3	12	2.41
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB2	12	2.41
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB3	12	2.41
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:CD2	14	2.41
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:CD2	14	2.41
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:CD2	14	2.41
(4,3485)	1:126:A:LYS:HG2	1:127:A:ASN:HD21	13	2.41
(4,3485)	1:126:A:LYS:HG3	1:127:A:ASN:HD21	13	2.41
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	18	2.41
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	18	2.41
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	18	2.41
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	18	2.41
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD1	19	2.41
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD2	19	2.41
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD11	9	2.41
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD12	9	2.41
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD13	9	2.41
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD11	9	2.41
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD12	9	2.41
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD13	9	2.41
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD11	9	2.41
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD12	9	2.41
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD13	9	2.41
(4,2574)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HD22	4	2.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2482)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:SER:HG	2	2.41
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB1	6	2.41
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB2	6	2.41
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB3	6	2.41
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB1	6	2.41
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB2	6	2.41
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB3	6	2.41
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE21	8	2.41
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE22	8	2.41
(4,1944)	1:11:A:ILE:H	1:13:A:SER:H	10	2.41
(4,1555)	1:62:A:ASN:H	1:164:A:ASN:HD22	16	2.41
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD1	7	2.41
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD2	7	2.41
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD11	8	2.41
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD12	8	2.41
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD13	8	2.41
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD21	8	2.41
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD22	8	2.41
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD23	8	2.41
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD11	8	2.41
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD12	8	2.41
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD13	8	2.41
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD21	8	2.41
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD22	8	2.41
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD23	8	2.41
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD11	8	2.41
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD12	8	2.41
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD13	8	2.41
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD21	8	2.41
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD22	8	2.41
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD23	8	2.41
(4,947)	1:177:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	19	2.41
(4,947)	1:177:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	19	2.41
(4,947)	1:177:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	19	2.41
(4,941)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:H	13	2.41
(4,941)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:H	13	2.41
(4,669)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:H	11	2.41
(4,619)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:H	19	2.41
(4,619)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:H	19	2.41
(1,597)	1:5:A:ASN:ND2	1:68:A:SER:H	12	2.41
(1,504)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	15	2.41
(1,219)	1:183:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	6	2.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,182)	1:61:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	9	2.41
(5,594)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	6	2.4
(5,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	4	2.4
(5,514)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	17	2.4
(5,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	18	2.4
(5,410)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	18	2.4
(5,393)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	18	2.4
(5,387)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	17	2.4
(5,376)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	2	2.4
(5,341)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	20	2.4
(5,131)	1:140:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	17	2.4
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HB	14	2.4
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HB	14	2.4
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD1	9	2.4
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD2	9	2.4
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE1	2	2.4
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE2	2	2.4
(4,3469)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HD1	18	2.4
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE21	8	2.4
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE22	8	2.4
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE21	8	2.4
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE22	8	2.4
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE1	5	2.4
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE2	5	2.4
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG2	20	2.4
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG3	20	2.4
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG2	20	2.4
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG3	20	2.4
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG2	20	2.4
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG3	20	2.4
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD11	7	2.4
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD12	7	2.4
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD13	7	2.4
(4,1992)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HB3	9	2.4
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD21	6	2.4
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD22	6	2.4
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD23	6	2.4
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD21	6	2.4
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD22	6	2.4
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD23	6	2.4
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD21	6	2.4
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD22	6	2.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD23	6	2.4
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD21	18	2.4
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD22	18	2.4
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD21	18	2.4
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD22	18	2.4
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB2	10	2.4
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB3	10	2.4
(4,957)	1:62:A:ASN:HD21	1:65:A:ARG:H	15	2.4
(4,649)	1:88:A:ASN:HB2	1:146:A:VAL:H	18	2.4
(4,649)	1:88:A:ASN:HB3	1:146:A:VAL:H	18	2.4
(4,538)	1:81:A:TRP:HE1	1:182:A:GLY:HA2	12	2.4
(4,528)	1:117:A:LYS:H	1:119:A:GLN:HE21	3	2.4
(4,52)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:H	12	2.4
(2,189)	1:140:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	8	2.4
(1,539)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	2	2.4
(1,481)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	11	2.4
(1,216)	1:171:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	12	2.4
(1,212)	1:179:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	10	2.4
(1,111)	1:82:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	13	2.4
(5,377)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	19	2.39
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB3	11	2.39
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB3	11	2.39
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB3	11	2.39
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	13	2.39
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	13	2.39
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG11	1	2.39
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG12	1	2.39
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG13	1	2.39
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD11	6	2.39
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD12	6	2.39
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD13	6	2.39
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB1	20	2.39
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB2	20	2.39
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB3	20	2.39
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB1	20	2.39
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB2	20	2.39
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB3	20	2.39
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB1	20	2.39
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB2	20	2.39
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB3	20	2.39
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE1	1:230:A:GLY:H	9	2.39
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE2	1:230:A:GLY:H	9	2.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	1	2.39
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	1	2.39
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	4	2.39
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	4	2.39
(4,2885)	1:119:A:GLN:HE22	1:133:A:THR:H	4	2.39
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD11	19	2.39
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD12	19	2.39
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD13	19	2.39
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD21	19	2.39
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD22	19	2.39
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD23	19	2.39
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB1	10	2.39
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB2	10	2.39
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB3	10	2.39
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB1	10	2.39
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB2	10	2.39
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB3	10	2.39
(4,2482)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:SER:HG	19	2.39
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:CG1	12	2.39
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:CG1	12	2.39
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:CG1	12	2.39
(4,1645)	1:109:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	4	2.39
(4,1483)	1:28:A:LYS:HB2	1:31:A:TRP:HE1	5	2.39
(4,1431)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HZ	13	2.39
(4,1431)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HZ	13	2.39
(4,1431)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HZ	13	2.39
(4,1355)	1:189:A:LEU:HG	1:191:A:LEU:H	2	2.39
(4,1242)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:H	15	2.39
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD11	11	2.39
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD12	11	2.39
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD13	11	2.39
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD21	11	2.39
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD22	11	2.39
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD23	11	2.39
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD11	11	2.39
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD12	11	2.39
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD13	11	2.39
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD21	11	2.39
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD22	11	2.39
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD23	11	2.39
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD11	11	2.39
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD12	11	2.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD13	11	2.39
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD21	11	2.39
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD22	11	2.39
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD23	11	2.39
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD11	9	2.39
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD12	9	2.39
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD13	9	2.39
(4,940)	1:153:A:GLN:HE21	1:154:A:SER:HA	2	2.39
(4,940)	1:153:A:GLN:HE21	1:154:A:SER:HA	6	2.39
(4,938)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	8	2.39
(4,360)	1:231:A:LEU:HD11	1:234:A:ASN:H	8	2.39
(4,360)	1:231:A:LEU:HD12	1:234:A:ASN:H	8	2.39
(4,360)	1:231:A:LEU:HD13	1:234:A:ASN:H	8	2.39
(4,360)	1:231:A:LEU:HD21	1:234:A:ASN:H	8	2.39
(4,360)	1:231:A:LEU:HD22	1:234:A:ASN:H	8	2.39
(4,360)	1:231:A:LEU:HD23	1:234:A:ASN:H	8	2.39
(4,325)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HE1	4	2.39
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD21	16	2.39
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD22	16	2.39
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD21	16	2.39
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD22	16	2.39
(2,134)	1:103:A:GLN:H	1:104:A:SER:OG	10	2.39
(1,234)	1:100:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	1	2.39
(1,179)	1:57:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	4	2.39
(1,169)	1:9:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	2	2.39
(1,158)	1:153:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	16	2.39
(1,74)	1:221:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	18	2.39
(5,723)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	3	2.38
(5,356)	1:5:A:ASN:ND2	1:125:A:SER:H	6	2.38
(5,295)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	6	2.38
(5,73)	1:89:A:ALA:H	1:104:A:SER:OG	20	2.38
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD11	8	2.38
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD12	8	2.38
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD13	8	2.38
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD21	8	2.38
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD22	8	2.38
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD23	8	2.38
(4,4136)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG2	8	2.38
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:H	3	2.38
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:H	3	2.38
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:H	3	2.38
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:H	13	2.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:H	13	2.38
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:H	13	2.38
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE1	1:152:A:GLY:H	14	2.38
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE2	1:152:A:GLY:H	14	2.38
(4,3799)	1:154:A:SER:HB2	1:157:A:PRO:HD3	20	2.38
(4,3799)	1:154:A:SER:HB3	1:157:A:PRO:HD3	20	2.38
(4,3606)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB2	11	2.38
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD21	11	2.38
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD21	11	2.38
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD21	11	2.38
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD21	11	2.38
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD21	11	2.38
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD21	11	2.38
(4,3519)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	2	2.38
(4,3519)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	11	2.38
(4,3519)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	17	2.38
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG12	13	2.38
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG13	13	2.38
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG12	13	2.38
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG13	13	2.38
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG12	13	2.38
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG13	13	2.38
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB1	14	2.38
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB2	14	2.38
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB3	14	2.38
(4,2821)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HE1	16	2.38
(4,2575)	1:19:A:THR:HG21	1:235:A:TRP:H	2	2.38
(4,2575)	1:19:A:THR:HG22	1:235:A:TRP:H	2	2.38
(4,2575)	1:19:A:THR:HG23	1:235:A:TRP:H	2	2.38
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD11	12	2.38
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD12	12	2.38
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD13	12	2.38
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD11	12	2.38
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD12	12	2.38
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD13	12	2.38
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD11	12	2.38
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD12	12	2.38
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD13	12	2.38
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB2	1:7:A:ALA:H	6	2.38
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB3	1:7:A:ALA:H	6	2.38
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG2	5	2.38
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG3	5	2.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG2	5	2.38
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG3	5	2.38
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD11	1:164:A:ASN:HD21	6	2.38
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD12	1:164:A:ASN:HD21	6	2.38
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD13	1:164:A:ASN:HD21	6	2.38
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG21	1:58:A:LEU:HG	15	2.38
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG22	1:58:A:LEU:HG	15	2.38
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG23	1:58:A:LEU:HG	15	2.38
(4,2033)	1:141:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	15	2.38
(4,2033)	1:141:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	15	2.38
(4,2033)	1:141:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	15	2.38
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD11	7	2.38
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD12	7	2.38
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD13	7	2.38
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD21	7	2.38
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD22	7	2.38
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD23	7	2.38
(4,1830)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD22	12	2.38
(4,1483)	1:28:A:LYS:HB2	1:31:A:TRP:HE1	4	2.38
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:HE22	13	2.38
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:HE22	13	2.38
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:HE22	13	2.38
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD11	17	2.38
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD12	17	2.38
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD13	17	2.38
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD21	17	2.38
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD22	17	2.38
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD23	17	2.38
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG21	2	2.38
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG22	2	2.38
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG23	2	2.38
(4,83)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG21	7	2.38
(4,83)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG22	7	2.38
(4,83)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG23	7	2.38
(4,59)	1:20:A:ASN:HD21	1:24:A:LYS:H	9	2.38
(2,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	13	2.38
(1,578)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	8	2.38
(1,72)	1:170:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	15	2.38
(5,554)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	6	2.37
(5,402)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	4	2.37
(5,340)	1:5:A:ASN:ND2	1:13:A:SER:H	11	2.37
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD1	10	2.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD2	10	2.37
(4,3839)	1:97:A:HIS:HD1	1:169:A:THR:HG1	2	2.37
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG11	10	2.37
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG12	10	2.37
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG13	10	2.37
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD21	17	2.37
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD22	17	2.37
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD23	17	2.37
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD11	1	2.37
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD12	1	2.37
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD13	1	2.37
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD21	1	2.37
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD22	1	2.37
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD23	1	2.37
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD11	18	2.37
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD12	18	2.37
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD13	18	2.37
(4,3138)	1:5:A:ASN:H	1:8:A:VAL:H	11	2.37
(4,2999)	1:184:A:ASN:HD21	1:189:A:LEU:H	5	2.37
(4,2999)	1:184:A:ASN:HD22	1:189:A:LEU:H	5	2.37
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB2	1:8:A:VAL:H	19	2.37
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB3	1:8:A:VAL:H	19	2.37
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	7	2.37
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	7	2.37
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE2	1:214:A:TYR:HA	6	2.37
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE3	1:214:A:TYR:HA	6	2.37
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD21	18	2.37
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD22	18	2.37
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD23	18	2.37
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE1	2	2.37
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE2	2	2.37
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE1	2	2.37
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE2	2	2.37
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE1	2	2.37
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE2	2	2.37
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB3	14	2.37
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB3	14	2.37
(4,1092)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:H	4	2.37
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB1	16	2.37
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB2	16	2.37
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB3	16	2.37
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB1	16	2.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB2	16	2.37
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB3	16	2.37
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB1	16	2.37
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB2	16	2.37
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB3	16	2.37
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE2	18	2.37
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE3	18	2.37
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB1	1	2.37
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB2	1	2.37
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB3	1	2.37
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB1	1	2.37
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB2	1	2.37
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB3	1	2.37
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB2	18	2.37
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB3	18	2.37
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB2	18	2.37
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB3	18	2.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD11	17	2.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD12	17	2.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD13	17	2.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD21	17	2.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD22	17	2.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD23	17	2.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD11	17	2.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD12	17	2.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD13	17	2.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD21	17	2.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD22	17	2.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD23	17	2.37
(4,180)	1:153:A:GLN:H	1:156:A:ALA:HA	19	2.37
(4,59)	1:20:A:ASN:HD21	1:24:A:LYS:H	2	2.37
(1,525)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	7	2.37
(1,213)	1:160:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	8	2.37
(1,205)	1:62:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	5	2.37
(1,205)	1:62:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	12	2.37
(1,160)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	11	2.37
(5,737)	1:5:A:ASN:ND2	1:68:A:SER:H	18	2.36
(5,666)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	12	2.36
(5,636)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	13	2.36
(5,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	14	2.36
(5,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	5	2.36
(5,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	7	2.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,476)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	11	2.36
(5,405)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	13	2.36
(5,336)	1:8:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	18	2.36
(5,107)	1:140:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	17	2.36
(5,23)	1:13:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	10	2.36
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE21	17	2.36
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE22	17	2.36
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD21	3	2.36
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD22	3	2.36
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:HA	6	2.36
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:HA	6	2.36
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:HA	6	2.36
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:HA	6	2.36
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:HA	6	2.36
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:HA	6	2.36
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD11	6	2.36
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD12	6	2.36
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD13	6	2.36
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD21	6	2.36
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD22	6	2.36
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD23	6	2.36
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD11	11	2.36
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD12	11	2.36
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD13	11	2.36
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD11	11	2.36
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD12	11	2.36
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD13	11	2.36
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG2	10	2.36
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG3	10	2.36
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG2	10	2.36
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG3	10	2.36
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG2	10	2.36
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG3	10	2.36
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD21	1:144:A:GLU:H	20	2.36
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD22	1:144:A:GLU:H	20	2.36
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD23	1:144:A:GLU:H	20	2.36
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD11	11	2.36
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD12	11	2.36
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD13	11	2.36
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD21	11	2.36
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD22	11	2.36
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD23	11	2.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2631)	1:68:A:SER:HA	1:70:A:SER:H	3	2.36
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD11	10	2.36
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD12	10	2.36
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD13	10	2.36
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD21	10	2.36
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD22	10	2.36
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD23	10	2.36
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD21	10	2.36
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD22	10	2.36
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD23	10	2.36
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD21	10	2.36
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD22	10	2.36
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD23	10	2.36
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:H	8	2.36
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:H	8	2.36
(4,1653)	1:17:A:VAL:H	1:152:A:GLY:HA2	5	2.36
(4,1483)	1:28:A:LYS:HB2	1:31:A:TRP:HE1	14	2.36
(4,1355)	1:189:A:LEU:HG	1:191:A:LEU:H	15	2.36
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD21	8	2.36
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD22	8	2.36
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD23	8	2.36
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG2	3	2.36
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG3	3	2.36
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG2	3	2.36
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG3	3	2.36
(4,703)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:CG2	5	2.36
(4,703)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:CG2	5	2.36
(4,703)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:CG2	5	2.36
(4,703)	1:206:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:CG2	5	2.36
(4,703)	1:206:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:CG2	5	2.36
(4,703)	1:206:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:CG2	5	2.36
(4,568)	1:191:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:HB	13	2.36
(4,568)	1:191:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:HB	13	2.36
(4,568)	1:191:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:HB	13	2.36
(4,568)	1:191:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:HB	13	2.36
(4,568)	1:191:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:HB	13	2.36
(4,568)	1:191:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:HB	13	2.36
(4,169)	1:145:A:ASN:H	1:150:A:SER:H	10	2.36
(2,599)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	11	2.36
(1,227)	1:158:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	16	2.36
(1,216)	1:171:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	19	2.36
(5,614)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	1	2.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,558)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	7	2.35
(5,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	11	2.35
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD11	14	2.35
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD12	14	2.35
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD13	14	2.35
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE21	11	2.35
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE22	11	2.35
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD1	20	2.35
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD2	20	2.35
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:H	11	2.35
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:H	11	2.35
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:H	11	2.35
(4,3937)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE21	10	2.35
(4,3722)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HG	19	2.35
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:HA	8	2.35
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:HA	8	2.35
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:HA	8	2.35
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:HA	8	2.35
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:HA	8	2.35
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:HA	8	2.35
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:HA	15	2.35
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:HA	15	2.35
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:HA	15	2.35
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:HA	15	2.35
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:HA	15	2.35
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:HA	15	2.35
(4,3469)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HD1	7	2.35
(4,3258)	1:58:A:LEU:HA	1:165:A:LEU:HB2	6	2.35
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB1	8	2.35
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB2	8	2.35
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB3	8	2.35
(4,3051)	1:163:A:THR:HA	1:165:A:LEU:HB3	19	2.35
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE1	16	2.35
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE2	16	2.35
(4,2622)	1:5:A:ASN:HD21	1:7:A:ALA:H	10	2.35
(4,2483)	1:31:A:TRP:HZ2	1:106:A:LEU:H	14	2.35
(4,2461)	1:3:A:GLY:H	1:7:A:ALA:H	5	2.35
(4,1955)	1:72:A:GLN:HB2	1:74:A:THR:H	8	2.35
(4,1955)	1:72:A:GLN:HB2	1:74:A:THR:H	19	2.35
(4,1653)	1:17:A:VAL:H	1:152:A:GLY:HA2	20	2.35
(4,1247)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD22	17	2.35
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD21	20	2.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD21	20	2.35
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD21	20	2.35
(4,941)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:H	15	2.35
(4,941)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:H	15	2.35
(4,910)	1:78:A:ASP:H	1:174:A:ASN:HD22	14	2.35
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB2	17	2.35
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB3	17	2.35
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB2	17	2.35
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB3	17	2.35
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE1	12	2.35
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE2	12	2.35
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD21	19	2.35
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD22	19	2.35
(2,134)	1:103:A:GLN:H	1:104:A:SER:OG	3	2.35
(1,591)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	12	2.35
(1,205)	1:62:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	19	2.35
(1,111)	1:82:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	10	2.35
(1,72)	1:170:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	3	2.35
(5,400)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	19	2.34
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD21	19	2.34
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD22	19	2.34
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD23	19	2.34
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB2	6	2.34
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB3	6	2.34
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB2	6	2.34
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB3	6	2.34
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB2	6	2.34
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB3	6	2.34
(4,3893)	1:119:A:GLN:HE21	1:125:A:SER:H	3	2.34
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE1	7	2.34
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE2	7	2.34
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE21	10	2.34
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE22	10	2.34
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE21	10	2.34
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE22	10	2.34
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD11	13	2.34
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD12	13	2.34
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD13	13	2.34
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD11	13	2.34
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD12	13	2.34
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD13	13	2.34
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD11	13	2.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD12	13	2.34
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD13	13	2.34
(4,3258)	1:58:A:LEU:HA	1:165:A:LEU:HB2	16	2.34
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG12	1:170:A:TYR:H	3	2.34
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG13	1:170:A:TYR:H	3	2.34
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB1	13	2.34
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB2	13	2.34
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB3	13	2.34
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB1	13	2.34
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB2	13	2.34
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB3	13	2.34
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB1	13	2.34
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB2	13	2.34
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB3	13	2.34
(4,2735)	1:153:A:GLN:HE22	1:156:A:ALA:H	10	2.34
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG11	6	2.34
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG12	6	2.34
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG13	6	2.34
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG21	6	2.34
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG22	6	2.34
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG23	6	2.34
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE1	1:134:A:THR:HG21	19	2.34
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE1	1:134:A:THR:HG22	19	2.34
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE1	1:134:A:THR:HG23	19	2.34
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE2	1:134:A:THR:HG21	19	2.34
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE2	1:134:A:THR:HG22	19	2.34
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE2	1:134:A:THR:HG23	19	2.34
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE2	8	2.34
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE3	8	2.34
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB1	16	2.34
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB2	16	2.34
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB3	16	2.34
(4,661)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:HE22	18	2.34
(4,661)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:HE22	18	2.34
(4,217)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD21	3	2.34
(4,217)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD22	3	2.34
(4,217)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD23	3	2.34
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE1	16	2.34
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE2	16	2.34
(4,120)	1:118:A:SER:HB2	1:119:A:GLN:HE21	17	2.34
(4,120)	1:118:A:SER:HB3	1:119:A:GLN:HE21	17	2.34
(2,586)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	13	2.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,287)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:ND2	9	2.34
(1,460)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	10	2.34
(1,154)	1:172:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	10	2.34
(5,131)	1:140:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	7	2.33
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD2	3	2.33
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD3	3	2.33
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD11	1	2.33
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD12	1	2.33
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD13	1	2.33
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:HA	3	2.33
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:HA	3	2.33
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:HA	3	2.33
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:HA	3	2.33
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:HA	3	2.33
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:HA	3	2.33
(4,3606)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB2	18	2.33
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB2	14	2.33
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB3	14	2.33
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB2	14	2.33
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB3	14	2.33
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB2	14	2.33
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB3	14	2.33
(4,3375)	1:11:A:ILE:H	1:227:A:ALA:H	13	2.33
(4,3237)	1:150:A:SER:H	1:152:A:GLY:H	1	2.33
(4,3237)	1:150:A:SER:H	1:152:A:GLY:H	18	2.33
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG21	18	2.33
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG22	18	2.33
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG23	18	2.33
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG21	18	2.33
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG22	18	2.33
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG23	18	2.33
(4,2978)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:HA	3	2.33
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD21	1:144:A:GLU:H	10	2.33
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD22	1:144:A:GLU:H	10	2.33
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD23	1:144:A:GLU:H	10	2.33
(4,2735)	1:153:A:GLN:HE22	1:156:A:ALA:H	13	2.33
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	16	2.33
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	16	2.33
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	16	2.33
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE1	1:231:A:LEU:H	13	2.33
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE2	1:231:A:LEU:H	13	2.33
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD21	5	2.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD22	5	2.33
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD23	5	2.33
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD21	5	2.33
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD22	5	2.33
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD23	5	2.33
(4,1242)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:H	13	2.33
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD11	5	2.33
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD12	5	2.33
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD13	5	2.33
(4,1058)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD21	2	2.33
(4,1058)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD22	2	2.33
(4,1058)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD23	2	2.33
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD11	20	2.33
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD12	20	2.33
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD13	20	2.33
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD21	20	2.33
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD22	20	2.33
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD23	20	2.33
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD11	20	2.33
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD12	20	2.33
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD13	20	2.33
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD21	20	2.33
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD22	20	2.33
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD23	20	2.33
(4,675)	1:3:A:GLY:H	1:5:A:ASN:H	1	2.33
(4,641)	1:9:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:H	1	2.33
(4,641)	1:9:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:H	1	2.33
(4,641)	1:9:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:H	1	2.33
(4,641)	1:9:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:H	1	2.33
(4,641)	1:9:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:H	1	2.33
(4,641)	1:9:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:H	1	2.33
(2,638)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	2	2.33
(2,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	20	2.33
(2,271)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:ND2	18	2.33
(2,134)	1:103:A:GLN:H	1:104:A:SER:OG	19	2.33
(2,29)	1:102:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	14	2.33
(1,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	9	2.33
(1,481)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	18	2.33
(1,220)	1:225:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	13	2.33
(5,830)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	17	2.32
(5,722)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	14	2.32
(5,721)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	2	2.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,720)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	2	2.32
(5,512)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	1	2.32
(5,453)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	15	2.32
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:H	10	2.32
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:H	10	2.32
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:H	10	2.32
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD1	1:151:A:THR:H	19	2.32
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD2	1:151:A:THR:H	19	2.32
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD22	6	2.32
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD22	6	2.32
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD22	6	2.32
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD22	6	2.32
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD22	6	2.32
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD22	6	2.32
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB2	1	2.32
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB3	1	2.32
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB2	1	2.32
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB3	1	2.32
(4,3606)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB2	4	2.32
(4,3606)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB2	20	2.32
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	6	2.32
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	6	2.32
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD11	11	2.32
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD12	11	2.32
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD13	11	2.32
(4,3507)	1:153:A:GLN:HE22	1:155:A:GLU:H	10	2.32
(4,3341)	1:146:A:VAL:H	1:150:A:SER:H	2	2.32
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG21	13	2.32
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG22	13	2.32
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG23	13	2.32
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE1	19	2.32
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE2	19	2.32
(4,2520)	1:73:A:ILE:HB	1:75:A:SER:H	15	2.32
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:H	20	2.32
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:H	20	2.32
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:H	20	2.32
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:H	12	2.32
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:H	12	2.32
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:H	12	2.32
(4,1481)	1:9:A:VAL:H	1:151:A:THR:H	1	2.32
(4,1355)	1:189:A:LEU:HG	1:191:A:LEU:H	11	2.32
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB2	7	2.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB3	7	2.32
(4,1242)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:H	2	2.32
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD21	3	2.32
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD22	3	2.32
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD23	3	2.32
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB1	14	2.32
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB2	14	2.32
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB3	14	2.32
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD11	15	2.32
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD12	15	2.32
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD13	15	2.32
(1,462)	1:5:A:ASN:ND2	1:153:A:GLN:H	1	2.32
(1,146)	1:189:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	16	2.32
(1,146)	1:189:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	18	2.32
(5,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	7	2.31
(5,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	8	2.31
(5,290)	1:39:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	5	2.31
(4,3803)	1:158:A:GLU:H	1:161:A:ALA:H	5	2.31
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD11	8	2.31
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD12	8	2.31
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD13	8	2.31
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD21	8	2.31
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD22	8	2.31
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD23	8	2.31
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	8	2.31
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	8	2.31
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	8	2.31
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB1	13	2.31
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB2	13	2.31
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB3	13	2.31
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB1	17	2.31
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB2	17	2.31
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB3	17	2.31
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HE1	6	2.31
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HE1	6	2.31
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HE1	6	2.31
(4,2999)	1:184:A:ASN:HD21	1:189:A:LEU:H	13	2.31
(4,2999)	1:184:A:ASN:HD22	1:189:A:LEU:H	13	2.31
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE1	3	2.31
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE2	3	2.31
(4,2858)	1:79:A:VAL:HB	1:127:A:ASN:HD21	17	2.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	12	2.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	12	2.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	12	2.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	12	2.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	12	2.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	12	2.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	12	2.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	12	2.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	12	2.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	12	2.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	12	2.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	12	2.31
(4,2631)	1:68:A:SER:HA	1:70:A:SER:H	12	2.31
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE2	1:214:A:TYR:HA	1	2.31
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE3	1:214:A:TYR:HA	1	2.31
(4,2436)	1:157:A:PRO:HB2	1:160:A:THR:HA	6	2.31
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:H	20	2.31
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:H	20	2.31
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:H	20	2.31
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:H	20	2.31
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:H	20	2.31
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:H	20	2.31
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB2	5	2.31
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB3	5	2.31
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB2	18	2.31
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB3	18	2.31
(4,2289)	1:82:A:PHE:HZ	1:97:A:HIS:H	12	2.31
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:H	1	2.31
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:H	1	2.31
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:H	1	2.31
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE21	10	2.31
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE22	10	2.31
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:H	6	2.31
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:H	6	2.31
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:H	6	2.31
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB1	4	2.31
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB2	4	2.31
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB3	4	2.31
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB1	4	2.31
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB2	4	2.31
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB3	4	2.31
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB1	4	2.31
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB2	4	2.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB3	4	2.31
(4,1483)	1:28:A:LYS:HB2	1:31:A:TRP:HE1	2	2.31
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD11	5	2.31
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD12	5	2.31
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD13	5	2.31
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB2	18	2.31
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB3	18	2.31
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD21	3	2.31
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD22	3	2.31
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD23	3	2.31
(4,1222)	1:9:A:VAL:H	1:146:A:VAL:H	3	2.31
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD11	15	2.31
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD12	15	2.31
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD13	15	2.31
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD11	15	2.31
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD12	15	2.31
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD13	15	2.31
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD11	15	2.31
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD12	15	2.31
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD13	15	2.31
(4,940)	1:153:A:GLN:HE21	1:154:A:SER:HA	14	2.31
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD11	10	2.31
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD12	10	2.31
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD13	10	2.31
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD21	10	2.31
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD22	10	2.31
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD23	10	2.31
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG21	17	2.31
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG22	17	2.31
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG23	17	2.31
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG21	3	2.31
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG22	3	2.31
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG23	3	2.31
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG21	3	2.31
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG22	3	2.31
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG23	3	2.31
(4,6)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HA	7	2.31
(2,599)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	19	2.31
(1,467)	1:5:A:ASN:ND2	1:33:A:TYR:H	17	2.31
(1,436)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	15	2.31
(5,801)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	10	2.3
(5,739)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	3	2.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,14)	1:87:A:LYS:H	1:104:A:SER:OG	6	2.3
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:H	5	2.3
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:H	5	2.3
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:H	5	2.3
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB2	11	2.3
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB3	11	2.3
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB2	11	2.3
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB3	11	2.3
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB2	11	2.3
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB3	11	2.3
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG2	4	2.3
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG3	4	2.3
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG2	4	2.3
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG3	4	2.3
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG2	4	2.3
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG3	4	2.3
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD11	8	2.3
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD12	8	2.3
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD13	8	2.3
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD11	8	2.3
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD12	8	2.3
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD13	8	2.3
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD11	8	2.3
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD12	8	2.3
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD13	8	2.3
(4,3258)	1:58:A:LEU:HA	1:165:A:LEU:HB2	7	2.3
(4,3237)	1:150:A:SER:H	1:152:A:GLY:H	7	2.3
(4,2836)	1:98:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	4	2.3
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	9	2.3
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	9	2.3
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	9	2.3
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	9	2.3
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	9	2.3
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	9	2.3
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE1	1:95:A:ILE:H	7	2.3
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE2	1:95:A:ILE:H	7	2.3
(4,2604)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:H	9	2.3
(4,2604)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:H	13	2.3
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB2	16	2.3
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB3	16	2.3
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG11	1:189:A:LEU:H	2	2.3
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG12	1:189:A:LEU:H	2	2.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG13	1:189:A:LEU:H	2	2.3
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE21	17	2.3
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE22	17	2.3
(4,1992)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HB3	1	2.3
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:H	15	2.3
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:H	15	2.3
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:H	15	2.3
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD21	1:139:A:LEU:H	15	2.3
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD22	1:139:A:LEU:H	15	2.3
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD23	1:139:A:LEU:H	15	2.3
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG2	19	2.3
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG3	19	2.3
(4,1092)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:H	17	2.3
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE1	5	2.3
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE2	5	2.3
(4,1037)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:HA	13	2.3
(4,849)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:H	11	2.3
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG11	9	2.3
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG12	9	2.3
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG13	9	2.3
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG11	9	2.3
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG12	9	2.3
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG13	9	2.3
(4,538)	1:81:A:TRP:HE1	1:182:A:GLY:HA2	15	2.3
(4,303)	1:59:A:PHE:HD1	1:62:A:ASN:H	6	2.3
(4,303)	1:59:A:PHE:HD2	1:62:A:ASN:H	6	2.3
(4,214)	1:30:A:GLU:HB2	1:31:A:TRP:HE1	5	2.3
(4,214)	1:30:A:GLU:HB3	1:31:A:TRP:HE1	5	2.3
(4,31)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:H	17	2.3
(4,31)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:H	17	2.3
(2,528)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	6	2.3
(2,396)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	14	2.3
(1,412)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	5	2.3
(1,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	12	2.3
(5,706)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	20	2.29
(5,448)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	6	2.29
(5,290)	1:39:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	7	2.29
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:H	8	2.29
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:H	8	2.29
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:H	8	2.29
(4,3907)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB2	8	2.29
(4,3796)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE22	17	2.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3215)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:H	2	2.29
(4,3215)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:H	2	2.29
(4,3112)	1:119:A:GLN:HE21	1:130:A:ASP:H	9	2.29
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG21	5	2.29
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG22	5	2.29
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG23	5	2.29
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG21	5	2.29
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG22	5	2.29
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG23	5	2.29
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB2	1:8:A:VAL:H	6	2.29
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB3	1:8:A:VAL:H	6	2.29
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG21	20	2.29
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG22	20	2.29
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG23	20	2.29
(4,2604)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:H	7	2.29
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD1	2	2.29
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD2	2	2.29
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD11	7	2.29
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD12	7	2.29
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD13	7	2.29
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD21	7	2.29
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD22	7	2.29
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD23	7	2.29
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG11	1:189:A:LEU:H	15	2.29
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG12	1:189:A:LEU:H	15	2.29
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG13	1:189:A:LEU:H	15	2.29
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD11	1:164:A:ASN:HD21	17	2.29
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD12	1:164:A:ASN:HD21	17	2.29
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD13	1:164:A:ASN:HD21	17	2.29
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD1	1	2.29
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD2	1	2.29
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:H	15	2.29
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:H	15	2.29
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:H	15	2.29
(4,1830)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD22	1	2.29
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB1	20	2.29
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB2	20	2.29
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB3	20	2.29
(4,1603)	1:97:A:HIS:HD1	1:182:A:GLY:H	14	2.29
(4,1242)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:H	4	2.29
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:H	9	2.29
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:H	9	2.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,45)	1:151:A:THR:HA	1:154:A:SER:HA	12	2.29
(2,335)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	17	2.29
(1,312)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	7	2.29
(5,754)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	8	2.28
(5,710)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	16	2.28
(5,453)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	3	2.28
(5,401)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	6	2.28
(5,107)	1:140:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	9	2.28
(5,73)	1:89:A:ALA:H	1:104:A:SER:OG	1	2.28
(4,4179)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:HD1	15	2.28
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD11	10	2.28
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD12	10	2.28
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD13	10	2.28
(4,4036)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD21	20	2.28
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG11	8	2.28
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG12	8	2.28
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG13	8	2.28
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG21	8	2.28
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG22	8	2.28
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG23	8	2.28
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG11	8	2.28
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG12	8	2.28
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG13	8	2.28
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG21	8	2.28
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG22	8	2.28
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG23	8	2.28
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG11	8	2.28
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG12	8	2.28
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG13	8	2.28
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG21	8	2.28
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG22	8	2.28
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG23	8	2.28
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE1	1:152:A:GLY:H	19	2.28
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE2	1:152:A:GLY:H	19	2.28
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD11	1	2.28
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD12	1	2.28
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD13	1	2.28
(4,3138)	1:5:A:ASN:H	1:8:A:VAL:H	14	2.28
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD21	1:160:A:THR:H	13	2.28
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD22	1:160:A:THR:H	13	2.28
(4,2978)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:HA	20	2.28
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG12	1:170:A:TYR:H	6	2.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG13	1:170:A:TYR:H	6	2.28
(4,2885)	1:119:A:GLN:HE22	1:133:A:THR:H	20	2.28
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD21	1:221:A:GLU:HG2	11	2.28
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD21	1:221:A:GLU:HG3	11	2.28
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:HG2	11	2.28
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:HG3	11	2.28
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG11	18	2.28
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG12	18	2.28
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG13	18	2.28
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG11	18	2.28
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG12	18	2.28
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG13	18	2.28
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG11	16	2.28
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG12	16	2.28
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG13	16	2.28
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HE22	2	2.28
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HE22	2	2.28
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HE22	2	2.28
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG11	12	2.28
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG12	12	2.28
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG13	12	2.28
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:H	10	2.28
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:H	10	2.28
(4,1289)	1:191:A:LEU:HD11	1:210:A:ARG:H	20	2.28
(4,1289)	1:191:A:LEU:HD12	1:210:A:ARG:H	20	2.28
(4,1289)	1:191:A:LEU:HD13	1:210:A:ARG:H	20	2.28
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HA	1	2.28
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HA	1	2.28
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG11	1:20:A:ASN:HD21	8	2.28
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG12	1:20:A:ASN:HD21	8	2.28
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG13	1:20:A:ASN:HD21	8	2.28
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD2	1:146:A:VAL:HB	19	2.28
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD3	1:146:A:VAL:HB	19	2.28
(4,941)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:H	2	2.28
(4,941)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:H	2	2.28
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD11	9	2.28
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD12	9	2.28
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD13	9	2.28
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD11	7	2.28
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD12	7	2.28
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD13	7	2.28
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD21	7	2.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD22	7	2.28
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD23	7	2.28
(4,211)	1:83:A:LYS:HD2	1:86:A:VAL:H	12	2.28
(4,211)	1:83:A:LYS:HD3	1:86:A:VAL:H	12	2.28
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE1	12	2.28
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE2	12	2.28
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE1	12	2.28
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE2	12	2.28
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE1	12	2.28
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE2	12	2.28
(3,9)	1:55:A:ILE:O	1:170:A:TYR:H	7	2.28
(1,472)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	13	2.28
(1,453)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	3	2.28
(1,173)	1:58:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	11	2.28
(1,72)	1:170:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	16	2.28
(5,770)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	8	2.27
(5,388)	1:5:A:ASN:ND2	1:130:A:ASP:H	1	2.27
(5,107)	1:140:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	19	2.27
(5,29)	1:104:A:SER:OG	1:161:A:ALA:H	2	2.27
(4,4262)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HB	20	2.27
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG2	3	2.27
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG3	3	2.27
(4,3863)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE22	1	2.27
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD21	13	2.27
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD22	13	2.27
(4,3745)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD22	16	2.27
(4,3445)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HB2	12	2.27
(4,3445)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HB3	12	2.27
(4,3400)	1:234:A:ASN:HD22	1:236:A:GLU:H	12	2.27
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD1	12	2.27
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD2	12	2.27
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD1	16	2.27
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD2	16	2.27
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE1	9	2.27
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE2	9	2.27
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD11	13	2.27
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD12	13	2.27
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD13	13	2.27
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD11	13	2.27
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD12	13	2.27
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD13	13	2.27
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:CG2	2	2.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:CG2	2	2.27
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:CG2	2	2.27
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG21	16	2.27
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG22	16	2.27
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG23	16	2.27
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD11	7	2.27
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD12	7	2.27
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD13	7	2.27
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD1	12	2.27
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD2	12	2.27
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD1	12	2.27
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD2	12	2.27
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD1	12	2.27
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD2	12	2.27
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD11	1	2.27
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD12	1	2.27
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD13	1	2.27
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD21	1	2.27
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD22	1	2.27
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD23	1	2.27
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD22	13	2.27
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD22	13	2.27
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD22	13	2.27
(4,2699)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:H	13	2.27
(4,2699)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:H	13	2.27
(4,2631)	1:68:A:SER:HA	1:70:A:SER:H	7	2.27
(4,2612)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HA	10	2.27
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD1	5	2.27
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD2	5	2.27
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB2	11	2.27
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB3	11	2.27
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HB2	1	2.27
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HB2	1	2.27
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HB2	15	2.27
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HB2	15	2.27
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA2	1:6:A:ARG:HA	17	2.27
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA3	1:6:A:ARG:HA	17	2.27
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HB	14	2.27
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HB	14	2.27
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HB	14	2.27
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE1	8	2.27
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE2	8	2.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE1	8	2.27
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE2	8	2.27
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE1	8	2.27
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE2	8	2.27
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD2	1:217:A:ASN:HD22	11	2.27
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD3	1:217:A:ASN:HD22	11	2.27
(4,1692)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:H	8	2.27
(4,1626)	1:95:A:ILE:H	1:98:A:SER:HG	20	2.27
(4,1590)	1:15:A:PRO:HG2	1:34:A:PHE:HA	16	2.27
(4,1520)	1:23:A:HIS:HD2	1:29:A:ASN:H	11	2.27
(4,1242)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:H	9	2.27
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD11	6	2.27
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD12	6	2.27
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD13	6	2.27
(4,999)	1:81:A:TRP:HZ3	1:129:A:PHE:H	19	2.27
(4,780)	1:73:A:ILE:HG12	1:76:A:SER:H	17	2.27
(4,780)	1:73:A:ILE:HG13	1:76:A:SER:H	17	2.27
(4,341)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HB	11	2.27
(1,473)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	12	2.27
(1,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	5	2.27
(1,182)	1:61:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	8	2.27
(5,811)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	2	2.26
(5,555)	1:5:A:ASN:ND2	1:179:A:GLU:H	3	2.26
(5,375)	1:5:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	7	2.26
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG2	6	2.26
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG3	6	2.26
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD11	5	2.26
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD12	5	2.26
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD13	5	2.26
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD11	5	2.26
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD12	5	2.26
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD13	5	2.26
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD2	20	2.26
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD3	20	2.26
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD2	20	2.26
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD3	20	2.26
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE1	5	2.26
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE2	5	2.26
(4,3803)	1:158:A:GLU:H	1:161:A:ALA:H	13	2.26
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB1	11	2.26
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB2	11	2.26
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB3	11	2.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3606)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB2	5	2.26
(4,3469)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HD1	10	2.26
(4,3214)	1:80:A:ILE:HD11	1:103:A:GLN:HE21	8	2.26
(4,3214)	1:80:A:ILE:HD12	1:103:A:GLN:HE21	8	2.26
(4,3214)	1:80:A:ILE:HD13	1:103:A:GLN:HE21	8	2.26
(4,3051)	1:163:A:THR:HA	1:165:A:LEU:HB3	4	2.26
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD1	6	2.26
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD2	6	2.26
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD1	6	2.26
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD2	6	2.26
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD1	6	2.26
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD2	6	2.26
(4,2735)	1:153:A:GLN:HE22	1:156:A:ALA:H	4	2.26
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB1	16	2.26
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB2	16	2.26
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB3	16	2.26
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB1	16	2.26
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB2	16	2.26
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB3	16	2.26
(4,2631)	1:68:A:SER:HA	1:70:A:SER:H	5	2.26
(4,2604)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:H	4	2.26
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	1	2.26
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	1	2.26
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HB2	13	2.26
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HB3	13	2.26
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HB2	13	2.26
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HB3	13	2.26
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HB2	13	2.26
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HB3	13	2.26
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE1	3	2.26
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE2	3	2.26
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE1	3	2.26
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE2	3	2.26
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE1	3	2.26
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE2	3	2.26
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD11	8	2.26
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD12	8	2.26
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD13	8	2.26
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD21	8	2.26
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD22	8	2.26
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD23	8	2.26
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB1	17	2.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB2	17	2.26
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB3	17	2.26
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB1	17	2.26
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB2	17	2.26
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB3	17	2.26
(4,1928)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HD11	4	2.26
(4,1928)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HD12	4	2.26
(4,1928)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HD13	4	2.26
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD1	20	2.26
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD2	20	2.26
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD1	5	2.26
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD2	5	2.26
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD21	12	2.26
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD22	12	2.26
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD21	12	2.26
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD22	12	2.26
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB1	16	2.26
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB2	16	2.26
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB3	16	2.26
(4,1324)	1:177:A:ILE:H	1:178:A:PHE:HE1	13	2.26
(4,1324)	1:177:A:ILE:H	1:178:A:PHE:HE2	13	2.26
(4,1037)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:HA	14	2.26
(4,947)	1:177:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	9	2.26
(4,947)	1:177:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	9	2.26
(4,947)	1:177:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	9	2.26
(4,755)	1:16:A:GLU:H	1:34:A:PHE:HA	11	2.26
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB2	15	2.26
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB3	15	2.26
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB2	18	2.26
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB3	18	2.26
(2,271)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:ND2	15	2.26
(1,572)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	12	2.26
(1,557)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	13	2.26
(1,275)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	14	2.26
(5,711)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	4	2.25
(5,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	17	2.25
(5,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	6	2.25
(5,487)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	14	2.25
(5,355)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	19	2.25
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG2	19	2.25
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG3	19	2.25
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HD1	3	2.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HD2	3	2.25
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HD1	3	2.25
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HD2	3	2.25
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HD1	3	2.25
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HD2	3	2.25
(4,3803)	1:158:A:GLU:H	1:161:A:ALA:H	8	2.25
(4,3789)	1:157:A:PRO:HA	1:161:A:ALA:H	9	2.25
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE1	1:230:A:GLY:H	10	2.25
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE2	1:230:A:GLY:H	10	2.25
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:H	14	2.25
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:H	14	2.25
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:H	14	2.25
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD21	19	2.25
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD22	19	2.25
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD23	19	2.25
(4,3519)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	9	2.25
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG21	20	2.25
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG22	20	2.25
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG23	20	2.25
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG21	20	2.25
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG22	20	2.25
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG23	20	2.25
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	17	2.25
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	17	2.25
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	17	2.25
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	17	2.25
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HE1	12	2.25
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HE1	12	2.25
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HE1	12	2.25
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE1	8	2.25
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE2	8	2.25
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB1	17	2.25
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB2	17	2.25
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB3	17	2.25
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB1	17	2.25
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB2	17	2.25
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB3	17	2.25
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD21	18	2.25
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD22	18	2.25
(4,2604)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:H	3	2.25
(4,2604)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:H	10	2.25
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG2	15	2.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG3	15	2.25
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE1	4	2.25
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE2	4	2.25
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE1	4	2.25
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE2	4	2.25
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE1	4	2.25
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE2	4	2.25
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG11	10	2.25
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG12	10	2.25
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG13	10	2.25
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG11	10	2.25
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG12	10	2.25
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG13	10	2.25
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD1	12	2.25
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD2	12	2.25
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD11	8	2.25
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD12	8	2.25
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD13	8	2.25
(4,1038)	1:174:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HE1	10	2.25
(4,1038)	1:174:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HE2	10	2.25
(4,829)	1:73:A:ILE:HD11	1:187:A:GLY:H	18	2.25
(4,829)	1:73:A:ILE:HD12	1:187:A:GLY:H	18	2.25
(4,829)	1:73:A:ILE:HD13	1:187:A:GLY:H	18	2.25
(4,619)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:H	7	2.25
(4,619)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:H	7	2.25
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB2	15	2.25
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB3	15	2.25
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG21	17	2.25
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG22	17	2.25
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG23	17	2.25
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG21	17	2.25
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG22	17	2.25
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG23	17	2.25
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG21	17	2.25
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG22	17	2.25
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG23	17	2.25
(4,169)	1:145:A:ASN:H	1:150:A:SER:H	2	2.25
(1,601)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	8	2.25
(1,555)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	6	2.25
(1,173)	1:58:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	16	2.25
(5,711)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	8	2.24
(5,567)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	13	2.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,523)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	2	2.24
(4,4226)	1:97:A:HIS:H	1:100:A:SER:HG	19	2.24
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD1	12	2.24
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD2	12	2.24
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD11	8	2.24
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD12	8	2.24
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD13	8	2.24
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	2	2.24
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	2	2.24
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	2	2.24
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	2	2.24
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	2	2.24
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	2	2.24
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	2	2.24
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	2	2.24
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	2	2.24
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	2	2.24
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	2	2.24
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	2	2.24
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE1	2	2.24
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE2	2	2.24
(4,3907)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB2	14	2.24
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD1	1:228:A:MET:HG2	12	2.24
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD1	1:228:A:MET:HG3	12	2.24
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD2	1:228:A:MET:HG2	12	2.24
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD2	1:228:A:MET:HG3	12	2.24
(4,3734)	1:56:A:VAL:HG11	1:169:A:THR:HG1	19	2.24
(4,3734)	1:56:A:VAL:HG12	1:169:A:THR:HG1	19	2.24
(4,3734)	1:56:A:VAL:HG13	1:169:A:THR:HG1	19	2.24
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG11	15	2.24
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG12	15	2.24
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG13	15	2.24
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG11	15	2.24
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG12	15	2.24
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG13	15	2.24
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:HA	19	2.24
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:HA	19	2.24
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:HA	19	2.24
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:HA	19	2.24
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:HA	19	2.24
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:HA	19	2.24
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE21	3	2.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE22	3	2.24
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE21	3	2.24
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE22	3	2.24
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD11	10	2.24
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD12	10	2.24
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD13	10	2.24
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD21	10	2.24
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD22	10	2.24
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD23	10	2.24
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE1	20	2.24
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE2	20	2.24
(4,3112)	1:119:A:GLN:HE21	1:130:A:ASP:H	4	2.24
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD21	11	2.24
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD22	11	2.24
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD21	11	2.24
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD22	11	2.24
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD11	10	2.24
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD12	10	2.24
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD13	10	2.24
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD11	10	2.24
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD12	10	2.24
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD13	10	2.24
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE21	16	2.24
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE22	16	2.24
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB2	19	2.24
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB3	19	2.24
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG11	15	2.24
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG12	15	2.24
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG13	15	2.24
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	15	2.24
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	15	2.24
(4,2062)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	15	2.24
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG11	13	2.24
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG12	13	2.24
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG13	13	2.24
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD1	1:84:A:GLN:H	5	2.24
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD2	1:84:A:GLN:H	5	2.24
(4,1247)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD22	4	2.24
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD1	1:85:A:SER:H	6	2.24
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD2	1:85:A:SER:H	6	2.24
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD11	9	2.24
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD12	9	2.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD13	9	2.24
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD21	9	2.24
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD22	9	2.24
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD23	9	2.24
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD11	9	2.24
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD12	9	2.24
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD13	9	2.24
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD21	9	2.24
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD22	9	2.24
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD23	9	2.24
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD11	9	2.24
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD12	9	2.24
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD13	9	2.24
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD21	9	2.24
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD22	9	2.24
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD23	9	2.24
(4,813)	1:36:A:ILE:HD11	1:48:A:LEU:CD2	18	2.24
(4,813)	1:36:A:ILE:HD12	1:48:A:LEU:CD2	18	2.24
(4,813)	1:36:A:ILE:HD13	1:48:A:LEU:CD2	18	2.24
(4,31)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:H	3	2.24
(4,31)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:H	3	2.24
(2,636)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	15	2.24
(1,589)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	18	2.24
(1,581)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	8	2.24
(1,444)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	13	2.24
(1,390)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	15	2.24
(1,146)	1:189:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	2	2.24
(5,799)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	11	2.23
(5,616)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	16	2.23
(5,491)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	15	2.23
(5,405)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	12	2.23
(5,367)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	3	2.23
(5,114)	1:78:A:ASP:H	1:140:A:ASN:ND2	6	2.23
(4,4226)	1:97:A:HIS:H	1:100:A:SER:HG	17	2.23
(4,4218)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD22	8	2.23
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB3	6	2.23
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB3	6	2.23
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB3	6	2.23
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:H	14	2.23
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:H	14	2.23
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:H	14	2.23
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG11	7	2.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG12	7	2.23
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG13	7	2.23
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG11	7	2.23
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG12	7	2.23
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG13	7	2.23
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG11	12	2.23
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG12	12	2.23
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG13	12	2.23
(4,3779)	1:31:A:TRP:HE1	1:233:A:PRO:HA	11	2.23
(4,3716)	1:45:A:LEU:HA	1:202:A:ILE:HD11	18	2.23
(4,3716)	1:45:A:LEU:HA	1:202:A:ILE:HD12	18	2.23
(4,3716)	1:45:A:LEU:HA	1:202:A:ILE:HD13	18	2.23
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HD1	13	2.23
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HD2	13	2.23
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HD1	13	2.23
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HD2	13	2.23
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HD1	13	2.23
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HD2	13	2.23
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HD1	13	2.23
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HD2	13	2.23
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HD1	13	2.23
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HD2	13	2.23
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HD1	13	2.23
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HD2	13	2.23
(4,3395)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA2	10	2.23
(4,3216)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD11	18	2.23
(4,3216)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD12	18	2.23
(4,3216)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD13	18	2.23
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB2	12	2.23
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB3	12	2.23
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB2	12	2.23
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB3	12	2.23
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB2	12	2.23
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB3	12	2.23
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HE1	17	2.23
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HE1	17	2.23
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HE1	17	2.23
(4,2931)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HG	9	2.23
(4,2893)	1:153:A:GLN:HA	1:157:A:PRO:HD3	2	2.23
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD21	10	2.23
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD22	10	2.23
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD23	10	2.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2643)	1:136:A:GLN:HE21	1:137:A:PHE:HA	1	2.23
(4,2643)	1:136:A:GLN:HE22	1:137:A:PHE:HA	1	2.23
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	10	2.23
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	10	2.23
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD11	19	2.23
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD12	19	2.23
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD13	19	2.23
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:H	4	2.23
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:H	4	2.23
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:H	4	2.23
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:H	18	2.23
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:H	18	2.23
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:H	18	2.23
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD11	1:164:A:ASN:HD21	2	2.23
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD12	1:164:A:ASN:HD21	2	2.23
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD13	1:164:A:ASN:HD21	2	2.23
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG12	8	2.23
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG13	8	2.23
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG12	8	2.23
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG13	8	2.23
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG12	8	2.23
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG13	8	2.23
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG12	8	2.23
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG13	8	2.23
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG12	8	2.23
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG13	8	2.23
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG12	8	2.23
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG13	8	2.23
(4,1955)	1:72:A:GLN:HB2	1:74:A:THR:H	17	2.23
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD11	3	2.23
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD12	3	2.23
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD13	3	2.23
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD21	3	2.23
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD22	3	2.23
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD23	3	2.23
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG2	6	2.23
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG3	6	2.23
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG2	6	2.23
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG3	6	2.23
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG2	6	2.23
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG3	6	2.23
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:CG1	18	2.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:CG1	18	2.23
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:CG1	18	2.23
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD21	5	2.23
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD22	5	2.23
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:H	18	2.23
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:H	18	2.23
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD21	4	2.23
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD22	4	2.23
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD23	4	2.23
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HA	10	2.23
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HA	10	2.23
(4,1058)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD21	13	2.23
(4,1058)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD22	13	2.23
(4,1058)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD23	13	2.23
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB2	2	2.23
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB3	2	2.23
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB2	2	2.23
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB3	2	2.23
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB2	2	2.23
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB3	2	2.23
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE2	18	2.23
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE3	18	2.23
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE2	18	2.23
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE3	18	2.23
(4,918)	1:56:A:VAL:H	1:169:A:THR:HA	7	2.23
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD11	10	2.23
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD12	10	2.23
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD13	10	2.23
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD21	10	2.23
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD22	10	2.23
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD23	10	2.23
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD11	10	2.23
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD12	10	2.23
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD13	10	2.23
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD21	10	2.23
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD22	10	2.23
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD23	10	2.23
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD11	10	2.23
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD12	10	2.23
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD13	10	2.23
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD21	10	2.23
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD22	10	2.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD23	10	2.23
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB2	1	2.23
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB3	1	2.23
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB2	1	2.23
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB3	1	2.23
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD11	16	2.23
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD12	16	2.23
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD13	16	2.23
(4,669)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:H	15	2.23
(4,665)	1:168:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	14	2.23
(4,665)	1:168:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	14	2.23
(4,665)	1:168:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	14	2.23
(4,665)	1:168:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	15	2.23
(4,665)	1:168:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	15	2.23
(4,665)	1:168:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	15	2.23
(4,599)	1:11:A:ILE:HG13	1:14:A:ASN:H	11	2.23
(4,437)	1:126:A:LYS:HG2	1:127:A:ASN:HD22	18	2.23
(4,437)	1:126:A:LYS:HG3	1:127:A:ASN:HD22	18	2.23
(4,372)	1:81:A:TRP:HE3	1:129:A:PHE:H	12	2.23
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG21	17	2.23
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG22	17	2.23
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG23	17	2.23
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG21	17	2.23
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG22	17	2.23
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG23	17	2.23
(4,324)	1:153:A:GLN:HE21	1:156:A:ALA:H	18	2.23
(4,6)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HA	18	2.23
(2,287)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:ND2	13	2.23
(2,189)	1:140:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	12	2.23
(1,571)	1:5:A:ASN:ND2	1:70:A:SER:H	12	2.23
(1,401)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	17	2.23
(1,219)	1:183:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	18	2.23
(5,832)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	14	2.22
(5,688)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	8	2.22
(5,514)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	3	2.22
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD1	6	2.22
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD2	6	2.22
(4,4094)	1:86:A:VAL:H	1:93:A:TYR:HD1	16	2.22
(4,4094)	1:86:A:VAL:H	1:93:A:TYR:HD2	16	2.22
(4,4013)	1:11:A:ILE:HG12	1:14:A:ASN:H	15	2.22
(4,3926)	1:15:A:PRO:HG3	1:34:A:PHE:HA	13	2.22
(4,3863)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE22	20	2.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3722)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HG	6	2.22
(4,3341)	1:146:A:VAL:H	1:150:A:SER:H	18	2.22
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD1	13	2.22
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD2	13	2.22
(4,3127)	1:31:A:TRP:HE1	1:106:A:LEU:H	5	2.22
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE1	2	2.22
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE2	2	2.22
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE1	2	2.22
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE2	2	2.22
(4,2582)	1:163:A:THR:HB	1:165:A:LEU:HB3	10	2.22
(4,2483)	1:31:A:TRP:HZ2	1:106:A:LEU:H	20	2.22
(4,2053)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD21	4	2.22
(4,1794)	1:80:A:ILE:HG12	1:128:A:ARG:H	2	2.22
(4,1794)	1:80:A:ILE:HG13	1:128:A:ARG:H	2	2.22
(4,1476)	1:29:A:ASN:HB2	1:30:A:GLU:HG2	18	2.22
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD21	10	2.22
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD22	10	2.22
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD21	10	2.22
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD22	10	2.22
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD1	5	2.22
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD2	5	2.22
(4,1371)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HE22	9	2.22
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE2	6	2.22
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE3	6	2.22
(4,1304)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD21	2	2.22
(4,1304)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD22	2	2.22
(4,1304)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD23	2	2.22
(4,1045)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HB2	20	2.22
(4,1045)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HB3	20	2.22
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	4	2.22
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	4	2.22
(4,703)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:CG2	4	2.22
(4,703)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:CG2	4	2.22
(4,703)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:CG2	4	2.22
(4,703)	1:206:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:CG2	4	2.22
(4,703)	1:206:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:CG2	4	2.22
(4,703)	1:206:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:CG2	4	2.22
(4,673)	1:172:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:H	15	2.22
(4,342)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:H	14	2.22
(4,342)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:H	14	2.22
(4,337)	1:98:A:SER:HA	1:102:A:ASN:HD21	12	2.22
(4,337)	1:98:A:SER:HA	1:102:A:ASN:HD22	12	2.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,169)	1:145:A:ASN:H	1:150:A:SER:H	5	2.22
(4,169)	1:145:A:ASN:H	1:150:A:SER:H	19	2.22
(2,271)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:ND2	10	2.22
(2,29)	1:102:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	4	2.22
(1,460)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	3	2.22
(1,346)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	12	2.22
(1,146)	1:189:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	19	2.22
(5,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	13	2.21
(5,114)	1:78:A:ASP:H	1:140:A:ASN:ND2	2	2.21
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD11	12	2.21
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD12	12	2.21
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD13	12	2.21
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB2	12	2.21
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB3	12	2.21
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB2	12	2.21
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB3	12	2.21
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB2	12	2.21
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB3	12	2.21
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB2	17	2.21
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB3	17	2.21
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB2	17	2.21
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB3	17	2.21
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB2	17	2.21
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB3	17	2.21
(4,3713)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HA	1	2.21
(4,3713)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HA	1	2.21
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD21	17	2.21
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD22	17	2.21
(4,3571)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	8	2.21
(4,3571)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	8	2.21
(4,3264)	1:79:A:VAL:HB	1:173:A:GLU:H	17	2.21
(4,3127)	1:31:A:TRP:HE1	1:106:A:LEU:H	7	2.21
(4,2905)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:HD22	3	2.21
(4,2905)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:HD22	3	2.21
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD11	15	2.21
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD12	15	2.21
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD13	15	2.21
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD21	15	2.21
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD22	15	2.21
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD23	15	2.21
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG11	9	2.21
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG12	9	2.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG13	9	2.21
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG11	9	2.21
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG12	9	2.21
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG13	9	2.21
(4,2520)	1:73:A:ILE:HB	1:75:A:SER:H	2	2.21
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:H	8	2.21
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:H	8	2.21
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:H	8	2.21
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG21	18	2.21
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG22	18	2.21
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG23	18	2.21
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG21	18	2.21
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG22	18	2.21
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG23	18	2.21
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG11	12	2.21
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG12	12	2.21
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG13	12	2.21
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG21	12	2.21
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG22	12	2.21
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG23	12	2.21
(4,2100)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HE3	17	2.21
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD21	4	2.21
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD22	4	2.21
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD23	4	2.21
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB3	4	2.21
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB3	4	2.21
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB3	4	2.21
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD2	1:217:A:ASN:HD22	12	2.21
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD3	1:217:A:ASN:HD22	12	2.21
(4,1928)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HD11	19	2.21
(4,1928)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HD12	19	2.21
(4,1928)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HD13	19	2.21
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD11	1:21:A:PHE:H	5	2.21
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD12	1:21:A:PHE:H	5	2.21
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD13	1:21:A:PHE:H	5	2.21
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:H	9	2.21
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:H	9	2.21
(4,1162)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HG	3	2.21
(4,1123)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HD22	17	2.21
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB2	19	2.21
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB3	19	2.21
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB2	19	2.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB3	19	2.21
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB2	19	2.21
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB3	19	2.21
(4,855)	1:190:A:TYR:HE1	1:193:A:LYS:H	4	2.21
(4,855)	1:190:A:TYR:HE2	1:193:A:LYS:H	4	2.21
(4,820)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:H	5	2.21
(4,820)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:H	5	2.21
(4,820)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:H	5	2.21
(4,673)	1:172:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:H	7	2.21
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD1	3	2.21
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD2	3	2.21
(4,365)	1:177:A:ILE:HD11	1:191:A:LEU:CD2	4	2.21
(4,365)	1:177:A:ILE:HD12	1:191:A:LEU:CD2	4	2.21
(4,365)	1:177:A:ILE:HD13	1:191:A:LEU:CD2	4	2.21
(2,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	11	2.21
(2,271)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:ND2	3	2.21
(2,271)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:ND2	4	2.21
(2,271)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:ND2	8	2.21
(1,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	19	2.21
(1,213)	1:160:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	1	2.21
(1,104)	1:56:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	5	2.21
(5,804)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	13	2.2
(5,610)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	17	2.2
(5,524)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	20	2.2
(5,503)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	9	2.2
(5,454)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	12	2.2
(5,451)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	11	2.2
(5,346)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	18	2.2
(5,34)	1:104:A:SER:OG	1:126:A:LYS:H	14	2.2
(5,23)	1:13:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	9	2.2
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD2	1:214:A:TYR:HA	14	2.2
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD3	1:214:A:TYR:HA	14	2.2
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG11	3	2.2
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG12	3	2.2
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG13	3	2.2
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG21	3	2.2
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG22	3	2.2
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG23	3	2.2
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG11	3	2.2
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG12	3	2.2
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG13	3	2.2
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG21	3	2.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG22	3	2.2
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG23	3	2.2
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG11	3	2.2
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG12	3	2.2
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG13	3	2.2
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG21	3	2.2
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG22	3	2.2
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG23	3	2.2
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD22	5	2.2
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD22	5	2.2
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD22	5	2.2
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD22	5	2.2
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD22	5	2.2
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD22	5	2.2
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE1	1:230:A:GLY:H	10	2.2
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE2	1:230:A:GLY:H	10	2.2
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD21	14	2.2
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD22	14	2.2
(4,3570)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD21	16	2.2
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB2	19	2.2
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB3	19	2.2
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB2	19	2.2
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB3	19	2.2
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB2	19	2.2
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB3	19	2.2
(4,3400)	1:234:A:ASN:HD22	1:236:A:GLU:H	13	2.2
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HE1	12	2.2
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HE1	12	2.2
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HE1	12	2.2
(4,3264)	1:79:A:VAL:HB	1:173:A:GLU:H	12	2.2
(4,3237)	1:150:A:SER:H	1:152:A:GLY:H	4	2.2
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:CG2	4	2.2
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:CG2	4	2.2
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:CG2	4	2.2
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB2	17	2.2
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB3	17	2.2
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB2	17	2.2
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB3	17	2.2
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG11	5	2.2
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG12	5	2.2
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG13	5	2.2
(4,2868)	1:15:A:PRO:HG2	1:35:A:ASP:H	11	2.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG21	1:164:A:ASN:HD21	7	2.2
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG22	1:164:A:ASN:HD21	7	2.2
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG23	1:164:A:ASN:HD21	7	2.2
(4,2520)	1:73:A:ILE:HB	1:75:A:SER:H	1	2.2
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:H	17	2.2
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:H	17	2.2
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:H	17	2.2
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG21	9	2.2
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG22	9	2.2
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG23	9	2.2
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG21	9	2.2
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG22	9	2.2
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG23	9	2.2
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD11	13	2.2
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD12	13	2.2
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD13	13	2.2
(4,1573)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB3	12	2.2
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD21	8	2.2
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD22	8	2.2
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD21	8	2.2
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD22	8	2.2
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD21	16	2.2
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD22	16	2.2
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD23	16	2.2
(4,1187)	1:82:A:PHE:HE1	1:100:A:SER:H	11	2.2
(4,1187)	1:82:A:PHE:HE2	1:100:A:SER:H	11	2.2
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD21	12	2.2
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD21	12	2.2
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD21	12	2.2
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB2	20	2.2
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB3	20	2.2
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB2	20	2.2
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB3	20	2.2
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB2	20	2.2
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB3	20	2.2
(4,325)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HE1	14	2.2
(4,325)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HE1	17	2.2
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD21	15	2.2
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD22	15	2.2
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD23	15	2.2
(4,82)	1:34:A:PHE:HE1	1:235:A:TRP:H	13	2.2
(4,82)	1:34:A:PHE:HE2	1:235:A:TRP:H	13	2.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,271)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:ND2	6	2.2
(2,271)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:ND2	17	2.2
(1,74)	1:221:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	13	2.2
(5,741)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	5	2.19
(5,664)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	15	2.19
(5,615)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	15	2.19
(5,511)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	10	2.19
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD2	16	2.19
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD3	16	2.19
(4,3843)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD1	18	2.19
(4,3843)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD2	18	2.19
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE1	1:230:A:GLY:H	5	2.19
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE2	1:230:A:GLY:H	5	2.19
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG11	14	2.19
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG12	14	2.19
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG13	14	2.19
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG11	14	2.19
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG12	14	2.19
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG13	14	2.19
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HE1	10	2.19
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HE2	10	2.19
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HE1	10	2.19
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HE2	10	2.19
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HE1	10	2.19
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HE2	10	2.19
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	9	2.19
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	9	2.19
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	9	2.19
(4,3300)	1:163:A:THR:HG21	1:166:A:HIS:HA	7	2.19
(4,3300)	1:163:A:THR:HG22	1:166:A:HIS:HA	7	2.19
(4,3300)	1:163:A:THR:HG23	1:166:A:HIS:HA	7	2.19
(4,3220)	1:31:A:TRP:HE3	1:53:A:LYS:H	12	2.19
(4,3190)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HB	4	2.19
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD11	4	2.19
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD12	4	2.19
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD13	4	2.19
(4,3138)	1:5:A:ASN:H	1:8:A:VAL:H	20	2.19
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD1	12	2.19
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD2	12	2.19
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD1	12	2.19
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD2	12	2.19
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD1	12	2.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD2	12	2.19
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG12	1:170:A:TYR:H	10	2.19
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG13	1:170:A:TYR:H	10	2.19
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD1	5	2.19
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD2	5	2.19
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD1	5	2.19
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD2	5	2.19
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD1	5	2.19
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD2	5	2.19
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	5	2.19
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	5	2.19
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	5	2.19
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	5	2.19
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	5	2.19
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	5	2.19
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	5	2.19
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	5	2.19
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	5	2.19
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	5	2.19
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	5	2.19
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	5	2.19
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG2	11	2.19
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG3	11	2.19
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG2	11	2.19
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG3	11	2.19
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG11	15	2.19
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG12	15	2.19
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG13	15	2.19
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB3	13	2.19
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB3	13	2.19
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD21	11	2.19
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD22	11	2.19
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD23	11	2.19
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD21	11	2.19
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD22	11	2.19
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD23	11	2.19
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD21	1	2.19
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD22	1	2.19
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD23	1	2.19
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HB	6	2.19
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HB	6	2.19
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HB	6	2.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD11	7	2.19
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD12	7	2.19
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD13	7	2.19
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD21	7	2.19
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD22	7	2.19
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD23	7	2.19
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD11	7	2.19
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD12	7	2.19
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD13	7	2.19
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD21	7	2.19
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD22	7	2.19
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD23	7	2.19
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD11	7	2.19
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD12	7	2.19
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD13	7	2.19
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD21	7	2.19
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD22	7	2.19
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD23	7	2.19
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE2	3	2.19
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE3	3	2.19
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE2	3	2.19
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE3	3	2.19
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD11	20	2.19
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD12	20	2.19
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD13	20	2.19
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD11	20	2.19
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD12	20	2.19
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD13	20	2.19
(4,599)	1:11:A:ILE:HG13	1:14:A:ASN:H	2	2.19
(4,365)	1:177:A:ILE:HD11	1:191:A:LEU:CD2	2	2.19
(4,365)	1:177:A:ILE:HD12	1:191:A:LEU:CD2	2	2.19
(4,365)	1:177:A:ILE:HD13	1:191:A:LEU:CD2	2	2.19
(4,360)	1:231:A:LEU:HD11	1:234:A:ASN:H	10	2.19
(4,360)	1:231:A:LEU:HD12	1:234:A:ASN:H	10	2.19
(4,360)	1:231:A:LEU:HD13	1:234:A:ASN:H	10	2.19
(4,360)	1:231:A:LEU:HD21	1:234:A:ASN:H	10	2.19
(4,360)	1:231:A:LEU:HD22	1:234:A:ASN:H	10	2.19
(4,360)	1:231:A:LEU:HD23	1:234:A:ASN:H	10	2.19
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD1	20	2.19
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD2	20	2.19
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD1	20	2.19
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD2	20	2.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,31)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:H	12	2.19
(4,31)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:H	12	2.19
(1,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	13	2.19
(1,516)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	19	2.19
(1,284)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	18	2.19
(1,157)	1:163:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	20	2.19
(1,73)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	1	2.19
(5,385)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	6	2.18
(5,296)	1:5:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	11	2.18
(5,14)	1:87:A:LYS:H	1:104:A:SER:OG	15	2.18
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:H	2	2.18
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:H	2	2.18
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:H	2	2.18
(4,4234)	1:2:A:SER:HA	1:8:A:VAL:HA	13	2.18
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD2	17	2.18
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD3	17	2.18
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD2	17	2.18
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD3	17	2.18
(4,3926)	1:15:A:PRO:HG3	1:34:A:PHE:HA	19	2.18
(4,3907)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB2	5	2.18
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB2	1:5:A:ASN:HD21	14	2.18
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB3	1:5:A:ASN:HD21	14	2.18
(4,3807)	1:27:A:LEU:HG	1:105:A:LEU:HD11	10	2.18
(4,3807)	1:27:A:LEU:HG	1:105:A:LEU:HD12	10	2.18
(4,3807)	1:27:A:LEU:HG	1:105:A:LEU:HD13	10	2.18
(4,3807)	1:27:A:LEU:HG	1:105:A:LEU:HD21	10	2.18
(4,3807)	1:27:A:LEU:HG	1:105:A:LEU:HD22	10	2.18
(4,3807)	1:27:A:LEU:HG	1:105:A:LEU:HD23	10	2.18
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	6	2.18
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	6	2.18
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	6	2.18
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD1	1:152:A:GLY:H	13	2.18
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD2	1:152:A:GLY:H	13	2.18
(4,3300)	1:163:A:THR:HG21	1:166:A:HIS:HA	4	2.18
(4,3300)	1:163:A:THR:HG22	1:166:A:HIS:HA	4	2.18
(4,3300)	1:163:A:THR:HG23	1:166:A:HIS:HA	4	2.18
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD21	12	2.18
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD22	12	2.18
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD23	12	2.18
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD21	12	2.18
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD22	12	2.18
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD23	12	2.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD11	19	2.18
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD12	19	2.18
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD13	19	2.18
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD2	8	2.18
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD3	8	2.18
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD11	3	2.18
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD12	3	2.18
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD13	3	2.18
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD11	11	2.18
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD12	11	2.18
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD13	11	2.18
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD21	11	2.18
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD22	11	2.18
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD23	11	2.18
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD21	20	2.18
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD22	20	2.18
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	6	2.18
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	6	2.18
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	6	2.18
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:H	6	2.18
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:H	6	2.18
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:H	6	2.18
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:H	12	2.18
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:H	12	2.18
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:H	12	2.18
(4,2005)	1:147:A:GLN:HE22	1:148:A:THR:H	3	2.18
(4,1944)	1:11:A:ILE:H	1:13:A:SER:H	15	2.18
(4,1590)	1:15:A:PRO:HG2	1:34:A:PHE:HA	2	2.18
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD21	16	2.18
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD22	16	2.18
(4,1573)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB3	16	2.18
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	8	2.18
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	8	2.18
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG21	2	2.18
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG22	2	2.18
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG23	2	2.18
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD11	12	2.18
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD12	12	2.18
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD13	12	2.18
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB2	9	2.18
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB3	9	2.18
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB2	9	2.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB3	9	2.18
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB2	9	2.18
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB3	9	2.18
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD11	11	2.18
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD12	11	2.18
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD13	11	2.18
(4,296)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD21	12	2.18
(4,203)	1:110:A:SER:HG	1:114:A:ASN:H	14	2.18
(4,169)	1:145:A:ASN:H	1:150:A:SER:H	4	2.18
(4,164)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG12	19	2.18
(4,150)	1:39:A:LEU:HA	1:44:A:LEU:HG	16	2.18
(2,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	12	2.18
(1,557)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	11	2.18
(1,411)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	1	2.18
(1,213)	1:160:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	4	2.18
(1,173)	1:58:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	1	2.18
(1,160)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	3	2.18
(5,780)	1:5:A:ASN:ND2	1:236:A:GLU:H	15	2.17
(5,613)	1:5:A:ASN:ND2	1:153:A:GLN:H	12	2.17
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	10	2.17
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	10	2.17
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB2	12	2.17
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB3	12	2.17
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB2	12	2.17
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB3	12	2.17
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB2	12	2.17
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB3	12	2.17
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:H	16	2.17
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:H	16	2.17
(4,3560)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HA	3	2.17
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD21	5	2.17
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD22	5	2.17
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD21	5	2.17
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD22	5	2.17
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD21	5	2.17
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD22	5	2.17
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD21	5	2.17
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD22	5	2.17
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD21	5	2.17
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD22	5	2.17
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD21	5	2.17
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD22	5	2.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB1	4	2.17
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB2	4	2.17
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB3	4	2.17
(4,3445)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HB2	7	2.17
(4,3445)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HB3	7	2.17
(4,3237)	1:150:A:SER:H	1:152:A:GLY:H	2	2.17
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD11	1:110:A:SER:H	10	2.17
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD12	1:110:A:SER:H	10	2.17
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD13	1:110:A:SER:H	10	2.17
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HE1	15	2.17
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HE1	15	2.17
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HE1	15	2.17
(4,2836)	1:98:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	9	2.17
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	10	2.17
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	10	2.17
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE2	1:214:A:TYR:HA	8	2.17
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE3	1:214:A:TYR:HA	8	2.17
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD21	2	2.17
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD22	2	2.17
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD23	2	2.17
(4,1673)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HB	3	2.17
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD1	1:84:A:GLN:H	18	2.17
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD2	1:84:A:GLN:H	18	2.17
(4,1590)	1:15:A:PRO:HG2	1:34:A:PHE:HA	10	2.17
(4,1573)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB3	19	2.17
(4,1565)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:HD21	7	2.17
(4,1565)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:HD21	7	2.17
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD11	10	2.17
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD12	10	2.17
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD13	10	2.17
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD11	10	2.17
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD12	10	2.17
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD13	10	2.17
(4,1184)	1:97:A:HIS:HD1	1:169:A:THR:H	19	2.17
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD11	4	2.17
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD12	4	2.17
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD13	4	2.17
(4,1112)	1:81:A:TRP:HZ2	1:181:A:ASP:H	1	2.17
(4,1081)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA2	12	2.17
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB2	16	2.17
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB3	16	2.17
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB2	16	2.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB3	16	2.17
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB2	16	2.17
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB3	16	2.17
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE2	1	2.17
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE3	1	2.17
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD11	7	2.17
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD12	7	2.17
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD13	7	2.17
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD11	7	2.17
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD12	7	2.17
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD13	7	2.17
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD11	7	2.17
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD12	7	2.17
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD13	7	2.17
(4,947)	1:177:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	8	2.17
(4,947)	1:177:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	8	2.17
(4,947)	1:177:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	8	2.17
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD21	4	2.17
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD22	4	2.17
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD11	8	2.17
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD12	8	2.17
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD13	8	2.17
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD21	8	2.17
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD22	8	2.17
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD23	8	2.17
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD11	8	2.17
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD12	8	2.17
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD13	8	2.17
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD21	8	2.17
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD22	8	2.17
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD23	8	2.17
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD11	8	2.17
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD12	8	2.17
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD13	8	2.17
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD21	8	2.17
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD22	8	2.17
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD23	8	2.17
(4,658)	1:76:A:SER:H	1:188:A:PRO:HG3	12	2.17
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD11	7	2.17
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD12	7	2.17
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD13	7	2.17
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB2	14	2.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB3	14	2.17
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG21	3	2.17
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG22	3	2.17
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG23	3	2.17
(4,346)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HD1	5	2.17
(4,297)	1:142:A:ILE:HG21	1:146:A:VAL:HB	3	2.17
(4,297)	1:142:A:ILE:HG22	1:146:A:VAL:HB	3	2.17
(4,297)	1:142:A:ILE:HG23	1:146:A:VAL:HB	3	2.17
(4,287)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:H	3	2.17
(4,287)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:H	3	2.17
(4,118)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HG	9	2.17
(4,118)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HG	9	2.17
(2,29)	1:102:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	2	2.17
(1,588)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	11	2.17
(1,169)	1:9:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	1	2.17
(5,798)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	5	2.16
(5,760)	1:5:A:ASN:ND2	1:98:A:SER:H	7	2.16
(5,574)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	8	2.16
(5,458)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	15	2.16
(5,450)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	15	2.16
(5,438)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	9	2.16
(5,388)	1:5:A:ASN:ND2	1:130:A:ASP:H	11	2.16
(5,354)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	19	2.16
(5,90)	1:140:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	10	2.16
(5,59)	1:104:A:SER:OG	1:214:A:TYR:H	15	2.16
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG2	13	2.16
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG3	13	2.16
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG2	13	2.16
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG3	13	2.16
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG2	13	2.16
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG3	13	2.16
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB2	4	2.16
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB2	4	2.16
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB2	4	2.16
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD21	18	2.16
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD22	18	2.16
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD11	3	2.16
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD12	3	2.16
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD13	3	2.16
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG21	8	2.16
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG22	8	2.16
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG23	8	2.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2821)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HE1	11	2.16
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG21	18	2.16
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG22	18	2.16
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG23	18	2.16
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB1	11	2.16
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB2	11	2.16
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB3	11	2.16
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB1	11	2.16
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB2	11	2.16
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB3	11	2.16
(4,2631)	1:68:A:SER:HA	1:70:A:SER:H	2	2.16
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG2	1:177:A:ILE:H	4	2.16
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG3	1:177:A:ILE:H	4	2.16
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	5	2.16
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	5	2.16
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	5	2.16
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	5	2.16
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	5	2.16
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	5	2.16
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	20	2.16
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	20	2.16
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	20	2.16
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE22	18	2.16
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE22	18	2.16
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB1	20	2.16
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB2	20	2.16
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB3	20	2.16
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD11	14	2.16
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD12	14	2.16
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD13	14	2.16
(4,1355)	1:189:A:LEU:HG	1:191:A:LEU:H	5	2.16
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD21	8	2.16
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD21	8	2.16
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD21	8	2.16
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD11	2	2.16
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD12	2	2.16
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD13	2	2.16
(4,786)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:H	6	2.16
(4,786)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:H	6	2.16
(4,780)	1:73:A:ILE:HG12	1:76:A:SER:H	4	2.16
(4,780)	1:73:A:ILE:HG13	1:76:A:SER:H	4	2.16
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD11	20	2.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD12	20	2.16
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD13	20	2.16
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD11	10	2.16
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD12	10	2.16
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD13	10	2.16
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD21	18	2.16
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD22	18	2.16
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD21	18	2.16
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD22	18	2.16
(1,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	2	2.16
(5,812)	1:5:A:ASN:ND2	1:155:A:GLU:H	4	2.15
(5,664)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	3	2.15
(5,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	4	2.15
(5,332)	1:177:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	20	2.15
(5,131)	1:140:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	3	2.15
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG21	1:192:A:GLY:HA2	13	2.15
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG22	1:192:A:GLY:HA2	13	2.15
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG23	1:192:A:GLY:HA2	13	2.15
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG2	2	2.15
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG3	2	2.15
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG2	2	2.15
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG3	2	2.15
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG2	2	2.15
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG3	2	2.15
(4,3926)	1:15:A:PRO:HG3	1:34:A:PHE:HA	16	2.15
(4,3893)	1:119:A:GLN:HE21	1:125:A:SER:H	5	2.15
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HG3	13	2.15
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HG3	13	2.15
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HG3	13	2.15
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB2	3	2.15
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB3	3	2.15
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB2	3	2.15
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB3	3	2.15
(4,3202)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA2	15	2.15
(4,3202)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA2	15	2.15
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG21	1	2.15
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG22	1	2.15
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG23	1	2.15
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD11	11	2.15
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD12	11	2.15
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD13	11	2.15
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD21	11	2.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD22	11	2.15
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD23	11	2.15
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD11	11	2.15
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD12	11	2.15
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD13	11	2.15
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD21	11	2.15
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD22	11	2.15
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD23	11	2.15
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD11	11	2.15
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD12	11	2.15
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD13	11	2.15
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD21	11	2.15
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD22	11	2.15
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD23	11	2.15
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG2	1:177:A:ILE:H	19	2.15
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG3	1:177:A:ILE:H	19	2.15
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:H	2	2.15
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:H	2	2.15
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:H	2	2.15
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HB2	6	2.15
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HB2	6	2.15
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HB2	8	2.15
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HB2	8	2.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD11	1	2.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD12	1	2.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD13	1	2.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD21	1	2.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD22	1	2.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD23	1	2.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD11	17	2.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD12	17	2.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD13	17	2.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD21	17	2.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD22	17	2.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD23	17	2.15
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD11	10	2.15
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD12	10	2.15
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD13	10	2.15
(4,2086)	1:61:A:ILE:HB	1:164:A:ASN:HD21	2	2.15
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB2	8	2.15
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB3	8	2.15
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	15	2.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	15	2.15
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	15	2.15
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	15	2.15
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	15	2.15
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	15	2.15
(4,1371)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HE22	2	2.15
(4,957)	1:62:A:ASN:HD21	1:65:A:ARG:H	2	2.15
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG11	14	2.15
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG12	14	2.15
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG13	14	2.15
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG11	14	2.15
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG12	14	2.15
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG13	14	2.15
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG11	14	2.15
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG12	14	2.15
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG13	14	2.15
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD11	20	2.15
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD12	20	2.15
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD13	20	2.15
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD21	20	2.15
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD22	20	2.15
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD23	20	2.15
(4,673)	1:172:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:H	16	2.15
(4,658)	1:76:A:SER:H	1:188:A:PRO:HG3	7	2.15
(4,497)	1:29:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD21	5	2.15
(4,448)	1:86:A:VAL:HG11	1:93:A:TYR:HD1	16	2.15
(4,448)	1:86:A:VAL:HG11	1:93:A:TYR:HD2	16	2.15
(4,448)	1:86:A:VAL:HG12	1:93:A:TYR:HD1	16	2.15
(4,448)	1:86:A:VAL:HG12	1:93:A:TYR:HD2	16	2.15
(4,448)	1:86:A:VAL:HG13	1:93:A:TYR:HD1	16	2.15
(4,448)	1:86:A:VAL:HG13	1:93:A:TYR:HD2	16	2.15
(4,447)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	2	2.15
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD1	3	2.15
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD2	3	2.15
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD1	3	2.15
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD2	3	2.15
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD21	18	2.15
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD22	18	2.15
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD23	18	2.15
(4,31)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:H	1	2.15
(4,31)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:H	1	2.15
(2,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	17	2.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,271)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:ND2	12	2.15
(1,188)	1:161:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	13	2.15
(1,5)	1:99:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	12	2.15
(5,778)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	18	2.14
(5,684)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	10	2.14
(5,530)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	4	2.14
(5,454)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	8	2.14
(5,381)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	11	2.14
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:HG2	14	2.14
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:HG3	14	2.14
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:HG2	14	2.14
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:HG3	14	2.14
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:HG2	14	2.14
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:HG3	14	2.14
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD2	5	2.14
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD3	5	2.14
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD2	5	2.14
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD3	5	2.14
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD2	11	2.14
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD3	11	2.14
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG21	18	2.14
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG22	18	2.14
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG23	18	2.14
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG21	18	2.14
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG22	18	2.14
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG23	18	2.14
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD22	17	2.14
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD22	17	2.14
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD22	17	2.14
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD22	17	2.14
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD22	17	2.14
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD22	17	2.14
(4,3820)	1:119:A:GLN:HE22	1:128:A:ARG:H	5	2.14
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD11	3	2.14
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD12	3	2.14
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD13	3	2.14
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD11	3	2.14
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD12	3	2.14
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD13	3	2.14
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD21	18	2.14
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD22	18	2.14
(4,3500)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD22	2	2.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3075)	1:74:A:THR:H	1:77:A:TYR:H	12	2.14
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD11	7	2.14
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD12	7	2.14
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD13	7	2.14
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB1	15	2.14
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB2	15	2.14
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB3	15	2.14
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB1	15	2.14
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB2	15	2.14
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB3	15	2.14
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD21	8	2.14
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD22	8	2.14
(4,2541)	1:80:A:ILE:HD11	1:127:A:ASN:HD21	2	2.14
(4,2541)	1:80:A:ILE:HD12	1:127:A:ASN:HD21	2	2.14
(4,2541)	1:80:A:ILE:HD13	1:127:A:ASN:HD21	2	2.14
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE1	1:231:A:LEU:H	19	2.14
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE2	1:231:A:LEU:H	19	2.14
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB1	11	2.14
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB2	11	2.14
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB3	11	2.14
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB1	11	2.14
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB2	11	2.14
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB3	11	2.14
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB1	11	2.14
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB2	11	2.14
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB3	11	2.14
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HA	4	2.14
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HA	4	2.14
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HA	4	2.14
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HA	4	2.14
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HA	4	2.14
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HA	4	2.14
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD11	14	2.14
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD12	14	2.14
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD13	14	2.14
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD21	14	2.14
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD22	14	2.14
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD23	14	2.14
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:H	17	2.14
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:H	17	2.14
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:H	17	2.14
(4,1573)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB3	20	2.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE22	11	2.14
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE22	11	2.14
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	17	2.14
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	17	2.14
(4,1184)	1:97:A:HIS:HD1	1:169:A:THR:H	9	2.14
(4,1144)	1:18:A:PHE:H	1:21:A:PHE:HD1	1	2.14
(4,1144)	1:18:A:PHE:H	1:21:A:PHE:HD2	1	2.14
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD21	17	2.14
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD21	17	2.14
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD21	17	2.14
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB2	10	2.14
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB3	10	2.14
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB2	10	2.14
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB3	10	2.14
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB2	10	2.14
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB3	10	2.14
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB2	10	2.14
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB3	10	2.14
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB2	10	2.14
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB3	10	2.14
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB2	10	2.14
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB3	10	2.14
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB2	11	2.14
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB3	11	2.14
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB2	11	2.14
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB3	11	2.14
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB2	11	2.14
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB3	11	2.14
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB2	11	2.14
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB3	11	2.14
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB2	11	2.14
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB3	11	2.14
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB2	11	2.14
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB3	11	2.14
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG11	16	2.14
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG12	16	2.14
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG13	16	2.14
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG21	16	2.14
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG22	16	2.14
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG23	16	2.14
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG11	16	2.14
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG12	16	2.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG13	16	2.14
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG21	16	2.14
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG22	16	2.14
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG23	16	2.14
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG11	16	2.14
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG12	16	2.14
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG13	16	2.14
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG21	16	2.14
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG22	16	2.14
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG23	16	2.14
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD21	16	2.14
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD22	16	2.14
(4,786)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:H	11	2.14
(4,786)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:H	11	2.14
(4,647)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:H	14	2.14
(4,619)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:H	6	2.14
(4,619)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:H	6	2.14
(4,518)	1:120:A:SER:HA	1:123:A:SER:H	4	2.14
(4,431)	1:88:A:ASN:HD21	1:159:A:ALA:HB1	15	2.14
(4,431)	1:88:A:ASN:HD21	1:159:A:ALA:HB2	15	2.14
(4,431)	1:88:A:ASN:HD21	1:159:A:ALA:HB3	15	2.14
(4,431)	1:88:A:ASN:HD22	1:159:A:ALA:HB1	15	2.14
(4,431)	1:88:A:ASN:HD22	1:159:A:ALA:HB2	15	2.14
(4,431)	1:88:A:ASN:HD22	1:159:A:ALA:HB3	15	2.14
(4,324)	1:153:A:GLN:HE21	1:156:A:ALA:H	2	2.14
(4,277)	1:82:A:PHE:HE1	1:99:A:LEU:H	1	2.14
(4,277)	1:82:A:PHE:HE2	1:99:A:LEU:H	1	2.14
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD11	14	2.14
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD12	14	2.14
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD13	14	2.14
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD21	14	2.14
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD22	14	2.14
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD23	14	2.14
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD11	14	2.14
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD12	14	2.14
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD13	14	2.14
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD21	14	2.14
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD22	14	2.14
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD23	14	2.14
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD21	11	2.14
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD22	11	2.14
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD21	11	2.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD22	11	2.14
(1,602)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	15	2.14
(1,580)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	17	2.14
(1,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	3	2.14
(1,533)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	14	2.14
(1,481)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	17	2.14
(1,427)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	17	2.14
(1,116)	1:169:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	6	2.14
(1,91)	1:209:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	13	2.14
(5,794)	1:5:A:ASN:ND2	1:36:A:ILE:H	2	2.13
(5,723)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	8	2.13
(5,596)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	16	2.13
(5,483)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	19	2.13
(5,202)	1:53:A:LYS:H	1:225:A:ASN:ND2	3	2.13
(4,4203)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD22	3	2.13
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD11	1:111:A:ASP:H	11	2.13
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD12	1:111:A:ASP:H	11	2.13
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD13	1:111:A:ASP:H	11	2.13
(4,4003)	1:172:A:GLU:HB3	1:177:A:ILE:HD11	7	2.13
(4,4003)	1:172:A:GLU:HB3	1:177:A:ILE:HD12	7	2.13
(4,4003)	1:172:A:GLU:HB3	1:177:A:ILE:HD13	7	2.13
(4,3997)	1:80:A:ILE:HD11	1:103:A:GLN:HE22	10	2.13
(4,3997)	1:80:A:ILE:HD12	1:103:A:GLN:HE22	10	2.13
(4,3997)	1:80:A:ILE:HD13	1:103:A:GLN:HE22	10	2.13
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HE1	20	2.13
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HE2	20	2.13
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HE1	20	2.13
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HE2	20	2.13
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HE1	20	2.13
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HE2	20	2.13
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG11	18	2.13
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG12	18	2.13
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG13	18	2.13
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG21	18	2.13
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG22	18	2.13
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG23	18	2.13
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG11	18	2.13
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG12	18	2.13
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG13	18	2.13
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG21	18	2.13
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG22	18	2.13
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG23	18	2.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG11	18	2.13
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG12	18	2.13
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG13	18	2.13
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG21	18	2.13
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG22	18	2.13
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG23	18	2.13
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE1	6	2.13
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE2	6	2.13
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD11	18	2.13
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD12	18	2.13
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD13	18	2.13
(4,3587)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:H	20	2.13
(4,3326)	1:138:A:VAL:HB	1:139:A:LEU:HG	2	2.13
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD1	8	2.13
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD2	8	2.13
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD1	8	2.13
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD2	8	2.13
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD1	8	2.13
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD2	8	2.13
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG12	1:170:A:TYR:H	2	2.13
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG13	1:170:A:TYR:H	2	2.13
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG12	1:170:A:TYR:H	18	2.13
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG13	1:170:A:TYR:H	18	2.13
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD21	8	2.13
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD22	8	2.13
(4,2856)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE3	14	2.13
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD11	3	2.13
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD12	3	2.13
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD13	3	2.13
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD21	3	2.13
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD22	3	2.13
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD23	3	2.13
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD11	2	2.13
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD12	2	2.13
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD13	2	2.13
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD11	7	2.13
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD12	7	2.13
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD13	7	2.13
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD21	7	2.13
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD22	7	2.13
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD23	7	2.13
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD11	7	2.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD12	7	2.13
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD13	7	2.13
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD21	7	2.13
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD22	7	2.13
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD23	7	2.13
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:H	11	2.13
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:H	11	2.13
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:H	11	2.13
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD11	15	2.13
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD12	15	2.13
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD13	15	2.13
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD21	15	2.13
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD22	15	2.13
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD23	15	2.13
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG11	17	2.13
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG12	17	2.13
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG13	17	2.13
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG11	17	2.13
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG12	17	2.13
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG13	17	2.13
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE1	14	2.13
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE2	14	2.13
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE1	14	2.13
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE2	14	2.13
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE1	14	2.13
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE2	14	2.13
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD1	6	2.13
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD2	6	2.13
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:HD11	10	2.13
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:HD12	10	2.13
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:HD13	10	2.13
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:HD11	10	2.13
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:HD12	10	2.13
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:HD13	10	2.13
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:HD11	10	2.13
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:HD12	10	2.13
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:HD13	10	2.13
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB1	15	2.13
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB2	15	2.13
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB3	15	2.13
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD1	1:227:A:ALA:H	11	2.13
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD2	1:227:A:ALA:H	11	2.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD21	1:151:A:THR:H	3	2.13
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD22	1:151:A:THR:H	3	2.13
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE21	10	2.13
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE21	10	2.13
(4,1081)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA2	5	2.13
(4,737)	1:81:A:TRP:HZ3	1:84:A:GLN:H	4	2.13
(4,639)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	2	2.13
(4,296)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD21	8	2.13
(4,60)	1:79:A:VAL:HG11	1:190:A:TYR:H	14	2.13
(4,60)	1:79:A:VAL:HG12	1:190:A:TYR:H	14	2.13
(4,60)	1:79:A:VAL:HG13	1:190:A:TYR:H	14	2.13
(5,676)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	10	2.12
(5,585)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	5	2.12
(5,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	15	2.12
(5,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	19	2.12
(5,299)	1:156:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	14	2.12
(5,90)	1:140:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	13	2.12
(4,4145)	1:179:A:GLU:HB2	1:191:A:LEU:HD11	13	2.12
(4,4145)	1:179:A:GLU:HB2	1:191:A:LEU:HD12	13	2.12
(4,4145)	1:179:A:GLU:HB2	1:191:A:LEU:HD13	13	2.12
(4,4145)	1:179:A:GLU:HB2	1:191:A:LEU:HD21	13	2.12
(4,4145)	1:179:A:GLU:HB2	1:191:A:LEU:HD22	13	2.12
(4,4145)	1:179:A:GLU:HB2	1:191:A:LEU:HD23	13	2.12
(4,4145)	1:179:A:GLU:HB3	1:191:A:LEU:HD11	13	2.12
(4,4145)	1:179:A:GLU:HB3	1:191:A:LEU:HD12	13	2.12
(4,4145)	1:179:A:GLU:HB3	1:191:A:LEU:HD13	13	2.12
(4,4145)	1:179:A:GLU:HB3	1:191:A:LEU:HD21	13	2.12
(4,4145)	1:179:A:GLU:HB3	1:191:A:LEU:HD22	13	2.12
(4,4145)	1:179:A:GLU:HB3	1:191:A:LEU:HD23	13	2.12
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD11	2	2.12
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD12	2	2.12
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD13	2	2.12
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE1	11	2.12
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE2	11	2.12
(4,3820)	1:119:A:GLN:HE22	1:128:A:ARG:H	3	2.12
(4,3713)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HA	11	2.12
(4,3713)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HA	11	2.12
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD11	2	2.12
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD12	2	2.12
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD13	2	2.12
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD11	2	2.12
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD12	2	2.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD13	2	2.12
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD11	2	2.12
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD12	2	2.12
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD13	2	2.12
(4,3395)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA2	20	2.12
(4,3213)	1:29:A:ASN:H	1:31:A:TRP:HE1	13	2.12
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG21	11	2.12
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG22	11	2.12
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG23	11	2.12
(4,3203)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:H	9	2.12
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD1	5	2.12
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD2	5	2.12
(4,2868)	1:15:A:PRO:HG2	1:35:A:ASP:H	16	2.12
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD11	8	2.12
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD12	8	2.12
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD13	8	2.12
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD21	8	2.12
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD22	8	2.12
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD23	8	2.12
(4,2525)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:H	12	2.12
(4,2525)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:H	12	2.12
(4,2525)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:H	12	2.12
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG21	1:128:A:ARG:H	7	2.12
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG22	1:128:A:ARG:H	7	2.12
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG23	1:128:A:ARG:H	7	2.12
(4,1673)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HB	20	2.12
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG2	1	2.12
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG3	1	2.12
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG2	1	2.12
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG3	1	2.12
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG11	14	2.12
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG12	14	2.12
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG13	14	2.12
(4,1408)	1:80:A:ILE:HG21	1:100:A:SER:H	2	2.12
(4,1408)	1:80:A:ILE:HG22	1:100:A:SER:H	2	2.12
(4,1408)	1:80:A:ILE:HG23	1:100:A:SER:H	2	2.12
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG12	10	2.12
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG12	10	2.12
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD1	1:85:A:SER:H	8	2.12
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD2	1:85:A:SER:H	8	2.12
(4,1184)	1:97:A:HIS:HD1	1:169:A:THR:H	14	2.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD11	4	2.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD12	4	2.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD13	4	2.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD21	4	2.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD22	4	2.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD23	4	2.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD11	4	2.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD12	4	2.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD13	4	2.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD21	4	2.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD22	4	2.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD23	4	2.12
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB2	18	2.12
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB3	18	2.12
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB2	18	2.12
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB3	18	2.12
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB2	18	2.12
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB3	18	2.12
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE1	6	2.12
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE2	6	2.12
(4,341)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HB	2	2.12
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG21	4	2.12
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG22	4	2.12
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG23	4	2.12
(4,82)	1:34:A:PHE:HE1	1:235:A:TRP:H	1	2.12
(4,82)	1:34:A:PHE:HE2	1:235:A:TRP:H	1	2.12
(4,33)	1:72:A:GLN:HG2	1:74:A:THR:H	6	2.12
(4,33)	1:72:A:GLN:HG3	1:74:A:THR:H	6	2.12
(2,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	11	2.12
(1,366)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	4	2.12
(5,568)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	2	2.11
(5,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	6	2.11
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD11	1	2.11
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD12	1	2.11
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD13	1	2.11
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD21	1	2.11
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD22	1	2.11
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD23	1	2.11
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD11	1	2.11
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD12	1	2.11
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD13	1	2.11
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD21	1	2.11
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD22	1	2.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD23	1	2.11
(4,4203)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD22	19	2.11
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:HG2	5	2.11
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:HG3	5	2.11
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:HG2	5	2.11
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:HG3	5	2.11
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:HG2	5	2.11
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:HG3	5	2.11
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD2	1:214:A:TYR:HA	3	2.11
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD3	1:214:A:TYR:HA	3	2.11
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG21	13	2.11
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG22	13	2.11
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG23	13	2.11
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG21	5	2.11
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG22	5	2.11
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG23	5	2.11
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG21	5	2.11
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG22	5	2.11
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG23	5	2.11
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD1	10	2.11
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD2	10	2.11
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD1	10	2.11
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD2	10	2.11
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD1	10	2.11
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD2	10	2.11
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD11	10	2.11
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD12	10	2.11
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD13	10	2.11
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD11	9	2.11
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD12	9	2.11
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD13	9	2.11
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD21	10	2.11
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD22	10	2.11
(4,2612)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HA	7	2.11
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD11	1	2.11
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD12	1	2.11
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD13	1	2.11
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD21	1	2.11
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD22	1	2.11
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD23	1	2.11
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:H	20	2.11
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:H	20	2.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2289)	1:82:A:PHE:HZ	1:97:A:HIS:H	17	2.11
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG12	6	2.11
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG13	6	2.11
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG12	6	2.11
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG13	6	2.11
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD11	17	2.11
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD12	17	2.11
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD13	17	2.11
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD11	17	2.11
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD12	17	2.11
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD13	17	2.11
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB1	7	2.11
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB2	7	2.11
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB3	7	2.11
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB1	7	2.11
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB2	7	2.11
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB3	7	2.11
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD11	12	2.11
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD12	12	2.11
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD13	12	2.11
(4,1850)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	8	2.11
(4,1794)	1:80:A:ILE:HG12	1:128:A:ARG:H	8	2.11
(4,1794)	1:80:A:ILE:HG13	1:128:A:ARG:H	8	2.11
(4,1590)	1:15:A:PRO:HG2	1:34:A:PHE:HA	11	2.11
(4,1540)	1:33:A:TYR:HD1	1:231:A:LEU:H	19	2.11
(4,1540)	1:33:A:TYR:HD2	1:231:A:LEU:H	19	2.11
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB1	7	2.11
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB2	7	2.11
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB3	7	2.11
(4,1242)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:H	18	2.11
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG11	1:20:A:ASN:HD21	6	2.11
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG12	1:20:A:ASN:HD21	6	2.11
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG13	1:20:A:ASN:HD21	6	2.11
(4,947)	1:177:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	2	2.11
(4,947)	1:177:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	2	2.11
(4,947)	1:177:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	2	2.11
(4,871)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HD1	15	2.11
(4,871)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HD2	15	2.11
(4,871)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HD1	15	2.11
(4,871)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HD2	15	2.11
(4,871)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HD1	15	2.11
(4,871)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HD2	15	2.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,780)	1:73:A:ILE:HG12	1:76:A:SER:H	14	2.11
(4,780)	1:73:A:ILE:HG13	1:76:A:SER:H	14	2.11
(4,765)	1:79:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:CD2	13	2.11
(4,765)	1:79:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:CD2	13	2.11
(4,765)	1:79:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:CD2	13	2.11
(4,675)	1:3:A:GLY:H	1:5:A:ASN:H	4	2.11
(4,639)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	4	2.11
(4,464)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HE1	18	2.11
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB1	6	2.11
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB2	6	2.11
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB3	6	2.11
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB1	6	2.11
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB2	6	2.11
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB3	6	2.11
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB1	6	2.11
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB2	6	2.11
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB3	6	2.11
(4,346)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HD1	12	2.11
(4,42)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE22	12	2.11
(4,42)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE22	12	2.11
(4,42)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE22	12	2.11
(4,42)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE22	12	2.11
(4,42)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE22	12	2.11
(4,42)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE22	12	2.11
(1,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	17	2.11
(1,183)	1:159:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	16	2.11
(1,173)	1:58:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	15	2.11
(1,173)	1:58:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	19	2.11
(5,699)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	3	2.1
(5,646)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	14	2.1
(5,618)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	2	2.1
(5,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	13	2.1
(5,424)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	7	2.1
(5,90)	1:140:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	14	2.1
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:H	20	2.1
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:H	20	2.1
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:H	20	2.1
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD11	4	2.1
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD12	4	2.1
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD13	4	2.1
(4,4072)	1:11:A:ILE:HG21	1:13:A:SER:H	17	2.1
(4,4072)	1:11:A:ILE:HG22	1:13:A:SER:H	17	2.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4072)	1:11:A:ILE:HG23	1:13:A:SER:H	17	2.1
(4,3884)	1:155:A:GLU:H	1:157:A:PRO:HB3	10	2.1
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD1	13	2.1
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD2	13	2.1
(4,3799)	1:154:A:SER:HB2	1:157:A:PRO:HD3	4	2.1
(4,3799)	1:154:A:SER:HB3	1:157:A:PRO:HD3	4	2.1
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB2	6	2.1
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB3	6	2.1
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB2	6	2.1
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB3	6	2.1
(4,3433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:234:A:ASN:H	15	2.1
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG21	17	2.1
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG22	17	2.1
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG23	17	2.1
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB2	6	2.1
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB3	6	2.1
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB2	6	2.1
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB3	6	2.1
(4,3138)	1:5:A:ASN:H	1:8:A:VAL:H	15	2.1
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD21	1:160:A:THR:H	2	2.1
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD22	1:160:A:THR:H	2	2.1
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD11	2	2.1
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD12	2	2.1
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD13	2	2.1
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE1	5	2.1
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE2	5	2.1
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE1	14	2.1
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE2	14	2.1
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD21	4	2.1
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD22	4	2.1
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD21	4	2.1
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD22	4	2.1
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD1	17	2.1
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD2	17	2.1
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD21	3	2.1
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD22	3	2.1
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD23	3	2.1
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD11	1:114:A:ASN:H	9	2.1
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD12	1:114:A:ASN:H	9	2.1
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD13	1:114:A:ASN:H	9	2.1
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD11	16	2.1
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD12	16	2.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD13	16	2.1
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD11	16	2.1
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD12	16	2.1
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD13	16	2.1
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD11	16	2.1
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD12	16	2.1
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD13	16	2.1
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD11	16	2.1
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD12	16	2.1
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD13	16	2.1
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD11	16	2.1
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD12	16	2.1
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD13	16	2.1
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD11	16	2.1
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD12	16	2.1
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD13	16	2.1
(4,1904)	1:119:A:GLN:HE21	1:128:A:ARG:H	4	2.1
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD11	1	2.1
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD12	1	2.1
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD13	1	2.1
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD21	1	2.1
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD22	1	2.1
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD23	1	2.1
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:H	11	2.1
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:H	11	2.1
(4,1275)	1:64:A:ASP:HA	1:217:A:ASN:HB2	16	2.1
(4,1275)	1:64:A:ASP:HA	1:217:A:ASN:HB3	16	2.1
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD21	10	2.1
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD22	10	2.1
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD23	10	2.1
(4,887)	1:100:A:SER:HB2	1:127:A:ASN:HA	9	2.1
(4,887)	1:100:A:SER:HB3	1:127:A:ASN:HA	9	2.1
(4,677)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD11	10	2.1
(4,677)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD12	10	2.1
(4,677)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD13	10	2.1
(4,677)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD11	10	2.1
(4,677)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD12	10	2.1
(4,677)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD13	10	2.1
(4,677)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD11	10	2.1
(4,677)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD12	10	2.1
(4,677)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD13	10	2.1
(4,665)	1:168:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	1	2.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,665)	1:168:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	1	2.1
(4,665)	1:168:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	1	2.1
(4,80)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:CD2	5	2.1
(4,80)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:CD2	5	2.1
(4,80)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:CD2	5	2.1
(4,80)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:CD2	5	2.1
(4,80)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:CD2	5	2.1
(4,80)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:CD2	5	2.1
(1,177)	1:204:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	13	2.1
(1,74)	1:221:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	3	2.1
(5,806)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	8	2.09
(5,749)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	3	2.09
(5,671)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	1	2.09
(5,667)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	2	2.09
(5,471)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	14	2.09
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD1	16	2.09
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD2	16	2.09
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD11	1:96:A:LEU:H	8	2.09
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD12	1:96:A:LEU:H	8	2.09
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD13	1:96:A:LEU:H	8	2.09
(4,3736)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HZ3	9	2.09
(4,3571)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	5	2.09
(4,3571)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	5	2.09
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	8	2.09
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	8	2.09
(4,3341)	1:146:A:VAL:H	1:150:A:SER:H	19	2.09
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HE1	2	2.09
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HE1	2	2.09
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HE1	2	2.09
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE1	14	2.09
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE2	14	2.09
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG21	12	2.09
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG22	12	2.09
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG23	12	2.09
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG21	1:139:A:LEU:CD1	8	2.09
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG22	1:139:A:LEU:CD1	8	2.09
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG23	1:139:A:LEU:CD1	8	2.09
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE1	9	2.09
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE2	9	2.09
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE1	20	2.09
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE2	20	2.09
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG12	1:170:A:TYR:H	16	2.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG13	1:170:A:TYR:H	16	2.09
(4,2885)	1:119:A:GLN:HE22	1:133:A:THR:H	17	2.09
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG21	7	2.09
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG22	7	2.09
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG23	7	2.09
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG21	7	2.09
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG22	7	2.09
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG23	7	2.09
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG21	7	2.09
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG22	7	2.09
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG23	7	2.09
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD1	16	2.09
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD2	16	2.09
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD1	16	2.09
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD2	16	2.09
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD1	16	2.09
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD2	16	2.09
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD21	2	2.09
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD22	2	2.09
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD23	2	2.09
(4,2575)	1:19:A:THR:HG21	1:235:A:TRP:H	12	2.09
(4,2575)	1:19:A:THR:HG22	1:235:A:TRP:H	12	2.09
(4,2575)	1:19:A:THR:HG23	1:235:A:TRP:H	12	2.09
(4,2483)	1:31:A:TRP:HZ2	1:106:A:LEU:H	4	2.09
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:H	18	2.09
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:H	18	2.09
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:H	18	2.09
(4,1992)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HB3	7	2.09
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG21	5	2.09
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG22	5	2.09
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG23	5	2.09
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG21	5	2.09
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG22	5	2.09
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG23	5	2.09
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD11	11	2.09
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD12	11	2.09
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD13	11	2.09
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD21	11	2.09
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD22	11	2.09
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD23	11	2.09
(4,1437)	1:58:A:LEU:HG	1:228:A:MET:HA	19	2.09
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD21	2	2.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD22	2	2.09
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD23	2	2.09
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD11	14	2.09
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD12	14	2.09
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD13	14	2.09
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD21	14	2.09
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD22	14	2.09
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD23	14	2.09
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD11	14	2.09
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD12	14	2.09
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD13	14	2.09
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD21	14	2.09
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD22	14	2.09
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD23	14	2.09
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD11	14	2.09
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD12	14	2.09
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD13	14	2.09
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD21	14	2.09
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD22	14	2.09
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD23	14	2.09
(4,780)	1:73:A:ILE:HG12	1:76:A:SER:H	5	2.09
(4,780)	1:73:A:ILE:HG13	1:76:A:SER:H	5	2.09
(4,639)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	17	2.09
(4,639)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	18	2.09
(4,509)	1:73:A:ILE:HD11	1:77:A:TYR:HD1	18	2.09
(4,509)	1:73:A:ILE:HD11	1:77:A:TYR:HD2	18	2.09
(4,509)	1:73:A:ILE:HD12	1:77:A:TYR:HD1	18	2.09
(4,509)	1:73:A:ILE:HD12	1:77:A:TYR:HD2	18	2.09
(4,509)	1:73:A:ILE:HD13	1:77:A:TYR:HD1	18	2.09
(4,509)	1:73:A:ILE:HD13	1:77:A:TYR:HD2	18	2.09
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB2	12	2.09
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB3	12	2.09
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB2	12	2.09
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB3	12	2.09
(4,269)	1:144:A:GLU:HB2	1:147:A:GLN:HE21	9	2.09
(4,269)	1:144:A:GLU:HB2	1:147:A:GLN:HE22	9	2.09
(4,269)	1:144:A:GLU:HB3	1:147:A:GLN:HE21	9	2.09
(4,269)	1:144:A:GLU:HB3	1:147:A:GLN:HE22	9	2.09
(4,224)	1:39:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:CG1	14	2.09
(4,224)	1:39:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:CG1	14	2.09
(4,224)	1:39:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:CG1	14	2.09
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE1	11	2.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE2	11	2.09
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD1	18	2.09
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD2	18	2.09
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD1	18	2.09
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD2	18	2.09
(4,42)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE22	14	2.09
(4,42)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE22	14	2.09
(4,42)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE22	14	2.09
(4,42)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE22	14	2.09
(4,42)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE22	14	2.09
(4,42)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE22	14	2.09
(2,271)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:ND2	14	2.09
(5,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	15	2.08
(5,488)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	4	2.08
(5,423)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	14	2.08
(5,376)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	7	2.08
(4,3893)	1:119:A:GLN:HE21	1:125:A:SER:H	7	2.08
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:HD21	20	2.08
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:HD22	20	2.08
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:HD21	20	2.08
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:HD22	20	2.08
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD1	2	2.08
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD2	2	2.08
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD1	2	2.08
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD2	2	2.08
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD1	2	2.08
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD2	2	2.08
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG2	16	2.08
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG3	16	2.08
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG2	16	2.08
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG3	16	2.08
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG2	16	2.08
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG3	16	2.08
(4,3587)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:H	3	2.08
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA2	20	2.08
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA3	20	2.08
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA2	20	2.08
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA3	20	2.08
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG11	1:139:A:LEU:CD1	1	2.08
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG12	1:139:A:LEU:CD1	1	2.08
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG13	1:139:A:LEU:CD1	1	2.08
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD11	17	2.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD12	17	2.08
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD13	17	2.08
(4,3042)	1:162:A:ASP:H	1:164:A:ASN:H	20	2.08
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE1	17	2.08
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE2	17	2.08
(4,2854)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:HG2	10	2.08
(4,2836)	1:98:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	5	2.08
(4,2703)	1:15:A:PRO:HA	1:229:A:LEU:HD11	13	2.08
(4,2703)	1:15:A:PRO:HA	1:229:A:LEU:HD12	13	2.08
(4,2703)	1:15:A:PRO:HA	1:229:A:LEU:HD13	13	2.08
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD11	15	2.08
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD12	15	2.08
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD13	15	2.08
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD11	15	2.08
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD12	15	2.08
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD13	15	2.08
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB1	2	2.08
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB2	2	2.08
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB3	2	2.08
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB1	2	2.08
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB2	2	2.08
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB3	2	2.08
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:H	5	2.08
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:H	5	2.08
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:H	5	2.08
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD11	1:164:A:ASN:HD21	16	2.08
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD12	1:164:A:ASN:HD21	16	2.08
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD13	1:164:A:ASN:HD21	16	2.08
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD11	15	2.08
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD12	15	2.08
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD13	15	2.08
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE1	10	2.08
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE2	10	2.08
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE1	10	2.08
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE2	10	2.08
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE1	10	2.08
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE2	10	2.08
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD11	1	2.08
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD12	1	2.08
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD13	1	2.08
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:H	2	2.08
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:H	2	2.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:H	2	2.08
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	18	2.08
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	18	2.08
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	18	2.08
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE22	12	2.08
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE22	12	2.08
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG2	19	2.08
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG3	19	2.08
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG2	19	2.08
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG3	19	2.08
(4,1408)	1:80:A:ILE:HG21	1:100:A:SER:H	1	2.08
(4,1408)	1:80:A:ILE:HG22	1:100:A:SER:H	1	2.08
(4,1408)	1:80:A:ILE:HG23	1:100:A:SER:H	1	2.08
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD21	1:151:A:THR:H	5	2.08
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD22	1:151:A:THR:H	5	2.08
(4,1355)	1:189:A:LEU:HG	1:191:A:LEU:H	7	2.08
(4,1162)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HG	18	2.08
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HA	3	2.08
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HA	3	2.08
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD1	1	2.08
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD2	1	2.08
(4,1123)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HD22	5	2.08
(4,1045)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HB2	2	2.08
(4,1045)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HB3	2	2.08
(4,1011)	1:48:A:LEU:HD21	1:202:A:ILE:CD1	18	2.08
(4,1011)	1:48:A:LEU:HD22	1:202:A:ILE:CD1	18	2.08
(4,1011)	1:48:A:LEU:HD23	1:202:A:ILE:CD1	18	2.08
(4,639)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	10	2.08
(4,538)	1:81:A:TRP:HE1	1:182:A:GLY:HA2	10	2.08
(4,515)	1:81:A:TRP:HE3	1:83:A:LYS:H	5	2.08
(4,211)	1:83:A:LYS:HD2	1:86:A:VAL:H	20	2.08
(4,211)	1:83:A:LYS:HD3	1:86:A:VAL:H	20	2.08
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD11	18	2.08
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD12	18	2.08
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD13	18	2.08
(4,33)	1:72:A:GLN:HG2	1:74:A:THR:H	14	2.08
(4,33)	1:72:A:GLN:HG3	1:74:A:THR:H	14	2.08
(2,608)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	5	2.08
(1,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	1	2.08
(1,162)	1:98:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	3	2.08
(1,157)	1:163:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	14	2.08
(5,586)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	9	2.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,314)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	11	2.07
(5,290)	1:39:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	18	2.07
(5,14)	1:87:A:LYS:H	1:104:A:SER:OG	10	2.07
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD11	10	2.07
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD12	10	2.07
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD13	10	2.07
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD11	10	2.07
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD12	10	2.07
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD13	10	2.07
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG11	9	2.07
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG12	9	2.07
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG13	9	2.07
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG21	9	2.07
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG22	9	2.07
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG23	9	2.07
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG11	9	2.07
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG12	9	2.07
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG13	9	2.07
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG21	9	2.07
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG22	9	2.07
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG23	9	2.07
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG11	9	2.07
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG12	9	2.07
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG13	9	2.07
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG21	9	2.07
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG22	9	2.07
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG23	9	2.07
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE1	1:230:A:GLY:H	19	2.07
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE2	1:230:A:GLY:H	19	2.07
(4,3560)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HA	18	2.07
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD11	7	2.07
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD12	7	2.07
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD13	7	2.07
(4,3214)	1:80:A:ILE:HD11	1:103:A:GLN:HE21	17	2.07
(4,3214)	1:80:A:ILE:HD12	1:103:A:GLN:HE21	17	2.07
(4,3214)	1:80:A:ILE:HD13	1:103:A:GLN:HE21	17	2.07
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:H	3	2.07
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:H	3	2.07
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:H	3	2.07
(4,2998)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HA	13	2.07
(4,2876)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:H	17	2.07
(4,2856)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE3	11	2.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG2	1:177:A:ILE:H	8	2.07
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG3	1:177:A:ILE:H	8	2.07
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD11	3	2.07
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD12	3	2.07
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD13	3	2.07
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD11	3	2.07
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD12	3	2.07
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD13	3	2.07
(4,2436)	1:157:A:PRO:HB2	1:160:A:THR:HA	18	2.07
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG12	20	2.07
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG13	20	2.07
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG12	20	2.07
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG13	20	2.07
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD11	14	2.07
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD12	14	2.07
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD13	14	2.07
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG11	1	2.07
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG12	1	2.07
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG13	1	2.07
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD11	14	2.07
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD12	14	2.07
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD13	14	2.07
(4,1830)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD22	15	2.07
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE22	17	2.07
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE22	17	2.07
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD21	3	2.07
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD22	3	2.07
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD23	3	2.07
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD21	3	2.07
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD22	3	2.07
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD23	3	2.07
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG21	4	2.07
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG22	4	2.07
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG23	4	2.07
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG21	4	2.07
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG22	4	2.07
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG23	4	2.07
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG21	4	2.07
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG22	4	2.07
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG23	4	2.07
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	15	2.07
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:H	15	2.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,982)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HD1	14	2.07
(4,982)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HD2	14	2.07
(4,982)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HD1	14	2.07
(4,982)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HD2	14	2.07
(4,982)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HD1	14	2.07
(4,982)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HD2	14	2.07
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD11	20	2.07
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD12	20	2.07
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD13	20	2.07
(4,437)	1:126:A:LYS:HG2	1:127:A:ASN:HD22	13	2.07
(4,437)	1:126:A:LYS:HG3	1:127:A:ASN:HD22	13	2.07
(4,287)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:H	17	2.07
(4,287)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:H	17	2.07
(4,185)	1:177:A:ILE:HG21	1:192:A:GLY:HA3	13	2.07
(4,185)	1:177:A:ILE:HG22	1:192:A:GLY:HA3	13	2.07
(4,185)	1:177:A:ILE:HG23	1:192:A:GLY:HA3	13	2.07
(4,165)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	2	2.07
(4,165)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	2	2.07
(4,165)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	2	2.07
(1,213)	1:160:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	7	2.07
(1,158)	1:153:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	8	2.07
(5,803)	1:5:A:ASN:ND2	1:153:A:GLN:H	18	2.06
(5,739)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	16	2.06
(5,632)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	13	2.06
(5,369)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	15	2.06
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD2	19	2.06
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD3	19	2.06
(4,3997)	1:80:A:ILE:HD11	1:103:A:GLN:HE22	17	2.06
(4,3997)	1:80:A:ILE:HD12	1:103:A:GLN:HE22	17	2.06
(4,3997)	1:80:A:ILE:HD13	1:103:A:GLN:HE22	17	2.06
(4,3863)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE22	16	2.06
(4,3736)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HZ3	4	2.06
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG21	20	2.06
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG22	20	2.06
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG23	20	2.06
(4,3519)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	19	2.06
(4,3326)	1:138:A:VAL:HB	1:139:A:LEU:HG	19	2.06
(4,3213)	1:29:A:ASN:H	1:31:A:TRP:HE1	7	2.06
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG12	1:170:A:TYR:H	19	2.06
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG13	1:170:A:TYR:H	19	2.06
(4,2931)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HG	16	2.06
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD11	1:114:A:ASN:H	1	2.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD12	1:114:A:ASN:H	1	2.06
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD13	1:114:A:ASN:H	1	2.06
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG11	5	2.06
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG12	5	2.06
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG13	5	2.06
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG11	5	2.06
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG12	5	2.06
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG13	5	2.06
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD11	8	2.06
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD12	8	2.06
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD13	8	2.06
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:CG1	17	2.06
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:CG1	17	2.06
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:CG1	17	2.06
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB3	8	2.06
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB3	8	2.06
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD21	17	2.06
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD22	17	2.06
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD21	17	2.06
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD22	17	2.06
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG11	4	2.06
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG12	4	2.06
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG13	4	2.06
(4,1045)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HB2	5	2.06
(4,1045)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HB3	5	2.06
(4,993)	1:48:A:LEU:CD2	1:202:A:ILE:HD11	18	2.06
(4,993)	1:48:A:LEU:CD2	1:202:A:ILE:HD12	18	2.06
(4,993)	1:48:A:LEU:CD2	1:202:A:ILE:HD13	18	2.06
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD11	11	2.06
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD12	11	2.06
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD13	11	2.06
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD21	11	2.06
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD22	11	2.06
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD23	11	2.06
(4,193)	1:10:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	15	2.06
(4,193)	1:10:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	15	2.06
(4,52)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:H	5	2.06
(2,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	2	2.06
(2,471)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	15	2.06
(2,29)	1:102:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	3	2.06
(1,530)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	18	2.06
(1,514)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	3	2.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,428)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	17	2.06
(1,365)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	6	2.06
(1,83)	1:36:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	3	2.06
(1,72)	1:170:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	2	2.06
(1,5)	1:99:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	19	2.06
(5,690)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	8	2.05
(5,433)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	5	2.05
(4,4094)	1:86:A:VAL:H	1:93:A:TYR:HD1	13	2.05
(4,4094)	1:86:A:VAL:H	1:93:A:TYR:HD2	13	2.05
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD21	3	2.05
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD22	3	2.05
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD21	3	2.05
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD22	3	2.05
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG11	2	2.05
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG12	2	2.05
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG13	2	2.05
(4,3707)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:HD1	19	2.05
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	20	2.05
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	20	2.05
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	20	2.05
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	20	2.05
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	20	2.05
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	20	2.05
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	20	2.05
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	20	2.05
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	20	2.05
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	20	2.05
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	20	2.05
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	20	2.05
(4,3537)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HB	6	2.05
(4,3537)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HB	6	2.05
(4,3519)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	1	2.05
(4,3500)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD22	8	2.05
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB2	5	2.05
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB3	5	2.05
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB2	5	2.05
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB3	5	2.05
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG12	1:170:A:TYR:H	9	2.05
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG13	1:170:A:TYR:H	9	2.05
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD11	17	2.05
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD12	17	2.05
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD13	17	2.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD21	17	2.05
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD22	17	2.05
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD23	17	2.05
(4,2764)	1:119:A:GLN:HE22	1:134:A:THR:H	10	2.05
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD11	1:39:A:LEU:HB2	10	2.05
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD11	1:39:A:LEU:HB3	10	2.05
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD12	1:39:A:LEU:HB2	10	2.05
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD12	1:39:A:LEU:HB3	10	2.05
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD13	1:39:A:LEU:HB2	10	2.05
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD13	1:39:A:LEU:HB3	10	2.05
(4,2575)	1:19:A:THR:HG21	1:235:A:TRP:H	20	2.05
(4,2575)	1:19:A:THR:HG22	1:235:A:TRP:H	20	2.05
(4,2575)	1:19:A:THR:HG23	1:235:A:TRP:H	20	2.05
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD21	16	2.05
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD22	16	2.05
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD23	16	2.05
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG11	8	2.05
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG12	8	2.05
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG13	8	2.05
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG21	1:128:A:ARG:H	18	2.05
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG22	1:128:A:ARG:H	18	2.05
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG23	1:128:A:ARG:H	18	2.05
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB2	6	2.05
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB3	6	2.05
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB2	6	2.05
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB3	6	2.05
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB2	6	2.05
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB3	6	2.05
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE1	9	2.05
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE2	9	2.05
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE1	9	2.05
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE2	9	2.05
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE1	9	2.05
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE2	9	2.05
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HA	12	2.05
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HA	12	2.05
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HA	12	2.05
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HA	12	2.05
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HA	12	2.05
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HA	12	2.05
(4,1904)	1:119:A:GLN:HE21	1:128:A:ARG:H	2	2.05
(4,1692)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:H	3	2.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD1	1:84:A:GLN:H	15	2.05
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD2	1:84:A:GLN:H	15	2.05
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB1	11	2.05
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB2	11	2.05
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB3	11	2.05
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	20	2.05
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	20	2.05
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HD1	11	2.05
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HD2	11	2.05
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HD1	11	2.05
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HD2	11	2.05
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HD1	11	2.05
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HD2	11	2.05
(4,982)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HD1	20	2.05
(4,982)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HD2	20	2.05
(4,982)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HD1	20	2.05
(4,982)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HD2	20	2.05
(4,982)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HD1	20	2.05
(4,982)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HD2	20	2.05
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB2	2	2.05
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB3	2	2.05
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB2	2	2.05
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB3	2	2.05
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB2	2	2.05
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB3	2	2.05
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG11	7	2.05
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG12	7	2.05
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG13	7	2.05
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG21	7	2.05
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG22	7	2.05
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG23	7	2.05
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD11	12	2.05
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD12	12	2.05
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD13	12	2.05
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD21	12	2.05
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD22	12	2.05
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD23	12	2.05
(4,673)	1:172:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:H	5	2.05
(4,659)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HG	16	2.05
(4,639)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	12	2.05
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG21	19	2.05
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG22	19	2.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG23	19	2.05
(4,346)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HD1	6	2.05
(4,346)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HD1	20	2.05
(4,341)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HB	3	2.05
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	6	2.05
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	6	2.05
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	6	2.05
(4,37)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:CD2	7	2.05
(4,37)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:CD2	7	2.05
(4,37)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:CD2	7	2.05
(1,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	1	2.05
(1,213)	1:160:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	18	2.05
(5,615)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	19	2.04
(5,573)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	2	2.04
(5,59)	1:104:A:SER:OG	1:214:A:TYR:H	10	2.04
(5,23)	1:13:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	15	2.04
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HB	13	2.04
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HB	13	2.04
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:H	9	2.04
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:H	9	2.04
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:HD21	5	2.04
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:HD22	5	2.04
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:HD21	5	2.04
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:HD22	5	2.04
(4,3341)	1:146:A:VAL:H	1:150:A:SER:H	4	2.04
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG21	15	2.04
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG22	15	2.04
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG23	15	2.04
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD11	10	2.04
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD12	10	2.04
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD13	10	2.04
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD21	10	2.04
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD22	10	2.04
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD23	10	2.04
(4,3127)	1:31:A:TRP:HE1	1:106:A:LEU:H	3	2.04
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG2	18	2.04
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG3	18	2.04
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG2	18	2.04
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG3	18	2.04
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG2	18	2.04
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG3	18	2.04
(4,2963)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:H	20	2.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2838)	1:73:A:ILE:H	1:75:A:SER:H	10	2.04
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB2	1:8:A:VAL:H	17	2.04
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB3	1:8:A:VAL:H	17	2.04
(4,2604)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:H	14	2.04
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:H	15	2.04
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:H	15	2.04
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:H	15	2.04
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG2	4	2.04
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG3	4	2.04
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG2	4	2.04
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG3	4	2.04
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:H	14	2.04
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:H	14	2.04
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:H	14	2.04
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:H	14	2.04
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:H	14	2.04
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:H	14	2.04
(4,2285)	1:177:A:ILE:HG12	1:195:A:ASP:H	6	2.04
(4,2285)	1:177:A:ILE:HG13	1:195:A:ASP:H	6	2.04
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HE1	13	2.04
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HE2	13	2.04
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HE1	13	2.04
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HE2	13	2.04
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HE1	13	2.04
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HE2	13	2.04
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD11	12	2.04
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD12	12	2.04
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD13	12	2.04
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:H	13	2.04
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:H	13	2.04
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:H	13	2.04
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD21	20	2.04
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD22	20	2.04
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB3	19	2.04
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB3	19	2.04
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD21	4	2.04
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD22	4	2.04
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD21	4	2.04
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD22	4	2.04
(4,1239)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD21	7	2.04
(4,1239)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD22	7	2.04
(4,1239)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD23	7	2.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1038)	1:174:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HE1	16	2.04
(4,1038)	1:174:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HE2	16	2.04
(4,665)	1:168:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	13	2.04
(4,665)	1:168:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	13	2.04
(4,665)	1:168:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	13	2.04
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD21	10	2.04
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD22	10	2.04
(4,464)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HE1	10	2.04
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG21	7	2.04
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG22	7	2.04
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG23	7	2.04
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG21	7	2.04
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG22	7	2.04
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG23	7	2.04
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG21	7	2.04
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG22	7	2.04
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG23	7	2.04
(2,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	14	2.04
(1,374)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	6	2.04
(1,85)	1:206:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	10	2.04
(5,647)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	18	2.03
(5,577)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	18	2.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	16	2.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	16	2.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	16	2.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	16	2.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	16	2.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	16	2.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	16	2.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	16	2.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	16	2.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	16	2.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	16	2.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	16	2.03
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	5	2.03
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	5	2.03
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	5	2.03
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	5	2.03
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	5	2.03
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	5	2.03
(4,4046)	1:38:A:SER:H	1:39:A:LEU:HG	7	2.03
(4,4046)	1:38:A:SER:H	1:39:A:LEU:HG	12	2.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD1	1	2.03
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD2	1	2.03
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD11	1:111:A:ASP:H	1	2.03
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD12	1:111:A:ASP:H	1	2.03
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD13	1:111:A:ASP:H	1	2.03
(4,3919)	1:82:A:PHE:HZ	1:100:A:SER:H	9	2.03
(4,3803)	1:158:A:GLU:H	1:161:A:ALA:H	11	2.03
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HB2	1	2.03
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HB3	1	2.03
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HB2	1	2.03
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HB3	1	2.03
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HB2	1	2.03
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HB3	1	2.03
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:H	2	2.03
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:H	2	2.03
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:H	2	2.03
(4,3587)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:H	11	2.03
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD21	15	2.03
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD22	15	2.03
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD23	15	2.03
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG21	13	2.03
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG22	13	2.03
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG23	13	2.03
(4,3300)	1:163:A:THR:HG21	1:166:A:HIS:HA	15	2.03
(4,3300)	1:163:A:THR:HG22	1:166:A:HIS:HA	15	2.03
(4,3300)	1:163:A:THR:HG23	1:166:A:HIS:HA	15	2.03
(4,3213)	1:29:A:ASN:H	1:31:A:TRP:HE1	3	2.03
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG21	11	2.03
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG22	11	2.03
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG23	11	2.03
(4,2868)	1:15:A:PRO:HG2	1:35:A:ASP:H	2	2.03
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE1	2	2.03
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE2	2	2.03
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE1	1:95:A:ILE:H	19	2.03
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE2	1:95:A:ILE:H	19	2.03
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG2	1:177:A:ILE:H	11	2.03
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG3	1:177:A:ILE:H	11	2.03
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG2	17	2.03
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG3	17	2.03
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HE1	10	2.03
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HE2	10	2.03
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HE1	10	2.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HE2	10	2.03
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HE1	10	2.03
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HE2	10	2.03
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG21	1:93:A:TYR:H	8	2.03
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG22	1:93:A:TYR:H	8	2.03
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG23	1:93:A:TYR:H	8	2.03
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG2	18	2.03
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG3	18	2.03
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG2	18	2.03
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG3	18	2.03
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG2	18	2.03
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG3	18	2.03
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB3	9	2.03
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB3	9	2.03
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG21	1:168:A:ILE:HB	10	2.03
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG22	1:168:A:ILE:HB	10	2.03
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG23	1:168:A:ILE:HB	10	2.03
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD11	6	2.03
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD12	6	2.03
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD13	6	2.03
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD21	6	2.03
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD22	6	2.03
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD23	6	2.03
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD11	6	2.03
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD12	6	2.03
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD13	6	2.03
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD21	6	2.03
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD22	6	2.03
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD23	6	2.03
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD11	6	2.03
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD12	6	2.03
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD13	6	2.03
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD21	6	2.03
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD22	6	2.03
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD23	6	2.03
(4,1029)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	8	2.03
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD11	7	2.03
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD12	7	2.03
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD13	7	2.03
(4,665)	1:168:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	5	2.03
(4,665)	1:168:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	5	2.03
(4,665)	1:168:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	5	2.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD1	7	2.03
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD2	7	2.03
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD1	7	2.03
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD2	7	2.03
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD21	17	2.03
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD22	17	2.03
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD21	17	2.03
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD22	17	2.03
(1,284)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	17	2.03
(1,61)	1:85:A:SER:H	1:140:A:ASN:ND2	13	2.03
(5,768)	1:5:A:ASN:ND2	1:217:A:ASN:H	8	2.02
(5,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	11	2.02
(5,377)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	9	2.02
(5,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	16	2.02
(5,332)	1:177:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	5	2.02
(5,107)	1:140:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	11	2.02
(4,4203)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD22	20	2.02
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD2	6	2.02
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD3	6	2.02
(4,3884)	1:155:A:GLU:H	1:157:A:PRO:HB3	8	2.02
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HG3	19	2.02
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HG3	19	2.02
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HG3	19	2.02
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB1	2	2.02
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB2	2	2.02
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB3	2	2.02
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB1	2	2.02
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB2	2	2.02
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB3	2	2.02
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB1	2	2.02
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB2	2	2.02
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB3	2	2.02
(4,3795)	1:84:A:GLN:H	1:185:A:LEU:HD11	2	2.02
(4,3795)	1:84:A:GLN:H	1:185:A:LEU:HD12	2	2.02
(4,3795)	1:84:A:GLN:H	1:185:A:LEU:HD13	2	2.02
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:HD21	19	2.02
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:HD22	19	2.02
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:HD21	19	2.02
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:HD22	19	2.02
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG2	20	2.02
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG3	20	2.02
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG2	20	2.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG3	20	2.02
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG2	20	2.02
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG3	20	2.02
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	10	2.02
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	10	2.02
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	10	2.02
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG21	1:64:A:ASP:H	11	2.02
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG22	1:64:A:ASP:H	11	2.02
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG23	1:64:A:ASP:H	11	2.02
(4,3082)	1:148:A:THR:HB	1:149:A:PHE:HD1	6	2.02
(4,3082)	1:148:A:THR:HB	1:149:A:PHE:HD2	6	2.02
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG12	1:170:A:TYR:H	13	2.02
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG13	1:170:A:TYR:H	13	2.02
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE1	12	2.02
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE2	12	2.02
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE1	12	2.02
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE2	12	2.02
(4,2868)	1:15:A:PRO:HG2	1:35:A:ASP:H	19	2.02
(4,2858)	1:79:A:VAL:HB	1:127:A:ASN:HD21	18	2.02
(4,2849)	1:55:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:CG1	12	2.02
(4,2849)	1:55:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:CG1	12	2.02
(4,2849)	1:55:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:CG1	12	2.02
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD1	2	2.02
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD2	2	2.02
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD1	2	2.02
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD2	2	2.02
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD1	2	2.02
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD2	2	2.02
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	11	2.02
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	11	2.02
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	11	2.02
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	11	2.02
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	11	2.02
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	11	2.02
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG11	9	2.02
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG12	9	2.02
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG13	9	2.02
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG11	9	2.02
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG12	9	2.02
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG13	9	2.02
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD21	1:102:A:ASN:HD21	3	2.02
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD21	1:102:A:ASN:HD22	3	2.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD22	1:102:A:ASN:HD21	3	2.02
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD22	1:102:A:ASN:HD22	3	2.02
(4,2482)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:SER:HG	20	2.02
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG21	1:128:A:ARG:H	19	2.02
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG22	1:128:A:ARG:H	19	2.02
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG23	1:128:A:ARG:H	19	2.02
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD11	1:96:A:LEU:HB2	8	2.02
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD11	1:96:A:LEU:HB3	8	2.02
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD12	1:96:A:LEU:HB2	8	2.02
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD12	1:96:A:LEU:HB3	8	2.02
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD13	1:96:A:LEU:HB2	8	2.02
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD13	1:96:A:LEU:HB3	8	2.02
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD21	1:96:A:LEU:HB2	8	2.02
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD21	1:96:A:LEU:HB3	8	2.02
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD22	1:96:A:LEU:HB2	8	2.02
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD22	1:96:A:LEU:HB3	8	2.02
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD23	1:96:A:LEU:HB2	8	2.02
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD23	1:96:A:LEU:HB3	8	2.02
(4,1806)	1:68:A:SER:HB2	1:70:A:SER:HA	7	2.02
(4,1806)	1:68:A:SER:HB3	1:70:A:SER:HA	7	2.02
(4,1794)	1:80:A:ILE:HG12	1:128:A:ARG:H	12	2.02
(4,1794)	1:80:A:ILE:HG13	1:128:A:ARG:H	12	2.02
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	7	2.02
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	7	2.02
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	7	2.02
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD1	1:84:A:GLN:H	2	2.02
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD2	1:84:A:GLN:H	2	2.02
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB3	17	2.02
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB3	17	2.02
(4,1357)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:HA	11	2.02
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD1	16	2.02
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD2	16	2.02
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE1	1:180:A:LEU:H	12	2.02
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE2	1:180:A:LEU:H	12	2.02
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD1	1:85:A:SER:H	15	2.02
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD2	1:85:A:SER:H	15	2.02
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB2	5	2.02
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB3	5	2.02
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB2	5	2.02
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB3	5	2.02
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB2	5	2.02
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB3	5	2.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG2	10	2.02
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG3	10	2.02
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG2	10	2.02
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG3	10	2.02
(4,447)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	7	2.02
(4,324)	1:153:A:GLN:HE21	1:156:A:ALA:H	7	2.02
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD1	7	2.02
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD2	7	2.02
(4,199)	1:66:A:LYS:H	1:68:A:SER:H	7	2.02
(4,199)	1:66:A:LYS:H	1:68:A:SER:H	18	2.02
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD1	9	2.02
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD2	9	2.02
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD1	9	2.02
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD2	9	2.02
(4,6)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HA	20	2.02
(2,628)	1:5:A:ASN:ND2	1:200:A:ASP:H	18	2.02
(1,587)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	3	2.02
(1,511)	1:5:A:ASN:ND2	1:36:A:ILE:H	4	2.02
(1,323)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	4	2.02
(1,176)	1:84:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	6	2.02
(1,112)	1:211:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	10	2.02
(5,680)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	10	2.01
(5,458)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	19	2.01
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG21	1:183:A:ARG:H	6	2.01
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG22	1:183:A:ARG:H	6	2.01
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG23	1:183:A:ARG:H	6	2.01
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD11	6	2.01
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD12	6	2.01
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD13	6	2.01
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD21	6	2.01
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD22	6	2.01
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD23	6	2.01
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD11	6	2.01
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD12	6	2.01
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD13	6	2.01
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD21	6	2.01
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD22	6	2.01
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD23	6	2.01
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD11	9	2.01
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD12	9	2.01
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD13	9	2.01
(4,3885)	1:74:A:THR:H	1:76:A:SER:H	12	2.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:HD21	14	2.01
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:HD22	14	2.01
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:HD21	14	2.01
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:HD22	14	2.01
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG21	19	2.01
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG22	19	2.01
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG23	19	2.01
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:H	14	2.01
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:H	14	2.01
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD1	1:152:A:GLY:H	9	2.01
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD2	1:152:A:GLY:H	9	2.01
(4,3213)	1:29:A:ASN:H	1:31:A:TRP:HE1	20	2.01
(4,3082)	1:148:A:THR:HB	1:149:A:PHE:HD1	1	2.01
(4,3082)	1:148:A:THR:HB	1:149:A:PHE:HD2	1	2.01
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG12	1:170:A:TYR:H	1	2.01
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG13	1:170:A:TYR:H	1	2.01
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD21	3	2.01
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD22	3	2.01
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD21	3	2.01
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD22	3	2.01
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG11	8	2.01
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG12	8	2.01
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG13	8	2.01
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG11	8	2.01
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG12	8	2.01
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG13	8	2.01
(4,2582)	1:163:A:THR:HB	1:165:A:LEU:HB3	12	2.01
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD1	12	2.01
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD2	12	2.01
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:H	7	2.01
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:H	7	2.01
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:H	7	2.01
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD11	1:114:A:ASN:H	15	2.01
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD12	1:114:A:ASN:H	15	2.01
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD13	1:114:A:ASN:H	15	2.01
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	20	2.01
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	20	2.01
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG21	11	2.01
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG22	11	2.01
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG23	11	2.01
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG21	11	2.01
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG22	11	2.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG23	11	2.01
(4,1604)	1:233:A:PRO:HB3	1:235:A:TRP:HE1	6	2.01
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB2	9	2.01
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB3	9	2.01
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:H	6	2.01
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:H	6	2.01
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG11	1:12:A:GLU:H	5	2.01
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG12	1:12:A:GLU:H	5	2.01
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG13	1:12:A:GLU:H	5	2.01
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:GLU:H	5	2.01
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:GLU:H	5	2.01
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:GLU:H	5	2.01
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD2	1:146:A:VAL:HB	10	2.01
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD3	1:146:A:VAL:HB	10	2.01
(4,1045)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HB2	14	2.01
(4,1045)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HB3	14	2.01
(4,813)	1:36:A:ILE:HD11	1:48:A:LEU:CD2	1	2.01
(4,813)	1:36:A:ILE:HD12	1:48:A:LEU:CD2	1	2.01
(4,813)	1:36:A:ILE:HD13	1:48:A:LEU:CD2	1	2.01
(4,801)	1:48:A:LEU:HD21	1:201:A:LEU:H	16	2.01
(4,801)	1:48:A:LEU:HD22	1:201:A:LEU:H	16	2.01
(4,801)	1:48:A:LEU:HD23	1:201:A:LEU:H	16	2.01
(4,677)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD11	14	2.01
(4,677)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD12	14	2.01
(4,677)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD13	14	2.01
(4,677)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD11	14	2.01
(4,677)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD12	14	2.01
(4,677)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD13	14	2.01
(4,677)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD11	14	2.01
(4,677)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD12	14	2.01
(4,677)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD13	14	2.01
(4,673)	1:172:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:H	10	2.01
(4,665)	1:168:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	3	2.01
(4,665)	1:168:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	3	2.01
(4,665)	1:168:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	3	2.01
(1,73)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	4	2.01
(5,772)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	13	2.0
(5,686)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	14	2.0
(5,662)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	5	2.0
(5,618)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	13	2.0
(5,503)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	14	2.0
(5,478)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	18	2.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,14)	1:87:A:LYS:H	1:104:A:SER:OG	19	2.0
(4,4262)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HB	11	2.0
(4,3926)	1:15:A:PRO:HG3	1:34:A:PHE:HA	2	2.0
(4,3863)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE22	10	2.0
(4,3560)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HA	17	2.0
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD2	4	2.0
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD3	4	2.0
(4,3202)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA2	7	2.0
(4,3202)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA2	7	2.0
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD21	13	2.0
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD22	13	2.0
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG12	1:170:A:TYR:H	5	2.0
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG13	1:170:A:TYR:H	5	2.0
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG11	13	2.0
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG12	13	2.0
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG13	13	2.0
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG11	13	2.0
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG12	13	2.0
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG13	13	2.0
(4,2183)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HD1	5	2.0
(4,2183)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HD2	5	2.0
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG11	20	2.0
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG12	20	2.0
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG13	20	2.0
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG11	20	2.0
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG12	20	2.0
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG13	20	2.0
(4,1944)	1:11:A:ILE:H	1:13:A:SER:H	8	2.0
(4,1673)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HB	14	2.0
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG2	19	2.0
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG3	19	2.0
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG2	19	2.0
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG3	19	2.0
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG11	10	2.0
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG12	10	2.0
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG13	10	2.0
(4,1355)	1:189:A:LEU:HG	1:191:A:LEU:H	6	2.0
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB2	19	2.0
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB3	19	2.0
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB2	19	2.0
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB3	19	2.0
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB2	19	2.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB3	19	2.0
(4,941)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:H	5	2.0
(4,941)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:H	5	2.0
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG2	8	2.0
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG3	8	2.0
(4,649)	1:88:A:ASN:HB2	1:146:A:VAL:H	3	2.0
(4,649)	1:88:A:ASN:HB3	1:146:A:VAL:H	3	2.0
(4,639)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	1	2.0
(4,639)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	11	2.0
(4,631)	1:30:A:GLU:HG3	1:31:A:TRP:HE1	14	2.0
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB2	3	2.0
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB3	3	2.0
(4,528)	1:117:A:LYS:H	1:119:A:GLN:HE21	2	2.0
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	15	2.0
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	15	2.0
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	15	2.0
(4,248)	1:8:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	8	2.0
(4,248)	1:8:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	8	2.0
(4,248)	1:8:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	8	2.0
(4,248)	1:8:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	8	2.0
(4,248)	1:8:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	8	2.0
(4,248)	1:8:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	8	2.0
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD21	20	2.0
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD22	20	2.0
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD21	20	2.0
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD22	20	2.0
(4,6)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HA	16	2.0
(1,461)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	18	2.0
(1,454)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	10	2.0
(5,832)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	20	1.99
(5,596)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	18	1.99
(5,533)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	11	1.99
(5,107)	1:140:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	2	1.99
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD11	17	1.99
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD12	17	1.99
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD13	17	1.99
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD21	17	1.99
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD22	17	1.99
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD23	17	1.99
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD11	17	1.99
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD12	17	1.99
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD13	17	1.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD21	17	1.99
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD22	17	1.99
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD23	17	1.99
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	16	1.99
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	16	1.99
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD2	1:214:A:TYR:HA	17	1.99
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD3	1:214:A:TYR:HA	17	1.99
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG21	9	1.99
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG22	9	1.99
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG23	9	1.99
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG21	9	1.99
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG22	9	1.99
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG23	9	1.99
(4,3919)	1:82:A:PHE:HZ	1:100:A:SER:H	7	1.99
(4,3762)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:H	4	1.99
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:H	12	1.99
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:H	12	1.99
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG21	1:75:A:SER:HB2	10	1.99
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG21	1:75:A:SER:HB3	10	1.99
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG22	1:75:A:SER:HB2	10	1.99
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG22	1:75:A:SER:HB3	10	1.99
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG23	1:75:A:SER:HB2	10	1.99
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG23	1:75:A:SER:HB3	10	1.99
(4,3606)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB2	10	1.99
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB2	17	1.99
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB3	17	1.99
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB2	17	1.99
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB3	17	1.99
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB2	17	1.99
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB3	17	1.99
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD21	9	1.99
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD22	9	1.99
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD21	9	1.99
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD22	9	1.99
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD21	9	1.99
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD22	9	1.99
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD21	9	1.99
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD22	9	1.99
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD21	9	1.99
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD22	9	1.99
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD21	9	1.99
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD22	9	1.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG21	7	1.99
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG22	7	1.99
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG23	7	1.99
(4,2963)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:H	17	1.99
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	2	1.99
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	2	1.99
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	2	1.99
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	2	1.99
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	2	1.99
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	2	1.99
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	2	1.99
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	2	1.99
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	2	1.99
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	2	1.99
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	2	1.99
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	2	1.99
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD21	4	1.99
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD22	4	1.99
(4,2582)	1:163:A:THR:HB	1:165:A:LEU:HB3	13	1.99
(4,2525)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:H	16	1.99
(4,2525)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:H	16	1.99
(4,2525)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:H	16	1.99
(4,2489)	1:152:A:GLY:H	1:154:A:SER:H	2	1.99
(4,2405)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HA	20	1.99
(4,2405)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HA	20	1.99
(4,2399)	1:118:A:SER:HA	1:119:A:GLN:HE21	5	1.99
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD21	11	1.99
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD22	11	1.99
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD23	11	1.99
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD21	11	1.99
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD22	11	1.99
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD23	11	1.99
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD21	11	1.99
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD22	11	1.99
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD23	11	1.99
(4,2365)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG1	17	1.99
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:HB2	20	1.99
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:HB3	20	1.99
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:HB2	20	1.99
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:HB3	20	1.99
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:HB2	20	1.99
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:HB3	20	1.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE21	5	1.99
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE22	5	1.99
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD11	8	1.99
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD12	8	1.99
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD13	8	1.99
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD21	8	1.99
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD22	8	1.99
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD23	8	1.99
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG12	12	1.99
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG13	12	1.99
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG12	12	1.99
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG13	12	1.99
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG12	12	1.99
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG13	12	1.99
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG12	12	1.99
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG13	12	1.99
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG12	12	1.99
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG13	12	1.99
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG12	12	1.99
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG13	12	1.99
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HA	11	1.99
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HA	11	1.99
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HA	11	1.99
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HA	11	1.99
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HA	11	1.99
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HA	11	1.99
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB3	14	1.99
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB3	14	1.99
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB3	14	1.99
(4,1967)	1:83:A:LYS:HG2	1:85:A:SER:HA	10	1.99
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD21	7	1.99
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD22	7	1.99
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD23	7	1.99
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:HA2	17	1.99
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:HA3	17	1.99
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:HA2	17	1.99
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:HA3	17	1.99
(4,1555)	1:62:A:ASN:H	1:164:A:ASN:HD22	12	1.99
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG11	11	1.99
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG12	11	1.99
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG13	11	1.99
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	15	1.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	15	1.99
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	17	1.99
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	17	1.99
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD1	5	1.99
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD2	5	1.99
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD1	1:85:A:SER:H	12	1.99
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD2	1:85:A:SER:H	12	1.99
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE21	14	1.99
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE21	14	1.99
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD11	11	1.99
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD12	11	1.99
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD13	11	1.99
(4,887)	1:100:A:SER:HB2	1:127:A:ASN:HA	16	1.99
(4,887)	1:100:A:SER:HB3	1:127:A:ASN:HA	16	1.99
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD11	17	1.99
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD12	17	1.99
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD13	17	1.99
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD21	17	1.99
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD22	17	1.99
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD23	17	1.99
(4,638)	1:73:A:ILE:HG21	1:186:A:SER:H	4	1.99
(4,638)	1:73:A:ILE:HG22	1:186:A:SER:H	4	1.99
(4,638)	1:73:A:ILE:HG23	1:186:A:SER:H	4	1.99
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB2	2	1.99
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB3	2	1.99
(4,518)	1:120:A:SER:HA	1:123:A:SER:H	10	1.99
(4,404)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG13	13	1.99
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD11	8	1.99
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD12	8	1.99
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD13	8	1.99
(2,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	19	1.99
(2,599)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	20	1.99
(1,511)	1:5:A:ASN:ND2	1:36:A:ILE:H	6	1.99
(1,123)	1:97:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	4	1.99
(1,104)	1:56:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	7	1.99
(1,72)	1:170:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	17	1.99
(5,675)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	19	1.98
(5,59)	1:104:A:SER:OG	1:214:A:TYR:H	8	1.98
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:H	1	1.98
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:H	1	1.98
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:H	1	1.98
(4,4202)	1:56:A:VAL:HB	1:230:A:GLY:H	14	1.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HA	15	1.98
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HA	15	1.98
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	2	1.98
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	2	1.98
(4,4046)	1:38:A:SER:H	1:39:A:LEU:HG	11	1.98
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE1	1:152:A:GLY:H	6	1.98
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE2	1:152:A:GLY:H	6	1.98
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG21	1	1.98
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG22	1	1.98
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG23	1	1.98
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG21	1	1.98
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG22	1	1.98
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG23	1	1.98
(4,3560)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HA	13	1.98
(4,3519)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	5	1.98
(4,3469)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HD1	2	1.98
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD21	15	1.98
(4,3334)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:HD22	15	1.98
(4,2838)	1:73:A:ILE:H	1:75:A:SER:H	17	1.98
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	19	1.98
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	19	1.98
(4,2626)	1:145:A:ASN:H	1:148:A:THR:H	12	1.98
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	15	1.98
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	15	1.98
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	15	1.98
(4,2483)	1:31:A:TRP:HZ2	1:106:A:LEU:H	18	1.98
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG2	3	1.98
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG3	3	1.98
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG2	3	1.98
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG3	3	1.98
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:H	10	1.98
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:H	10	1.98
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:H	10	1.98
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:H	15	1.98
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:H	15	1.98
(4,1673)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HB	7	1.98
(4,1673)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HB	17	1.98
(4,1590)	1:15:A:PRO:HG2	1:34:A:PHE:HA	6	1.98
(4,1590)	1:15:A:PRO:HG2	1:34:A:PHE:HA	12	1.98
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB3	5	1.98
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB3	5	1.98
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD1	14	1.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD2	14	1.98
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE21	19	1.98
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE21	19	1.98
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB1	8	1.98
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB2	8	1.98
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB3	8	1.98
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB1	8	1.98
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB2	8	1.98
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB3	8	1.98
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB1	8	1.98
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB2	8	1.98
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB3	8	1.98
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD11	2	1.98
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD12	2	1.98
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD13	2	1.98
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD21	2	1.98
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD22	2	1.98
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD23	2	1.98
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB2	12	1.98
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB3	12	1.98
(2,362)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	13	1.98
(1,83)	1:36:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	1	1.98
(5,741)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	8	1.97
(5,675)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	8	1.97
(5,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	4	1.97
(5,501)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	19	1.97
(5,327)	1:151:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	17	1.97
(4,4262)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HB	19	1.97
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD21	2	1.97
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD22	2	1.97
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD23	2	1.97
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD11	8	1.97
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD12	8	1.97
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD13	8	1.97
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD21	8	1.97
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD22	8	1.97
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD23	8	1.97
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD11	8	1.97
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD12	8	1.97
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD13	8	1.97
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD21	8	1.97
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD22	8	1.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD23	8	1.97
(4,3884)	1:155:A:GLU:H	1:157:A:PRO:HB3	13	1.97
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD11	2	1.97
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD12	2	1.97
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD13	2	1.97
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD11	2	1.97
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD12	2	1.97
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD13	2	1.97
(4,3650)	1:222:A:ASP:HA	1:225:A:ASN:HD21	11	1.97
(4,3650)	1:222:A:ASP:HA	1:225:A:ASN:HD22	11	1.97
(4,3570)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD21	12	1.97
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD21	1	1.97
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD22	1	1.97
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD23	1	1.97
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE21	7	1.97
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE22	7	1.97
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE21	7	1.97
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE22	7	1.97
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE1	19	1.97
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE2	19	1.97
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE1	19	1.97
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE2	19	1.97
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE1	19	1.97
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE2	19	1.97
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB1	4	1.97
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB2	4	1.97
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB3	4	1.97
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG12	1:170:A:TYR:H	7	1.97
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG13	1:170:A:TYR:H	7	1.97
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB1	9	1.97
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB2	9	1.97
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB3	9	1.97
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB1	9	1.97
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB2	9	1.97
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB3	9	1.97
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:H	1	1.97
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:H	1	1.97
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:H	1	1.97
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:H	4	1.97
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:H	4	1.97
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:H	4	1.97
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	17	1.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	17	1.97
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	17	1.97
(4,2130)	1:92:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG11	8	1.97
(4,2130)	1:92:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG12	8	1.97
(4,2130)	1:92:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG13	8	1.97
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG11	4	1.97
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG12	4	1.97
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG13	4	1.97
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD11	19	1.97
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD12	19	1.97
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD13	19	1.97
(4,1835)	1:56:A:VAL:HB	1:228:A:MET:HA	16	1.97
(4,1673)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HB	18	1.97
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD11	19	1.97
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD12	19	1.97
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD13	19	1.97
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD21	19	1.97
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD22	19	1.97
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD23	19	1.97
(4,755)	1:16:A:GLU:H	1:34:A:PHE:HA	3	1.97
(4,659)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HG	14	1.97
(4,631)	1:30:A:GLU:HG3	1:31:A:TRP:HE1	4	1.97
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB2	7	1.97
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB3	7	1.97
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB2	7	1.97
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB3	7	1.97
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB2	7	1.97
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB3	7	1.97
(4,387)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:HG2	8	1.97
(4,387)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:HG3	8	1.97
(4,387)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:HG2	8	1.97
(4,387)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:HG3	8	1.97
(4,387)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:HG2	8	1.97
(4,387)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:HG3	8	1.97
(4,324)	1:153:A:GLN:HE21	1:156:A:ALA:H	20	1.97
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD1	1	1.97
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD2	1	1.97
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD11	13	1.97
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD12	13	1.97
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD13	13	1.97
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD21	3	1.97
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD22	3	1.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD21	3	1.97
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD22	3	1.97
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD21	13	1.97
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD22	13	1.97
(1,162)	1:98:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	15	1.97
(1,57)	1:22:A:ALA:H	1:140:A:ASN:ND2	15	1.97
(5,832)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	10	1.96
(5,593)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	17	1.96
(5,570)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	2	1.96
(5,437)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	16	1.96
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG2	15	1.96
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG3	15	1.96
(4,4251)	1:81:A:TRP:HH2	1:184:A:ASN:H	1	1.96
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE21	10	1.96
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE22	10	1.96
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG2	19	1.96
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG3	19	1.96
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG2	19	1.96
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG3	19	1.96
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG2	19	1.96
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG3	19	1.96
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD11	11	1.96
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD12	11	1.96
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD13	11	1.96
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HB	16	1.96
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HB	16	1.96
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE1	1:152:A:GLY:H	10	1.96
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE2	1:152:A:GLY:H	10	1.96
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG21	5	1.96
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG22	5	1.96
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG23	5	1.96
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG21	5	1.96
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG22	5	1.96
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG23	5	1.96
(4,3863)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE22	9	1.96
(4,3820)	1:119:A:GLN:HE22	1:128:A:ARG:H	14	1.96
(4,3445)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HB2	10	1.96
(4,3445)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HB3	10	1.96
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG21	1:64:A:ASP:H	14	1.96
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG22	1:64:A:ASP:H	14	1.96
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG23	1:64:A:ASP:H	14	1.96
(4,3216)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD11	2	1.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3216)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD12	2	1.96
(4,3216)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD13	2	1.96
(4,2963)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:H	6	1.96
(4,2590)	1:64:A:ASP:HA	1:66:A:LYS:H	19	1.96
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:H	19	1.96
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:H	19	1.96
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:H	19	1.96
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG12	13	1.96
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG13	13	1.96
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG12	13	1.96
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG13	13	1.96
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG12	13	1.96
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG13	13	1.96
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG12	13	1.96
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG13	13	1.96
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG12	13	1.96
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG13	13	1.96
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG12	13	1.96
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG13	13	1.96
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD11	12	1.96
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD12	12	1.96
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD13	12	1.96
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD21	12	1.96
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD22	12	1.96
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD23	12	1.96
(4,1905)	1:213:A:SER:H	1:214:A:TYR:HE1	3	1.96
(4,1905)	1:213:A:SER:H	1:214:A:TYR:HE2	3	1.96
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG12	1:166:A:HIS:H	8	1.96
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG13	1:166:A:HIS:H	8	1.96
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG12	20	1.96
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG13	20	1.96
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG12	20	1.96
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG13	20	1.96
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG12	20	1.96
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG13	20	1.96
(4,1673)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HB	15	1.96
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB3	15	1.96
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB3	15	1.96
(4,1433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:H	20	1.96
(4,1350)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD11	1	1.96
(4,1350)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD12	1	1.96
(4,1350)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD13	1	1.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD1	1:85:A:SER:H	7	1.96
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD2	1:85:A:SER:H	7	1.96
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HA	16	1.96
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HA	16	1.96
(4,755)	1:16:A:GLU:H	1:34:A:PHE:HA	7	1.96
(4,658)	1:76:A:SER:H	1:188:A:PRO:HG3	1	1.96
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB2	11	1.96
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB3	11	1.96
(4,387)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:HG2	11	1.96
(4,387)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:HG3	11	1.96
(4,387)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:HG2	11	1.96
(4,387)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:HG3	11	1.96
(4,387)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:HG2	11	1.96
(4,387)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:HG3	11	1.96
(4,325)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HE1	5	1.96
(4,211)	1:83:A:LYS:HD2	1:86:A:VAL:H	1	1.96
(4,211)	1:83:A:LYS:HD3	1:86:A:VAL:H	1	1.96
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	12	1.96
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	12	1.96
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	12	1.96
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	12	1.96
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	12	1.96
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	12	1.96
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE1	16	1.96
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE2	16	1.96
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE1	16	1.96
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE2	16	1.96
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE1	16	1.96
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE2	16	1.96
(2,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	17	1.96
(2,29)	1:102:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	11	1.96
(1,472)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	11	1.96
(1,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	14	1.96
(1,427)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	12	1.96
(1,293)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	18	1.96
(5,505)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	8	1.95
(5,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	14	1.95
(5,399)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	12	1.95
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG21	1:183:A:ARG:H	7	1.95
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG22	1:183:A:ARG:H	7	1.95
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG23	1:183:A:ARG:H	7	1.95
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG21	1:192:A:GLY:HA2	7	1.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG22	1:192:A:GLY:HA2	7	1.95
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG23	1:192:A:GLY:HA2	7	1.95
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD21	4	1.95
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD22	4	1.95
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD23	4	1.95
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE21	16	1.95
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE22	16	1.95
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD21	10	1.95
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD22	10	1.95
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD23	10	1.95
(4,3722)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HG	2	1.95
(4,3722)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HG	15	1.95
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG11	17	1.95
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG12	17	1.95
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG13	17	1.95
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD11	15	1.95
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD12	15	1.95
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD13	15	1.95
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG21	10	1.95
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG22	10	1.95
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG23	10	1.95
(4,3203)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:H	6	1.95
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD1	20	1.95
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD2	20	1.95
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD1	20	1.95
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD2	20	1.95
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD1	20	1.95
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD2	20	1.95
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG21	9	1.95
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG22	9	1.95
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG23	9	1.95
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG21	9	1.95
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG22	9	1.95
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG23	9	1.95
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD21	20	1.95
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD22	20	1.95
(4,2764)	1:119:A:GLN:HE22	1:134:A:THR:H	15	1.95
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB1	8	1.95
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB2	8	1.95
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB3	8	1.95
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB1	8	1.95
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB2	8	1.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB3	8	1.95
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD1	4	1.95
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD2	4	1.95
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD1	4	1.95
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD2	4	1.95
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD1	4	1.95
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD2	4	1.95
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:H	12	1.95
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:H	12	1.95
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:H	12	1.95
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG12	7	1.95
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG13	7	1.95
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG12	7	1.95
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG13	7	1.95
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	9	1.95
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	9	1.95
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	9	1.95
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HA	17	1.95
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HA	17	1.95
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HA	17	1.95
(4,2053)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD21	2	1.95
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB2	12	1.95
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB3	12	1.95
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD1	10	1.95
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD2	10	1.95
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG12	13	1.95
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG12	13	1.95
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HA	4	1.95
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HA	4	1.95
(4,946)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:H	7	1.95
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG21	7	1.95
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG22	7	1.95
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG23	7	1.95
(4,675)	1:3:A:GLY:H	1:5:A:ASN:H	7	1.95
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB2	8	1.95
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB3	8	1.95
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB2	8	1.95
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB3	8	1.95
(4,574)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:CD2	10	1.95
(4,574)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:CD2	10	1.95
(4,574)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:CD2	10	1.95
(4,574)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:CD2	10	1.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,574)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:CD2	10	1.95
(4,574)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:CD2	10	1.95
(4,404)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG13	15	1.95
(4,180)	1:153:A:GLN:H	1:156:A:ALA:HA	12	1.95
(4,83)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG21	12	1.95
(4,83)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG22	12	1.95
(4,83)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG23	12	1.95
(3,19)	1:55:A:ILE:H	1:170:A:TYR:O	7	1.95
(1,593)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	14	1.95
(1,580)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	12	1.95
(1,540)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	14	1.95
(1,234)	1:100:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	3	1.95
(5,811)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	18	1.94
(5,558)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	19	1.94
(5,444)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	1	1.94
(4,4246)	1:62:A:ASN:H	1:65:A:ARG:H	2	1.94
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HA	19	1.94
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HA	19	1.94
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG12	17	1.94
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG13	17	1.94
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG12	17	1.94
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG13	17	1.94
(4,4034)	1:76:A:SER:H	1:78:A:ASP:H	19	1.94
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD1	14	1.94
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD2	14	1.94
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD21	14	1.94
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD22	14	1.94
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD23	14	1.94
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD1	1:152:A:GLY:H	15	1.94
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD2	1:152:A:GLY:H	15	1.94
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	10	1.94
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	10	1.94
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	10	1.94
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	10	1.94
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	10	1.94
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	10	1.94
(4,3264)	1:79:A:VAL:HB	1:173:A:GLU:H	14	1.94
(4,3264)	1:79:A:VAL:HB	1:173:A:GLU:H	15	1.94
(4,3127)	1:31:A:TRP:HE1	1:106:A:LEU:H	1	1.94
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG12	1:170:A:TYR:H	17	1.94
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG13	1:170:A:TYR:H	17	1.94
(4,2963)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:H	15	1.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB1	7	1.94
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB2	7	1.94
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB3	7	1.94
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB1	7	1.94
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB2	7	1.94
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB3	7	1.94
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB1	7	1.94
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB2	7	1.94
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB3	7	1.94
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD11	11	1.94
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD12	11	1.94
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD13	11	1.94
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD21	11	1.94
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD22	11	1.94
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD23	11	1.94
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD11	11	1.94
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD12	11	1.94
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD13	11	1.94
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD21	11	1.94
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD22	11	1.94
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD23	11	1.94
(4,2626)	1:145:A:ASN:H	1:148:A:THR:H	3	1.94
(4,2520)	1:73:A:ILE:HB	1:75:A:SER:H	17	1.94
(4,2483)	1:31:A:TRP:HZ2	1:106:A:LEU:H	2	1.94
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HE22	12	1.94
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HE22	12	1.94
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HE22	12	1.94
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG12	1:166:A:HIS:H	14	1.94
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG13	1:166:A:HIS:H	14	1.94
(4,1850)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	4	1.94
(4,1830)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD22	10	1.94
(4,1794)	1:80:A:ILE:HG12	1:128:A:ARG:H	6	1.94
(4,1794)	1:80:A:ILE:HG13	1:128:A:ARG:H	6	1.94
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD11	1	1.94
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD12	1	1.94
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD13	1	1.94
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG2	2	1.94
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG3	2	1.94
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG2	2	1.94
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG3	2	1.94
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD11	15	1.94
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD12	15	1.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD13	15	1.94
(4,786)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:H	5	1.94
(4,786)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:H	5	1.94
(4,780)	1:73:A:ILE:HG12	1:76:A:SER:H	7	1.94
(4,780)	1:73:A:ILE:HG13	1:76:A:SER:H	7	1.94
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG21	12	1.94
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG22	12	1.94
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG23	12	1.94
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG21	12	1.94
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG22	12	1.94
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG23	12	1.94
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG21	12	1.94
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG22	12	1.94
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG23	12	1.94
(4,665)	1:168:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	2	1.94
(4,665)	1:168:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	2	1.94
(4,665)	1:168:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	2	1.94
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB2	8	1.94
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB3	8	1.94
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG12	11	1.94
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG13	11	1.94
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG12	11	1.94
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG13	11	1.94
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB1	4	1.94
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB2	4	1.94
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB3	4	1.94
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB1	4	1.94
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB2	4	1.94
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB3	4	1.94
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB1	4	1.94
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB2	4	1.94
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB3	4	1.94
(4,116)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	13	1.94
(4,116)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	13	1.94
(4,116)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	13	1.94
(4,116)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	13	1.94
(4,116)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	13	1.94
(4,116)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	13	1.94
(4,116)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	13	1.94
(4,116)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	13	1.94
(4,116)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	13	1.94
(4,116)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	13	1.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,116)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	13	1.94
(4,116)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	13	1.94
(4,42)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE22	6	1.94
(4,42)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE22	6	1.94
(4,42)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE22	6	1.94
(4,42)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE22	6	1.94
(4,42)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE22	6	1.94
(4,42)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE22	6	1.94
(1,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	18	1.94
(1,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	17	1.94
(1,436)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	1	1.94
(1,420)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	6	1.94
(1,165)	1:180:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	17	1.94
(1,162)	1:98:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	16	1.94
(5,693)	1:5:A:ASN:ND2	1:40:A:THR:H	15	1.93
(5,549)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	10	1.93
(5,114)	1:78:A:ASP:H	1:140:A:ASN:ND2	13	1.93
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG2	16	1.93
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG3	16	1.93
(4,4136)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG2	15	1.93
(4,4013)	1:11:A:ILE:HG12	1:14:A:ASN:H	8	1.93
(4,3885)	1:74:A:THR:H	1:76:A:SER:H	5	1.93
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD1	18	1.93
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD2	18	1.93
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HG3	15	1.93
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HG3	15	1.93
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HG3	15	1.93
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD21	19	1.93
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD22	19	1.93
(4,3606)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB2	16	1.93
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG12	5	1.93
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG13	5	1.93
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG12	5	1.93
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG13	5	1.93
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG12	5	1.93
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG13	5	1.93
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG21	1:64:A:ASP:H	19	1.93
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG22	1:64:A:ASP:H	19	1.93
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG23	1:64:A:ASP:H	19	1.93
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD11	20	1.93
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD12	20	1.93
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD13	20	1.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB1	12	1.93
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB2	12	1.93
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB3	12	1.93
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB1	12	1.93
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB2	12	1.93
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB3	12	1.93
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB1	12	1.93
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB2	12	1.93
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB3	12	1.93
(4,2622)	1:5:A:ASN:HD21	1:7:A:ALA:H	12	1.93
(4,2489)	1:152:A:GLY:H	1:154:A:SER:H	4	1.93
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG21	20	1.93
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG22	20	1.93
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG23	20	1.93
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG21	20	1.93
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG22	20	1.93
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG23	20	1.93
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE21	8	1.93
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE22	8	1.93
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HB	6	1.93
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HB	6	1.93
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HB	6	1.93
(4,1850)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	1	1.93
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD1	8	1.93
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD2	8	1.93
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD1	8	1.93
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD2	8	1.93
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD21	20	1.93
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD22	20	1.93
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD21	20	1.93
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD22	20	1.93
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD11	7	1.93
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD12	7	1.93
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD13	7	1.93
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:H	3	1.93
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:H	3	1.93
(4,1022)	1:30:A:GLU:H	1:31:A:TRP:HE1	2	1.93
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	14	1.93
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	14	1.93
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG21	9	1.93
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG22	9	1.93
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG23	9	1.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,665)	1:168:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	9	1.93
(4,665)	1:168:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	9	1.93
(4,665)	1:168:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	9	1.93
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB2	1	1.93
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB3	1	1.93
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB2	1	1.93
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB3	1	1.93
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB2	1	1.93
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB3	1	1.93
(4,269)	1:144:A:GLU:HB2	1:147:A:GLN:HE21	13	1.93
(4,269)	1:144:A:GLU:HB2	1:147:A:GLN:HE22	13	1.93
(4,269)	1:144:A:GLU:HB3	1:147:A:GLN:HE21	13	1.93
(4,269)	1:144:A:GLU:HB3	1:147:A:GLN:HE22	13	1.93
(4,67)	1:21:A:PHE:HD1	1:91:A:GLY:HA2	15	1.93
(4,67)	1:21:A:PHE:HD1	1:91:A:GLY:HA3	15	1.93
(4,67)	1:21:A:PHE:HD2	1:91:A:GLY:HA2	15	1.93
(4,67)	1:21:A:PHE:HD2	1:91:A:GLY:HA3	15	1.93
(1,411)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	16	1.93
(1,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	13	1.93
(1,212)	1:179:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	6	1.93
(1,146)	1:189:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	12	1.93
(1,76)	1:156:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	16	1.93
(1,74)	1:221:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	6	1.93
(5,809)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	10	1.92
(5,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	20	1.92
(5,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	14	1.92
(5,338)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	18	1.92
(4,4311)	1:177:A:ILE:H	1:195:A:ASP:H	4	1.92
(4,4294)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:HD22	15	1.92
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB2	1:173:A:GLU:H	12	1.92
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB3	1:173:A:GLU:H	12	1.92
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD1	11	1.92
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD2	11	1.92
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD11	7	1.92
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD12	7	1.92
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD13	7	1.92
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE1	1	1.92
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE2	1	1.92
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD1	12	1.92
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD2	12	1.92
(4,3943)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:H	5	1.92
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG21	16	1.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG22	16	1.92
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG23	16	1.92
(4,3341)	1:146:A:VAL:H	1:150:A:SER:H	16	1.92
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG21	1:64:A:ASP:H	18	1.92
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG22	1:64:A:ASP:H	18	1.92
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG23	1:64:A:ASP:H	18	1.92
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD21	1:144:A:GLU:H	4	1.92
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD22	1:144:A:GLU:H	4	1.92
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD23	1:144:A:GLU:H	4	1.92
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD21	1:144:A:GLU:H	6	1.92
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD22	1:144:A:GLU:H	6	1.92
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD23	1:144:A:GLU:H	6	1.92
(4,2963)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:H	7	1.92
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD11	10	1.92
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD12	10	1.92
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD13	10	1.92
(4,2838)	1:73:A:ILE:H	1:75:A:SER:H	14	1.92
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD11	11	1.92
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD12	11	1.92
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD13	11	1.92
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG11	19	1.92
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG12	19	1.92
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG13	19	1.92
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG21	19	1.92
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG22	19	1.92
(4,2758)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:HG23	19	1.92
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB1	8	1.92
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB2	8	1.92
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB3	8	1.92
(4,2694)	1:62:A:ASN:HD22	1:65:A:ARG:H	6	1.92
(4,2626)	1:145:A:ASN:H	1:148:A:THR:H	8	1.92
(4,2590)	1:64:A:ASP:HA	1:66:A:LYS:H	6	1.92
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG11	20	1.92
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG12	20	1.92
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG13	20	1.92
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG11	20	1.92
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG12	20	1.92
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG13	20	1.92
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:H	16	1.92
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:H	16	1.92
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:H	16	1.92
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD11	3	1.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD12	3	1.92
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD13	3	1.92
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD21	3	1.92
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD22	3	1.92
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD23	3	1.92
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD11	3	1.92
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD12	3	1.92
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD13	3	1.92
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD21	3	1.92
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD22	3	1.92
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD23	3	1.92
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HA	18	1.92
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HA	18	1.92
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HA	18	1.92
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:H	16	1.92
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:H	16	1.92
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG21	1:128:A:ARG:H	5	1.92
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG22	1:128:A:ARG:H	5	1.92
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG23	1:128:A:ARG:H	5	1.92
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG12	1:166:A:HIS:H	11	1.92
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG13	1:166:A:HIS:H	11	1.92
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:H	12	1.92
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:H	12	1.92
(4,1673)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HB	6	1.92
(4,1557)	1:213:A:SER:HA	1:217:A:ASN:HD21	6	1.92
(4,1557)	1:213:A:SER:HA	1:217:A:ASN:HD22	6	1.92
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB1	11	1.92
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB2	11	1.92
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB3	11	1.92
(4,1476)	1:29:A:ASN:HB2	1:30:A:GLU:HG2	14	1.92
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD21	1:151:A:THR:H	4	1.92
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD22	1:151:A:THR:H	4	1.92
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD21	11	1.92
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD22	11	1.92
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD23	11	1.92
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD21	11	1.92
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD22	11	1.92
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD23	11	1.92
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD21	11	1.92
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD22	11	1.92
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD23	11	1.92
(4,1233)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HH2	14	1.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD11	5	1.92
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD12	5	1.92
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD13	5	1.92
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD11	16	1.92
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD12	16	1.92
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD13	16	1.92
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG11	8	1.92
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG12	8	1.92
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG13	8	1.92
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG21	8	1.92
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG22	8	1.92
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG23	8	1.92
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG11	8	1.92
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG12	8	1.92
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG13	8	1.92
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG21	8	1.92
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG22	8	1.92
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG23	8	1.92
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG11	8	1.92
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG12	8	1.92
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG13	8	1.92
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG21	8	1.92
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG22	8	1.92
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG23	8	1.92
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD11	14	1.92
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD12	14	1.92
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD13	14	1.92
(4,786)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:H	12	1.92
(4,786)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:H	12	1.92
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB1	3	1.92
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB2	3	1.92
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB3	3	1.92
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB1	3	1.92
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB2	3	1.92
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB3	3	1.92
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB1	3	1.92
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB2	3	1.92
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB3	3	1.92
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD11	2	1.92
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD12	2	1.92
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD13	2	1.92
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD21	2	1.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD22	2	1.92
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD23	2	1.92
(4,165)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	14	1.92
(4,165)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	14	1.92
(4,165)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	14	1.92
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD21	8	1.92
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD22	8	1.92
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD21	8	1.92
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD22	8	1.92
(2,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	10	1.92
(2,287)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:ND2	2	1.92
(1,423)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	3	1.92
(1,213)	1:160:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	12	1.92
(5,649)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	16	1.91
(5,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	8	1.91
(5,576)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	16	1.91
(5,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	11	1.91
(5,434)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	16	1.91
(5,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	12	1.91
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD11	18	1.91
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD12	18	1.91
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD13	18	1.91
(4,4013)	1:11:A:ILE:HG12	1:14:A:ASN:H	11	1.91
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HE1	18	1.91
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HE2	18	1.91
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HE1	18	1.91
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HE2	18	1.91
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HE1	18	1.91
(4,3963)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HE2	18	1.91
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:H	15	1.91
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:H	15	1.91
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE21	8	1.91
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE22	8	1.91
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE21	8	1.91
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE22	8	1.91
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE21	8	1.91
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE22	8	1.91
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE21	8	1.91
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE22	8	1.91
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE21	8	1.91
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE22	8	1.91
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE21	8	1.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE22	8	1.91
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD21	18	1.91
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD22	18	1.91
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD21	18	1.91
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD22	18	1.91
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD21	18	1.91
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD22	18	1.91
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD21	18	1.91
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD22	18	1.91
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD21	18	1.91
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD22	18	1.91
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD21	18	1.91
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD22	18	1.91
(4,3433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:234:A:ASN:H	7	1.91
(4,3264)	1:79:A:VAL:HB	1:173:A:GLU:H	4	1.91
(4,3203)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:H	14	1.91
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG21	1:139:A:LEU:CD1	17	1.91
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG22	1:139:A:LEU:CD1	17	1.91
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG23	1:139:A:LEU:CD1	17	1.91
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD21	5	1.91
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD22	5	1.91
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD11	14	1.91
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD12	14	1.91
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD13	14	1.91
(4,2736)	1:160:A:THR:H	1:162:A:ASP:H	1	1.91
(4,2736)	1:160:A:THR:H	1:162:A:ASP:H	10	1.91
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	14	1.91
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	14	1.91
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	14	1.91
(4,2626)	1:145:A:ASN:H	1:148:A:THR:H	1	1.91
(4,2622)	1:5:A:ASN:HD21	1:7:A:ALA:H	17	1.91
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:H	10	1.91
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:H	10	1.91
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:H	10	1.91
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD11	1:91:A:GLY:H	17	1.91
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD12	1:91:A:GLY:H	17	1.91
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD13	1:91:A:GLY:H	17	1.91
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:H	14	1.91
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:H	14	1.91
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:H	14	1.91
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE21	10	1.91
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE22	10	1.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE1	1	1.91
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE2	1	1.91
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE1	1	1.91
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE2	1	1.91
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE1	1	1.91
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE2	1	1.91
(4,1835)	1:56:A:VAL:HB	1:228:A:MET:HA	11	1.91
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD1	1:84:A:GLN:H	14	1.91
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD2	1:84:A:GLN:H	14	1.91
(4,1496)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HB2	3	1.91
(4,1496)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HB3	3	1.91
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD11	2	1.91
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD12	2	1.91
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD13	2	1.91
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD21	2	1.91
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD22	2	1.91
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD23	2	1.91
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD11	2	1.91
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD12	2	1.91
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD13	2	1.91
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD21	2	1.91
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD22	2	1.91
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD23	2	1.91
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD11	2	1.91
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD12	2	1.91
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD13	2	1.91
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD21	2	1.91
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD22	2	1.91
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD23	2	1.91
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD21	3	1.91
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD21	3	1.91
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD21	3	1.91
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB2	8	1.91
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB3	8	1.91
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB2	8	1.91
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB3	8	1.91
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB2	8	1.91
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB3	8	1.91
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG11	1	1.91
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG12	1	1.91
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG13	1	1.91
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG11	1	1.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG12	1	1.91
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG13	1	1.91
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG11	1	1.91
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG12	1	1.91
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG13	1	1.91
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD11	8	1.91
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD12	8	1.91
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD13	8	1.91
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD11	16	1.91
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD12	16	1.91
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD13	16	1.91
(4,900)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HB	10	1.91
(4,900)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HB	10	1.91
(4,900)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HB	10	1.91
(4,900)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HB	10	1.91
(4,900)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HB	10	1.91
(4,900)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HB	10	1.91
(4,788)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HA	8	1.91
(4,639)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	16	1.91
(4,638)	1:73:A:ILE:HG21	1:186:A:SER:H	12	1.91
(4,638)	1:73:A:ILE:HG22	1:186:A:SER:H	12	1.91
(4,638)	1:73:A:ILE:HG23	1:186:A:SER:H	12	1.91
(4,497)	1:29:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD21	17	1.91
(4,447)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	1	1.91
(4,447)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	14	1.91
(4,341)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HB	19	1.91
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD11	3	1.91
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD12	3	1.91
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD13	3	1.91
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD21	3	1.91
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD22	3	1.91
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD23	3	1.91
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD1	1	1.91
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD2	1	1.91
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD1	1	1.91
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD2	1	1.91
(3,22)	1:171:A:VAL:H	1:178:A:PHE:O	1	1.91
(3,22)	1:171:A:VAL:H	1:178:A:PHE:O	11	1.91
(1,86)	1:225:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	10	1.91
(5,790)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	7	1.9
(5,346)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	15	1.9
(5,14)	1:87:A:LYS:H	1:104:A:SER:OG	13	1.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD1	10	1.9
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD2	10	1.9
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD1	10	1.9
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD2	10	1.9
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD1	10	1.9
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD2	10	1.9
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:H	14	1.9
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:H	14	1.9
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:H	14	1.9
(4,4251)	1:81:A:TRP:HH2	1:184:A:ASN:H	4	1.9
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB2	4	1.9
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB3	4	1.9
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB2	4	1.9
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB3	4	1.9
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB2	4	1.9
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB3	4	1.9
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG11	16	1.9
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG12	16	1.9
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG13	16	1.9
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG21	16	1.9
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG22	16	1.9
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG23	16	1.9
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG11	16	1.9
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG12	16	1.9
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG13	16	1.9
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG21	16	1.9
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG22	16	1.9
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG23	16	1.9
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG11	16	1.9
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG12	16	1.9
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG13	16	1.9
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG21	16	1.9
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG22	16	1.9
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG23	16	1.9
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD11	3	1.9
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD12	3	1.9
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD13	3	1.9
(4,3237)	1:150:A:SER:H	1:152:A:GLY:H	15	1.9
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG11	7	1.9
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG12	7	1.9
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG13	7	1.9
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG11	7	1.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG12	7	1.9
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG13	7	1.9
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD21	1:144:A:GLU:H	9	1.9
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD22	1:144:A:GLU:H	9	1.9
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD23	1:144:A:GLU:H	9	1.9
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	13	1.9
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	13	1.9
(4,2604)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:H	6	1.9
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG21	1:13:A:SER:HA	16	1.9
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG22	1:13:A:SER:HA	16	1.9
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG23	1:13:A:SER:HA	16	1.9
(4,1835)	1:56:A:VAL:HB	1:228:A:MET:HA	2	1.9
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG12	3	1.9
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG13	3	1.9
(4,1673)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HB	11	1.9
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD11	5	1.9
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD12	5	1.9
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD13	5	1.9
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD21	5	1.9
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD22	5	1.9
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD23	5	1.9
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD11	5	1.9
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD12	5	1.9
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD13	5	1.9
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD21	5	1.9
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD22	5	1.9
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD23	5	1.9
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD11	5	1.9
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD12	5	1.9
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD13	5	1.9
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD21	5	1.9
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD22	5	1.9
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD23	5	1.9
(4,1162)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HG	13	1.9
(4,871)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HD1	1	1.9
(4,871)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HD2	1	1.9
(4,871)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HD1	1	1.9
(4,871)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HD2	1	1.9
(4,871)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HD1	1	1.9
(4,871)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HD2	1	1.9
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG21	10	1.9
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG22	10	1.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG23	10	1.9
(4,665)	1:168:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	19	1.9
(4,665)	1:168:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	19	1.9
(4,665)	1:168:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	19	1.9
(4,507)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:ASP:HA	18	1.9
(4,341)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HB	18	1.9
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD11	14	1.9
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD12	14	1.9
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD13	14	1.9
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD21	14	1.9
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD22	14	1.9
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD23	14	1.9
(4,149)	1:234:A:ASN:HD21	1:236:A:GLU:H	12	1.9
(4,113)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:HA	6	1.9
(4,113)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:HA	6	1.9
(1,606)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	11	1.9
(1,424)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	13	1.9
(1,179)	1:57:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	16	1.9
(1,146)	1:189:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	3	1.9
(1,72)	1:170:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	12	1.9
(5,708)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	18	1.89
(5,513)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	17	1.89
(5,406)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	10	1.89
(5,332)	1:177:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	9	1.89
(4,4311)	1:177:A:ILE:H	1:195:A:ASP:H	8	1.89
(4,4311)	1:177:A:ILE:H	1:195:A:ASP:H	19	1.89
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG21	1:92:A:LEU:H	11	1.89
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG22	1:92:A:LEU:H	11	1.89
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG23	1:92:A:LEU:H	11	1.89
(4,3937)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE21	15	1.89
(4,3799)	1:154:A:SER:HB2	1:157:A:PRO:HD3	2	1.89
(4,3799)	1:154:A:SER:HB3	1:157:A:PRO:HD3	2	1.89
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:HD21	12	1.89
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:HD22	12	1.89
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:HD21	12	1.89
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:HD22	12	1.89
(4,3650)	1:222:A:ASP:HA	1:225:A:ASN:HD21	1	1.89
(4,3650)	1:222:A:ASP:HA	1:225:A:ASN:HD22	1	1.89
(4,3507)	1:153:A:GLN:HE22	1:155:A:GLU:H	2	1.89
(4,3433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:234:A:ASN:H	20	1.89
(4,3400)	1:234:A:ASN:HD22	1:236:A:GLU:H	10	1.89
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG21	12	1.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG22	12	1.89
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG23	12	1.89
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	11	1.89
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	11	1.89
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG21	8	1.89
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG22	8	1.89
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG23	8	1.89
(4,2963)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:H	12	1.89
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE1	12	1.89
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE2	12	1.89
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG11	2	1.89
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG12	2	1.89
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG13	2	1.89
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG11	2	1.89
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG12	2	1.89
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG13	2	1.89
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:H	8	1.89
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:H	8	1.89
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:H	8	1.89
(4,2626)	1:145:A:ASN:H	1:148:A:THR:H	14	1.89
(4,2604)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:H	12	1.89
(4,2365)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG1	10	1.89
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:H	19	1.89
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:H	19	1.89
(4,2289)	1:82:A:PHE:HZ	1:97:A:HIS:H	6	1.89
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG21	17	1.89
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG22	17	1.89
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG23	17	1.89
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG21	17	1.89
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG22	17	1.89
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG23	17	1.89
(4,2162)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	3	1.89
(4,2084)	1:97:A:HIS:H	1:169:A:THR:HB	7	1.89
(4,1357)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:HA	13	1.89
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	11	1.89
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	11	1.89
(4,1144)	1:18:A:PHE:H	1:21:A:PHE:HD1	15	1.89
(4,1144)	1:18:A:PHE:H	1:21:A:PHE:HD2	15	1.89
(4,1002)	1:118:A:SER:H	1:119:A:GLN:HE22	16	1.89
(4,982)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HD1	17	1.89
(4,982)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HD2	17	1.89
(4,982)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HD1	17	1.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,982)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HD2	17	1.89
(4,982)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HD1	17	1.89
(4,982)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HD2	17	1.89
(4,801)	1:48:A:LEU:HD21	1:201:A:LEU:H	6	1.89
(4,801)	1:48:A:LEU:HD22	1:201:A:LEU:H	6	1.89
(4,801)	1:48:A:LEU:HD23	1:201:A:LEU:H	6	1.89
(4,649)	1:88:A:ASN:HB2	1:146:A:VAL:H	1	1.89
(4,649)	1:88:A:ASN:HB3	1:146:A:VAL:H	1	1.89
(4,639)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	3	1.89
(4,639)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	5	1.89
(4,638)	1:73:A:ILE:HG21	1:186:A:SER:H	6	1.89
(4,638)	1:73:A:ILE:HG22	1:186:A:SER:H	6	1.89
(4,638)	1:73:A:ILE:HG23	1:186:A:SER:H	6	1.89
(4,379)	1:79:A:VAL:HG21	1:179:A:GLU:H	11	1.89
(4,379)	1:79:A:VAL:HG22	1:179:A:GLU:H	11	1.89
(4,379)	1:79:A:VAL:HG23	1:179:A:GLU:H	11	1.89
(4,368)	1:154:A:SER:HA	1:156:A:ALA:HA	11	1.89
(4,347)	1:39:A:LEU:HD11	1:55:A:ILE:CD1	14	1.89
(4,347)	1:39:A:LEU:HD12	1:55:A:ILE:CD1	14	1.89
(4,347)	1:39:A:LEU:HD13	1:55:A:ILE:CD1	14	1.89
(4,347)	1:39:A:LEU:HD21	1:55:A:ILE:CD1	14	1.89
(4,347)	1:39:A:LEU:HD22	1:55:A:ILE:CD1	14	1.89
(4,347)	1:39:A:LEU:HD23	1:55:A:ILE:CD1	14	1.89
(2,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	17	1.89
(2,473)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	12	1.89
(2,189)	1:140:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	14	1.89
(1,573)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	14	1.89
(1,229)	1:187:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	13	1.89
(1,173)	1:58:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	17	1.89
(1,132)	1:152:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	4	1.89
(1,112)	1:211:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	17	1.89
(5,598)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	5	1.88
(5,359)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	7	1.88
(5,59)	1:104:A:SER:OG	1:214:A:TYR:H	19	1.88
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB1	9	1.88
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB2	9	1.88
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB3	9	1.88
(4,4046)	1:38:A:SER:H	1:39:A:LEU:HG	8	1.88
(4,4018)	1:164:A:ASN:H	1:165:A:LEU:HB3	15	1.88
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG21	11	1.88
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG22	11	1.88
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG23	11	1.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG21	11	1.88
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG22	11	1.88
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG23	11	1.88
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD11	7	1.88
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD12	7	1.88
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD13	7	1.88
(4,3736)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HZ3	3	1.88
(4,3560)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HA	12	1.88
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD1	1:152:A:GLY:H	16	1.88
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD2	1:152:A:GLY:H	16	1.88
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD11	15	1.88
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD12	15	1.88
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD13	15	1.88
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD21	15	1.88
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD22	15	1.88
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD23	15	1.88
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB2	14	1.88
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB3	14	1.88
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB2	14	1.88
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB3	14	1.88
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB2	14	1.88
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB3	14	1.88
(4,3341)	1:146:A:VAL:H	1:150:A:SER:H	5	1.88
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB1	12	1.88
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB2	12	1.88
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB3	12	1.88
(4,2836)	1:98:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	18	1.88
(4,2828)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:H	11	1.88
(4,2736)	1:160:A:THR:H	1:162:A:ASP:H	11	1.88
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD1	1:190:A:TYR:H	2	1.88
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD2	1:190:A:TYR:H	2	1.88
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:HB2	15	1.88
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:HB2	15	1.88
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:HB2	15	1.88
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:HB2	15	1.88
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:HB2	15	1.88
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:HB2	15	1.88
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG11	2	1.88
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG12	2	1.88
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG13	2	1.88
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG21	2	1.88
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG22	2	1.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG23	2	1.88
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG11	19	1.88
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG12	19	1.88
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG13	19	1.88
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG21	19	1.88
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG22	19	1.88
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG23	19	1.88
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG21	1	1.88
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG22	1	1.88
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG23	1	1.88
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HE22	13	1.88
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HE22	13	1.88
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HE22	13	1.88
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD11	2	1.88
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD12	2	1.88
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD13	2	1.88
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD21	2	1.88
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD22	2	1.88
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD23	2	1.88
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD11	2	1.88
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD12	2	1.88
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD13	2	1.88
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD21	2	1.88
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD22	2	1.88
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD23	2	1.88
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	10	1.88
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	10	1.88
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	10	1.88
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	10	1.88
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	10	1.88
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	10	1.88
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD11	10	1.88
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD12	10	1.88
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD13	10	1.88
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD21	10	1.88
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD22	10	1.88
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD23	10	1.88
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HZ3	12	1.88
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HZ3	12	1.88
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HZ3	12	1.88
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HZ3	12	1.88
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HZ3	12	1.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HZ3	12	1.88
(4,1162)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HG	6	1.88
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	11	1.88
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:H	11	1.88
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD11	14	1.88
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD12	14	1.88
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD13	14	1.88
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD21	9	1.88
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD22	9	1.88
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD23	9	1.88
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD11	14	1.88
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD12	14	1.88
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD13	14	1.88
(4,786)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:H	16	1.88
(4,786)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:H	16	1.88
(4,765)	1:79:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:CD2	2	1.88
(4,765)	1:79:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:CD2	2	1.88
(4,765)	1:79:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:CD2	2	1.88
(4,706)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HA	9	1.88
(4,673)	1:172:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:H	14	1.88
(4,639)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	8	1.88
(4,639)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	20	1.88
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB2	14	1.88
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB3	14	1.88
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB2	14	1.88
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB3	14	1.88
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB2	14	1.88
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB3	14	1.88
(4,464)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HE1	11	1.88
(4,375)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	15	1.88
(4,375)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	15	1.88
(4,375)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	15	1.88
(4,224)	1:39:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:CG1	2	1.88
(4,224)	1:39:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:CG1	2	1.88
(4,224)	1:39:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:CG1	2	1.88
(4,165)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	20	1.88
(4,165)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	20	1.88
(4,165)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	20	1.88
(4,60)	1:79:A:VAL:HG11	1:190:A:TYR:H	17	1.88
(4,60)	1:79:A:VAL:HG12	1:190:A:TYR:H	17	1.88
(4,60)	1:79:A:VAL:HG13	1:190:A:TYR:H	17	1.88
(1,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	15	1.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	19	1.88
(1,325)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	1	1.88
(1,190)	1:102:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	13	1.88
(5,230)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	10	1.87
(5,230)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	14	1.87
(5,23)	1:13:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	5	1.87
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	16	1.87
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	16	1.87
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	16	1.87
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	16	1.87
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	16	1.87
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	16	1.87
(4,3943)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:H	20	1.87
(4,3926)	1:15:A:PRO:HG3	1:34:A:PHE:HA	11	1.87
(4,3926)	1:15:A:PRO:HG3	1:34:A:PHE:HA	12	1.87
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:H	20	1.87
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:H	20	1.87
(4,3650)	1:222:A:ASP:HA	1:225:A:ASN:HD21	3	1.87
(4,3650)	1:222:A:ASP:HA	1:225:A:ASN:HD22	3	1.87
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB2	10	1.87
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB3	10	1.87
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	13	1.87
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	13	1.87
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HE1	1	1.87
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HE1	1	1.87
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HE1	1	1.87
(4,3203)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:H	20	1.87
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD21	1:160:A:THR:H	16	1.87
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD22	1:160:A:THR:H	16	1.87
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG21	17	1.87
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG22	17	1.87
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG23	17	1.87
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG21	17	1.87
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG22	17	1.87
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG23	17	1.87
(4,2980)	1:202:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:H	1	1.87
(4,2980)	1:202:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:H	1	1.87
(4,2980)	1:202:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:H	1	1.87
(4,2963)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:H	1	1.87
(4,2784)	1:74:A:THR:HG21	1:76:A:SER:H	12	1.87
(4,2784)	1:74:A:THR:HG22	1:76:A:SER:H	12	1.87
(4,2784)	1:74:A:THR:HG23	1:76:A:SER:H	12	1.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2699)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:H	14	1.87
(4,2699)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:H	14	1.87
(4,2626)	1:145:A:ASN:H	1:148:A:THR:H	6	1.87
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG2	18	1.87
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG3	18	1.87
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG2	18	1.87
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG3	18	1.87
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	16	1.87
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	16	1.87
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	16	1.87
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	16	1.87
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	16	1.87
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	16	1.87
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG11	19	1.87
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG12	19	1.87
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG13	19	1.87
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG11	19	1.87
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG12	19	1.87
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG13	19	1.87
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE21	16	1.87
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE22	16	1.87
(4,2084)	1:97:A:HIS:H	1:169:A:THR:HB	3	1.87
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB1	2	1.87
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB2	2	1.87
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB3	2	1.87
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB1	2	1.87
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB2	2	1.87
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB3	2	1.87
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:H	2	1.87
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:H	2	1.87
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:H	2	1.87
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG12	11	1.87
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG13	11	1.87
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:H	8	1.87
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:H	8	1.87
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:H	8	1.87
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	15	1.87
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	15	1.87
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	15	1.87
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG12	12	1.87
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG12	12	1.87
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	8	1.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	8	1.87
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	8	1.87
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	8	1.87
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	8	1.87
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	8	1.87
(4,1162)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HG	10	1.87
(4,1092)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:H	14	1.87
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD21	3	1.87
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD22	3	1.87
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD23	3	1.87
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB1	19	1.87
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB2	19	1.87
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB3	19	1.87
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB1	19	1.87
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB2	19	1.87
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB3	19	1.87
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB1	19	1.87
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB2	19	1.87
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB3	19	1.87
(4,801)	1:48:A:LEU:HD21	1:201:A:LEU:H	10	1.87
(4,801)	1:48:A:LEU:HD22	1:201:A:LEU:H	10	1.87
(4,801)	1:48:A:LEU:HD23	1:201:A:LEU:H	10	1.87
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE21	3	1.87
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE22	3	1.87
(4,673)	1:172:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:H	18	1.87
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD11	13	1.87
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD12	13	1.87
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD13	13	1.87
(4,447)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	15	1.87
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD11	8	1.87
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD12	8	1.87
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD13	8	1.87
(4,169)	1:145:A:ASN:H	1:150:A:SER:H	16	1.87
(4,131)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HG12	11	1.87
(4,131)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HG13	11	1.87
(4,131)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HG12	11	1.87
(4,131)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HG13	11	1.87
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD21	5	1.87
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD22	5	1.87
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD21	5	1.87
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD22	5	1.87
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD21	20	1.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD22	20	1.87
(1,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	6	1.87
(1,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	3	1.87
(1,205)	1:62:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	2	1.87
(5,810)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	5	1.86
(5,460)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	11	1.86
(5,446)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	9	1.86
(5,23)	1:13:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	6	1.86
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG2	12	1.86
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG3	12	1.86
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG2	12	1.86
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG3	12	1.86
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG2	12	1.86
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG3	12	1.86
(4,4137)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HD1	14	1.86
(4,4137)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HD2	14	1.86
(4,4137)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HD1	14	1.86
(4,4137)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HD2	14	1.86
(4,4137)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HD1	14	1.86
(4,4137)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HD2	14	1.86
(4,4046)	1:38:A:SER:H	1:39:A:LEU:HG	9	1.86
(4,4046)	1:38:A:SER:H	1:39:A:LEU:HG	13	1.86
(4,4034)	1:76:A:SER:H	1:78:A:ASP:H	13	1.86
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG21	12	1.86
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG22	12	1.86
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG23	12	1.86
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG21	12	1.86
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG22	12	1.86
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG23	12	1.86
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:H	14	1.86
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:H	14	1.86
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG21	17	1.86
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG22	17	1.86
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG23	17	1.86
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD21	19	1.86
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD21	19	1.86
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD21	19	1.86
(4,3507)	1:153:A:GLN:HE22	1:155:A:GLU:H	6	1.86
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD21	16	1.86
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD22	16	1.86
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD21	16	1.86
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD22	16	1.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD21	16	1.86
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD22	16	1.86
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD21	16	1.86
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD22	16	1.86
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD21	16	1.86
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD22	16	1.86
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD21	16	1.86
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD22	16	1.86
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG21	15	1.86
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG22	15	1.86
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG23	15	1.86
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD11	10	1.86
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD12	10	1.86
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD13	10	1.86
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD21	10	1.86
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD22	10	1.86
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD23	10	1.86
(4,3163)	1:31:A:TRP:HE3	1:234:A:ASN:H	11	1.86
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG2	16	1.86
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG3	16	1.86
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG2	16	1.86
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG3	16	1.86
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG2	16	1.86
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG3	16	1.86
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD11	3	1.86
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD12	3	1.86
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD13	3	1.86
(4,2828)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:H	3	1.86
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB1	2	1.86
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB2	2	1.86
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB3	2	1.86
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB1	2	1.86
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB2	2	1.86
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB3	2	1.86
(4,2622)	1:5:A:ASN:HD21	1:7:A:ALA:H	20	1.86
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD11	1:201:A:LEU:H	3	1.86
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD12	1:201:A:LEU:H	3	1.86
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD13	1:201:A:LEU:H	3	1.86
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:H	1	1.86
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:H	1	1.86
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:H	1	1.86
(4,2433)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:H	19	1.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD11	5	1.86
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD12	5	1.86
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD13	5	1.86
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD11	5	1.86
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD12	5	1.86
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD13	5	1.86
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD11	5	1.86
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD12	5	1.86
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD13	5	1.86
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG21	1	1.86
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG22	1	1.86
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG23	1	1.86
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD11	3	1.86
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD12	3	1.86
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD13	3	1.86
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD21	3	1.86
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD22	3	1.86
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD23	3	1.86
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD11	14	1.86
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD12	14	1.86
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD13	14	1.86
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD11	14	1.86
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD12	14	1.86
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD13	14	1.86
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:H	8	1.86
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:H	8	1.86
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:H	8	1.86
(4,1794)	1:80:A:ILE:HG12	1:128:A:ARG:H	16	1.86
(4,1794)	1:80:A:ILE:HG13	1:128:A:ARG:H	16	1.86
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB1	11	1.86
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB2	11	1.86
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB3	11	1.86
(4,1565)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:HD21	3	1.86
(4,1565)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:HD21	3	1.86
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD1	4	1.86
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD2	4	1.86
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD1	4	1.86
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD2	4	1.86
(4,1351)	1:55:A:ILE:HB	1:170:A:TYR:H	7	1.86
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD11	1:21:A:PHE:H	11	1.86
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD12	1:21:A:PHE:H	11	1.86
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD13	1:21:A:PHE:H	11	1.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:H	8	1.86
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:H	8	1.86
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD11	15	1.86
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD12	15	1.86
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD13	15	1.86
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD21	15	1.86
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD22	15	1.86
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD23	15	1.86
(4,720)	1:56:A:VAL:HG11	1:169:A:THR:H	19	1.86
(4,720)	1:56:A:VAL:HG12	1:169:A:THR:H	19	1.86
(4,720)	1:56:A:VAL:HG13	1:169:A:THR:H	19	1.86
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG21	1	1.86
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG22	1	1.86
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG23	1	1.86
(4,600)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB2	5	1.86
(4,600)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB2	5	1.86
(4,600)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB2	5	1.86
(4,518)	1:120:A:SER:HA	1:123:A:SER:H	9	1.86
(4,507)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:ASP:HA	19	1.86
(4,464)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HE1	7	1.86
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD11	15	1.86
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD12	15	1.86
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD13	15	1.86
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD21	15	1.86
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD22	15	1.86
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD23	15	1.86
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD1	8	1.86
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD2	8	1.86
(4,131)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HG12	12	1.86
(4,131)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HG13	12	1.86
(4,131)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HG12	12	1.86
(4,131)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HG13	12	1.86
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD21	8	1.86
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD22	8	1.86
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD23	8	1.86
(2,512)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	4	1.86
(1,382)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	5	1.86
(1,216)	1:171:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	5	1.86
(1,176)	1:84:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	18	1.86
(5,669)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	12	1.85
(5,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	1	1.85
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:H	14	1.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:H	14	1.85
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:H	14	1.85
(4,4218)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD22	16	1.85
(4,4218)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD22	20	1.85
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG21	7	1.85
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG22	7	1.85
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG23	7	1.85
(4,4034)	1:76:A:SER:H	1:78:A:ASP:H	3	1.85
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG11	15	1.85
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG12	15	1.85
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG13	15	1.85
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG21	15	1.85
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG22	15	1.85
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG23	15	1.85
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG11	15	1.85
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG12	15	1.85
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG13	15	1.85
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG21	15	1.85
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG22	15	1.85
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG23	15	1.85
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG11	15	1.85
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG12	15	1.85
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG13	15	1.85
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG21	15	1.85
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG22	15	1.85
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG23	15	1.85
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB2	11	1.85
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB3	11	1.85
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB2	11	1.85
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB3	11	1.85
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB2	11	1.85
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB3	11	1.85
(4,3810)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD21	15	1.85
(4,3753)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:H	2	1.85
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG21	20	1.85
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG22	20	1.85
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG23	20	1.85
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD21	5	1.85
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD21	5	1.85
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD21	5	1.85
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD21	5	1.85
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD21	5	1.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD21	5	1.85
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG12	4	1.85
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG13	4	1.85
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG12	4	1.85
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG13	4	1.85
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG12	4	1.85
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG13	4	1.85
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE21	6	1.85
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE22	6	1.85
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE21	6	1.85
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE22	6	1.85
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE21	6	1.85
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE22	6	1.85
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE21	6	1.85
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE22	6	1.85
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE21	6	1.85
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE22	6	1.85
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE21	6	1.85
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE22	6	1.85
(4,3461)	1:11:A:ILE:HG13	1:153:A:GLN:H	8	1.85
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:H	7	1.85
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:H	7	1.85
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:H	7	1.85
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD11	17	1.85
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD12	17	1.85
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD13	17	1.85
(4,2814)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE21	15	1.85
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD21	2	1.85
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD22	2	1.85
(4,2736)	1:160:A:THR:H	1:162:A:ASP:H	12	1.85
(4,2736)	1:160:A:THR:H	1:162:A:ASP:H	18	1.85
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	10	1.85
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	10	1.85
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	10	1.85
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:H	19	1.85
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:H	19	1.85
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:H	19	1.85
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB2	9	1.85
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB3	9	1.85
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD1	9	1.85
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD2	9	1.85
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HA	16	1.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HA	16	1.85
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HA	16	1.85
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HA	16	1.85
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HA	16	1.85
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HA	16	1.85
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD11	10	1.85
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD12	10	1.85
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD13	10	1.85
(4,1850)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	6	1.85
(4,1835)	1:56:A:VAL:HB	1:228:A:MET:HA	8	1.85
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:H	19	1.85
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:H	19	1.85
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:H	19	1.85
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB1	1	1.85
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB2	1	1.85
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB3	1	1.85
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG21	3	1.85
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG22	3	1.85
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG23	3	1.85
(4,661)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:HE22	8	1.85
(4,661)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:HE22	8	1.85
(4,372)	1:81:A:TRP:HE3	1:129:A:PHE:H	7	1.85
(4,252)	1:160:A:THR:H	1:161:A:ALA:H	9	1.85
(4,251)	1:28:A:LYS:HB3	1:29:A:ASN:HD21	5	1.85
(4,150)	1:39:A:LEU:HA	1:44:A:LEU:HG	14	1.85
(4,118)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HG	10	1.85
(4,118)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HG	10	1.85
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD1	11	1.85
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD2	11	1.85
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD1	11	1.85
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD2	11	1.85
(4,108)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HE1	4	1.85
(4,108)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HE2	4	1.85
(4,108)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HE1	4	1.85
(4,108)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HE2	4	1.85
(4,108)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HE1	4	1.85
(4,108)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HE2	4	1.85
(1,601)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	3	1.85
(1,565)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	1	1.85
(1,542)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	11	1.85
(1,454)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	3	1.85
(1,281)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	3	1.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,205)	1:62:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	14	1.85
(5,630)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	8	1.84
(5,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	6	1.84
(5,484)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	7	1.84
(5,365)	1:5:A:ASN:ND2	1:214:A:TYR:H	15	1.84
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:H	4	1.84
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:H	4	1.84
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:H	4	1.84
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG11	18	1.84
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG12	18	1.84
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG13	18	1.84
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HA	11	1.84
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HA	11	1.84
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HG3	11	1.84
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HG3	11	1.84
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HG3	11	1.84
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG11	7	1.84
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG12	7	1.84
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG13	7	1.84
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG21	7	1.84
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG22	7	1.84
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG23	7	1.84
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG11	7	1.84
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG12	7	1.84
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG13	7	1.84
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG21	7	1.84
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG22	7	1.84
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG23	7	1.84
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:HD21	16	1.84
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:HD22	16	1.84
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:HD21	16	1.84
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:HD22	16	1.84
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:H	1	1.84
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:H	1	1.84
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:H	8	1.84
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:H	8	1.84
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:H	17	1.84
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:H	17	1.84
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG11	17	1.84
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG12	17	1.84
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG13	17	1.84
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG11	17	1.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG12	17	1.84
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG13	17	1.84
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG2	1:125:A:SER:H	12	1.84
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG3	1:125:A:SER:H	12	1.84
(4,3258)	1:58:A:LEU:HA	1:165:A:LEU:HB2	19	1.84
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:CG2	5	1.84
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:CG2	5	1.84
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:CG2	5	1.84
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:H	13	1.84
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:H	13	1.84
(4,2978)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:HA	1	1.84
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD21	7	1.84
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD22	7	1.84
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD21	17	1.84
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD22	17	1.84
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD23	17	1.84
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD21	14	1.84
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD22	14	1.84
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD23	14	1.84
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HA	17	1.84
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HA	17	1.84
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HA	17	1.84
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HA	17	1.84
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HA	17	1.84
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HA	17	1.84
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:H	11	1.84
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:H	11	1.84
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:H	11	1.84
(4,1835)	1:56:A:VAL:HB	1:228:A:MET:HA	12	1.84
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD11	1:100:A:SER:H	10	1.84
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD12	1:100:A:SER:H	10	1.84
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD13	1:100:A:SER:H	10	1.84
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	10	1.84
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	10	1.84
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	10	1.84
(4,1673)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HB	9	1.84
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:H	10	1.84
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:H	10	1.84
(4,1030)	1:31:A:TRP:HE3	1:233:A:PRO:HD2	15	1.84
(4,1030)	1:31:A:TRP:HE3	1:233:A:PRO:HD3	15	1.84
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD21	8	1.84
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD22	8	1.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD23	8	1.84
(4,992)	1:81:A:TRP:HE1	1:84:A:GLN:H	11	1.84
(4,941)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:H	4	1.84
(4,941)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:H	4	1.84
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD21	1	1.84
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD22	1	1.84
(4,786)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:H	9	1.84
(4,786)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:H	9	1.84
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD11	15	1.84
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD12	15	1.84
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD13	15	1.84
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG12	10	1.84
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG13	10	1.84
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG12	10	1.84
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG13	10	1.84
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	18	1.84
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	18	1.84
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	18	1.84
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD1	20	1.84
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD2	20	1.84
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD11	16	1.84
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD12	16	1.84
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD13	16	1.84
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD1	8	1.84
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD2	8	1.84
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD1	8	1.84
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD2	8	1.84
(4,59)	1:20:A:ASN:HD21	1:24:A:LYS:H	3	1.84
(4,45)	1:151:A:THR:HA	1:154:A:SER:HA	13	1.84
(2,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	1	1.84
(1,369)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	6	1.84
(1,179)	1:57:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	8	1.84
(1,158)	1:153:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	3	1.84
(5,488)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	20	1.83
(5,345)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	7	1.83
(5,341)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	15	1.83
(5,276)	1:150:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	14	1.83
(4,4246)	1:62:A:ASN:H	1:65:A:ARG:H	5	1.83
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB3	8	1.83
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB3	8	1.83
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB3	8	1.83
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD11	1	1.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD12	1	1.83
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD13	1	1.83
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG11	10	1.83
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG12	10	1.83
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG13	10	1.83
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG21	10	1.83
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG22	10	1.83
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG23	10	1.83
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD1	16	1.83
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD2	16	1.83
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE1	18	1.83
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE2	18	1.83
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HG3	4	1.83
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HG3	4	1.83
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HG3	4	1.83
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HB2	13	1.83
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HB3	13	1.83
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HB2	13	1.83
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HB3	13	1.83
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HB2	13	1.83
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HB3	13	1.83
(4,3576)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:HD21	15	1.83
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	10	1.83
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	10	1.83
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB2	2	1.83
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB3	2	1.83
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB2	2	1.83
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB3	2	1.83
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB2	2	1.83
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB3	2	1.83
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD11	5	1.83
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD12	5	1.83
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD13	5	1.83
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD21	5	1.83
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD22	5	1.83
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD23	5	1.83
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD1	17	1.83
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD2	17	1.83
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD1	12	1.83
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD2	12	1.83
(4,3203)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:H	1	1.83
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD11	7	1.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD12	7	1.83
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD13	7	1.83
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD21	7	1.83
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD22	7	1.83
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD23	7	1.83
(4,2978)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:HA	8	1.83
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG12	1:170:A:TYR:H	12	1.83
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG13	1:170:A:TYR:H	12	1.83
(4,2963)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:H	13	1.83
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA2	5	1.83
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA3	5	1.83
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA2	5	1.83
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA3	5	1.83
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA2	5	1.83
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA3	5	1.83
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG21	2	1.83
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG22	2	1.83
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG23	2	1.83
(4,2604)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:H	20	1.83
(4,2389)	1:208:A:ARG:HD2	1:210:A:ARG:H	9	1.83
(4,2389)	1:208:A:ARG:HD3	1:210:A:ARG:H	9	1.83
(4,2329)	1:39:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	17	1.83
(4,2329)	1:39:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	17	1.83
(4,2329)	1:39:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	17	1.83
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:HD21	11	1.83
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:HD22	11	1.83
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:HD23	11	1.83
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:HD21	11	1.83
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:HD22	11	1.83
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:HD23	11	1.83
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:H	1	1.83
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:H	1	1.83
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD11	6	1.83
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD12	6	1.83
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD13	6	1.83
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD11	3	1.83
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD12	3	1.83
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD13	3	1.83
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD11	3	1.83
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD12	3	1.83
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD13	3	1.83
(4,1771)	1:72:A:GLN:HB3	1:74:A:THR:H	4	1.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG11	1:20:A:ASN:HD21	14	1.83
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG12	1:20:A:ASN:HD21	14	1.83
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG13	1:20:A:ASN:HD21	14	1.83
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG21	19	1.83
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG22	19	1.83
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG23	19	1.83
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD11	15	1.83
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD12	15	1.83
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD13	15	1.83
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD1	15	1.83
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD2	15	1.83
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD11	1	1.83
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD12	1	1.83
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD13	1	1.83
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD21	1	1.83
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD22	1	1.83
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD23	1	1.83
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD11	1	1.83
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD12	1	1.83
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD13	1	1.83
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD21	1	1.83
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD22	1	1.83
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD23	1	1.83
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD11	1	1.83
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD12	1	1.83
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD13	1	1.83
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD21	1	1.83
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD22	1	1.83
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD23	1	1.83
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE2	17	1.83
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE3	17	1.83
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE2	17	1.83
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE3	17	1.83
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD11	16	1.83
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD12	16	1.83
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD13	16	1.83
(4,947)	1:177:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	20	1.83
(4,947)	1:177:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	20	1.83
(4,947)	1:177:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	20	1.83
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG21	6	1.83
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG22	6	1.83
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG23	6	1.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,849)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:H	1	1.83
(4,818)	1:31:A:TRP:HZ3	1:232:A:GLY:HA2	5	1.83
(4,818)	1:31:A:TRP:HZ3	1:232:A:GLY:HA3	5	1.83
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	10	1.83
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	10	1.83
(4,638)	1:73:A:ILE:HG21	1:186:A:SER:H	16	1.83
(4,638)	1:73:A:ILE:HG22	1:186:A:SER:H	16	1.83
(4,638)	1:73:A:ILE:HG23	1:186:A:SER:H	16	1.83
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB2	1	1.83
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB3	1	1.83
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD1	3	1.83
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD2	3	1.83
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD1	4	1.83
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD2	4	1.83
(4,193)	1:10:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	3	1.83
(4,193)	1:10:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	3	1.83
(4,164)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG12	2	1.83
(4,164)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG12	13	1.83
(1,442)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	11	1.83
(1,210)	1:219:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	18	1.83
(1,104)	1:56:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	20	1.83
(5,526)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	17	1.82
(5,355)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	15	1.82
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HB	7	1.82
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HB	7	1.82
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB2	8	1.82
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB3	8	1.82
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD1	12	1.82
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD2	12	1.82
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB2	18	1.82
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB3	18	1.82
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB2	18	1.82
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB3	18	1.82
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB2	18	1.82
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB3	18	1.82
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB1	15	1.82
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB2	15	1.82
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB3	15	1.82
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE1	1:98:A:SER:H	7	1.82
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE2	1:98:A:SER:H	7	1.82
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	3	1.82
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	3	1.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HE1	5	1.82
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HE1	5	1.82
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HE1	5	1.82
(4,3264)	1:79:A:VAL:HB	1:173:A:GLU:H	16	1.82
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG11	11	1.82
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG12	11	1.82
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG13	11	1.82
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG11	11	1.82
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG12	11	1.82
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG13	11	1.82
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA2	11	1.82
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA3	11	1.82
(4,2927)	1:67:A:SER:H	1:217:A:ASN:HB2	5	1.82
(4,2927)	1:67:A:SER:H	1:217:A:ASN:HB3	5	1.82
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD11	11	1.82
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD12	11	1.82
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD13	11	1.82
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD21	11	1.82
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD22	11	1.82
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD23	11	1.82
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG11	1	1.82
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG12	1	1.82
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG13	1	1.82
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG11	1	1.82
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG12	1	1.82
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG13	1	1.82
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD11	5	1.82
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD12	5	1.82
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD13	5	1.82
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD11	5	1.82
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD12	5	1.82
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD13	5	1.82
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD11	5	1.82
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD12	5	1.82
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD13	5	1.82
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE21	18	1.82
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE22	18	1.82
(4,2329)	1:39:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	20	1.82
(4,2329)	1:39:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	20	1.82
(4,2329)	1:39:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	20	1.82
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD11	5	1.82
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD12	5	1.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD13	5	1.82
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD11	5	1.82
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD12	5	1.82
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD13	5	1.82
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD11	5	1.82
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD12	5	1.82
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD13	5	1.82
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD11	5	1.82
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD12	5	1.82
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD13	5	1.82
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD11	5	1.82
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD12	5	1.82
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD13	5	1.82
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD11	5	1.82
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD12	5	1.82
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD13	5	1.82
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE1	16	1.82
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE2	16	1.82
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE1	16	1.82
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE2	16	1.82
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE1	16	1.82
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE2	16	1.82
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD11	1:152:A:GLY:H	19	1.82
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD12	1:152:A:GLY:H	19	1.82
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD13	1:152:A:GLY:H	19	1.82
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	8	1.82
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	8	1.82
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	8	1.82
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD11	2	1.82
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD12	2	1.82
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD13	2	1.82
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD11	2	1.82
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD12	2	1.82
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD13	2	1.82
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG12	9	1.82
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG13	9	1.82
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:H	3	1.82
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:H	3	1.82
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:H	3	1.82
(4,1653)	1:17:A:VAL:H	1:152:A:GLY:HA2	6	1.82
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB1	17	1.82
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB2	17	1.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB3	17	1.82
(4,1357)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:HA	5	1.82
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HA	12	1.82
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HA	12	1.82
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE2	14	1.82
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE3	14	1.82
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE2	14	1.82
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE3	14	1.82
(4,926)	1:11:A:ILE:HG12	1:92:A:LEU:HA	3	1.82
(4,926)	1:11:A:ILE:HG13	1:92:A:LEU:HA	3	1.82
(4,910)	1:78:A:ASP:H	1:174:A:ASN:HD22	17	1.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD11	12	1.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD12	12	1.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD13	12	1.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD21	12	1.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD22	12	1.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD23	12	1.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD11	12	1.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD12	12	1.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD13	12	1.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD21	12	1.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD22	12	1.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD23	12	1.82
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD21	18	1.82
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD22	18	1.82
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD11	8	1.82
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD12	8	1.82
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD13	8	1.82
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD21	8	1.82
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD22	8	1.82
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD23	8	1.82
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB2	6	1.82
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB3	6	1.82
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB2	6	1.82
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB3	6	1.82
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB2	6	1.82
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB3	6	1.82
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB2	16	1.82
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB3	16	1.82
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB2	16	1.82
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB3	16	1.82
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB2	16	1.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB3	16	1.82
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	17	1.82
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	17	1.82
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	17	1.82
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB2	5	1.82
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB3	5	1.82
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB2	5	1.82
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB3	5	1.82
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	17	1.82
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	17	1.82
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	17	1.82
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	17	1.82
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	17	1.82
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	17	1.82
(4,202)	1:79:A:VAL:HG21	1:81:A:TRP:H	1	1.82
(4,202)	1:79:A:VAL:HG22	1:81:A:TRP:H	1	1.82
(4,202)	1:79:A:VAL:HG23	1:81:A:TRP:H	1	1.82
(2,613)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	8	1.82
(2,120)	1:100:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	2	1.82
(2,120)	1:100:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	14	1.82
(2,29)	1:102:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	13	1.82
(1,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	8	1.82
(1,455)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	3	1.82
(1,162)	1:98:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	2	1.82
(1,154)	1:172:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	6	1.82
(5,780)	1:5:A:ASN:ND2	1:236:A:GLU:H	11	1.81
(5,683)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	7	1.81
(5,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	3	1.81
(5,433)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	15	1.81
(5,411)	1:5:A:ASN:ND2	1:98:A:SER:H	14	1.81
(5,375)	1:5:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	11	1.81
(5,34)	1:104:A:SER:OG	1:126:A:LYS:H	2	1.81
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB2	1:173:A:GLU:H	11	1.81
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB3	1:173:A:GLU:H	11	1.81
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:H	5	1.81
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:H	5	1.81
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:H	5	1.81
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	5	1.81
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	5	1.81
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	5	1.81
(4,4034)	1:76:A:SER:H	1:78:A:ASP:H	15	1.81
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG21	7	1.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG22	7	1.81
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG23	7	1.81
(4,3937)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE21	7	1.81
(4,3863)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE22	18	1.81
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD11	15	1.81
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD12	15	1.81
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD13	15	1.81
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD11	15	1.81
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD12	15	1.81
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD13	15	1.81
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD11	15	1.81
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD12	15	1.81
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD13	15	1.81
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD11	14	1.81
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD12	14	1.81
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD13	14	1.81
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD21	14	1.81
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD22	14	1.81
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD23	14	1.81
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD11	14	1.81
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD12	14	1.81
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD13	14	1.81
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD21	14	1.81
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD22	14	1.81
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD23	14	1.81
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD1	5	1.81
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD2	5	1.81
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD11	1	1.81
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD12	1	1.81
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD13	1	1.81
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD11	1	1.81
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD12	1	1.81
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD13	1	1.81
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE1	9	1.81
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE2	9	1.81
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE1	9	1.81
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE2	9	1.81
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE1	9	1.81
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE2	9	1.81
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE1	17	1.81
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE2	17	1.81
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE1	17	1.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE2	17	1.81
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE1	17	1.81
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE2	17	1.81
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD11	12	1.81
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD12	12	1.81
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD13	12	1.81
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG21	7	1.81
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG22	7	1.81
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG23	7	1.81
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD1	1	1.81
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD2	1	1.81
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG12	1:170:A:TYR:H	15	1.81
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG13	1:170:A:TYR:H	15	1.81
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD11	10	1.81
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD12	10	1.81
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD13	10	1.81
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD11	10	1.81
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD12	10	1.81
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD13	10	1.81
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD11	10	1.81
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD12	10	1.81
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD13	10	1.81
(4,2735)	1:153:A:GLN:HE22	1:156:A:ALA:H	11	1.81
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB2	17	1.81
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB3	17	1.81
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB2	17	1.81
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB3	17	1.81
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB2	17	1.81
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB3	17	1.81
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	13	1.81
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	13	1.81
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	13	1.81
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG2	1	1.81
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG3	1	1.81
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB1	9	1.81
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB2	9	1.81
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB3	9	1.81
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB1	9	1.81
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB2	9	1.81
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB3	9	1.81
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG21	15	1.81
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG22	15	1.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG23	15	1.81
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG21	15	1.81
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG22	15	1.81
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG23	15	1.81
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG21	15	1.81
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG22	15	1.81
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG23	15	1.81
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG21	15	1.81
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG22	15	1.81
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG23	15	1.81
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG21	15	1.81
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG22	15	1.81
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG23	15	1.81
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG21	15	1.81
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG22	15	1.81
(4,2361)	1:8:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG23	15	1.81
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:H	20	1.81
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:H	20	1.81
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:H	20	1.81
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:H	13	1.81
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:H	13	1.81
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:H	13	1.81
(4,2289)	1:82:A:PHE:HZ	1:97:A:HIS:H	8	1.81
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG21	3	1.81
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG22	3	1.81
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG23	3	1.81
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG21	3	1.81
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG22	3	1.81
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG23	3	1.81
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD2	11	1.81
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD3	11	1.81
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD2	11	1.81
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD3	11	1.81
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HA	2	1.81
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HA	2	1.81
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HA	2	1.81
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HA	2	1.81
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HA	2	1.81
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HA	2	1.81
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG11	10	1.81
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG12	10	1.81
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG13	10	1.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD21	20	1.81
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD22	20	1.81
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD23	20	1.81
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD21	20	1.81
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD22	20	1.81
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD23	20	1.81
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD21	20	1.81
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD22	20	1.81
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD23	20	1.81
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG11	1:173:A:GLU:H	11	1.81
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG12	1:173:A:GLU:H	11	1.81
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG13	1:173:A:GLU:H	11	1.81
(4,1685)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG21	6	1.81
(4,1685)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG22	6	1.81
(4,1685)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG23	6	1.81
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE22	4	1.81
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE22	4	1.81
(4,1437)	1:58:A:LEU:HG	1:228:A:MET:HA	16	1.81
(4,1242)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:H	19	1.81
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD11	15	1.81
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD12	15	1.81
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD13	15	1.81
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD21	15	1.81
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD22	15	1.81
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD23	15	1.81
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD11	15	1.81
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD12	15	1.81
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD13	15	1.81
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD21	15	1.81
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD22	15	1.81
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD23	15	1.81
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD11	15	1.81
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD12	15	1.81
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD13	15	1.81
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD21	15	1.81
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD22	15	1.81
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD23	15	1.81
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:H	7	1.81
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:H	7	1.81
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:H	7	1.81
(4,941)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:H	11	1.81
(4,941)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:H	11	1.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB2	13	1.81
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB3	13	1.81
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD11	9	1.81
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD12	9	1.81
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD13	9	1.81
(4,706)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HA	3	1.81
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG21	6	1.81
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG22	6	1.81
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG23	6	1.81
(4,404)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG13	11	1.81
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE1	5	1.81
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE2	5	1.81
(4,252)	1:160:A:THR:H	1:161:A:ALA:H	15	1.81
(4,191)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD11	1	1.81
(4,191)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD12	1	1.81
(4,191)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD13	1	1.81
(4,191)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD11	1	1.81
(4,191)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD12	1	1.81
(4,191)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD13	1	1.81
(4,113)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:HA	5	1.81
(4,113)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:HA	5	1.81
(2,610)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	14	1.81
(2,514)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	18	1.81
(1,296)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	17	1.81
(1,165)	1:180:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	4	1.81
(5,732)	1:5:A:ASN:ND2	1:110:A:SER:H	11	1.8
(5,728)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	14	1.8
(5,575)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	7	1.8
(5,522)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	2	1.8
(5,433)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	19	1.8
(5,295)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	11	1.8
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:H	8	1.8
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:H	8	1.8
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG21	12	1.8
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG22	12	1.8
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG23	12	1.8
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	10	1.8
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	10	1.8
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	10	1.8
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	10	1.8
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	10	1.8
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	10	1.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	10	1.8
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	10	1.8
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	10	1.8
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	10	1.8
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	10	1.8
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	10	1.8
(4,4013)	1:11:A:ILE:HG12	1:14:A:ASN:H	3	1.8
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE1	13	1.8
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE2	13	1.8
(4,3943)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:H	11	1.8
(4,3919)	1:82:A:PHE:HZ	1:100:A:SER:H	14	1.8
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HG3	8	1.8
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HG3	8	1.8
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HG3	8	1.8
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD11	3	1.8
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD12	3	1.8
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD13	3	1.8
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD21	3	1.8
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD22	3	1.8
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD23	3	1.8
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG2	1	1.8
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG3	1	1.8
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG2	1	1.8
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG3	1	1.8
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG2	1	1.8
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG3	1	1.8
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:H	11	1.8
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:H	11	1.8
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:H	11	1.8
(4,3560)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HA	14	1.8
(4,3433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:234:A:ASN:H	3	1.8
(4,3400)	1:234:A:ASN:HD22	1:236:A:GLU:H	18	1.8
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD1	9	1.8
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD2	9	1.8
(4,3258)	1:58:A:LEU:HA	1:165:A:LEU:HB2	2	1.8
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB2	16	1.8
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB3	16	1.8
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB2	16	1.8
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB3	16	1.8
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB2	10	1.8
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB3	10	1.8
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB2	10	1.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB3	10	1.8
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB2	10	1.8
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB3	10	1.8
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG11	19	1.8
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG12	19	1.8
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG13	19	1.8
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG11	19	1.8
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG12	19	1.8
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG13	19	1.8
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD1	14	1.8
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD2	14	1.8
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD1	14	1.8
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD2	14	1.8
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD1	14	1.8
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD2	14	1.8
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG2	10	1.8
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG3	10	1.8
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD21	16	1.8
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD22	16	1.8
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD21	16	1.8
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD22	16	1.8
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD21	6	1.8
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD22	6	1.8
(4,2590)	1:64:A:ASP:HA	1:66:A:LYS:H	8	1.8
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:CD2	2	1.8
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:CD2	2	1.8
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:CD2	2	1.8
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HE1	19	1.8
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HE2	19	1.8
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HE1	19	1.8
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HE2	19	1.8
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HE1	19	1.8
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HE2	19	1.8
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:H	3	1.8
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:H	3	1.8
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:H	3	1.8
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG12	1:166:A:HIS:H	12	1.8
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG13	1:166:A:HIS:H	12	1.8
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	17	1.8
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	17	1.8
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	17	1.8
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	17	1.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	17	1.8
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	17	1.8
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD1	12	1.8
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD2	12	1.8
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD11	9	1.8
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD12	9	1.8
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD13	9	1.8
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD11	9	1.8
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD12	9	1.8
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD13	9	1.8
(4,887)	1:100:A:SER:HB2	1:127:A:ASN:HA	15	1.8
(4,887)	1:100:A:SER:HB3	1:127:A:ASN:HA	15	1.8
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	13	1.8
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	13	1.8
(4,518)	1:120:A:SER:HA	1:123:A:SER:H	11	1.8
(4,507)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:ASP:HA	9	1.8
(4,82)	1:34:A:PHE:HE1	1:235:A:TRP:H	18	1.8
(4,82)	1:34:A:PHE:HE2	1:235:A:TRP:H	18	1.8
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE1	2	1.8
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE2	2	1.8
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE1	2	1.8
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE2	2	1.8
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE1	2	1.8
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE2	2	1.8
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD21	9	1.8
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD22	9	1.8
(1,216)	1:171:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	1	1.8
(1,113)	1:182:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	18	1.8
(1,87)	1:220:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	5	1.8
(1,72)	1:170:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	19	1.8
(5,686)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	6	1.79
(5,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	14	1.79
(5,491)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	11	1.79
(5,348)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	19	1.79
(5,332)	1:177:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	19	1.79
(4,4034)	1:76:A:SER:H	1:78:A:ASP:H	14	1.79
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:H	18	1.79
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:H	18	1.79
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD11	1:202:A:ILE:HA	1	1.79
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD12	1:202:A:ILE:HA	1	1.79
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD13	1:202:A:ILE:HA	1	1.79
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD11	1:202:A:ILE:HA	19	1.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD12	1:202:A:ILE:HA	19	1.79
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD13	1:202:A:ILE:HA	19	1.79
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HG3	17	1.79
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HG3	17	1.79
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HG3	17	1.79
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	4	1.79
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	4	1.79
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB1	17	1.79
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB2	17	1.79
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB3	17	1.79
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	7	1.79
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	7	1.79
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	7	1.79
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD21	4	1.79
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD21	4	1.79
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD21	4	1.79
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD21	4	1.79
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD21	4	1.79
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD21	4	1.79
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG11	1:139:A:LEU:CD1	15	1.79
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG12	1:139:A:LEU:CD1	15	1.79
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG13	1:139:A:LEU:CD1	15	1.79
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD1	2	1.79
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD2	2	1.79
(4,3264)	1:79:A:VAL:HB	1:173:A:GLU:H	13	1.79
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD3	11	1.79
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD3	11	1.79
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD11	11	1.79
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD12	11	1.79
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD13	11	1.79
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD21	11	1.79
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD22	11	1.79
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD23	11	1.79
(4,3010)	1:81:A:TRP:H	1:127:A:ASN:HD22	6	1.79
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	14	1.79
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	14	1.79
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	14	1.79
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	14	1.79
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	14	1.79
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	14	1.79
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG12	1:170:A:TYR:H	14	1.79
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG13	1:170:A:TYR:H	14	1.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2868)	1:15:A:PRO:HG2	1:35:A:ASP:H	6	1.79
(4,2838)	1:73:A:ILE:H	1:75:A:SER:H	2	1.79
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG21	3	1.79
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG22	3	1.79
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG23	3	1.79
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	11	1.79
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	11	1.79
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	11	1.79
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	11	1.79
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	11	1.79
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	11	1.79
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD1	9	1.79
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD2	9	1.79
(4,2590)	1:64:A:ASP:HA	1:66:A:LYS:H	13	1.79
(4,2575)	1:19:A:THR:HG21	1:235:A:TRP:H	7	1.79
(4,2575)	1:19:A:THR:HG22	1:235:A:TRP:H	7	1.79
(4,2575)	1:19:A:THR:HG23	1:235:A:TRP:H	7	1.79
(4,2575)	1:19:A:THR:HG21	1:235:A:TRP:H	8	1.79
(4,2575)	1:19:A:THR:HG22	1:235:A:TRP:H	8	1.79
(4,2575)	1:19:A:THR:HG23	1:235:A:TRP:H	8	1.79
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:CD2	11	1.79
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:CD2	11	1.79
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:CD2	11	1.79
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG2	1:177:A:ILE:H	2	1.79
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG3	1:177:A:ILE:H	2	1.79
(4,2482)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:SER:HG	8	1.79
(4,2209)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HD1	4	1.79
(4,2209)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HD2	4	1.79
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG12	3	1.79
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG13	3	1.79
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG12	3	1.79
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG13	3	1.79
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG12	3	1.79
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG13	3	1.79
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG12	3	1.79
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG13	3	1.79
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG12	3	1.79
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG13	3	1.79
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG12	3	1.79
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG13	3	1.79
(4,2053)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD21	18	1.79
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG21	1	1.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG22	1	1.79
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG23	1	1.79
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG21	1	1.79
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG22	1	1.79
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG23	1	1.79
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:CD1	1	1.79
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:CD1	1	1.79
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:CD1	1	1.79
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:CD1	1	1.79
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:CD1	1	1.79
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:CD1	1	1.79
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:H	3	1.79
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:H	3	1.79
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG21	12	1.79
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG22	12	1.79
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG23	12	1.79
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG21	15	1.79
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG22	15	1.79
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG23	15	1.79
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB3	11	1.79
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB3	11	1.79
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG21	1:93:A:TYR:HD1	13	1.79
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG21	1:93:A:TYR:HD2	13	1.79
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG22	1:93:A:TYR:HD1	13	1.79
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG22	1:93:A:TYR:HD2	13	1.79
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG23	1:93:A:TYR:HD1	13	1.79
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG23	1:93:A:TYR:HD2	13	1.79
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG2	9	1.79
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG3	9	1.79
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG2	9	1.79
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG3	9	1.79
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD11	13	1.79
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD12	13	1.79
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD13	13	1.79
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD21	13	1.79
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD22	13	1.79
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD23	13	1.79
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD11	13	1.79
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD12	13	1.79
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD13	13	1.79
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD21	13	1.79
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD22	13	1.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD23	13	1.79
(4,639)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	19	1.79
(4,492)	1:92:A:LEU:HD21	1:93:A:TYR:HD1	4	1.79
(4,492)	1:92:A:LEU:HD21	1:93:A:TYR:HD2	4	1.79
(4,492)	1:92:A:LEU:HD22	1:93:A:TYR:HD1	4	1.79
(4,492)	1:92:A:LEU:HD22	1:93:A:TYR:HD2	4	1.79
(4,492)	1:92:A:LEU:HD23	1:93:A:TYR:HD1	4	1.79
(4,492)	1:92:A:LEU:HD23	1:93:A:TYR:HD2	4	1.79
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG21	18	1.79
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG22	18	1.79
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG23	18	1.79
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB2	7	1.79
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB3	7	1.79
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB2	7	1.79
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB3	7	1.79
(2,638)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	12	1.79
(1,546)	1:5:A:ASN:ND2	1:19:A:THR:H	10	1.79
(1,522)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	14	1.79
(1,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	4	1.79
(1,113)	1:182:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	2	1.79
(1,113)	1:182:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	3	1.79
(5,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	14	1.78
(5,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	5	1.78
(5,340)	1:5:A:ASN:ND2	1:13:A:SER:H	1	1.78
(5,290)	1:39:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	8	1.78
(5,29)	1:104:A:SER:OG	1:161:A:ALA:H	13	1.78
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD22	1	1.78
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD22	1	1.78
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD22	1	1.78
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD22	1	1.78
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD22	1	1.78
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD22	1	1.78
(4,3799)	1:154:A:SER:HB2	1:157:A:PRO:HD3	15	1.78
(4,3799)	1:154:A:SER:HB3	1:157:A:PRO:HD3	15	1.78
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:HD21	13	1.78
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:HD22	13	1.78
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:HD21	13	1.78
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:HD22	13	1.78
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG21	4	1.78
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG22	4	1.78
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG23	4	1.78
(4,3472)	1:9:A:VAL:H	1:152:A:GLY:H	1	1.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:CG2	8	1.78
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:CG2	8	1.78
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:CG2	8	1.78
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:CG1	3	1.78
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:CG1	3	1.78
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:CG1	3	1.78
(4,3042)	1:162:A:ASP:H	1:164:A:ASN:H	17	1.78
(4,2978)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:HA	7	1.78
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE1	5	1.78
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE2	5	1.78
(4,2604)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:H	19	1.78
(4,2590)	1:64:A:ASP:HA	1:66:A:LYS:H	15	1.78
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD11	1:120:A:SER:H	2	1.78
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD12	1:120:A:SER:H	2	1.78
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD13	1:120:A:SER:H	2	1.78
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:H	18	1.78
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:H	18	1.78
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:H	18	1.78
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:H	18	1.78
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:H	18	1.78
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:H	18	1.78
(4,2365)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG1	9	1.78
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:H	16	1.78
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:H	16	1.78
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:H	16	1.78
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG11	1:189:A:LEU:H	11	1.78
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG12	1:189:A:LEU:H	11	1.78
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG13	1:189:A:LEU:H	11	1.78
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD11	1	1.78
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD12	1	1.78
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD13	1	1.78
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD21	1	1.78
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD22	1	1.78
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD23	1	1.78
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG11	9	1.78
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG12	9	1.78
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG13	9	1.78
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG11	9	1.78
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG12	9	1.78
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG13	9	1.78
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:CG1	9	1.78
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:CG1	9	1.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:CG1	9	1.78
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HB2	1	1.78
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HB3	1	1.78
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HB2	1	1.78
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HB3	1	1.78
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD21	1:151:A:THR:H	6	1.78
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD22	1:151:A:THR:H	6	1.78
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE1	2	1.78
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE2	2	1.78
(4,1002)	1:118:A:SER:H	1:119:A:GLN:HE22	3	1.78
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD11	11	1.78
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD12	11	1.78
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD13	11	1.78
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD11	14	1.78
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD12	14	1.78
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD13	14	1.78
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD11	14	1.78
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD12	14	1.78
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD13	14	1.78
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD11	14	1.78
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD12	14	1.78
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD13	14	1.78
(4,855)	1:190:A:TYR:HE1	1:193:A:LYS:H	5	1.78
(4,855)	1:190:A:TYR:HE2	1:193:A:LYS:H	5	1.78
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG21	17	1.78
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG22	17	1.78
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG23	17	1.78
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB1	11	1.78
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB2	11	1.78
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB3	11	1.78
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB1	11	1.78
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB2	11	1.78
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB3	11	1.78
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB1	11	1.78
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB2	11	1.78
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB3	11	1.78
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE1	19	1.78
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE2	19	1.78
(4,203)	1:110:A:SER:HG	1:114:A:ASN:H	6	1.78
(4,120)	1:118:A:SER:HB2	1:119:A:GLN:HE21	1	1.78
(4,120)	1:118:A:SER:HB3	1:119:A:GLN:HE21	1	1.78
(4,60)	1:79:A:VAL:HG11	1:190:A:TYR:H	12	1.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,60)	1:79:A:VAL:HG12	1:190:A:TYR:H	12	1.78
(4,60)	1:79:A:VAL:HG13	1:190:A:TYR:H	12	1.78
(1,579)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	18	1.78
(1,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	15	1.78
(1,385)	1:5:A:ASN:ND2	1:236:A:GLU:H	6	1.78
(1,378)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	7	1.78
(1,216)	1:171:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	11	1.78
(1,87)	1:220:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	19	1.78
(5,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	10	1.77
(5,379)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	6	1.77
(5,349)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	13	1.77
(5,23)	1:13:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	19	1.77
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD1	18	1.77
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD2	18	1.77
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD1	18	1.77
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD2	18	1.77
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD1	18	1.77
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD2	18	1.77
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG12	1:214:A:TYR:HD1	1	1.77
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG12	1:214:A:TYR:HD2	1	1.77
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG13	1:214:A:TYR:HD1	1	1.77
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG13	1:214:A:TYR:HD2	1	1.77
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HG3	20	1.77
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HG3	20	1.77
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HG3	20	1.77
(4,3779)	1:31:A:TRP:HE1	1:233:A:PRO:HA	16	1.77
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD11	20	1.77
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD12	20	1.77
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD13	20	1.77
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD21	20	1.77
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD22	20	1.77
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD23	20	1.77
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG11	8	1.77
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG12	8	1.77
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG13	8	1.77
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG11	8	1.77
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG12	8	1.77
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG13	8	1.77
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HE1	4	1.77
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HE2	4	1.77
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HE1	4	1.77
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HE2	4	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HE1	4	1.77
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HE2	4	1.77
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD11	1:58:A:LEU:HG	15	1.77
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD12	1:58:A:LEU:HG	15	1.77
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD13	1:58:A:LEU:HG	15	1.77
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG11	9	1.77
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG12	9	1.77
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG13	9	1.77
(4,3433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:234:A:ASN:H	17	1.77
(4,3402)	1:30:A:GLU:HG2	1:31:A:TRP:HE1	4	1.77
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG21	12	1.77
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG22	12	1.77
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG23	12	1.77
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG21	12	1.77
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG22	12	1.77
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG23	12	1.77
(4,3280)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB2	14	1.77
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG21	1:64:A:ASP:H	16	1.77
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG22	1:64:A:ASP:H	16	1.77
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG23	1:64:A:ASP:H	16	1.77
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD11	8	1.77
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD12	8	1.77
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD13	8	1.77
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD11	8	1.77
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD12	8	1.77
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD13	8	1.77
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD11	8	1.77
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD12	8	1.77
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD13	8	1.77
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	13	1.77
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	13	1.77
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	13	1.77
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	13	1.77
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	13	1.77
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	13	1.77
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG11	1	1.77
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG12	1	1.77
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG13	1	1.77
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG11	1	1.77
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG12	1	1.77
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG13	1	1.77
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD1	1:95:A:ILE:H	17	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD2	1:95:A:ILE:H	17	1.77
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG21	1:164:A:ASN:HD21	4	1.77
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG22	1:164:A:ASN:HD21	4	1.77
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG23	1:164:A:ASN:HD21	4	1.77
(4,2399)	1:118:A:SER:HA	1:119:A:GLN:HE21	18	1.77
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE21	6	1.77
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE22	6	1.77
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:H	4	1.77
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:H	4	1.77
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:H	4	1.77
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD11	14	1.77
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD12	14	1.77
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD13	14	1.77
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD21	14	1.77
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD22	14	1.77
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD23	14	1.77
(4,2152)	1:63:A:GLU:H	1:65:A:ARG:H	5	1.77
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG11	17	1.77
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG12	17	1.77
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG13	17	1.77
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD11	17	1.77
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD12	17	1.77
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD13	17	1.77
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD11	17	1.77
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD12	17	1.77
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD13	17	1.77
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD11	15	1.77
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD12	15	1.77
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD13	15	1.77
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD21	15	1.77
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD22	15	1.77
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD23	15	1.77
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD2	16	1.77
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD3	16	1.77
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD2	16	1.77
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD3	16	1.77
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:H	7	1.77
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:H	7	1.77
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:H	7	1.77
(4,1673)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HB	19	1.77
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD1	1:84:A:GLN:H	17	1.77
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD2	1:84:A:GLN:H	17	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1603)	1:97:A:HIS:HD1	1:182:A:GLY:H	15	1.77
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD1	1:85:A:SER:H	14	1.77
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD2	1:85:A:SER:H	14	1.77
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD21	10	1.77
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD22	10	1.77
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD23	10	1.77
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD11	8	1.77
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD12	8	1.77
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD13	8	1.77
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB2	15	1.77
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB3	15	1.77
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB2	15	1.77
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB3	15	1.77
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB2	15	1.77
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB3	15	1.77
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB2	15	1.77
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB3	15	1.77
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB2	15	1.77
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB3	15	1.77
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB2	15	1.77
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB3	15	1.77
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB2	3	1.77
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB3	3	1.77
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB2	3	1.77
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB3	3	1.77
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD11	20	1.77
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD12	20	1.77
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD13	20	1.77
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD21	20	1.77
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD22	20	1.77
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD23	20	1.77
(4,665)	1:168:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	6	1.77
(4,665)	1:168:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	6	1.77
(4,665)	1:168:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	6	1.77
(4,665)	1:168:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	10	1.77
(4,665)	1:168:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	10	1.77
(4,665)	1:168:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	10	1.77
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG21	16	1.77
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG22	16	1.77
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG23	16	1.77
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	7	1.77
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	7	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	7	1.77
(4,287)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:H	2	1.77
(4,287)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:H	2	1.77
(4,120)	1:118:A:SER:HB2	1:119:A:GLN:HE21	19	1.77
(4,120)	1:118:A:SER:HB3	1:119:A:GLN:HE21	19	1.77
(1,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	19	1.77
(1,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	9	1.77
(1,414)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	12	1.77
(1,225)	1:64:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	17	1.77
(1,86)	1:225:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	6	1.77
(5,482)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	16	1.76
(5,294)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	11	1.76
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG2	12	1.76
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG3	12	1.76
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE21	8	1.76
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE22	8	1.76
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG21	1	1.76
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG22	1	1.76
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG23	1	1.76
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	5	1.76
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	5	1.76
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	5	1.76
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	5	1.76
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	5	1.76
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	5	1.76
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	5	1.76
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	5	1.76
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	5	1.76
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	5	1.76
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	5	1.76
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	5	1.76
(4,3935)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD1	8	1.76
(4,3935)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD2	8	1.76
(4,3935)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD1	8	1.76
(4,3935)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD2	8	1.76
(4,3919)	1:82:A:PHE:HZ	1:100:A:SER:H	1	1.76
(4,3736)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HZ3	8	1.76
(4,3400)	1:234:A:ASN:HD22	1:236:A:GLU:H	15	1.76
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD1	6	1.76
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD2	6	1.76
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HE1	14	1.76
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HE1	14	1.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HE1	14	1.76
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	9	1.76
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	9	1.76
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	9	1.76
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG11	20	1.76
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG12	20	1.76
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG13	20	1.76
(4,2858)	1:79:A:VAL:HB	1:127:A:ASN:HD21	13	1.76
(4,2735)	1:153:A:GLN:HE22	1:156:A:ALA:H	9	1.76
(4,2696)	1:31:A:TRP:H	1:31:A:TRP:HE1	5	1.76
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG2	8	1.76
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG3	8	1.76
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG2	8	1.76
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG3	8	1.76
(4,2389)	1:208:A:ARG:HD2	1:210:A:ARG:H	18	1.76
(4,2389)	1:208:A:ARG:HD3	1:210:A:ARG:H	18	1.76
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB1	9	1.76
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB2	9	1.76
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB3	9	1.76
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB1	9	1.76
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB2	9	1.76
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB3	9	1.76
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB1	9	1.76
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB2	9	1.76
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB3	9	1.76
(4,2289)	1:82:A:PHE:HZ	1:97:A:HIS:H	3	1.76
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD11	16	1.76
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD12	16	1.76
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD13	16	1.76
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD1	15	1.76
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD2	15	1.76
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD21	20	1.76
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD22	20	1.76
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD23	20	1.76
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD21	20	1.76
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD22	20	1.76
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD23	20	1.76
(4,2100)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HE3	3	1.76
(4,1992)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HB3	18	1.76
(4,1946)	1:69:A:THR:HG21	1:71:A:GLN:H	9	1.76
(4,1946)	1:69:A:THR:HG22	1:71:A:GLN:H	9	1.76
(4,1946)	1:69:A:THR:HG23	1:71:A:GLN:H	9	1.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1835)	1:56:A:VAL:HB	1:228:A:MET:HA	3	1.76
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	7	1.76
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	7	1.76
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	7	1.76
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	7	1.76
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	7	1.76
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	7	1.76
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG12	5	1.76
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG13	5	1.76
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD1	13	1.76
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD2	13	1.76
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD1	13	1.76
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD2	13	1.76
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB3	20	1.76
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB3	20	1.76
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG12	17	1.76
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG12	17	1.76
(4,801)	1:48:A:LEU:HD21	1:201:A:LEU:H	12	1.76
(4,801)	1:48:A:LEU:HD22	1:201:A:LEU:H	12	1.76
(4,801)	1:48:A:LEU:HD23	1:201:A:LEU:H	12	1.76
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD21	12	1.76
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD22	12	1.76
(4,473)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:H	3	1.76
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB2	7	1.76
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB3	7	1.76
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB2	7	1.76
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB3	7	1.76
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB2	7	1.76
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB3	7	1.76
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	6	1.76
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	6	1.76
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	6	1.76
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	6	1.76
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	6	1.76
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	6	1.76
(4,203)	1:110:A:SER:HG	1:114:A:ASN:H	3	1.76
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD1	4	1.76
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD2	4	1.76
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD1	4	1.76
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD2	4	1.76
(1,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	3	1.76
(1,478)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	19	1.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,638)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	10	1.75
(5,550)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	7	1.75
(5,533)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	16	1.75
(5,299)	1:156:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	17	1.75
(4,4311)	1:177:A:ILE:H	1:195:A:ASP:H	13	1.75
(4,4244)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG11	12	1.75
(4,4244)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG12	12	1.75
(4,4244)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG13	12	1.75
(4,4202)	1:56:A:VAL:HB	1:230:A:GLY:H	16	1.75
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG2	10	1.75
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG3	10	1.75
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD11	18	1.75
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD12	18	1.75
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD13	18	1.75
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD11	18	1.75
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD12	18	1.75
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD13	18	1.75
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD1	1:151:A:THR:H	9	1.75
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD2	1:151:A:THR:H	9	1.75
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD2	9	1.75
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD3	9	1.75
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD2	9	1.75
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD3	9	1.75
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HG3	12	1.75
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HG3	12	1.75
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HG3	12	1.75
(4,3810)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD21	8	1.75
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD11	18	1.75
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD12	18	1.75
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD13	18	1.75
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD11	18	1.75
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD12	18	1.75
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD13	18	1.75
(4,3753)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:H	8	1.75
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD21	14	1.75
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD22	14	1.75
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD11	18	1.75
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD12	18	1.75
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD13	18	1.75
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD11	18	1.75
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD12	18	1.75
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD13	18	1.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:HA	7	1.75
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:HA	7	1.75
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:HA	7	1.75
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:HA	7	1.75
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:HA	7	1.75
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:HA	7	1.75
(4,3587)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:H	2	1.75
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB2	18	1.75
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB3	18	1.75
(4,3570)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD21	4	1.75
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG21	11	1.75
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG22	11	1.75
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG23	11	1.75
(4,3437)	1:81:A:TRP:HZ2	1:187:A:GLY:H	5	1.75
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HE1	20	1.75
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HE1	20	1.75
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HE1	20	1.75
(4,3042)	1:162:A:ASP:H	1:164:A:ASN:H	11	1.75
(4,3039)	1:77:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD21	6	1.75
(4,2963)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:H	19	1.75
(4,2927)	1:67:A:SER:H	1:217:A:ASN:HB2	3	1.75
(4,2927)	1:67:A:SER:H	1:217:A:ASN:HB3	3	1.75
(4,2814)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE21	8	1.75
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD11	8	1.75
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD12	8	1.75
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD13	8	1.75
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG2	1:177:A:ILE:H	6	1.75
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG3	1:177:A:ILE:H	6	1.75
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB2	1:7:A:ALA:H	18	1.75
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB3	1:7:A:ALA:H	18	1.75
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:H	5	1.75
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:H	5	1.75
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:H	5	1.75
(4,2343)	1:73:A:ILE:H	1:186:A:SER:H	20	1.75
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG2	16	1.75
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG3	16	1.75
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG2	16	1.75
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG3	16	1.75
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD11	15	1.75
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD12	15	1.75
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD13	15	1.75
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD11	15	1.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD12	15	1.75
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD13	15	1.75
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD11	15	1.75
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD12	15	1.75
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD13	15	1.75
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD11	5	1.75
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD12	5	1.75
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD13	5	1.75
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD21	5	1.75
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD22	5	1.75
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD23	5	1.75
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG21	1:128:A:ARG:H	13	1.75
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG22	1:128:A:ARG:H	13	1.75
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG23	1:128:A:ARG:H	13	1.75
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB3	11	1.75
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB3	11	1.75
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB3	11	1.75
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:H	4	1.75
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:H	4	1.75
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:H	4	1.75
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD21	1:139:A:LEU:H	4	1.75
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD22	1:139:A:LEU:H	4	1.75
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD23	1:139:A:LEU:H	4	1.75
(4,1626)	1:95:A:ILE:H	1:98:A:SER:HG	8	1.75
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB2	17	1.75
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB3	17	1.75
(4,1476)	1:29:A:ASN:HB2	1:30:A:GLU:HG2	17	1.75
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD21	6	1.75
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD22	6	1.75
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD21	6	1.75
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD22	6	1.75
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB1	13	1.75
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB2	13	1.75
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB3	13	1.75
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:H	5	1.75
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:H	5	1.75
(4,829)	1:73:A:ILE:HD11	1:187:A:GLY:H	1	1.75
(4,829)	1:73:A:ILE:HD12	1:187:A:GLY:H	1	1.75
(4,829)	1:73:A:ILE:HD13	1:187:A:GLY:H	1	1.75
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB1	18	1.75
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB2	18	1.75
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB3	18	1.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,786)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:H	13	1.75
(4,786)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:H	13	1.75
(4,661)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:HE22	6	1.75
(4,661)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:HE22	6	1.75
(4,579)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HB	20	1.75
(4,579)	1:143:A:LYS:HG3	1:146:A:VAL:HB	20	1.75
(4,518)	1:120:A:SER:HA	1:123:A:SER:H	20	1.75
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG12	15	1.75
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG13	15	1.75
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG12	15	1.75
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG13	15	1.75
(4,305)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG21	11	1.75
(4,305)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG22	11	1.75
(4,305)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG23	11	1.75
(4,305)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG21	11	1.75
(4,305)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG22	11	1.75
(4,305)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG23	11	1.75
(4,277)	1:82:A:PHE:HE1	1:99:A:LEU:H	7	1.75
(4,277)	1:82:A:PHE:HE2	1:99:A:LEU:H	7	1.75
(4,252)	1:160:A:THR:H	1:161:A:ALA:H	7	1.75
(4,118)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HG	4	1.75
(4,118)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HG	4	1.75
(1,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	19	1.75
(1,352)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	17	1.75
(5,534)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	18	1.74
(5,471)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	8	1.74
(5,290)	1:39:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	16	1.74
(5,59)	1:104:A:SER:OG	1:214:A:TYR:H	12	1.74
(4,4311)	1:177:A:ILE:H	1:195:A:ASP:H	17	1.74
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG11	15	1.74
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG12	15	1.74
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG13	15	1.74
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE21	16	1.74
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE22	16	1.74
(4,4046)	1:38:A:SER:H	1:39:A:LEU:HG	2	1.74
(4,4034)	1:76:A:SER:H	1:78:A:ASP:H	18	1.74
(4,3943)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:H	7	1.74
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:H	15	1.74
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:H	15	1.74
(4,3884)	1:155:A:GLU:H	1:157:A:PRO:HB3	1	1.74
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG21	10	1.74
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG22	10	1.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG23	10	1.74
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG21	10	1.74
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG22	10	1.74
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG23	10	1.74
(4,3843)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD1	5	1.74
(4,3843)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD2	5	1.74
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG21	1	1.74
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG22	1	1.74
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG23	1	1.74
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG21	1	1.74
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG22	1	1.74
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG23	1	1.74
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG21	1	1.74
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG22	1	1.74
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG23	1	1.74
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:H	3	1.74
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:H	3	1.74
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:H	3	1.74
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG11	1:139:A:LEU:CD1	7	1.74
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG12	1:139:A:LEU:CD1	7	1.74
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG13	1:139:A:LEU:CD1	7	1.74
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG21	10	1.74
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG22	10	1.74
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG23	10	1.74
(4,3300)	1:163:A:THR:HG21	1:166:A:HIS:HA	16	1.74
(4,3300)	1:163:A:THR:HG22	1:166:A:HIS:HA	16	1.74
(4,3300)	1:163:A:THR:HG23	1:166:A:HIS:HA	16	1.74
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD21	14	1.74
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD22	14	1.74
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD23	14	1.74
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	11	1.74
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	11	1.74
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	11	1.74
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	11	1.74
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG2	16	1.74
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG3	16	1.74
(4,2814)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE21	1	1.74
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD1	7	1.74
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD2	7	1.74
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD1	7	1.74
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD2	7	1.74
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD1	7	1.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD2	7	1.74
(4,2735)	1:153:A:GLN:HE22	1:156:A:ALA:H	18	1.74
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD11	9	1.74
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD12	9	1.74
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD13	9	1.74
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD21	9	1.74
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD22	9	1.74
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD23	9	1.74
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD11	9	1.74
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD12	9	1.74
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD13	9	1.74
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD21	9	1.74
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD22	9	1.74
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD23	9	1.74
(4,2612)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HA	19	1.74
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG11	11	1.74
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG12	11	1.74
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG13	11	1.74
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG11	11	1.74
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG12	11	1.74
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG13	11	1.74
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD1	2	1.74
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD2	2	1.74
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:H	3	1.74
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:H	3	1.74
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:H	3	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD11	2	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD12	2	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD13	2	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD11	2	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD12	2	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD13	2	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD11	2	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD12	2	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD13	2	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD11	2	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD12	2	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD13	2	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD11	2	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD12	2	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD13	2	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD11	2	1.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD12	2	1.74
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD13	2	1.74
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE21	6	1.74
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE22	6	1.74
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG12	6	1.74
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG13	6	1.74
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG12	6	1.74
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG13	6	1.74
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG12	6	1.74
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG13	6	1.74
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG12	6	1.74
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG13	6	1.74
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG12	6	1.74
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG13	6	1.74
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG12	6	1.74
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG13	6	1.74
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD11	5	1.74
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD12	5	1.74
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD13	5	1.74
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	12	1.74
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	12	1.74
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	12	1.74
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	12	1.74
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	12	1.74
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	12	1.74
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG12	1	1.74
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG13	1	1.74
(4,1645)	1:109:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	14	1.74
(4,1573)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB3	18	1.74
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB1	14	1.74
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB2	14	1.74
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB3	14	1.74
(4,1433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:H	10	1.74
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD11	4	1.74
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD12	4	1.74
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD13	4	1.74
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG12	5	1.74
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG12	5	1.74
(4,1242)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:H	11	1.74
(4,1239)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD21	15	1.74
(4,1239)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD22	15	1.74
(4,1239)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD23	15	1.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG11	1:20:A:ASN:HD21	3	1.74
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG12	1:20:A:ASN:HD21	3	1.74
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG13	1:20:A:ASN:HD21	3	1.74
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD11	19	1.74
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD12	19	1.74
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD13	19	1.74
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD21	19	1.74
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD22	19	1.74
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD23	19	1.74
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD11	19	1.74
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD12	19	1.74
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD13	19	1.74
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD21	19	1.74
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD22	19	1.74
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD23	19	1.74
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD11	19	1.74
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD12	19	1.74
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD13	19	1.74
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD21	19	1.74
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD22	19	1.74
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD23	19	1.74
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD21	9	1.74
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD21	9	1.74
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD21	9	1.74
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD11	13	1.74
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD12	13	1.74
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD13	13	1.74
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD11	13	1.74
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD12	13	1.74
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD13	13	1.74
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD11	13	1.74
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD12	13	1.74
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD13	13	1.74
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE21	6	1.74
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE22	6	1.74
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG21	13	1.74
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG22	13	1.74
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG23	13	1.74
(4,447)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	17	1.74
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE1	3	1.74
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE2	3	1.74
(4,164)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG12	4	1.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,150)	1:39:A:LEU:HA	1:44:A:LEU:HG	13	1.74
(5,423)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	7	1.73
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD1	20	1.73
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD2	20	1.73
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD1	20	1.73
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD2	20	1.73
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD1	20	1.73
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD2	20	1.73
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:H	15	1.73
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:H	15	1.73
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:H	15	1.73
(4,4126)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG11	7	1.73
(4,4126)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG12	7	1.73
(4,4126)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG13	7	1.73
(4,4034)	1:76:A:SER:H	1:78:A:ASP:H	4	1.73
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD11	1:111:A:ASP:H	16	1.73
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD12	1:111:A:ASP:H	16	1.73
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD13	1:111:A:ASP:H	16	1.73
(4,3885)	1:74:A:THR:H	1:76:A:SER:H	18	1.73
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG21	10	1.73
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG22	10	1.73
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG23	10	1.73
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	1	1.73
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	1	1.73
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	1	1.73
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	1	1.73
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	1	1.73
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	1	1.73
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	14	1.73
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	14	1.73
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	14	1.73
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	14	1.73
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	14	1.73
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	14	1.73
(4,3587)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:H	15	1.73
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD11	18	1.73
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD12	18	1.73
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD13	18	1.73
(4,3520)	1:57:A:LEU:HB2	1:211:A:VAL:HB	3	1.73
(4,3520)	1:57:A:LEU:HB3	1:211:A:VAL:HB	3	1.73
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD11	1:51:A:PRO:HB3	5	1.73
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD12	1:51:A:PRO:HB3	5	1.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD13	1:51:A:PRO:HB3	5	1.73
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD21	1:51:A:PRO:HB3	5	1.73
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD22	1:51:A:PRO:HB3	5	1.73
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD23	1:51:A:PRO:HB3	5	1.73
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG21	5	1.73
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG22	5	1.73
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG23	5	1.73
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG21	5	1.73
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG22	5	1.73
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG23	5	1.73
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG21	5	1.73
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG22	5	1.73
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG23	5	1.73
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD1	20	1.73
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD2	20	1.73
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD21	1:160:A:THR:H	18	1.73
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD22	1:160:A:THR:H	18	1.73
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG2	8	1.73
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG3	8	1.73
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD11	12	1.73
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD12	12	1.73
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD13	12	1.73
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG12	1:170:A:TYR:H	11	1.73
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG13	1:170:A:TYR:H	11	1.73
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:H	12	1.73
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:H	12	1.73
(4,2838)	1:73:A:ILE:H	1:75:A:SER:H	6	1.73
(4,2704)	1:146:A:VAL:HB	1:148:A:THR:H	8	1.73
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB2	2	1.73
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB3	2	1.73
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:H	13	1.73
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:H	13	1.73
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:H	13	1.73
(4,2389)	1:208:A:ARG:HD2	1:210:A:ARG:H	3	1.73
(4,2389)	1:208:A:ARG:HD3	1:210:A:ARG:H	3	1.73
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG11	14	1.73
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG12	14	1.73
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG13	14	1.73
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG21	1:128:A:ARG:H	11	1.73
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG22	1:128:A:ARG:H	11	1.73
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG23	1:128:A:ARG:H	11	1.73
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD11	4	1.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD12	4	1.73
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD13	4	1.73
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD11	1:152:A:GLY:H	1	1.73
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD12	1:152:A:GLY:H	1	1.73
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD13	1:152:A:GLY:H	1	1.73
(4,1946)	1:69:A:THR:HG21	1:71:A:GLN:H	16	1.73
(4,1946)	1:69:A:THR:HG22	1:71:A:GLN:H	16	1.73
(4,1946)	1:69:A:THR:HG23	1:71:A:GLN:H	16	1.73
(4,1894)	1:177:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HE21	4	1.73
(4,1894)	1:177:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HE22	4	1.73
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:HA2	5	1.73
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:HA3	5	1.73
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:HA2	5	1.73
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:HA3	5	1.73
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG12	20	1.73
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG13	20	1.73
(4,1723)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE1	1	1.73
(4,1651)	1:59:A:PHE:H	1:165:A:LEU:HB2	6	1.73
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB1	12	1.73
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB2	12	1.73
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB3	12	1.73
(4,1242)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:H	8	1.73
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD1	1:85:A:SER:H	1	1.73
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD2	1:85:A:SER:H	1	1.73
(4,1220)	1:149:A:PHE:HB3	1:151:A:THR:H	6	1.73
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB1	4	1.73
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB2	4	1.73
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB3	4	1.73
(4,834)	1:99:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	12	1.73
(4,834)	1:99:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	12	1.73
(4,834)	1:99:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	12	1.73
(4,834)	1:99:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	12	1.73
(4,834)	1:99:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	12	1.73
(4,834)	1:99:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	12	1.73
(4,755)	1:16:A:GLU:H	1:34:A:PHE:HA	12	1.73
(4,691)	1:52:A:VAL:HG21	1:55:A:ILE:CD1	10	1.73
(4,691)	1:52:A:VAL:HG22	1:55:A:ILE:CD1	10	1.73
(4,691)	1:52:A:VAL:HG23	1:55:A:ILE:CD1	10	1.73
(4,600)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB2	14	1.73
(4,600)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB2	14	1.73
(4,600)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB2	14	1.73
(4,211)	1:83:A:LYS:HD2	1:86:A:VAL:H	18	1.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,211)	1:83:A:LYS:HD3	1:86:A:VAL:H	18	1.73
(4,203)	1:110:A:SER:HG	1:114:A:ASN:H	19	1.73
(4,174)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	9	1.73
(2,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	7	1.73
(1,499)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	16	1.73
(5,672)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	16	1.72
(5,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	2	1.72
(5,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	5	1.72
(5,481)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	16	1.72
(5,478)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	16	1.72
(5,371)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	7	1.72
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD21	1	1.72
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD22	1	1.72
(4,4069)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:H	15	1.72
(4,4003)	1:172:A:GLU:HB3	1:177:A:ILE:HD11	14	1.72
(4,4003)	1:172:A:GLU:HB3	1:177:A:ILE:HD12	14	1.72
(4,4003)	1:172:A:GLU:HB3	1:177:A:ILE:HD13	14	1.72
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB2	5	1.72
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB3	5	1.72
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE1	1:98:A:SER:H	6	1.72
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE2	1:98:A:SER:H	6	1.72
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA2	5	1.72
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA3	5	1.72
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA2	5	1.72
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA3	5	1.72
(4,3471)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD21	12	1.72
(4,3471)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD22	12	1.72
(4,3471)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD23	12	1.72
(4,3398)	1:35:A:ASP:HB2	1:37:A:TYR:HE1	5	1.72
(4,3398)	1:35:A:ASP:HB2	1:37:A:TYR:HE2	5	1.72
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HE1	3	1.72
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HE1	3	1.72
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HE1	3	1.72
(4,3258)	1:58:A:LEU:HA	1:165:A:LEU:HB2	12	1.72
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD11	15	1.72
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD12	15	1.72
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD13	15	1.72
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD21	1:160:A:THR:H	7	1.72
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD22	1:160:A:THR:H	7	1.72
(4,3112)	1:119:A:GLN:HE21	1:130:A:ASP:H	18	1.72
(4,3075)	1:74:A:THR:H	1:77:A:TYR:H	2	1.72
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB2	2	1.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB3	2	1.72
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB2	2	1.72
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB3	2	1.72
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB2	2	1.72
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB3	2	1.72
(4,2582)	1:163:A:THR:HB	1:165:A:LEU:HB3	15	1.72
(4,2483)	1:31:A:TRP:HZ2	1:106:A:LEU:H	8	1.72
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD2	10	1.72
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD3	10	1.72
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD2	10	1.72
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD3	10	1.72
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:H	11	1.72
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:H	11	1.72
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD1	1:84:A:GLN:H	1	1.72
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD2	1:84:A:GLN:H	1	1.72
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG21	9	1.72
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG22	9	1.72
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG23	9	1.72
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	13	1.72
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	13	1.72
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	13	1.72
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HG3	9	1.72
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HG3	9	1.72
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HG3	9	1.72
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG11	3	1.72
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG12	3	1.72
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG13	3	1.72
(4,1355)	1:189:A:LEU:HG	1:191:A:LEU:H	13	1.72
(4,1247)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD22	20	1.72
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB1	2	1.72
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB2	2	1.72
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB3	2	1.72
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB1	2	1.72
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB2	2	1.72
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB3	2	1.72
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB1	2	1.72
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB2	2	1.72
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB3	2	1.72
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB1	2	1.72
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB2	2	1.72
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB3	2	1.72
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB1	2	1.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB2	2	1.72
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB3	2	1.72
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB1	2	1.72
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB2	2	1.72
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB3	2	1.72
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:H	3	1.72
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:H	3	1.72
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD11	1:199:A:THR:HG21	5	1.72
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD11	1:199:A:THR:HG22	5	1.72
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD11	1:199:A:THR:HG23	5	1.72
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD12	1:199:A:THR:HG21	5	1.72
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD12	1:199:A:THR:HG22	5	1.72
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD12	1:199:A:THR:HG23	5	1.72
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD13	1:199:A:THR:HG21	5	1.72
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD13	1:199:A:THR:HG22	5	1.72
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD13	1:199:A:THR:HG23	5	1.72
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD21	1:199:A:THR:HG21	5	1.72
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD21	1:199:A:THR:HG22	5	1.72
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD21	1:199:A:THR:HG23	5	1.72
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD22	1:199:A:THR:HG21	5	1.72
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD22	1:199:A:THR:HG22	5	1.72
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD22	1:199:A:THR:HG23	5	1.72
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD23	1:199:A:THR:HG21	5	1.72
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD23	1:199:A:THR:HG22	5	1.72
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD23	1:199:A:THR:HG23	5	1.72
(4,777)	1:74:A:THR:HB	1:76:A:SER:HA	12	1.72
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD21	4	1.72
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD22	4	1.72
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD23	4	1.72
(4,665)	1:168:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	7	1.72
(4,665)	1:168:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	7	1.72
(4,665)	1:168:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	7	1.72
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB2	14	1.72
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB3	14	1.72
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB2	14	1.72
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB3	14	1.72
(4,404)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG13	16	1.72
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE1	15	1.72
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE2	15	1.72
(4,120)	1:118:A:SER:HB2	1:119:A:GLN:HE21	11	1.72
(4,120)	1:118:A:SER:HB3	1:119:A:GLN:HE21	11	1.72
(4,102)	1:150:A:SER:H	1:157:A:PRO:HD2	7	1.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,52)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:H	15	1.72
(2,638)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	8	1.72
(2,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	4	1.72
(2,287)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:ND2	19	1.72
(1,460)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	1	1.72
(1,173)	1:58:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	12	1.72
(5,803)	1:5:A:ASN:ND2	1:153:A:GLN:H	9	1.71
(5,711)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	6	1.71
(5,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	14	1.71
(5,530)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	19	1.71
(5,416)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	17	1.71
(5,275)	1:40:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	7	1.71
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE1	13	1.71
(4,4134)	1:176:A:GLY:HA2	1:190:A:TYR:HE2	13	1.71
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HA	16	1.71
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HA	16	1.71
(4,4081)	1:168:A:ILE:H	1:169:A:THR:HG1	6	1.71
(4,4036)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD21	13	1.71
(4,4034)	1:76:A:SER:H	1:78:A:ASP:H	9	1.71
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB2	7	1.71
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB3	7	1.71
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD1	17	1.71
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD2	17	1.71
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD11	1:138:A:VAL:H	12	1.71
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD12	1:138:A:VAL:H	12	1.71
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD13	1:138:A:VAL:H	12	1.71
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD21	1:138:A:VAL:H	12	1.71
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD22	1:138:A:VAL:H	12	1.71
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD23	1:138:A:VAL:H	12	1.71
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:H	7	1.71
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:H	7	1.71
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD21	3	1.71
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD22	3	1.71
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD23	3	1.71
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG2	1:125:A:SER:H	6	1.71
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG3	1:125:A:SER:H	6	1.71
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG21	3	1.71
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG22	3	1.71
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB1	1:151:A:THR:HG23	3	1.71
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG21	3	1.71
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG22	3	1.71
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB2	1:151:A:THR:HG23	3	1.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG21	3	1.71
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG22	3	1.71
(4,3392)	1:7:A:ALA:HB3	1:151:A:THR:HG23	3	1.71
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD21	3	1.71
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD22	3	1.71
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD23	3	1.71
(4,3203)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:H	8	1.71
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HE1	19	1.71
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HE1	19	1.71
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HE1	19	1.71
(4,2856)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE3	1	1.71
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD22	19	1.71
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD22	19	1.71
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD22	19	1.71
(4,2626)	1:145:A:ASN:H	1:148:A:THR:H	9	1.71
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD11	1:201:A:LEU:H	16	1.71
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD12	1:201:A:LEU:H	16	1.71
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD13	1:201:A:LEU:H	16	1.71
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB2	1:140:A:ASN:HD21	3	1.71
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB2	1:140:A:ASN:HD22	3	1.71
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB3	1:140:A:ASN:HD21	3	1.71
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB3	1:140:A:ASN:HD22	3	1.71
(4,2329)	1:39:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	15	1.71
(4,2329)	1:39:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	15	1.71
(4,2329)	1:39:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	15	1.71
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB2	6	1.71
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB3	6	1.71
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD21	2	1.71
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD22	2	1.71
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD23	2	1.71
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG12	12	1.71
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG13	12	1.71
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG12	12	1.71
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG13	12	1.71
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD11	11	1.71
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD12	11	1.71
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD13	11	1.71
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD11	11	1.71
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD12	11	1.71
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD13	11	1.71
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD11	11	1.71
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD12	11	1.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD13	11	1.71
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD11	11	1.71
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD12	11	1.71
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD13	11	1.71
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD11	11	1.71
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD12	11	1.71
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD13	11	1.71
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD11	11	1.71
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD12	11	1.71
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD13	11	1.71
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HA	1	1.71
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HA	1	1.71
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HA	1	1.71
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HA	1	1.71
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HA	1	1.71
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HA	1	1.71
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:H	11	1.71
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:H	11	1.71
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD11	20	1.71
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD12	20	1.71
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD13	20	1.71
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD21	20	1.71
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD22	20	1.71
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD23	20	1.71
(4,2007)	1:68:A:SER:H	1:70:A:SER:H	5	1.71
(4,1955)	1:72:A:GLN:HB2	1:74:A:THR:H	14	1.71
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG12	1:166:A:HIS:H	5	1.71
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG13	1:166:A:HIS:H	5	1.71
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	15	1.71
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	15	1.71
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	15	1.71
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:H	19	1.71
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:H	19	1.71
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:CG1	3	1.71
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:CG1	3	1.71
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:CG1	3	1.71
(4,1651)	1:59:A:PHE:H	1:165:A:LEU:HB2	7	1.71
(4,1645)	1:109:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	19	1.71
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD1	1:84:A:GLN:H	20	1.71
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD2	1:84:A:GLN:H	20	1.71
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD1	1:227:A:ALA:H	12	1.71
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD2	1:227:A:ALA:H	12	1.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD11	19	1.71
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD12	19	1.71
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD13	19	1.71
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD11	7	1.71
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD12	7	1.71
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD13	7	1.71
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD11	9	1.71
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD12	9	1.71
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD13	9	1.71
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD21	9	1.71
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD22	9	1.71
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD23	9	1.71
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD11	9	1.71
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD12	9	1.71
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD13	9	1.71
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD21	9	1.71
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD22	9	1.71
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD23	9	1.71
(4,756)	1:80:A:ILE:HG21	1:127:A:ASN:HD21	13	1.71
(4,756)	1:80:A:ILE:HG22	1:127:A:ASN:HD21	13	1.71
(4,756)	1:80:A:ILE:HG23	1:127:A:ASN:HD21	13	1.71
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE21	19	1.71
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE22	19	1.71
(4,653)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HE1	18	1.71
(4,653)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HE2	18	1.71
(4,632)	1:82:A:PHE:HD1	1:100:A:SER:H	11	1.71
(4,632)	1:82:A:PHE:HD2	1:100:A:SER:H	11	1.71
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD1	2	1.71
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD2	2	1.71
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD21	17	1.71
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD22	17	1.71
(4,497)	1:29:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD21	8	1.71
(4,313)	1:79:A:VAL:HG11	1:179:A:GLU:H	1	1.71
(4,313)	1:79:A:VAL:HG12	1:179:A:GLU:H	1	1.71
(4,313)	1:79:A:VAL:HG13	1:179:A:GLU:H	1	1.71
(4,277)	1:82:A:PHE:HE1	1:99:A:LEU:H	9	1.71
(4,277)	1:82:A:PHE:HE2	1:99:A:LEU:H	9	1.71
(4,248)	1:8:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	19	1.71
(4,248)	1:8:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	19	1.71
(4,248)	1:8:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	19	1.71
(4,248)	1:8:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	19	1.71
(4,248)	1:8:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	19	1.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,248)	1:8:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	19	1.71
(4,59)	1:20:A:ASN:HD21	1:24:A:LYS:H	18	1.71
(2,512)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	12	1.71
(2,29)	1:102:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	15	1.71
(1,578)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	10	1.71
(1,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	3	1.71
(1,455)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	19	1.71
(1,227)	1:158:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	6	1.71
(1,179)	1:57:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	1	1.71
(1,170)	1:86:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	18	1.71
(1,97)	1:218:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	20	1.71
(1,83)	1:36:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	18	1.71
(5,642)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	11	1.7
(5,506)	1:5:A:ASN:ND2	1:20:A:ASN:H	19	1.7
(5,429)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	15	1.7
(5,393)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	11	1.7
(5,363)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	1	1.7
(5,107)	1:140:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	14	1.7
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HA	6	1.7
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HA	6	1.7
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	18	1.7
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	18	1.7
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	18	1.7
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	18	1.7
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	18	1.7
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	18	1.7
(4,4069)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:H	19	1.7
(4,4053)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HG	19	1.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HB2	14	1.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HB3	14	1.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HB2	14	1.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HB3	14	1.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HB2	14	1.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HB3	14	1.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HB2	14	1.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HB3	14	1.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HB2	14	1.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HB3	14	1.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HB2	14	1.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HB3	14	1.7
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HG3	10	1.7
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HG3	10	1.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HG3	10	1.7
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD21	12	1.7
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD22	12	1.7
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	15	1.7
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	15	1.7
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	15	1.7
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	15	1.7
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	15	1.7
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	15	1.7
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG21	7	1.7
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG22	7	1.7
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG23	7	1.7
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB2	17	1.7
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB3	17	1.7
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD11	2	1.7
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD12	2	1.7
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD13	2	1.7
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD21	2	1.7
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD22	2	1.7
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD23	2	1.7
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB2	13	1.7
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB3	13	1.7
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB2	13	1.7
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB3	13	1.7
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB2	13	1.7
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB3	13	1.7
(4,3525)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG11	12	1.7
(4,3525)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG12	12	1.7
(4,3525)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG13	12	1.7
(4,3389)	1:81:A:TRP:HZ2	1:186:A:SER:H	5	1.7
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG21	19	1.7
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG22	19	1.7
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG23	19	1.7
(4,2795)	1:119:A:GLN:HE21	1:127:A:ASN:H	7	1.7
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE1	1:95:A:ILE:H	6	1.7
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE2	1:95:A:ILE:H	6	1.7
(4,2489)	1:152:A:GLY:H	1:154:A:SER:H	13	1.7
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD11	19	1.7
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD12	19	1.7
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD13	19	1.7
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD11	19	1.7
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD12	19	1.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD13	19	1.7
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD11	19	1.7
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD12	19	1.7
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD13	19	1.7
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD11	19	1.7
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD12	19	1.7
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD13	19	1.7
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD11	19	1.7
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD12	19	1.7
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD13	19	1.7
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD11	19	1.7
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD12	19	1.7
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD13	19	1.7
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	1	1.7
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	1	1.7
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	1	1.7
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	1	1.7
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	1	1.7
(4,2167)	1:8:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	1	1.7
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD1	5	1.7
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD2	5	1.7
(4,2162)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	19	1.7
(4,2086)	1:61:A:ILE:HB	1:164:A:ASN:HD21	6	1.7
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG11	14	1.7
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG12	14	1.7
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG13	14	1.7
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG11	14	1.7
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG12	14	1.7
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG13	14	1.7
(4,2007)	1:68:A:SER:H	1:70:A:SER:H	7	1.7
(4,1946)	1:69:A:THR:HG21	1:71:A:GLN:H	17	1.7
(4,1946)	1:69:A:THR:HG22	1:71:A:GLN:H	17	1.7
(4,1946)	1:69:A:THR:HG23	1:71:A:GLN:H	17	1.7
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:H	8	1.7
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:H	8	1.7
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:H	8	1.7
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG12	10	1.7
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG13	10	1.7
(4,1723)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE1	20	1.7
(4,1437)	1:58:A:LEU:HG	1:228:A:MET:HA	15	1.7
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD11	9	1.7
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD12	9	1.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD13	9	1.7
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD11	9	1.7
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD12	9	1.7
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD13	9	1.7
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE21	12	1.7
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE21	12	1.7
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD21	19	1.7
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD22	19	1.7
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD23	19	1.7
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD11	10	1.7
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD12	10	1.7
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD13	10	1.7
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD21	10	1.7
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD22	10	1.7
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD23	10	1.7
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD11	10	1.7
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD12	10	1.7
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD13	10	1.7
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD21	10	1.7
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD22	10	1.7
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD23	10	1.7
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD11	10	1.7
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD12	10	1.7
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD13	10	1.7
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD21	10	1.7
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD22	10	1.7
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD23	10	1.7
(4,1030)	1:31:A:TRP:HE3	1:233:A:PRO:HD2	17	1.7
(4,1030)	1:31:A:TRP:HE3	1:233:A:PRO:HD3	17	1.7
(4,874)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:H	2	1.7
(4,874)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:H	2	1.7
(4,874)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:H	2	1.7
(4,786)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:H	4	1.7
(4,786)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:H	4	1.7
(4,777)	1:74:A:THR:HB	1:76:A:SER:HA	18	1.7
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD11	11	1.7
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD12	11	1.7
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD13	11	1.7
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD21	11	1.7
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD22	11	1.7
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD23	11	1.7
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD11	11	1.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD12	11	1.7
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD13	11	1.7
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD21	11	1.7
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD22	11	1.7
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD23	11	1.7
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD11	11	1.7
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD12	11	1.7
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD13	11	1.7
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD21	11	1.7
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD22	11	1.7
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD23	11	1.7
(4,538)	1:81:A:TRP:HE1	1:182:A:GLY:HA2	7	1.7
(4,37)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:CD2	15	1.7
(4,37)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:CD2	15	1.7
(4,37)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:CD2	15	1.7
(2,287)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:ND2	11	1.7
(5,823)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	4	1.69
(5,679)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	1	1.69
(5,671)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	8	1.69
(5,597)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	11	1.69
(5,312)	1:149:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	20	1.69
(5,73)	1:89:A:ALA:H	1:104:A:SER:OG	12	1.69
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG11	7	1.69
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG12	7	1.69
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG13	7	1.69
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB2	13	1.69
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB3	13	1.69
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB2	13	1.69
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB3	13	1.69
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB2	13	1.69
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB3	13	1.69
(4,4235)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:H	19	1.69
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG2	17	1.69
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG3	17	1.69
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG2	17	1.69
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG3	17	1.69
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG2	17	1.69
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG3	17	1.69
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG12	1:214:A:TYR:HD1	17	1.69
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG12	1:214:A:TYR:HD2	17	1.69
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG13	1:214:A:TYR:HD1	17	1.69
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG13	1:214:A:TYR:HD2	17	1.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD11	18	1.69
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD12	18	1.69
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD13	18	1.69
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD21	18	1.69
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD22	18	1.69
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD23	18	1.69
(4,4046)	1:38:A:SER:H	1:39:A:LEU:HG	14	1.69
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD11	1:111:A:ASP:H	15	1.69
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD12	1:111:A:ASP:H	15	1.69
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD13	1:111:A:ASP:H	15	1.69
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB2	12	1.69
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB3	12	1.69
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD21	15	1.69
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD22	15	1.69
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD21	15	1.69
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD22	15	1.69
(4,3863)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE22	12	1.69
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD21	16	1.69
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD22	16	1.69
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:HD21	3	1.69
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:HD22	3	1.69
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:HD21	3	1.69
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:HD22	3	1.69
(4,3713)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HA	2	1.69
(4,3713)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HA	2	1.69
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	17	1.69
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	17	1.69
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	17	1.69
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	17	1.69
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	17	1.69
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	17	1.69
(4,3587)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:H	8	1.69
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD21	4	1.69
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD22	4	1.69
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD23	4	1.69
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD21	8	1.69
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD21	8	1.69
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD21	8	1.69
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD21	8	1.69
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD21	8	1.69
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD21	8	1.69
(4,3370)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE21	2	1.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG21	1:201:A:LEU:HB2	13	1.69
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG22	1:201:A:LEU:HB2	13	1.69
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG23	1:201:A:LEU:HB2	13	1.69
(4,3213)	1:29:A:ASN:H	1:31:A:TRP:HE1	12	1.69
(4,3127)	1:31:A:TRP:HE1	1:106:A:LEU:H	13	1.69
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD11	1:119:A:GLN:HE21	8	1.69
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD12	1:119:A:GLN:HE21	8	1.69
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD13	1:119:A:GLN:HE21	8	1.69
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:HE21	8	1.69
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:HE21	8	1.69
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:HE21	8	1.69
(4,3032)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE22	15	1.69
(4,2764)	1:119:A:GLN:HE22	1:134:A:THR:H	11	1.69
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	11	1.69
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	11	1.69
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	18	1.69
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	18	1.69
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	18	1.69
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG2	1:177:A:ILE:H	3	1.69
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG3	1:177:A:ILE:H	3	1.69
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:H	5	1.69
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:H	5	1.69
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG2	13	1.69
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG3	13	1.69
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG2	13	1.69
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG3	13	1.69
(4,2306)	1:89:A:ALA:H	1:142:A:ILE:HD11	19	1.69
(4,2306)	1:89:A:ALA:H	1:142:A:ILE:HD12	19	1.69
(4,2306)	1:89:A:ALA:H	1:142:A:ILE:HD13	19	1.69
(4,2289)	1:82:A:PHE:HZ	1:97:A:HIS:H	18	1.69
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HE1	19	1.69
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HE2	19	1.69
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HE1	19	1.69
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HE2	19	1.69
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HE1	19	1.69
(4,2221)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HE2	19	1.69
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:H	19	1.69
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:H	19	1.69
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:H	19	1.69
(4,2007)	1:68:A:SER:H	1:70:A:SER:H	12	1.69
(4,1967)	1:83:A:LYS:HG2	1:85:A:SER:HA	2	1.69
(4,1910)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD21	10	1.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1723)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE1	5	1.69
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:H	12	1.69
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:H	12	1.69
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:H	12	1.69
(4,1483)	1:28:A:LYS:HB2	1:31:A:TRP:HE1	15	1.69
(4,1392)	1:178:A:PHE:HA	1:189:A:LEU:H	13	1.69
(4,1292)	1:98:A:SER:HB2	1:102:A:ASN:HD21	20	1.69
(4,1292)	1:98:A:SER:HB2	1:102:A:ASN:HD22	20	1.69
(4,1292)	1:98:A:SER:HB3	1:102:A:ASN:HD21	20	1.69
(4,1292)	1:98:A:SER:HB3	1:102:A:ASN:HD22	20	1.69
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG11	1:20:A:ASN:HD21	7	1.69
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG12	1:20:A:ASN:HD21	7	1.69
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG13	1:20:A:ASN:HD21	7	1.69
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG21	4	1.69
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG22	4	1.69
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG23	4	1.69
(4,956)	1:100:A:SER:HB2	1:103:A:GLN:HE21	18	1.69
(4,956)	1:100:A:SER:HB2	1:103:A:GLN:HE22	18	1.69
(4,956)	1:100:A:SER:HB3	1:103:A:GLN:HE21	18	1.69
(4,956)	1:100:A:SER:HB3	1:103:A:GLN:HE22	18	1.69
(4,941)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:H	3	1.69
(4,941)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:H	3	1.69
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG11	3	1.69
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG12	3	1.69
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG13	3	1.69
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG21	3	1.69
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG22	3	1.69
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG23	3	1.69
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG11	3	1.69
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG12	3	1.69
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG13	3	1.69
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG21	3	1.69
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG22	3	1.69
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG23	3	1.69
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG11	3	1.69
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG12	3	1.69
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG13	3	1.69
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG21	3	1.69
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG22	3	1.69
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG23	3	1.69
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD11	13	1.69
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD12	13	1.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD13	13	1.69
(4,616)	1:61:A:ILE:HA	1:214:A:TYR:HD1	11	1.69
(4,616)	1:61:A:ILE:HA	1:214:A:TYR:HD2	11	1.69
(4,262)	1:56:A:VAL:HG11	1:169:A:THR:HA	7	1.69
(4,262)	1:56:A:VAL:HG12	1:169:A:THR:HA	7	1.69
(4,262)	1:56:A:VAL:HG13	1:169:A:THR:HA	7	1.69
(4,251)	1:28:A:LYS:HB3	1:29:A:ASN:HD21	14	1.69
(4,211)	1:83:A:LYS:HD2	1:86:A:VAL:H	3	1.69
(4,211)	1:83:A:LYS:HD3	1:86:A:VAL:H	3	1.69
(4,150)	1:39:A:LEU:HA	1:44:A:LEU:HG	10	1.69
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD1	13	1.69
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD2	13	1.69
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD1	13	1.69
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD2	13	1.69
(2,638)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	15	1.69
(2,512)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	11	1.69
(2,189)	1:140:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	17	1.69
(1,485)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	17	1.69
(1,219)	1:183:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	17	1.69
(1,153)	1:212:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	17	1.69
(1,111)	1:82:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	6	1.69
(5,829)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	15	1.68
(5,772)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	4	1.68
(5,724)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	14	1.68
(5,707)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	2	1.68
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG2	4	1.68
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG3	4	1.68
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG2	4	1.68
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG3	4	1.68
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG2	4	1.68
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG3	4	1.68
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD11	16	1.68
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD12	16	1.68
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD13	16	1.68
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	2	1.68
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	2	1.68
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	2	1.68
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	2	1.68
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	2	1.68
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	2	1.68
(4,3937)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE21	3	1.68
(4,3679)	1:22:A:ALA:H	1:24:A:LYS:HG2	12	1.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3679)	1:22:A:ALA:H	1:24:A:LYS:HG3	12	1.68
(4,3587)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:H	1	1.68
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD21	18	1.68
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD22	18	1.68
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD23	18	1.68
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD21	9	1.68
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD21	9	1.68
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD21	9	1.68
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD21	9	1.68
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD21	9	1.68
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD21	9	1.68
(4,3396)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HG	14	1.68
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG11	20	1.68
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG12	20	1.68
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG13	20	1.68
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG21	20	1.68
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG22	20	1.68
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG23	20	1.68
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD11	9	1.68
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD12	9	1.68
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD13	9	1.68
(4,3163)	1:31:A:TRP:HE3	1:234:A:ASN:H	2	1.68
(4,3163)	1:31:A:TRP:HE3	1:234:A:ASN:H	14	1.68
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD21	16	1.68
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD22	16	1.68
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD23	16	1.68
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD21	8	1.68
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD22	8	1.68
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD21	8	1.68
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD22	8	1.68
(4,2849)	1:55:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:CG1	17	1.68
(4,2849)	1:55:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:CG1	17	1.68
(4,2849)	1:55:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:CG1	17	1.68
(4,2792)	1:88:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HD11	19	1.68
(4,2792)	1:88:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HD12	19	1.68
(4,2792)	1:88:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HD13	19	1.68
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD21	1:221:A:GLU:HG2	15	1.68
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD21	1:221:A:GLU:HG3	15	1.68
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:HG2	15	1.68
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:HG3	15	1.68
(4,2489)	1:152:A:GLY:H	1:154:A:SER:H	1	1.68
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB2	19	1.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB3	19	1.68
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:H	10	1.68
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:H	10	1.68
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:H	10	1.68
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:H	10	1.68
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:H	10	1.68
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:H	10	1.68
(4,2329)	1:39:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	3	1.68
(4,2329)	1:39:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	3	1.68
(4,2329)	1:39:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	3	1.68
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:H	19	1.68
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:H	19	1.68
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:H	19	1.68
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD21	16	1.68
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD22	16	1.68
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD23	16	1.68
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	3	1.68
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	3	1.68
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	3	1.68
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD11	4	1.68
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD12	4	1.68
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD13	4	1.68
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD21	4	1.68
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD22	4	1.68
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD23	4	1.68
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD11	4	1.68
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD12	4	1.68
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD13	4	1.68
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD21	4	1.68
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD22	4	1.68
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD23	4	1.68
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD21	9	1.68
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD22	9	1.68
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD23	9	1.68
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD21	9	1.68
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD22	9	1.68
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD23	9	1.68
(4,1992)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HB3	6	1.68
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG21	3	1.68
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG22	3	1.68
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG23	3	1.68
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG21	3	1.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG22	3	1.68
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG23	3	1.68
(4,1955)	1:72:A:GLN:HB2	1:74:A:THR:H	13	1.68
(4,1910)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD21	6	1.68
(4,1910)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD21	13	1.68
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE1	1:210:A:ARG:HB2	19	1.68
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE1	1:210:A:ARG:HB3	19	1.68
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE2	1:210:A:ARG:HB2	19	1.68
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE2	1:210:A:ARG:HB3	19	1.68
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD11	17	1.68
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD12	17	1.68
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD13	17	1.68
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	16	1.68
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	16	1.68
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	16	1.68
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD21	4	1.68
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD22	4	1.68
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD23	4	1.68
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD21	4	1.68
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD22	4	1.68
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD23	4	1.68
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG2	16	1.68
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG3	16	1.68
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG21	3	1.68
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG22	3	1.68
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG23	3	1.68
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG21	3	1.68
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG22	3	1.68
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG23	3	1.68
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG21	3	1.68
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG22	3	1.68
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG23	3	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD11	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD12	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD13	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD21	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD22	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD23	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD11	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD12	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD13	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD21	15	1.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD22	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD23	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD11	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD12	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD13	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD21	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD22	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD23	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD11	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD12	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD13	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD21	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD22	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD23	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD11	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD12	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD13	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD21	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD22	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD23	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD11	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD12	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD13	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD21	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD22	15	1.68
(4,1001)	1:8:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD23	15	1.68
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD21	9	1.68
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD22	9	1.68
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD11	14	1.68
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD12	14	1.68
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD13	14	1.68
(4,703)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:CG2	1	1.68
(4,703)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:CG2	1	1.68
(4,703)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:CG2	1	1.68
(4,703)	1:206:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:CG2	1	1.68
(4,703)	1:206:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:CG2	1	1.68
(4,703)	1:206:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:CG2	1	1.68
(4,675)	1:3:A:GLY:H	1:5:A:ASN:H	6	1.68
(4,665)	1:168:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	18	1.68
(4,665)	1:168:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	18	1.68
(4,665)	1:168:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	18	1.68
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD11	20	1.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD12	20	1.68
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD13	20	1.68
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD21	20	1.68
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD22	20	1.68
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD23	20	1.68
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD11	20	1.68
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD12	20	1.68
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD13	20	1.68
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD21	20	1.68
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD22	20	1.68
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD23	20	1.68
(4,199)	1:66:A:LYS:H	1:68:A:SER:H	10	1.68
(4,174)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	2	1.68
(4,42)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE22	15	1.68
(4,42)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE22	15	1.68
(4,42)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE22	15	1.68
(4,42)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE22	15	1.68
(4,42)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE22	15	1.68
(4,42)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE22	15	1.68
(2,366)	1:9:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	12	1.68
(1,609)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	17	1.68
(1,606)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	5	1.68
(1,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	10	1.68
(1,457)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	13	1.68
(1,216)	1:171:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	9	1.68
(1,113)	1:182:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	17	1.68
(5,776)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	5	1.67
(5,723)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	18	1.67
(5,489)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	20	1.67
(5,383)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	15	1.67
(5,23)	1:13:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	12	1.67
(5,14)	1:87:A:LYS:H	1:104:A:SER:OG	14	1.67
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG11	1:230:A:GLY:H	6	1.67
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG12	1:230:A:GLY:H	6	1.67
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG13	1:230:A:GLY:H	6	1.67
(4,4218)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD22	19	1.67
(4,4034)	1:76:A:SER:H	1:78:A:ASP:H	7	1.67
(4,4034)	1:76:A:SER:H	1:78:A:ASP:H	17	1.67
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HB	10	1.67
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HB	10	1.67
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG21	6	1.67
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG22	6	1.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG23	6	1.67
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG21	6	1.67
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG22	6	1.67
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG23	6	1.67
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB2	8	1.67
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB3	8	1.67
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB2	8	1.67
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB3	8	1.67
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB2	8	1.67
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB3	8	1.67
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD22	11	1.67
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD22	11	1.67
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD22	11	1.67
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD22	11	1.67
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD22	11	1.67
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD22	11	1.67
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG21	1	1.67
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG22	1	1.67
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG23	1	1.67
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG2	1:125:A:SER:H	20	1.67
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG3	1:125:A:SER:H	20	1.67
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE1	11	1.67
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE2	11	1.67
(4,3127)	1:31:A:TRP:HE1	1:106:A:LEU:H	20	1.67
(4,2885)	1:119:A:GLN:HE22	1:133:A:THR:H	5	1.67
(4,2643)	1:136:A:GLN:HE21	1:137:A:PHE:HA	3	1.67
(4,2643)	1:136:A:GLN:HE22	1:137:A:PHE:HA	3	1.67
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:H	7	1.67
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:H	7	1.67
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:H	7	1.67
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:H	8	1.67
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:H	8	1.67
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:H	8	1.67
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG2	7	1.67
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG3	7	1.67
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG2	7	1.67
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG3	7	1.67
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HG	5	1.67
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HG	5	1.67
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HG	5	1.67
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HG	5	1.67
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HG	5	1.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HG	5	1.67
(4,2263)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:H	18	1.67
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:HB2	2	1.67
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:HB3	2	1.67
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:HB2	2	1.67
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:HB3	2	1.67
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:HB2	2	1.67
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:HB3	2	1.67
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:H	15	1.67
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:H	15	1.67
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:H	15	1.67
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG12	14	1.67
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG13	14	1.67
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG12	14	1.67
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG13	14	1.67
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG12	14	1.67
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG13	14	1.67
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG12	14	1.67
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG13	14	1.67
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG12	14	1.67
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG13	14	1.67
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG12	14	1.67
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG13	14	1.67
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE1	15	1.67
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE2	15	1.67
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE1	15	1.67
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE2	15	1.67
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE1	15	1.67
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE2	15	1.67
(4,1992)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HB3	15	1.67
(4,1910)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD21	9	1.67
(4,1910)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD21	20	1.67
(4,1805)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HA	8	1.67
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:CG1	5	1.67
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:CG1	5	1.67
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:CG1	5	1.67
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD11	15	1.67
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD12	15	1.67
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD13	15	1.67
(4,1573)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB3	11	1.67
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB2	18	1.67
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB3	18	1.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1515)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HA	2	1.67
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD1	15	1.67
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD2	15	1.67
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD1	15	1.67
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD2	15	1.67
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	3	1.67
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	3	1.67
(4,1112)	1:81:A:TRP:HZ2	1:181:A:ASP:H	4	1.67
(4,1107)	1:57:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HD1	9	1.67
(4,1107)	1:57:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HD2	9	1.67
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD11	8	1.67
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD12	8	1.67
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD13	8	1.67
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG21	1:145:A:ASN:HD22	13	1.67
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG22	1:145:A:ASN:HD22	13	1.67
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG23	1:145:A:ASN:HD22	13	1.67
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB2	4	1.67
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB3	4	1.67
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB2	4	1.67
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB3	4	1.67
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB2	20	1.67
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB3	20	1.67
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB2	20	1.67
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB3	20	1.67
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG21	20	1.67
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG22	20	1.67
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG23	20	1.67
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG21	20	1.67
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG22	20	1.67
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG23	20	1.67
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG21	20	1.67
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG22	20	1.67
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG23	20	1.67
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	16	1.67
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	16	1.67
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	16	1.67
(4,313)	1:79:A:VAL:HG11	1:179:A:GLU:H	13	1.67
(4,313)	1:79:A:VAL:HG12	1:179:A:GLU:H	13	1.67
(4,313)	1:79:A:VAL:HG13	1:179:A:GLU:H	13	1.67
(4,295)	1:138:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:CD1	2	1.67
(4,295)	1:138:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:CD1	2	1.67
(4,295)	1:138:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:CD1	2	1.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,295)	1:138:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:CD1	2	1.67
(4,295)	1:138:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:CD1	2	1.67
(4,295)	1:138:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:CD1	2	1.67
(4,251)	1:28:A:LYS:HB3	1:29:A:ASN:HD21	2	1.67
(4,251)	1:28:A:LYS:HB3	1:29:A:ASN:HD21	11	1.67
(4,183)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:HG12	4	1.67
(4,183)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:HG13	4	1.67
(4,183)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:HG12	4	1.67
(4,183)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:HG13	4	1.67
(4,183)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:HG12	4	1.67
(4,183)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:HG13	4	1.67
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD21	19	1.67
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD22	19	1.67
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD23	19	1.67
(4,33)	1:72:A:GLN:HG2	1:74:A:THR:H	2	1.67
(4,33)	1:72:A:GLN:HG3	1:74:A:THR:H	2	1.67
(2,636)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	19	1.67
(2,514)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	7	1.67
(1,461)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	15	1.67
(1,266)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	6	1.67
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD11	7	1.66
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD12	7	1.66
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD13	7	1.66
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD21	7	1.66
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD22	7	1.66
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD23	7	1.66
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD21	4	1.66
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD22	4	1.66
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE1	1:152:A:GLY:H	12	1.66
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE2	1:152:A:GLY:H	12	1.66
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:H	13	1.66
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:H	13	1.66
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:H	13	1.66
(4,3779)	1:31:A:TRP:HE1	1:233:A:PRO:HA	9	1.66
(4,3779)	1:31:A:TRP:HE1	1:233:A:PRO:HA	10	1.66
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD11	1:94:A:ALA:HB1	8	1.66
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD11	1:94:A:ALA:HB2	8	1.66
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD11	1:94:A:ALA:HB3	8	1.66
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD12	1:94:A:ALA:HB1	8	1.66
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD12	1:94:A:ALA:HB2	8	1.66
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD12	1:94:A:ALA:HB3	8	1.66
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD13	1:94:A:ALA:HB1	8	1.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD13	1:94:A:ALA:HB2	8	1.66
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD13	1:94:A:ALA:HB3	8	1.66
(4,3713)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HA	4	1.66
(4,3713)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HA	4	1.66
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE1	5	1.66
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE2	5	1.66
(4,3560)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HA	19	1.66
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	4	1.66
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	4	1.66
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	4	1.66
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	4	1.66
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	4	1.66
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	4	1.66
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:CG2	16	1.66
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:CG2	16	1.66
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:CG2	16	1.66
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG21	1:179:A:GLU:H	7	1.66
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG22	1:179:A:GLU:H	7	1.66
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG23	1:179:A:GLU:H	7	1.66
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG2	15	1.66
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG3	15	1.66
(4,2814)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE21	13	1.66
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB2	4	1.66
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB3	4	1.66
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB2	4	1.66
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB3	4	1.66
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB2	4	1.66
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB3	4	1.66
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	4	1.66
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	4	1.66
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	4	1.66
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD21	18	1.66
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD22	18	1.66
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD23	18	1.66
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD11	1:200:A:ASP:H	16	1.66
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD12	1:200:A:ASP:H	16	1.66
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD13	1:200:A:ASP:H	16	1.66
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD21	1:200:A:ASP:H	16	1.66
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD22	1:200:A:ASP:H	16	1.66
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD23	1:200:A:ASP:H	16	1.66
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE1	1:231:A:LEU:H	16	1.66
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE2	1:231:A:LEU:H	16	1.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE21	9	1.66
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE22	9	1.66
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	12	1.66
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	12	1.66
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:H	2	1.66
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:H	2	1.66
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:H	7	1.66
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:H	7	1.66
(4,2110)	1:57:A:LEU:HD21	1:214:A:TYR:HD1	19	1.66
(4,2110)	1:57:A:LEU:HD21	1:214:A:TYR:HD2	19	1.66
(4,2110)	1:57:A:LEU:HD22	1:214:A:TYR:HD1	19	1.66
(4,2110)	1:57:A:LEU:HD22	1:214:A:TYR:HD2	19	1.66
(4,2110)	1:57:A:LEU:HD23	1:214:A:TYR:HD1	19	1.66
(4,2110)	1:57:A:LEU:HD23	1:214:A:TYR:HD2	19	1.66
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB2	13	1.66
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB3	13	1.66
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB2	13	1.66
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB3	13	1.66
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB2	13	1.66
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB3	13	1.66
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD21	1	1.66
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD22	1	1.66
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD23	1	1.66
(4,1910)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD21	5	1.66
(4,1910)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD21	17	1.66
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:H	18	1.66
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:H	18	1.66
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:H	18	1.66
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD11	16	1.66
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD12	16	1.66
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD13	16	1.66
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HA	6	1.66
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HA	6	1.66
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HA	6	1.66
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD1	1:85:A:SER:H	17	1.66
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD2	1:85:A:SER:H	17	1.66
(4,896)	1:82:A:PHE:HE1	1:127:A:ASN:H	17	1.66
(4,896)	1:82:A:PHE:HE2	1:127:A:ASN:H	17	1.66
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD21	6	1.66
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD22	6	1.66
(4,755)	1:16:A:GLU:H	1:34:A:PHE:HA	1	1.66
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE21	13	1.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE22	13	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG11	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG12	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG13	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG21	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG22	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG23	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG11	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG12	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG13	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG21	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG22	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG23	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG11	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG12	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG13	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG21	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG22	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG23	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG11	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG12	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG13	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG21	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG22	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG23	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG11	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG12	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG13	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG21	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG22	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG23	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG11	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG12	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG13	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG21	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG22	10	1.66
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG23	10	1.66
(1,449)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	6	1.66
(1,407)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	13	1.66
(1,362)	1:5:A:ASN:ND2	1:202:A:ILE:H	17	1.66
(5,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	19	1.65
(4,4072)	1:11:A:ILE:HG21	1:13:A:SER:H	15	1.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4072)	1:11:A:ILE:HG22	1:13:A:SER:H	15	1.65
(4,4072)	1:11:A:ILE:HG23	1:13:A:SER:H	15	1.65
(4,4053)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HG	7	1.65
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD1	1	1.65
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD2	1	1.65
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD11	18	1.65
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD12	18	1.65
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD13	18	1.65
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:H	6	1.65
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:H	6	1.65
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:H	6	1.65
(4,3762)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:H	8	1.65
(4,3737)	1:36:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HB2	20	1.65
(4,3737)	1:36:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HB2	20	1.65
(4,3737)	1:36:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HB2	20	1.65
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	17	1.65
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	17	1.65
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:H	5	1.65
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:H	5	1.65
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD21	12	1.65
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD21	12	1.65
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD21	12	1.65
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD21	12	1.65
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD21	12	1.65
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD21	12	1.65
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD11	8	1.65
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD12	8	1.65
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD13	8	1.65
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD21	8	1.65
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD22	8	1.65
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD23	8	1.65
(4,3400)	1:234:A:ASN:HD22	1:236:A:GLU:H	11	1.65
(4,3389)	1:81:A:TRP:HZ2	1:186:A:SER:H	10	1.65
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD21	6	1.65
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD22	6	1.65
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD23	6	1.65
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG21	1:139:A:LEU:CD1	20	1.65
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG22	1:139:A:LEU:CD1	20	1.65
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG23	1:139:A:LEU:CD1	20	1.65
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HB3	14	1.65
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HB3	14	1.65
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HB3	14	1.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2838)	1:73:A:ILE:H	1:75:A:SER:H	1	1.65
(4,2821)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HE1	10	1.65
(4,2575)	1:19:A:THR:HG21	1:235:A:TRP:H	3	1.65
(4,2575)	1:19:A:THR:HG22	1:235:A:TRP:H	3	1.65
(4,2575)	1:19:A:THR:HG23	1:235:A:TRP:H	3	1.65
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD11	14	1.65
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD12	14	1.65
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD13	14	1.65
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD21	14	1.65
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD22	14	1.65
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD23	14	1.65
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD11	1:120:A:SER:H	10	1.65
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD12	1:120:A:SER:H	10	1.65
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD13	1:120:A:SER:H	10	1.65
(4,2341)	1:32:A:ALA:H	1:231:A:LEU:HD21	5	1.65
(4,2341)	1:32:A:ALA:H	1:231:A:LEU:HD22	5	1.65
(4,2341)	1:32:A:ALA:H	1:231:A:LEU:HD23	5	1.65
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:H	12	1.65
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:H	12	1.65
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:H	12	1.65
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD21	19	1.65
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD22	19	1.65
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD21	19	1.65
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD22	19	1.65
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD21	19	1.65
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD22	19	1.65
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD21	19	1.65
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD22	19	1.65
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD21	19	1.65
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD22	19	1.65
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD21	19	1.65
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD22	19	1.65
(4,1910)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD21	3	1.65
(4,1800)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD21	20	1.65
(4,1771)	1:72:A:GLN:HB3	1:74:A:THR:H	3	1.65
(4,1720)	1:5:A:ASN:H	1:7:A:ALA:H	12	1.65
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD1	1:84:A:GLN:H	6	1.65
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD2	1:84:A:GLN:H	6	1.65
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE1	1:49:A:PRO:HG2	1	1.65
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE1	1:49:A:PRO:HG3	1	1.65
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE2	1:49:A:PRO:HG2	1	1.65
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE2	1:49:A:PRO:HG3	1	1.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1448)	1:54:A:ALA:H	1:102:A:ASN:HD21	12	1.65
(4,1448)	1:54:A:ALA:H	1:102:A:ASN:HD22	12	1.65
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB2	13	1.65
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB2	13	1.65
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB2	13	1.65
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:H	4	1.65
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:H	4	1.65
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:H	4	1.65
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG21	4	1.65
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG22	4	1.65
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG23	4	1.65
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG21	4	1.65
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG22	4	1.65
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG23	4	1.65
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD11	19	1.65
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD12	19	1.65
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD13	19	1.65
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD21	19	1.65
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD22	19	1.65
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD23	19	1.65
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD11	19	1.65
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD12	19	1.65
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD13	19	1.65
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD21	19	1.65
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD22	19	1.65
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD23	19	1.65
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD11	19	1.65
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD12	19	1.65
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD13	19	1.65
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD21	19	1.65
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD22	19	1.65
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD23	19	1.65
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG21	1:145:A:ASN:HD22	7	1.65
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG22	1:145:A:ASN:HD22	7	1.65
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG23	1:145:A:ASN:HD22	7	1.65
(4,1022)	1:30:A:GLU:H	1:31:A:TRP:HE1	4	1.65
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD21	14	1.65
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD22	14	1.65
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD23	14	1.65
(4,691)	1:52:A:VAL:HG21	1:55:A:ILE:CD1	1	1.65
(4,691)	1:52:A:VAL:HG22	1:55:A:ILE:CD1	1	1.65
(4,691)	1:52:A:VAL:HG23	1:55:A:ILE:CD1	1	1.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,632)	1:82:A:PHE:HD1	1:100:A:SER:H	3	1.65
(4,632)	1:82:A:PHE:HD2	1:100:A:SER:H	3	1.65
(4,632)	1:82:A:PHE:HD1	1:100:A:SER:H	10	1.65
(4,632)	1:82:A:PHE:HD2	1:100:A:SER:H	10	1.65
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD11	10	1.65
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD12	10	1.65
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD13	10	1.65
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD21	10	1.65
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD22	10	1.65
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD23	10	1.65
(4,370)	1:216:A:GLU:HG2	1:217:A:ASN:HD21	13	1.65
(4,370)	1:216:A:GLU:HG2	1:217:A:ASN:HD22	13	1.65
(4,370)	1:216:A:GLU:HG3	1:217:A:ASN:HD21	13	1.65
(4,370)	1:216:A:GLU:HG3	1:217:A:ASN:HD22	13	1.65
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD21	3	1.65
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD22	3	1.65
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD23	3	1.65
(4,174)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	1	1.65
(4,80)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:CD2	11	1.65
(4,80)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:CD2	11	1.65
(4,80)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:CD2	11	1.65
(4,80)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:CD2	11	1.65
(4,80)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:CD2	11	1.65
(4,80)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:CD2	11	1.65
(2,189)	1:140:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	7	1.65
(1,533)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	9	1.65
(1,209)	1:21:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	2	1.65
(1,179)	1:57:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	15	1.65
(1,97)	1:218:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	12	1.65
(1,74)	1:221:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	1	1.65
(5,605)	1:5:A:ASN:ND2	1:198:A:ALA:H	6	1.64
(5,547)	1:5:A:ASN:ND2	1:154:A:SER:H	11	1.64
(5,486)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	8	1.64
(5,425)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	19	1.64
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD1	6	1.64
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD2	6	1.64
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD1	6	1.64
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD2	6	1.64
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD1	6	1.64
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD2	6	1.64
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD2	1	1.64
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD3	1	1.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4081)	1:168:A:ILE:H	1:169:A:THR:HG1	3	1.64
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	7	1.64
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	7	1.64
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD11	1:111:A:ASP:H	9	1.64
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD12	1:111:A:ASP:H	9	1.64
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD13	1:111:A:ASP:H	9	1.64
(4,3779)	1:31:A:TRP:HE1	1:233:A:PRO:HA	12	1.64
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE1	1:230:A:GLY:H	14	1.64
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE2	1:230:A:GLY:H	14	1.64
(4,3730)	1:29:A:ASN:HB3	1:30:A:GLU:HG2	2	1.64
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB2	1:172:A:GLU:H	18	1.64
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB3	1:172:A:GLU:H	18	1.64
(4,3679)	1:22:A:ALA:H	1:24:A:LYS:HG2	18	1.64
(4,3679)	1:22:A:ALA:H	1:24:A:LYS:HG3	18	1.64
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	18	1.64
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	18	1.64
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB2	15	1.64
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB3	15	1.64
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB2	15	1.64
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB3	15	1.64
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB2	15	1.64
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB3	15	1.64
(4,3506)	1:61:A:ILE:CD1	1:168:A:ILE:HD11	12	1.64
(4,3506)	1:61:A:ILE:CD1	1:168:A:ILE:HD12	12	1.64
(4,3506)	1:61:A:ILE:CD1	1:168:A:ILE:HD13	12	1.64
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD21	12	1.64
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD22	12	1.64
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD21	12	1.64
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD22	12	1.64
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD21	12	1.64
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD22	12	1.64
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD21	12	1.64
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD22	12	1.64
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD21	12	1.64
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD22	12	1.64
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD21	12	1.64
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD22	12	1.64
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD21	7	1.64
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD22	7	1.64
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD23	7	1.64
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD21	7	1.64
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD22	7	1.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD23	7	1.64
(4,3203)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:H	12	1.64
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB2	1:8:A:VAL:H	2	1.64
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB3	1:8:A:VAL:H	2	1.64
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	17	1.64
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	17	1.64
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	17	1.64
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:H	11	1.64
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:H	11	1.64
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:H	11	1.64
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD11	19	1.64
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD12	19	1.64
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD13	19	1.64
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD11	19	1.64
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD12	19	1.64
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD13	19	1.64
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:H	10	1.64
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:H	10	1.64
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:H	10	1.64
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	18	1.64
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	18	1.64
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	18	1.64
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	18	1.64
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	18	1.64
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	18	1.64
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD11	2	1.64
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD12	2	1.64
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD13	2	1.64
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD21	2	1.64
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD22	2	1.64
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD23	2	1.64
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE21	13	1.64
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE22	13	1.64
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE1	20	1.64
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE2	20	1.64
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE1	20	1.64
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE2	20	1.64
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE1	20	1.64
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE2	20	1.64
(4,1910)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD21	14	1.64
(4,1771)	1:72:A:GLN:HB3	1:74:A:THR:H	10	1.64
(4,1437)	1:58:A:LEU:HG	1:228:A:MET:HA	7	1.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	12	1.64
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	12	1.64
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	12	1.64
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	12	1.64
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	12	1.64
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	12	1.64
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	4	1.64
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	4	1.64
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE1	1:180:A:LEU:H	19	1.64
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE2	1:180:A:LEU:H	19	1.64
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE2	2	1.64
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE3	2	1.64
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE2	2	1.64
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE3	2	1.64
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB1	12	1.64
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB2	12	1.64
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB3	12	1.64
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB1	12	1.64
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB2	12	1.64
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB3	12	1.64
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB1	12	1.64
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB2	12	1.64
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB3	12	1.64
(4,947)	1:177:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	1	1.64
(4,947)	1:177:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	1	1.64
(4,947)	1:177:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	1	1.64
(4,851)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE21	12	1.64
(4,851)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE21	12	1.64
(4,851)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE21	12	1.64
(4,851)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE21	12	1.64
(4,851)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE21	12	1.64
(4,851)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE21	12	1.64
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD11	2	1.64
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD12	2	1.64
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD13	2	1.64
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD21	2	1.64
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD22	2	1.64
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD23	2	1.64
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD11	2	1.64
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD12	2	1.64
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD13	2	1.64
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD21	2	1.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD22	2	1.64
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD23	2	1.64
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD11	2	1.64
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD12	2	1.64
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD13	2	1.64
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD21	2	1.64
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD22	2	1.64
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD23	2	1.64
(4,720)	1:56:A:VAL:HG11	1:169:A:THR:H	2	1.64
(4,720)	1:56:A:VAL:HG12	1:169:A:THR:H	2	1.64
(4,720)	1:56:A:VAL:HG13	1:169:A:THR:H	2	1.64
(4,647)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:H	20	1.64
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB2	10	1.64
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB3	10	1.64
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB2	10	1.64
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB3	10	1.64
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB2	10	1.64
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB3	10	1.64
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD1	5	1.64
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD2	5	1.64
(4,518)	1:120:A:SER:HA	1:123:A:SER:H	1	1.64
(4,464)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HE1	2	1.64
(4,252)	1:160:A:THR:H	1:161:A:ALA:H	18	1.64
(4,202)	1:79:A:VAL:HG21	1:81:A:TRP:H	11	1.64
(4,202)	1:79:A:VAL:HG22	1:81:A:TRP:H	11	1.64
(4,202)	1:79:A:VAL:HG23	1:81:A:TRP:H	11	1.64
(4,42)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE22	18	1.64
(4,42)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE22	18	1.64
(4,42)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE22	18	1.64
(4,42)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE22	18	1.64
(4,42)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE22	18	1.64
(4,42)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE22	18	1.64
(2,172)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	20	1.64
(1,522)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	18	1.64
(5,275)	1:40:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	5	1.63
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD1	5	1.63
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD2	5	1.63
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD1	5	1.63
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD2	5	1.63
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD1	5	1.63
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD2	5	1.63
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD1	8	1.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD2	8	1.63
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD1	8	1.63
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD2	8	1.63
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD1	8	1.63
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD2	8	1.63
(4,4218)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD22	10	1.63
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG21	17	1.63
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG22	17	1.63
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG23	17	1.63
(4,4034)	1:76:A:SER:H	1:78:A:ASP:H	20	1.63
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB2	13	1.63
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB3	13	1.63
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB2	13	1.63
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB3	13	1.63
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB2	13	1.63
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB3	13	1.63
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:H	19	1.63
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:H	19	1.63
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD11	19	1.63
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD12	19	1.63
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD13	19	1.63
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD11	19	1.63
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD12	19	1.63
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD13	19	1.63
(4,3576)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:HD21	14	1.63
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD21	17	1.63
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD21	17	1.63
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD21	17	1.63
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD21	17	1.63
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD21	17	1.63
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD21	17	1.63
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG11	1:139:A:LEU:CD1	14	1.63
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG12	1:139:A:LEU:CD1	14	1.63
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG13	1:139:A:LEU:CD1	14	1.63
(4,3344)	1:106:A:LEU:HB2	1:110:A:SER:HG	4	1.63
(4,3344)	1:106:A:LEU:HB3	1:110:A:SER:HG	4	1.63
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	8	1.63
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	8	1.63
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	8	1.63
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	8	1.63
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD1	16	1.63
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD2	16	1.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB1	15	1.63
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB2	15	1.63
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB3	15	1.63
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD11	1:110:A:SER:H	1	1.63
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD12	1:110:A:SER:H	1	1.63
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD13	1:110:A:SER:H	1	1.63
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE1	5	1.63
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE2	5	1.63
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE1	5	1.63
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE2	5	1.63
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD21	18	1.63
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD22	18	1.63
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD21	19	1.63
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD22	19	1.63
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD23	19	1.63
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD11	11	1.63
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD12	11	1.63
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD13	11	1.63
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HE1	17	1.63
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HE2	17	1.63
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HE1	17	1.63
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HE2	17	1.63
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HE1	17	1.63
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HE2	17	1.63
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD21	1:167:A:TYR:HE1	17	1.63
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD21	1:167:A:TYR:HE2	17	1.63
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD22	1:167:A:TYR:HE1	17	1.63
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD22	1:167:A:TYR:HE2	17	1.63
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD23	1:167:A:TYR:HE1	17	1.63
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD23	1:167:A:TYR:HE2	17	1.63
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HA	13	1.63
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HA	13	1.63
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HA	13	1.63
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HA	13	1.63
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HA	13	1.63
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HA	13	1.63
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD1	20	1.63
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD2	20	1.63
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD11	1:152:A:GLY:H	8	1.63
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD12	1:152:A:GLY:H	8	1.63
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD13	1:152:A:GLY:H	8	1.63
(4,1910)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD21	18	1.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1590)	1:15:A:PRO:HG2	1:34:A:PHE:HA	1	1.63
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD1	19	1.63
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD2	19	1.63
(4,1433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:H	15	1.63
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG11	7	1.63
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG12	7	1.63
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG13	7	1.63
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG21	1:58:A:LEU:H	6	1.63
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG22	1:58:A:LEU:H	6	1.63
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG23	1:58:A:LEU:H	6	1.63
(4,1239)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD21	17	1.63
(4,1239)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD22	17	1.63
(4,1239)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD23	17	1.63
(4,1239)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD21	19	1.63
(4,1239)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD22	19	1.63
(4,1239)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD23	19	1.63
(4,1045)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HB2	9	1.63
(4,1045)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HB3	9	1.63
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD11	18	1.63
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD12	18	1.63
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD13	18	1.63
(4,1007)	1:81:A:TRP:HZ2	1:82:A:PHE:H	10	1.63
(4,910)	1:78:A:ASP:H	1:174:A:ASN:HD22	9	1.63
(4,896)	1:82:A:PHE:HE1	1:127:A:ASN:H	16	1.63
(4,896)	1:82:A:PHE:HE2	1:127:A:ASN:H	16	1.63
(4,887)	1:100:A:SER:HB2	1:127:A:ASN:HA	19	1.63
(4,887)	1:100:A:SER:HB3	1:127:A:ASN:HA	19	1.63
(4,593)	1:17:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:CG2	17	1.63
(4,593)	1:17:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:CG2	17	1.63
(4,593)	1:17:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:CG2	17	1.63
(4,593)	1:17:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:CG2	17	1.63
(4,593)	1:17:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:CG2	17	1.63
(4,593)	1:17:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:CG2	17	1.63
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD21	16	1.63
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD22	16	1.63
(4,418)	1:14:A:ASN:H	1:16:A:GLU:H	6	1.63
(4,356)	1:106:A:LEU:HD21	1:110:A:SER:H	2	1.63
(4,356)	1:106:A:LEU:HD22	1:110:A:SER:H	2	1.63
(4,356)	1:106:A:LEU:HD23	1:110:A:SER:H	2	1.63
(4,296)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD21	6	1.63
(4,277)	1:82:A:PHE:HE1	1:99:A:LEU:H	14	1.63
(4,277)	1:82:A:PHE:HE2	1:99:A:LEU:H	14	1.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,141)	1:170:A:TYR:HE1	1:211:A:VAL:H	14	1.63
(4,141)	1:170:A:TYR:HE2	1:211:A:VAL:H	14	1.63
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD21	10	1.63
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD22	10	1.63
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD21	10	1.63
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD22	10	1.63
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD1	8	1.63
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD2	8	1.63
(4,59)	1:20:A:ASN:HD21	1:24:A:LYS:H	20	1.63
(4,45)	1:151:A:THR:HA	1:154:A:SER:HA	20	1.63
(2,29)	1:102:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	10	1.63
(1,478)	1:5:A:ASN:ND2	1:133:A:THR:H	3	1.63
(5,565)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	11	1.62
(5,363)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	18	1.62
(5,73)	1:89:A:ALA:H	1:104:A:SER:OG	15	1.62
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB2	1:173:A:GLU:H	1	1.62
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB3	1:173:A:GLU:H	1	1.62
(4,4202)	1:56:A:VAL:HB	1:230:A:GLY:H	11	1.62
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB1	5	1.62
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB2	5	1.62
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB3	5	1.62
(4,4081)	1:168:A:ILE:H	1:169:A:THR:HG1	1	1.62
(4,4053)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HG	11	1.62
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE1	11	1.62
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE2	11	1.62
(4,3884)	1:155:A:GLU:H	1:157:A:PRO:HB3	12	1.62
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD1	8	1.62
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD2	8	1.62
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HG3	6	1.62
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HG3	6	1.62
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HG3	6	1.62
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD11	13	1.62
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD12	13	1.62
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD13	13	1.62
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD21	13	1.62
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD22	13	1.62
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD23	13	1.62
(4,3753)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:H	15	1.62
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB1	12	1.62
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB2	12	1.62
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB3	12	1.62
(4,3560)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HA	9	1.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE1	14	1.62
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE2	14	1.62
(4,3547)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HD11	13	1.62
(4,3547)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HD12	13	1.62
(4,3547)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HD13	13	1.62
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD21	17	1.62
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD21	17	1.62
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD21	17	1.62
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG11	1:139:A:LEU:CD1	16	1.62
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG12	1:139:A:LEU:CD1	16	1.62
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG13	1:139:A:LEU:CD1	16	1.62
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB2	15	1.62
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB3	15	1.62
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB2	15	1.62
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB3	15	1.62
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB2	15	1.62
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB3	15	1.62
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD1	14	1.62
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD2	14	1.62
(4,3237)	1:150:A:SER:H	1:152:A:GLY:H	14	1.62
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD11	10	1.62
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD12	10	1.62
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD13	10	1.62
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD21	10	1.62
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD22	10	1.62
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD23	10	1.62
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	20	1.62
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	20	1.62
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	20	1.62
(4,2867)	1:36:A:ILE:HD11	1:55:A:ILE:HB	20	1.62
(4,2867)	1:36:A:ILE:HD12	1:55:A:ILE:HB	20	1.62
(4,2867)	1:36:A:ILE:HD13	1:55:A:ILE:HB	20	1.62
(4,2856)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE3	20	1.62
(4,2764)	1:119:A:GLN:HE22	1:134:A:THR:H	9	1.62
(4,2704)	1:146:A:VAL:HB	1:148:A:THR:H	1	1.62
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	12	1.62
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	12	1.62
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG2	1:177:A:ILE:H	13	1.62
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG3	1:177:A:ILE:H	13	1.62
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG2	10	1.62
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG3	10	1.62
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG2	10	1.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG3	10	1.62
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB2	1:7:A:ALA:H	11	1.62
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB3	1:7:A:ALA:H	11	1.62
(4,2343)	1:73:A:ILE:H	1:186:A:SER:H	18	1.62
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HG	11	1.62
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HG	11	1.62
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HG	11	1.62
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HG	11	1.62
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HG	11	1.62
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HG	11	1.62
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG11	4	1.62
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG12	4	1.62
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG13	4	1.62
(4,2079)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HG	4	1.62
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HA	15	1.62
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HA	15	1.62
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HA	15	1.62
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HA	15	1.62
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HA	15	1.62
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HA	15	1.62
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB1	4	1.62
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB2	4	1.62
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB3	4	1.62
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB1	4	1.62
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB2	4	1.62
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB3	4	1.62
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD21	13	1.62
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD22	13	1.62
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD21	13	1.62
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD22	13	1.62
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD21	13	1.62
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD22	13	1.62
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD21	13	1.62
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD22	13	1.62
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD21	13	1.62
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD22	13	1.62
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD21	13	1.62
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD22	13	1.62
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD11	3	1.62
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD12	3	1.62
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD13	3	1.62
(4,1914)	1:19:A:THR:HG21	1:32:A:ALA:H	10	1.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1914)	1:19:A:THR:HG22	1:32:A:ALA:H	10	1.62
(4,1914)	1:19:A:THR:HG23	1:32:A:ALA:H	10	1.62
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:H	12	1.62
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:H	12	1.62
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:H	12	1.62
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD21	1:139:A:LEU:H	12	1.62
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD22	1:139:A:LEU:H	12	1.62
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD23	1:139:A:LEU:H	12	1.62
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	7	1.62
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	7	1.62
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	7	1.62
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	7	1.62
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	7	1.62
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	7	1.62
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:H	4	1.62
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:H	4	1.62
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:H	4	1.62
(4,1809)	1:81:A:TRP:HZ2	1:184:A:ASN:H	4	1.62
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:H	13	1.62
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:H	13	1.62
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:H	13	1.62
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:H	17	1.62
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:H	17	1.62
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:H	17	1.62
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:H	13	1.62
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:H	13	1.62
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	15	1.62
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	15	1.62
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	15	1.62
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	15	1.62
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	15	1.62
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	15	1.62
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD1	1:85:A:SER:H	2	1.62
(4,1225)	1:82:A:PHE:HD2	1:85:A:SER:H	2	1.62
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG21	8	1.62
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG22	8	1.62
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG23	8	1.62
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG21	8	1.62
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG22	8	1.62
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG23	8	1.62
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG21	8	1.62
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG22	8	1.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG23	8	1.62
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD11	18	1.62
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD12	18	1.62
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD13	18	1.62
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD21	18	1.62
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD22	18	1.62
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD23	18	1.62
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD11	18	1.62
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD12	18	1.62
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD13	18	1.62
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD21	18	1.62
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD22	18	1.62
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD23	18	1.62
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD11	18	1.62
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD12	18	1.62
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD13	18	1.62
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD21	18	1.62
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD22	18	1.62
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD23	18	1.62
(4,1045)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HB2	16	1.62
(4,1045)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HB3	16	1.62
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE21	20	1.62
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE22	20	1.62
(4,706)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HA	12	1.62
(4,518)	1:120:A:SER:HA	1:123:A:SER:H	8	1.62
(4,518)	1:120:A:SER:HA	1:123:A:SER:H	16	1.62
(4,468)	1:81:A:TRP:HE1	1:183:A:ARG:H	5	1.62
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB2	19	1.62
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB3	19	1.62
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB2	19	1.62
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB3	19	1.62
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB2	19	1.62
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB3	19	1.62
(4,392)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:H	11	1.62
(4,392)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:H	11	1.62
(4,392)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:H	11	1.62
(4,372)	1:81:A:TRP:HE3	1:129:A:PHE:H	4	1.62
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG21	9	1.62
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG22	9	1.62
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG23	9	1.62
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG21	9	1.62
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG22	9	1.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG23	9	1.62
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG21	3	1.62
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG22	3	1.62
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG23	3	1.62
(4,194)	1:146:A:VAL:HA	1:150:A:SER:H	15	1.62
(4,191)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD11	7	1.62
(4,191)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD12	7	1.62
(4,191)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD13	7	1.62
(4,191)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD11	7	1.62
(4,191)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD12	7	1.62
(4,191)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD13	7	1.62
(4,61)	1:29:A:ASN:H	1:30:A:GLU:HG2	18	1.62
(4,33)	1:72:A:GLN:HG2	1:74:A:THR:H	11	1.62
(4,33)	1:72:A:GLN:HG3	1:74:A:THR:H	11	1.62
(2,189)	1:140:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	5	1.62
(2,189)	1:140:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	9	1.62
(1,449)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	3	1.62
(1,113)	1:182:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	16	1.62
(5,791)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	15	1.61
(5,645)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	3	1.61
(5,493)	1:5:A:ASN:ND2	1:59:A:PHE:H	2	1.61
(5,412)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	1	1.61
(4,4311)	1:177:A:ILE:H	1:195:A:ASP:H	12	1.61
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG21	1:183:A:ARG:H	13	1.61
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG22	1:183:A:ARG:H	13	1.61
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG23	1:183:A:ARG:H	13	1.61
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD2	6	1.61
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD3	6	1.61
(4,4246)	1:62:A:ASN:H	1:65:A:ARG:H	17	1.61
(4,4036)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD21	17	1.61
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG21	3	1.61
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG22	3	1.61
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG23	3	1.61
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG21	3	1.61
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG22	3	1.61
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG23	3	1.61
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD11	7	1.61
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD12	7	1.61
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD13	7	1.61
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD11	1:138:A:VAL:H	4	1.61
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD12	1:138:A:VAL:H	4	1.61
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD13	1:138:A:VAL:H	4	1.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD21	1:138:A:VAL:H	4	1.61
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD22	1:138:A:VAL:H	4	1.61
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD23	1:138:A:VAL:H	4	1.61
(4,3679)	1:22:A:ALA:H	1:24:A:LYS:HG2	3	1.61
(4,3679)	1:22:A:ALA:H	1:24:A:LYS:HG3	3	1.61
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE1	1:98:A:SER:H	8	1.61
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE2	1:98:A:SER:H	8	1.61
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD1	1:152:A:GLY:H	8	1.61
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD2	1:152:A:GLY:H	8	1.61
(4,3203)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:H	13	1.61
(4,3203)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:H	17	1.61
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:CG1	20	1.61
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:CG1	20	1.61
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:CG1	20	1.61
(4,2839)	1:31:A:TRP:HZ3	1:53:A:LYS:H	6	1.61
(4,2836)	1:98:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	2	1.61
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:H	10	1.61
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:H	10	1.61
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:H	10	1.61
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:H	10	1.61
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:H	10	1.61
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:H	10	1.61
(4,2267)	1:29:A:ASN:H	1:30:A:GLU:HG3	9	1.61
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD21	20	1.61
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD22	20	1.61
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD23	20	1.61
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD11	14	1.61
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD12	14	1.61
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD13	14	1.61
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD11	14	1.61
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD12	14	1.61
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD13	14	1.61
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD11	14	1.61
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD12	14	1.61
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD13	14	1.61
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD11	14	1.61
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD12	14	1.61
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD13	14	1.61
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD11	14	1.61
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD12	14	1.61
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD13	14	1.61
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD11	14	1.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD12	14	1.61
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD13	14	1.61
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD1	19	1.61
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD2	19	1.61
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD21	12	1.61
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD22	12	1.61
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD23	12	1.61
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD11	7	1.61
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD12	7	1.61
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD13	7	1.61
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD21	7	1.61
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD22	7	1.61
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD23	7	1.61
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD11	7	1.61
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD12	7	1.61
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD13	7	1.61
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD21	7	1.61
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD22	7	1.61
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD23	7	1.61
(4,1728)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD22	20	1.61
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:HA2	17	1.61
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:HA3	17	1.61
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:HA2	17	1.61
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:HA3	17	1.61
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE21	4	1.61
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE21	4	1.61
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB2	16	1.61
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB3	16	1.61
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB2	16	1.61
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB3	16	1.61
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB2	16	1.61
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB3	16	1.61
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB2	16	1.61
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB3	16	1.61
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB2	16	1.61
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB3	16	1.61
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB2	16	1.61
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB3	16	1.61
(4,982)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HD1	9	1.61
(4,982)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HD2	9	1.61
(4,982)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HD1	9	1.61
(4,982)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HD2	9	1.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,982)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HD1	9	1.61
(4,982)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HD2	9	1.61
(4,969)	1:56:A:VAL:HG21	1:169:A:THR:H	4	1.61
(4,969)	1:56:A:VAL:HG22	1:169:A:THR:H	4	1.61
(4,969)	1:56:A:VAL:HG23	1:169:A:THR:H	4	1.61
(4,813)	1:36:A:ILE:HD11	1:48:A:LEU:CD2	5	1.61
(4,813)	1:36:A:ILE:HD12	1:48:A:LEU:CD2	5	1.61
(4,813)	1:36:A:ILE:HD13	1:48:A:LEU:CD2	5	1.61
(4,691)	1:52:A:VAL:HG21	1:55:A:ILE:CD1	11	1.61
(4,691)	1:52:A:VAL:HG22	1:55:A:ILE:CD1	11	1.61
(4,691)	1:52:A:VAL:HG23	1:55:A:ILE:CD1	11	1.61
(4,676)	1:81:A:TRP:HE1	1:182:A:GLY:HA3	5	1.61
(4,659)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HG	4	1.61
(4,626)	1:120:A:SER:HA	1:126:A:LYS:HA	14	1.61
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD21	4	1.61
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD22	4	1.61
(4,495)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD22	8	1.61
(4,447)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	20	1.61
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG21	10	1.61
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG22	10	1.61
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG23	10	1.61
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG21	20	1.61
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG22	20	1.61
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG23	20	1.61
(4,252)	1:160:A:THR:H	1:161:A:ALA:H	13	1.61
(4,199)	1:66:A:LYS:H	1:68:A:SER:H	16	1.61
(4,194)	1:146:A:VAL:HA	1:150:A:SER:H	14	1.61
(4,194)	1:146:A:VAL:HA	1:150:A:SER:H	17	1.61
(4,174)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	18	1.61
(2,638)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	4	1.61
(2,88)	1:104:A:SER:OG	1:106:A:LEU:H	3	1.61
(1,123)	1:97:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	18	1.61
(5,753)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	7	1.6
(5,691)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	14	1.6
(5,547)	1:5:A:ASN:ND2	1:154:A:SER:H	6	1.6
(5,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	16	1.6
(5,396)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	8	1.6
(5,131)	1:140:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	6	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD11	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD12	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD13	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD21	16	1.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD22	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD23	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD11	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD12	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD13	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD21	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD22	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD23	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD11	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD12	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD13	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD21	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD22	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD23	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD11	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD12	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD13	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD21	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD22	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD23	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD11	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD12	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD13	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD21	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD22	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD23	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD11	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD12	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD13	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD21	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD22	16	1.6
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD23	16	1.6
(4,4161)	1:11:A:ILE:HA	1:153:A:GLN:HA	3	1.6
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD21	14	1.6
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD22	14	1.6
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD21	14	1.6
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD22	14	1.6
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD11	13	1.6
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD12	13	1.6
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD13	13	1.6
(4,3810)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD21	6	1.6
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:HA	14	1.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:HA	14	1.6
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:HA	14	1.6
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:HA	14	1.6
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:HA	14	1.6
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:HA	14	1.6
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD21	16	1.6
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD21	16	1.6
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD21	16	1.6
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD21	16	1.6
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD21	16	1.6
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD21	16	1.6
(4,3519)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	20	1.6
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:CD2	5	1.6
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:CD2	5	1.6
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:CD2	5	1.6
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG21	8	1.6
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG22	8	1.6
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG23	8	1.6
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG21	8	1.6
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG22	8	1.6
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG23	8	1.6
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HE1	4	1.6
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HE1	4	1.6
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HE1	4	1.6
(4,3258)	1:58:A:LEU:HA	1:165:A:LEU:HB2	4	1.6
(4,3203)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:H	16	1.6
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD21	6	1.6
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD22	6	1.6
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD23	6	1.6
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG2	11	1.6
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG3	11	1.6
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD21	17	1.6
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD22	17	1.6
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD23	17	1.6
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD11	6	1.6
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD12	6	1.6
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD13	6	1.6
(4,2938)	1:27:A:LEU:HA	1:105:A:LEU:HB2	14	1.6
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB2	10	1.6
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB3	10	1.6
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD1	12	1.6
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD2	12	1.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:H	5	1.6
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:H	5	1.6
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:H	17	1.6
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:H	17	1.6
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:H	17	1.6
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD11	4	1.6
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD12	4	1.6
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD13	4	1.6
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD21	4	1.6
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD22	4	1.6
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD23	4	1.6
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:H	5	1.6
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:H	5	1.6
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:H	19	1.6
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:H	19	1.6
(4,1955)	1:72:A:GLN:HB2	1:74:A:THR:H	1	1.6
(4,1835)	1:56:A:VAL:HB	1:228:A:MET:HA	1	1.6
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG12	18	1.6
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG13	18	1.6
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD11	10	1.6
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD12	10	1.6
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD13	10	1.6
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD11	10	1.6
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD12	10	1.6
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD13	10	1.6
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD11	10	1.6
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD12	10	1.6
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD13	10	1.6
(4,1233)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HH2	1	1.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB1	19	1.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB2	19	1.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB3	19	1.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB1	19	1.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB2	19	1.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB3	19	1.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB1	19	1.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB2	19	1.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB3	19	1.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB1	19	1.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB2	19	1.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB3	19	1.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB1	19	1.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB2	19	1.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB3	19	1.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB1	19	1.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB2	19	1.6
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB3	19	1.6
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD11	20	1.6
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD12	20	1.6
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD13	20	1.6
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	19	1.6
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:H	19	1.6
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB1	7	1.6
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB2	7	1.6
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB3	7	1.6
(4,786)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:H	8	1.6
(4,786)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:H	8	1.6
(4,677)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD11	11	1.6
(4,677)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD12	11	1.6
(4,677)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD13	11	1.6
(4,677)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD11	11	1.6
(4,677)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD12	11	1.6
(4,677)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD13	11	1.6
(4,677)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD11	11	1.6
(4,677)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD12	11	1.6
(4,677)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD13	11	1.6
(4,661)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:HE22	16	1.6
(4,661)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:HE22	16	1.6
(4,659)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HG	20	1.6
(4,598)	1:79:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:H	1	1.6
(4,598)	1:79:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:H	1	1.6
(4,598)	1:79:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:H	1	1.6
(4,598)	1:79:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:H	1	1.6
(4,598)	1:79:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:H	1	1.6
(4,598)	1:79:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:H	1	1.6
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB2	5	1.6
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB3	5	1.6
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD21	11	1.6
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD22	11	1.6
(4,497)	1:29:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD21	12	1.6
(4,252)	1:160:A:THR:H	1:161:A:ALA:H	16	1.6
(4,206)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD1	10	1.6
(4,206)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD2	10	1.6
(2,120)	1:100:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	4	1.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,88)	1:104:A:SER:OG	1:106:A:LEU:H	4	1.6
(1,488)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	17	1.6
(1,380)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	1	1.6
(1,205)	1:62:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	18	1.6
(1,174)	1:94:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	13	1.6
(5,704)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	1	1.59
(5,453)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	11	1.59
(5,73)	1:89:A:ALA:H	1:104:A:SER:OG	19	1.59
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB2	3	1.59
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB3	3	1.59
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB2	3	1.59
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB3	3	1.59
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB2	3	1.59
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB3	3	1.59
(4,3893)	1:119:A:GLN:HE21	1:125:A:SER:H	20	1.59
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB2	6	1.59
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB3	6	1.59
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB2	6	1.59
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB3	6	1.59
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB2	6	1.59
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB3	6	1.59
(4,3560)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HA	4	1.59
(4,3520)	1:57:A:LEU:HB2	1:211:A:VAL:HB	14	1.59
(4,3520)	1:57:A:LEU:HB3	1:211:A:VAL:HB	14	1.59
(4,3519)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	18	1.59
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD21	9	1.59
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD21	9	1.59
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD21	9	1.59
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD21	11	1.59
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD21	11	1.59
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD21	11	1.59
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD21	14	1.59
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD22	14	1.59
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD21	14	1.59
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD22	14	1.59
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD21	14	1.59
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD22	14	1.59
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD21	14	1.59
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD22	14	1.59
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD21	14	1.59
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD22	14	1.59
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD21	14	1.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD22	14	1.59
(4,3368)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HD1	19	1.59
(4,3368)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HD2	19	1.59
(4,3277)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HB2	12	1.59
(4,3277)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HB3	12	1.59
(4,3277)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HB2	12	1.59
(4,3277)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HB3	12	1.59
(4,3277)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HB2	12	1.59
(4,3277)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HB3	12	1.59
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD11	11	1.59
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD12	11	1.59
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD13	11	1.59
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB2	4	1.59
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB3	4	1.59
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB2	4	1.59
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB3	4	1.59
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD1	8	1.59
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD2	8	1.59
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD1	8	1.59
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD2	8	1.59
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD1	8	1.59
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD2	8	1.59
(4,2582)	1:163:A:THR:HB	1:165:A:LEU:HB3	1	1.59
(4,2575)	1:19:A:THR:HG21	1:235:A:TRP:H	19	1.59
(4,2575)	1:19:A:THR:HG22	1:235:A:TRP:H	19	1.59
(4,2575)	1:19:A:THR:HG23	1:235:A:TRP:H	19	1.59
(4,2399)	1:118:A:SER:HA	1:119:A:GLN:HE21	13	1.59
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE21	7	1.59
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE22	7	1.59
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD21	4	1.59
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD22	4	1.59
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD23	4	1.59
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA2	1:6:A:ARG:HA	5	1.59
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA3	1:6:A:ARG:HA	5	1.59
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD11	14	1.59
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD12	14	1.59
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD13	14	1.59
(4,1959)	1:73:A:ILE:HA	1:75:A:SER:H	20	1.59
(4,1914)	1:19:A:THR:HG21	1:32:A:ALA:H	8	1.59
(4,1914)	1:19:A:THR:HG22	1:32:A:ALA:H	8	1.59
(4,1914)	1:19:A:THR:HG23	1:32:A:ALA:H	8	1.59
(4,1894)	1:177:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HE21	6	1.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1894)	1:177:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HE22	6	1.59
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG12	1:166:A:HIS:H	2	1.59
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG13	1:166:A:HIS:H	2	1.59
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD2	17	1.59
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD3	17	1.59
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD2	17	1.59
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD3	17	1.59
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:H	20	1.59
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:H	20	1.59
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:H	20	1.59
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:H	2	1.59
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:H	2	1.59
(4,1794)	1:80:A:ILE:HG12	1:128:A:ARG:H	14	1.59
(4,1794)	1:80:A:ILE:HG13	1:128:A:ARG:H	14	1.59
(4,1577)	1:55:A:ILE:H	1:172:A:GLU:H	7	1.59
(4,1492)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG3	16	1.59
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HB2	11	1.59
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HB3	11	1.59
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HB2	11	1.59
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HB3	11	1.59
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD1	17	1.59
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD2	17	1.59
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD1	17	1.59
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD2	17	1.59
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB2	6	1.59
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB2	6	1.59
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB2	6	1.59
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB2	8	1.59
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB2	8	1.59
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB2	8	1.59
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD1	17	1.59
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD2	17	1.59
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD21	1:151:A:THR:H	14	1.59
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD22	1:151:A:THR:H	14	1.59
(4,1220)	1:149:A:PHE:HB3	1:151:A:THR:H	3	1.59
(4,1207)	1:28:A:LYS:HB3	1:31:A:TRP:HE1	5	1.59
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE2	7	1.59
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE3	7	1.59
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE2	7	1.59
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE3	7	1.59
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD11	10	1.59
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD12	10	1.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD13	10	1.59
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD11	10	1.59
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD12	10	1.59
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD13	10	1.59
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD11	17	1.59
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD12	17	1.59
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD13	17	1.59
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB2	15	1.59
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB3	15	1.59
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB2	15	1.59
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB3	15	1.59
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB2	15	1.59
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB3	15	1.59
(4,497)	1:29:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD21	1	1.59
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG21	14	1.59
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG22	14	1.59
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG23	14	1.59
(4,404)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG13	14	1.59
(4,356)	1:106:A:LEU:HD21	1:110:A:SER:H	6	1.59
(4,356)	1:106:A:LEU:HD22	1:110:A:SER:H	6	1.59
(4,356)	1:106:A:LEU:HD23	1:110:A:SER:H	6	1.59
(4,326)	1:45:A:LEU:HB2	1:203:A:GLU:HB2	18	1.59
(4,326)	1:45:A:LEU:HB2	1:203:A:GLU:HB3	18	1.59
(4,326)	1:45:A:LEU:HB3	1:203:A:GLU:HB2	18	1.59
(4,326)	1:45:A:LEU:HB3	1:203:A:GLU:HB3	18	1.59
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD1	13	1.59
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD2	13	1.59
(4,194)	1:146:A:VAL:HA	1:150:A:SER:H	8	1.59
(4,150)	1:39:A:LEU:HA	1:44:A:LEU:HG	5	1.59
(2,88)	1:104:A:SER:OG	1:106:A:LEU:H	13	1.59
(2,88)	1:104:A:SER:OG	1:106:A:LEU:H	16	1.59
(1,206)	1:186:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	13	1.59
(1,132)	1:152:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	18	1.59
(1,72)	1:170:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	1	1.59
(5,594)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	19	1.58
(5,131)	1:140:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	2	1.58
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG2	10	1.58
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG3	10	1.58
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB1	17	1.58
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB2	17	1.58
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB3	17	1.58
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE1	5	1.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE2	5	1.58
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD1	1:151:A:THR:H	6	1.58
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD2	1:151:A:THR:H	6	1.58
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD2	1	1.58
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD3	1	1.58
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD2	1	1.58
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD3	1	1.58
(4,3907)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB2	1	1.58
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD2	18	1.58
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD3	18	1.58
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:H	10	1.58
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:H	10	1.58
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HG3	5	1.58
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HG3	5	1.58
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HG3	5	1.58
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE1	1:230:A:GLY:H	13	1.58
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE2	1:230:A:GLY:H	13	1.58
(4,3714)	1:19:A:THR:HG1	1:33:A:TYR:H	12	1.58
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB2	13	1.58
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB3	13	1.58
(4,3461)	1:11:A:ILE:HG13	1:153:A:GLN:H	3	1.58
(4,3433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:234:A:ASN:H	13	1.58
(4,3364)	1:65:A:ARG:HA	1:67:A:SER:HB2	13	1.58
(4,3364)	1:65:A:ARG:HA	1:67:A:SER:HB3	13	1.58
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD21	15	1.58
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD22	15	1.58
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD23	15	1.58
(4,3138)	1:5:A:ASN:H	1:8:A:VAL:H	13	1.58
(4,3042)	1:162:A:ASP:H	1:164:A:ASN:H	1	1.58
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE1	19	1.58
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE2	19	1.58
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE1	19	1.58
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE2	19	1.58
(4,2828)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:H	16	1.58
(4,2828)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:H	20	1.58
(4,2814)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE21	7	1.58
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD11	10	1.58
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD12	10	1.58
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD13	10	1.58
(4,2489)	1:152:A:GLY:H	1:154:A:SER:H	11	1.58
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD11	13	1.58
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD12	13	1.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD13	13	1.58
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD11	13	1.58
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD12	13	1.58
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD13	13	1.58
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:H	8	1.58
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:H	8	1.58
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:H	8	1.58
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE21	18	1.58
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE22	18	1.58
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD11	10	1.58
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD12	10	1.58
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD13	10	1.58
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD2	9	1.58
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD3	9	1.58
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD2	9	1.58
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD3	9	1.58
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG2	3	1.58
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG3	3	1.58
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG2	3	1.58
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG3	3	1.58
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG2	3	1.58
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG3	3	1.58
(4,1728)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD22	14	1.58
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD21	1:151:A:THR:H	10	1.58
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD22	1:151:A:THR:H	10	1.58
(4,1263)	1:81:A:TRP:HZ3	1:83:A:LYS:H	5	1.58
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD21	2	1.58
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD21	2	1.58
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD21	2	1.58
(4,1022)	1:30:A:GLU:H	1:31:A:TRP:HE1	14	1.58
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB2	13	1.58
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB3	13	1.58
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB2	13	1.58
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB3	13	1.58
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB2	13	1.58
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB3	13	1.58
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB2	13	1.58
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB3	13	1.58
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB2	13	1.58
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB3	13	1.58
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB2	13	1.58
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB3	13	1.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,941)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:H	17	1.58
(4,941)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:H	17	1.58
(4,941)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:H	20	1.58
(4,941)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:H	20	1.58
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG21	2	1.58
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG22	2	1.58
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG23	2	1.58
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG21	2	1.58
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG22	2	1.58
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG23	2	1.58
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG21	2	1.58
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG22	2	1.58
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG23	2	1.58
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD11	19	1.58
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD12	19	1.58
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD13	19	1.58
(4,651)	1:145:A:ASN:HB2	1:149:A:PHE:H	8	1.58
(4,651)	1:145:A:ASN:HB3	1:149:A:PHE:H	8	1.58
(4,626)	1:120:A:SER:HA	1:126:A:LYS:HA	3	1.58
(4,528)	1:117:A:LYS:H	1:119:A:GLN:HE21	16	1.58
(4,518)	1:120:A:SER:HA	1:123:A:SER:H	2	1.58
(4,518)	1:120:A:SER:HA	1:123:A:SER:H	19	1.58
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB2	11	1.58
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB3	11	1.58
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB2	11	1.58
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB3	11	1.58
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB2	11	1.58
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB3	11	1.58
(4,433)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:H	2	1.58
(4,387)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:HG2	10	1.58
(4,387)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:HG3	10	1.58
(4,387)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:HG2	10	1.58
(4,387)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:HG3	10	1.58
(4,387)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:HG2	10	1.58
(4,387)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:HG3	10	1.58
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE1	18	1.58
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE2	18	1.58
(4,313)	1:79:A:VAL:HG11	1:179:A:GLU:H	11	1.58
(4,313)	1:79:A:VAL:HG12	1:179:A:GLU:H	11	1.58
(4,313)	1:79:A:VAL:HG13	1:179:A:GLU:H	11	1.58
(4,252)	1:160:A:THR:H	1:161:A:ALA:H	19	1.58
(4,149)	1:234:A:ASN:HD21	1:236:A:GLU:H	13	1.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,294)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	6	1.58
(1,209)	1:21:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	19	1.58
(1,106)	1:190:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	13	1.58
(5,744)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	8	1.57
(5,687)	1:5:A:ASN:ND2	1:154:A:SER:H	4	1.57
(5,579)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	12	1.57
(5,332)	1:177:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	8	1.57
(5,312)	1:149:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	19	1.57
(5,73)	1:89:A:ALA:H	1:104:A:SER:OG	8	1.57
(5,14)	1:87:A:LYS:H	1:104:A:SER:OG	2	1.57
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG21	1:183:A:ARG:H	17	1.57
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG22	1:183:A:ARG:H	17	1.57
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG23	1:183:A:ARG:H	17	1.57
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB3	15	1.57
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB3	15	1.57
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB3	15	1.57
(4,4053)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HG	13	1.57
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD1	4	1.57
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD2	4	1.57
(4,3919)	1:82:A:PHE:HZ	1:100:A:SER:H	20	1.57
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD11	1	1.57
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD12	1	1.57
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD13	1	1.57
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG11	13	1.57
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG12	13	1.57
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG13	13	1.57
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD11	5	1.57
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD12	5	1.57
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD13	5	1.57
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG21	18	1.57
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG22	18	1.57
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG23	18	1.57
(4,3576)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:HD21	16	1.57
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HB2	12	1.57
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HB3	12	1.57
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HB2	12	1.57
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HB3	12	1.57
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HB2	12	1.57
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HB3	12	1.57
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG21	1:203:A:GLU:H	1	1.57
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG22	1:203:A:GLU:H	1	1.57
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG23	1:203:A:GLU:H	1	1.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	10	1.57
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	10	1.57
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	10	1.57
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	10	1.57
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	10	1.57
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	10	1.57
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG2	18	1.57
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG3	18	1.57
(4,2978)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:HA	14	1.57
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG11	18	1.57
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG12	18	1.57
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG13	18	1.57
(4,2836)	1:98:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	11	1.57
(4,2704)	1:146:A:VAL:HB	1:148:A:THR:H	12	1.57
(4,2704)	1:146:A:VAL:HB	1:148:A:THR:H	14	1.57
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:HB2	19	1.57
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:HB2	19	1.57
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:HB2	19	1.57
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:HB2	19	1.57
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:HB2	19	1.57
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:HB2	19	1.57
(4,2300)	1:134:A:THR:HG21	1:138:A:VAL:H	7	1.57
(4,2300)	1:134:A:THR:HG22	1:138:A:VAL:H	7	1.57
(4,2300)	1:134:A:THR:HG23	1:138:A:VAL:H	7	1.57
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	10	1.57
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	10	1.57
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD11	12	1.57
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD12	12	1.57
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD13	12	1.57
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD21	12	1.57
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD22	12	1.57
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD23	12	1.57
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:H	10	1.57
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:H	10	1.57
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:H	10	1.57
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG21	1:128:A:ARG:H	17	1.57
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG22	1:128:A:ARG:H	17	1.57
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG23	1:128:A:ARG:H	17	1.57
(4,1955)	1:72:A:GLN:HB2	1:74:A:THR:H	20	1.57
(4,1910)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD21	19	1.57
(4,1894)	1:177:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HE21	13	1.57
(4,1894)	1:177:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HE22	13	1.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD11	4	1.57
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD12	4	1.57
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD13	4	1.57
(4,1809)	1:81:A:TRP:HZ2	1:184:A:ASN:H	1	1.57
(4,1720)	1:5:A:ASN:H	1:7:A:ALA:H	6	1.57
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	8	1.57
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	8	1.57
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	8	1.57
(4,1645)	1:109:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	3	1.57
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD1	2	1.57
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD2	2	1.57
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG21	20	1.57
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG22	20	1.57
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG23	20	1.57
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG21	20	1.57
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG22	20	1.57
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG23	20	1.57
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG21	20	1.57
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG22	20	1.57
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG23	20	1.57
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HB	12	1.57
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HB	12	1.57
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HB	12	1.57
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD11	19	1.57
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD12	19	1.57
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD13	19	1.57
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE2	1	1.57
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE3	1	1.57
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE2	1	1.57
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE3	1	1.57
(4,956)	1:100:A:SER:HB2	1:103:A:GLN:HE21	1	1.57
(4,956)	1:100:A:SER:HB2	1:103:A:GLN:HE22	1	1.57
(4,956)	1:100:A:SER:HB3	1:103:A:GLN:HE21	1	1.57
(4,956)	1:100:A:SER:HB3	1:103:A:GLN:HE22	1	1.57
(4,940)	1:153:A:GLN:HE21	1:154:A:SER:HA	15	1.57
(4,823)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:H	11	1.57
(4,823)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:H	11	1.57
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	20	1.57
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	20	1.57
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG21	14	1.57
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG22	14	1.57
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG23	14	1.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG21	14	1.57
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG22	14	1.57
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG23	14	1.57
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG21	14	1.57
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG22	14	1.57
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG23	14	1.57
(4,661)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:HE22	5	1.57
(4,661)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:HE22	5	1.57
(4,379)	1:79:A:VAL:HG21	1:179:A:GLU:H	13	1.57
(4,379)	1:79:A:VAL:HG22	1:179:A:GLU:H	13	1.57
(4,379)	1:79:A:VAL:HG23	1:179:A:GLU:H	13	1.57
(4,166)	1:181:A:ASP:H	1:184:A:ASN:HD21	5	1.57
(4,166)	1:181:A:ASP:H	1:184:A:ASN:HD22	5	1.57
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD11	1	1.57
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD12	1	1.57
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD13	1	1.57
(4,149)	1:234:A:ASN:HD21	1:236:A:GLU:H	15	1.57
(4,118)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HG	7	1.57
(4,118)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HG	7	1.57
(4,82)	1:34:A:PHE:HE1	1:235:A:TRP:H	8	1.57
(4,82)	1:34:A:PHE:HE2	1:235:A:TRP:H	8	1.57
(4,73)	1:223:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	7	1.57
(4,73)	1:223:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	7	1.57
(4,73)	1:223:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	7	1.57
(4,18)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD22	13	1.57
(4,18)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD22	13	1.57
(4,18)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD22	13	1.57
(1,227)	1:158:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	1	1.57
(5,805)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	14	1.56
(5,726)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	10	1.56
(5,296)	1:5:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	1	1.56
(5,290)	1:39:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	19	1.56
(5,173)	1:8:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	6	1.56
(4,4202)	1:56:A:VAL:HB	1:230:A:GLY:H	8	1.56
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	1	1.56
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	1	1.56
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	1	1.56
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	1	1.56
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	1	1.56
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	1	1.56
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD11	9	1.56
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD12	9	1.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD13	9	1.56
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD11	9	1.56
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD12	9	1.56
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD13	9	1.56
(4,3919)	1:82:A:PHE:HZ	1:100:A:SER:H	13	1.56
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD11	13	1.56
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD12	13	1.56
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD13	13	1.56
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD21	13	1.56
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD22	13	1.56
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD23	13	1.56
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD11	13	1.56
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD12	13	1.56
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD13	13	1.56
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD21	13	1.56
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD22	13	1.56
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD23	13	1.56
(4,3707)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:HD1	2	1.56
(4,3679)	1:22:A:ALA:H	1:24:A:LYS:HG2	8	1.56
(4,3679)	1:22:A:ALA:H	1:24:A:LYS:HG3	8	1.56
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB1	13	1.56
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB2	13	1.56
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB3	13	1.56
(4,3413)	1:149:A:PHE:H	1:151:A:THR:H	18	1.56
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG12	15	1.56
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG13	15	1.56
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD11	11	1.56
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD12	11	1.56
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD13	11	1.56
(4,3051)	1:163:A:THR:HA	1:165:A:LEU:HB3	6	1.56
(4,2978)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:HA	5	1.56
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HB3	3	1.56
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HB3	3	1.56
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HB3	3	1.56
(4,2867)	1:36:A:ILE:HD11	1:55:A:ILE:HB	15	1.56
(4,2867)	1:36:A:ILE:HD12	1:55:A:ILE:HB	15	1.56
(4,2867)	1:36:A:ILE:HD13	1:55:A:ILE:HB	15	1.56
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD11	13	1.56
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD12	13	1.56
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD13	13	1.56
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD21	13	1.56
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD22	13	1.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD23	13	1.56
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB2	1:8:A:VAL:H	20	1.56
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB3	1:8:A:VAL:H	20	1.56
(4,2784)	1:74:A:THR:HG21	1:76:A:SER:H	18	1.56
(4,2784)	1:74:A:THR:HG22	1:76:A:SER:H	18	1.56
(4,2784)	1:74:A:THR:HG23	1:76:A:SER:H	18	1.56
(4,2736)	1:160:A:THR:H	1:162:A:ASP:H	19	1.56
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD11	3	1.56
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD12	3	1.56
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD13	3	1.56
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD11	3	1.56
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD12	3	1.56
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD13	3	1.56
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB2	15	1.56
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB3	15	1.56
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD11	7	1.56
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD12	7	1.56
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD13	7	1.56
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD21	7	1.56
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD22	7	1.56
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD23	7	1.56
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG21	1:13:A:SER:HA	12	1.56
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG22	1:13:A:SER:HA	12	1.56
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG23	1:13:A:SER:HA	12	1.56
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB1	6	1.56
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB2	6	1.56
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB3	6	1.56
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB1	6	1.56
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB2	6	1.56
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB3	6	1.56
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB1	6	1.56
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB2	6	1.56
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB3	6	1.56
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:HB2	4	1.56
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:HB3	4	1.56
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:HB2	4	1.56
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:HB3	4	1.56
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:HB2	4	1.56
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:HB3	4	1.56
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HA	14	1.56
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HA	14	1.56
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HA	14	1.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HA	14	1.56
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HA	14	1.56
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HA	14	1.56
(4,2162)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	18	1.56
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG21	13	1.56
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG22	13	1.56
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG23	13	1.56
(4,1973)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	14	1.56
(4,1959)	1:73:A:ILE:HA	1:75:A:SER:H	18	1.56
(4,1955)	1:72:A:GLN:HB2	1:74:A:THR:H	11	1.56
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:H	6	1.56
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:H	6	1.56
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:H	6	1.56
(4,1833)	1:145:A:ASN:H	1:147:A:GLN:HG2	15	1.56
(4,1833)	1:145:A:ASN:H	1:147:A:GLN:HG3	15	1.56
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD21	11	1.56
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD22	11	1.56
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD23	11	1.56
(4,1653)	1:17:A:VAL:H	1:152:A:GLY:HA2	15	1.56
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD1	12	1.56
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD2	12	1.56
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD1	12	1.56
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD2	12	1.56
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE2	7	1.56
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE3	7	1.56
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE1	1:180:A:LEU:H	17	1.56
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE2	1:180:A:LEU:H	17	1.56
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG21	16	1.56
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG22	16	1.56
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG23	16	1.56
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG21	16	1.56
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG22	16	1.56
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG23	16	1.56
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG21	16	1.56
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG22	16	1.56
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG23	16	1.56
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE21	3	1.56
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE22	3	1.56
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD21	12	1.56
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD22	12	1.56
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD23	12	1.56
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HA	8	1.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HA	8	1.56
(4,616)	1:61:A:ILE:HA	1:214:A:TYR:HD1	17	1.56
(4,616)	1:61:A:ILE:HA	1:214:A:TYR:HD2	17	1.56
(4,252)	1:160:A:THR:H	1:161:A:ALA:H	1	1.56
(2,635)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	16	1.56
(2,446)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	5	1.56
(2,287)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:ND2	1	1.56
(2,189)	1:140:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	1	1.56
(1,473)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	5	1.56
(1,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	12	1.56
(1,225)	1:64:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	20	1.56
(1,72)	1:170:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	11	1.56
(1,5)	1:99:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	18	1.56
(5,791)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	5	1.55
(5,727)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	2	1.55
(5,586)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	4	1.55
(5,341)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	10	1.55
(5,72)	1:59:A:PHE:H	1:104:A:SER:OG	9	1.55
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	8	1.55
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	8	1.55
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	8	1.55
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	11	1.55
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	11	1.55
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	11	1.55
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	11	1.55
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	11	1.55
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	11	1.55
(4,3907)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB2	9	1.55
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	8	1.55
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	8	1.55
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	8	1.55
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	8	1.55
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	8	1.55
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	8	1.55
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG2	1:178:A:PHE:HD1	15	1.55
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG2	1:178:A:PHE:HD2	15	1.55
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG3	1:178:A:PHE:HD1	15	1.55
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG3	1:178:A:PHE:HD2	15	1.55
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:CD1	1	1.55
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:CD1	1	1.55
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:CD1	1	1.55
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:CD1	1	1.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:CD1	1	1.55
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:CD1	1	1.55
(4,3326)	1:138:A:VAL:HB	1:139:A:LEU:HG	7	1.55
(4,3326)	1:138:A:VAL:HB	1:139:A:LEU:HG	11	1.55
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG12	1	1.55
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG13	1	1.55
(4,3111)	1:89:A:ALA:H	1:93:A:TYR:HD1	8	1.55
(4,3111)	1:89:A:ALA:H	1:93:A:TYR:HD2	8	1.55
(4,3010)	1:81:A:TRP:H	1:127:A:ASN:HD22	4	1.55
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD1	7	1.55
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD2	7	1.55
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG21	19	1.55
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG22	19	1.55
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG23	19	1.55
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG21	19	1.55
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG22	19	1.55
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG23	19	1.55
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG21	19	1.55
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG22	19	1.55
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG23	19	1.55
(4,2828)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:H	6	1.55
(4,2764)	1:119:A:GLN:HE22	1:134:A:THR:H	19	1.55
(4,2582)	1:163:A:THR:HB	1:165:A:LEU:HB3	7	1.55
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD1	1:95:A:ILE:H	16	1.55
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD2	1:95:A:ILE:H	16	1.55
(4,2541)	1:80:A:ILE:HD11	1:127:A:ASN:HD21	20	1.55
(4,2541)	1:80:A:ILE:HD12	1:127:A:ASN:HD21	20	1.55
(4,2541)	1:80:A:ILE:HD13	1:127:A:ASN:HD21	20	1.55
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:H	11	1.55
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:H	11	1.55
(4,2483)	1:31:A:TRP:HZ2	1:106:A:LEU:H	9	1.55
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD21	6	1.55
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD22	6	1.55
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD23	6	1.55
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	1	1.55
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	1	1.55
(4,1910)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD21	12	1.55
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:HA	18	1.55
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:HA	18	1.55
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:HA	18	1.55
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:HA	18	1.55
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:HA	18	1.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:HA	18	1.55
(4,1830)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD22	11	1.55
(4,1696)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:HG21	20	1.55
(4,1696)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:HG22	20	1.55
(4,1696)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:HG23	20	1.55
(4,1651)	1:59:A:PHE:H	1:165:A:LEU:HB2	19	1.55
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD21	1:96:A:LEU:H	15	1.55
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD22	1:96:A:LEU:H	15	1.55
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD23	1:96:A:LEU:H	15	1.55
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD21	16	1.55
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD22	16	1.55
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD2	1:146:A:VAL:HB	3	1.55
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD3	1:146:A:VAL:HB	3	1.55
(4,706)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HA	2	1.55
(4,626)	1:120:A:SER:HA	1:126:A:LYS:HA	9	1.55
(4,589)	1:83:A:LYS:HA	1:183:A:ARG:H	5	1.55
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD11	11	1.55
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD12	11	1.55
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD13	11	1.55
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD21	11	1.55
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD22	11	1.55
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD23	11	1.55
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB2	5	1.55
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB3	5	1.55
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB2	5	1.55
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB3	5	1.55
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB2	5	1.55
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB3	5	1.55
(4,379)	1:79:A:VAL:HG21	1:179:A:GLU:H	1	1.55
(4,379)	1:79:A:VAL:HG22	1:179:A:GLU:H	1	1.55
(4,379)	1:79:A:VAL:HG23	1:179:A:GLU:H	1	1.55
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB2	19	1.55
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB3	19	1.55
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB2	19	1.55
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB3	19	1.55
(4,202)	1:79:A:VAL:HG21	1:81:A:TRP:H	13	1.55
(4,202)	1:79:A:VAL:HG22	1:81:A:TRP:H	13	1.55
(4,202)	1:79:A:VAL:HG23	1:81:A:TRP:H	13	1.55
(4,180)	1:153:A:GLN:H	1:156:A:ALA:HA	18	1.55
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD21	20	1.55
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD22	20	1.55
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD21	20	1.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD22	20	1.55
(2,189)	1:140:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	3	1.55
(2,29)	1:102:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	6	1.55
(1,529)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	13	1.55
(1,234)	1:100:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	16	1.55
(1,173)	1:58:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	14	1.55
(1,158)	1:153:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	1	1.55
(1,113)	1:182:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	1	1.55
(5,778)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	20	1.54
(5,574)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	19	1.54
(5,501)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	4	1.54
(5,455)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	3	1.54
(5,383)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	3	1.54
(5,341)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	11	1.54
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG12	20	1.54
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG13	20	1.54
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG12	20	1.54
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG13	20	1.54
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG21	3	1.54
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG22	3	1.54
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG23	3	1.54
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG21	1:75:A:SER:HB2	3	1.54
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG21	1:75:A:SER:HB3	3	1.54
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG22	1:75:A:SER:HB2	3	1.54
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG22	1:75:A:SER:HB3	3	1.54
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG23	1:75:A:SER:HB2	3	1.54
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG23	1:75:A:SER:HB3	3	1.54
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG21	3	1.54
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG22	3	1.54
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG23	3	1.54
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD11	1:206:A:LEU:H	9	1.54
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD12	1:206:A:LEU:H	9	1.54
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD13	1:206:A:LEU:H	9	1.54
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	10	1.54
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	10	1.54
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	10	1.54
(4,3413)	1:149:A:PHE:H	1:151:A:THR:H	14	1.54
(4,3396)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HG	4	1.54
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE1	8	1.54
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE2	8	1.54
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE1	8	1.54
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE2	8	1.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE1	8	1.54
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE2	8	1.54
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG11	1	1.54
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG12	1	1.54
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG13	1	1.54
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG21	1	1.54
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG22	1	1.54
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG23	1	1.54
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG11	1	1.54
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG12	1	1.54
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG13	1	1.54
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG21	1	1.54
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG22	1	1.54
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG23	1	1.54
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB1	16	1.54
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB2	16	1.54
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB3	16	1.54
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG12	14	1.54
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG13	14	1.54
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB2	4	1.54
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB3	4	1.54
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB2	4	1.54
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB3	4	1.54
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB2	4	1.54
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB3	4	1.54
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD1	2	1.54
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD2	2	1.54
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD1	2	1.54
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD2	2	1.54
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD1	2	1.54
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD2	2	1.54
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB1	2	1.54
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB2	2	1.54
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB3	2	1.54
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD21	1:144:A:GLU:H	16	1.54
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD22	1:144:A:GLU:H	16	1.54
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD23	1:144:A:GLU:H	16	1.54
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE1	7	1.54
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE2	7	1.54
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE1	7	1.54
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE2	7	1.54
(4,2920)	1:80:A:ILE:HG12	1:127:A:ASN:HD21	14	1.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2920)	1:80:A:ILE:HG13	1:127:A:ASN:HD21	14	1.54
(4,2868)	1:15:A:PRO:HG2	1:35:A:ASP:H	7	1.54
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD1	13	1.54
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD2	13	1.54
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD1	13	1.54
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD2	13	1.54
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD1	13	1.54
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD2	13	1.54
(4,2809)	1:55:A:ILE:HB	1:201:A:LEU:HB2	7	1.54
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD1	1:190:A:TYR:H	11	1.54
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD2	1:190:A:TYR:H	11	1.54
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HA	20	1.54
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HA	20	1.54
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HA	20	1.54
(4,2079)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HG	3	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD11	1:96:A:LEU:HB2	15	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD11	1:96:A:LEU:HB3	15	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD12	1:96:A:LEU:HB2	15	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD12	1:96:A:LEU:HB3	15	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD13	1:96:A:LEU:HB2	15	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD13	1:96:A:LEU:HB3	15	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD21	1:96:A:LEU:HB2	15	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD21	1:96:A:LEU:HB3	15	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD22	1:96:A:LEU:HB2	15	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD22	1:96:A:LEU:HB3	15	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD23	1:96:A:LEU:HB2	15	1.54
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD23	1:96:A:LEU:HB3	15	1.54
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB2	1:83:A:LYS:HG2	4	1.54
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB3	1:83:A:LYS:HG2	4	1.54
(4,1999)	1:143:A:LYS:H	1:145:A:ASN:HD21	13	1.54
(4,1999)	1:143:A:LYS:H	1:145:A:ASN:HD22	13	1.54
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE1	1:210:A:ARG:HB2	15	1.54
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE1	1:210:A:ARG:HB3	15	1.54
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE2	1:210:A:ARG:HB2	15	1.54
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE2	1:210:A:ARG:HB3	15	1.54
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD11	19	1.54
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD12	19	1.54
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD13	19	1.54
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:HA2	20	1.54
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:HA3	20	1.54
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:HA2	20	1.54
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:HA3	20	1.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:H	7	1.54
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:H	7	1.54
(4,1720)	1:5:A:ASN:H	1:7:A:ALA:H	3	1.54
(4,1692)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:H	15	1.54
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:H	17	1.54
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:H	17	1.54
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:H	17	1.54
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD11	2	1.54
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD12	2	1.54
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD13	2	1.54
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD21	2	1.54
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD22	2	1.54
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD23	2	1.54
(4,1555)	1:62:A:ASN:H	1:164:A:ASN:HD22	17	1.54
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG11	9	1.54
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG12	9	1.54
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG13	9	1.54
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG11	2	1.54
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG12	2	1.54
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG13	2	1.54
(4,1310)	1:86:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD11	19	1.54
(4,1310)	1:86:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD12	19	1.54
(4,1310)	1:86:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD13	19	1.54
(4,1229)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:CD1	12	1.54
(4,1229)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:CD1	12	1.54
(4,1229)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:CD1	12	1.54
(4,1220)	1:149:A:PHE:HB3	1:151:A:THR:H	9	1.54
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG21	16	1.54
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG22	16	1.54
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG23	16	1.54
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HA	14	1.54
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HA	14	1.54
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG11	1:12:A:GLU:H	1	1.54
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG12	1:12:A:GLU:H	1	1.54
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG13	1:12:A:GLU:H	1	1.54
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:GLU:H	1	1.54
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:GLU:H	1	1.54
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:GLU:H	1	1.54
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD11	18	1.54
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD12	18	1.54
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD13	18	1.54
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD21	18	1.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD22	18	1.54
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD23	18	1.54
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD11	18	1.54
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD12	18	1.54
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD13	18	1.54
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD21	18	1.54
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD22	18	1.54
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD23	18	1.54
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD11	18	1.54
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD12	18	1.54
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD13	18	1.54
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD21	18	1.54
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD22	18	1.54
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD23	18	1.54
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB2	3	1.54
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB3	3	1.54
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB2	3	1.54
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB3	3	1.54
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB2	3	1.54
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB3	3	1.54
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB2	3	1.54
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB3	3	1.54
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB2	3	1.54
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB3	3	1.54
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB2	3	1.54
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB3	3	1.54
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG11	20	1.54
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG12	20	1.54
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG13	20	1.54
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG11	20	1.54
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG12	20	1.54
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG13	20	1.54
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG11	20	1.54
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG12	20	1.54
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG13	20	1.54
(4,818)	1:31:A:TRP:HZ3	1:232:A:GLY:HA2	10	1.54
(4,818)	1:31:A:TRP:HZ3	1:232:A:GLY:HA3	10	1.54
(4,665)	1:168:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	16	1.54
(4,665)	1:168:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	16	1.54
(4,665)	1:168:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	16	1.54
(4,659)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HG	1	1.54
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB2	8	1.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB3	8	1.54
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB2	8	1.54
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB3	8	1.54
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB2	8	1.54
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB3	8	1.54
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD1	15	1.54
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD2	15	1.54
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD1	15	1.54
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD2	15	1.54
(4,392)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:H	3	1.54
(4,392)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:H	3	1.54
(4,392)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:H	3	1.54
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD21	8	1.54
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD22	8	1.54
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD23	8	1.54
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD11	2	1.54
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD12	2	1.54
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD13	2	1.54
(4,218)	1:144:A:GLU:HB2	1:145:A:ASN:HD21	13	1.54
(4,218)	1:144:A:GLU:HB2	1:145:A:ASN:HD22	13	1.54
(4,218)	1:144:A:GLU:HB3	1:145:A:ASN:HD21	13	1.54
(4,218)	1:144:A:GLU:HB3	1:145:A:ASN:HD22	13	1.54
(4,206)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD1	13	1.54
(4,206)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD2	13	1.54
(4,180)	1:153:A:GLN:H	1:156:A:ALA:HA	13	1.54
(4,180)	1:153:A:GLN:H	1:156:A:ALA:HA	16	1.54
(4,8)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA3	5	1.54
(4,8)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA3	5	1.54
(2,189)	1:140:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	2	1.54
(2,189)	1:140:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	16	1.54
(2,120)	1:100:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	3	1.54
(1,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	19	1.54
(1,538)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	12	1.54
(1,503)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	8	1.54
(1,466)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	9	1.54
(5,763)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	2	1.53
(5,449)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	20	1.53
(5,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	3	1.53
(5,59)	1:104:A:SER:OG	1:214:A:TYR:H	6	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD11	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD12	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD13	3	1.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD21	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD22	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD23	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD11	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD12	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD13	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD21	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD22	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD23	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD11	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD12	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD13	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD21	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD22	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD23	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD11	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD12	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD13	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD21	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD22	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD23	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD11	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD12	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD13	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD21	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD22	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD23	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD11	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD12	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD13	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD21	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD22	3	1.53
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD23	3	1.53
(4,4136)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG2	11	1.53
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE1	3	1.53
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE2	3	1.53
(4,3795)	1:84:A:GLN:H	1:185:A:LEU:HD11	1	1.53
(4,3795)	1:84:A:GLN:H	1:185:A:LEU:HD12	1	1.53
(4,3795)	1:84:A:GLN:H	1:185:A:LEU:HD13	1	1.53
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB2	1:232:A:GLY:H	18	1.53
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB3	1:232:A:GLY:H	18	1.53
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG2	1:50:A:ARG:HD2	3	1.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG2	1:50:A:ARG:HD3	3	1.53
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG3	1:50:A:ARG:HD2	3	1.53
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG3	1:50:A:ARG:HD3	3	1.53
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	7	1.53
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	7	1.53
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	7	1.53
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	7	1.53
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	7	1.53
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	7	1.53
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD11	17	1.53
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD12	17	1.53
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD13	17	1.53
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD21	17	1.53
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD22	17	1.53
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD23	17	1.53
(4,3213)	1:29:A:ASN:H	1:31:A:TRP:HE1	1	1.53
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG21	20	1.53
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG22	20	1.53
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG23	20	1.53
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD1	12	1.53
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD2	12	1.53
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD21	3	1.53
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD22	3	1.53
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD23	3	1.53
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD21	3	1.53
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD22	3	1.53
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD23	3	1.53
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD21	3	1.53
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD22	3	1.53
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD23	3	1.53
(4,2856)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE3	5	1.53
(4,2849)	1:55:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:CG1	2	1.53
(4,2849)	1:55:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:CG1	2	1.53
(4,2849)	1:55:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:CG1	2	1.53
(4,2828)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:H	19	1.53
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	20	1.53
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	20	1.53
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	20	1.53
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	20	1.53
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	20	1.53
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	20	1.53
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD1	1:95:A:ILE:H	4	1.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD2	1:95:A:ILE:H	4	1.53
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG21	1:164:A:ASN:HD21	14	1.53
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG22	1:164:A:ASN:HD21	14	1.53
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG23	1:164:A:ASN:HD21	14	1.53
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:H	1	1.53
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:H	1	1.53
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:H	1	1.53
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG11	11	1.53
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG12	11	1.53
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG13	11	1.53
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG21	11	1.53
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG22	11	1.53
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG23	11	1.53
(4,1823)	1:181:A:ASP:HB2	1:189:A:LEU:HB2	13	1.53
(4,1823)	1:181:A:ASP:HB2	1:189:A:LEU:HB3	13	1.53
(4,1823)	1:181:A:ASP:HB3	1:189:A:LEU:HB2	13	1.53
(4,1823)	1:181:A:ASP:HB3	1:189:A:LEU:HB3	13	1.53
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	2	1.53
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	2	1.53
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	2	1.53
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	2	1.53
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	2	1.53
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	2	1.53
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG11	1:173:A:GLU:H	20	1.53
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG12	1:173:A:GLU:H	20	1.53
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG13	1:173:A:GLU:H	20	1.53
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD1	1:84:A:GLN:H	7	1.53
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD2	1:84:A:GLN:H	7	1.53
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HZ3	19	1.53
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HZ3	19	1.53
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HZ3	19	1.53
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HZ3	19	1.53
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HZ3	19	1.53
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HZ3	19	1.53
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB2	16	1.53
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB3	16	1.53
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD21	14	1.53
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD22	14	1.53
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD23	14	1.53
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD21	14	1.53
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD22	14	1.53
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD23	14	1.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD11	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD12	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD13	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD21	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD22	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD23	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD11	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD12	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD13	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD21	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD22	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD23	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD11	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD12	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD13	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD21	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD22	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD23	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD11	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD12	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD13	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD21	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD22	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD23	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD11	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD12	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD13	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD21	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD22	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD23	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD11	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD12	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD13	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD21	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD22	20	1.53
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD23	20	1.53
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD11	11	1.53
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD12	11	1.53
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD13	11	1.53
(4,788)	1:7:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HA	3	1.53
(4,732)	1:39:A:LEU:HB2	1:208:A:ARG:HD2	13	1.53
(4,732)	1:39:A:LEU:HB2	1:208:A:ARG:HD3	13	1.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,732)	1:39:A:LEU:HB3	1:208:A:ARG:HD2	13	1.53
(4,732)	1:39:A:LEU:HB3	1:208:A:ARG:HD3	13	1.53
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	5	1.53
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	5	1.53
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	5	1.53
(4,659)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HG	10	1.53
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB2	1	1.53
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB3	1	1.53
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB2	1	1.53
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB3	1	1.53
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD2	1	1.53
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD3	1	1.53
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD2	1	1.53
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD3	1	1.53
(4,270)	1:33:A:TYR:HD1	1:232:A:GLY:H	19	1.53
(4,270)	1:33:A:TYR:HD2	1:232:A:GLY:H	19	1.53
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD11	11	1.53
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD12	11	1.53
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD13	11	1.53
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD21	11	1.53
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD22	11	1.53
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD23	11	1.53
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD11	11	1.53
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD12	11	1.53
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD13	11	1.53
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD21	11	1.53
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD22	11	1.53
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD23	11	1.53
(4,252)	1:160:A:THR:H	1:161:A:ALA:H	6	1.53
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	15	1.53
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	15	1.53
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	15	1.53
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	15	1.53
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	15	1.53
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	15	1.53
(4,191)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD11	19	1.53
(4,191)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD12	19	1.53
(4,191)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD13	19	1.53
(4,191)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD11	19	1.53
(4,191)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD12	19	1.53
(4,191)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD13	19	1.53
(4,180)	1:153:A:GLN:H	1:156:A:ALA:HA	14	1.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,170)	1:61:A:ILE:HD11	1:166:A:HIS:H	14	1.53
(4,170)	1:61:A:ILE:HD12	1:166:A:HIS:H	14	1.53
(4,170)	1:61:A:ILE:HD13	1:166:A:HIS:H	14	1.53
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD21	11	1.53
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD22	11	1.53
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD23	11	1.53
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD21	10	1.53
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD22	10	1.53
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD21	10	1.53
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD22	10	1.53
(2,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	19	1.53
(1,423)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	15	1.53
(1,285)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	8	1.53
(1,158)	1:153:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	18	1.53
(1,99)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	7	1.53
(5,694)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	9	1.52
(5,524)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	10	1.52
(5,340)	1:5:A:ASN:ND2	1:13:A:SER:H	15	1.52
(5,332)	1:177:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	12	1.52
(5,283)	1:159:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	11	1.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD11	19	1.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD12	19	1.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD13	19	1.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD21	19	1.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD22	19	1.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD23	19	1.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD11	19	1.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD12	19	1.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD13	19	1.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD21	19	1.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD22	19	1.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD23	19	1.52
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE1	11	1.52
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE2	11	1.52
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD1	2	1.52
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD2	2	1.52
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG2	18	1.52
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG3	18	1.52
(4,4069)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:H	16	1.52
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HB	2	1.52
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HB	2	1.52
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD2	1:214:A:TYR:HA	15	1.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD3	1:214:A:TYR:HA	15	1.52
(4,3843)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD1	16	1.52
(4,3843)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD2	16	1.52
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB2	19	1.52
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB3	19	1.52
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB2	19	1.52
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB3	19	1.52
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB2	19	1.52
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB3	19	1.52
(4,3714)	1:19:A:THR:HG1	1:33:A:TYR:H	9	1.52
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD21	15	1.52
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD22	15	1.52
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:H	13	1.52
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:H	13	1.52
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD11	16	1.52
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD12	16	1.52
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD13	16	1.52
(4,3413)	1:149:A:PHE:H	1:151:A:THR:H	7	1.52
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG21	1:203:A:GLU:H	11	1.52
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG22	1:203:A:GLU:H	11	1.52
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG23	1:203:A:GLU:H	11	1.52
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	15	1.52
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	15	1.52
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	15	1.52
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	15	1.52
(4,3286)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HA	10	1.52
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD11	13	1.52
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD12	13	1.52
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD13	13	1.52
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD21	13	1.52
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD22	13	1.52
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD23	13	1.52
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG12	10	1.52
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG13	10	1.52
(4,3075)	1:74:A:THR:H	1:77:A:TYR:H	10	1.52
(4,3042)	1:162:A:ASP:H	1:164:A:ASN:H	3	1.52
(4,3042)	1:162:A:ASP:H	1:164:A:ASN:H	19	1.52
(4,3010)	1:81:A:TRP:H	1:127:A:ASN:HD22	3	1.52
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD21	1:144:A:GLU:H	18	1.52
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD22	1:144:A:GLU:H	18	1.52
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD23	1:144:A:GLU:H	18	1.52
(4,2856)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE3	3	1.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2828)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:H	8	1.52
(4,2622)	1:5:A:ASN:HD21	1:7:A:ALA:H	13	1.52
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD11	11	1.52
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD12	11	1.52
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD13	11	1.52
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD21	11	1.52
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD22	11	1.52
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD23	11	1.52
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD11	1:91:A:GLY:H	2	1.52
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD12	1:91:A:GLY:H	2	1.52
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD13	1:91:A:GLY:H	2	1.52
(4,2152)	1:63:A:GLU:H	1:65:A:ARG:H	20	1.52
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD21	1:147:A:GLN:H	17	1.52
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD22	1:147:A:GLN:H	17	1.52
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HA	17	1.52
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HA	17	1.52
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HA	17	1.52
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HA	17	1.52
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HA	17	1.52
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HA	17	1.52
(4,1880)	1:207:A:VAL:HB	1:211:A:VAL:H	20	1.52
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD11	9	1.52
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD12	9	1.52
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD13	9	1.52
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG12	1:166:A:HIS:H	19	1.52
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG13	1:166:A:HIS:H	19	1.52
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD11	14	1.52
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD12	14	1.52
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD13	14	1.52
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD1	1:84:A:GLN:H	12	1.52
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD2	1:84:A:GLN:H	12	1.52
(4,1496)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HB2	19	1.52
(4,1496)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HB3	19	1.52
(4,1492)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG3	3	1.52
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:H	11	1.52
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:H	11	1.52
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:H	11	1.52
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:H	11	1.52
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:H	11	1.52
(4,1486)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:H	11	1.52
(4,1436)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD11	7	1.52
(4,1436)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD12	7	1.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1436)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD13	7	1.52
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD1	13	1.52
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD2	13	1.52
(4,1391)	1:57:A:LEU:HB2	1:228:A:MET:HG2	5	1.52
(4,1391)	1:57:A:LEU:HB2	1:228:A:MET:HG3	5	1.52
(4,1391)	1:57:A:LEU:HB3	1:228:A:MET:HG2	5	1.52
(4,1391)	1:57:A:LEU:HB3	1:228:A:MET:HG3	5	1.52
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:HB2	17	1.52
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:HB3	17	1.52
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:HB2	17	1.52
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:HB3	17	1.52
(4,1242)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:H	14	1.52
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE1	1:180:A:LEU:H	14	1.52
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE2	1:180:A:LEU:H	14	1.52
(4,1117)	1:210:A:ARG:HB2	1:214:A:TYR:HE1	3	1.52
(4,1117)	1:210:A:ARG:HB2	1:214:A:TYR:HE2	3	1.52
(4,1117)	1:210:A:ARG:HB3	1:214:A:TYR:HE1	3	1.52
(4,1117)	1:210:A:ARG:HB3	1:214:A:TYR:HE2	3	1.52
(4,1010)	1:177:A:ILE:HG12	1:194:A:SER:H	6	1.52
(4,1010)	1:177:A:ILE:HG13	1:194:A:SER:H	6	1.52
(4,1007)	1:81:A:TRP:HZ2	1:82:A:PHE:H	12	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD11	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD12	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD13	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD21	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD22	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD23	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD11	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD12	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD13	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD21	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD22	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD23	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD11	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD12	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD13	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD21	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD22	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD23	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD11	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD12	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD13	5	1.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD21	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD22	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD23	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD11	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD12	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD13	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD21	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD22	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD23	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD11	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD12	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD13	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD21	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD22	5	1.52
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD23	5	1.52
(4,947)	1:177:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	10	1.52
(4,947)	1:177:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	10	1.52
(4,947)	1:177:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	10	1.52
(4,896)	1:82:A:PHE:HE1	1:127:A:ASN:H	6	1.52
(4,896)	1:82:A:PHE:HE2	1:127:A:ASN:H	6	1.52
(4,887)	1:100:A:SER:HB2	1:127:A:ASN:HA	10	1.52
(4,887)	1:100:A:SER:HB3	1:127:A:ASN:HA	10	1.52
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD21	10	1.52
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD22	10	1.52
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD21	18	1.52
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD22	18	1.52
(4,813)	1:36:A:ILE:HD11	1:48:A:LEU:CD2	9	1.52
(4,813)	1:36:A:ILE:HD12	1:48:A:LEU:CD2	9	1.52
(4,813)	1:36:A:ILE:HD13	1:48:A:LEU:CD2	9	1.52
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD11	2	1.52
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD12	2	1.52
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD13	2	1.52
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	7	1.52
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	7	1.52
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	7	1.52
(4,649)	1:88:A:ASN:HB2	1:146:A:VAL:H	20	1.52
(4,649)	1:88:A:ASN:HB3	1:146:A:VAL:H	20	1.52
(4,626)	1:120:A:SER:HA	1:126:A:LYS:HA	16	1.52
(4,497)	1:29:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD21	9	1.52
(4,495)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD22	19	1.52
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD11	14	1.52
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD12	14	1.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD13	14	1.52
(4,404)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG13	10	1.52
(4,387)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:HG2	15	1.52
(4,387)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:HG3	15	1.52
(4,387)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:HG2	15	1.52
(4,387)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:HG3	15	1.52
(4,387)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:HG2	15	1.52
(4,387)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:HG3	15	1.52
(4,387)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:HG2	16	1.52
(4,387)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:HG3	16	1.52
(4,387)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:HG2	16	1.52
(4,387)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:HG3	16	1.52
(4,387)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:HG2	16	1.52
(4,387)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:HG3	16	1.52
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE1	12	1.52
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE2	12	1.52
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB2	2	1.52
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB3	2	1.52
(1,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	17	1.52
(1,539)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	8	1.52
(1,220)	1:225:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	4	1.52
(1,179)	1:57:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	19	1.52
(1,174)	1:94:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	6	1.52
(1,72)	1:170:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	7	1.52
(5,599)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	3	1.51
(5,294)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	1	1.51
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD11	16	1.51
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD12	16	1.51
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD13	16	1.51
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:H	5	1.51
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:H	5	1.51
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:H	5	1.51
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:H	5	1.51
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:H	5	1.51
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:H	5	1.51
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD1	12	1.51
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD2	12	1.51
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD2	1:214:A:TYR:HA	20	1.51
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD3	1:214:A:TYR:HA	20	1.51
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE1	2	1.51
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE2	2	1.51
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:H	20	1.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:H	20	1.51
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:H	20	1.51
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB1	6	1.51
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB2	6	1.51
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB3	6	1.51
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA2	1	1.51
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG12	1:91:A:GLY:HA3	1	1.51
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA2	1	1.51
(4,3522)	1:11:A:ILE:HG13	1:91:A:GLY:HA3	1	1.51
(4,3400)	1:234:A:ASN:HD22	1:236:A:GLU:H	9	1.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB2	15	1.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB3	15	1.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB2	15	1.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB3	15	1.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB2	15	1.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB3	15	1.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB2	15	1.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB3	15	1.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB2	15	1.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB3	15	1.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB2	15	1.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB3	15	1.51
(4,3364)	1:65:A:ARG:HA	1:67:A:SER:HB2	19	1.51
(4,3364)	1:65:A:ARG:HA	1:67:A:SER:HB3	19	1.51
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD11	9	1.51
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD12	9	1.51
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD13	9	1.51
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD21	9	1.51
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD22	9	1.51
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD23	9	1.51
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD11	9	1.51
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD12	9	1.51
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD13	9	1.51
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD21	9	1.51
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD22	9	1.51
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD23	9	1.51
(4,3315)	1:80:A:ILE:HG21	1:180:A:LEU:HD11	2	1.51
(4,3315)	1:80:A:ILE:HG21	1:180:A:LEU:HD12	2	1.51
(4,3315)	1:80:A:ILE:HG21	1:180:A:LEU:HD13	2	1.51
(4,3315)	1:80:A:ILE:HG21	1:180:A:LEU:HD21	2	1.51
(4,3315)	1:80:A:ILE:HG21	1:180:A:LEU:HD22	2	1.51
(4,3315)	1:80:A:ILE:HG21	1:180:A:LEU:HD23	2	1.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3315)	1:80:A:ILE:HG22	1:180:A:LEU:HD11	2	1.51
(4,3315)	1:80:A:ILE:HG22	1:180:A:LEU:HD12	2	1.51
(4,3315)	1:80:A:ILE:HG22	1:180:A:LEU:HD13	2	1.51
(4,3315)	1:80:A:ILE:HG22	1:180:A:LEU:HD21	2	1.51
(4,3315)	1:80:A:ILE:HG22	1:180:A:LEU:HD22	2	1.51
(4,3315)	1:80:A:ILE:HG22	1:180:A:LEU:HD23	2	1.51
(4,3315)	1:80:A:ILE:HG23	1:180:A:LEU:HD11	2	1.51
(4,3315)	1:80:A:ILE:HG23	1:180:A:LEU:HD12	2	1.51
(4,3315)	1:80:A:ILE:HG23	1:180:A:LEU:HD13	2	1.51
(4,3315)	1:80:A:ILE:HG23	1:180:A:LEU:HD21	2	1.51
(4,3315)	1:80:A:ILE:HG23	1:180:A:LEU:HD22	2	1.51
(4,3315)	1:80:A:ILE:HG23	1:180:A:LEU:HD23	2	1.51
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD21	9	1.51
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD22	9	1.51
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD23	9	1.51
(4,3202)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA2	18	1.51
(4,3202)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA2	18	1.51
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB1	17	1.51
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB2	17	1.51
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB3	17	1.51
(4,3042)	1:162:A:ASP:H	1:164:A:ASN:H	8	1.51
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HE1	4	1.51
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HE1	4	1.51
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HE1	4	1.51
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HD11	16	1.51
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HD12	16	1.51
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HD13	16	1.51
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HD11	16	1.51
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HD12	16	1.51
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HD13	16	1.51
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HD11	16	1.51
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HD12	16	1.51
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HD13	16	1.51
(4,2885)	1:119:A:GLN:HE22	1:133:A:THR:H	7	1.51
(4,2854)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:HG2	6	1.51
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HB2	10	1.51
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HB3	10	1.51
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HB2	10	1.51
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HB3	10	1.51
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD11	13	1.51
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD12	13	1.51
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD13	13	1.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD21	13	1.51
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD22	13	1.51
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD23	13	1.51
(4,2692)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HB3	10	1.51
(4,2525)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:H	3	1.51
(4,2525)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:H	3	1.51
(4,2525)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:H	3	1.51
(4,2399)	1:118:A:SER:HA	1:119:A:GLN:HE21	15	1.51
(4,2327)	1:36:A:ILE:CD1	1:55:A:ILE:HD11	10	1.51
(4,2327)	1:36:A:ILE:CD1	1:55:A:ILE:HD12	10	1.51
(4,2327)	1:36:A:ILE:CD1	1:55:A:ILE:HD13	10	1.51
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD11	12	1.51
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD12	12	1.51
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD13	12	1.51
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD11	12	1.51
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD12	12	1.51
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD13	12	1.51
(4,2183)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HD1	7	1.51
(4,2183)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HD2	7	1.51
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HA	18	1.51
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HA	18	1.51
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HA	18	1.51
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HA	18	1.51
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HA	18	1.51
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HA	18	1.51
(4,1914)	1:19:A:THR:HG21	1:32:A:ALA:H	12	1.51
(4,1914)	1:19:A:THR:HG22	1:32:A:ALA:H	12	1.51
(4,1914)	1:19:A:THR:HG23	1:32:A:ALA:H	12	1.51
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	12	1.51
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	12	1.51
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	12	1.51
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:H	7	1.51
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:H	7	1.51
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:H	7	1.51
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD1	17	1.51
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD2	17	1.51
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD1	17	1.51
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD2	17	1.51
(4,1645)	1:109:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	6	1.51
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD1	1:84:A:GLN:H	9	1.51
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD2	1:84:A:GLN:H	9	1.51
(4,1492)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG3	8	1.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	20	1.51
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	20	1.51
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	20	1.51
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG21	1:58:A:LEU:H	15	1.51
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG22	1:58:A:LEU:H	15	1.51
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG23	1:58:A:LEU:H	15	1.51
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD21	17	1.51
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD22	17	1.51
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD23	17	1.51
(4,1162)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HG	7	1.51
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG11	1:12:A:GLU:H	18	1.51
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG12	1:12:A:GLU:H	18	1.51
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG13	1:12:A:GLU:H	18	1.51
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:GLU:H	18	1.51
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:GLU:H	18	1.51
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:GLU:H	18	1.51
(4,1030)	1:31:A:TRP:HE3	1:233:A:PRO:HD2	10	1.51
(4,1030)	1:31:A:TRP:HE3	1:233:A:PRO:HD3	10	1.51
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB1	18	1.51
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB2	18	1.51
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB3	18	1.51
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB1	18	1.51
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB2	18	1.51
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB3	18	1.51
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB1	18	1.51
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB2	18	1.51
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB3	18	1.51
(4,801)	1:48:A:LEU:HD21	1:201:A:LEU:H	9	1.51
(4,801)	1:48:A:LEU:HD22	1:201:A:LEU:H	9	1.51
(4,801)	1:48:A:LEU:HD23	1:201:A:LEU:H	9	1.51
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD2	5	1.51
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD3	5	1.51
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD2	5	1.51
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD3	5	1.51
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG21	9	1.51
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG22	9	1.51
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG23	9	1.51
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD11	6	1.51
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD12	6	1.51
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD13	6	1.51
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB2	18	1.51
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB3	18	1.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB2	18	1.51
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB3	18	1.51
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD1	18	1.51
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD2	18	1.51
(4,251)	1:28:A:LYS:HB3	1:29:A:ASN:HD21	18	1.51
(4,185)	1:177:A:ILE:HG21	1:192:A:GLY:HA3	7	1.51
(4,185)	1:177:A:ILE:HG22	1:192:A:GLY:HA3	7	1.51
(4,185)	1:177:A:ILE:HG23	1:192:A:GLY:HA3	7	1.51
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD21	20	1.51
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD22	20	1.51
(2,189)	1:140:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	11	1.51
(2,189)	1:140:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	19	1.51
(2,29)	1:102:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	8	1.51
(1,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	6	1.51
(1,578)	1:5:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	20	1.51
(1,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	4	1.51
(1,454)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	20	1.51
(1,195)	1:16:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	3	1.51
(1,156)	1:184:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	13	1.51
(5,636)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	6	1.5
(5,419)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	6	1.5
(5,338)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	12	1.5
(5,327)	1:151:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	20	1.5
(5,72)	1:59:A:PHE:H	1:104:A:SER:OG	7	1.5
(5,72)	1:59:A:PHE:H	1:104:A:SER:OG	18	1.5
(4,4218)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD22	3	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD11	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD12	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD13	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD21	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD22	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD23	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD11	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD12	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD13	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD21	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD22	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD23	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD11	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD12	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD13	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD21	4	1.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD22	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD23	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD11	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD12	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD13	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD21	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD22	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD23	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD11	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD12	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD13	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD21	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD22	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD23	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD11	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD12	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD13	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD21	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD22	4	1.5
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD23	4	1.5
(4,4152)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HA	18	1.5
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE21	9	1.5
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE22	9	1.5
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE21	20	1.5
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE22	20	1.5
(4,4034)	1:76:A:SER:H	1:78:A:ASP:H	2	1.5
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	17	1.5
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	17	1.5
(4,3933)	1:19:A:THR:HG1	1:22:A:ALA:H	8	1.5
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG11	2	1.5
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG12	2	1.5
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG13	2	1.5
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG21	2	1.5
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG22	2	1.5
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG23	2	1.5
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG11	2	1.5
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG12	2	1.5
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG13	2	1.5
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG21	2	1.5
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG22	2	1.5
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG23	2	1.5
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG21	1:75:A:SER:HB2	18	1.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG21	1:75:A:SER:HB3	18	1.5
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG22	1:75:A:SER:HB2	18	1.5
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG22	1:75:A:SER:HB3	18	1.5
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG23	1:75:A:SER:HB2	18	1.5
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG23	1:75:A:SER:HB3	18	1.5
(4,3560)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HA	11	1.5
(4,3537)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HB	3	1.5
(4,3537)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HB	3	1.5
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG21	4	1.5
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG22	4	1.5
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG23	4	1.5
(4,3280)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB2	1	1.5
(4,3258)	1:58:A:LEU:HA	1:165:A:LEU:HB2	9	1.5
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	3	1.5
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	3	1.5
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	3	1.5
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	3	1.5
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	3	1.5
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	3	1.5
(4,3202)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA2	4	1.5
(4,3202)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA2	4	1.5
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG11	17	1.5
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG12	17	1.5
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG13	17	1.5
(4,2838)	1:73:A:ILE:H	1:75:A:SER:H	3	1.5
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB2	8	1.5
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB3	8	1.5
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB2	8	1.5
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB3	8	1.5
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB2	8	1.5
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB3	8	1.5
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG11	14	1.5
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG12	14	1.5
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG13	14	1.5
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG11	14	1.5
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG12	14	1.5
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG13	14	1.5
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG11	17	1.5
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG12	17	1.5
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG13	17	1.5
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG11	17	1.5
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG12	17	1.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG13	17	1.5
(4,2582)	1:163:A:THR:HB	1:165:A:LEU:HB3	5	1.5
(4,2582)	1:163:A:THR:HB	1:165:A:LEU:HB3	16	1.5
(4,2575)	1:19:A:THR:HG21	1:235:A:TRP:H	5	1.5
(4,2575)	1:19:A:THR:HG22	1:235:A:TRP:H	5	1.5
(4,2575)	1:19:A:THR:HG23	1:235:A:TRP:H	5	1.5
(4,2436)	1:157:A:PRO:HB2	1:160:A:THR:HA	5	1.5
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB2	1:7:A:ALA:H	16	1.5
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB3	1:7:A:ALA:H	16	1.5
(4,2406)	1:81:A:TRP:HZ2	1:182:A:GLY:HA2	19	1.5
(4,2406)	1:81:A:TRP:HZ2	1:182:A:GLY:HA3	19	1.5
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:H	1	1.5
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:H	1	1.5
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:H	1	1.5
(4,2389)	1:208:A:ARG:HD2	1:210:A:ARG:H	20	1.5
(4,2389)	1:208:A:ARG:HD3	1:210:A:ARG:H	20	1.5
(4,2267)	1:29:A:ASN:H	1:30:A:GLU:HG3	13	1.5
(4,2263)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:H	6	1.5
(4,2137)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:H	8	1.5
(4,2079)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HG	11	1.5
(4,1830)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD22	3	1.5
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:H	13	1.5
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:H	13	1.5
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:H	15	1.5
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:H	15	1.5
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:H	16	1.5
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:H	16	1.5
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:H	16	1.5
(4,1771)	1:72:A:GLN:HB3	1:74:A:THR:H	15	1.5
(4,1651)	1:59:A:PHE:H	1:165:A:LEU:HB2	9	1.5
(4,1540)	1:33:A:TYR:HD1	1:231:A:LEU:H	13	1.5
(4,1540)	1:33:A:TYR:HD2	1:231:A:LEU:H	13	1.5
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB2	10	1.5
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB3	10	1.5
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG2	1	1.5
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG3	1	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD11	13	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD12	13	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD13	13	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD21	13	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD22	13	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD23	13	1.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD11	13	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD12	13	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD13	13	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD21	13	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD22	13	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD23	13	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD11	13	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD12	13	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD13	13	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD21	13	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD22	13	1.5
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD23	13	1.5
(4,1019)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:H	14	1.5
(4,956)	1:100:A:SER:HB2	1:103:A:GLN:HE21	10	1.5
(4,956)	1:100:A:SER:HB2	1:103:A:GLN:HE22	10	1.5
(4,956)	1:100:A:SER:HB3	1:103:A:GLN:HE21	10	1.5
(4,956)	1:100:A:SER:HB3	1:103:A:GLN:HE22	10	1.5
(4,896)	1:82:A:PHE:HE1	1:127:A:ASN:H	12	1.5
(4,896)	1:82:A:PHE:HE2	1:127:A:ASN:H	12	1.5
(4,853)	1:76:A:SER:HA	1:79:A:VAL:H	20	1.5
(4,823)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:H	1	1.5
(4,823)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:H	1	1.5
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD11	19	1.5
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD12	19	1.5
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD13	19	1.5
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD21	19	1.5
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD22	19	1.5
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD23	19	1.5
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD11	19	1.5
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD12	19	1.5
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD13	19	1.5
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD21	19	1.5
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD22	19	1.5
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD23	19	1.5
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD11	19	1.5
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD12	19	1.5
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD13	19	1.5
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD21	19	1.5
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD22	19	1.5
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD23	19	1.5
(4,706)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HA	8	1.5
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB2	18	1.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB3	18	1.5
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB2	18	1.5
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB3	18	1.5
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB2	18	1.5
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB3	18	1.5
(4,404)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG13	9	1.5
(4,392)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:H	19	1.5
(4,392)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:H	19	1.5
(4,392)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:H	19	1.5
(4,368)	1:154:A:SER:HA	1:156:A:ALA:HA	2	1.5
(4,251)	1:28:A:LYS:HB3	1:29:A:ASN:HD21	4	1.5
(4,251)	1:28:A:LYS:HB3	1:29:A:ASN:HD21	10	1.5
(4,182)	1:55:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HG2	9	1.5
(4,182)	1:55:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HG3	9	1.5
(4,182)	1:55:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HG2	9	1.5
(4,182)	1:55:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HG3	9	1.5
(4,182)	1:55:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HG2	9	1.5
(4,182)	1:55:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HG3	9	1.5
(4,180)	1:153:A:GLN:H	1:156:A:ALA:HA	9	1.5
(4,73)	1:223:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	6	1.5
(4,73)	1:223:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	6	1.5
(4,73)	1:223:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	6	1.5
(4,33)	1:72:A:GLN:HG2	1:74:A:THR:H	16	1.5
(4,33)	1:72:A:GLN:HG3	1:74:A:THR:H	16	1.5
(2,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	7	1.5
(1,558)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	19	1.5
(1,468)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	6	1.5
(1,448)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	1	1.5
(1,131)	1:225:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	4	1.5
(5,706)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	10	1.49
(5,599)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	5	1.49
(5,340)	1:5:A:ASN:ND2	1:13:A:SER:H	5	1.49
(4,4202)	1:56:A:VAL:HB	1:230:A:GLY:H	18	1.49
(4,4161)	1:11:A:ILE:HA	1:153:A:GLN:HA	8	1.49
(4,4158)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE22	2	1.49
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	18	1.49
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	18	1.49
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	18	1.49
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	18	1.49
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	18	1.49
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	18	1.49
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	18	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	18	1.49
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	18	1.49
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	18	1.49
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	18	1.49
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	18	1.49
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD21	7	1.49
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD22	7	1.49
(4,3762)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:H	17	1.49
(4,3755)	1:44:A:LEU:HD11	1:47:A:PHE:H	16	1.49
(4,3755)	1:44:A:LEU:HD12	1:47:A:PHE:H	16	1.49
(4,3755)	1:44:A:LEU:HD13	1:47:A:PHE:H	16	1.49
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB2	9	1.49
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB3	9	1.49
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD21	13	1.49
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD22	13	1.49
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD23	13	1.49
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD11	1:206:A:LEU:H	3	1.49
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD12	1:206:A:LEU:H	3	1.49
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD13	1:206:A:LEU:H	3	1.49
(4,3537)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HB	4	1.49
(4,3537)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HB	4	1.49
(4,3520)	1:57:A:LEU:HB2	1:211:A:VAL:HB	8	1.49
(4,3520)	1:57:A:LEU:HB3	1:211:A:VAL:HB	8	1.49
(4,3520)	1:57:A:LEU:HB2	1:211:A:VAL:HB	19	1.49
(4,3520)	1:57:A:LEU:HB3	1:211:A:VAL:HB	19	1.49
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB2	19	1.49
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB3	19	1.49
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB2	19	1.49
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB3	19	1.49
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB2	19	1.49
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB3	19	1.49
(4,3190)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HB	8	1.49
(4,3111)	1:89:A:ALA:H	1:93:A:TYR:HD1	4	1.49
(4,3111)	1:89:A:ALA:H	1:93:A:TYR:HD2	4	1.49
(4,3037)	1:80:A:ILE:HD11	1:127:A:ASN:H	8	1.49
(4,3037)	1:80:A:ILE:HD12	1:127:A:ASN:H	8	1.49
(4,3037)	1:80:A:ILE:HD13	1:127:A:ASN:H	8	1.49
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	10	1.49
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	10	1.49
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	10	1.49
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	17	1.49
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	17	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	17	1.49
(4,2868)	1:15:A:PRO:HG2	1:35:A:ASP:H	12	1.49
(4,2854)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:HG2	1	1.49
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG11	8	1.49
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG12	8	1.49
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG13	8	1.49
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG21	8	1.49
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG22	8	1.49
(4,2816)	1:5:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG23	8	1.49
(4,2809)	1:55:A:ILE:HB	1:201:A:LEU:HB2	1	1.49
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD11	14	1.49
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD12	14	1.49
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD13	14	1.49
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE1	1:95:A:ILE:H	2	1.49
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE2	1:95:A:ILE:H	2	1.49
(4,2631)	1:68:A:SER:HA	1:70:A:SER:H	20	1.49
(4,2585)	1:111:A:ASP:HA	1:114:A:ASN:HD22	14	1.49
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD11	1:120:A:SER:H	5	1.49
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD12	1:120:A:SER:H	5	1.49
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD13	1:120:A:SER:H	5	1.49
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:H	14	1.49
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:H	14	1.49
(4,2469)	1:156:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:H	14	1.49
(4,2405)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HA	8	1.49
(4,2405)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HA	8	1.49
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE1	1:231:A:LEU:H	12	1.49
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE2	1:231:A:LEU:H	12	1.49
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD11	20	1.49
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD12	20	1.49
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD13	20	1.49
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD21	20	1.49
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD22	20	1.49
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD23	20	1.49
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA2	1:6:A:ARG:HA	7	1.49
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA3	1:6:A:ARG:HA	7	1.49
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG21	1:58:A:LEU:HG	14	1.49
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG22	1:58:A:LEU:HG	14	1.49
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG23	1:58:A:LEU:HG	14	1.49
(4,2074)	1:45:A:LEU:HD21	1:202:A:ILE:H	20	1.49
(4,2074)	1:45:A:LEU:HD22	1:202:A:ILE:H	20	1.49
(4,2074)	1:45:A:LEU:HD23	1:202:A:ILE:H	20	1.49
(4,1955)	1:72:A:GLN:HB2	1:74:A:THR:H	7	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG11	17	1.49
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG12	17	1.49
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG13	17	1.49
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD11	13	1.49
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD12	13	1.49
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD13	13	1.49
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:H	17	1.49
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:H	17	1.49
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG11	1:173:A:GLU:H	7	1.49
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG12	1:173:A:GLU:H	7	1.49
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG13	1:173:A:GLU:H	7	1.49
(4,1573)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB3	10	1.49
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB3	18	1.49
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB3	18	1.49
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG11	7	1.49
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG12	7	1.49
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG13	7	1.49
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG21	7	1.49
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG22	7	1.49
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG23	7	1.49
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE1	1:180:A:LEU:H	15	1.49
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE2	1:180:A:LEU:H	15	1.49
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD11	5	1.49
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD12	5	1.49
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD13	5	1.49
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD11	5	1.49
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD12	5	1.49
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD13	5	1.49
(4,1050)	1:15:A:PRO:HB2	1:34:A:PHE:H	16	1.49
(4,1050)	1:15:A:PRO:HB3	1:34:A:PHE:H	16	1.49
(4,1019)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:H	10	1.49
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD11	9	1.49
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD12	9	1.49
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD13	9	1.49
(4,947)	1:177:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	13	1.49
(4,947)	1:177:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	13	1.49
(4,947)	1:177:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	13	1.49
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD2	14	1.49
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD3	14	1.49
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD11	2	1.49
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD12	2	1.49
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD13	2	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD11	2	1.49
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD12	2	1.49
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD13	2	1.49
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD11	2	1.49
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD12	2	1.49
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD13	2	1.49
(4,755)	1:16:A:GLU:H	1:34:A:PHE:HA	16	1.49
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD11	13	1.49
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD12	13	1.49
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD13	13	1.49
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD21	13	1.49
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD22	13	1.49
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD23	13	1.49
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD11	13	1.49
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD12	13	1.49
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD13	13	1.49
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD21	13	1.49
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD22	13	1.49
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD23	13	1.49
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD11	13	1.49
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD12	13	1.49
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD13	13	1.49
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD21	13	1.49
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD22	13	1.49
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD23	13	1.49
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD11	17	1.49
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD12	17	1.49
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD13	17	1.49
(4,495)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD22	18	1.49
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB1	3	1.49
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB2	3	1.49
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB3	3	1.49
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB1	3	1.49
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB2	3	1.49
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB3	3	1.49
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB1	3	1.49
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB2	3	1.49
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB3	3	1.49
(4,270)	1:33:A:TYR:HD1	1:232:A:GLY:H	10	1.49
(4,270)	1:33:A:TYR:HD2	1:232:A:GLY:H	10	1.49
(4,269)	1:144:A:GLU:HB2	1:147:A:GLN:HE21	19	1.49
(4,269)	1:144:A:GLU:HB2	1:147:A:GLN:HE22	19	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,269)	1:144:A:GLU:HB3	1:147:A:GLN:HE21	19	1.49
(4,269)	1:144:A:GLU:HB3	1:147:A:GLN:HE22	19	1.49
(4,211)	1:83:A:LYS:HD2	1:86:A:VAL:H	14	1.49
(4,211)	1:83:A:LYS:HD3	1:86:A:VAL:H	14	1.49
(4,202)	1:79:A:VAL:HG21	1:81:A:TRP:H	10	1.49
(4,202)	1:79:A:VAL:HG22	1:81:A:TRP:H	10	1.49
(4,202)	1:79:A:VAL:HG23	1:81:A:TRP:H	10	1.49
(4,174)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	10	1.49
(4,61)	1:29:A:ASN:H	1:30:A:GLU:HG2	2	1.49
(1,451)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	16	1.49
(1,173)	1:58:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	7	1.49
(1,131)	1:225:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	13	1.49
(5,716)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	8	1.48
(5,612)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	4	1.48
(5,565)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	17	1.48
(5,426)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	6	1.48
(5,299)	1:156:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	11	1.48
(5,230)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	9	1.48
(5,131)	1:140:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	16	1.48
(5,14)	1:87:A:LYS:H	1:104:A:SER:OG	3	1.48
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG2	4	1.48
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG3	4	1.48
(4,4218)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD22	2	1.48
(4,4179)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:HD1	17	1.48
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD11	17	1.48
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD12	17	1.48
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD13	17	1.48
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG21	14	1.48
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG22	14	1.48
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG23	14	1.48
(4,4053)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HG	2	1.48
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG11	15	1.48
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG12	15	1.48
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG13	15	1.48
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG21	15	1.48
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG22	15	1.48
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG23	15	1.48
(4,3907)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB2	4	1.48
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG11	13	1.48
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG12	13	1.48
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG13	13	1.48
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG11	13	1.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG12	13	1.48
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG13	13	1.48
(4,3537)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HB	12	1.48
(4,3537)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HB	12	1.48
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD1	1:152:A:GLY:H	6	1.48
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD2	1:152:A:GLY:H	6	1.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE21	16	1.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE22	16	1.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE21	16	1.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE22	16	1.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE21	16	1.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE22	16	1.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE21	16	1.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE22	16	1.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE21	16	1.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE22	16	1.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE21	16	1.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE22	16	1.48
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE1	14	1.48
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE2	14	1.48
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE1	14	1.48
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE2	14	1.48
(4,3370)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE21	10	1.48
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE1	2	1.48
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE2	2	1.48
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE1	2	1.48
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE2	2	1.48
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE1	2	1.48
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE2	2	1.48
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD11	2	1.48
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD12	2	1.48
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD13	2	1.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD11	20	1.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD12	20	1.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD13	20	1.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD21	20	1.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD22	20	1.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD23	20	1.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD11	20	1.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD12	20	1.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD13	20	1.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD21	20	1.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD22	20	1.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD23	20	1.48
(4,2985)	1:171:A:VAL:HB	1:172:A:GLU:HG2	14	1.48
(4,2985)	1:171:A:VAL:HB	1:172:A:GLU:HG3	14	1.48
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG11	13	1.48
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG12	13	1.48
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG13	13	1.48
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE1	15	1.48
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE2	15	1.48
(4,2696)	1:31:A:TRP:H	1:31:A:TRP:HE1	17	1.48
(4,2541)	1:80:A:ILE:HD11	1:127:A:ASN:HD21	13	1.48
(4,2541)	1:80:A:ILE:HD12	1:127:A:ASN:HD21	13	1.48
(4,2541)	1:80:A:ILE:HD13	1:127:A:ASN:HD21	13	1.48
(4,2497)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HZ3	11	1.48
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB1	14	1.48
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB2	14	1.48
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB3	14	1.48
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB1	14	1.48
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB2	14	1.48
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB3	14	1.48
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB1	14	1.48
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB2	14	1.48
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB3	14	1.48
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG11	2	1.48
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG12	2	1.48
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG13	2	1.48
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HB2	2	1.48
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HB2	2	1.48
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG21	13	1.48
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG22	13	1.48
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG23	13	1.48
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG21	13	1.48
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG22	13	1.48
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG23	13	1.48
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD11	4	1.48
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD12	4	1.48
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD13	4	1.48
(4,2007)	1:68:A:SER:H	1:70:A:SER:H	2	1.48
(4,1841)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:H	15	1.48
(4,1771)	1:72:A:GLN:HB3	1:74:A:THR:H	2	1.48
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:CG1	14	1.48
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:CG1	14	1.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:CG1	14	1.48
(4,1555)	1:62:A:ASN:H	1:164:A:ASN:HD22	14	1.48
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:H	15	1.48
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:H	15	1.48
(4,1050)	1:15:A:PRO:HB2	1:34:A:PHE:H	12	1.48
(4,1050)	1:15:A:PRO:HB3	1:34:A:PHE:H	12	1.48
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD11	4	1.48
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD12	4	1.48
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD13	4	1.48
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD11	4	1.48
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD12	4	1.48
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD13	4	1.48
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG21	20	1.48
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG22	20	1.48
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG23	20	1.48
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG21	20	1.48
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG22	20	1.48
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG23	20	1.48
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG21	20	1.48
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG22	20	1.48
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG23	20	1.48
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD11	12	1.48
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD12	12	1.48
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD13	12	1.48
(4,632)	1:82:A:PHE:HD1	1:100:A:SER:H	2	1.48
(4,632)	1:82:A:PHE:HD2	1:100:A:SER:H	2	1.48
(4,324)	1:153:A:GLN:HE21	1:156:A:ALA:H	10	1.48
(4,319)	1:21:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD11	9	1.48
(4,319)	1:21:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD12	9	1.48
(4,319)	1:21:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD13	9	1.48
(4,224)	1:39:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:CG1	8	1.48
(4,224)	1:39:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:CG1	8	1.48
(4,224)	1:39:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:CG1	8	1.48
(4,37)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:CD2	19	1.48
(4,37)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:CD2	19	1.48
(4,37)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:CD2	19	1.48
(2,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	15	1.48
(1,599)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	8	1.48
(1,593)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	9	1.48
(1,581)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	16	1.48
(1,493)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	12	1.48
(1,234)	1:100:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	15	1.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,139)	1:202:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	13	1.48
(5,700)	1:5:A:ASN:ND2	1:70:A:SER:H	9	1.47
(5,618)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	6	1.47
(5,34)	1:104:A:SER:OG	1:126:A:LYS:H	4	1.47
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:H	20	1.47
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:H	20	1.47
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:H	20	1.47
(4,4202)	1:56:A:VAL:HB	1:230:A:GLY:H	12	1.47
(4,4032)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD21	9	1.47
(4,4032)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD22	9	1.47
(4,4032)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD23	9	1.47
(4,4032)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD21	9	1.47
(4,4032)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD22	9	1.47
(4,4032)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD23	9	1.47
(4,3839)	1:97:A:HIS:HD1	1:169:A:THR:HG1	14	1.47
(4,3803)	1:158:A:GLU:H	1:161:A:ALA:H	10	1.47
(4,3693)	1:52:A:VAL:HB	1:202:A:ILE:H	4	1.47
(4,3679)	1:22:A:ALA:H	1:24:A:LYS:HG2	4	1.47
(4,3679)	1:22:A:ALA:H	1:24:A:LYS:HG3	4	1.47
(4,3679)	1:22:A:ALA:H	1:24:A:LYS:HG2	17	1.47
(4,3679)	1:22:A:ALA:H	1:24:A:LYS:HG3	17	1.47
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG21	5	1.47
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG22	5	1.47
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG23	5	1.47
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD21	15	1.47
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD21	15	1.47
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD21	15	1.47
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD21	15	1.47
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD21	15	1.47
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD21	15	1.47
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD11	6	1.47
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD12	6	1.47
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD13	6	1.47
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD21	6	1.47
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD22	6	1.47
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD23	6	1.47
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD11	9	1.47
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD12	9	1.47
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD13	9	1.47
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD21	9	1.47
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD22	9	1.47
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD23	9	1.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3413)	1:149:A:PHE:H	1:151:A:THR:H	10	1.47
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG11	16	1.47
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG12	16	1.47
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG13	16	1.47
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG21	16	1.47
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG22	16	1.47
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG23	16	1.47
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD11	3	1.47
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD12	3	1.47
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD13	3	1.47
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD11	3	1.47
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD12	3	1.47
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD13	3	1.47
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG21	3	1.47
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG22	3	1.47
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG23	3	1.47
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD1	6	1.47
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD2	6	1.47
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	3	1.47
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	3	1.47
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	3	1.47
(4,2963)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:H	2	1.47
(4,2956)	1:11:A:ILE:HG12	1:153:A:GLN:H	3	1.47
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA2	10	1.47
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA3	10	1.47
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA2	10	1.47
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA3	10	1.47
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA2	10	1.47
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA3	10	1.47
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE1	1:95:A:ILE:H	12	1.47
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE2	1:95:A:ILE:H	12	1.47
(4,2612)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HA	13	1.47
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:H	16	1.47
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:H	16	1.47
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:H	14	1.47
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:H	14	1.47
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:H	9	1.47
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:H	9	1.47
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:H	9	1.47
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:H	9	1.47
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:H	9	1.47
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:H	9	1.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:H	13	1.47
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:H	13	1.47
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:H	13	1.47
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB1	12	1.47
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB2	12	1.47
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB3	12	1.47
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB1	12	1.47
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB2	12	1.47
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB3	12	1.47
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB1	12	1.47
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB2	12	1.47
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB3	12	1.47
(4,2317)	1:177:A:ILE:H	1:194:A:SER:H	13	1.47
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD11	5	1.47
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD12	5	1.47
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD13	5	1.47
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD21	12	1.47
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD22	12	1.47
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD23	12	1.47
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD21	12	1.47
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD22	12	1.47
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD23	12	1.47
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HA	12	1.47
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HA	12	1.47
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HA	12	1.47
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HA	8	1.47
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HA	8	1.47
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HA	8	1.47
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HA	8	1.47
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HA	8	1.47
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HA	8	1.47
(4,1946)	1:69:A:THR:HG21	1:71:A:GLN:H	12	1.47
(4,1946)	1:69:A:THR:HG22	1:71:A:GLN:H	12	1.47
(4,1946)	1:69:A:THR:HG23	1:71:A:GLN:H	12	1.47
(4,1835)	1:56:A:VAL:HB	1:228:A:MET:HA	18	1.47
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:H	5	1.47
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:H	5	1.47
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD11	1:115:A:PHE:H	6	1.47
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD12	1:115:A:PHE:H	6	1.47
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD13	1:115:A:PHE:H	6	1.47
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD21	1:115:A:PHE:H	6	1.47
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD22	1:115:A:PHE:H	6	1.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD23	1:115:A:PHE:H	6	1.47
(4,1769)	1:5:A:ASN:HD22	1:6:A:ARG:H	6	1.47
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD1	1:84:A:GLN:H	8	1.47
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD2	1:84:A:GLN:H	8	1.47
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB2	20	1.47
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB3	20	1.47
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG21	1:58:A:LEU:H	13	1.47
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG22	1:58:A:LEU:H	13	1.47
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG23	1:58:A:LEU:H	13	1.47
(4,1272)	1:71:A:GLN:HG2	1:73:A:ILE:H	19	1.47
(4,1272)	1:71:A:GLN:HG3	1:73:A:ILE:H	19	1.47
(4,1207)	1:28:A:LYS:HB3	1:31:A:TRP:HE1	4	1.47
(4,1007)	1:81:A:TRP:HZ2	1:82:A:PHE:H	15	1.47
(4,887)	1:100:A:SER:HB2	1:127:A:ASN:HA	17	1.47
(4,887)	1:100:A:SER:HB3	1:127:A:ASN:HA	17	1.47
(4,851)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE21	14	1.47
(4,851)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE21	14	1.47
(4,851)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE21	14	1.47
(4,851)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE21	14	1.47
(4,851)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE21	14	1.47
(4,851)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE21	14	1.47
(4,829)	1:73:A:ILE:HD11	1:187:A:GLY:H	17	1.47
(4,829)	1:73:A:ILE:HD12	1:187:A:GLY:H	17	1.47
(4,829)	1:73:A:ILE:HD13	1:187:A:GLY:H	17	1.47
(4,777)	1:74:A:THR:HB	1:76:A:SER:HA	5	1.47
(4,737)	1:81:A:TRP:HZ3	1:84:A:GLN:H	1	1.47
(4,720)	1:56:A:VAL:HG11	1:169:A:THR:H	16	1.47
(4,720)	1:56:A:VAL:HG12	1:169:A:THR:H	16	1.47
(4,720)	1:56:A:VAL:HG13	1:169:A:THR:H	16	1.47
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD11	8	1.47
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD12	8	1.47
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD13	8	1.47
(4,706)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HA	15	1.47
(4,649)	1:88:A:ASN:HB2	1:146:A:VAL:H	5	1.47
(4,649)	1:88:A:ASN:HB3	1:146:A:VAL:H	5	1.47
(4,623)	1:235:A:TRP:HE3	1:236:A:GLU:H	17	1.47
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD1	19	1.47
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD2	19	1.47
(4,296)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD21	14	1.47
(4,252)	1:160:A:THR:H	1:161:A:ALA:H	8	1.47
(4,251)	1:28:A:LYS:HB3	1:29:A:ASN:HD21	15	1.47
(4,194)	1:146:A:VAL:HA	1:150:A:SER:H	1	1.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD11	11	1.47
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD12	11	1.47
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD13	11	1.47
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD21	11	1.47
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD22	11	1.47
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD23	11	1.47
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD11	11	1.47
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD12	11	1.47
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD13	11	1.47
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD21	11	1.47
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD22	11	1.47
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD23	11	1.47
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD11	11	1.47
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD12	11	1.47
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD13	11	1.47
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD21	11	1.47
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD22	11	1.47
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD23	11	1.47
(4,60)	1:79:A:VAL:HG11	1:190:A:TYR:H	4	1.47
(4,60)	1:79:A:VAL:HG12	1:190:A:TYR:H	4	1.47
(4,60)	1:79:A:VAL:HG13	1:190:A:TYR:H	4	1.47
(2,512)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	5	1.47
(1,411)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	8	1.47
(1,234)	1:100:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	2	1.47
(1,165)	1:180:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	18	1.47
(1,87)	1:220:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	9	1.47
(1,5)	1:99:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	1	1.47
(5,802)	1:5:A:ASN:ND2	1:178:A:PHE:H	16	1.46
(5,742)	1:5:A:ASN:ND2	1:235:A:TRP:H	3	1.46
(5,733)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	5	1.46
(5,664)	1:5:A:ASN:ND2	1:54:A:ALA:H	11	1.46
(5,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:109:A:GLY:H	16	1.46
(5,633)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	20	1.46
(5,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	3	1.46
(5,581)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	12	1.46
(5,538)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	4	1.46
(5,393)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	5	1.46
(5,72)	1:59:A:PHE:H	1:104:A:SER:OG	1	1.46
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG2	9	1.46
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG3	9	1.46
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB2	1:173:A:GLU:H	18	1.46
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB3	1:173:A:GLU:H	18	1.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4122)	1:81:A:TRP:HH2	1:187:A:GLY:H	1	1.46
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG21	20	1.46
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG22	20	1.46
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG23	20	1.46
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	12	1.46
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	12	1.46
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	12	1.46
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	12	1.46
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	12	1.46
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	12	1.46
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD11	17	1.46
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD12	17	1.46
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD13	17	1.46
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD21	17	1.46
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD22	17	1.46
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD23	17	1.46
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD11	17	1.46
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD12	17	1.46
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD13	17	1.46
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD21	17	1.46
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD22	17	1.46
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD23	17	1.46
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:H	3	1.46
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:H	3	1.46
(4,3717)	1:169:A:THR:HG1	1:180:A:LEU:H	11	1.46
(4,3693)	1:52:A:VAL:HB	1:202:A:ILE:H	3	1.46
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB1	10	1.46
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB2	10	1.46
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB3	10	1.46
(4,3520)	1:57:A:LEU:HB2	1:211:A:VAL:HB	20	1.46
(4,3520)	1:57:A:LEU:HB3	1:211:A:VAL:HB	20	1.46
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	15	1.46
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	15	1.46
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	15	1.46
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG21	17	1.46
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG22	17	1.46
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG23	17	1.46
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG21	17	1.46
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG22	17	1.46
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG23	17	1.46
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG11	1:139:A:LEU:CD1	5	1.46
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG12	1:139:A:LEU:CD1	5	1.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG13	1:139:A:LEU:CD1	5	1.46
(4,3396)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HG	20	1.46
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD21	10	1.46
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD22	10	1.46
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD23	10	1.46
(4,3277)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HB2	17	1.46
(4,3277)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HB3	17	1.46
(4,3277)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HB2	17	1.46
(4,3277)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HB3	17	1.46
(4,3277)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HB2	17	1.46
(4,3277)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HB3	17	1.46
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG2	19	1.46
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG3	19	1.46
(4,3042)	1:162:A:ASP:H	1:164:A:ASN:H	18	1.46
(4,2963)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:H	3	1.46
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG21	1:101:A:ASN:HD21	1	1.46
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG21	1:101:A:ASN:HD22	1	1.46
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG22	1:101:A:ASN:HD21	1	1.46
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG22	1:101:A:ASN:HD22	1	1.46
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG23	1:101:A:ASN:HD21	1	1.46
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG23	1:101:A:ASN:HD22	1	1.46
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD21	7	1.46
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD22	7	1.46
(4,2643)	1:136:A:GLN:HE21	1:137:A:PHE:HA	11	1.46
(4,2643)	1:136:A:GLN:HE22	1:137:A:PHE:HA	11	1.46
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD11	19	1.46
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD12	19	1.46
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD13	19	1.46
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD21	19	1.46
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD22	19	1.46
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD23	19	1.46
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG2	1:177:A:ILE:H	17	1.46
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG3	1:177:A:ILE:H	17	1.46
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD11	9	1.46
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD12	9	1.46
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD13	9	1.46
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD11	9	1.46
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD12	9	1.46
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD13	9	1.46
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB2	1:7:A:ALA:H	14	1.46
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB3	1:7:A:ALA:H	14	1.46
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:HB2	7	1.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:HB2	7	1.46
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:HB2	7	1.46
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB2	7	1.46
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB2	7	1.46
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB2	7	1.46
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG12	5	1.46
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG13	5	1.46
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG12	5	1.46
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG13	5	1.46
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA2	1:6:A:ARG:HA	1	1.46
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA3	1:6:A:ARG:HA	1	1.46
(4,1955)	1:72:A:GLN:HB2	1:74:A:THR:H	18	1.46
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG2	17	1.46
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	17	1.46
(4,1723)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE1	3	1.46
(4,1720)	1:5:A:ASN:H	1:7:A:ALA:H	9	1.46
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:H	14	1.46
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:H	14	1.46
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:H	14	1.46
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:H	1	1.46
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:H	1	1.46
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG21	19	1.46
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG22	19	1.46
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG23	19	1.46
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE22	14	1.46
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE22	14	1.46
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	3	1.46
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	3	1.46
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	3	1.46
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	3	1.46
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	3	1.46
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	3	1.46
(4,1431)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HZ	11	1.46
(4,1431)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HZ	11	1.46
(4,1431)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HZ	11	1.46
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:H	12	1.46
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:H	12	1.46
(4,1275)	1:64:A:ASP:HA	1:217:A:ASN:HB2	13	1.46
(4,1275)	1:64:A:ASP:HA	1:217:A:ASN:HB3	13	1.46
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD11	12	1.46
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD12	12	1.46
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD13	12	1.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD21	12	1.46
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD22	12	1.46
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD23	12	1.46
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD11	12	1.46
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD12	12	1.46
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD13	12	1.46
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD21	12	1.46
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD22	12	1.46
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD23	12	1.46
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD11	12	1.46
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD12	12	1.46
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD13	12	1.46
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD21	12	1.46
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD22	12	1.46
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD23	12	1.46
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	5	1.46
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:H	5	1.46
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD1	5	1.46
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD2	5	1.46
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:HE22	12	1.46
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:HE22	12	1.46
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:HE22	12	1.46
(4,887)	1:100:A:SER:HB2	1:127:A:ASN:HA	20	1.46
(4,887)	1:100:A:SER:HB3	1:127:A:ASN:HA	20	1.46
(4,874)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:H	1	1.46
(4,874)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:H	1	1.46
(4,874)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:H	1	1.46
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD21	19	1.46
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD22	19	1.46
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD23	19	1.46
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD21	12	1.46
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD22	12	1.46
(4,780)	1:73:A:ILE:HG12	1:76:A:SER:H	8	1.46
(4,780)	1:73:A:ILE:HG13	1:76:A:SER:H	8	1.46
(4,777)	1:74:A:THR:HB	1:76:A:SER:HA	16	1.46
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB1	15	1.46
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB2	15	1.46
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB3	15	1.46
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB1	15	1.46
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB2	15	1.46
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB3	15	1.46
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB1	15	1.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB2	15	1.46
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB3	15	1.46
(4,737)	1:81:A:TRP:HZ3	1:84:A:GLN:H	14	1.46
(4,665)	1:168:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	11	1.46
(4,665)	1:168:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	11	1.46
(4,665)	1:168:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	11	1.46
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB2	8	1.46
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB3	8	1.46
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB2	8	1.46
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB3	8	1.46
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB2	8	1.46
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB3	8	1.46
(4,392)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:H	20	1.46
(4,392)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:H	20	1.46
(4,392)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:H	20	1.46
(4,365)	1:177:A:ILE:HD11	1:191:A:LEU:CD2	10	1.46
(4,365)	1:177:A:ILE:HD12	1:191:A:LEU:CD2	10	1.46
(4,365)	1:177:A:ILE:HD13	1:191:A:LEU:CD2	10	1.46
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG21	12	1.46
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG22	12	1.46
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG23	12	1.46
(4,296)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD21	9	1.46
(4,211)	1:83:A:LYS:HD2	1:86:A:VAL:H	7	1.46
(4,211)	1:83:A:LYS:HD3	1:86:A:VAL:H	7	1.46
(4,161)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:H	20	1.46
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD21	16	1.46
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD22	16	1.46
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD23	16	1.46
(4,108)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HE1	11	1.46
(4,108)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HE2	11	1.46
(4,108)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HE1	11	1.46
(4,108)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HE2	11	1.46
(4,108)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HE1	11	1.46
(4,108)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HE2	11	1.46
(4,48)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD11	15	1.46
(4,48)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD12	15	1.46
(4,48)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD13	15	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG11	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG12	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG13	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG21	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG22	6	1.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG23	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG11	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG12	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG13	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG21	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG22	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG23	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG11	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG12	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG13	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG21	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG22	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG23	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG11	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG12	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG13	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG21	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG22	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG23	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG11	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG12	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG13	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG21	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG22	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG23	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG11	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG12	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG13	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG21	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG22	6	1.46
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG23	6	1.46
(2,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	13	1.46
(1,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	3	1.46
(5,815)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	17	1.45
(5,669)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	5	1.45
(5,622)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	5	1.45
(5,406)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	19	1.45
(5,332)	1:177:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	1	1.45
(5,86)	1:12:A:GLU:H	1:140:A:ASN:ND2	11	1.45
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG21	1:192:A:GLY:HA2	2	1.45
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG22	1:192:A:GLY:HA2	2	1.45
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG23	1:192:A:GLY:HA2	2	1.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4152)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HA	11	1.45
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG12	20	1.45
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG13	20	1.45
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	10	1.45
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	10	1.45
(4,3937)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE21	14	1.45
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD1	10	1.45
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD2	10	1.45
(4,3820)	1:119:A:GLN:HE22	1:128:A:ARG:H	15	1.45
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	2	1.45
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	2	1.45
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	2	1.45
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	2	1.45
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	2	1.45
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	2	1.45
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	2	1.45
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	2	1.45
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	2	1.45
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	2	1.45
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	2	1.45
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	2	1.45
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD21	1	1.45
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD21	1	1.45
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD21	1	1.45
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD21	1	1.45
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD21	1	1.45
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD21	1	1.45
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:H	12	1.45
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:H	12	1.45
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:H	12	1.45
(4,3469)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HD1	11	1.45
(4,3258)	1:58:A:LEU:HA	1:165:A:LEU:HB2	18	1.45
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG21	1:64:A:ASP:H	2	1.45
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG22	1:64:A:ASP:H	2	1.45
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG23	1:64:A:ASP:H	2	1.45
(4,3163)	1:31:A:TRP:HE3	1:234:A:ASN:H	5	1.45
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG11	2	1.45
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG12	2	1.45
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG13	2	1.45
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG11	2	1.45
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG12	2	1.45
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG13	2	1.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2978)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:HA	9	1.45
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG11	14	1.45
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG12	14	1.45
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG13	14	1.45
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD11	19	1.45
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD12	19	1.45
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD13	19	1.45
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG21	4	1.45
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG22	4	1.45
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG23	4	1.45
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD1	3	1.45
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD2	3	1.45
(4,2585)	1:111:A:ASP:HA	1:114:A:ASN:HD22	1	1.45
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:H	12	1.45
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:H	12	1.45
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB2	1:7:A:ALA:H	9	1.45
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB3	1:7:A:ALA:H	9	1.45
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB1	7	1.45
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB2	7	1.45
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB3	7	1.45
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB1	7	1.45
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB2	7	1.45
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB3	7	1.45
(4,2267)	1:29:A:ASN:H	1:30:A:GLU:HG3	18	1.45
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD11	19	1.45
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD12	19	1.45
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD13	19	1.45
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG12	1:166:A:HIS:H	6	1.45
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG13	1:166:A:HIS:H	6	1.45
(4,1835)	1:56:A:VAL:HB	1:228:A:MET:HA	19	1.45
(4,1771)	1:72:A:GLN:HB3	1:74:A:THR:H	9	1.45
(4,1720)	1:5:A:ASN:H	1:7:A:ALA:H	2	1.45
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB1	17	1.45
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB2	17	1.45
(4,1661)	1:11:A:ILE:HB	1:161:A:ALA:HB3	17	1.45
(4,1653)	1:17:A:VAL:H	1:152:A:GLY:HA2	8	1.45
(4,1583)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG11	10	1.45
(4,1583)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG12	10	1.45
(4,1583)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG13	10	1.45
(4,1549)	1:92:A:LEU:HD11	1:138:A:VAL:HA	8	1.45
(4,1549)	1:92:A:LEU:HD12	1:138:A:VAL:HA	8	1.45
(4,1549)	1:92:A:LEU:HD13	1:138:A:VAL:HA	8	1.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1549)	1:92:A:LEU:HD21	1:138:A:VAL:HA	8	1.45
(4,1549)	1:92:A:LEU:HD22	1:138:A:VAL:HA	8	1.45
(4,1549)	1:92:A:LEU:HD23	1:138:A:VAL:HA	8	1.45
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB1	13	1.45
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB2	13	1.45
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB3	13	1.45
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD1	9	1.45
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD2	9	1.45
(4,1242)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:H	1	1.45
(4,1184)	1:97:A:HIS:HD1	1:169:A:THR:H	15	1.45
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	10	1.45
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:H	10	1.45
(4,1144)	1:18:A:PHE:H	1:21:A:PHE:HD1	5	1.45
(4,1144)	1:18:A:PHE:H	1:21:A:PHE:HD2	5	1.45
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:H	20	1.45
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:H	20	1.45
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:H	20	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB2	8	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB3	8	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB2	8	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB3	8	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB2	8	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB3	8	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB2	8	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB3	8	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB2	8	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB3	8	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB2	8	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB3	8	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB2	12	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB3	12	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB2	12	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB3	12	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB2	12	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB3	12	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB2	12	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB3	12	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB2	12	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB3	12	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB2	12	1.45
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB3	12	1.45
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG11	3	1.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG12	3	1.45
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG13	3	1.45
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG11	3	1.45
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG12	3	1.45
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG13	3	1.45
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG11	3	1.45
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG12	3	1.45
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG13	3	1.45
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD21	14	1.45
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD22	14	1.45
(4,827)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA3	1	1.45
(4,819)	1:149:A:PHE:HA	1:151:A:THR:HA	7	1.45
(4,765)	1:79:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:CD2	1	1.45
(4,765)	1:79:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:CD2	1	1.45
(4,765)	1:79:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:CD2	1	1.45
(4,751)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:H	8	1.45
(4,751)	1:2:A:SER:HB3	1:4:A:GLU:H	8	1.45
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD11	3	1.45
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD12	3	1.45
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD13	3	1.45
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD21	10	1.45
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD22	10	1.45
(4,341)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HB	5	1.45
(4,324)	1:153:A:GLN:HE21	1:156:A:ALA:H	13	1.45
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG21	8	1.45
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG22	8	1.45
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG23	8	1.45
(4,31)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:H	18	1.45
(4,31)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:H	18	1.45
(3,8)	1:179:A:GLU:H	1:189:A:LEU:O	13	1.45
(1,334)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	12	1.45
(5,571)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	10	1.44
(5,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	11	1.44
(5,534)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	15	1.44
(5,230)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	6	1.44
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG21	1:92:A:LEU:H	3	1.44
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG22	1:92:A:LEU:H	3	1.44
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG23	1:92:A:LEU:H	3	1.44
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	1	1.44
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	1	1.44
(4,4036)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD21	5	1.44
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD11	1:119:A:GLN:H	2	1.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD12	1:119:A:GLN:H	2	1.44
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD13	1:119:A:GLN:H	2	1.44
(4,3606)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB2	2	1.44
(4,3400)	1:234:A:ASN:HD22	1:236:A:GLU:H	6	1.44
(4,3344)	1:106:A:LEU:HB2	1:110:A:SER:HG	14	1.44
(4,3344)	1:106:A:LEU:HB3	1:110:A:SER:HG	14	1.44
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	8	1.44
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	8	1.44
(4,3258)	1:58:A:LEU:HA	1:165:A:LEU:HB2	17	1.44
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	5	1.44
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	5	1.44
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	5	1.44
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	5	1.44
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	5	1.44
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	5	1.44
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD11	5	1.44
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD12	5	1.44
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD13	5	1.44
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG12	16	1.44
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG13	16	1.44
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG12	19	1.44
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG13	19	1.44
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD2	18	1.44
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD3	18	1.44
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD2	18	1.44
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD3	18	1.44
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD11	1:119:A:GLN:HE21	2	1.44
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD12	1:119:A:GLN:HE21	2	1.44
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD13	1:119:A:GLN:HE21	2	1.44
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:HE21	2	1.44
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:HE21	2	1.44
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:HE21	2	1.44
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD1	18	1.44
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD2	18	1.44
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA2	1	1.44
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA3	1	1.44
(4,2828)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:H	17	1.44
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD21	1	1.44
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD22	1	1.44
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD23	1	1.44
(4,2612)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HA	3	1.44
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:H	19	1.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:H	19	1.44
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:H	19	1.44
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:H	19	1.44
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:H	19	1.44
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:H	19	1.44
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:H	8	1.44
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:H	8	1.44
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:H	8	1.44
(4,2436)	1:157:A:PRO:HB2	1:160:A:THR:HA	11	1.44
(4,2399)	1:118:A:SER:HA	1:119:A:GLN:HE21	16	1.44
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG21	10	1.44
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG22	10	1.44
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG23	10	1.44
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:HD21	17	1.44
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:HD22	17	1.44
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:HD23	17	1.44
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:HD21	17	1.44
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:HD22	17	1.44
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:HD23	17	1.44
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HA	5	1.44
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HA	5	1.44
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HA	5	1.44
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HA	5	1.44
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HA	5	1.44
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HA	5	1.44
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG21	1:128:A:ARG:H	10	1.44
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG22	1:128:A:ARG:H	10	1.44
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG23	1:128:A:ARG:H	10	1.44
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG21	4	1.44
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG22	4	1.44
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG23	4	1.44
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG21	4	1.44
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG22	4	1.44
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG23	4	1.44
(4,1841)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:H	1	1.44
(4,1830)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD22	9	1.44
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD11	1:100:A:SER:H	12	1.44
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD12	1:100:A:SER:H	12	1.44
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD13	1:100:A:SER:H	12	1.44
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	12	1.44
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	12	1.44
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	12	1.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG2	9	1.44
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG3	9	1.44
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG2	9	1.44
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG3	9	1.44
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG2	9	1.44
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG3	9	1.44
(4,1644)	1:31:A:TRP:HE3	1:232:A:GLY:H	5	1.44
(4,1604)	1:233:A:PRO:HB3	1:235:A:TRP:HE1	12	1.44
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG12	1	1.44
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG12	1	1.44
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD2	6	1.44
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD3	6	1.44
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD2	6	1.44
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD3	6	1.44
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD11	9	1.44
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD12	9	1.44
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD13	9	1.44
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD21	9	1.44
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD22	9	1.44
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD23	9	1.44
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD11	9	1.44
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD12	9	1.44
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD13	9	1.44
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD21	9	1.44
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD22	9	1.44
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD23	9	1.44
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD11	9	1.44
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD12	9	1.44
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD13	9	1.44
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD21	9	1.44
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD22	9	1.44
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD23	9	1.44
(4,1104)	1:195:A:ASP:H	1:207:A:VAL:H	5	1.44
(4,1104)	1:195:A:ASP:H	1:207:A:VAL:H	19	1.44
(4,1092)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:H	7	1.44
(4,1019)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:H	19	1.44
(4,1007)	1:81:A:TRP:HZ2	1:82:A:PHE:H	7	1.44
(4,946)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:H	15	1.44
(4,853)	1:76:A:SER:HA	1:79:A:VAL:H	4	1.44
(4,837)	1:22:A:ALA:HB1	1:31:A:TRP:HZ3	14	1.44
(4,837)	1:22:A:ALA:HB2	1:31:A:TRP:HZ3	14	1.44
(4,837)	1:22:A:ALA:HB3	1:31:A:TRP:HZ3	14	1.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD21	9	1.44
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD22	9	1.44
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD23	9	1.44
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD11	17	1.44
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD12	17	1.44
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD13	17	1.44
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD21	17	1.44
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD22	17	1.44
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD23	17	1.44
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD11	17	1.44
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD12	17	1.44
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD13	17	1.44
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD21	17	1.44
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD22	17	1.44
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD23	17	1.44
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD11	17	1.44
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD12	17	1.44
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD13	17	1.44
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD21	17	1.44
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD22	17	1.44
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD23	17	1.44
(4,745)	1:95:A:ILE:HD11	1:97:A:HIS:H	7	1.44
(4,745)	1:95:A:ILE:HD12	1:97:A:HIS:H	7	1.44
(4,745)	1:95:A:ILE:HD13	1:97:A:HIS:H	7	1.44
(4,682)	1:15:A:PRO:HG3	1:35:A:ASP:H	16	1.44
(4,661)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:HE22	13	1.44
(4,661)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:HE22	13	1.44
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD2	14	1.44
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD3	14	1.44
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD2	14	1.44
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD3	14	1.44
(4,73)	1:223:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	4	1.44
(4,73)	1:223:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	4	1.44
(4,73)	1:223:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	4	1.44
(4,42)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE22	20	1.44
(4,42)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE22	20	1.44
(4,42)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE22	20	1.44
(4,42)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE22	20	1.44
(4,42)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE22	20	1.44
(4,42)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE22	20	1.44
(3,22)	1:171:A:VAL:H	1:178:A:PHE:O	17	1.44
(1,174)	1:94:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	10	1.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,745)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	11	1.43
(5,640)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	14	1.43
(4,4311)	1:177:A:ILE:H	1:195:A:ASP:H	6	1.43
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD1	4	1.43
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD2	4	1.43
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD1	4	1.43
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD2	4	1.43
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD1	4	1.43
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD2	4	1.43
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG21	1:183:A:ARG:H	15	1.43
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG22	1:183:A:ARG:H	15	1.43
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG23	1:183:A:ARG:H	15	1.43
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD21	19	1.43
(4,4239)	1:5:A:ASN:HD22	1:88:A:ASN:HD22	19	1.43
(4,4226)	1:97:A:HIS:H	1:100:A:SER:HG	15	1.43
(4,4218)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD22	12	1.43
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	18	1.43
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	18	1.43
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	18	1.43
(4,4069)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:H	11	1.43
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:H	17	1.43
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:H	17	1.43
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:H	17	1.43
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD1	1:151:A:THR:H	3	1.43
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD2	1:151:A:THR:H	3	1.43
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD21	16	1.43
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD22	16	1.43
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD11	10	1.43
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD12	10	1.43
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD13	10	1.43
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD21	10	1.43
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD22	10	1.43
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD23	10	1.43
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HB2	5	1.43
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HB3	5	1.43
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HB2	5	1.43
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HB3	5	1.43
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HB2	5	1.43
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HB3	5	1.43
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HB2	5	1.43
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HB3	5	1.43
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HB2	5	1.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HB3	5	1.43
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HB2	5	1.43
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HB3	5	1.43
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD22	10	1.43
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD22	10	1.43
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD22	10	1.43
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD22	10	1.43
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD22	10	1.43
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD22	10	1.43
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD11	15	1.43
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD12	15	1.43
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD13	15	1.43
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD11	5	1.43
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD12	5	1.43
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD13	5	1.43
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD21	5	1.43
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD22	5	1.43
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD23	5	1.43
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG21	1:75:A:SER:HB2	20	1.43
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG21	1:75:A:SER:HB3	20	1.43
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG22	1:75:A:SER:HB2	20	1.43
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG22	1:75:A:SER:HB3	20	1.43
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG23	1:75:A:SER:HB2	20	1.43
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG23	1:75:A:SER:HB3	20	1.43
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD11	1:206:A:LEU:H	18	1.43
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD12	1:206:A:LEU:H	18	1.43
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD13	1:206:A:LEU:H	18	1.43
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE1	4	1.43
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE2	4	1.43
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE1	4	1.43
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE2	4	1.43
(4,3413)	1:149:A:PHE:H	1:151:A:THR:H	3	1.43
(4,3413)	1:149:A:PHE:H	1:151:A:THR:H	9	1.43
(4,3413)	1:149:A:PHE:H	1:151:A:THR:H	11	1.43
(4,3396)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HG	12	1.43
(4,3395)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA2	5	1.43
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG21	1:201:A:LEU:HB2	19	1.43
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG22	1:201:A:LEU:HB2	19	1.43
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG23	1:201:A:LEU:HB2	19	1.43
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD21	2	1.43
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD22	2	1.43
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD23	2	1.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD21	2	1.43
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD22	2	1.43
(4,3281)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD23	2	1.43
(4,3280)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB2	17	1.43
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD2	1:128:A:ARG:H	13	1.43
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD3	1:128:A:ARG:H	13	1.43
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD11	5	1.43
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD12	5	1.43
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD13	5	1.43
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD1	11	1.43
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD2	11	1.43
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD1	11	1.43
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD2	11	1.43
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD1	11	1.43
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD2	11	1.43
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:H	16	1.43
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:H	16	1.43
(4,2999)	1:184:A:ASN:HD21	1:189:A:LEU:H	2	1.43
(4,2999)	1:184:A:ASN:HD22	1:189:A:LEU:H	2	1.43
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD21	1:144:A:GLU:H	13	1.43
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD22	1:144:A:GLU:H	13	1.43
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD23	1:144:A:GLU:H	13	1.43
(4,2876)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:H	1	1.43
(4,2836)	1:98:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	7	1.43
(4,2764)	1:119:A:GLN:HE22	1:134:A:THR:H	6	1.43
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG21	10	1.43
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG22	10	1.43
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG23	10	1.43
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	8	1.43
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	8	1.43
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	8	1.43
(4,2631)	1:68:A:SER:HA	1:70:A:SER:H	17	1.43
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD11	20	1.43
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD12	20	1.43
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD13	20	1.43
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD21	20	1.43
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD22	20	1.43
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD23	20	1.43
(4,2317)	1:177:A:ILE:H	1:194:A:SER:H	19	1.43
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HA	18	1.43
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HA	18	1.43
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HA	18	1.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HA	18	1.43
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HA	18	1.43
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HA	18	1.43
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	6	1.43
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	6	1.43
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	6	1.43
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:H	8	1.43
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:H	8	1.43
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:H	8	1.43
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE1	19	1.43
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE2	19	1.43
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE1	19	1.43
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE2	19	1.43
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE1	19	1.43
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE2	19	1.43
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB1	18	1.43
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB2	18	1.43
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB3	18	1.43
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB1	18	1.43
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB2	18	1.43
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB3	18	1.43
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD2	14	1.43
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD3	14	1.43
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD2	14	1.43
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD3	14	1.43
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:H	14	1.43
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:H	14	1.43
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:H	2	1.43
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:H	2	1.43
(4,1647)	1:157:A:PRO:HA	1:159:A:ALA:H	1	1.43
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD11	6	1.43
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD12	6	1.43
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD13	6	1.43
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB1	6	1.43
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB2	6	1.43
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB3	6	1.43
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD11	10	1.43
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD12	10	1.43
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD13	10	1.43
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD21	10	1.43
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD22	10	1.43
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD23	10	1.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD11	10	1.43
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD12	10	1.43
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD13	10	1.43
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD21	10	1.43
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD22	10	1.43
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD23	10	1.43
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD11	10	1.43
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD12	10	1.43
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD13	10	1.43
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD21	10	1.43
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD22	10	1.43
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD23	10	1.43
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:H	18	1.43
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:H	18	1.43
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HA	5	1.43
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HA	5	1.43
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD21	16	1.43
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD22	16	1.43
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD23	16	1.43
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB2	11	1.43
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB3	11	1.43
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB2	11	1.43
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB3	11	1.43
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB2	11	1.43
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB3	11	1.43
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB2	11	1.43
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB3	11	1.43
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB2	11	1.43
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB3	11	1.43
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB2	11	1.43
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB3	11	1.43
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD11	19	1.43
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD12	19	1.43
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD13	19	1.43
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD21	19	1.43
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD22	19	1.43
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD23	19	1.43
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD11	19	1.43
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD12	19	1.43
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD13	19	1.43
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD21	19	1.43
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD22	19	1.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD23	19	1.43
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD11	8	1.43
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD12	8	1.43
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD13	8	1.43
(4,786)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:H	2	1.43
(4,786)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:H	2	1.43
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD11	16	1.43
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD12	16	1.43
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD13	16	1.43
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD21	16	1.43
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD22	16	1.43
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD23	16	1.43
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD11	16	1.43
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD12	16	1.43
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD13	16	1.43
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD21	16	1.43
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD22	16	1.43
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD23	16	1.43
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD11	16	1.43
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD12	16	1.43
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD13	16	1.43
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD21	16	1.43
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD22	16	1.43
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD23	16	1.43
(4,716)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD11	2	1.43
(4,716)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD12	2	1.43
(4,716)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD13	2	1.43
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD11	18	1.43
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD12	18	1.43
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD13	18	1.43
(4,706)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HA	17	1.43
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG21	4	1.43
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG22	4	1.43
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG23	4	1.43
(4,392)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:H	17	1.43
(4,392)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:H	17	1.43
(4,392)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:H	17	1.43
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG21	12	1.43
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG22	12	1.43
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG23	12	1.43
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG21	11	1.43
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG22	11	1.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG23	11	1.43
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB2	13	1.43
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB3	13	1.43
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB2	13	1.43
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB3	13	1.43
(4,206)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD1	14	1.43
(4,206)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD2	14	1.43
(4,161)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:H	8	1.43
(4,161)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:H	10	1.43
(4,113)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:HA	2	1.43
(4,113)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:HA	2	1.43
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG11	17	1.43
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG12	17	1.43
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG13	17	1.43
(4,93)	1:144:A:GLU:HB2	1:149:A:PHE:HD1	12	1.43
(4,93)	1:144:A:GLU:HB2	1:149:A:PHE:HD2	12	1.43
(4,93)	1:144:A:GLU:HB3	1:149:A:PHE:HD1	12	1.43
(4,93)	1:144:A:GLU:HB3	1:149:A:PHE:HD2	12	1.43
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD11	19	1.43
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD12	19	1.43
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD13	19	1.43
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD21	19	1.43
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD22	19	1.43
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD23	19	1.43
(1,575)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	19	1.43
(1,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	8	1.43
(1,395)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	13	1.43
(1,166)	1:210:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	10	1.43
(1,94)	1:205:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	10	1.43
(5,685)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	9	1.42
(5,599)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	13	1.42
(5,344)	1:5:A:ASN:ND2	1:203:A:GLU:H	6	1.42
(5,107)	1:140:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	3	1.42
(5,107)	1:140:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	18	1.42
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG11	16	1.42
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG12	16	1.42
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG13	16	1.42
(4,4262)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HB	18	1.42
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB3	1	1.42
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB3	1	1.42
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB3	1	1.42
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD1	4	1.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD2	4	1.42
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD11	18	1.42
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD12	18	1.42
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD13	18	1.42
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD21	18	1.42
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD22	18	1.42
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD23	18	1.42
(4,4119)	1:59:A:PHE:HA	1:225:A:ASN:HB2	2	1.42
(4,4119)	1:59:A:PHE:HA	1:225:A:ASN:HB3	2	1.42
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB2	16	1.42
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB3	16	1.42
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD21	6	1.42
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD22	6	1.42
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD21	6	1.42
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD22	6	1.42
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD2	14	1.42
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD3	14	1.42
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD2	14	1.42
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD3	14	1.42
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG21	13	1.42
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG22	13	1.42
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG23	13	1.42
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG21	13	1.42
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG22	13	1.42
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG23	13	1.42
(4,3755)	1:44:A:LEU:HD11	1:47:A:PHE:H	13	1.42
(4,3755)	1:44:A:LEU:HD12	1:47:A:PHE:H	13	1.42
(4,3755)	1:44:A:LEU:HD13	1:47:A:PHE:H	13	1.42
(4,3693)	1:52:A:VAL:HB	1:202:A:ILE:H	6	1.42
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	11	1.42
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	11	1.42
(4,3441)	1:158:A:GLU:HB2	1:160:A:THR:H	15	1.42
(4,3441)	1:158:A:GLU:HB3	1:160:A:THR:H	15	1.42
(4,3373)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:H	7	1.42
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG21	13	1.42
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG22	13	1.42
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG23	13	1.42
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG21	13	1.42
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG22	13	1.42
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG23	13	1.42
(4,3258)	1:58:A:LEU:HA	1:165:A:LEU:HB2	15	1.42
(4,3205)	1:201:A:LEU:H	1:204:A:GLN:HG2	13	1.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3205)	1:201:A:LEU:H	1:204:A:GLN:HG3	13	1.42
(4,3205)	1:201:A:LEU:H	1:204:A:GLN:HG2	18	1.42
(4,3205)	1:201:A:LEU:H	1:204:A:GLN:HG3	18	1.42
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD11	1:126:A:LYS:H	5	1.42
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD12	1:126:A:LYS:H	5	1.42
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD13	1:126:A:LYS:H	5	1.42
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG2	13	1.42
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG3	13	1.42
(4,3055)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:H	6	1.42
(4,2998)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HA	3	1.42
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG21	3	1.42
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG22	3	1.42
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG23	3	1.42
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG21	3	1.42
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG22	3	1.42
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG23	3	1.42
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG21	3	1.42
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG22	3	1.42
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG23	3	1.42
(4,2839)	1:31:A:TRP:HZ3	1:53:A:LYS:H	11	1.42
(4,2814)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE21	20	1.42
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB1	11	1.42
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB2	11	1.42
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB3	11	1.42
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB2	1:140:A:ASN:HD21	17	1.42
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB2	1:140:A:ASN:HD22	17	1.42
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB3	1:140:A:ASN:HD21	17	1.42
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB3	1:140:A:ASN:HD22	17	1.42
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:H	19	1.42
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:H	19	1.42
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:H	19	1.42
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG21	1:13:A:SER:HA	19	1.42
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG22	1:13:A:SER:HA	19	1.42
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG23	1:13:A:SER:HA	19	1.42
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB1	12	1.42
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB2	12	1.42
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB3	12	1.42
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB1	12	1.42
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB2	12	1.42
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB3	12	1.42
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD21	8	1.42
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD22	8	1.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD23	8	1.42
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:H	16	1.42
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:H	16	1.42
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:H	16	1.42
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	19	1.42
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	19	1.42
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG11	8	1.42
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG12	8	1.42
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG13	8	1.42
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG21	8	1.42
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG22	8	1.42
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG23	8	1.42
(4,2152)	1:63:A:GLU:H	1:65:A:ARG:H	14	1.42
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG11	1:18:A:PHE:HE1	14	1.42
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG11	1:18:A:PHE:HE2	14	1.42
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG12	1:18:A:PHE:HE1	14	1.42
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG12	1:18:A:PHE:HE2	14	1.42
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG13	1:18:A:PHE:HE1	14	1.42
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG13	1:18:A:PHE:HE2	14	1.42
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG21	1:18:A:PHE:HE1	14	1.42
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG21	1:18:A:PHE:HE2	14	1.42
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG22	1:18:A:PHE:HE1	14	1.42
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG22	1:18:A:PHE:HE2	14	1.42
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG23	1:18:A:PHE:HE1	14	1.42
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG23	1:18:A:PHE:HE2	14	1.42
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD11	20	1.42
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD12	20	1.42
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD13	20	1.42
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD11	1:100:A:SER:H	14	1.42
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD12	1:100:A:SER:H	14	1.42
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD13	1:100:A:SER:H	14	1.42
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	14	1.42
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	14	1.42
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	14	1.42
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD11	1:115:A:PHE:H	2	1.42
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD12	1:115:A:PHE:H	2	1.42
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD13	1:115:A:PHE:H	2	1.42
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD21	1:115:A:PHE:H	2	1.42
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD22	1:115:A:PHE:H	2	1.42
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD23	1:115:A:PHE:H	2	1.42
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:H	12	1.42
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:H	12	1.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:H	12	1.42
(4,1647)	1:157:A:PRO:HA	1:159:A:ALA:H	3	1.42
(4,1534)	1:38:A:SER:HB2	1:44:A:LEU:HA	12	1.42
(4,1534)	1:38:A:SER:HB3	1:44:A:LEU:HA	12	1.42
(4,1510)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HG2	19	1.42
(4,1510)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HG3	19	1.42
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB2	14	1.42
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB2	14	1.42
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB2	14	1.42
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD11	8	1.42
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD12	8	1.42
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD13	8	1.42
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD11	8	1.42
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD12	8	1.42
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD13	8	1.42
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD11	8	1.42
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD12	8	1.42
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD13	8	1.42
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD11	12	1.42
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD12	12	1.42
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD13	12	1.42
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD21	12	1.42
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD22	12	1.42
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD23	12	1.42
(4,755)	1:16:A:GLU:H	1:34:A:PHE:HA	8	1.42
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG21	2	1.42
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG22	2	1.42
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG23	2	1.42
(4,679)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:H	19	1.42
(4,679)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:H	19	1.42
(4,679)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:H	19	1.42
(4,679)	1:57:A:LEU:HD21	1:214:A:TYR:H	19	1.42
(4,679)	1:57:A:LEU:HD22	1:214:A:TYR:H	19	1.42
(4,679)	1:57:A:LEU:HD23	1:214:A:TYR:H	19	1.42
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD11	11	1.42
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD12	11	1.42
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD13	11	1.42
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD21	11	1.42
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD22	11	1.42
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD23	11	1.42
(4,509)	1:73:A:ILE:HD11	1:77:A:TYR:HD1	6	1.42
(4,509)	1:73:A:ILE:HD11	1:77:A:TYR:HD2	6	1.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,509)	1:73:A:ILE:HD12	1:77:A:TYR:HD1	6	1.42
(4,509)	1:73:A:ILE:HD12	1:77:A:TYR:HD2	6	1.42
(4,509)	1:73:A:ILE:HD13	1:77:A:TYR:HD1	6	1.42
(4,509)	1:73:A:ILE:HD13	1:77:A:TYR:HD2	6	1.42
(4,482)	1:87:A:LYS:HG2	1:90:A:CYS:H	15	1.42
(4,482)	1:87:A:LYS:HG3	1:90:A:CYS:H	15	1.42
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD21	4	1.42
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD22	4	1.42
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB1	5	1.42
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB2	5	1.42
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB3	5	1.42
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB1	5	1.42
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB2	5	1.42
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB3	5	1.42
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB1	5	1.42
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB2	5	1.42
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB3	5	1.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD11	4	1.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD12	4	1.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD13	4	1.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD21	4	1.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD22	4	1.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD23	4	1.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD11	4	1.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD12	4	1.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD13	4	1.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD21	4	1.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD22	4	1.42
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD23	4	1.42
(4,73)	1:223:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	8	1.42
(4,73)	1:223:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	8	1.42
(4,73)	1:223:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	8	1.42
(4,73)	1:223:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	10	1.42
(4,73)	1:223:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	10	1.42
(4,73)	1:223:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	10	1.42
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB2	17	1.42
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB3	17	1.42
(4,61)	1:29:A:ASN:H	1:30:A:GLU:HG2	9	1.42
(2,396)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	5	1.42
(1,483)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	19	1.42
(1,462)	1:5:A:ASN:ND2	1:153:A:GLN:H	16	1.42
(1,176)	1:84:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	7	1.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,558)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	1	1.41
(5,500)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	7	1.41
(5,341)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	16	1.41
(5,336)	1:8:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	19	1.41
(5,173)	1:8:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	9	1.41
(5,72)	1:59:A:PHE:H	1:104:A:SER:OG	5	1.41
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	16	1.41
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	16	1.41
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	16	1.41
(4,4161)	1:11:A:ILE:HA	1:153:A:GLN:HA	19	1.41
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD11	13	1.41
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD12	13	1.41
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD13	13	1.41
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD21	13	1.41
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD22	13	1.41
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD23	13	1.41
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD11	13	1.41
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD12	13	1.41
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD13	13	1.41
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD21	13	1.41
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD22	13	1.41
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD23	13	1.41
(4,4034)	1:76:A:SER:H	1:78:A:ASP:H	5	1.41
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	2	1.41
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	2	1.41
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	4	1.41
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	4	1.41
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE1	13	1.41
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE2	13	1.41
(4,3703)	1:165:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	20	1.41
(4,3703)	1:165:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	20	1.41
(4,3703)	1:165:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	20	1.41
(4,3703)	1:165:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	20	1.41
(4,3703)	1:165:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	20	1.41
(4,3703)	1:165:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	20	1.41
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG11	19	1.41
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG12	19	1.41
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG13	19	1.41
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG11	19	1.41
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG12	19	1.41
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG13	19	1.41
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD11	1:126:A:LYS:H	10	1.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD12	1:126:A:LYS:H	10	1.41
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD13	1:126:A:LYS:H	10	1.41
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD21	1:126:A:LYS:H	10	1.41
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD22	1:126:A:LYS:H	10	1.41
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD23	1:126:A:LYS:H	10	1.41
(4,3632)	1:88:A:ASN:HA	1:159:A:ALA:HB1	17	1.41
(4,3632)	1:88:A:ASN:HA	1:159:A:ALA:HB2	17	1.41
(4,3632)	1:88:A:ASN:HA	1:159:A:ALA:HB3	17	1.41
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB1	5	1.41
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB2	5	1.41
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB3	5	1.41
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD11	8	1.41
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD12	8	1.41
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD13	8	1.41
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD21	8	1.41
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD22	8	1.41
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD23	8	1.41
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	11	1.41
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	11	1.41
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	11	1.41
(4,3507)	1:153:A:GLN:HE22	1:155:A:GLU:H	5	1.41
(4,3507)	1:153:A:GLN:HE22	1:155:A:GLU:H	19	1.41
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG21	1	1.41
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG22	1	1.41
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG23	1	1.41
(4,3469)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HD1	6	1.41
(4,3400)	1:234:A:ASN:HD22	1:236:A:GLU:H	8	1.41
(4,3400)	1:234:A:ASN:HD22	1:236:A:GLU:H	16	1.41
(4,3370)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE21	19	1.41
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD11	7	1.41
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD12	7	1.41
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD13	7	1.41
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD21	7	1.41
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD22	7	1.41
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD23	7	1.41
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD11	7	1.41
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD12	7	1.41
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD13	7	1.41
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD21	7	1.41
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD22	7	1.41
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD23	7	1.41
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG21	1:201:A:LEU:HB2	8	1.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG22	1:201:A:LEU:HB2	8	1.41
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG23	1:201:A:LEU:HB2	8	1.41
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG21	1:201:A:LEU:HB2	15	1.41
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG22	1:201:A:LEU:HB2	15	1.41
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG23	1:201:A:LEU:HB2	15	1.41
(4,3203)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:H	7	1.41
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:CG1	5	1.41
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:CG1	5	1.41
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:CG1	5	1.41
(4,2978)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:HA	11	1.41
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	18	1.41
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	18	1.41
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	18	1.41
(4,2809)	1:55:A:ILE:HB	1:201:A:LEU:HB2	16	1.41
(4,2795)	1:119:A:GLN:HE21	1:127:A:ASN:H	9	1.41
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD11	1:120:A:SER:H	14	1.41
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD12	1:120:A:SER:H	14	1.41
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD13	1:120:A:SER:H	14	1.41
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:H	11	1.41
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:H	11	1.41
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:H	11	1.41
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:H	11	1.41
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:H	11	1.41
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:H	11	1.41
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG2	1:157:A:PRO:HB3	1	1.41
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG3	1:157:A:PRO:HB3	1	1.41
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD21	7	1.41
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD22	7	1.41
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD23	7	1.41
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HD1	18	1.41
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG3	1:235:A:TRP:HD1	18	1.41
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HA	1	1.41
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HA	1	1.41
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HA	1	1.41
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HA	2	1.41
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HA	2	1.41
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HA	2	1.41
(4,2053)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD21	11	1.41
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD1	18	1.41
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD2	18	1.41
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD1	18	1.41
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD2	18	1.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD1	18	1.41
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD2	18	1.41
(4,1894)	1:177:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HE21	7	1.41
(4,1894)	1:177:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HE22	7	1.41
(4,1894)	1:177:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HE21	14	1.41
(4,1894)	1:177:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HE22	14	1.41
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD11	16	1.41
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD12	16	1.41
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD13	16	1.41
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	10	1.41
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	10	1.41
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	10	1.41
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	16	1.41
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	16	1.41
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	16	1.41
(4,1806)	1:68:A:SER:HB2	1:70:A:SER:HA	4	1.41
(4,1806)	1:68:A:SER:HB3	1:70:A:SER:HA	4	1.41
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:H	16	1.41
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:H	16	1.41
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	15	1.41
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	15	1.41
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	15	1.41
(4,1692)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:H	19	1.41
(4,1651)	1:59:A:PHE:H	1:165:A:LEU:HB2	2	1.41
(4,1651)	1:59:A:PHE:H	1:165:A:LEU:HB2	16	1.41
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB1	18	1.41
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB2	18	1.41
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB3	18	1.41
(4,1490)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HD2	16	1.41
(4,1490)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HD3	16	1.41
(4,1490)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HD2	16	1.41
(4,1490)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HD3	16	1.41
(4,1490)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HD2	16	1.41
(4,1490)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HD3	16	1.41
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD1	1:227:A:ALA:H	17	1.41
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD2	1:227:A:ALA:H	17	1.41
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG21	1:58:A:LEU:H	10	1.41
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG22	1:58:A:LEU:H	10	1.41
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG23	1:58:A:LEU:H	10	1.41
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE2	15	1.41
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE3	15	1.41
(4,1092)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:H	1	1.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1052)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:H	9	1.41
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG11	16	1.41
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG12	16	1.41
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG13	16	1.41
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG11	16	1.41
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG12	16	1.41
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG13	16	1.41
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG11	16	1.41
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG12	16	1.41
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG13	16	1.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD11	4	1.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD12	4	1.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD13	4	1.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD21	4	1.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD22	4	1.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD23	4	1.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD11	4	1.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD12	4	1.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD13	4	1.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD21	4	1.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD22	4	1.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD23	4	1.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD11	4	1.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD12	4	1.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD13	4	1.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD21	4	1.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD22	4	1.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD23	4	1.41
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	2	1.41
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	2	1.41
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	2	1.41
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	8	1.41
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	8	1.41
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	8	1.41
(4,682)	1:15:A:PRO:HG3	1:35:A:ASP:H	13	1.41
(4,651)	1:145:A:ASN:HB2	1:149:A:PHE:H	14	1.41
(4,651)	1:145:A:ASN:HB3	1:149:A:PHE:H	14	1.41
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD1	11	1.41
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD2	11	1.41
(4,518)	1:120:A:SER:HA	1:123:A:SER:H	6	1.41
(4,507)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:ASP:HA	20	1.41
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG12	1	1.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG13	1	1.41
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG12	1	1.41
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG13	1	1.41
(4,392)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:H	16	1.41
(4,392)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:H	16	1.41
(4,392)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:H	16	1.41
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB1	11	1.41
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB2	11	1.41
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB3	11	1.41
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB1	11	1.41
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB2	11	1.41
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB3	11	1.41
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB1	11	1.41
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB2	11	1.41
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB3	11	1.41
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB1	11	1.41
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB2	11	1.41
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB3	11	1.41
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB1	11	1.41
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB2	11	1.41
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB3	11	1.41
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB1	11	1.41
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB2	11	1.41
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB3	11	1.41
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB2	3	1.41
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB3	3	1.41
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB2	3	1.41
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB3	3	1.41
(4,161)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:H	6	1.41
(2,566)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	9	1.41
(2,404)	1:59:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	13	1.41
(2,335)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	20	1.41
(1,219)	1:183:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	4	1.41
(5,769)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	6	1.4
(5,769)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	18	1.4
(5,713)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	3	1.4
(5,443)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	16	1.4
(5,439)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	6	1.4
(5,276)	1:150:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	17	1.4
(5,90)	1:140:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	4	1.4
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:H	5	1.4
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:H	5	1.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:H	5	1.4
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG21	4	1.4
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG22	4	1.4
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG23	4	1.4
(4,4246)	1:62:A:ASN:H	1:65:A:ARG:H	8	1.4
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD21	5	1.4
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD22	5	1.4
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD23	5	1.4
(4,4152)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HA	10	1.4
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD1	9	1.4
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD2	9	1.4
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD1	19	1.4
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD2	19	1.4
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE1	1	1.4
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE2	1	1.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG11	6	1.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG12	6	1.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG13	6	1.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG21	6	1.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG22	6	1.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG23	6	1.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG11	6	1.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG12	6	1.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG13	6	1.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG21	6	1.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG22	6	1.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG23	6	1.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG11	6	1.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG12	6	1.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG13	6	1.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG21	6	1.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG22	6	1.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG23	6	1.4
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE1	1:152:A:GLY:H	16	1.4
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE2	1:152:A:GLY:H	16	1.4
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD11	1:138:A:VAL:H	19	1.4
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD12	1:138:A:VAL:H	19	1.4
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD13	1:138:A:VAL:H	19	1.4
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD21	1:138:A:VAL:H	19	1.4
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD22	1:138:A:VAL:H	19	1.4
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD23	1:138:A:VAL:H	19	1.4
(4,3755)	1:44:A:LEU:HD11	1:47:A:PHE:H	14	1.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3755)	1:44:A:LEU:HD12	1:47:A:PHE:H	14	1.4
(4,3755)	1:44:A:LEU:HD13	1:47:A:PHE:H	14	1.4
(4,3734)	1:56:A:VAL:HG11	1:169:A:THR:HG1	3	1.4
(4,3734)	1:56:A:VAL:HG12	1:169:A:THR:HG1	3	1.4
(4,3734)	1:56:A:VAL:HG13	1:169:A:THR:HG1	3	1.4
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG11	9	1.4
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG12	9	1.4
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG13	9	1.4
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG11	9	1.4
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG12	9	1.4
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG13	9	1.4
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:H	8	1.4
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:H	8	1.4
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:H	8	1.4
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB2	6	1.4
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB3	6	1.4
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD21	3	1.4
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD21	3	1.4
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD21	3	1.4
(4,3413)	1:149:A:PHE:H	1:151:A:THR:H	4	1.4
(4,3402)	1:30:A:GLU:HG2	1:31:A:TRP:HE1	14	1.4
(4,3394)	1:90:A:CYS:HB2	1:167:A:TYR:H	2	1.4
(4,3394)	1:90:A:CYS:HB3	1:167:A:TYR:H	2	1.4
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG21	1:201:A:LEU:HB2	6	1.4
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG22	1:201:A:LEU:HB2	6	1.4
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG23	1:201:A:LEU:HB2	6	1.4
(4,3280)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB2	13	1.4
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD3	15	1.4
(4,3263)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD3	15	1.4
(4,3216)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD11	10	1.4
(4,3216)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD12	10	1.4
(4,3216)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD13	10	1.4
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:CG1	15	1.4
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:CG1	15	1.4
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:CG1	15	1.4
(4,3075)	1:74:A:THR:H	1:77:A:TYR:H	14	1.4
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	7	1.4
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	7	1.4
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	7	1.4
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	7	1.4
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD1	18	1.4
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD2	18	1.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD1	13	1.4
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD2	13	1.4
(4,2905)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:HD22	16	1.4
(4,2905)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:HD22	16	1.4
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD21	8	1.4
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD22	8	1.4
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD23	8	1.4
(4,2622)	1:5:A:ASN:HD21	1:7:A:ALA:H	11	1.4
(4,2612)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HA	15	1.4
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD11	1:200:A:ASP:H	6	1.4
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD12	1:200:A:ASP:H	6	1.4
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD13	1:200:A:ASP:H	6	1.4
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD21	1:200:A:ASP:H	6	1.4
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD22	1:200:A:ASP:H	6	1.4
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD23	1:200:A:ASP:H	6	1.4
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:H	11	1.4
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:H	11	1.4
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:H	11	1.4
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:H	11	1.4
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:H	11	1.4
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:H	11	1.4
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	14	1.4
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	14	1.4
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	14	1.4
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB1	6	1.4
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB2	6	1.4
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB3	6	1.4
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB1	6	1.4
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB2	6	1.4
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB3	6	1.4
(4,2389)	1:208:A:ARG:HD2	1:210:A:ARG:H	1	1.4
(4,2389)	1:208:A:ARG:HD3	1:210:A:ARG:H	1	1.4
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HB2	7	1.4
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HB2	7	1.4
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HD1	7	1.4
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG3	1:235:A:TRP:HD1	7	1.4
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD1	20	1.4
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD2	20	1.4
(4,2137)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:H	5	1.4
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:H	3	1.4
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:H	3	1.4
(4,2079)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HG	10	1.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB2	1:83:A:LYS:HG2	3	1.4
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB3	1:83:A:LYS:HG2	3	1.4
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG2	11	1.4
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	11	1.4
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:H	1	1.4
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:H	1	1.4
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG11	1:173:A:GLU:H	18	1.4
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG12	1:173:A:GLU:H	18	1.4
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG13	1:173:A:GLU:H	18	1.4
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD1	14	1.4
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD2	14	1.4
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD1	14	1.4
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD2	14	1.4
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD11	5	1.4
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD12	5	1.4
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD13	5	1.4
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD21	5	1.4
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD22	5	1.4
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD23	5	1.4
(4,1560)	1:80:A:ILE:HB	1:101:A:ASN:HD21	15	1.4
(4,1560)	1:80:A:ILE:HB	1:101:A:ASN:HD22	15	1.4
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD1	14	1.4
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD2	14	1.4
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD1	14	1.4
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD2	14	1.4
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:HD11	5	1.4
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:HD12	5	1.4
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:HD13	5	1.4
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:HD11	5	1.4
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:HD12	5	1.4
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:HD13	5	1.4
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:HD11	5	1.4
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:HD12	5	1.4
(4,1466)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:HD13	5	1.4
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:H	8	1.4
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:H	8	1.4
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB2	4	1.4
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB3	4	1.4
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB1	15	1.4
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB2	15	1.4
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB3	15	1.4
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG11	1:20:A:ASN:HD21	17	1.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG12	1:20:A:ASN:HD21	17	1.4
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG13	1:20:A:ASN:HD21	17	1.4
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	3	1.4
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:H	3	1.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG11	17	1.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG12	17	1.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG13	17	1.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG21	17	1.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG22	17	1.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG23	17	1.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG11	17	1.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG12	17	1.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG13	17	1.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG21	17	1.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG22	17	1.4
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG23	17	1.4
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG11	2	1.4
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG12	2	1.4
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG13	2	1.4
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG11	2	1.4
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG12	2	1.4
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG13	2	1.4
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG11	2	1.4
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG12	2	1.4
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG13	2	1.4
(4,887)	1:100:A:SER:HB2	1:127:A:ASN:HA	2	1.4
(4,887)	1:100:A:SER:HB3	1:127:A:ASN:HA	2	1.4
(4,868)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HB2	3	1.4
(4,868)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HB3	3	1.4
(4,868)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HB2	3	1.4
(4,868)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HB3	3	1.4
(4,737)	1:81:A:TRP:HZ3	1:84:A:GLN:H	9	1.4
(4,730)	1:119:A:GLN:H	1:119:A:GLN:HE22	8	1.4
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD11	3	1.4
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD12	3	1.4
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD13	3	1.4
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD21	3	1.4
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD22	3	1.4
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD23	3	1.4
(4,675)	1:3:A:GLY:H	1:5:A:ASN:H	9	1.4
(4,658)	1:76:A:SER:H	1:188:A:PRO:HG3	19	1.4
(4,392)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:H	15	1.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,392)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:H	15	1.4
(4,392)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:H	15	1.4
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE1	9	1.4
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE2	9	1.4
(4,356)	1:106:A:LEU:HD21	1:110:A:SER:H	17	1.4
(4,356)	1:106:A:LEU:HD22	1:110:A:SER:H	17	1.4
(4,356)	1:106:A:LEU:HD23	1:110:A:SER:H	17	1.4
(4,277)	1:82:A:PHE:HE1	1:99:A:LEU:H	20	1.4
(4,277)	1:82:A:PHE:HE2	1:99:A:LEU:H	20	1.4
(4,203)	1:110:A:SER:HG	1:114:A:ASN:H	17	1.4
(4,180)	1:153:A:GLN:H	1:156:A:ALA:HA	17	1.4
(4,59)	1:20:A:ASN:HD21	1:24:A:LYS:H	10	1.4
(1,209)	1:21:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	7	1.4
(1,179)	1:57:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	11	1.4
(1,170)	1:86:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	10	1.4
(1,83)	1:36:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	8	1.4
(5,772)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	9	1.39
(5,550)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	8	1.39
(5,524)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	5	1.39
(5,340)	1:5:A:ASN:ND2	1:13:A:SER:H	10	1.39
(5,332)	1:177:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	11	1.39
(5,275)	1:40:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	18	1.39
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD11	18	1.39
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD12	18	1.39
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD13	18	1.39
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD21	18	1.39
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD22	18	1.39
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD23	18	1.39
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG2	20	1.39
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG3	20	1.39
(4,4152)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HA	19	1.39
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:H	15	1.39
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD3	1:158:A:GLU:H	15	1.39
(4,4008)	1:115:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HG2	9	1.39
(4,4008)	1:115:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HG2	9	1.39
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD21	8	1.39
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD22	8	1.39
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD21	8	1.39
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD22	8	1.39
(4,3893)	1:119:A:GLN:HE21	1:125:A:SER:H	6	1.39
(4,3733)	1:177:A:ILE:HD11	1:206:A:LEU:HB2	11	1.39
(4,3733)	1:177:A:ILE:HD12	1:206:A:LEU:HB2	11	1.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3733)	1:177:A:ILE:HD13	1:206:A:LEU:HB2	11	1.39
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD21	10	1.39
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD21	10	1.39
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD21	10	1.39
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD21	10	1.39
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD21	10	1.39
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD21	10	1.39
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB2	4	1.39
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB3	4	1.39
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB2	4	1.39
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB3	4	1.39
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB2	4	1.39
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB3	4	1.39
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	3	1.39
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	3	1.39
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	3	1.39
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB2	2	1.39
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB3	2	1.39
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB2	2	1.39
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB3	2	1.39
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB2	2	1.39
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB3	2	1.39
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	13	1.39
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	13	1.39
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	13	1.39
(4,3237)	1:150:A:SER:H	1:152:A:GLY:H	13	1.39
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:H	8	1.39
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:H	8	1.39
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:H	12	1.39
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:H	12	1.39
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG2	12	1.39
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG3	12	1.39
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG2	20	1.39
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG3	20	1.39
(4,2828)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:H	7	1.39
(4,2809)	1:55:A:ILE:HB	1:201:A:LEU:HB2	8	1.39
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB2	19	1.39
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB3	19	1.39
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB2	19	1.39
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB3	19	1.39
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB2	19	1.39
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB3	19	1.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD1	11	1.39
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD2	11	1.39
(4,2604)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:H	17	1.39
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	8	1.39
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	8	1.39
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	8	1.39
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD11	1:120:A:SER:H	12	1.39
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD12	1:120:A:SER:H	12	1.39
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD13	1:120:A:SER:H	12	1.39
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	9	1.39
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	9	1.39
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	9	1.39
(4,2341)	1:32:A:ALA:H	1:231:A:LEU:HD21	20	1.39
(4,2341)	1:32:A:ALA:H	1:231:A:LEU:HD22	20	1.39
(4,2341)	1:32:A:ALA:H	1:231:A:LEU:HD23	20	1.39
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HA	7	1.39
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HA	7	1.39
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HA	7	1.39
(4,2053)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD21	9	1.39
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG21	20	1.39
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG22	20	1.39
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG23	20	1.39
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HA	14	1.39
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HA	14	1.39
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HA	14	1.39
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HA	14	1.39
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HA	14	1.39
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HA	14	1.39
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD1	1:190:A:TYR:H	6	1.39
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD2	1:190:A:TYR:H	6	1.39
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	11	1.39
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	11	1.39
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	11	1.39
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	11	1.39
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	11	1.39
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	11	1.39
(4,1647)	1:157:A:PRO:HA	1:159:A:ALA:H	13	1.39
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB2	4	1.39
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB2	4	1.39
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB2	4	1.39
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB2	18	1.39
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB2	18	1.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB2	18	1.39
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG11	5	1.39
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG12	5	1.39
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG13	5	1.39
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB1	14	1.39
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB2	14	1.39
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB3	14	1.39
(4,1037)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:HA	15	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB2	4	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB3	4	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB2	4	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB3	4	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB2	4	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB3	4	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB2	4	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB3	4	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB2	4	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB3	4	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB2	4	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB3	4	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB2	9	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB3	9	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB2	9	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB3	9	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB2	9	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB3	9	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB2	9	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB3	9	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB2	9	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB3	9	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB2	9	1.39
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB3	9	1.39
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD11	8	1.39
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD12	8	1.39
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD13	8	1.39
(4,957)	1:62:A:ASN:HD21	1:65:A:ARG:H	5	1.39
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD11	2	1.39
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD12	2	1.39
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD13	2	1.39
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD21	4	1.39
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD22	4	1.39
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD11	10	1.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD12	10	1.39
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD13	10	1.39
(4,716)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD11	9	1.39
(4,716)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD12	9	1.39
(4,716)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD13	9	1.39
(4,593)	1:17:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:CG2	20	1.39
(4,593)	1:17:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:CG2	20	1.39
(4,593)	1:17:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:CG2	20	1.39
(4,593)	1:17:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:CG2	20	1.39
(4,593)	1:17:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:CG2	20	1.39
(4,593)	1:17:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:CG2	20	1.39
(4,510)	1:99:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:H	11	1.39
(4,510)	1:99:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:H	11	1.39
(4,510)	1:99:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:H	11	1.39
(4,510)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	11	1.39
(4,510)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	11	1.39
(4,510)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	11	1.39
(4,365)	1:177:A:ILE:HD11	1:191:A:LEU:CD2	17	1.39
(4,365)	1:177:A:ILE:HD12	1:191:A:LEU:CD2	17	1.39
(4,365)	1:177:A:ILE:HD13	1:191:A:LEU:CD2	17	1.39
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD21	11	1.39
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD22	11	1.39
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD23	11	1.39
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG21	7	1.39
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG22	7	1.39
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG23	7	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG11	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG12	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG13	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG21	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG22	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG23	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG11	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG12	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG13	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG21	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG22	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG23	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG11	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG12	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG13	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG21	6	1.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG22	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG23	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG11	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG12	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG13	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG21	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG22	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG23	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG11	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG12	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG13	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG21	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG22	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG23	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG11	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG12	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG13	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG21	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG22	6	1.39
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG23	6	1.39
(4,327)	1:120:A:SER:HA	1:122:A:THR:HB	13	1.39
(4,252)	1:160:A:THR:H	1:161:A:ALA:H	5	1.39
(4,238)	1:79:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:H	11	1.39
(4,238)	1:79:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:H	11	1.39
(4,238)	1:79:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:H	11	1.39
(4,28)	1:57:A:LEU:HD11	1:170:A:TYR:HE1	7	1.39
(4,28)	1:57:A:LEU:HD11	1:170:A:TYR:HE2	7	1.39
(4,28)	1:57:A:LEU:HD12	1:170:A:TYR:HE1	7	1.39
(4,28)	1:57:A:LEU:HD12	1:170:A:TYR:HE2	7	1.39
(4,28)	1:57:A:LEU:HD13	1:170:A:TYR:HE1	7	1.39
(4,28)	1:57:A:LEU:HD13	1:170:A:TYR:HE2	7	1.39
(1,524)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	17	1.39
(1,205)	1:62:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	9	1.39
(1,74)	1:221:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	4	1.39
(5,586)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	20	1.38
(5,563)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	6	1.38
(5,473)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	19	1.38
(5,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	4	1.38
(5,394)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	15	1.38
(5,312)	1:149:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	7	1.38
(5,202)	1:53:A:LYS:H	1:225:A:ASN:ND2	10	1.38
(5,107)	1:140:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	1	1.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:H	11	1.38
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:H	11	1.38
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:H	11	1.38
(4,4218)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD22	14	1.38
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD11	1:119:A:GLN:H	10	1.38
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD12	1:119:A:GLN:H	10	1.38
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD13	1:119:A:GLN:H	10	1.38
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG21	20	1.38
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG22	20	1.38
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG23	20	1.38
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	12	1.38
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	12	1.38
(4,3937)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE21	16	1.38
(4,3935)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD1	10	1.38
(4,3935)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD2	10	1.38
(4,3935)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD1	10	1.38
(4,3935)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD2	10	1.38
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD1	6	1.38
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD2	6	1.38
(4,3753)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:H	9	1.38
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	11	1.38
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	11	1.38
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD11	12	1.38
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD12	12	1.38
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD13	12	1.38
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE1	10	1.38
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE2	10	1.38
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE1	10	1.38
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE2	10	1.38
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD11	19	1.38
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD12	19	1.38
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD13	19	1.38
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD11	19	1.38
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD12	19	1.38
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD13	19	1.38
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD11	19	1.38
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD12	19	1.38
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD13	19	1.38
(4,3413)	1:149:A:PHE:H	1:151:A:THR:H	6	1.38
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG21	18	1.38
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG22	18	1.38
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG23	18	1.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG21	18	1.38
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG22	18	1.38
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG23	18	1.38
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD11	18	1.38
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD12	18	1.38
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD13	18	1.38
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD11	18	1.38
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD12	18	1.38
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD13	18	1.38
(4,3280)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB2	19	1.38
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE1	5	1.38
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE2	5	1.38
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE1	5	1.38
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE2	5	1.38
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE1	5	1.38
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE2	5	1.38
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD11	3	1.38
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD12	3	1.38
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD13	3	1.38
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD21	3	1.38
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD22	3	1.38
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD23	3	1.38
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD11	3	1.38
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD12	3	1.38
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD13	3	1.38
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD21	3	1.38
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD22	3	1.38
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD23	3	1.38
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HE1	14	1.38
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HE1	14	1.38
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HE1	14	1.38
(4,2985)	1:171:A:VAL:HB	1:172:A:GLU:HG2	5	1.38
(4,2985)	1:171:A:VAL:HB	1:172:A:GLU:HG3	5	1.38
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	10	1.38
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	10	1.38
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	10	1.38
(4,2956)	1:11:A:ILE:HG12	1:153:A:GLN:H	8	1.38
(4,2764)	1:119:A:GLN:HE22	1:134:A:THR:H	8	1.38
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD1	15	1.38
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD2	15	1.38
(4,2574)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HD22	7	1.38
(4,2573)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD11	10	1.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2573)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD12	10	1.38
(4,2573)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD13	10	1.38
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:H	7	1.38
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:H	7	1.38
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	8	1.38
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	8	1.38
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB1	3	1.38
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB2	3	1.38
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB3	3	1.38
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB1	3	1.38
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB2	3	1.38
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB3	3	1.38
(4,2378)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:HA2	7	1.38
(4,2378)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:HA3	7	1.38
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HE1	11	1.38
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HE2	11	1.38
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HE1	11	1.38
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HE2	11	1.38
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HE1	11	1.38
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HE2	11	1.38
(4,1975)	1:44:A:LEU:HA	1:48:A:LEU:H	1	1.38
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE1	19	1.38
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE2	19	1.38
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE1	19	1.38
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE2	19	1.38
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE1	19	1.38
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE2	19	1.38
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG12	1:166:A:HIS:H	15	1.38
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG13	1:166:A:HIS:H	15	1.38
(4,1850)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	15	1.38
(4,1841)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:H	12	1.38
(4,1833)	1:145:A:ASN:H	1:147:A:GLN:HG2	10	1.38
(4,1833)	1:145:A:ASN:H	1:147:A:GLN:HG3	10	1.38
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD11	17	1.38
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD12	17	1.38
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD13	17	1.38
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD21	17	1.38
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD22	17	1.38
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD23	17	1.38
(4,1557)	1:213:A:SER:HA	1:217:A:ASN:HD21	7	1.38
(4,1557)	1:213:A:SER:HA	1:217:A:ASN:HD22	7	1.38
(4,1515)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HA	13	1.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:HA2	20	1.38
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:HA3	20	1.38
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:HA2	20	1.38
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:HA3	20	1.38
(4,1437)	1:58:A:LEU:HG	1:228:A:MET:HA	11	1.38
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HA	15	1.38
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HA	15	1.38
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HA	15	1.38
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE2	17	1.38
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE3	17	1.38
(4,1311)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG11	12	1.38
(4,1311)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG12	12	1.38
(4,1311)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG13	12	1.38
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE21	8	1.38
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE22	8	1.38
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD21	3	1.38
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD22	3	1.38
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD23	3	1.38
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD21	19	1.38
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD22	19	1.38
(4,1107)	1:57:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HD1	4	1.38
(4,1107)	1:57:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HD2	4	1.38
(4,987)	1:19:A:THR:HG1	1:21:A:PHE:H	20	1.38
(4,929)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:H	19	1.38
(4,929)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:H	19	1.38
(4,929)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:H	19	1.38
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG11	10	1.38
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG12	10	1.38
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG13	10	1.38
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG21	10	1.38
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG22	10	1.38
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG23	10	1.38
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG11	10	1.38
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG12	10	1.38
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG13	10	1.38
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG21	10	1.38
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG22	10	1.38
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG23	10	1.38
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG11	10	1.38
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG12	10	1.38
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG13	10	1.38
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG21	10	1.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG22	10	1.38
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG23	10	1.38
(4,903)	1:55:A:ILE:H	1:169:A:THR:HA	7	1.38
(4,777)	1:74:A:THR:HB	1:76:A:SER:HA	2	1.38
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG11	5	1.38
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG12	5	1.38
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG13	5	1.38
(4,665)	1:168:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	12	1.38
(4,665)	1:168:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	12	1.38
(4,665)	1:168:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	12	1.38
(4,665)	1:168:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	17	1.38
(4,665)	1:168:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	17	1.38
(4,665)	1:168:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	17	1.38
(4,497)	1:29:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD21	11	1.38
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB2	12	1.38
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB3	12	1.38
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB2	12	1.38
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB3	12	1.38
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB2	12	1.38
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB3	12	1.38
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD21	17	1.38
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD22	17	1.38
(4,324)	1:153:A:GLN:HE21	1:156:A:ALA:H	6	1.38
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB2	8	1.38
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB3	8	1.38
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB2	8	1.38
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB3	8	1.38
(4,161)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:H	19	1.38
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD11	12	1.38
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD12	12	1.38
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD13	12	1.38
(2,590)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	1	1.38
(2,335)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	2	1.38
(2,287)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:ND2	16	1.38
(1,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	18	1.38
(1,476)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	14	1.38
(1,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	19	1.38
(1,165)	1:180:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	1	1.38
(1,87)	1:220:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	15	1.38
(5,678)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	9	1.37
(5,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	3	1.37
(5,478)	1:5:A:ASN:ND2	1:116:A:LEU:H	11	1.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,23)	1:13:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	11	1.37
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE21	1	1.37
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE22	1	1.37
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE2	1:217:A:ASN:HA	18	1.37
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE3	1:217:A:ASN:HA	18	1.37
(4,4137)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HD1	17	1.37
(4,4137)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HD2	17	1.37
(4,4137)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HD1	17	1.37
(4,4137)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HD2	17	1.37
(4,4137)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HD1	17	1.37
(4,4137)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HD2	17	1.37
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:HG2	14	1.37
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:HG3	14	1.37
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:HG2	14	1.37
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:HG3	14	1.37
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:HG2	14	1.37
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:HG3	14	1.37
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:HG2	14	1.37
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:HG3	14	1.37
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:HG2	14	1.37
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:HG3	14	1.37
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:HG2	14	1.37
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:HG3	14	1.37
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG12	14	1.37
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG13	14	1.37
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	13	1.37
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	13	1.37
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	13	1.37
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	13	1.37
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	13	1.37
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	13	1.37
(4,4046)	1:38:A:SER:H	1:39:A:LEU:HG	16	1.37
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB2	9	1.37
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB3	9	1.37
(4,3926)	1:15:A:PRO:HG3	1:34:A:PHE:HA	15	1.37
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD11	9	1.37
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD12	9	1.37
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD13	9	1.37
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD11	14	1.37
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD12	14	1.37
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD13	14	1.37
(4,3658)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HB2	20	1.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3658)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HB3	20	1.37
(4,3658)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HB2	20	1.37
(4,3658)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HB3	20	1.37
(4,3658)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HB2	20	1.37
(4,3658)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HB3	20	1.37
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	2	1.37
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	2	1.37
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	2	1.37
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	2	1.37
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	2	1.37
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	2	1.37
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD11	17	1.37
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD12	17	1.37
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD13	17	1.37
(4,3525)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG11	17	1.37
(4,3525)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG12	17	1.37
(4,3525)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG13	17	1.37
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG11	1:139:A:LEU:CD1	12	1.37
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG12	1:139:A:LEU:CD1	12	1.37
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG13	1:139:A:LEU:CD1	12	1.37
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD21	19	1.37
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD22	19	1.37
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD23	19	1.37
(4,3280)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB2	9	1.37
(4,3220)	1:31:A:TRP:HE3	1:53:A:LYS:H	14	1.37
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG21	2	1.37
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG22	2	1.37
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG23	2	1.37
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG21	2	1.37
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG22	2	1.37
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG23	2	1.37
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG21	2	1.37
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG22	2	1.37
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG23	2	1.37
(4,2821)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HE1	2	1.37
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD11	18	1.37
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD12	18	1.37
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD13	18	1.37
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD22	9	1.37
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD22	9	1.37
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD22	9	1.37
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG11	3	1.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG12	3	1.37
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG13	3	1.37
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG11	3	1.37
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG12	3	1.37
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG13	3	1.37
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD11	1	1.37
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD12	1	1.37
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD13	1	1.37
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD11	1	1.37
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD12	1	1.37
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD13	1	1.37
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:HB2	12	1.37
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:HB2	12	1.37
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:HB2	12	1.37
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:HB2	12	1.37
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:HB2	12	1.37
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:HB2	12	1.37
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE21	2	1.37
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE22	2	1.37
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD11	16	1.37
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD12	16	1.37
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD13	16	1.37
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD11	16	1.37
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD12	16	1.37
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD13	16	1.37
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD11	16	1.37
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD12	16	1.37
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD13	16	1.37
(4,2279)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HB2	2	1.37
(4,2279)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HB3	2	1.37
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	14	1.37
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	14	1.37
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	14	1.37
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD1	13	1.37
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD2	13	1.37
(4,2053)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD21	17	1.37
(4,1880)	1:207:A:VAL:HB	1:211:A:VAL:H	3	1.37
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD11	16	1.37
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD12	16	1.37
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD13	16	1.37
(4,1590)	1:15:A:PRO:HG2	1:34:A:PHE:HA	15	1.37
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB1	19	1.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB2	19	1.37
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB3	19	1.37
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD21	1	1.37
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD22	1	1.37
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD23	1	1.37
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD21	1	1.37
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD22	1	1.37
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD23	1	1.37
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD21	9	1.37
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD22	9	1.37
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD23	9	1.37
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD21	9	1.37
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD22	9	1.37
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD23	9	1.37
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HA	13	1.37
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HA	13	1.37
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HA	13	1.37
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:H	4	1.37
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:H	4	1.37
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:H	4	1.37
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:H	4	1.37
(4,1289)	1:191:A:LEU:HD11	1:210:A:ARG:H	13	1.37
(4,1289)	1:191:A:LEU:HD12	1:210:A:ARG:H	13	1.37
(4,1289)	1:191:A:LEU:HD13	1:210:A:ARG:H	13	1.37
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB1	13	1.37
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB2	13	1.37
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB3	13	1.37
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD11	10	1.37
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD12	10	1.37
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD13	10	1.37
(4,687)	1:25:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG21	9	1.37
(4,687)	1:25:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG22	9	1.37
(4,687)	1:25:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG23	9	1.37
(4,682)	1:15:A:PRO:HG3	1:35:A:ASP:H	11	1.37
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD21	12	1.37
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD22	12	1.37
(4,437)	1:126:A:LYS:HG2	1:127:A:ASN:HD22	14	1.37
(4,437)	1:126:A:LYS:HG3	1:127:A:ASN:HD22	14	1.37
(4,404)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG13	2	1.37
(4,269)	1:144:A:GLU:HB2	1:147:A:GLN:HE21	2	1.37
(4,269)	1:144:A:GLU:HB2	1:147:A:GLN:HE22	2	1.37
(4,269)	1:144:A:GLU:HB3	1:147:A:GLN:HE21	2	1.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,269)	1:144:A:GLU:HB3	1:147:A:GLN:HE22	2	1.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD11	20	1.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD12	20	1.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD13	20	1.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD21	20	1.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD22	20	1.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD23	20	1.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD11	20	1.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD12	20	1.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD13	20	1.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD21	20	1.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD22	20	1.37
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD23	20	1.37
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE1	5	1.37
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE2	5	1.37
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE1	18	1.37
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE2	18	1.37
(2,631)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	6	1.37
(1,496)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	20	1.37
(1,325)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	3	1.37
(1,113)	1:182:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	15	1.37
(5,708)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	14	1.36
(5,704)	1:5:A:ASN:ND2	1:192:A:GLY:H	8	1.36
(5,599)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	19	1.36
(5,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	11	1.36
(5,372)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	15	1.36
(5,73)	1:89:A:ALA:H	1:104:A:SER:OG	17	1.36
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:H	7	1.36
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:H	7	1.36
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	2	1.36
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	2	1.36
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	2	1.36
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD11	1	1.36
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD12	1	1.36
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD13	1	1.36
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	9	1.36
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	9	1.36
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	9	1.36
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	9	1.36
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	9	1.36
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	9	1.36
(4,3937)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE21	6	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3753)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:H	17	1.36
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD21	8	1.36
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD22	8	1.36
(4,3650)	1:222:A:ASP:HA	1:225:A:ASN:HD21	8	1.36
(4,3650)	1:222:A:ASP:HA	1:225:A:ASN:HD22	8	1.36
(4,3571)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	16	1.36
(4,3571)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	16	1.36
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG2	1:147:A:GLN:H	12	1.36
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG3	1:147:A:GLN:H	12	1.36
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG11	1:173:A:GLU:H	12	1.36
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG12	1:173:A:GLU:H	12	1.36
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG13	1:173:A:GLU:H	12	1.36
(4,3450)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HB2	20	1.36
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB1	7	1.36
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB2	7	1.36
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB3	7	1.36
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	19	1.36
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	19	1.36
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD1	4	1.36
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD2	4	1.36
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD1	4	1.36
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD2	4	1.36
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD1	4	1.36
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD2	4	1.36
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG21	1:139:A:LEU:CD1	4	1.36
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG22	1:139:A:LEU:CD1	4	1.36
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG23	1:139:A:LEU:CD1	4	1.36
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	10	1.36
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	10	1.36
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	10	1.36
(4,3069)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	10	1.36
(4,2963)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:H	9	1.36
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:H	3	1.36
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:H	3	1.36
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD11	8	1.36
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD12	8	1.36
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD13	8	1.36
(4,2827)	1:82:A:PHE:HD1	1:134:A:THR:HG21	11	1.36
(4,2827)	1:82:A:PHE:HD1	1:134:A:THR:HG22	11	1.36
(4,2827)	1:82:A:PHE:HD1	1:134:A:THR:HG23	11	1.36
(4,2827)	1:82:A:PHE:HD2	1:134:A:THR:HG21	11	1.36
(4,2827)	1:82:A:PHE:HD2	1:134:A:THR:HG22	11	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2827)	1:82:A:PHE:HD2	1:134:A:THR:HG23	11	1.36
(4,2696)	1:31:A:TRP:H	1:31:A:TRP:HE1	15	1.36
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	9	1.36
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	9	1.36
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	9	1.36
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG2	1:177:A:ILE:H	1	1.36
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG3	1:177:A:ILE:H	1	1.36
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:H	8	1.36
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:H	8	1.36
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:H	8	1.36
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD21	4	1.36
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD22	4	1.36
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD23	4	1.36
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HB	8	1.36
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HB	8	1.36
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HB	8	1.36
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD21	13	1.36
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD22	13	1.36
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD23	13	1.36
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD21	13	1.36
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD22	13	1.36
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD23	13	1.36
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG21	7	1.36
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG22	7	1.36
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG23	7	1.36
(4,2033)	1:141:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	13	1.36
(4,2033)	1:141:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	13	1.36
(4,2033)	1:141:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	13	1.36
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG21	19	1.36
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG22	19	1.36
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG23	19	1.36
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG21	19	1.36
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG22	19	1.36
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG23	19	1.36
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD1	1:190:A:TYR:H	15	1.36
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD2	1:190:A:TYR:H	15	1.36
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:HA	17	1.36
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:HA	17	1.36
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:HA	17	1.36
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:HA	17	1.36
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:HA	17	1.36
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:HA	17	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD2	11	1.36
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD3	11	1.36
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD2	11	1.36
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD3	11	1.36
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG2	16	1.36
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG3	16	1.36
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG2	16	1.36
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG3	16	1.36
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG2	16	1.36
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG3	16	1.36
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB2	5	1.36
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB3	5	1.36
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB2	11	1.36
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB3	11	1.36
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HD1	13	1.36
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HD2	13	1.36
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HD1	13	1.36
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HD2	13	1.36
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HD1	13	1.36
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HD2	13	1.36
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HD1	13	1.36
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HD2	13	1.36
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HD1	13	1.36
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HD2	13	1.36
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HD1	13	1.36
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HD2	13	1.36
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG21	8	1.36
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG22	8	1.36
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG23	8	1.36
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB1	16	1.36
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB2	16	1.36
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:HB3	16	1.36
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB1	16	1.36
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB2	16	1.36
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:HB3	16	1.36
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB1	16	1.36
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB2	16	1.36
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:HB3	16	1.36
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB1	16	1.36
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB2	16	1.36
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:HB3	16	1.36
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB1	16	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB2	16	1.36
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:HB3	16	1.36
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB1	16	1.36
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB2	16	1.36
(4,1175)	1:8:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:HB3	16	1.36
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE2	20	1.36
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE3	20	1.36
(4,751)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:H	13	1.36
(4,751)	1:2:A:SER:HB3	1:4:A:GLU:H	13	1.36
(4,682)	1:15:A:PRO:HG3	1:35:A:ASP:H	2	1.36
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB2	9	1.36
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB3	9	1.36
(4,507)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:ASP:HA	17	1.36
(4,492)	1:92:A:LEU:HD21	1:93:A:TYR:HD1	12	1.36
(4,492)	1:92:A:LEU:HD21	1:93:A:TYR:HD2	12	1.36
(4,492)	1:92:A:LEU:HD22	1:93:A:TYR:HD1	12	1.36
(4,492)	1:92:A:LEU:HD22	1:93:A:TYR:HD2	12	1.36
(4,492)	1:92:A:LEU:HD23	1:93:A:TYR:HD1	12	1.36
(4,492)	1:92:A:LEU:HD23	1:93:A:TYR:HD2	12	1.36
(4,433)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:H	13	1.36
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG21	3	1.36
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG22	3	1.36
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG23	3	1.36
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD11	3	1.36
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD12	3	1.36
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD13	3	1.36
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD21	3	1.36
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD22	3	1.36
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD23	3	1.36
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD11	3	1.36
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD12	3	1.36
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD13	3	1.36
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD21	3	1.36
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD22	3	1.36
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD23	3	1.36
(4,93)	1:144:A:GLU:HB2	1:149:A:PHE:HD1	20	1.36
(4,93)	1:144:A:GLU:HB2	1:149:A:PHE:HD2	20	1.36
(4,93)	1:144:A:GLU:HB3	1:149:A:PHE:HD1	20	1.36
(4,93)	1:144:A:GLU:HB3	1:149:A:PHE:HD2	20	1.36
(2,287)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:ND2	5	1.36
(2,88)	1:104:A:SER:OG	1:106:A:LEU:H	2	1.36
(1,513)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	12	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,380)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	19	1.36
(1,225)	1:64:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	7	1.36
(1,148)	1:70:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	13	1.36
(1,83)	1:36:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	14	1.36
(5,813)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	16	1.35
(5,702)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	14	1.35
(5,656)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	15	1.35
(5,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	12	1.35
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG21	14	1.35
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG22	14	1.35
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG23	14	1.35
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD1	7	1.35
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD2	7	1.35
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD1	7	1.35
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD2	7	1.35
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD1	7	1.35
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD2	7	1.35
(4,4196)	1:165:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	20	1.35
(4,4196)	1:165:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	20	1.35
(4,4196)	1:165:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	20	1.35
(4,4196)	1:165:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	20	1.35
(4,4196)	1:165:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	20	1.35
(4,4196)	1:165:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	20	1.35
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB3	16	1.35
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB3	16	1.35
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD1	1:151:A:THR:H	14	1.35
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD2	1:151:A:THR:H	14	1.35
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD21	1	1.35
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD22	1	1.35
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE1	11	1.35
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE2	11	1.35
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD2	1:214:A:TYR:HA	13	1.35
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD3	1:214:A:TYR:HA	13	1.35
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG21	19	1.35
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG22	19	1.35
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG23	19	1.35
(4,3928)	1:56:A:VAL:HG11	1:170:A:TYR:H	7	1.35
(4,3928)	1:56:A:VAL:HG12	1:170:A:TYR:H	7	1.35
(4,3928)	1:56:A:VAL:HG13	1:170:A:TYR:H	7	1.35
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD11	8	1.35
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD12	8	1.35
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD13	8	1.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD11	8	1.35
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD12	8	1.35
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD13	8	1.35
(4,3734)	1:56:A:VAL:HG11	1:169:A:THR:HG1	16	1.35
(4,3734)	1:56:A:VAL:HG12	1:169:A:THR:HG1	16	1.35
(4,3734)	1:56:A:VAL:HG13	1:169:A:THR:HG1	16	1.35
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD21	20	1.35
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD22	20	1.35
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD11	11	1.35
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD12	11	1.35
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD13	11	1.35
(4,3587)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:H	10	1.35
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD21	17	1.35
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD22	17	1.35
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD23	17	1.35
(4,3520)	1:57:A:LEU:HB2	1:211:A:VAL:HB	11	1.35
(4,3520)	1:57:A:LEU:HB3	1:211:A:VAL:HB	11	1.35
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD21	13	1.35
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD21	13	1.35
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD21	13	1.35
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG12	15	1.35
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG13	15	1.35
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG12	15	1.35
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG13	15	1.35
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG12	15	1.35
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG13	15	1.35
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG21	1:203:A:GLU:H	15	1.35
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG22	1:203:A:GLU:H	15	1.35
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG23	1:203:A:GLU:H	15	1.35
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD21	7	1.35
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD22	7	1.35
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD23	7	1.35
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG21	20	1.35
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG22	20	1.35
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG23	20	1.35
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG21	20	1.35
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG22	20	1.35
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG23	20	1.35
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG12	12	1.35
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG13	12	1.35
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD11	20	1.35
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD12	20	1.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD13	20	1.35
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD21	20	1.35
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD22	20	1.35
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD23	20	1.35
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HE1	9	1.35
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HE1	9	1.35
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HE1	9	1.35
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD21	9	1.35
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD22	9	1.35
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD23	9	1.35
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	7	1.35
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	7	1.35
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	7	1.35
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD21	11	1.35
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD22	11	1.35
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD23	11	1.35
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD21	11	1.35
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD22	11	1.35
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD23	11	1.35
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD21	11	1.35
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD22	11	1.35
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD23	11	1.35
(4,2893)	1:153:A:GLN:HA	1:157:A:PRO:HD3	4	1.35
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	18	1.35
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	18	1.35
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	18	1.35
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD11	5	1.35
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD12	5	1.35
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD13	5	1.35
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD11	5	1.35
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD12	5	1.35
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD13	5	1.35
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD11	5	1.35
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD12	5	1.35
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD13	5	1.35
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:H	3	1.35
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:H	3	1.35
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:H	3	1.35
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD11	14	1.35
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD12	14	1.35
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD13	14	1.35
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD11	11	1.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD12	11	1.35
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD13	11	1.35
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD11	11	1.35
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD12	11	1.35
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD13	11	1.35
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD11	11	1.35
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD12	11	1.35
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD13	11	1.35
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HB2	11	1.35
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HB2	11	1.35
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD11	16	1.35
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD12	16	1.35
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD13	16	1.35
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD11	16	1.35
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD12	16	1.35
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD13	16	1.35
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HA	9	1.35
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HA	9	1.35
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HA	9	1.35
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HA	9	1.35
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HA	9	1.35
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HA	9	1.35
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HA	10	1.35
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HA	10	1.35
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HA	10	1.35
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HA	10	1.35
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HA	10	1.35
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HA	10	1.35
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG21	4	1.35
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG22	4	1.35
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG23	4	1.35
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HA	20	1.35
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HA	20	1.35
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HA	20	1.35
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HA	20	1.35
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HA	20	1.35
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HA	20	1.35
(4,2005)	1:147:A:GLN:HE22	1:148:A:THR:H	16	1.35
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD2	1:217:A:ASN:HD22	17	1.35
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD3	1:217:A:ASN:HD22	17	1.35
(4,1850)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	11	1.35
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	16	1.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	16	1.35
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	16	1.35
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	16	1.35
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	16	1.35
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	16	1.35
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:H	8	1.35
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:H	8	1.35
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:H	8	1.35
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	10	1.35
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	10	1.35
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	10	1.35
(4,1311)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG11	19	1.35
(4,1311)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG12	19	1.35
(4,1311)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG13	19	1.35
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:H	19	1.35
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:H	19	1.35
(4,1224)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:H	1	1.35
(4,1220)	1:149:A:PHE:HB3	1:151:A:THR:H	4	1.35
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD11	11	1.35
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD12	11	1.35
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD13	11	1.35
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD21	11	1.35
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD22	11	1.35
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD23	11	1.35
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD11	11	1.35
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD12	11	1.35
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD13	11	1.35
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD21	11	1.35
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD22	11	1.35
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD23	11	1.35
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD11	11	1.35
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD12	11	1.35
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD13	11	1.35
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD21	11	1.35
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD22	11	1.35
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD23	11	1.35
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD11	8	1.35
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD12	8	1.35
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD13	8	1.35
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD21	8	1.35
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD22	8	1.35
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD23	8	1.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD11	8	1.35
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD12	8	1.35
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD13	8	1.35
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD21	8	1.35
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD22	8	1.35
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD23	8	1.35
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD11	8	1.35
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD12	8	1.35
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD13	8	1.35
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD21	8	1.35
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD22	8	1.35
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD23	8	1.35
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD21	15	1.35
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD22	15	1.35
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD11	16	1.35
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD12	16	1.35
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD13	16	1.35
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD21	16	1.35
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD22	16	1.35
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD23	16	1.35
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD11	16	1.35
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD12	16	1.35
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD13	16	1.35
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD21	16	1.35
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD22	16	1.35
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD23	16	1.35
(4,819)	1:149:A:PHE:HA	1:151:A:THR:HA	3	1.35
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD11	17	1.35
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD12	17	1.35
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD13	17	1.35
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG11	3	1.35
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG12	3	1.35
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG13	3	1.35
(4,706)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HA	11	1.35
(4,589)	1:83:A:LYS:HA	1:183:A:ARG:H	3	1.35
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB2	19	1.35
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB3	19	1.35
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB2	19	1.35
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB3	19	1.35
(4,540)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:H	20	1.35
(4,440)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:LEU:HB3	19	1.35
(4,404)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG13	18	1.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,392)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:H	14	1.35
(4,392)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:H	14	1.35
(4,392)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:H	14	1.35
(4,166)	1:181:A:ASP:H	1:184:A:ASN:HD21	2	1.35
(4,166)	1:181:A:ASP:H	1:184:A:ASN:HD22	2	1.35
(4,60)	1:79:A:VAL:HG11	1:190:A:TYR:H	16	1.35
(4,60)	1:79:A:VAL:HG12	1:190:A:TYR:H	16	1.35
(4,60)	1:79:A:VAL:HG13	1:190:A:TYR:H	16	1.35
(4,8)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA3	15	1.35
(4,8)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA3	15	1.35
(3,22)	1:171:A:VAL:H	1:178:A:PHE:O	3	1.35
(2,366)	1:9:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	5	1.35
(2,77)	1:101:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	14	1.35
(1,546)	1:5:A:ASN:ND2	1:19:A:THR:H	4	1.35
(1,216)	1:171:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	20	1.35
(1,182)	1:61:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	3	1.35
(1,85)	1:206:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	6	1.35
(1,83)	1:36:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	15	1.35
(1,5)	1:99:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	9	1.35
(5,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	17	1.34
(5,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	18	1.34
(5,390)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	5	1.34
(5,59)	1:104:A:SER:OG	1:214:A:TYR:H	14	1.34
(5,34)	1:104:A:SER:OG	1:126:A:LYS:H	15	1.34
(5,34)	1:104:A:SER:OG	1:126:A:LYS:H	17	1.34
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD11	8	1.34
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD12	8	1.34
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD13	8	1.34
(4,4202)	1:56:A:VAL:HB	1:230:A:GLY:H	2	1.34
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD1	10	1.34
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD2	10	1.34
(4,4013)	1:11:A:ILE:HG12	1:14:A:ASN:H	17	1.34
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:H	11	1.34
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD3	1:158:A:GLU:H	11	1.34
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD1	5	1.34
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD2	5	1.34
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HB2	11	1.34
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HB3	11	1.34
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HB2	11	1.34
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HB3	11	1.34
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HB2	11	1.34
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HB3	11	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HB2	11	1.34
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HB3	11	1.34
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HB2	11	1.34
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HB3	11	1.34
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HB2	11	1.34
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HB3	11	1.34
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD11	13	1.34
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD12	13	1.34
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD13	13	1.34
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE1	17	1.34
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE2	17	1.34
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD11	14	1.34
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD12	14	1.34
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD13	14	1.34
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD21	14	1.34
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD22	14	1.34
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD23	14	1.34
(4,3373)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:H	16	1.34
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB1	19	1.34
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB2	19	1.34
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB3	19	1.34
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB1	19	1.34
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB2	19	1.34
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB3	19	1.34
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB1	19	1.34
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB2	19	1.34
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB3	19	1.34
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD11	7	1.34
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD12	7	1.34
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD13	7	1.34
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD11	7	1.34
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD12	7	1.34
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD13	7	1.34
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	4	1.34
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	4	1.34
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	4	1.34
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	4	1.34
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	9	1.34
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	9	1.34
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	9	1.34
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	16	1.34
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	16	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	16	1.34
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD11	13	1.34
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD12	13	1.34
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD13	13	1.34
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD11	13	1.34
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD12	13	1.34
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD13	13	1.34
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD11	13	1.34
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD12	13	1.34
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD13	13	1.34
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB1	12	1.34
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB2	12	1.34
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB3	12	1.34
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB1	12	1.34
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB2	12	1.34
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB3	12	1.34
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB1	12	1.34
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB2	12	1.34
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB3	12	1.34
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD21	1:221:A:GLU:HG2	19	1.34
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD21	1:221:A:GLU:HG3	19	1.34
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:HG2	19	1.34
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:HG3	19	1.34
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:HB2	7	1.34
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:HB2	7	1.34
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:HB2	7	1.34
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD1	12	1.34
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD2	12	1.34
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD1	17	1.34
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD2	17	1.34
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:H	13	1.34
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:H	13	1.34
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:H	13	1.34
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD11	1	1.34
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD12	1	1.34
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD13	1	1.34
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD11	1	1.34
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD12	1	1.34
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD13	1	1.34
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG11	4	1.34
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG12	4	1.34
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG13	4	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HA	11	1.34
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HA	11	1.34
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HA	11	1.34
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HA	11	1.34
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HA	11	1.34
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HA	11	1.34
(4,2097)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:H	17	1.34
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB2	19	1.34
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB3	19	1.34
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB2	19	1.34
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB3	19	1.34
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD11	20	1.34
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD12	20	1.34
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD13	20	1.34
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG12	1:166:A:HIS:H	18	1.34
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG13	1:166:A:HIS:H	18	1.34
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD11	19	1.34
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD12	19	1.34
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD13	19	1.34
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD21	19	1.34
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD22	19	1.34
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD23	19	1.34
(4,1771)	1:72:A:GLN:HB3	1:74:A:THR:H	13	1.34
(4,1647)	1:157:A:PRO:HA	1:159:A:ALA:H	20	1.34
(4,1645)	1:109:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	12	1.34
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	3	1.34
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	3	1.34
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	3	1.34
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD21	1:151:A:THR:H	12	1.34
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD22	1:151:A:THR:H	12	1.34
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD21	1:151:A:THR:H	17	1.34
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD22	1:151:A:THR:H	17	1.34
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:H	14	1.34
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:H	14	1.34
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:H	14	1.34
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:H	3	1.34
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:H	3	1.34
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG21	8	1.34
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG22	8	1.34
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG23	8	1.34
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD21	9	1.34
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD22	9	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB1	9	1.34
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB2	9	1.34
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB3	9	1.34
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB1	9	1.34
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB2	9	1.34
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB3	9	1.34
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB1	9	1.34
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB2	9	1.34
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB3	9	1.34
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD11	12	1.34
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD12	12	1.34
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD13	12	1.34
(4,829)	1:73:A:ILE:HD11	1:187:A:GLY:H	15	1.34
(4,829)	1:73:A:ILE:HD12	1:187:A:GLY:H	15	1.34
(4,829)	1:73:A:ILE:HD13	1:187:A:GLY:H	15	1.34
(4,745)	1:95:A:ILE:HD11	1:97:A:HIS:H	14	1.34
(4,745)	1:95:A:ILE:HD12	1:97:A:HIS:H	14	1.34
(4,745)	1:95:A:ILE:HD13	1:97:A:HIS:H	14	1.34
(4,682)	1:15:A:PRO:HG3	1:35:A:ASP:H	10	1.34
(4,626)	1:120:A:SER:HA	1:126:A:LYS:HA	4	1.34
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG11	2	1.34
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG12	2	1.34
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG13	2	1.34
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG21	2	1.34
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG22	2	1.34
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG23	2	1.34
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG11	2	1.34
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG12	2	1.34
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG13	2	1.34
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG21	2	1.34
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG22	2	1.34
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG23	2	1.34
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG11	2	1.34
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG12	2	1.34
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG13	2	1.34
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG21	2	1.34
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG22	2	1.34
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG23	2	1.34
(4,540)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:H	1	1.34
(4,324)	1:153:A:GLN:HE21	1:156:A:ALA:H	1	1.34
(4,324)	1:153:A:GLN:HE21	1:156:A:ALA:H	4	1.34
(4,297)	1:142:A:ILE:HG21	1:146:A:VAL:HB	15	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,297)	1:142:A:ILE:HG22	1:146:A:VAL:HB	15	1.34
(4,297)	1:142:A:ILE:HG23	1:146:A:VAL:HB	15	1.34
(4,49)	1:106:A:LEU:HD11	1:109:A:GLY:H	2	1.34
(4,49)	1:106:A:LEU:HD12	1:109:A:GLY:H	2	1.34
(4,49)	1:106:A:LEU:HD13	1:109:A:GLY:H	2	1.34
(4,49)	1:106:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:H	2	1.34
(4,49)	1:106:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:H	2	1.34
(4,49)	1:106:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:H	2	1.34
(4,18)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD22	2	1.34
(4,18)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD22	2	1.34
(4,18)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD22	2	1.34
(2,590)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	18	1.34
(1,402)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	8	1.34
(1,210)	1:219:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	3	1.34
(5,670)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	2	1.33
(5,600)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	10	1.33
(5,576)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	9	1.33
(5,512)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	11	1.33
(5,483)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	7	1.33
(5,202)	1:53:A:LYS:H	1:225:A:ASN:ND2	6	1.33
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:HG2	11	1.33
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:HG3	11	1.33
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:HG2	11	1.33
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:HG3	11	1.33
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:HG2	11	1.33
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:HG3	11	1.33
(4,4170)	1:169:A:THR:HG21	1:171:A:VAL:H	19	1.33
(4,4170)	1:169:A:THR:HG22	1:171:A:VAL:H	19	1.33
(4,4170)	1:169:A:THR:HG23	1:171:A:VAL:H	19	1.33
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG12	15	1.33
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG13	15	1.33
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	16	1.33
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	16	1.33
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	16	1.33
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	16	1.33
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	16	1.33
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	16	1.33
(4,3997)	1:80:A:ILE:HD11	1:103:A:GLN:HE22	11	1.33
(4,3997)	1:80:A:ILE:HD12	1:103:A:GLN:HE22	11	1.33
(4,3997)	1:80:A:ILE:HD13	1:103:A:GLN:HE22	11	1.33
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	1	1.33
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	18	1.33
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	18	1.33
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	18	1.33
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	18	1.33
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	18	1.33
(4,3762)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:H	3	1.33
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	16	1.33
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	16	1.33
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	16	1.33
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	16	1.33
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	16	1.33
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	16	1.33
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	16	1.33
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	16	1.33
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	16	1.33
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	16	1.33
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	16	1.33
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	16	1.33
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE1	17	1.33
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE2	17	1.33
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG21	17	1.33
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG22	17	1.33
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG23	17	1.33
(4,3551)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:H	2	1.33
(4,3461)	1:11:A:ILE:HG13	1:153:A:GLN:H	19	1.33
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD11	8	1.33
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD12	8	1.33
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD13	8	1.33
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD11	8	1.33
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD12	8	1.33
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD13	8	1.33
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG21	1:203:A:GLU:H	13	1.33
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG22	1:203:A:GLU:H	13	1.33
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG23	1:203:A:GLU:H	13	1.33
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD21	14	1.33
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD22	14	1.33
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD23	14	1.33
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE1	16	1.33
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE2	16	1.33
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE1	16	1.33
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE2	16	1.33
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE1	16	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE2	16	1.33
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG2	1:217:A:ASN:HB2	13	1.33
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG2	1:217:A:ASN:HB3	13	1.33
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG3	1:217:A:ASN:HB2	13	1.33
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG3	1:217:A:ASN:HB3	13	1.33
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB2	20	1.33
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB3	20	1.33
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB2	20	1.33
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB3	20	1.33
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB2	20	1.33
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB3	20	1.33
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG2	9	1.33
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG3	9	1.33
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:H	10	1.33
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:H	10	1.33
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD21	15	1.33
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD22	15	1.33
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD11	8	1.33
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD12	8	1.33
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD13	8	1.33
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	19	1.33
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	19	1.33
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	19	1.33
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	19	1.33
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	19	1.33
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	19	1.33
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	11	1.33
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	11	1.33
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	11	1.33
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	11	1.33
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	11	1.33
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	11	1.33
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	11	1.33
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	11	1.33
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	11	1.33
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	11	1.33
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	11	1.33
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	11	1.33
(4,2643)	1:136:A:GLN:HE21	1:137:A:PHE:HA	19	1.33
(4,2643)	1:136:A:GLN:HE22	1:137:A:PHE:HA	19	1.33
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:CD2	17	1.33
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:CD2	17	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:CD2	17	1.33
(4,2489)	1:152:A:GLY:H	1:154:A:SER:H	18	1.33
(4,2445)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HE1	12	1.33
(4,2445)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HE2	12	1.33
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB2	1:7:A:ALA:H	20	1.33
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB3	1:7:A:ALA:H	20	1.33
(4,2346)	1:74:A:THR:HB	1:76:A:SER:H	12	1.33
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG21	20	1.33
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG22	20	1.33
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG23	20	1.33
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB2	16	1.33
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB3	16	1.33
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG11	10	1.33
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG12	10	1.33
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG13	10	1.33
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	11	1.33
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	11	1.33
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE21	9	1.33
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE22	9	1.33
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:H	11	1.33
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:H	11	1.33
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:H	11	1.33
(4,1850)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	13	1.33
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG2	16	1.33
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	16	1.33
(4,1771)	1:72:A:GLN:HB3	1:74:A:THR:H	8	1.33
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	6	1.33
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	6	1.33
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	6	1.33
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	6	1.33
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	6	1.33
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	6	1.33
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	6	1.33
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	6	1.33
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	6	1.33
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD11	6	1.33
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD12	6	1.33
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD13	6	1.33
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD1	19	1.33
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD2	19	1.33
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD21	17	1.33
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD22	17	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD23	17	1.33
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD11	16	1.33
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD12	16	1.33
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD13	16	1.33
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD21	16	1.33
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD22	16	1.33
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD23	16	1.33
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HA	5	1.33
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HA	5	1.33
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HA	5	1.33
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD11	13	1.33
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD12	13	1.33
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD13	13	1.33
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD11	13	1.33
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD12	13	1.33
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD13	13	1.33
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG11	1:20:A:ASN:HD21	15	1.33
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG12	1:20:A:ASN:HD21	15	1.33
(4,1211)	1:17:A:VAL:HG13	1:20:A:ASN:HD21	15	1.33
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB1	16	1.33
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB2	16	1.33
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB3	16	1.33
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB1	16	1.33
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB2	16	1.33
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB3	16	1.33
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB1	16	1.33
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB2	16	1.33
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB3	16	1.33
(4,1045)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HB2	12	1.33
(4,1045)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HB3	12	1.33
(4,999)	1:81:A:TRP:HZ3	1:129:A:PHE:H	15	1.33
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD11	17	1.33
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD12	17	1.33
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD13	17	1.33
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD21	17	1.33
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD22	17	1.33
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD23	17	1.33
(4,910)	1:78:A:ASP:H	1:174:A:ASN:HD22	3	1.33
(4,762)	1:195:A:ASP:HB2	1:204:A:GLN:H	13	1.33
(4,762)	1:195:A:ASP:HB3	1:204:A:GLN:H	13	1.33
(4,756)	1:80:A:ILE:HG21	1:127:A:ASN:HD21	5	1.33
(4,756)	1:80:A:ILE:HG22	1:127:A:ASN:HD21	5	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,756)	1:80:A:ILE:HG23	1:127:A:ASN:HD21	5	1.33
(4,755)	1:16:A:GLU:H	1:34:A:PHE:HA	15	1.33
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG11	14	1.33
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG12	14	1.33
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG13	14	1.33
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG11	14	1.33
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG12	14	1.33
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG13	14	1.33
(4,497)	1:29:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD21	13	1.33
(4,496)	1:79:A:VAL:HG21	1:189:A:LEU:H	7	1.33
(4,496)	1:79:A:VAL:HG22	1:189:A:LEU:H	7	1.33
(4,496)	1:79:A:VAL:HG23	1:189:A:LEU:H	7	1.33
(4,411)	1:106:A:LEU:HG	1:113:A:ASP:H	18	1.33
(4,399)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG21	5	1.33
(4,399)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG22	5	1.33
(4,399)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG23	5	1.33
(4,327)	1:120:A:SER:HA	1:122:A:THR:HB	18	1.33
(4,158)	1:100:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	13	1.33
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD21	9	1.33
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD22	9	1.33
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD21	9	1.33
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD22	9	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG11	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG12	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG13	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG21	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG22	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG23	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG11	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG12	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG13	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG21	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG22	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG23	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG11	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG12	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG13	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG21	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG22	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG23	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG11	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG12	15	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG13	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG21	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG22	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG23	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG11	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG12	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG13	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG21	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG22	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG23	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG11	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG12	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG13	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG21	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG22	15	1.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG23	15	1.33
(1,310)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	18	1.33
(1,197)	1:85:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	16	1.33
(1,153)	1:212:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	10	1.33
(1,128)	1:215:A:MET:H	1:225:A:ASN:ND2	13	1.33
(5,715)	1:5:A:ASN:ND2	1:20:A:ASN:H	2	1.32
(5,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	3	1.32
(5,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	6	1.32
(5,341)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	3	1.32
(4,4170)	1:169:A:THR:HG21	1:171:A:VAL:H	15	1.32
(4,4170)	1:169:A:THR:HG22	1:171:A:VAL:H	15	1.32
(4,4170)	1:169:A:THR:HG23	1:171:A:VAL:H	15	1.32
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE1	12	1.32
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE2	12	1.32
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB2	11	1.32
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB3	11	1.32
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD2	1:214:A:TYR:HA	5	1.32
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD3	1:214:A:TYR:HA	5	1.32
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG21	8	1.32
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG22	8	1.32
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG23	8	1.32
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD1	14	1.32
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD2	14	1.32
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB1	15	1.32
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB2	15	1.32
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB3	15	1.32
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB1	15	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB2	15	1.32
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB3	15	1.32
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB1	15	1.32
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB2	15	1.32
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB3	15	1.32
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD11	11	1.32
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD12	11	1.32
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD13	11	1.32
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD21	11	1.32
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD22	11	1.32
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD23	11	1.32
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD11	1:117:A:LYS:HG2	18	1.32
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD11	1:117:A:LYS:HG3	18	1.32
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD12	1:117:A:LYS:HG2	18	1.32
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD12	1:117:A:LYS:HG3	18	1.32
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD13	1:117:A:LYS:HG2	18	1.32
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD13	1:117:A:LYS:HG3	18	1.32
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD21	1:117:A:LYS:HG2	18	1.32
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD21	1:117:A:LYS:HG3	18	1.32
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD22	1:117:A:LYS:HG2	18	1.32
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD22	1:117:A:LYS:HG3	18	1.32
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD23	1:117:A:LYS:HG2	18	1.32
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD23	1:117:A:LYS:HG3	18	1.32
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG11	6	1.32
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG12	6	1.32
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG13	6	1.32
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG11	6	1.32
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG12	6	1.32
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG13	6	1.32
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	10	1.32
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	10	1.32
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	10	1.32
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	10	1.32
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	10	1.32
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	10	1.32
(4,3587)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:H	4	1.32
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD11	10	1.32
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD12	10	1.32
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD13	10	1.32
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD21	10	1.32
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD22	10	1.32
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD23	10	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:HG2	18	1.32
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:HG3	18	1.32
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:HG2	18	1.32
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:HG3	18	1.32
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:HG2	18	1.32
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:HG3	18	1.32
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:HG2	18	1.32
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:HG3	18	1.32
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:HG2	18	1.32
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:HG3	18	1.32
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:HG2	18	1.32
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:HG3	18	1.32
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD11	1:126:A:LYS:H	1	1.32
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD12	1:126:A:LYS:H	1	1.32
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD13	1:126:A:LYS:H	1	1.32
(4,3052)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD21	8	1.32
(4,3052)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD22	8	1.32
(4,3052)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD23	8	1.32
(4,2951)	1:106:A:LEU:HG	1:110:A:SER:HB2	18	1.32
(4,2951)	1:106:A:LEU:HG	1:110:A:SER:HB3	18	1.32
(4,2905)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:HD22	7	1.32
(4,2905)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:HD22	7	1.32
(4,2876)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:H	10	1.32
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB1	17	1.32
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB2	17	1.32
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB3	17	1.32
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB1	17	1.32
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB2	17	1.32
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB3	17	1.32
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB1	17	1.32
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB2	17	1.32
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB3	17	1.32
(4,2809)	1:55:A:ILE:HB	1:201:A:LEU:HB2	4	1.32
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD11	20	1.32
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD12	20	1.32
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD13	20	1.32
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD21	20	1.32
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD22	20	1.32
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD23	20	1.32
(4,2622)	1:5:A:ASN:HD21	1:7:A:ALA:H	1	1.32
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD11	11	1.32
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD12	11	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD13	11	1.32
(4,2573)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD11	9	1.32
(4,2573)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD12	9	1.32
(4,2573)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD13	9	1.32
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:CD2	14	1.32
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:CD2	14	1.32
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:CD2	14	1.32
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD11	10	1.32
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD12	10	1.32
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD13	10	1.32
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD11	10	1.32
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD12	10	1.32
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD13	10	1.32
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:H	7	1.32
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:H	7	1.32
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:H	7	1.32
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE21	11	1.32
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE22	11	1.32
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD21	1:226:A:PHE:H	18	1.32
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD22	1:226:A:PHE:H	18	1.32
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HE1	18	1.32
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HE2	18	1.32
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HE1	18	1.32
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HE2	18	1.32
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HE1	18	1.32
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HE2	18	1.32
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD21	1:167:A:TYR:HE1	18	1.32
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD21	1:167:A:TYR:HE2	18	1.32
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD22	1:167:A:TYR:HE1	18	1.32
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD22	1:167:A:TYR:HE2	18	1.32
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD23	1:167:A:TYR:HE1	18	1.32
(4,2291)	1:165:A:LEU:HD23	1:167:A:TYR:HE2	18	1.32
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HB2	3	1.32
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HB2	3	1.32
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:H	4	1.32
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:H	4	1.32
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:H	4	1.32
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG21	14	1.32
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG22	14	1.32
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG23	14	1.32
(4,1992)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HB3	20	1.32
(4,1894)	1:177:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HE21	15	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1894)	1:177:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HE22	15	1.32
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:H	4	1.32
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:H	4	1.32
(4,1769)	1:5:A:ASN:HD22	1:6:A:ARG:H	15	1.32
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG11	12	1.32
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG12	12	1.32
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG13	12	1.32
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG21	12	1.32
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG22	12	1.32
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG23	12	1.32
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG11	12	1.32
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG12	12	1.32
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG13	12	1.32
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG21	12	1.32
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG22	12	1.32
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG23	12	1.32
(4,1573)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB3	13	1.32
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	17	1.32
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	17	1.32
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	17	1.32
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	17	1.32
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	17	1.32
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	17	1.32
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG11	6	1.32
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG12	6	1.32
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG13	6	1.32
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG21	6	1.32
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG22	6	1.32
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG23	6	1.32
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HA	9	1.32
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HA	9	1.32
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HA	9	1.32
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD21	13	1.32
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD22	13	1.32
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD23	13	1.32
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD21	14	1.32
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD22	14	1.32
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD23	14	1.32
(4,1224)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:H	10	1.32
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD21	7	1.32
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD22	7	1.32
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD23	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1104)	1:195:A:ASP:H	1:207:A:VAL:H	14	1.32
(4,1059)	1:31:A:TRP:HB3	1:232:A:GLY:H	5	1.32
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG21	1:93:A:TYR:HD1	1	1.32
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG21	1:93:A:TYR:HD2	1	1.32
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG22	1:93:A:TYR:HD1	1	1.32
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG22	1:93:A:TYR:HD2	1	1.32
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG23	1:93:A:TYR:HD1	1	1.32
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG23	1:93:A:TYR:HD2	1	1.32
(4,987)	1:19:A:THR:HG1	1:21:A:PHE:H	17	1.32
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD2	2	1.32
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD3	2	1.32
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD21	15	1.32
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD22	15	1.32
(4,780)	1:73:A:ILE:HG12	1:76:A:SER:H	16	1.32
(4,780)	1:73:A:ILE:HG13	1:76:A:SER:H	16	1.32
(4,762)	1:195:A:ASP:HB2	1:204:A:GLN:H	6	1.32
(4,762)	1:195:A:ASP:HB3	1:204:A:GLN:H	6	1.32
(4,745)	1:95:A:ILE:HD11	1:97:A:HIS:H	1	1.32
(4,745)	1:95:A:ILE:HD12	1:97:A:HIS:H	1	1.32
(4,745)	1:95:A:ILE:HD13	1:97:A:HIS:H	1	1.32
(4,679)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:H	15	1.32
(4,679)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:H	15	1.32
(4,679)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:H	15	1.32
(4,679)	1:57:A:LEU:HD21	1:214:A:TYR:H	15	1.32
(4,679)	1:57:A:LEU:HD22	1:214:A:TYR:H	15	1.32
(4,679)	1:57:A:LEU:HD23	1:214:A:TYR:H	15	1.32
(4,675)	1:3:A:GLY:H	1:5:A:ASN:H	8	1.32
(4,600)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB2	12	1.32
(4,600)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB2	12	1.32
(4,600)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB2	12	1.32
(4,592)	1:81:A:TRP:HE1	1:181:A:ASP:H	2	1.32
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG21	12	1.32
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG22	12	1.32
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG23	12	1.32
(4,447)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	12	1.32
(4,431)	1:88:A:ASN:HD21	1:159:A:ALA:HB1	12	1.32
(4,431)	1:88:A:ASN:HD21	1:159:A:ALA:HB2	12	1.32
(4,431)	1:88:A:ASN:HD21	1:159:A:ALA:HB3	12	1.32
(4,431)	1:88:A:ASN:HD22	1:159:A:ALA:HB1	12	1.32
(4,431)	1:88:A:ASN:HD22	1:159:A:ALA:HB2	12	1.32
(4,431)	1:88:A:ASN:HD22	1:159:A:ALA:HB3	12	1.32
(4,404)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG13	8	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG21	4	1.32
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG22	4	1.32
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG23	4	1.32
(4,203)	1:110:A:SER:HG	1:114:A:ASN:H	10	1.32
(4,126)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:HD11	4	1.32
(4,126)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:HD12	4	1.32
(4,126)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:HD13	4	1.32
(4,126)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:HD11	4	1.32
(4,126)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:HD12	4	1.32
(4,126)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:HD13	4	1.32
(4,126)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:HD11	4	1.32
(4,126)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:HD12	4	1.32
(4,126)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:HD13	4	1.32
(4,120)	1:118:A:SER:HB2	1:119:A:GLN:HE21	8	1.32
(4,120)	1:118:A:SER:HB3	1:119:A:GLN:HE21	8	1.32
(4,68)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HB	6	1.32
(4,68)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HB	6	1.32
(4,68)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HB	6	1.32
(2,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	19	1.32
(1,508)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	13	1.32
(1,146)	1:189:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	5	1.32
(1,128)	1:215:A:MET:H	1:225:A:ASN:ND2	17	1.32
(5,634)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	20	1.31
(5,259)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	19	1.31
(5,90)	1:140:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	8	1.31
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD21	2	1.31
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD22	2	1.31
(4,4152)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HA	12	1.31
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD11	7	1.31
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD12	7	1.31
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD13	7	1.31
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD21	7	1.31
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD22	7	1.31
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD23	7	1.31
(4,4013)	1:11:A:ILE:HG12	1:14:A:ASN:H	2	1.31
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG21	5	1.31
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG22	5	1.31
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG23	5	1.31
(4,3753)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:H	1	1.31
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD21	7	1.31
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD22	7	1.31
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:H	17	1.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:H	17	1.31
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:H	17	1.31
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:H	17	1.31
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:H	17	1.31
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:H	17	1.31
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD11	4	1.31
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD12	4	1.31
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD13	4	1.31
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD21	4	1.31
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD22	4	1.31
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD23	4	1.31
(4,3400)	1:234:A:ASN:HD22	1:236:A:GLU:H	7	1.31
(4,3341)	1:146:A:VAL:H	1:150:A:SER:H	20	1.31
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	3	1.31
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	3	1.31
(4,3187)	1:148:A:THR:HG21	1:150:A:SER:H	20	1.31
(4,3187)	1:148:A:THR:HG22	1:150:A:SER:H	20	1.31
(4,3187)	1:148:A:THR:HG23	1:150:A:SER:H	20	1.31
(4,3163)	1:31:A:TRP:HE3	1:234:A:ASN:H	10	1.31
(4,3138)	1:5:A:ASN:H	1:8:A:VAL:H	6	1.31
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:H	14	1.31
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:H	14	1.31
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:H	14	1.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD11	14	1.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD12	14	1.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD13	14	1.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD21	14	1.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD22	14	1.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD23	14	1.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD11	14	1.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD12	14	1.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD13	14	1.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD21	14	1.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD22	14	1.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD23	14	1.31
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	7	1.31
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	7	1.31
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	7	1.31
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	7	1.31
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	7	1.31
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	7	1.31
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	6	1.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	6	1.31
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	6	1.31
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	13	1.31
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	13	1.31
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	13	1.31
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	20	1.31
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	20	1.31
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	20	1.31
(4,2814)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE21	12	1.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	9	1.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	9	1.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	9	1.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	9	1.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	9	1.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	9	1.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	9	1.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	9	1.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	9	1.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	9	1.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	9	1.31
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	9	1.31
(4,2704)	1:146:A:VAL:HB	1:148:A:THR:H	10	1.31
(4,2482)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:SER:HG	18	1.31
(4,2405)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HA	3	1.31
(4,2405)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HA	3	1.31
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD11	19	1.31
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD12	19	1.31
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD13	19	1.31
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD11	19	1.31
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD12	19	1.31
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD13	19	1.31
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD11	19	1.31
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD12	19	1.31
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD13	19	1.31
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD21	20	1.31
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD22	20	1.31
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD23	20	1.31
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD11	1:164:A:ASN:HD21	5	1.31
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD12	1:164:A:ASN:HD21	5	1.31
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD13	1:164:A:ASN:HD21	5	1.31
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD1	1:222:A:ASP:HB2	9	1.31
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD1	1:222:A:ASP:HB3	9	1.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD2	1:222:A:ASP:HB2	9	1.31
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD2	1:222:A:ASP:HB3	9	1.31
(4,2152)	1:63:A:GLU:H	1:65:A:ARG:H	17	1.31
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD11	16	1.31
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD12	16	1.31
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD13	16	1.31
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD21	16	1.31
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD22	16	1.31
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD23	16	1.31
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD11	16	1.31
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD12	16	1.31
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD13	16	1.31
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD21	16	1.31
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD22	16	1.31
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD23	16	1.31
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG12	1:166:A:HIS:H	16	1.31
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG13	1:166:A:HIS:H	16	1.31
(4,1833)	1:145:A:ASN:H	1:147:A:GLN:HG2	3	1.31
(4,1833)	1:145:A:ASN:H	1:147:A:GLN:HG3	3	1.31
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG11	18	1.31
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG12	18	1.31
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG13	18	1.31
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG21	18	1.31
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG22	18	1.31
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG23	18	1.31
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG11	18	1.31
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG12	18	1.31
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG13	18	1.31
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG21	18	1.31
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG22	18	1.31
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG23	18	1.31
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HZ3	6	1.31
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HZ3	6	1.31
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HZ3	6	1.31
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HZ3	6	1.31
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HZ3	6	1.31
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HZ3	6	1.31
(4,1534)	1:38:A:SER:HB2	1:44:A:LEU:HA	4	1.31
(4,1534)	1:38:A:SER:HB3	1:44:A:LEU:HA	4	1.31
(4,1437)	1:58:A:LEU:HG	1:228:A:MET:HA	3	1.31
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD21	2	1.31
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD22	2	1.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD23	2	1.31
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD21	2	1.31
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD22	2	1.31
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD23	2	1.31
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG2	2	1.31
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG3	2	1.31
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG11	14	1.31
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG12	14	1.31
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG13	14	1.31
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG21	1:58:A:LEU:H	20	1.31
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG22	1:58:A:LEU:H	20	1.31
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG23	1:58:A:LEU:H	20	1.31
(4,1341)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:HD21	4	1.31
(4,1341)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:HD22	4	1.31
(4,1341)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:HD23	4	1.31
(4,1224)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:H	8	1.31
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD21	5	1.31
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD22	5	1.31
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD23	5	1.31
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG21	12	1.31
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG22	12	1.31
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG23	12	1.31
(4,1162)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HG	14	1.31
(4,1134)	1:151:A:THR:H	1:152:A:GLY:H	2	1.31
(4,1104)	1:195:A:ASP:H	1:207:A:VAL:H	7	1.31
(4,1038)	1:174:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HE1	20	1.31
(4,1038)	1:174:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HE2	20	1.31
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG21	1:145:A:ASN:HD22	20	1.31
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG22	1:145:A:ASN:HD22	20	1.31
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG23	1:145:A:ASN:HD22	20	1.31
(4,887)	1:100:A:SER:HB2	1:127:A:ASN:HA	6	1.31
(4,887)	1:100:A:SER:HB3	1:127:A:ASN:HA	6	1.31
(4,853)	1:76:A:SER:HA	1:79:A:VAL:H	2	1.31
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD11	2	1.31
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD12	2	1.31
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD13	2	1.31
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD21	2	1.31
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD22	2	1.31
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD23	2	1.31
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD11	2	1.31
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD12	2	1.31
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD13	2	1.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD21	2	1.31
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD22	2	1.31
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD23	2	1.31
(4,780)	1:73:A:ILE:HG12	1:76:A:SER:H	3	1.31
(4,780)	1:73:A:ILE:HG13	1:76:A:SER:H	3	1.31
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD11	20	1.31
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD12	20	1.31
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD13	20	1.31
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD21	20	1.31
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD22	20	1.31
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD23	20	1.31
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD11	20	1.31
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD12	20	1.31
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD13	20	1.31
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD21	20	1.31
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD22	20	1.31
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD23	20	1.31
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD11	20	1.31
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD12	20	1.31
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD13	20	1.31
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD21	20	1.31
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD22	20	1.31
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD23	20	1.31
(4,751)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:H	2	1.31
(4,751)	1:2:A:SER:HB3	1:4:A:GLU:H	2	1.31
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG11	2	1.31
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG12	2	1.31
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG13	2	1.31
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG21	2	1.31
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG22	2	1.31
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG23	2	1.31
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD11	7	1.31
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD12	7	1.31
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD13	7	1.31
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD21	7	1.31
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD22	7	1.31
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD23	7	1.31
(4,645)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD21	6	1.31
(4,645)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD22	6	1.31
(4,645)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD23	6	1.31
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB2	19	1.31
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB3	19	1.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB2	19	1.31
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB3	19	1.31
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB2	19	1.31
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB3	19	1.31
(4,498)	1:73:A:ILE:HB	1:188:A:PRO:HG2	19	1.31
(4,498)	1:73:A:ILE:HB	1:188:A:PRO:HG3	19	1.31
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	14	1.31
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	14	1.31
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	14	1.31
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE1	1	1.31
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE2	1	1.31
(4,61)	1:29:A:ASN:H	1:30:A:GLU:HG2	13	1.31
(4,49)	1:106:A:LEU:HD11	1:109:A:GLY:H	10	1.31
(4,49)	1:106:A:LEU:HD12	1:109:A:GLY:H	10	1.31
(4,49)	1:106:A:LEU:HD13	1:109:A:GLY:H	10	1.31
(4,49)	1:106:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:H	10	1.31
(4,49)	1:106:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:H	10	1.31
(4,49)	1:106:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:H	10	1.31
(2,335)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	7	1.31
(2,88)	1:104:A:SER:OG	1:106:A:LEU:H	18	1.31
(1,216)	1:171:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	14	1.31
(1,205)	1:62:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	15	1.31
(1,112)	1:211:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	2	1.31
(5,671)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	19	1.3
(5,579)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	18	1.3
(5,571)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	18	1.3
(5,59)	1:104:A:SER:OG	1:214:A:TYR:H	11	1.3
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG21	16	1.3
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG22	16	1.3
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG23	16	1.3
(4,4274)	1:171:A:VAL:H	1:179:A:GLU:H	1	1.3
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	12	1.3
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	12	1.3
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	12	1.3
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD11	1:111:A:ASP:H	18	1.3
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD12	1:111:A:ASP:H	18	1.3
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD13	1:111:A:ASP:H	18	1.3
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB2	19	1.3
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB3	19	1.3
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD11	1:96:A:LEU:H	12	1.3
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD12	1:96:A:LEU:H	12	1.3
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD13	1:96:A:LEU:H	12	1.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	12	1.3
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	12	1.3
(4,3680)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	17	1.3
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD21	19	1.3
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD22	19	1.3
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD23	19	1.3
(4,3507)	1:153:A:GLN:HE22	1:155:A:GLU:H	14	1.3
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD11	17	1.3
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD12	17	1.3
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD13	17	1.3
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD21	17	1.3
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD22	17	1.3
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD23	17	1.3
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	7	1.3
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	7	1.3
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	7	1.3
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG12	5	1.3
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG13	5	1.3
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG2	4	1.3
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG3	4	1.3
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG21	1:101:A:ASN:HD21	2	1.3
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG21	1:101:A:ASN:HD22	2	1.3
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG22	1:101:A:ASN:HD21	2	1.3
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG22	1:101:A:ASN:HD22	2	1.3
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG23	1:101:A:ASN:HD21	2	1.3
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG23	1:101:A:ASN:HD22	2	1.3
(4,2809)	1:55:A:ILE:HB	1:201:A:LEU:HB2	14	1.3
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD11	12	1.3
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD12	12	1.3
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD13	12	1.3
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD11	1:144:A:GLU:H	7	1.3
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD12	1:144:A:GLU:H	7	1.3
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD13	1:144:A:GLU:H	7	1.3
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD11	1:39:A:LEU:HB2	15	1.3
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD11	1:39:A:LEU:HB3	15	1.3
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD12	1:39:A:LEU:HB2	15	1.3
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD12	1:39:A:LEU:HB3	15	1.3
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD13	1:39:A:LEU:HB2	15	1.3
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD13	1:39:A:LEU:HB3	15	1.3
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	16	1.3
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	16	1.3
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	16	1.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD1	1:95:A:ILE:H	3	1.3
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD2	1:95:A:ILE:H	3	1.3
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:H	9	1.3
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:H	9	1.3
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:H	9	1.3
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HE1	15	1.3
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HE2	15	1.3
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HE1	15	1.3
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HE2	15	1.3
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HE1	15	1.3
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HE2	15	1.3
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD11	14	1.3
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD12	14	1.3
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD13	14	1.3
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HD1	10	1.3
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG3	1:235:A:TRP:HD1	10	1.3
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD11	19	1.3
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD12	19	1.3
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD13	19	1.3
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD11	19	1.3
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD12	19	1.3
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD13	19	1.3
(4,2097)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:H	4	1.3
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HB2	11	1.3
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HB3	11	1.3
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HB2	11	1.3
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HB3	11	1.3
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HB2	11	1.3
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HB3	11	1.3
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG21	1:98:A:SER:H	7	1.3
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG22	1:98:A:SER:H	7	1.3
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG23	1:98:A:SER:H	7	1.3
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG21	6	1.3
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG22	6	1.3
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG23	6	1.3
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG21	6	1.3
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG22	6	1.3
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG23	6	1.3
(4,1973)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	19	1.3
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD11	1:152:A:GLY:H	3	1.3
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD12	1:152:A:GLY:H	3	1.3
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD13	1:152:A:GLY:H	3	1.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1944)	1:11:A:ILE:H	1:13:A:SER:H	20	1.3
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	6	1.3
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	6	1.3
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	6	1.3
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	6	1.3
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	6	1.3
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	6	1.3
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD11	1:100:A:SER:H	8	1.3
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD12	1:100:A:SER:H	8	1.3
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD13	1:100:A:SER:H	8	1.3
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	8	1.3
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	8	1.3
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	8	1.3
(4,1727)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG11	11	1.3
(4,1727)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG12	11	1.3
(4,1727)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG13	11	1.3
(4,1727)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG11	11	1.3
(4,1727)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG12	11	1.3
(4,1727)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG13	11	1.3
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB2	19	1.3
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB3	19	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD11	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD12	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD13	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD21	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD22	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD23	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD11	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD12	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD13	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD21	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD22	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD23	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD11	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD12	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD13	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD21	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD22	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD23	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD11	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD12	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD13	7	1.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD21	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD22	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD23	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD11	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD12	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD13	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD21	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD22	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD23	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD11	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD12	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD13	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD21	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD22	7	1.3
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD23	7	1.3
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD21	6	1.3
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD22	6	1.3
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD23	6	1.3
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD21	6	1.3
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD22	6	1.3
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD23	6	1.3
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG21	8	1.3
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG22	8	1.3
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG23	8	1.3
(4,1534)	1:38:A:SER:HB2	1:44:A:LEU:HA	10	1.3
(4,1534)	1:38:A:SER:HB3	1:44:A:LEU:HA	10	1.3
(4,1455)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:H	7	1.3
(4,1455)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:H	15	1.3
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD1	10	1.3
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD2	10	1.3
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG11	4	1.3
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG12	4	1.3
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG13	4	1.3
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:H	3	1.3
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:H	3	1.3
(4,1224)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:H	7	1.3
(4,1220)	1:149:A:PHE:HB3	1:151:A:THR:H	11	1.3
(4,1220)	1:149:A:PHE:HB3	1:151:A:THR:H	14	1.3
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG21	2	1.3
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG22	2	1.3
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG23	2	1.3
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:H	8	1.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:H	8	1.3
(4,1134)	1:151:A:THR:H	1:152:A:GLY:H	1	1.3
(4,1104)	1:195:A:ASP:H	1:207:A:VAL:H	6	1.3
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD11	16	1.3
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD12	16	1.3
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD13	16	1.3
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD21	16	1.3
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD22	16	1.3
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD23	16	1.3
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD11	16	1.3
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD12	16	1.3
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD13	16	1.3
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD21	16	1.3
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD22	16	1.3
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD23	16	1.3
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD11	16	1.3
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD12	16	1.3
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD13	16	1.3
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD21	16	1.3
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD22	16	1.3
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD23	16	1.3
(4,1010)	1:177:A:ILE:HG12	1:194:A:SER:H	18	1.3
(4,1010)	1:177:A:ILE:HG13	1:194:A:SER:H	18	1.3
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD11	18	1.3
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD12	18	1.3
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD13	18	1.3
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD11	18	1.3
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD12	18	1.3
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD13	18	1.3
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG11	17	1.3
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG12	17	1.3
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG13	17	1.3
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG11	17	1.3
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG12	17	1.3
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG13	17	1.3
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG11	17	1.3
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG12	17	1.3
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG13	17	1.3
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG11	12	1.3
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG12	12	1.3
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG13	12	1.3
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG21	12	1.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG22	12	1.3
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG23	12	1.3
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG11	12	1.3
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG12	12	1.3
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG13	12	1.3
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG21	12	1.3
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG22	12	1.3
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG23	12	1.3
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG11	12	1.3
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG12	12	1.3
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG13	12	1.3
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG21	12	1.3
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG22	12	1.3
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG23	12	1.3
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD11	4	1.3
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD12	4	1.3
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD13	4	1.3
(4,855)	1:190:A:TYR:HE1	1:193:A:LYS:H	7	1.3
(4,855)	1:190:A:TYR:HE2	1:193:A:LYS:H	7	1.3
(4,853)	1:76:A:SER:HA	1:79:A:VAL:H	17	1.3
(4,652)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HB2	20	1.3
(4,652)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HB3	20	1.3
(4,652)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HB2	20	1.3
(4,652)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HB3	20	1.3
(4,645)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD21	4	1.3
(4,645)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD22	4	1.3
(4,645)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD23	4	1.3
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD21	11	1.3
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD22	11	1.3
(4,498)	1:73:A:ILE:HB	1:188:A:PRO:HG2	15	1.3
(4,498)	1:73:A:ILE:HB	1:188:A:PRO:HG3	15	1.3
(4,370)	1:216:A:GLU:HG2	1:217:A:ASN:HD21	7	1.3
(4,370)	1:216:A:GLU:HG2	1:217:A:ASN:HD22	7	1.3
(4,370)	1:216:A:GLU:HG3	1:217:A:ASN:HD21	7	1.3
(4,370)	1:216:A:GLU:HG3	1:217:A:ASN:HD22	7	1.3
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB2	16	1.3
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB3	16	1.3
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB2	16	1.3
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB3	16	1.3
(4,174)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	13	1.3
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD21	4	1.3
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD22	4	1.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD23	4	1.3
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG21	1	1.3
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG22	1	1.3
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG23	1	1.3
(2,29)	1:102:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	17	1.3
(1,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	15	1.3
(1,528)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	5	1.3
(1,512)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	15	1.3
(1,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	10	1.3
(1,422)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	16	1.3
(1,159)	1:191:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	10	1.3
(5,813)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	2	1.29
(5,741)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	19	1.29
(5,498)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	1	1.29
(5,451)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	18	1.29
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD1	1	1.29
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD2	1	1.29
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD1	1	1.29
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD2	1	1.29
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD1	1	1.29
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD2	1	1.29
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:H	9	1.29
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:H	9	1.29
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:H	9	1.29
(4,4274)	1:171:A:VAL:H	1:179:A:GLU:H	11	1.29
(4,4203)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD22	14	1.29
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD21	5	1.29
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD22	5	1.29
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB1	16	1.29
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB2	16	1.29
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB3	16	1.29
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	12	1.29
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	12	1.29
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	12	1.29
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	12	1.29
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	12	1.29
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	12	1.29
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	12	1.29
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	12	1.29
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	12	1.29
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	12	1.29
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	12	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	12	1.29
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:HE1	15	1.29
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:HE2	15	1.29
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:HE1	15	1.29
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:HE2	15	1.29
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:HE1	15	1.29
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:HE2	15	1.29
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HE1	15	1.29
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HE2	15	1.29
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HE1	15	1.29
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HE2	15	1.29
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HE1	15	1.29
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HE2	15	1.29
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE21	12	1.29
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE22	12	1.29
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	20	1.29
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	20	1.29
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	20	1.29
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	20	1.29
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	20	1.29
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	20	1.29
(4,4018)	1:164:A:ASN:H	1:165:A:LEU:HB3	1	1.29
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD1	4	1.29
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD2	4	1.29
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD1	15	1.29
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD2	15	1.29
(4,3753)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:H	10	1.29
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD21	18	1.29
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD22	18	1.29
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	15	1.29
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	15	1.29
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD11	12	1.29
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD12	12	1.29
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD13	12	1.29
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	13	1.29
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	13	1.29
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	13	1.29
(4,3466)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HE21	20	1.29
(4,3466)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HE22	20	1.29
(4,3398)	1:35:A:ASP:HB2	1:37:A:TYR:HE1	18	1.29
(4,3398)	1:35:A:ASP:HB2	1:37:A:TYR:HE2	18	1.29
(4,3391)	1:11:A:ILE:HA	1:151:A:THR:HA	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3349)	1:27:A:LEU:HD21	1:32:A:ALA:H	6	1.29
(4,3349)	1:27:A:LEU:HD22	1:32:A:ALA:H	6	1.29
(4,3349)	1:27:A:LEU:HD23	1:32:A:ALA:H	6	1.29
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HE1	14	1.29
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HE1	14	1.29
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HE1	14	1.29
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:HB2	12	1.29
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:HB3	12	1.29
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:HB2	12	1.29
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:HB3	12	1.29
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:HB2	12	1.29
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:HB3	12	1.29
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:HB2	12	1.29
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:HB3	12	1.29
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:HB2	12	1.29
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:HB3	12	1.29
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:HB2	12	1.29
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:HB3	12	1.29
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG2	5	1.29
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG3	5	1.29
(4,3064)	1:48:A:LEU:CD2	1:52:A:VAL:HG21	16	1.29
(4,3064)	1:48:A:LEU:CD2	1:52:A:VAL:HG22	16	1.29
(4,3064)	1:48:A:LEU:CD2	1:52:A:VAL:HG23	16	1.29
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD11	9	1.29
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD12	9	1.29
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD13	9	1.29
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	5	1.29
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	5	1.29
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	5	1.29
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	5	1.29
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	5	1.29
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	5	1.29
(4,2978)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:HA	10	1.29
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD21	1:144:A:GLU:H	12	1.29
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD22	1:144:A:GLU:H	12	1.29
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD23	1:144:A:GLU:H	12	1.29
(4,2905)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:HD22	1	1.29
(4,2905)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:HD22	1	1.29
(4,2905)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:HD22	15	1.29
(4,2905)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:HD22	15	1.29
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD11	4	1.29
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD12	4	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD13	4	1.29
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD11	4	1.29
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD12	4	1.29
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD13	4	1.29
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD11	4	1.29
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD12	4	1.29
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD13	4	1.29
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	1	1.29
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	1	1.29
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	1	1.29
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	1	1.29
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	1	1.29
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	1	1.29
(4,2704)	1:146:A:VAL:HB	1:148:A:THR:H	13	1.29
(4,2631)	1:68:A:SER:HA	1:70:A:SER:H	16	1.29
(4,2625)	1:99:A:LEU:H	1:100:A:SER:HG	19	1.29
(4,2604)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:H	15	1.29
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:H	19	1.29
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:H	19	1.29
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:H	19	1.29
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD11	19	1.29
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD12	19	1.29
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD13	19	1.29
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD21	19	1.29
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD22	19	1.29
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD23	19	1.29
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD11	1:120:A:SER:H	18	1.29
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD12	1:120:A:SER:H	18	1.29
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD13	1:120:A:SER:H	18	1.29
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:H	6	1.29
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:H	6	1.29
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE1	1:78:A:ASP:H	10	1.29
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE2	1:78:A:ASP:H	10	1.29
(4,2343)	1:73:A:ILE:H	1:186:A:SER:H	10	1.29
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD21	10	1.29
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD22	10	1.29
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD23	10	1.29
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD21	2	1.29
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD22	2	1.29
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD23	2	1.29
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD21	2	1.29
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD22	2	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD23	2	1.29
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD21	1:147:A:GLN:H	3	1.29
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD22	1:147:A:GLN:H	3	1.29
(4,2097)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:H	8	1.29
(4,2097)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:H	9	1.29
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	7	1.29
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	7	1.29
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	7	1.29
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HA	10	1.29
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HA	10	1.29
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HA	10	1.29
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HA	10	1.29
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HA	10	1.29
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HA	10	1.29
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB1	6	1.29
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB2	6	1.29
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB3	6	1.29
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB1	6	1.29
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB2	6	1.29
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB3	6	1.29
(4,2007)	1:68:A:SER:H	1:70:A:SER:H	3	1.29
(4,2007)	1:68:A:SER:H	1:70:A:SER:H	20	1.29
(4,1975)	1:44:A:LEU:HA	1:48:A:LEU:H	20	1.29
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG11	12	1.29
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG12	12	1.29
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG13	12	1.29
(4,1944)	1:11:A:ILE:H	1:13:A:SER:H	5	1.29
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG11	2	1.29
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG12	2	1.29
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG13	2	1.29
(4,1850)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	10	1.29
(4,1820)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA3	17	1.29
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG21	1:215:A:MET:H	3	1.29
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG22	1:215:A:MET:H	3	1.29
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG23	1:215:A:MET:H	3	1.29
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:H	7	1.29
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:H	7	1.29
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:H	7	1.29
(4,1645)	1:109:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	11	1.29
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB1	2	1.29
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB2	2	1.29
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB3	2	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB1	16	1.29
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB2	16	1.29
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB3	16	1.29
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG11	18	1.29
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG12	18	1.29
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG13	18	1.29
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:HB2	12	1.29
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:HB3	12	1.29
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:HB2	12	1.29
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:HB3	12	1.29
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB2	11	1.29
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB3	11	1.29
(4,1224)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:H	3	1.29
(4,1007)	1:81:A:TRP:HZ2	1:82:A:PHE:H	19	1.29
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD11	14	1.29
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD12	14	1.29
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD13	14	1.29
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD21	14	1.29
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD22	14	1.29
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD23	14	1.29
(4,661)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:HE22	14	1.29
(4,661)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:HE22	14	1.29
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD21	17	1.29
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD22	17	1.29
(4,497)	1:29:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD21	7	1.29
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD21	6	1.29
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD22	6	1.29
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD21	18	1.29
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD22	18	1.29
(4,433)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:H	18	1.29
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG21	4	1.29
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG22	4	1.29
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG23	4	1.29
(4,185)	1:177:A:ILE:HG21	1:192:A:GLY:HA3	2	1.29
(4,185)	1:177:A:ILE:HG22	1:192:A:GLY:HA3	2	1.29
(4,185)	1:177:A:ILE:HG23	1:192:A:GLY:HA3	2	1.29
(4,169)	1:145:A:ASN:H	1:150:A:SER:H	11	1.29
(4,96)	1:115:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HG3	4	1.29
(4,96)	1:115:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HG3	4	1.29
(4,67)	1:21:A:PHE:HD1	1:91:A:GLY:HA2	8	1.29
(4,67)	1:21:A:PHE:HD1	1:91:A:GLY:HA3	8	1.29
(4,67)	1:21:A:PHE:HD2	1:91:A:GLY:HA2	8	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,67)	1:21:A:PHE:HD2	1:91:A:GLY:HA3	8	1.29
(4,37)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:CD2	17	1.29
(4,37)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:CD2	17	1.29
(4,37)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:CD2	17	1.29
(1,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	9	1.29
(1,600)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	5	1.29
(1,481)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	15	1.29
(1,451)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	1	1.29
(1,155)	1:217:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	17	1.29
(1,146)	1:189:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	8	1.29
(5,821)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	2	1.28
(5,684)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	5	1.28
(5,485)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	6	1.28
(5,384)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	11	1.28
(5,354)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	17	1.28
(5,290)	1:39:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	9	1.28
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG21	1	1.28
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG22	1	1.28
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG23	1	1.28
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG21	1	1.28
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG22	1	1.28
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG23	1	1.28
(4,4262)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HB	5	1.28
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	11	1.28
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	11	1.28
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD11	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD12	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD13	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD21	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD22	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD23	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD11	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD12	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD13	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD21	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD22	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD23	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD11	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD12	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD13	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD21	11	1.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD22	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD23	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD11	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD12	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD13	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD21	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD22	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD23	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD11	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD12	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD13	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD21	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD22	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD23	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD11	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD12	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD13	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD21	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD22	11	1.28
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD23	11	1.28
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD11	12	1.28
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD12	12	1.28
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD13	12	1.28
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	20	1.28
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	20	1.28
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	20	1.28
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	20	1.28
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	20	1.28
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	20	1.28
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	20	1.28
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	20	1.28
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	20	1.28
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	20	1.28
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	20	1.28
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	20	1.28
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:H	11	1.28
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:H	11	1.28
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:H	18	1.28
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:H	18	1.28
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG21	9	1.28
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG22	9	1.28
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG23	9	1.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3713)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HA	16	1.28
(4,3713)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HA	16	1.28
(4,3693)	1:52:A:VAL:HB	1:202:A:ILE:H	18	1.28
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	10	1.28
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	10	1.28
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	10	1.28
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	10	1.28
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	10	1.28
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	10	1.28
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	10	1.28
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	10	1.28
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	10	1.28
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	10	1.28
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	10	1.28
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	10	1.28
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	8	1.28
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	8	1.28
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	8	1.28
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	8	1.28
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	8	1.28
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	8	1.28
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HB2	5	1.28
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HB3	5	1.28
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HB2	5	1.28
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HB3	5	1.28
(4,3202)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA2	1	1.28
(4,3202)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA2	1	1.28
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD21	10	1.28
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD22	10	1.28
(4,3122)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD23	10	1.28
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD21	5	1.28
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD22	5	1.28
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD11	18	1.28
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD12	18	1.28
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD13	18	1.28
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD21	18	1.28
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD22	18	1.28
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD23	18	1.28
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD11	1:107:A:GLU:H	14	1.28
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD12	1:107:A:GLU:H	14	1.28
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD13	1:107:A:GLU:H	14	1.28
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD21	1:107:A:GLU:H	14	1.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD22	1:107:A:GLU:H	14	1.28
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD23	1:107:A:GLU:H	14	1.28
(4,2795)	1:119:A:GLN:HE21	1:127:A:ASN:H	13	1.28
(4,2704)	1:146:A:VAL:HB	1:148:A:THR:H	5	1.28
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD11	6	1.28
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD12	6	1.28
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD13	6	1.28
(4,2612)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HA	12	1.28
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD11	4	1.28
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD12	4	1.28
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD13	4	1.28
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD21	4	1.28
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD22	4	1.28
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD23	4	1.28
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG21	1:164:A:ASN:HD21	17	1.28
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG22	1:164:A:ASN:HD21	17	1.28
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG23	1:164:A:ASN:HD21	17	1.28
(4,2544)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HB2	2	1.28
(4,2544)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HB3	2	1.28
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD11	5	1.28
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD12	5	1.28
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD13	5	1.28
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD11	5	1.28
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD12	5	1.28
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD13	5	1.28
(4,2406)	1:81:A:TRP:HZ2	1:182:A:GLY:HA2	12	1.28
(4,2406)	1:81:A:TRP:HZ2	1:182:A:GLY:HA3	12	1.28
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG21	1	1.28
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG22	1	1.28
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG23	1	1.28
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB2	10	1.28
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB3	10	1.28
(4,2267)	1:29:A:ASN:H	1:30:A:GLU:HG3	2	1.28
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:HB2	13	1.28
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:HB3	13	1.28
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:HB2	13	1.28
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:HB3	13	1.28
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:HB2	13	1.28
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:HB3	13	1.28
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG11	6	1.28
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG12	6	1.28
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG13	6	1.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2183)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HD1	2	1.28
(4,2183)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HD2	2	1.28
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD11	8	1.28
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD12	8	1.28
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD13	8	1.28
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD21	8	1.28
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD22	8	1.28
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD23	8	1.28
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG21	1:128:A:ARG:H	15	1.28
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG22	1:128:A:ARG:H	15	1.28
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG23	1:128:A:ARG:H	15	1.28
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD11	9	1.28
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD12	9	1.28
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD13	9	1.28
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD21	9	1.28
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD22	9	1.28
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD23	9	1.28
(4,2005)	1:147:A:GLN:HE22	1:148:A:THR:H	13	1.28
(4,1914)	1:19:A:THR:HG21	1:32:A:ALA:H	20	1.28
(4,1914)	1:19:A:THR:HG22	1:32:A:ALA:H	20	1.28
(4,1914)	1:19:A:THR:HG23	1:32:A:ALA:H	20	1.28
(4,1833)	1:145:A:ASN:H	1:147:A:GLN:HG2	19	1.28
(4,1833)	1:145:A:ASN:H	1:147:A:GLN:HG3	19	1.28
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	18	1.28
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	18	1.28
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	18	1.28
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB1	17	1.28
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB2	17	1.28
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB3	17	1.28
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD1	12	1.28
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD2	12	1.28
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD21	1:151:A:THR:H	16	1.28
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD22	1:151:A:THR:H	16	1.28
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:H	6	1.28
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:H	6	1.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD11	16	1.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD12	16	1.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD13	16	1.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD21	16	1.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD22	16	1.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD23	16	1.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD11	16	1.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD12	16	1.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD13	16	1.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD21	16	1.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD22	16	1.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD23	16	1.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD11	16	1.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD12	16	1.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD13	16	1.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD21	16	1.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD22	16	1.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD23	16	1.28
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:H	4	1.28
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:H	4	1.28
(4,1134)	1:151:A:THR:H	1:152:A:GLY:H	15	1.28
(4,1104)	1:195:A:ASP:H	1:207:A:VAL:H	13	1.28
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG12	15	1.28
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG13	15	1.28
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG12	15	1.28
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG13	15	1.28
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG12	15	1.28
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG13	15	1.28
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG12	15	1.28
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG13	15	1.28
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG12	15	1.28
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG13	15	1.28
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG12	15	1.28
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG13	15	1.28
(4,1029)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	11	1.28
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB1	3	1.28
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB2	3	1.28
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB3	3	1.28
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB1	3	1.28
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB2	3	1.28
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB3	3	1.28
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB1	3	1.28
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB2	3	1.28
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB3	3	1.28
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB1	15	1.28
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB2	15	1.28
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB3	15	1.28
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB1	15	1.28
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB2	15	1.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB3	15	1.28
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB1	15	1.28
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB2	15	1.28
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB3	15	1.28
(4,946)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:H	1	1.28
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG11	18	1.28
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG12	18	1.28
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG13	18	1.28
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG21	18	1.28
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG22	18	1.28
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG23	18	1.28
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG11	18	1.28
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG12	18	1.28
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG13	18	1.28
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG21	18	1.28
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG22	18	1.28
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG23	18	1.28
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG11	18	1.28
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG12	18	1.28
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG13	18	1.28
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG21	18	1.28
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG22	18	1.28
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG23	18	1.28
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD21	17	1.28
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD22	17	1.28
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD11	12	1.28
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD12	12	1.28
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD13	12	1.28
(4,706)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HA	5	1.28
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	4	1.28
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	4	1.28
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	4	1.28
(4,649)	1:88:A:ASN:HB2	1:146:A:VAL:H	17	1.28
(4,649)	1:88:A:ASN:HB3	1:146:A:VAL:H	17	1.28
(4,646)	1:90:A:CYS:H	1:93:A:TYR:HD1	19	1.28
(4,646)	1:90:A:CYS:H	1:93:A:TYR:HD2	19	1.28
(4,629)	1:57:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:H	12	1.28
(4,629)	1:57:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:H	12	1.28
(4,629)	1:57:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:H	12	1.28
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD11	12	1.28
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD12	12	1.28
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD13	12	1.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD21	12	1.28
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD22	12	1.28
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD23	12	1.28
(4,589)	1:83:A:LYS:HA	1:183:A:ARG:H	16	1.28
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD11	9	1.28
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD12	9	1.28
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD13	9	1.28
(4,92)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HZ	19	1.28
(4,92)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HZ	19	1.28
(4,92)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HZ	19	1.28
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE1	10	1.28
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE2	10	1.28
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE1	10	1.28
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE2	10	1.28
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE1	10	1.28
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE2	10	1.28
(4,42)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE22	11	1.28
(4,42)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE22	11	1.28
(4,42)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE22	11	1.28
(4,42)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE22	11	1.28
(4,42)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE22	11	1.28
(4,42)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE22	11	1.28
(4,13)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:H	14	1.28
(2,120)	1:100:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	13	1.28
(2,29)	1:102:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	12	1.28
(1,410)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	6	1.28
(1,97)	1:218:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	2	1.28
(5,728)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	1	1.27
(5,645)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	15	1.27
(5,363)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	9	1.27
(5,131)	1:140:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	19	1.27
(4,4311)	1:177:A:ILE:H	1:195:A:ASP:H	14	1.27
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:H	14	1.27
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:H	14	1.27
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:H	14	1.27
(4,4226)	1:97:A:HIS:H	1:100:A:SER:HG	2	1.27
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG2	7	1.27
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG3	7	1.27
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG2	7	1.27
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG3	7	1.27
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG2	7	1.27
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG3	7	1.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD11	12	1.27
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD12	12	1.27
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD13	12	1.27
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD21	12	1.27
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD22	12	1.27
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD23	12	1.27
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG21	4	1.27
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG22	4	1.27
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG23	4	1.27
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	11	1.27
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	11	1.27
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	11	1.27
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	11	1.27
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	11	1.27
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	11	1.27
(4,3979)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:HA	1	1.27
(4,3919)	1:82:A:PHE:HZ	1:100:A:SER:H	12	1.27
(4,3659)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:H	6	1.27
(4,3611)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:H	7	1.27
(4,3611)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:H	7	1.27
(4,3611)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:H	7	1.27
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB2	15	1.27
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB3	15	1.27
(4,3570)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD21	2	1.27
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD11	8	1.27
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD12	8	1.27
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD13	8	1.27
(4,3373)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:H	18	1.27
(4,3370)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE21	5	1.27
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HE1	15	1.27
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HE1	15	1.27
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HE1	15	1.27
(4,3300)	1:163:A:THR:HG21	1:166:A:HIS:HA	8	1.27
(4,3300)	1:163:A:THR:HG22	1:166:A:HIS:HA	8	1.27
(4,3300)	1:163:A:THR:HG23	1:166:A:HIS:HA	8	1.27
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	20	1.27
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	20	1.27
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	20	1.27
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	20	1.27
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	20	1.27
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	20	1.27
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB1	8	1.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB2	8	1.27
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB3	8	1.27
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD1	1	1.27
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD2	1	1.27
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD11	1:119:A:GLN:HE21	13	1.27
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD12	1:119:A:GLN:HE21	13	1.27
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD13	1:119:A:GLN:HE21	13	1.27
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:HE21	13	1.27
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:HE21	13	1.27
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:HE21	13	1.27
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD1	20	1.27
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD2	20	1.27
(4,2998)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HA	5	1.27
(4,2876)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:H	12	1.27
(4,2858)	1:79:A:VAL:HB	1:127:A:ASN:HD21	19	1.27
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB1	3	1.27
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB2	3	1.27
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB3	3	1.27
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB1	3	1.27
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB2	3	1.27
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB3	3	1.27
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB1	3	1.27
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB2	3	1.27
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB3	3	1.27
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:HB2	17	1.27
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:HB2	17	1.27
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:HB2	17	1.27
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG11	17	1.27
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG12	17	1.27
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG13	17	1.27
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG21	17	1.27
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG22	17	1.27
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG23	17	1.27
(4,2631)	1:68:A:SER:HA	1:70:A:SER:H	1	1.27
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	15	1.27
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	15	1.27
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE2	1:214:A:TYR:HA	3	1.27
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE3	1:214:A:TYR:HA	3	1.27
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD1	11	1.27
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD2	11	1.27
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD1	11	1.27
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD2	11	1.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD1	11	1.27
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD2	11	1.27
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD1	16	1.27
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD2	16	1.27
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG2	11	1.27
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG3	11	1.27
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG2	11	1.27
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG3	11	1.27
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG2	16	1.27
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG3	16	1.27
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG2	16	1.27
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG3	16	1.27
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG21	5	1.27
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG22	5	1.27
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG23	5	1.27
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD21	10	1.27
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD22	10	1.27
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD23	10	1.27
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD21	1:104:A:SER:H	6	1.27
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD22	1:104:A:SER:H	6	1.27
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD11	8	1.27
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD12	8	1.27
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD13	8	1.27
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD11	8	1.27
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD12	8	1.27
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD13	8	1.27
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	11	1.27
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	11	1.27
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	11	1.27
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA2	1:6:A:ARG:HA	13	1.27
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA3	1:6:A:ARG:HA	13	1.27
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG21	1:54:A:ALA:HA	5	1.27
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG22	1:54:A:ALA:HA	5	1.27
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG23	1:54:A:ALA:HA	5	1.27
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG21	1:54:A:ALA:HA	12	1.27
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG22	1:54:A:ALA:HA	12	1.27
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG23	1:54:A:ALA:HA	12	1.27
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD21	1:147:A:GLN:H	11	1.27
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD22	1:147:A:GLN:H	11	1.27
(4,2074)	1:45:A:LEU:HD21	1:202:A:ILE:H	18	1.27
(4,2074)	1:45:A:LEU:HD22	1:202:A:ILE:H	18	1.27
(4,2074)	1:45:A:LEU:HD23	1:202:A:ILE:H	18	1.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD11	18	1.27
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD12	18	1.27
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD13	18	1.27
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD21	18	1.27
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD22	18	1.27
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD23	18	1.27
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD11	18	1.27
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD12	18	1.27
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD13	18	1.27
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD21	18	1.27
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD22	18	1.27
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD23	18	1.27
(4,2020)	1:104:A:SER:HB2	1:105:A:LEU:HG	4	1.27
(4,2020)	1:104:A:SER:HB3	1:105:A:LEU:HG	4	1.27
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD11	6	1.27
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD12	6	1.27
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD13	6	1.27
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD21	6	1.27
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD22	6	1.27
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD23	6	1.27
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:CD1	7	1.27
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:CD1	7	1.27
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:CD1	7	1.27
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:CD1	7	1.27
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:CD1	7	1.27
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:CD1	7	1.27
(4,1850)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	3	1.27
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG2	15	1.27
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	15	1.27
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG11	2	1.27
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG12	2	1.27
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG13	2	1.27
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG21	2	1.27
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG22	2	1.27
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG23	2	1.27
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG11	2	1.27
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG12	2	1.27
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG13	2	1.27
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG21	2	1.27
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG22	2	1.27
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG23	2	1.27
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD11	14	1.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD12	14	1.27
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD13	14	1.27
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD21	14	1.27
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD22	14	1.27
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD23	14	1.27
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG11	1:202:A:ILE:HB	11	1.27
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG12	1:202:A:ILE:HB	11	1.27
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG13	1:202:A:ILE:HB	11	1.27
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB2	3	1.27
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB3	3	1.27
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG21	1:58:A:LEU:H	5	1.27
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG22	1:58:A:LEU:H	5	1.27
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG23	1:58:A:LEU:H	5	1.27
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:H	6	1.27
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:H	6	1.27
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:H	6	1.27
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:H	17	1.27
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:H	17	1.27
(4,1224)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:H	5	1.27
(4,1224)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:H	16	1.27
(4,1134)	1:151:A:THR:H	1:152:A:GLY:H	4	1.27
(4,1104)	1:195:A:ASP:H	1:207:A:VAL:H	1	1.27
(4,1104)	1:195:A:ASP:H	1:207:A:VAL:H	2	1.27
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD2	1:146:A:VAL:HB	13	1.27
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD3	1:146:A:VAL:HB	13	1.27
(4,1002)	1:118:A:SER:H	1:119:A:GLN:HE22	9	1.27
(4,961)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HG2	2	1.27
(4,961)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HG3	2	1.27
(4,961)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HG2	2	1.27
(4,961)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HG3	2	1.27
(4,961)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HG2	2	1.27
(4,961)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HG3	2	1.27
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD11	9	1.27
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD12	9	1.27
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD13	9	1.27
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD21	9	1.27
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD22	9	1.27
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD23	9	1.27
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD11	6	1.27
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD12	6	1.27
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD13	6	1.27
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD11	16	1.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD12	16	1.27
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD13	16	1.27
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG21	6	1.27
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG22	6	1.27
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG23	6	1.27
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	20	1.27
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	20	1.27
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	20	1.27
(4,649)	1:88:A:ASN:HB2	1:146:A:VAL:H	13	1.27
(4,649)	1:88:A:ASN:HB3	1:146:A:VAL:H	13	1.27
(4,638)	1:73:A:ILE:HG21	1:186:A:SER:H	14	1.27
(4,638)	1:73:A:ILE:HG22	1:186:A:SER:H	14	1.27
(4,638)	1:73:A:ILE:HG23	1:186:A:SER:H	14	1.27
(4,626)	1:120:A:SER:HA	1:126:A:LYS:HA	7	1.27
(4,623)	1:235:A:TRP:HE3	1:236:A:GLU:H	14	1.27
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD11	20	1.27
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD12	20	1.27
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD13	20	1.27
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD21	20	1.27
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD22	20	1.27
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD23	20	1.27
(4,440)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:LEU:HB3	2	1.27
(4,433)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:H	20	1.27
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB1	16	1.27
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB2	16	1.27
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB3	16	1.27
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB1	16	1.27
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB2	16	1.27
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB3	16	1.27
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB1	16	1.27
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB2	16	1.27
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB3	16	1.27
(4,365)	1:177:A:ILE:HD11	1:191:A:LEU:CD2	9	1.27
(4,365)	1:177:A:ILE:HD12	1:191:A:LEU:CD2	9	1.27
(4,365)	1:177:A:ILE:HD13	1:191:A:LEU:CD2	9	1.27
(4,295)	1:138:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:CD1	7	1.27
(4,295)	1:138:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:CD1	7	1.27
(4,295)	1:138:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:CD1	7	1.27
(4,295)	1:138:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:CD1	7	1.27
(4,295)	1:138:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:CD1	7	1.27
(4,295)	1:138:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:CD1	7	1.27
(4,165)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	4	1.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,165)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	4	1.27
(4,165)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	4	1.27
(1,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	15	1.27
(1,188)	1:161:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	10	1.27
(5,804)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	16	1.26
(5,710)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	8	1.26
(5,699)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	11	1.26
(5,687)	1:5:A:ASN:ND2	1:154:A:SER:H	13	1.26
(5,585)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	3	1.26
(5,530)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	1	1.26
(5,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	4	1.26
(5,412)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	14	1.26
(5,276)	1:150:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	20	1.26
(5,275)	1:40:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	16	1.26
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD2	14	1.26
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD3	14	1.26
(4,4244)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG11	19	1.26
(4,4244)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG12	19	1.26
(4,4244)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG13	19	1.26
(4,4202)	1:56:A:VAL:HB	1:230:A:GLY:H	3	1.26
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG2	15	1.26
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG3	15	1.26
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG2	15	1.26
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG3	15	1.26
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG2	15	1.26
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG3	15	1.26
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD11	9	1.26
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD12	9	1.26
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD13	9	1.26
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD21	9	1.26
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD22	9	1.26
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD23	9	1.26
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD21	13	1.26
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD22	13	1.26
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD23	13	1.26
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:H	4	1.26
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:H	4	1.26
(4,3829)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HD1	13	1.26
(4,3829)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HD2	13	1.26
(4,3733)	1:177:A:ILE:HD11	1:206:A:LEU:HB2	3	1.26
(4,3733)	1:177:A:ILE:HD12	1:206:A:LEU:HB2	3	1.26
(4,3733)	1:177:A:ILE:HD13	1:206:A:LEU:HB2	3	1.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD21	10	1.26
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD22	10	1.26
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG11	20	1.26
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG12	20	1.26
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG13	20	1.26
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG11	20	1.26
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG12	20	1.26
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG13	20	1.26
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HE1	3	1.26
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HE2	3	1.26
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HE1	3	1.26
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HE2	3	1.26
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HE1	3	1.26
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HE2	3	1.26
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD11	19	1.26
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD12	19	1.26
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD13	19	1.26
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD21	7	1.26
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD21	7	1.26
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD21	7	1.26
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD21	7	1.26
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD21	7	1.26
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD21	7	1.26
(4,3560)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HA	1	1.26
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG21	16	1.26
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG22	16	1.26
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG23	16	1.26
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	2	1.26
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	2	1.26
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	2	1.26
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	2	1.26
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	2	1.26
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	2	1.26
(4,3509)	1:55:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HB2	1	1.26
(4,3509)	1:55:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HB3	1	1.26
(4,3509)	1:55:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HB2	1	1.26
(4,3509)	1:55:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HB3	1	1.26
(4,3509)	1:55:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HB2	1	1.26
(4,3509)	1:55:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HB3	1	1.26
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG11	1:173:A:GLU:H	8	1.26
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG12	1:173:A:GLU:H	8	1.26
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG13	1:173:A:GLU:H	8	1.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3341)	1:146:A:VAL:H	1:150:A:SER:H	11	1.26
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	12	1.26
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	12	1.26
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	12	1.26
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	12	1.26
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	12	1.26
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	12	1.26
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG21	1:64:A:ASP:H	6	1.26
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG22	1:64:A:ASP:H	6	1.26
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG23	1:64:A:ASP:H	6	1.26
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB1	10	1.26
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB2	10	1.26
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB3	10	1.26
(4,2978)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:HA	18	1.26
(4,2839)	1:31:A:TRP:HZ3	1:53:A:LYS:H	10	1.26
(4,2838)	1:73:A:ILE:H	1:75:A:SER:H	18	1.26
(4,2809)	1:55:A:ILE:HB	1:201:A:LEU:HB2	15	1.26
(4,2643)	1:136:A:GLN:HE21	1:137:A:PHE:HA	7	1.26
(4,2643)	1:136:A:GLN:HE22	1:137:A:PHE:HA	7	1.26
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG11	12	1.26
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG12	12	1.26
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG13	12	1.26
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG11	12	1.26
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG12	12	1.26
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG13	12	1.26
(4,2575)	1:19:A:THR:HG21	1:235:A:TRP:H	18	1.26
(4,2575)	1:19:A:THR:HG22	1:235:A:TRP:H	18	1.26
(4,2575)	1:19:A:THR:HG23	1:235:A:TRP:H	18	1.26
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:H	1	1.26
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:H	1	1.26
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG21	7	1.26
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG22	7	1.26
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG23	7	1.26
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD11	2	1.26
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD12	2	1.26
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD13	2	1.26
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD11	7	1.26
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD12	7	1.26
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD13	7	1.26
(4,2097)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:H	14	1.26
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG21	10	1.26
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG22	10	1.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG23	10	1.26
(4,1928)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HD11	14	1.26
(4,1928)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HD12	14	1.26
(4,1928)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HD13	14	1.26
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD1	1	1.26
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD2	1	1.26
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD1	1	1.26
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD2	1	1.26
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD1	1	1.26
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD2	1	1.26
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD1	2	1.26
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD2	2	1.26
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD1	2	1.26
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD2	2	1.26
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD1	2	1.26
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD2	2	1.26
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	13	1.26
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	13	1.26
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	13	1.26
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD2	19	1.26
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD3	19	1.26
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD2	19	1.26
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD3	19	1.26
(4,1800)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD21	19	1.26
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:CG1	12	1.26
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:CG1	12	1.26
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:CG1	12	1.26
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:H	1	1.26
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:H	1	1.26
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:H	1	1.26
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD1	4	1.26
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD2	4	1.26
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD1	8	1.26
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD2	8	1.26
(4,1483)	1:28:A:LYS:HB2	1:31:A:TRP:HE1	17	1.26
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB1	6	1.26
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB2	6	1.26
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB3	6	1.26
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD21	11	1.26
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD22	11	1.26
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD23	11	1.26
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD11	15	1.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD12	15	1.26
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD13	15	1.26
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD21	15	1.26
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD22	15	1.26
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD23	15	1.26
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	14	1.26
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	14	1.26
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	14	1.26
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB2	9	1.26
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB2	9	1.26
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB2	9	1.26
(4,1224)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:H	11	1.26
(4,1224)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:H	12	1.26
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD21	12	1.26
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD22	12	1.26
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD23	12	1.26
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG11	1:12:A:GLU:H	12	1.26
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG12	1:12:A:GLU:H	12	1.26
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG13	1:12:A:GLU:H	12	1.26
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:GLU:H	12	1.26
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:GLU:H	12	1.26
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:GLU:H	12	1.26
(4,1050)	1:15:A:PRO:HB2	1:34:A:PHE:H	2	1.26
(4,1050)	1:15:A:PRO:HB3	1:34:A:PHE:H	2	1.26
(4,1041)	1:23:A:HIS:HD2	1:31:A:TRP:H	1	1.26
(4,969)	1:56:A:VAL:HG21	1:169:A:THR:H	7	1.26
(4,969)	1:56:A:VAL:HG22	1:169:A:THR:H	7	1.26
(4,969)	1:56:A:VAL:HG23	1:169:A:THR:H	7	1.26
(4,829)	1:73:A:ILE:HD11	1:187:A:GLY:H	20	1.26
(4,829)	1:73:A:ILE:HD12	1:187:A:GLY:H	20	1.26
(4,829)	1:73:A:ILE:HD13	1:187:A:GLY:H	20	1.26
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD21	3	1.26
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD22	3	1.26
(4,817)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HA	6	1.26
(4,817)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HA	6	1.26
(4,730)	1:119:A:GLN:H	1:119:A:GLN:HE22	17	1.26
(4,714)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:HD1	6	1.26
(4,714)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:HD2	6	1.26
(4,714)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:HD1	6	1.26
(4,714)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:HD2	6	1.26
(4,714)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:HD1	6	1.26
(4,714)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:HD2	6	1.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,589)	1:83:A:LYS:HA	1:183:A:ARG:H	1	1.26
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD11	14	1.26
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD12	14	1.26
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD13	14	1.26
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD21	14	1.26
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD22	14	1.26
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD23	14	1.26
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB2	2	1.26
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB3	2	1.26
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB2	2	1.26
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB3	2	1.26
(4,540)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:H	3	1.26
(4,507)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:ASP:HA	3	1.26
(4,459)	1:45:A:LEU:HD21	1:202:A:ILE:HA	18	1.26
(4,459)	1:45:A:LEU:HD22	1:202:A:ILE:HA	18	1.26
(4,459)	1:45:A:LEU:HD23	1:202:A:ILE:HA	18	1.26
(4,447)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	3	1.26
(4,433)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:H	10	1.26
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD1	16	1.26
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD2	16	1.26
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG21	11	1.26
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG22	11	1.26
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG23	11	1.26
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD1	2	1.26
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD2	2	1.26
(4,112)	1:170:A:TYR:H	1:180:A:LEU:HD11	11	1.26
(4,112)	1:170:A:TYR:H	1:180:A:LEU:HD12	11	1.26
(4,112)	1:170:A:TYR:H	1:180:A:LEU:HD13	11	1.26
(4,112)	1:170:A:TYR:H	1:180:A:LEU:HD21	11	1.26
(4,112)	1:170:A:TYR:H	1:180:A:LEU:HD22	11	1.26
(4,112)	1:170:A:TYR:H	1:180:A:LEU:HD23	11	1.26
(4,93)	1:144:A:GLU:HB2	1:149:A:PHE:HD1	16	1.26
(4,93)	1:144:A:GLU:HB2	1:149:A:PHE:HD2	16	1.26
(4,93)	1:144:A:GLU:HB3	1:149:A:PHE:HD1	16	1.26
(4,93)	1:144:A:GLU:HB3	1:149:A:PHE:HD2	16	1.26
(2,456)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	18	1.26
(2,120)	1:100:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	10	1.26
(1,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	20	1.26
(1,305)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	6	1.26
(1,154)	1:172:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	4	1.26
(1,123)	1:97:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	1	1.26
(5,653)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	17	1.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	14	1.25
(5,555)	1:5:A:ASN:ND2	1:179:A:GLU:H	6	1.25
(5,549)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	20	1.25
(5,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	3	1.25
(5,351)	1:5:A:ASN:ND2	1:123:A:SER:H	11	1.25
(5,202)	1:53:A:LYS:H	1:225:A:ASN:ND2	4	1.25
(5,173)	1:8:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	16	1.25
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD11	15	1.25
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD12	15	1.25
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD13	15	1.25
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD21	15	1.25
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD22	15	1.25
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD23	15	1.25
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD1	1:193:A:LYS:H	8	1.25
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD2	1:193:A:LYS:H	8	1.25
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	3	1.25
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	3	1.25
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	3	1.25
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD11	5	1.25
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD12	5	1.25
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD13	5	1.25
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD21	5	1.25
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD22	5	1.25
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD23	5	1.25
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD11	5	1.25
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD12	5	1.25
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD13	5	1.25
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD21	5	1.25
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD22	5	1.25
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD23	5	1.25
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:H	15	1.25
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:H	15	1.25
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:H	15	1.25
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:H	15	1.25
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:H	15	1.25
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:H	15	1.25
(4,4081)	1:168:A:ILE:H	1:169:A:THR:HG1	19	1.25
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	1	1.25
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	1	1.25
(4,3884)	1:155:A:GLU:H	1:157:A:PRO:HB3	2	1.25
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG21	7	1.25
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG22	7	1.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG23	7	1.25
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG21	7	1.25
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG22	7	1.25
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG23	7	1.25
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD11	20	1.25
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD12	20	1.25
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD13	20	1.25
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD21	20	1.25
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD22	20	1.25
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD23	20	1.25
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD21	6	1.25
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD22	6	1.25
(4,3632)	1:88:A:ASN:HA	1:159:A:ALA:HB1	12	1.25
(4,3632)	1:88:A:ASN:HA	1:159:A:ALA:HB2	12	1.25
(4,3632)	1:88:A:ASN:HA	1:159:A:ALA:HB3	12	1.25
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:CD2	20	1.25
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:CD2	20	1.25
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:CD2	20	1.25
(4,3507)	1:153:A:GLN:HE22	1:155:A:GLU:H	11	1.25
(4,3373)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:H	3	1.25
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB2	1:123:A:SER:H	2	1.25
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB3	1:123:A:SER:H	2	1.25
(4,3280)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB2	15	1.25
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB2	1:236:A:GLU:H	13	1.25
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB3	1:236:A:GLU:H	13	1.25
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD11	1:119:A:GLN:HE21	3	1.25
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD12	1:119:A:GLN:HE21	3	1.25
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD13	1:119:A:GLN:HE21	3	1.25
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:HE21	3	1.25
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:HE21	3	1.25
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:HE21	3	1.25
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	14	1.25
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	14	1.25
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	14	1.25
(4,2910)	1:138:A:VAL:HB	1:141:A:VAL:HB	20	1.25
(4,2828)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:H	14	1.25
(4,2809)	1:55:A:ILE:HB	1:201:A:LEU:HB2	6	1.25
(4,2752)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD21	6	1.25
(4,2752)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD22	6	1.25
(4,2752)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD23	6	1.25
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	1	1.25
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	1	1.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	1	1.25
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	1	1.25
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	1	1.25
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	1	1.25
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	1	1.25
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	1	1.25
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	1	1.25
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	1	1.25
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	1	1.25
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	1	1.25
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:H	4	1.25
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:H	4	1.25
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:H	4	1.25
(4,2625)	1:99:A:LEU:H	1:100:A:SER:HG	17	1.25
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG12	1:206:A:LEU:H	6	1.25
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG13	1:206:A:LEU:H	6	1.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD11	4	1.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD12	4	1.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD13	4	1.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD21	4	1.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD22	4	1.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD23	4	1.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD11	4	1.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD12	4	1.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD13	4	1.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD21	4	1.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD22	4	1.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD23	4	1.25
(4,2431)	1:161:A:ALA:H	1:162:A:ASP:H	19	1.25
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:H	14	1.25
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:H	14	1.25
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:H	14	1.25
(4,2389)	1:208:A:ARG:HD2	1:210:A:ARG:H	6	1.25
(4,2389)	1:208:A:ARG:HD3	1:210:A:ARG:H	6	1.25
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE1	1:78:A:ASP:H	12	1.25
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE2	1:78:A:ASP:H	12	1.25
(4,2327)	1:36:A:ILE:CD1	1:55:A:ILE:HD11	9	1.25
(4,2327)	1:36:A:ILE:CD1	1:55:A:ILE:HD12	9	1.25
(4,2327)	1:36:A:ILE:CD1	1:55:A:ILE:HD13	9	1.25
(4,2324)	1:65:A:ARG:H	1:67:A:SER:H	13	1.25
(4,2301)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:H	1	1.25
(4,2301)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:H	2	1.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2301)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:H	15	1.25
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD21	10	1.25
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD22	10	1.25
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD23	10	1.25
(4,2209)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HD1	5	1.25
(4,2209)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HD2	5	1.25
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD11	14	1.25
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD12	14	1.25
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD13	14	1.25
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD21	14	1.25
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD22	14	1.25
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD23	14	1.25
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD11	14	1.25
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD12	14	1.25
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD13	14	1.25
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD21	14	1.25
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD22	14	1.25
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD23	14	1.25
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:H	13	1.25
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:H	13	1.25
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:H	13	1.25
(4,1850)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	16	1.25
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD2	20	1.25
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD3	20	1.25
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD2	20	1.25
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD3	20	1.25
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG2	7	1.25
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	7	1.25
(4,1771)	1:72:A:GLN:HB3	1:74:A:THR:H	20	1.25
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:H	2	1.25
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:H	2	1.25
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:H	2	1.25
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	16	1.25
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	16	1.25
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	16	1.25
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	12	1.25
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	12	1.25
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	12	1.25
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	12	1.25
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	12	1.25
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	12	1.25
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB1	11	1.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB2	11	1.25
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB3	11	1.25
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB1	11	1.25
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB2	11	1.25
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB3	11	1.25
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB1	11	1.25
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB2	11	1.25
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB3	11	1.25
(4,1641)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:HB2	20	1.25
(4,1641)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:HB3	20	1.25
(4,1560)	1:80:A:ILE:HB	1:101:A:ASN:HD21	7	1.25
(4,1560)	1:80:A:ILE:HB	1:101:A:ASN:HD22	7	1.25
(4,1520)	1:23:A:HIS:HD2	1:29:A:ASN:H	12	1.25
(4,1455)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:H	3	1.25
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:H	5	1.25
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:H	5	1.25
(4,1325)	1:57:A:LEU:HD11	1:59:A:PHE:HB2	15	1.25
(4,1325)	1:57:A:LEU:HD11	1:59:A:PHE:HB3	15	1.25
(4,1325)	1:57:A:LEU:HD12	1:59:A:PHE:HB2	15	1.25
(4,1325)	1:57:A:LEU:HD12	1:59:A:PHE:HB3	15	1.25
(4,1325)	1:57:A:LEU:HD13	1:59:A:PHE:HB2	15	1.25
(4,1325)	1:57:A:LEU:HD13	1:59:A:PHE:HB3	15	1.25
(4,1207)	1:28:A:LYS:HB3	1:31:A:TRP:HE1	2	1.25
(4,1161)	1:19:A:THR:HG1	1:32:A:ALA:HB1	12	1.25
(4,1161)	1:19:A:THR:HG1	1:32:A:ALA:HB2	12	1.25
(4,1161)	1:19:A:THR:HG1	1:32:A:ALA:HB3	12	1.25
(4,1104)	1:195:A:ASP:H	1:207:A:VAL:H	15	1.25
(4,1081)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA2	2	1.25
(4,1052)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:H	15	1.25
(4,1052)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:H	17	1.25
(4,987)	1:19:A:THR:HG1	1:21:A:PHE:H	4	1.25
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD11	3	1.25
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD12	3	1.25
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD13	3	1.25
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD2	12	1.25
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD3	12	1.25
(4,777)	1:74:A:THR:HB	1:76:A:SER:HA	1	1.25
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD11	10	1.25
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD12	10	1.25
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD13	10	1.25
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD21	10	1.25
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD22	10	1.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD23	10	1.25
(4,415)	1:95:A:ILE:HB	1:96:A:LEU:HD11	10	1.25
(4,415)	1:95:A:ILE:HB	1:96:A:LEU:HD12	10	1.25
(4,415)	1:95:A:ILE:HB	1:96:A:LEU:HD13	10	1.25
(4,415)	1:95:A:ILE:HB	1:96:A:LEU:HD21	10	1.25
(4,415)	1:95:A:ILE:HB	1:96:A:LEU:HD22	10	1.25
(4,415)	1:95:A:ILE:HB	1:96:A:LEU:HD23	10	1.25
(4,404)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG13	3	1.25
(4,392)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:H	1	1.25
(4,392)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:H	1	1.25
(4,392)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:H	1	1.25
(4,341)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HB	16	1.25
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE1	14	1.25
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE2	14	1.25
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD21	17	1.25
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD22	17	1.25
(4,102)	1:150:A:SER:H	1:157:A:PRO:HD2	11	1.25
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG21	9	1.25
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG22	9	1.25
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG23	9	1.25
(4,45)	1:151:A:THR:HA	1:154:A:SER:HA	5	1.25
(1,609)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	12	1.25
(1,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	14	1.25
(1,218)	1:181:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	13	1.25
(1,195)	1:16:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	11	1.25
(1,179)	1:57:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	17	1.25
(1,154)	1:172:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	18	1.25
(1,85)	1:206:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	2	1.25
(5,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:65:A:ARG:H	19	1.24
(5,555)	1:5:A:ASN:ND2	1:179:A:GLU:H	5	1.24
(5,538)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	5	1.24
(5,425)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	11	1.24
(5,290)	1:39:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	20	1.24
(5,107)	1:140:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	10	1.24
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD11	6	1.24
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD12	6	1.24
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD13	6	1.24
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD21	6	1.24
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD22	6	1.24
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD23	6	1.24
(4,4214)	1:55:A:ILE:H	1:56:A:VAL:HB	4	1.24
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG2	8	1.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG3	8	1.24
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG2	8	1.24
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG3	8	1.24
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG2	8	1.24
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG3	8	1.24
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG2	14	1.24
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG3	14	1.24
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG2	14	1.24
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG3	14	1.24
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG2	14	1.24
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG3	14	1.24
(4,4126)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG11	2	1.24
(4,4126)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG12	2	1.24
(4,4126)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG13	2	1.24
(4,4018)	1:164:A:ASN:H	1:165:A:LEU:HB3	19	1.24
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD11	19	1.24
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD12	19	1.24
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD13	19	1.24
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD11	19	1.24
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD12	19	1.24
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD13	19	1.24
(4,3884)	1:155:A:GLU:H	1:157:A:PRO:HB3	4	1.24
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD11	1:58:A:LEU:HG	1	1.24
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD12	1:58:A:LEU:HG	1	1.24
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD13	1:58:A:LEU:HG	1	1.24
(4,3551)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:H	11	1.24
(4,3433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:234:A:ASN:H	1	1.24
(4,3400)	1:234:A:ASN:HD22	1:236:A:GLU:H	2	1.24
(4,3400)	1:234:A:ASN:HD22	1:236:A:GLU:H	17	1.24
(4,3237)	1:150:A:SER:H	1:152:A:GLY:H	20	1.24
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG21	1:139:A:LEU:CD1	5	1.24
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG22	1:139:A:LEU:CD1	5	1.24
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG23	1:139:A:LEU:CD1	5	1.24
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG21	16	1.24
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG22	16	1.24
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG23	16	1.24
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG21	16	1.24
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG22	16	1.24
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG23	16	1.24
(4,3051)	1:163:A:THR:HA	1:165:A:LEU:HB3	2	1.24
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HE1	13	1.24
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HE1	13	1.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HE1	13	1.24
(4,2985)	1:171:A:VAL:HB	1:172:A:GLU:HG2	18	1.24
(4,2985)	1:171:A:VAL:HB	1:172:A:GLU:HG3	18	1.24
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	18	1.24
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	18	1.24
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	18	1.24
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD21	1:144:A:GLU:H	11	1.24
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD22	1:144:A:GLU:H	11	1.24
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD23	1:144:A:GLU:H	11	1.24
(4,2838)	1:73:A:ILE:H	1:75:A:SER:H	20	1.24
(4,2814)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE21	10	1.24
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD11	17	1.24
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD12	17	1.24
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD13	17	1.24
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD21	17	1.24
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD22	17	1.24
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD23	17	1.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG21	1	1.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG22	1	1.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB1	1:160:A:THR:HG23	1	1.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG21	1	1.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG22	1	1.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB2	1:160:A:THR:HG23	1	1.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG21	1	1.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG22	1	1.24
(4,2746)	1:7:A:ALA:HB3	1:160:A:THR:HG23	1	1.24
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD11	1:145:A:ASN:H	12	1.24
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD12	1:145:A:ASN:H	12	1.24
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD13	1:145:A:ASN:H	12	1.24
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD11	1:144:A:GLU:H	4	1.24
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD12	1:144:A:GLU:H	4	1.24
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD13	1:144:A:GLU:H	4	1.24
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD1	13	1.24
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD2	13	1.24
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD11	1:201:A:LEU:H	17	1.24
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD12	1:201:A:LEU:H	17	1.24
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD13	1:201:A:LEU:H	17	1.24
(4,2489)	1:152:A:GLY:H	1:154:A:SER:H	9	1.24
(4,2301)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:H	14	1.24
(4,2300)	1:134:A:THR:HG21	1:138:A:VAL:H	16	1.24
(4,2300)	1:134:A:THR:HG22	1:138:A:VAL:H	16	1.24
(4,2300)	1:134:A:THR:HG23	1:138:A:VAL:H	16	1.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HA	16	1.24
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HA	16	1.24
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HA	16	1.24
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG12	7	1.24
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG13	7	1.24
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG12	7	1.24
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG13	7	1.24
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG12	7	1.24
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG13	7	1.24
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG12	7	1.24
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG13	7	1.24
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG12	7	1.24
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG13	7	1.24
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG12	7	1.24
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG13	7	1.24
(4,2097)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:H	3	1.24
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB1	19	1.24
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB2	19	1.24
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB3	19	1.24
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB1	19	1.24
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB2	19	1.24
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB3	19	1.24
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:H	18	1.24
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:H	18	1.24
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:H	18	1.24
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG2	12	1.24
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	12	1.24
(4,1766)	1:86:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	20	1.24
(4,1766)	1:86:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	20	1.24
(4,1766)	1:86:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	20	1.24
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD11	20	1.24
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD12	20	1.24
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD13	20	1.24
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD21	20	1.24
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD22	20	1.24
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD23	20	1.24
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:HA2	9	1.24
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:HA3	9	1.24
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:HA2	9	1.24
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:HA3	9	1.24
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG11	7	1.24
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG12	7	1.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG13	7	1.24
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	14	1.24
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	14	1.24
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD11	3	1.24
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD12	3	1.24
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD13	3	1.24
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD21	3	1.24
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD22	3	1.24
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD23	3	1.24
(4,1242)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:H	20	1.24
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG21	1:168:A:ILE:HB	6	1.24
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG22	1:168:A:ILE:HB	6	1.24
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG23	1:168:A:ILE:HB	6	1.24
(4,1050)	1:15:A:PRO:HB2	1:34:A:PHE:H	13	1.24
(4,1050)	1:15:A:PRO:HB3	1:34:A:PHE:H	13	1.24
(4,969)	1:56:A:VAL:HG21	1:169:A:THR:H	14	1.24
(4,969)	1:56:A:VAL:HG22	1:169:A:THR:H	14	1.24
(4,969)	1:56:A:VAL:HG23	1:169:A:THR:H	14	1.24
(4,947)	1:177:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	3	1.24
(4,947)	1:177:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	3	1.24
(4,947)	1:177:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	3	1.24
(4,946)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:H	6	1.24
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD11	10	1.24
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD12	10	1.24
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD13	10	1.24
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD21	10	1.24
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD22	10	1.24
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD23	10	1.24
(4,834)	1:99:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	18	1.24
(4,834)	1:99:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	18	1.24
(4,834)	1:99:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	18	1.24
(4,834)	1:99:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	18	1.24
(4,834)	1:99:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	18	1.24
(4,834)	1:99:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	18	1.24
(4,568)	1:191:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:HB	8	1.24
(4,568)	1:191:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:HB	8	1.24
(4,568)	1:191:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:HB	8	1.24
(4,568)	1:191:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:HB	8	1.24
(4,568)	1:191:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:HB	8	1.24
(4,568)	1:191:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:HB	8	1.24
(4,548)	1:127:A:ASN:HD21	1:128:A:ARG:H	11	1.24
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD1	8	1.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD2	8	1.24
(4,483)	1:205:A:GLU:HG2	1:209:A:VAL:H	15	1.24
(4,483)	1:205:A:GLU:HG3	1:209:A:VAL:H	15	1.24
(4,368)	1:154:A:SER:HA	1:156:A:ALA:HA	20	1.24
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD11	7	1.24
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD12	7	1.24
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD13	7	1.24
(4,324)	1:153:A:GLN:HE21	1:156:A:ALA:H	8	1.24
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE1	9	1.24
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE2	9	1.24
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD11	12	1.24
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD12	12	1.24
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD13	12	1.24
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD11	1	1.24
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD12	1	1.24
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD13	1	1.24
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG21	14	1.24
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG22	14	1.24
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG23	14	1.24
(4,84)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:H	4	1.24
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG21	20	1.24
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG22	20	1.24
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG23	20	1.24
(1,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	4	1.24
(1,393)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	3	1.24
(1,214)	1:155:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	7	1.24
(5,744)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	19	1.23
(5,721)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	9	1.23
(5,717)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	5	1.23
(5,676)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	7	1.23
(5,556)	1:5:A:ASN:ND2	1:106:A:LEU:H	4	1.23
(5,521)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	7	1.23
(5,34)	1:104:A:SER:OG	1:126:A:LYS:H	11	1.23
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:H	14	1.23
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:H	14	1.23
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:H	14	1.23
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	14	1.23
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	14	1.23
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	14	1.23
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD11	2	1.23
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD12	2	1.23
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD13	2	1.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD21	2	1.23
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD22	2	1.23
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD23	2	1.23
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD11	2	1.23
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD12	2	1.23
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD13	2	1.23
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD21	2	1.23
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD22	2	1.23
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD23	2	1.23
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD11	2	1.23
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD12	2	1.23
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD13	2	1.23
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD21	2	1.23
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD22	2	1.23
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD23	2	1.23
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD21	15	1.23
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD22	15	1.23
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD2	1:214:A:TYR:HA	11	1.23
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD3	1:214:A:TYR:HA	11	1.23
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD21	2	1.23
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD22	2	1.23
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD23	2	1.23
(4,3893)	1:119:A:GLN:HE21	1:125:A:SER:H	2	1.23
(4,3680)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	10	1.23
(4,3659)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:H	18	1.23
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	3	1.23
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	3	1.23
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	3	1.23
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	3	1.23
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	3	1.23
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	3	1.23
(4,3576)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:HD21	20	1.23
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD11	1:206:A:LEU:H	1	1.23
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD12	1:206:A:LEU:H	1	1.23
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD13	1:206:A:LEU:H	1	1.23
(4,3520)	1:57:A:LEU:HB2	1:211:A:VAL:HB	5	1.23
(4,3520)	1:57:A:LEU:HB3	1:211:A:VAL:HB	5	1.23
(4,3520)	1:57:A:LEU:HB2	1:211:A:VAL:HB	10	1.23
(4,3520)	1:57:A:LEU:HB3	1:211:A:VAL:HB	10	1.23
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HB2	20	1.23
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HB3	20	1.23
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HB2	20	1.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HB3	20	1.23
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HB2	20	1.23
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HB3	20	1.23
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG2	1:125:A:SER:H	14	1.23
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG3	1:125:A:SER:H	14	1.23
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD21	3	1.23
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD22	3	1.23
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD21	3	1.23
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD22	3	1.23
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD21	3	1.23
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD22	3	1.23
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD21	3	1.23
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD22	3	1.23
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD21	3	1.23
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD22	3	1.23
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD21	3	1.23
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD22	3	1.23
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG11	1:173:A:GLU:H	3	1.23
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG12	1:173:A:GLU:H	3	1.23
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG13	1:173:A:GLU:H	3	1.23
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD11	7	1.23
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD12	7	1.23
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD13	7	1.23
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD11	7	1.23
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD12	7	1.23
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD13	7	1.23
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD11	1:51:A:PRO:HB3	6	1.23
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD12	1:51:A:PRO:HB3	6	1.23
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD13	1:51:A:PRO:HB3	6	1.23
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD21	1:51:A:PRO:HB3	6	1.23
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD22	1:51:A:PRO:HB3	6	1.23
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD23	1:51:A:PRO:HB3	6	1.23
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB2	1:123:A:SER:H	6	1.23
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB3	1:123:A:SER:H	6	1.23
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB2	1:123:A:SER:H	16	1.23
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB3	1:123:A:SER:H	16	1.23
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD21	1:160:A:THR:H	10	1.23
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD22	1:160:A:THR:H	10	1.23
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD21	1:144:A:GLU:H	7	1.23
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD22	1:144:A:GLU:H	7	1.23
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD23	1:144:A:GLU:H	7	1.23
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD11	13	1.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD12	13	1.23
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD13	13	1.23
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD11	16	1.23
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD12	16	1.23
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD13	16	1.23
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD21	16	1.23
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD22	16	1.23
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD23	16	1.23
(4,2854)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:HG2	16	1.23
(4,2836)	1:98:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	17	1.23
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD21	1:221:A:GLU:HG2	3	1.23
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD21	1:221:A:GLU:HG3	3	1.23
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:HG2	3	1.23
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:HG3	3	1.23
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	3	1.23
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	3	1.23
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	3	1.23
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	3	1.23
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	3	1.23
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	3	1.23
(4,2699)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:H	2	1.23
(4,2699)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:H	2	1.23
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD21	12	1.23
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD22	12	1.23
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD21	12	1.23
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD22	12	1.23
(4,2625)	1:99:A:LEU:H	1:100:A:SER:HG	6	1.23
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD1	5	1.23
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD2	5	1.23
(4,2604)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:H	16	1.23
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD11	7	1.23
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD12	7	1.23
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD13	7	1.23
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD11	2	1.23
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD12	2	1.23
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD13	2	1.23
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD21	2	1.23
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD22	2	1.23
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD23	2	1.23
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD21	14	1.23
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD22	14	1.23
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD23	14	1.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2300)	1:134:A:THR:HG21	1:138:A:VAL:H	3	1.23
(4,2300)	1:134:A:THR:HG22	1:138:A:VAL:H	3	1.23
(4,2300)	1:134:A:THR:HG23	1:138:A:VAL:H	3	1.23
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD21	18	1.23
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD22	18	1.23
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD23	18	1.23
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HD1	5	1.23
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG3	1:235:A:TRP:HD1	5	1.23
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA2	1:6:A:ARG:HA	2	1.23
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA3	1:6:A:ARG:HA	2	1.23
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA2	1:6:A:ARG:HA	6	1.23
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA3	1:6:A:ARG:HA	6	1.23
(4,2162)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	15	1.23
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG21	1:128:A:ARG:H	9	1.23
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG22	1:128:A:ARG:H	9	1.23
(4,2109)	1:80:A:ILE:HG23	1:128:A:ARG:H	9	1.23
(4,2097)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:H	20	1.23
(4,2005)	1:147:A:GLN:HE22	1:148:A:THR:H	2	1.23
(4,1904)	1:119:A:GLN:HE21	1:128:A:ARG:H	9	1.23
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD11	6	1.23
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD12	6	1.23
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD13	6	1.23
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD11	6	1.23
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD12	6	1.23
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD13	6	1.23
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD11	6	1.23
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD12	6	1.23
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD13	6	1.23
(4,1666)	1:55:A:ILE:HD11	1:202:A:ILE:HB	10	1.23
(4,1666)	1:55:A:ILE:HD12	1:202:A:ILE:HB	10	1.23
(4,1666)	1:55:A:ILE:HD13	1:202:A:ILE:HB	10	1.23
(4,1645)	1:109:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	5	1.23
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD11	7	1.23
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD12	7	1.23
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD13	7	1.23
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD21	7	1.23
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD22	7	1.23
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD23	7	1.23
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD11	10	1.23
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD12	10	1.23
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD13	10	1.23
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD21	10	1.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD22	10	1.23
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD23	10	1.23
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD11	10	1.23
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD12	10	1.23
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD13	10	1.23
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD21	10	1.23
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD22	10	1.23
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD23	10	1.23
(4,1510)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HG2	8	1.23
(4,1510)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HG3	8	1.23
(4,1492)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG3	20	1.23
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG21	1:58:A:LEU:H	17	1.23
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG22	1:58:A:LEU:H	17	1.23
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG23	1:58:A:LEU:H	17	1.23
(4,1311)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG11	6	1.23
(4,1311)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG12	6	1.23
(4,1311)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG13	6	1.23
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB2	6	1.23
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB3	6	1.23
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB2	6	1.23
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB3	6	1.23
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB2	6	1.23
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB3	6	1.23
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG21	15	1.23
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG22	15	1.23
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG23	15	1.23
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG11	18	1.23
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG12	18	1.23
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG13	18	1.23
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD11	10	1.23
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD12	10	1.23
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD13	10	1.23
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD21	10	1.23
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD22	10	1.23
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD23	10	1.23
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD11	10	1.23
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD12	10	1.23
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD13	10	1.23
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD21	10	1.23
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD22	10	1.23
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD23	10	1.23
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD11	10	1.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD12	10	1.23
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD13	10	1.23
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD21	10	1.23
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD22	10	1.23
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD23	10	1.23
(4,589)	1:83:A:LYS:HA	1:183:A:ARG:H	4	1.23
(4,577)	1:168:A:ILE:HG12	1:181:A:ASP:HB2	7	1.23
(4,577)	1:168:A:ILE:HG12	1:181:A:ASP:HB3	7	1.23
(4,577)	1:168:A:ILE:HG13	1:181:A:ASP:HB2	7	1.23
(4,577)	1:168:A:ILE:HG13	1:181:A:ASP:HB3	7	1.23
(4,548)	1:127:A:ASN:HD21	1:128:A:ARG:H	7	1.23
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD11	20	1.23
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD12	20	1.23
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD13	20	1.23
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD21	20	1.23
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD22	20	1.23
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD23	20	1.23
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD11	20	1.23
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD12	20	1.23
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD13	20	1.23
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD21	20	1.23
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD22	20	1.23
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD23	20	1.23
(4,497)	1:29:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD21	18	1.23
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD11	12	1.23
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD12	12	1.23
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD13	12	1.23
(4,382)	1:32:A:ALA:HB1	1:233:A:PRO:HB2	5	1.23
(4,382)	1:32:A:ALA:HB2	1:233:A:PRO:HB2	5	1.23
(4,382)	1:32:A:ALA:HB3	1:233:A:PRO:HB2	5	1.23
(4,368)	1:154:A:SER:HA	1:156:A:ALA:HA	3	1.23
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB2	12	1.23
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB3	12	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG11	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG12	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG13	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG21	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG22	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG23	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG11	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG12	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG13	13	1.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG21	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG22	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG23	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG11	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG12	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG13	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG21	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG22	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG23	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG11	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG12	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG13	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG21	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG22	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG23	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG11	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG12	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG13	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG21	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG22	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG23	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG11	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG12	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG13	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG21	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG22	13	1.23
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG23	13	1.23
(4,305)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG21	9	1.23
(4,305)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG22	9	1.23
(4,305)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG23	9	1.23
(4,305)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG21	9	1.23
(4,305)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG22	9	1.23
(4,305)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG23	9	1.23
(4,149)	1:234:A:ASN:HD21	1:236:A:GLU:H	17	1.23
(4,45)	1:151:A:THR:HA	1:154:A:SER:HA	1	1.23
(2,120)	1:100:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	8	1.23
(1,455)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	8	1.23
(1,328)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	11	1.23
(1,219)	1:183:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	16	1.23
(1,210)	1:219:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	11	1.23
(5,649)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	13	1.22
(5,610)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	11	1.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,332)	1:177:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	14	1.22
(4,4311)	1:177:A:ILE:H	1:195:A:ASP:H	1	1.22
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG21	1:183:A:ARG:H	14	1.22
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG22	1:183:A:ARG:H	14	1.22
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG23	1:183:A:ARG:H	14	1.22
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG2	5	1.22
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG3	5	1.22
(4,4251)	1:81:A:TRP:HH2	1:184:A:ASN:H	19	1.22
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD21	17	1.22
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD22	17	1.22
(4,4136)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG2	12	1.22
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HA	3	1.22
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HA	3	1.22
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG11	4	1.22
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG12	4	1.22
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG13	4	1.22
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG11	4	1.22
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG12	4	1.22
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG13	4	1.22
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE1	14	1.22
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE2	14	1.22
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD1	8	1.22
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD2	8	1.22
(4,3885)	1:74:A:THR:H	1:76:A:SER:H	16	1.22
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	1	1.22
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	1	1.22
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	1	1.22
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG21	9	1.22
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG22	9	1.22
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG23	9	1.22
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG21	9	1.22
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG22	9	1.22
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG23	9	1.22
(4,3839)	1:97:A:HIS:HD1	1:169:A:THR:HG1	19	1.22
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD11	17	1.22
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD12	17	1.22
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD13	17	1.22
(4,3762)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:H	18	1.22
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD11	6	1.22
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD12	6	1.22
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD13	6	1.22
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD11	7	1.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD12	7	1.22
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD13	7	1.22
(4,3659)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:H	17	1.22
(4,3659)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:H	19	1.22
(4,3652)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD11	13	1.22
(4,3652)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD12	13	1.22
(4,3652)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD13	13	1.22
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HB2	2	1.22
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HB3	2	1.22
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HB2	2	1.22
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HB3	2	1.22
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HB2	2	1.22
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HB3	2	1.22
(4,3469)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HD1	5	1.22
(4,3441)	1:158:A:GLU:HB2	1:160:A:THR:H	12	1.22
(4,3441)	1:158:A:GLU:HB3	1:160:A:THR:H	12	1.22
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB2	1:236:A:GLU:H	12	1.22
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB3	1:236:A:GLU:H	12	1.22
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG12	18	1.22
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG13	18	1.22
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD11	7	1.22
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD12	7	1.22
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD13	7	1.22
(4,3112)	1:119:A:GLN:HE21	1:130:A:ASP:H	16	1.22
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:CG1	10	1.22
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:CG1	10	1.22
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:CG1	10	1.22
(4,3082)	1:148:A:THR:HB	1:149:A:PHE:HD1	4	1.22
(4,3082)	1:148:A:THR:HB	1:149:A:PHE:HD2	4	1.22
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	5	1.22
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	5	1.22
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	5	1.22
(4,2905)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:HD22	5	1.22
(4,2905)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:HD22	5	1.22
(4,2814)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE21	3	1.22
(4,2795)	1:119:A:GLN:HE21	1:127:A:ASN:H	18	1.22
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG21	14	1.22
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG22	14	1.22
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG23	14	1.22
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG11	5	1.22
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG12	5	1.22
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG13	5	1.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG11	5	1.22
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG12	5	1.22
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG13	5	1.22
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB1	18	1.22
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB2	18	1.22
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB3	18	1.22
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB1	18	1.22
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB2	18	1.22
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB3	18	1.22
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD11	1:120:A:SER:H	19	1.22
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD12	1:120:A:SER:H	19	1.22
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD13	1:120:A:SER:H	19	1.22
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG2	1:157:A:PRO:HB3	12	1.22
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG3	1:157:A:PRO:HB3	12	1.22
(4,2324)	1:65:A:ARG:H	1:67:A:SER:H	10	1.22
(4,2285)	1:177:A:ILE:HG12	1:195:A:ASP:H	18	1.22
(4,2285)	1:177:A:ILE:HG13	1:195:A:ASP:H	18	1.22
(4,2097)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:H	1	1.22
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB2	15	1.22
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB3	15	1.22
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB2	15	1.22
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB3	15	1.22
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB1	15	1.22
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB2	15	1.22
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB3	15	1.22
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB1	15	1.22
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB2	15	1.22
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB3	15	1.22
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD11	2	1.22
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD12	2	1.22
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD13	2	1.22
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD11	2	1.22
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD12	2	1.22
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD13	2	1.22
(4,1973)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	7	1.22
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD11	18	1.22
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD12	18	1.22
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD13	18	1.22
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD21	18	1.22
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD22	18	1.22
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD23	18	1.22
(4,1894)	1:177:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HE21	8	1.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1894)	1:177:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HE22	8	1.22
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG12	1:166:A:HIS:H	9	1.22
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG13	1:166:A:HIS:H	9	1.22
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	14	1.22
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	14	1.22
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	14	1.22
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	14	1.22
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	14	1.22
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	14	1.22
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	9	1.22
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	9	1.22
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	9	1.22
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	9	1.22
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	9	1.22
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	9	1.22
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG11	1:202:A:ILE:HB	1	1.22
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG12	1:202:A:ILE:HB	1	1.22
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG13	1:202:A:ILE:HB	1	1.22
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	14	1.22
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	14	1.22
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	14	1.22
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD1	1:84:A:GLN:H	16	1.22
(4,1627)	1:82:A:PHE:HD2	1:84:A:GLN:H	16	1.22
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB3	10	1.22
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB3	10	1.22
(4,1437)	1:58:A:LEU:HG	1:228:A:MET:HA	14	1.22
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG12	3	1.22
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG12	3	1.22
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HD1	9	1.22
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HD2	9	1.22
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HD1	9	1.22
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HD2	9	1.22
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HD1	9	1.22
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HD2	9	1.22
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HD1	9	1.22
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HD2	9	1.22
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HD1	9	1.22
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HD2	9	1.22
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HD1	9	1.22
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HD2	9	1.22
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HB	4	1.22
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HB	4	1.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HB	4	1.22
(4,1162)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HG	9	1.22
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB2	10	1.22
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB3	10	1.22
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB2	10	1.22
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB3	10	1.22
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB2	10	1.22
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB3	10	1.22
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB2	1	1.22
(4,955)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HB3	1	1.22
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB2	1	1.22
(4,955)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HB3	1	1.22
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB2	1	1.22
(4,955)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HB3	1	1.22
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB2	1	1.22
(4,955)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HB3	1	1.22
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB2	1	1.22
(4,955)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HB3	1	1.22
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB2	1	1.22
(4,955)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HB3	1	1.22
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD1	1	1.22
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD2	1	1.22
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG11	17	1.22
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG12	17	1.22
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG13	17	1.22
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG21	17	1.22
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG22	17	1.22
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG23	17	1.22
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG11	17	1.22
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG12	17	1.22
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG13	17	1.22
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG21	17	1.22
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG22	17	1.22
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG23	17	1.22
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG11	17	1.22
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG12	17	1.22
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG13	17	1.22
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG21	17	1.22
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG22	17	1.22
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG23	17	1.22
(4,899)	1:153:A:GLN:H	1:154:A:SER:H	8	1.22
(4,899)	1:153:A:GLN:H	1:154:A:SER:H	20	1.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB2	4	1.22
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB3	4	1.22
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD21	8	1.22
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD22	8	1.22
(4,797)	1:38:A:SER:H	1:41:A:GLU:HB2	18	1.22
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB2	10	1.22
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB3	10	1.22
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB2	10	1.22
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB3	10	1.22
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD11	3	1.22
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD12	3	1.22
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD13	3	1.22
(4,714)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:HD1	15	1.22
(4,714)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:HD2	15	1.22
(4,714)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:HD1	15	1.22
(4,714)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:HD2	15	1.22
(4,714)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:HD1	15	1.22
(4,714)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:HD2	15	1.22
(4,685)	1:79:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	2	1.22
(4,685)	1:79:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	2	1.22
(4,685)	1:79:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	2	1.22
(4,675)	1:3:A:GLY:H	1:5:A:ASN:H	10	1.22
(4,645)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD21	14	1.22
(4,645)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD22	14	1.22
(4,645)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD23	14	1.22
(4,641)	1:9:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:H	16	1.22
(4,641)	1:9:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:H	16	1.22
(4,641)	1:9:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:H	16	1.22
(4,641)	1:9:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:H	16	1.22
(4,641)	1:9:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:H	16	1.22
(4,641)	1:9:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:H	16	1.22
(4,627)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HG	13	1.22
(4,626)	1:120:A:SER:HA	1:126:A:LYS:HA	15	1.22
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD21	16	1.22
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD22	16	1.22
(4,548)	1:127:A:ASN:HD21	1:128:A:ARG:H	8	1.22
(4,529)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HG2	3	1.22
(4,529)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HG3	3	1.22
(4,529)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HG2	3	1.22
(4,529)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HG3	3	1.22
(4,529)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HG2	3	1.22
(4,529)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HG3	3	1.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,497)	1:29:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD21	2	1.22
(4,479)	1:80:A:ILE:HG21	1:101:A:ASN:H	2	1.22
(4,479)	1:80:A:ILE:HG22	1:101:A:ASN:H	2	1.22
(4,479)	1:80:A:ILE:HG23	1:101:A:ASN:H	2	1.22
(4,455)	1:86:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	4	1.22
(4,455)	1:86:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	4	1.22
(4,455)	1:86:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	4	1.22
(4,455)	1:86:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	4	1.22
(4,455)	1:86:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	4	1.22
(4,455)	1:86:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	4	1.22
(4,455)	1:86:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	4	1.22
(4,455)	1:86:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	4	1.22
(4,455)	1:86:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	4	1.22
(4,455)	1:86:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	4	1.22
(4,455)	1:86:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	4	1.22
(4,455)	1:86:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	4	1.22
(4,419)	1:39:A:LEU:HD21	1:41:A:GLU:H	19	1.22
(4,419)	1:39:A:LEU:HD22	1:41:A:GLU:H	19	1.22
(4,419)	1:39:A:LEU:HD23	1:41:A:GLU:H	19	1.22
(4,411)	1:106:A:LEU:HG	1:113:A:ASP:H	19	1.22
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD21	13	1.22
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD22	13	1.22
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD23	13	1.22
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD21	19	1.22
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD22	19	1.22
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD23	19	1.22
(4,319)	1:21:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD11	8	1.22
(4,319)	1:21:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD12	8	1.22
(4,319)	1:21:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD13	8	1.22
(4,245)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD11	1	1.22
(4,245)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD12	1	1.22
(4,245)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD13	1	1.22
(4,245)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD11	19	1.22
(4,245)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD12	19	1.22
(4,245)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD13	19	1.22
(4,170)	1:61:A:ILE:HD11	1:166:A:HIS:H	11	1.22
(4,170)	1:61:A:ILE:HD12	1:166:A:HIS:H	11	1.22
(4,170)	1:61:A:ILE:HD13	1:166:A:HIS:H	11	1.22
(4,150)	1:39:A:LEU:HA	1:44:A:LEU:HG	15	1.22
(4,102)	1:150:A:SER:H	1:157:A:PRO:HD2	19	1.22
(1,484)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	5	1.22
(1,444)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	17	1.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,313)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	13	1.22
(1,225)	1:64:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	12	1.22
(1,219)	1:183:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	7	1.22
(1,198)	1:67:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	13	1.22
(5,332)	1:177:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	15	1.21
(4,4311)	1:177:A:ILE:H	1:195:A:ASP:H	11	1.21
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD11	14	1.21
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD12	14	1.21
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD13	14	1.21
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD21	14	1.21
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD22	14	1.21
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD23	14	1.21
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD11	14	1.21
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD12	14	1.21
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD13	14	1.21
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD21	14	1.21
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD22	14	1.21
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD23	14	1.21
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE1	16	1.21
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE2	16	1.21
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD11	7	1.21
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD12	7	1.21
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD13	7	1.21
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD21	7	1.21
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD22	7	1.21
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD23	7	1.21
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD11	7	1.21
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD12	7	1.21
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD13	7	1.21
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD21	7	1.21
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD22	7	1.21
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD23	7	1.21
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG21	4	1.21
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG22	4	1.21
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG23	4	1.21
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG21	4	1.21
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG22	4	1.21
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG23	4	1.21
(4,3926)	1:15:A:PRO:HG3	1:34:A:PHE:HA	1	1.21
(4,3813)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD11	16	1.21
(4,3813)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD12	16	1.21
(4,3813)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD13	16	1.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3789)	1:157:A:PRO:HA	1:161:A:ALA:H	8	1.21
(4,3678)	1:45:A:LEU:HD11	1:200:A:ASP:H	18	1.21
(4,3678)	1:45:A:LEU:HD12	1:200:A:ASP:H	18	1.21
(4,3678)	1:45:A:LEU:HD13	1:200:A:ASP:H	18	1.21
(4,3678)	1:45:A:LEU:HD21	1:200:A:ASP:H	18	1.21
(4,3678)	1:45:A:LEU:HD22	1:200:A:ASP:H	18	1.21
(4,3678)	1:45:A:LEU:HD23	1:200:A:ASP:H	18	1.21
(4,3659)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:H	11	1.21
(4,3587)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:H	7	1.21
(4,3560)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HA	7	1.21
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	16	1.21
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	16	1.21
(4,3519)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	12	1.21
(4,3389)	1:81:A:TRP:HZ2	1:186:A:SER:H	19	1.21
(4,3213)	1:29:A:ASN:H	1:31:A:TRP:HE1	8	1.21
(4,3032)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE22	8	1.21
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HE1	16	1.21
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HE1	16	1.21
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HE1	16	1.21
(4,2893)	1:153:A:GLN:HA	1:157:A:PRO:HD3	5	1.21
(4,2856)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE3	17	1.21
(4,2827)	1:82:A:PHE:HD1	1:134:A:THR:HG21	19	1.21
(4,2827)	1:82:A:PHE:HD1	1:134:A:THR:HG22	19	1.21
(4,2827)	1:82:A:PHE:HD1	1:134:A:THR:HG23	19	1.21
(4,2827)	1:82:A:PHE:HD2	1:134:A:THR:HG21	19	1.21
(4,2827)	1:82:A:PHE:HD2	1:134:A:THR:HG22	19	1.21
(4,2827)	1:82:A:PHE:HD2	1:134:A:THR:HG23	19	1.21
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD1	15	1.21
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD2	15	1.21
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD1	15	1.21
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD2	15	1.21
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD1	15	1.21
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD2	15	1.21
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD11	16	1.21
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD12	16	1.21
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD13	16	1.21
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD21	16	1.21
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD22	16	1.21
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD23	16	1.21
(4,2631)	1:68:A:SER:HA	1:70:A:SER:H	8	1.21
(4,2622)	1:5:A:ASN:HD21	1:7:A:ALA:H	18	1.21
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:H	17	1.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:H	17	1.21
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:H	17	1.21
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD11	1:201:A:LEU:H	1	1.21
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD12	1:201:A:LEU:H	1	1.21
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD13	1:201:A:LEU:H	1	1.21
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD11	11	1.21
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD12	11	1.21
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD13	11	1.21
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD21	11	1.21
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD22	11	1.21
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD23	11	1.21
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD11	11	1.21
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD12	11	1.21
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD13	11	1.21
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD21	11	1.21
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD22	11	1.21
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD23	11	1.21
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD11	15	1.21
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD12	15	1.21
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD13	15	1.21
(4,2431)	1:161:A:ALA:H	1:162:A:ASP:H	18	1.21
(4,2279)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HB2	17	1.21
(4,2279)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HB3	17	1.21
(4,2263)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:H	4	1.21
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HA	20	1.21
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HA	20	1.21
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HA	20	1.21
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HA	20	1.21
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HA	20	1.21
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HA	20	1.21
(4,2137)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:H	13	1.21
(4,2097)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:H	5	1.21
(4,2097)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:H	18	1.21
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG21	1:98:A:SER:H	14	1.21
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG22	1:98:A:SER:H	14	1.21
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG23	1:98:A:SER:H	14	1.21
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD1	19	1.21
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD2	19	1.21
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD1	19	1.21
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD2	19	1.21
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD1	19	1.21
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD2	19	1.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:H	18	1.21
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:H	18	1.21
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:H	18	1.21
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD21	1:139:A:LEU:H	18	1.21
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD22	1:139:A:LEU:H	18	1.21
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD23	1:139:A:LEU:H	18	1.21
(4,1894)	1:177:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HE21	17	1.21
(4,1894)	1:177:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HE22	17	1.21
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG11	19	1.21
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG12	19	1.21
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG13	19	1.21
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG21	19	1.21
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG22	19	1.21
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG23	19	1.21
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD11	10	1.21
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD12	10	1.21
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD13	10	1.21
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD21	10	1.21
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD22	10	1.21
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD23	10	1.21
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD11	1	1.21
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD12	1	1.21
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD13	1	1.21
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD21	1	1.21
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD22	1	1.21
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD23	1	1.21
(4,1436)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD11	19	1.21
(4,1436)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD12	19	1.21
(4,1436)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD13	19	1.21
(4,1224)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:H	15	1.21
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD21	16	1.21
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD22	16	1.21
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD23	16	1.21
(4,1081)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA2	17	1.21
(4,1041)	1:23:A:HIS:HD2	1:31:A:TRP:H	15	1.21
(4,1037)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:HA	19	1.21
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB2	16	1.21
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB3	16	1.21
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB2	16	1.21
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB3	16	1.21
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB2	16	1.21
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB3	16	1.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD11	14	1.21
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD12	14	1.21
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD13	14	1.21
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD21	14	1.21
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD22	14	1.21
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD23	14	1.21
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG21	12	1.21
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG22	12	1.21
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG23	12	1.21
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD11	8	1.21
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD12	8	1.21
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD13	8	1.21
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD21	8	1.21
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD22	8	1.21
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD23	8	1.21
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD11	8	1.21
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD12	8	1.21
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD13	8	1.21
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD21	8	1.21
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD22	8	1.21
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD23	8	1.21
(4,819)	1:149:A:PHE:HA	1:151:A:THR:HA	14	1.21
(4,777)	1:74:A:THR:HB	1:76:A:SER:HA	15	1.21
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD11	13	1.21
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD12	13	1.21
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD13	13	1.21
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD11	13	1.21
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD12	13	1.21
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD13	13	1.21
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB2	6	1.21
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB3	6	1.21
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB2	6	1.21
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB3	6	1.21
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG21	2	1.21
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG22	2	1.21
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG23	2	1.21
(4,667)	1:136:A:GLN:HB2	1:139:A:LEU:HB2	5	1.21
(4,667)	1:136:A:GLN:HB2	1:139:A:LEU:HB3	5	1.21
(4,667)	1:136:A:GLN:HB3	1:139:A:LEU:HB2	5	1.21
(4,667)	1:136:A:GLN:HB3	1:139:A:LEU:HB3	5	1.21
(4,638)	1:73:A:ILE:HG21	1:186:A:SER:H	3	1.21
(4,638)	1:73:A:ILE:HG22	1:186:A:SER:H	3	1.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,638)	1:73:A:ILE:HG23	1:186:A:SER:H	3	1.21
(4,619)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:H	17	1.21
(4,619)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:H	17	1.21
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD21	12	1.21
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD22	12	1.21
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD23	12	1.21
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD21	12	1.21
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD22	12	1.21
(4,498)	1:73:A:ILE:HB	1:188:A:PRO:HG2	3	1.21
(4,498)	1:73:A:ILE:HB	1:188:A:PRO:HG3	3	1.21
(4,404)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG13	5	1.21
(4,356)	1:106:A:LEU:HD21	1:110:A:SER:H	14	1.21
(4,356)	1:106:A:LEU:HD22	1:110:A:SER:H	14	1.21
(4,356)	1:106:A:LEU:HD23	1:110:A:SER:H	14	1.21
(4,341)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HB	4	1.21
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG21	15	1.21
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG22	15	1.21
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG23	15	1.21
(4,224)	1:39:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:CG1	1	1.21
(4,224)	1:39:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:CG1	1	1.21
(4,224)	1:39:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:CG1	1	1.21
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	8	1.21
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	8	1.21
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	8	1.21
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	8	1.21
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	8	1.21
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	8	1.21
(4,164)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG12	17	1.21
(4,84)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:H	7	1.21
(4,33)	1:72:A:GLN:HG2	1:74:A:THR:H	4	1.21
(4,33)	1:72:A:GLN:HG3	1:74:A:THR:H	4	1.21
(2,611)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	5	1.21
(2,172)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	6	1.21
(1,453)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	1	1.21
(1,219)	1:183:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	5	1.21
(1,179)	1:57:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	2	1.21
(1,173)	1:58:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	2	1.21
(1,85)	1:206:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	17	1.21
(1,5)	1:99:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	7	1.21
(5,484)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	2	1.2
(5,332)	1:177:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	3	1.2
(5,72)	1:59:A:PHE:H	1:104:A:SER:OG	20	1.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:H	12	1.2
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:H	12	1.2
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:H	12	1.2
(4,4251)	1:81:A:TRP:HH2	1:184:A:ASN:H	12	1.2
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:HG11	20	1.2
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:HG12	20	1.2
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:HG13	20	1.2
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:HG11	20	1.2
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:HG12	20	1.2
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:HG13	20	1.2
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:HG11	20	1.2
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:HG12	20	1.2
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:HG13	20	1.2
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG11	10	1.2
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG12	10	1.2
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG13	10	1.2
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG11	10	1.2
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG12	10	1.2
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG13	10	1.2
(4,3979)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:HA	12	1.2
(4,3937)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE21	4	1.2
(4,3829)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HD1	1	1.2
(4,3829)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HD2	1	1.2
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:H	3	1.2
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:H	3	1.2
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:H	3	1.2
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD11	1:138:A:VAL:H	18	1.2
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD12	1:138:A:VAL:H	18	1.2
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD13	1:138:A:VAL:H	18	1.2
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD21	1:138:A:VAL:H	18	1.2
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD22	1:138:A:VAL:H	18	1.2
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD23	1:138:A:VAL:H	18	1.2
(4,3659)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:H	14	1.2
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	6	1.2
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	6	1.2
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	6	1.2
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	6	1.2
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	6	1.2
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	6	1.2
(4,3648)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HD21	8	1.2
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	1	1.2
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	1	1.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	1	1.2
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	1	1.2
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	1	1.2
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	1	1.2
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD11	20	1.2
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD12	20	1.2
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD13	20	1.2
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD21	20	1.2
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD22	20	1.2
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD23	20	1.2
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG21	2	1.2
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG22	2	1.2
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG23	2	1.2
(4,3300)	1:163:A:THR:HG21	1:166:A:HIS:HA	18	1.2
(4,3300)	1:163:A:THR:HG22	1:166:A:HIS:HA	18	1.2
(4,3300)	1:163:A:THR:HG23	1:166:A:HIS:HA	18	1.2
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD21	20	1.2
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD22	20	1.2
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD23	20	1.2
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD2	17	1.2
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD3	17	1.2
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD2	17	1.2
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD3	17	1.2
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG21	7	1.2
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG22	7	1.2
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG23	7	1.2
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG21	7	1.2
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG22	7	1.2
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG23	7	1.2
(4,2980)	1:202:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:H	11	1.2
(4,2980)	1:202:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:H	11	1.2
(4,2980)	1:202:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:H	11	1.2
(4,2970)	1:28:A:LYS:HB2	1:107:A:GLU:H	17	1.2
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD11	3	1.2
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD12	3	1.2
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD13	3	1.2
(4,2867)	1:36:A:ILE:HD11	1:55:A:ILE:HB	9	1.2
(4,2867)	1:36:A:ILE:HD12	1:55:A:ILE:HB	9	1.2
(4,2867)	1:36:A:ILE:HD13	1:55:A:ILE:HB	9	1.2
(4,2821)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HE1	5	1.2
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD11	16	1.2
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD12	16	1.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD13	16	1.2
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD1	1:190:A:TYR:H	6	1.2
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD2	1:190:A:TYR:H	6	1.2
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:H	6	1.2
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:H	6	1.2
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:H	6	1.2
(4,2643)	1:136:A:GLN:HE21	1:137:A:PHE:HA	9	1.2
(4,2643)	1:136:A:GLN:HE22	1:137:A:PHE:HA	9	1.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD11	14	1.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD12	14	1.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD13	14	1.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD21	14	1.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD22	14	1.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD23	14	1.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD11	14	1.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD12	14	1.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD13	14	1.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD21	14	1.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD22	14	1.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD23	14	1.2
(4,2622)	1:5:A:ASN:HD21	1:7:A:ALA:H	3	1.2
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:H	4	1.2
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:H	4	1.2
(4,2497)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HZ3	10	1.2
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD11	18	1.2
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD12	18	1.2
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD13	18	1.2
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:H	8	1.2
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:H	8	1.2
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:H	8	1.2
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:H	8	1.2
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:H	8	1.2
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:H	8	1.2
(4,2399)	1:118:A:SER:HA	1:119:A:GLN:HE21	9	1.2
(4,2389)	1:208:A:ARG:HD2	1:210:A:ARG:H	11	1.2
(4,2389)	1:208:A:ARG:HD3	1:210:A:ARG:H	11	1.2
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB1	5	1.2
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB2	5	1.2
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB3	5	1.2
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB1	5	1.2
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB2	5	1.2
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB3	5	1.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB1	5	1.2
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB2	5	1.2
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB3	5	1.2
(4,2301)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:H	10	1.2
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	6	1.2
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	6	1.2
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD11	17	1.2
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD12	17	1.2
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD13	17	1.2
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD11	17	1.2
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD12	17	1.2
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD13	17	1.2
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD11	10	1.2
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD12	10	1.2
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD13	10	1.2
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD21	10	1.2
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD22	10	1.2
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD23	10	1.2
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB2	1:83:A:LYS:HG2	10	1.2
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB3	1:83:A:LYS:HG2	10	1.2
(4,1973)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	3	1.2
(4,1944)	1:11:A:ILE:H	1:13:A:SER:H	19	1.2
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD1	9	1.2
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD2	9	1.2
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD1	9	1.2
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD2	9	1.2
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD1	9	1.2
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD2	9	1.2
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD1	14	1.2
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD2	14	1.2
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD1	14	1.2
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD2	14	1.2
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD1	14	1.2
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD2	14	1.2
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	9	1.2
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	9	1.2
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	9	1.2
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	9	1.2
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	9	1.2
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	9	1.2
(4,1728)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD22	16	1.2
(4,1651)	1:59:A:PHE:H	1:165:A:LEU:HB2	4	1.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1647)	1:157:A:PRO:HA	1:159:A:ALA:H	6	1.2
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE22	10	1.2
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE22	10	1.2
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD21	1:151:A:THR:H	15	1.2
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD22	1:151:A:THR:H	15	1.2
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD11	9	1.2
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD12	9	1.2
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD13	9	1.2
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG11	10	1.2
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG12	10	1.2
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG13	10	1.2
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG11	12	1.2
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG12	12	1.2
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG13	12	1.2
(4,1224)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:H	9	1.2
(4,1224)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:H	19	1.2
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG21	1:168:A:ILE:HB	15	1.2
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG22	1:168:A:ILE:HB	15	1.2
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG23	1:168:A:ILE:HB	15	1.2
(4,1162)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HG	20	1.2
(4,1030)	1:31:A:TRP:HE3	1:233:A:PRO:HD2	14	1.2
(4,1030)	1:31:A:TRP:HE3	1:233:A:PRO:HD3	14	1.2
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD11	19	1.2
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD12	19	1.2
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD13	19	1.2
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD11	19	1.2
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD12	19	1.2
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD13	19	1.2
(4,995)	1:34:A:PHE:HB2	1:36:A:ILE:H	1	1.2
(4,995)	1:34:A:PHE:HB3	1:36:A:ILE:H	1	1.2
(4,730)	1:119:A:GLN:H	1:119:A:GLN:HE22	19	1.2
(4,616)	1:61:A:ILE:HA	1:214:A:TYR:HD1	12	1.2
(4,616)	1:61:A:ILE:HA	1:214:A:TYR:HD2	12	1.2
(4,548)	1:127:A:ASN:HD21	1:128:A:ARG:H	9	1.2
(4,533)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HD22	5	1.2
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD1	1	1.2
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD2	1	1.2
(4,433)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:H	15	1.2
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE1	20	1.2
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE2	20	1.2
(4,174)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	8	1.2
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD21	10	1.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD22	10	1.2
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD23	10	1.2
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB2	4	1.2
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB3	4	1.2
(2,120)	1:100:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	11	1.2
(1,487)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	3	1.2
(1,323)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	9	1.2
(1,210)	1:219:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	6	1.2
(5,701)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	2	1.19
(5,609)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	9	1.19
(5,580)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	6	1.19
(5,501)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	5	1.19
(5,72)	1:59:A:PHE:H	1:104:A:SER:OG	17	1.19
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG21	1:183:A:ARG:H	2	1.19
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG22	1:183:A:ARG:H	2	1.19
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG23	1:183:A:ARG:H	2	1.19
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG21	1:183:A:ARG:H	11	1.19
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG22	1:183:A:ARG:H	11	1.19
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG23	1:183:A:ARG:H	11	1.19
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG21	7	1.19
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG22	7	1.19
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG23	7	1.19
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG21	7	1.19
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG22	7	1.19
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG23	7	1.19
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD11	17	1.19
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD12	17	1.19
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD13	17	1.19
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD21	17	1.19
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD22	17	1.19
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD23	17	1.19
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD11	17	1.19
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD12	17	1.19
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD13	17	1.19
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD21	17	1.19
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD22	17	1.19
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD23	17	1.19
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:H	19	1.19
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:H	19	1.19
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:H	19	1.19
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE2	1:217:A:ASN:HA	8	1.19
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE3	1:217:A:ASN:HA	8	1.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD11	10	1.19
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD12	10	1.19
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD13	10	1.19
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD21	10	1.19
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD22	10	1.19
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD23	10	1.19
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD11	10	1.19
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD12	10	1.19
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD13	10	1.19
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD21	10	1.19
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD22	10	1.19
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD23	10	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	1	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	1	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	1	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	1	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	1	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	1	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	1	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	1	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	1	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	1	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	1	1.19
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	1	1.19
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG12	19	1.19
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG13	19	1.19
(4,3979)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:HA	13	1.19
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD21	18	1.19
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD22	18	1.19
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD21	18	1.19
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD22	18	1.19
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	11	1.19
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	11	1.19
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE1	1:230:A:GLY:H	19	1.19
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE2	1:230:A:GLY:H	19	1.19
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:HD21	6	1.19
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:HD22	6	1.19
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:HD21	6	1.19
(4,3724)	1:173:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:HD22	6	1.19
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD11	2	1.19
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD12	2	1.19
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD13	2	1.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD21	6	1.19
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD21	6	1.19
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD21	6	1.19
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD21	6	1.19
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD21	6	1.19
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD21	6	1.19
(4,3469)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HD1	20	1.19
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD21	10	1.19
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD22	10	1.19
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD21	10	1.19
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD22	10	1.19
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD21	10	1.19
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD22	10	1.19
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD21	10	1.19
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD22	10	1.19
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD21	10	1.19
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD22	10	1.19
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD21	10	1.19
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD22	10	1.19
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG21	9	1.19
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG22	9	1.19
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG23	9	1.19
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG21	9	1.19
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG22	9	1.19
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG23	9	1.19
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD11	15	1.19
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD12	15	1.19
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD13	15	1.19
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD11	15	1.19
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD12	15	1.19
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD13	15	1.19
(4,3389)	1:81:A:TRP:HZ2	1:186:A:SER:H	15	1.19
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG21	1:203:A:GLU:H	8	1.19
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG22	1:203:A:GLU:H	8	1.19
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG23	1:203:A:GLU:H	8	1.19
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG21	1:64:A:ASP:H	9	1.19
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG22	1:64:A:ASP:H	9	1.19
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG23	1:64:A:ASP:H	9	1.19
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD11	8	1.19
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD12	8	1.19
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD13	8	1.19
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD11	11	1.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD12	11	1.19
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD13	11	1.19
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD21	11	1.19
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD22	11	1.19
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD23	11	1.19
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD11	11	1.19
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD12	11	1.19
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD13	11	1.19
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD21	11	1.19
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD22	11	1.19
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD23	11	1.19
(4,3010)	1:81:A:TRP:H	1:127:A:ASN:HD22	2	1.19
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD1	8	1.19
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD2	8	1.19
(4,2854)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:HG2	9	1.19
(4,2828)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:H	13	1.19
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD21	16	1.19
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD22	16	1.19
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE1	9	1.19
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE2	9	1.19
(4,2704)	1:146:A:VAL:HB	1:148:A:THR:H	7	1.19
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD1	1:190:A:TYR:H	7	1.19
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD2	1:190:A:TYR:H	7	1.19
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD21	8	1.19
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD22	8	1.19
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD23	8	1.19
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD1	1	1.19
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD2	1	1.19
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD11	18	1.19
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD12	18	1.19
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD13	18	1.19
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD21	18	1.19
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD22	18	1.19
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD23	18	1.19
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	11	1.19
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	11	1.19
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	11	1.19
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	11	1.19
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	11	1.19
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	11	1.19
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD11	20	1.19
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD12	20	1.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD13	20	1.19
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD11	20	1.19
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD12	20	1.19
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD13	20	1.19
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB2	20	1.19
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB3	20	1.19
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	16	1.19
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	16	1.19
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	16	1.19
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD21	11	1.19
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD22	11	1.19
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD23	11	1.19
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD11	9	1.19
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD12	9	1.19
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD13	9	1.19
(4,2097)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:H	11	1.19
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG21	6	1.19
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG22	6	1.19
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG23	6	1.19
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD11	2	1.19
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD12	2	1.19
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD13	2	1.19
(4,1946)	1:69:A:THR:HG21	1:71:A:GLN:H	14	1.19
(4,1946)	1:69:A:THR:HG22	1:71:A:GLN:H	14	1.19
(4,1946)	1:69:A:THR:HG23	1:71:A:GLN:H	14	1.19
(4,1904)	1:119:A:GLN:HE21	1:128:A:ARG:H	7	1.19
(4,1841)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:H	3	1.19
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:CG1	10	1.19
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:CG1	10	1.19
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:CG1	10	1.19
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	7	1.19
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	7	1.19
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	7	1.19
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	7	1.19
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	7	1.19
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	7	1.19
(4,1653)	1:17:A:VAL:H	1:152:A:GLY:HA2	12	1.19
(4,1557)	1:213:A:SER:HA	1:217:A:ASN:HD21	13	1.19
(4,1557)	1:213:A:SER:HA	1:217:A:ASN:HD22	13	1.19
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD11	2	1.19
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD12	2	1.19
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD13	2	1.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	11	1.19
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	11	1.19
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	11	1.19
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HG3	13	1.19
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HG3	13	1.19
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HG3	13	1.19
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG12	8	1.19
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG12	8	1.19
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD1	3	1.19
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD2	3	1.19
(4,1300)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD11	2	1.19
(4,1300)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD12	2	1.19
(4,1300)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD13	2	1.19
(4,1242)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:H	12	1.19
(4,1224)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:H	6	1.19
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD21	8	1.19
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD22	8	1.19
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD23	8	1.19
(4,1143)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:H	8	1.19
(4,1104)	1:195:A:ASP:H	1:207:A:VAL:H	12	1.19
(4,1104)	1:195:A:ASP:H	1:207:A:VAL:H	17	1.19
(4,1053)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:H	7	1.19
(4,946)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:H	13	1.19
(4,837)	1:22:A:ALA:HB1	1:31:A:TRP:HZ3	11	1.19
(4,837)	1:22:A:ALA:HB2	1:31:A:TRP:HZ3	11	1.19
(4,837)	1:22:A:ALA:HB3	1:31:A:TRP:HZ3	11	1.19
(4,823)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:H	18	1.19
(4,823)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:H	18	1.19
(4,818)	1:31:A:TRP:HZ3	1:232:A:GLY:HA2	11	1.19
(4,818)	1:31:A:TRP:HZ3	1:232:A:GLY:HA3	11	1.19
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD11	2	1.19
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD12	2	1.19
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD13	2	1.19
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB1	6	1.19
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB2	6	1.19
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB3	6	1.19
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB1	6	1.19
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB2	6	1.19
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB3	6	1.19
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB1	6	1.19
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB2	6	1.19
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB3	6	1.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,703)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:CG2	2	1.19
(4,703)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:CG2	2	1.19
(4,703)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:CG2	2	1.19
(4,703)	1:206:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:CG2	2	1.19
(4,703)	1:206:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:CG2	2	1.19
(4,703)	1:206:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:CG2	2	1.19
(4,703)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:CG2	10	1.19
(4,703)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:CG2	10	1.19
(4,703)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:CG2	10	1.19
(4,703)	1:206:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:CG2	10	1.19
(4,703)	1:206:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:CG2	10	1.19
(4,703)	1:206:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:CG2	10	1.19
(4,548)	1:127:A:ASN:HD21	1:128:A:ARG:H	18	1.19
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD11	10	1.19
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD12	10	1.19
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD13	10	1.19
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD21	10	1.19
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD22	10	1.19
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD23	10	1.19
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD11	10	1.19
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD12	10	1.19
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD13	10	1.19
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD21	10	1.19
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD22	10	1.19
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD23	10	1.19
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD21	7	1.19
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD22	7	1.19
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG21	4	1.19
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG22	4	1.19
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG23	4	1.19
(4,277)	1:82:A:PHE:HE1	1:99:A:LEU:H	17	1.19
(4,277)	1:82:A:PHE:HE2	1:99:A:LEU:H	17	1.19
(4,244)	1:81:A:TRP:H	1:82:A:PHE:HD1	4	1.19
(4,244)	1:81:A:TRP:H	1:82:A:PHE:HD2	4	1.19
(4,224)	1:39:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:CG1	7	1.19
(4,224)	1:39:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:CG1	7	1.19
(4,224)	1:39:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:CG1	7	1.19
(4,161)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:H	11	1.19
(4,149)	1:234:A:ASN:HD21	1:236:A:GLU:H	10	1.19
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD11	11	1.19
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD12	11	1.19
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD13	11	1.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,64)	1:81:A:TRP:HZ2	1:183:A:ARG:H	4	1.19
(4,59)	1:20:A:ASN:HD21	1:24:A:LYS:H	11	1.19
(4,6)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HA	12	1.19
(2,638)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	16	1.19
(1,393)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	8	1.19
(1,210)	1:219:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	8	1.19
(1,165)	1:180:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	2	1.19
(5,698)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	2	1.18
(5,632)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	14	1.18
(5,574)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	12	1.18
(5,494)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	17	1.18
(5,73)	1:89:A:ALA:H	1:104:A:SER:OG	10	1.18
(5,59)	1:104:A:SER:OG	1:214:A:TYR:H	2	1.18
(5,34)	1:104:A:SER:OG	1:126:A:LYS:H	12	1.18
(5,23)	1:13:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	8	1.18
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG21	8	1.18
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG22	8	1.18
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG23	8	1.18
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG21	1:192:A:GLY:HA2	4	1.18
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG22	1:192:A:GLY:HA2	4	1.18
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG23	1:192:A:GLY:HA2	4	1.18
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB2	8	1.18
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB3	8	1.18
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB2	8	1.18
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB3	8	1.18
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB2	8	1.18
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB3	8	1.18
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:H	6	1.18
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:H	6	1.18
(4,4152)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HA	6	1.18
(4,4122)	1:81:A:TRP:HH2	1:187:A:GLY:H	11	1.18
(4,4053)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HG	6	1.18
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB2	10	1.18
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB3	10	1.18
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB2	10	1.18
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB3	10	1.18
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB2	10	1.18
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB3	10	1.18
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB2	7	1.18
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB3	7	1.18
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB2	7	1.18
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB3	7	1.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB2	7	1.18
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB3	7	1.18
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD22	9	1.18
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD22	9	1.18
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD22	9	1.18
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD22	9	1.18
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD22	9	1.18
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD22	9	1.18
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD11	8	1.18
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD12	8	1.18
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD13	8	1.18
(4,3659)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:H	2	1.18
(4,3659)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:H	13	1.18
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG21	1:146:A:VAL:H	15	1.18
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG22	1:146:A:VAL:H	15	1.18
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG23	1:146:A:VAL:H	15	1.18
(4,3560)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HA	16	1.18
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	18	1.18
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	18	1.18
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	18	1.18
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG11	1:139:A:LEU:CD1	2	1.18
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG12	1:139:A:LEU:CD1	2	1.18
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG13	1:139:A:LEU:CD1	2	1.18
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG21	1	1.18
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG22	1	1.18
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG23	1	1.18
(4,3200)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:H	18	1.18
(4,3200)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:H	18	1.18
(4,3200)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:H	18	1.18
(4,3190)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HB	1	1.18
(4,3190)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HB	10	1.18
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG2	1:217:A:ASN:HB2	14	1.18
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG2	1:217:A:ASN:HB3	14	1.18
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG3	1:217:A:ASN:HB2	14	1.18
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG3	1:217:A:ASN:HB3	14	1.18
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB2	8	1.18
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB3	8	1.18
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB2	8	1.18
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB3	8	1.18
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB2	8	1.18
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB3	8	1.18
(4,3127)	1:31:A:TRP:HE1	1:106:A:LEU:H	19	1.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB1	10	1.18
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB2	10	1.18
(4,3118)	1:156:A:ALA:HA	1:161:A:ALA:HB3	10	1.18
(4,3082)	1:148:A:THR:HB	1:149:A:PHE:HD1	14	1.18
(4,3082)	1:148:A:THR:HB	1:149:A:PHE:HD2	14	1.18
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG2	2	1.18
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG3	2	1.18
(4,3055)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:H	15	1.18
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD11	6	1.18
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD12	6	1.18
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD13	6	1.18
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD21	6	1.18
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD22	6	1.18
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD23	6	1.18
(4,2748)	1:48:A:LEU:HD11	1:202:A:ILE:CD1	17	1.18
(4,2748)	1:48:A:LEU:HD12	1:202:A:ILE:CD1	17	1.18
(4,2748)	1:48:A:LEU:HD13	1:202:A:ILE:CD1	17	1.18
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:HG11	12	1.18
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:HG12	12	1.18
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:HG13	12	1.18
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:HG11	12	1.18
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:HG12	12	1.18
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:HG13	12	1.18
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:HG11	12	1.18
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:HG12	12	1.18
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:HG13	12	1.18
(4,2564)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:H	6	1.18
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:H	4	1.18
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:H	4	1.18
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:H	4	1.18
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:H	4	1.18
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:H	4	1.18
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:H	4	1.18
(4,2399)	1:118:A:SER:HA	1:119:A:GLN:HE21	7	1.18
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HG	16	1.18
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HG	16	1.18
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HG	16	1.18
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HG	16	1.18
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HG	16	1.18
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HG	16	1.18
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG12	16	1.18
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG13	16	1.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG12	16	1.18
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG13	16	1.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG12	19	1.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG13	19	1.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG12	19	1.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG13	19	1.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG12	19	1.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG13	19	1.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG12	19	1.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG13	19	1.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG12	19	1.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG13	19	1.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG12	19	1.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG13	19	1.18
(4,2086)	1:61:A:ILE:HB	1:164:A:ASN:HD21	17	1.18
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	18	1.18
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	18	1.18
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	18	1.18
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB1	20	1.18
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB2	20	1.18
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB3	20	1.18
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB1	20	1.18
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB2	20	1.18
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB3	20	1.18
(4,1959)	1:73:A:ILE:HA	1:75:A:SER:H	3	1.18
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD1	8	1.18
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD2	8	1.18
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD1	8	1.18
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD2	8	1.18
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD1	8	1.18
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD2	8	1.18
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD1	16	1.18
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD2	16	1.18
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD1	16	1.18
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD2	16	1.18
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD1	16	1.18
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD2	16	1.18
(4,1918)	1:39:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:HA	17	1.18
(4,1918)	1:39:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:HA	17	1.18
(4,1918)	1:39:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:HA	17	1.18
(4,1918)	1:39:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:HA	17	1.18
(4,1918)	1:39:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:HA	17	1.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1918)	1:39:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:HA	17	1.18
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	10	1.18
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	10	1.18
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	10	1.18
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	10	1.18
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	10	1.18
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	10	1.18
(4,1626)	1:95:A:ILE:H	1:98:A:SER:HG	18	1.18
(4,1455)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:H	10	1.18
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG2	7	1.18
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG3	7	1.18
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD11	19	1.18
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD12	19	1.18
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD13	19	1.18
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD21	19	1.18
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD22	19	1.18
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD23	19	1.18
(4,1251)	1:147:A:GLN:HA	1:149:A:PHE:H	19	1.18
(4,1220)	1:149:A:PHE:HB3	1:151:A:THR:H	20	1.18
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE21	18	1.18
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE21	18	1.18
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD21	10	1.18
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD22	10	1.18
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD23	10	1.18
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD1	9	1.18
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD2	9	1.18
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE1	17	1.18
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE2	17	1.18
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG12	14	1.18
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG13	14	1.18
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG12	14	1.18
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG13	14	1.18
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG12	14	1.18
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG13	14	1.18
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG12	14	1.18
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG13	14	1.18
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG12	14	1.18
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG13	14	1.18
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG12	14	1.18
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG13	14	1.18
(4,1010)	1:177:A:ILE:HG12	1:194:A:SER:H	3	1.18
(4,1010)	1:177:A:ILE:HG13	1:194:A:SER:H	3	1.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD1	13	1.18
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD2	13	1.18
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD2	15	1.18
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD3	15	1.18
(4,706)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HA	6	1.18
(4,627)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HG	3	1.18
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD1	11	1.18
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD2	11	1.18
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD1	11	1.18
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD2	11	1.18
(4,574)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:CD2	5	1.18
(4,574)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:CD2	5	1.18
(4,574)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:CD2	5	1.18
(4,574)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:CD2	5	1.18
(4,574)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:CD2	5	1.18
(4,574)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:CD2	5	1.18
(4,509)	1:73:A:ILE:HD11	1:77:A:TYR:HD1	17	1.18
(4,509)	1:73:A:ILE:HD11	1:77:A:TYR:HD2	17	1.18
(4,509)	1:73:A:ILE:HD12	1:77:A:TYR:HD1	17	1.18
(4,509)	1:73:A:ILE:HD12	1:77:A:TYR:HD2	17	1.18
(4,509)	1:73:A:ILE:HD13	1:77:A:TYR:HD1	17	1.18
(4,509)	1:73:A:ILE:HD13	1:77:A:TYR:HD2	17	1.18
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG21	1	1.18
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG22	1	1.18
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG23	1	1.18
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB1	12	1.18
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB2	12	1.18
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB3	12	1.18
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB1	12	1.18
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB2	12	1.18
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB3	12	1.18
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB1	12	1.18
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB2	12	1.18
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB3	12	1.18
(4,382)	1:32:A:ALA:HB1	1:233:A:PRO:HB2	19	1.18
(4,382)	1:32:A:ALA:HB2	1:233:A:PRO:HB2	19	1.18
(4,382)	1:32:A:ALA:HB3	1:233:A:PRO:HB2	19	1.18
(4,241)	1:59:A:PHE:HD1	1:226:A:PHE:HB2	12	1.18
(4,241)	1:59:A:PHE:HD2	1:226:A:PHE:HB2	12	1.18
(4,165)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	10	1.18
(4,165)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	10	1.18
(4,165)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	10	1.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD11	6	1.18
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD12	6	1.18
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD13	6	1.18
(4,84)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:H	2	1.18
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD21	16	1.18
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD22	16	1.18
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD21	16	1.18
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD22	16	1.18
(4,42)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE22	1	1.18
(4,42)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE22	1	1.18
(4,42)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE22	1	1.18
(4,42)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE22	1	1.18
(4,42)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE22	1	1.18
(4,42)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE22	1	1.18
(1,554)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	18	1.18
(1,220)	1:225:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	6	1.18
(1,219)	1:183:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	1	1.18
(1,188)	1:161:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	5	1.18
(1,165)	1:180:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	15	1.18
(5,708)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	13	1.17
(5,655)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	1	1.17
(5,615)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	17	1.17
(5,485)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	2	1.17
(5,131)	1:140:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	14	1.17
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG11	12	1.17
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG12	12	1.17
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG13	12	1.17
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG21	1:192:A:GLY:HA2	8	1.17
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG22	1:192:A:GLY:HA2	8	1.17
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG23	1:192:A:GLY:HA2	8	1.17
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE21	6	1.17
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE22	6	1.17
(4,4214)	1:55:A:ILE:H	1:56:A:VAL:HB	14	1.17
(4,4170)	1:169:A:THR:HG21	1:171:A:VAL:H	16	1.17
(4,4170)	1:169:A:THR:HG22	1:171:A:VAL:H	16	1.17
(4,4170)	1:169:A:THR:HG23	1:171:A:VAL:H	16	1.17
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD11	2	1.17
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD12	2	1.17
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD13	2	1.17
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD21	2	1.17
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD22	2	1.17
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD23	2	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	9	1.17
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	9	1.17
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	9	1.17
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	9	1.17
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	9	1.17
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	9	1.17
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	9	1.17
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	9	1.17
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	9	1.17
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	9	1.17
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	9	1.17
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	9	1.17
(4,3979)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:HA	8	1.17
(4,3935)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD1	18	1.17
(4,3935)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD2	18	1.17
(4,3935)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD1	18	1.17
(4,3935)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD2	18	1.17
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:H	4	1.17
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:H	4	1.17
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:H	4	1.17
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD22	12	1.17
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD22	12	1.17
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD22	12	1.17
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD22	12	1.17
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD22	12	1.17
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD22	12	1.17
(4,3755)	1:44:A:LEU:HD11	1:47:A:PHE:H	12	1.17
(4,3755)	1:44:A:LEU:HD12	1:47:A:PHE:H	12	1.17
(4,3755)	1:44:A:LEU:HD13	1:47:A:PHE:H	12	1.17
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	1	1.17
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	1	1.17
(4,3544)	1:76:A:SER:HA	1:78:A:ASP:H	2	1.17
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG21	3	1.17
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG22	3	1.17
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG23	3	1.17
(4,3471)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD21	4	1.17
(4,3471)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD22	4	1.17
(4,3471)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD23	4	1.17
(4,3201)	1:169:A:THR:H	1:179:A:GLU:HG2	5	1.17
(4,3201)	1:169:A:THR:H	1:179:A:GLU:HG3	5	1.17
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG12	8	1.17
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG13	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3075)	1:74:A:THR:H	1:77:A:TYR:H	16	1.17
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG2	17	1.17
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG3	17	1.17
(4,3052)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD21	15	1.17
(4,3052)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD22	15	1.17
(4,3052)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD23	15	1.17
(4,2985)	1:171:A:VAL:HB	1:172:A:GLU:HG2	16	1.17
(4,2985)	1:171:A:VAL:HB	1:172:A:GLU:HG3	16	1.17
(4,2978)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:HA	4	1.17
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG11	16	1.17
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG12	16	1.17
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG13	16	1.17
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA2	3	1.17
(4,2937)	1:11:A:ILE:H	1:91:A:GLY:HA3	3	1.17
(4,2814)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE21	16	1.17
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD11	1:145:A:ASN:H	6	1.17
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD12	1:145:A:ASN:H	6	1.17
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD13	1:145:A:ASN:H	6	1.17
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB2	12	1.17
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB3	12	1.17
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB2	12	1.17
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB3	12	1.17
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB2	12	1.17
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB3	12	1.17
(4,2548)	1:94:A:ALA:HB1	1:169:A:THR:HG1	1	1.17
(4,2548)	1:94:A:ALA:HB2	1:169:A:THR:HG1	1	1.17
(4,2548)	1:94:A:ALA:HB3	1:169:A:THR:HG1	1	1.17
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD21	1:102:A:ASN:HD21	9	1.17
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD21	1:102:A:ASN:HD22	9	1.17
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD22	1:102:A:ASN:HD21	9	1.17
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD22	1:102:A:ASN:HD22	9	1.17
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG2	11	1.17
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG3	11	1.17
(4,2431)	1:161:A:ALA:H	1:162:A:ASP:H	1	1.17
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:H	18	1.17
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:H	18	1.17
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:H	18	1.17
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD11	3	1.17
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD12	3	1.17
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD13	3	1.17
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD21	3	1.17
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD22	3	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD23	3	1.17
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD1	1:177:A:ILE:HG21	7	1.17
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD1	1:177:A:ILE:HG22	7	1.17
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD1	1:177:A:ILE:HG23	7	1.17
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD2	1:177:A:ILE:HG21	7	1.17
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD2	1:177:A:ILE:HG22	7	1.17
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD2	1:177:A:ILE:HG23	7	1.17
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	16	1.17
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	16	1.17
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:H	19	1.17
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:H	19	1.17
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:H	19	1.17
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	13	1.17
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	13	1.17
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	13	1.17
(4,2162)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	8	1.17
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB2	10	1.17
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB3	10	1.17
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB2	10	1.17
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB3	10	1.17
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB2	10	1.17
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB3	10	1.17
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD21	10	1.17
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD22	10	1.17
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD23	10	1.17
(4,1955)	1:72:A:GLN:HB2	1:74:A:THR:H	6	1.17
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:H	6	1.17
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:H	6	1.17
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:H	6	1.17
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD21	1:139:A:LEU:H	6	1.17
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD22	1:139:A:LEU:H	6	1.17
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD23	1:139:A:LEU:H	6	1.17
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:H	16	1.17
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:H	16	1.17
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:H	16	1.17
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD21	1:139:A:LEU:H	16	1.17
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD22	1:139:A:LEU:H	16	1.17
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD23	1:139:A:LEU:H	16	1.17
(4,1820)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA3	2	1.17
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:H	10	1.17
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:H	10	1.17
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:H	10	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:H	12	1.17
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:H	12	1.17
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:H	12	1.17
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HZ3	9	1.17
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HZ3	9	1.17
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HZ3	9	1.17
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HZ3	9	1.17
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HZ3	9	1.17
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HZ3	9	1.17
(4,1496)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HB2	20	1.17
(4,1496)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HB3	20	1.17
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD1	15	1.17
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD2	15	1.17
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD21	1:96:A:LEU:H	8	1.17
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD22	1:96:A:LEU:H	8	1.17
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD23	1:96:A:LEU:H	8	1.17
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG21	15	1.17
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG22	15	1.17
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG23	15	1.17
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG11	13	1.17
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG12	13	1.17
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG13	13	1.17
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD2	18	1.17
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD3	18	1.17
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD2	18	1.17
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD3	18	1.17
(4,1275)	1:64:A:ASP:HA	1:217:A:ASN:HB2	19	1.17
(4,1275)	1:64:A:ASP:HA	1:217:A:ASN:HB3	19	1.17
(4,1242)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:H	16	1.17
(4,1155)	1:112:A:LEU:HD11	1:114:A:ASN:H	17	1.17
(4,1155)	1:112:A:LEU:HD12	1:114:A:ASN:H	17	1.17
(4,1155)	1:112:A:LEU:HD13	1:114:A:ASN:H	17	1.17
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD11	11	1.17
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD12	11	1.17
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD13	11	1.17
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD21	11	1.17
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD22	11	1.17
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD23	11	1.17
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD11	11	1.17
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD12	11	1.17
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD13	11	1.17
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD21	11	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD22	11	1.17
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD23	11	1.17
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD11	1	1.17
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD12	1	1.17
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD13	1	1.17
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD21	1	1.17
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD22	1	1.17
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD23	1	1.17
(4,961)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HG2	1	1.17
(4,961)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HG3	1	1.17
(4,961)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HG2	1	1.17
(4,961)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HG3	1	1.17
(4,961)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HG2	1	1.17
(4,961)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HG3	1	1.17
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD2	10	1.17
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD3	10	1.17
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB1	11	1.17
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB2	11	1.17
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB3	11	1.17
(4,786)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:H	18	1.17
(4,786)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:H	18	1.17
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD11	20	1.17
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD12	20	1.17
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD13	20	1.17
(4,592)	1:81:A:TRP:HE1	1:181:A:ASP:H	5	1.17
(4,589)	1:83:A:LYS:HA	1:183:A:ARG:H	11	1.17
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG21	2	1.17
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG22	2	1.17
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG23	2	1.17
(4,382)	1:32:A:ALA:HB1	1:233:A:PRO:HB2	15	1.17
(4,382)	1:32:A:ALA:HB2	1:233:A:PRO:HB2	15	1.17
(4,382)	1:32:A:ALA:HB3	1:233:A:PRO:HB2	15	1.17
(4,347)	1:39:A:LEU:HD11	1:55:A:ILE:CD1	4	1.17
(4,347)	1:39:A:LEU:HD12	1:55:A:ILE:CD1	4	1.17
(4,347)	1:39:A:LEU:HD13	1:55:A:ILE:CD1	4	1.17
(4,347)	1:39:A:LEU:HD21	1:55:A:ILE:CD1	4	1.17
(4,347)	1:39:A:LEU:HD22	1:55:A:ILE:CD1	4	1.17
(4,347)	1:39:A:LEU:HD23	1:55:A:ILE:CD1	4	1.17
(4,341)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HB	14	1.17
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD21	17	1.17
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD22	17	1.17
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD23	17	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD11	3	1.17
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD12	3	1.17
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD13	3	1.17
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD21	9	1.17
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD22	9	1.17
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD23	9	1.17
(4,84)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:H	13	1.17
(4,84)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:H	16	1.17
(4,59)	1:20:A:ASN:HD21	1:24:A:LYS:H	7	1.17
(4,59)	1:20:A:ASN:HD21	1:24:A:LYS:H	19	1.17
(2,396)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	9	1.17
(1,558)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	3	1.17
(1,538)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	15	1.17
(1,452)	1:5:A:ASN:ND2	1:170:A:TYR:H	14	1.17
(1,275)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	9	1.17
(1,176)	1:84:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	12	1.17
(5,748)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	5	1.16
(5,656)	1:5:A:ASN:ND2	1:78:A:ASP:H	6	1.16
(5,651)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	11	1.16
(5,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	6	1.16
(5,406)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	6	1.16
(5,405)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	10	1.16
(5,355)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	6	1.16
(5,314)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	1	1.16
(5,23)	1:13:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	20	1.16
(5,14)	1:87:A:LYS:H	1:104:A:SER:OG	4	1.16
(4,4311)	1:177:A:ILE:H	1:195:A:ASP:H	18	1.16
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD11	11	1.16
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD12	11	1.16
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD13	11	1.16
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD21	11	1.16
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD22	11	1.16
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD23	11	1.16
(4,4274)	1:171:A:VAL:H	1:179:A:GLU:H	18	1.16
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	19	1.16
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	19	1.16
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	19	1.16
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD11	19	1.16
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD12	19	1.16
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD13	19	1.16
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE1	19	1.16
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE2	19	1.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3926)	1:15:A:PRO:HG3	1:34:A:PHE:HA	10	1.16
(4,3753)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:H	6	1.16
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD21	1:120:A:SER:H	3	1.16
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD22	1:120:A:SER:H	3	1.16
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD23	1:120:A:SER:H	3	1.16
(4,3680)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	2	1.16
(4,3680)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	4	1.16
(4,3659)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:H	1	1.16
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB1	14	1.16
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB2	14	1.16
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB3	14	1.16
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG2	1:147:A:GLN:H	20	1.16
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG3	1:147:A:GLN:H	20	1.16
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD21	6	1.16
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD22	6	1.16
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD23	6	1.16
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG12	8	1.16
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG13	8	1.16
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG12	8	1.16
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG13	8	1.16
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG12	8	1.16
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG13	8	1.16
(4,3491)	1:25:A:LEU:HD11	1:92:A:LEU:CD1	8	1.16
(4,3491)	1:25:A:LEU:HD12	1:92:A:LEU:CD1	8	1.16
(4,3491)	1:25:A:LEU:HD13	1:92:A:LEU:CD1	8	1.16
(4,3491)	1:25:A:LEU:HD21	1:92:A:LEU:CD1	8	1.16
(4,3491)	1:25:A:LEU:HD22	1:92:A:LEU:CD1	8	1.16
(4,3491)	1:25:A:LEU:HD23	1:92:A:LEU:CD1	8	1.16
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG2	1:125:A:SER:H	17	1.16
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG3	1:125:A:SER:H	17	1.16
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD21	13	1.16
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD22	13	1.16
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD21	13	1.16
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD22	13	1.16
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD21	13	1.16
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD22	13	1.16
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD21	13	1.16
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD22	13	1.16
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD21	13	1.16
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD22	13	1.16
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD21	13	1.16
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD22	13	1.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3400)	1:234:A:ASN:HD22	1:236:A:GLU:H	19	1.16
(4,3280)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB2	8	1.16
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:CG2	10	1.16
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:CG2	10	1.16
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:CG2	10	1.16
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD2	1:128:A:ARG:H	3	1.16
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD3	1:128:A:ARG:H	3	1.16
(4,3032)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE22	1	1.16
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD11	14	1.16
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD12	14	1.16
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD13	14	1.16
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD11	14	1.16
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD12	14	1.16
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD13	14	1.16
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD11	14	1.16
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD12	14	1.16
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD13	14	1.16
(4,2838)	1:73:A:ILE:H	1:75:A:SER:H	15	1.16
(4,2564)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:H	12	1.16
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	4	1.16
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	4	1.16
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:H	1	1.16
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:H	1	1.16
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:H	1	1.16
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:H	1	1.16
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:H	1	1.16
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:H	1	1.16
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:H	11	1.16
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:H	11	1.16
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:H	11	1.16
(4,2301)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:H	3	1.16
(4,2263)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:H	12	1.16
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG11	1	1.16
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG12	1	1.16
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG13	1	1.16
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG11	12	1.16
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG12	12	1.16
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG13	12	1.16
(4,2241)	1:150:A:SER:HA	1:152:A:GLY:H	16	1.16
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD11	12	1.16
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD12	12	1.16
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD13	12	1.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD11	12	1.16
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD12	12	1.16
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD13	12	1.16
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD11	12	1.16
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD12	12	1.16
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD13	12	1.16
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD11	12	1.16
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD12	12	1.16
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD13	12	1.16
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD11	12	1.16
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD12	12	1.16
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD13	12	1.16
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD11	12	1.16
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD12	12	1.16
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD13	12	1.16
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD11	1:164:A:ASN:HD21	20	1.16
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD12	1:164:A:ASN:HD21	20	1.16
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD13	1:164:A:ASN:HD21	20	1.16
(4,2162)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	10	1.16
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG21	1:54:A:ALA:HA	11	1.16
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG22	1:54:A:ALA:HA	11	1.16
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG23	1:54:A:ALA:HA	11	1.16
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG11	16	1.16
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG12	16	1.16
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG13	16	1.16
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG21	16	1.16
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG22	16	1.16
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG23	16	1.16
(4,2137)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:H	1	1.16
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:H	15	1.16
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:H	15	1.16
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG11	1:18:A:PHE:HE1	9	1.16
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG11	1:18:A:PHE:HE2	9	1.16
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG12	1:18:A:PHE:HE1	9	1.16
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG12	1:18:A:PHE:HE2	9	1.16
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG13	1:18:A:PHE:HE1	9	1.16
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG13	1:18:A:PHE:HE2	9	1.16
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG21	1:18:A:PHE:HE1	9	1.16
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG21	1:18:A:PHE:HE2	9	1.16
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG22	1:18:A:PHE:HE1	9	1.16
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG22	1:18:A:PHE:HE2	9	1.16
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG23	1:18:A:PHE:HE1	9	1.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG23	1:18:A:PHE:HE2	9	1.16
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD11	13	1.16
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD12	13	1.16
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD13	13	1.16
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD21	13	1.16
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD22	13	1.16
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD23	13	1.16
(4,1651)	1:59:A:PHE:H	1:165:A:LEU:HB2	13	1.16
(4,1560)	1:80:A:ILE:HB	1:101:A:ASN:HD21	11	1.16
(4,1560)	1:80:A:ILE:HB	1:101:A:ASN:HD22	11	1.16
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB3	4	1.16
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB3	4	1.16
(4,1473)	1:195:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE22	11	1.16
(4,1455)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:H	11	1.16
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD1	13	1.16
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD2	13	1.16
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG21	12	1.16
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG22	12	1.16
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG23	12	1.16
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG21	12	1.16
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG22	12	1.16
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG23	12	1.16
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG21	12	1.16
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG22	12	1.16
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG23	12	1.16
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG21	12	1.16
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG22	12	1.16
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG23	12	1.16
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD21	1:114:A:ASN:H	14	1.16
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD22	1:114:A:ASN:H	14	1.16
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD23	1:114:A:ASN:H	14	1.16
(4,1134)	1:151:A:THR:H	1:152:A:GLY:H	20	1.16
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE1	15	1.16
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE2	15	1.16
(4,1045)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HB2	17	1.16
(4,1045)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HB3	17	1.16
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB1	5	1.16
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB2	5	1.16
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB3	5	1.16
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB1	5	1.16
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB2	5	1.16
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB3	5	1.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB1	5	1.16
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB2	5	1.16
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB3	5	1.16
(4,1002)	1:118:A:SER:H	1:119:A:GLN:HE22	15	1.16
(4,887)	1:100:A:SER:HB2	1:127:A:ASN:HA	7	1.16
(4,887)	1:100:A:SER:HB3	1:127:A:ASN:HA	7	1.16
(4,871)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HD1	5	1.16
(4,871)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HD2	5	1.16
(4,871)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HD1	5	1.16
(4,871)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HD2	5	1.16
(4,871)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HD1	5	1.16
(4,871)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HD2	5	1.16
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD21	10	1.16
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD22	10	1.16
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD11	14	1.16
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD12	14	1.16
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD13	14	1.16
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD21	14	1.16
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD22	14	1.16
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD23	14	1.16
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD11	14	1.16
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD12	14	1.16
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD13	14	1.16
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD21	14	1.16
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD22	14	1.16
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD23	14	1.16
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD11	14	1.16
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD12	14	1.16
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD13	14	1.16
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD21	14	1.16
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD22	14	1.16
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD23	14	1.16
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	12	1.16
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	12	1.16
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	12	1.16
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD11	11	1.16
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD12	11	1.16
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD13	11	1.16
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD21	11	1.16
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD22	11	1.16
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD23	11	1.16
(4,661)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:HE22	9	1.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,661)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:HE22	9	1.16
(4,646)	1:90:A:CYS:H	1:93:A:TYR:HD1	8	1.16
(4,646)	1:90:A:CYS:H	1:93:A:TYR:HD2	8	1.16
(4,638)	1:73:A:ILE:HG21	1:186:A:SER:H	9	1.16
(4,638)	1:73:A:ILE:HG22	1:186:A:SER:H	9	1.16
(4,638)	1:73:A:ILE:HG23	1:186:A:SER:H	9	1.16
(4,629)	1:57:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:H	1	1.16
(4,629)	1:57:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:H	1	1.16
(4,629)	1:57:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:H	1	1.16
(4,626)	1:120:A:SER:HA	1:126:A:LYS:HA	12	1.16
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB2	16	1.16
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB3	16	1.16
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD1	17	1.16
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD2	17	1.16
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD21	2	1.16
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD22	2	1.16
(4,476)	1:206:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:H	17	1.16
(4,476)	1:206:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:H	17	1.16
(4,476)	1:206:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:H	17	1.16
(4,433)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:H	16	1.16
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB1	2	1.16
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB2	2	1.16
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB3	2	1.16
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB1	2	1.16
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB2	2	1.16
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB3	2	1.16
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB1	2	1.16
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB2	2	1.16
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB3	2	1.16
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD21	7	1.16
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD22	7	1.16
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD23	7	1.16
(4,360)	1:231:A:LEU:HD11	1:234:A:ASN:H	14	1.16
(4,360)	1:231:A:LEU:HD12	1:234:A:ASN:H	14	1.16
(4,360)	1:231:A:LEU:HD13	1:234:A:ASN:H	14	1.16
(4,360)	1:231:A:LEU:HD21	1:234:A:ASN:H	14	1.16
(4,360)	1:231:A:LEU:HD22	1:234:A:ASN:H	14	1.16
(4,360)	1:231:A:LEU:HD23	1:234:A:ASN:H	14	1.16
(4,194)	1:146:A:VAL:HA	1:150:A:SER:H	2	1.16
(4,120)	1:118:A:SER:HB2	1:119:A:GLN:HE21	13	1.16
(4,120)	1:118:A:SER:HB3	1:119:A:GLN:HE21	13	1.16
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD11	4	1.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD12	4	1.16
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD13	4	1.16
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD21	20	1.16
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD22	20	1.16
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD23	20	1.16
(4,84)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:H	5	1.16
(4,84)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:H	6	1.16
(4,82)	1:34:A:PHE:HE1	1:235:A:TRP:H	14	1.16
(4,82)	1:34:A:PHE:HE2	1:235:A:TRP:H	14	1.16
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD21	3	1.16
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD22	3	1.16
(2,512)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	14	1.16
(1,378)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	5	1.16
(1,209)	1:21:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	14	1.16
(5,686)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	18	1.15
(5,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	9	1.15
(5,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	20	1.15
(5,354)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	2	1.15
(5,275)	1:40:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	8	1.15
(5,73)	1:89:A:ALA:H	1:104:A:SER:OG	6	1.15
(4,4152)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HA	7	1.15
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD11	12	1.15
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD12	12	1.15
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD13	12	1.15
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD21	12	1.15
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD22	12	1.15
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD23	12	1.15
(4,4081)	1:168:A:ILE:H	1:169:A:THR:HG1	11	1.15
(4,3935)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD1	14	1.15
(4,3935)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD2	14	1.15
(4,3935)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD1	14	1.15
(4,3935)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD2	14	1.15
(4,3864)	1:73:A:ILE:H	1:187:A:GLY:H	17	1.15
(4,3713)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HA	9	1.15
(4,3713)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HA	9	1.15
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD21	4	1.15
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD22	4	1.15
(4,3544)	1:76:A:SER:HA	1:78:A:ASP:H	1	1.15
(4,3544)	1:76:A:SER:HA	1:78:A:ASP:H	4	1.15
(4,3544)	1:76:A:SER:HA	1:78:A:ASP:H	8	1.15
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	5	1.15
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	5	1.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	5	1.15
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG21	1:201:A:LEU:HB2	5	1.15
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG22	1:201:A:LEU:HB2	5	1.15
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG23	1:201:A:LEU:HB2	5	1.15
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD11	6	1.15
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD12	6	1.15
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD13	6	1.15
(4,3032)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE22	7	1.15
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG21	8	1.15
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG22	8	1.15
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG23	8	1.15
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG21	8	1.15
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG22	8	1.15
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG23	8	1.15
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG21	8	1.15
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG22	8	1.15
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG23	8	1.15
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD21	18	1.15
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD22	18	1.15
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD23	18	1.15
(4,2625)	1:99:A:LEU:H	1:100:A:SER:HG	16	1.15
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG12	1:206:A:LEU:H	13	1.15
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG13	1:206:A:LEU:H	13	1.15
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD1	18	1.15
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD2	18	1.15
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD11	15	1.15
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD12	15	1.15
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD13	15	1.15
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:H	7	1.15
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:H	7	1.15
(4,2489)	1:152:A:GLY:H	1:154:A:SER:H	8	1.15
(4,2439)	1:79:A:VAL:HG21	1:188:A:PRO:HB2	11	1.15
(4,2439)	1:79:A:VAL:HG22	1:188:A:PRO:HB2	11	1.15
(4,2439)	1:79:A:VAL:HG23	1:188:A:PRO:HB2	11	1.15
(4,2431)	1:161:A:ALA:H	1:162:A:ASP:H	11	1.15
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:H	12	1.15
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:H	12	1.15
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:H	12	1.15
(4,2341)	1:32:A:ALA:H	1:231:A:LEU:HD21	9	1.15
(4,2341)	1:32:A:ALA:H	1:231:A:LEU:HD22	9	1.15
(4,2341)	1:32:A:ALA:H	1:231:A:LEU:HD23	9	1.15
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:HB2	20	1.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:HB2	20	1.15
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:HB2	20	1.15
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB2	20	1.15
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB2	20	1.15
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB2	20	1.15
(4,2279)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HB2	19	1.15
(4,2279)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HB3	19	1.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD11	12	1.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD12	12	1.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD13	12	1.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD21	12	1.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD22	12	1.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD23	12	1.15
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD11	14	1.15
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD12	14	1.15
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD13	14	1.15
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD21	14	1.15
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD22	14	1.15
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD23	14	1.15
(4,2183)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HD1	11	1.15
(4,2183)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HD2	11	1.15
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG12	15	1.15
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG13	15	1.15
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG12	15	1.15
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG13	15	1.15
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG12	15	1.15
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG13	15	1.15
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG12	15	1.15
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG13	15	1.15
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG12	15	1.15
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG13	15	1.15
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG12	15	1.15
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG13	15	1.15
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD1	1	1.15
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD2	1	1.15
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:H	15	1.15
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:H	15	1.15
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:H	15	1.15
(4,2005)	1:147:A:GLN:HE22	1:148:A:THR:H	6	1.15
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD1	12	1.15
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD2	12	1.15
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD1	12	1.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD2	12	1.15
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD1	12	1.15
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD2	12	1.15
(4,1907)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:H	12	1.15
(4,1907)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:H	12	1.15
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	8	1.15
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	8	1.15
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	8	1.15
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	8	1.15
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	8	1.15
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	8	1.15
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD2	5	1.15
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD3	5	1.15
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD2	5	1.15
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD3	5	1.15
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	13	1.15
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	13	1.15
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	13	1.15
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	13	1.15
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	13	1.15
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	13	1.15
(4,1604)	1:233:A:PRO:HB3	1:235:A:TRP:HE1	19	1.15
(4,1603)	1:97:A:HIS:HD1	1:182:A:GLY:H	8	1.15
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD1	2	1.15
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD2	2	1.15
(4,1492)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG3	15	1.15
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG11	15	1.15
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG12	15	1.15
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG13	15	1.15
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG11	1	1.15
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG12	1	1.15
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG13	1	1.15
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB2	14	1.15
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB3	14	1.15
(4,1292)	1:98:A:SER:HB2	1:102:A:ASN:HD21	16	1.15
(4,1292)	1:98:A:SER:HB2	1:102:A:ASN:HD22	16	1.15
(4,1292)	1:98:A:SER:HB3	1:102:A:ASN:HD21	16	1.15
(4,1292)	1:98:A:SER:HB3	1:102:A:ASN:HD22	16	1.15
(4,1224)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:H	4	1.15
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD21	17	1.15
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD22	17	1.15
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD23	17	1.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1143)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:H	5	1.15
(4,1041)	1:23:A:HIS:HD2	1:31:A:TRP:H	10	1.15
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG11	1:167:A:TYR:HE1	2	1.15
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG11	1:167:A:TYR:HE2	2	1.15
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG12	1:167:A:TYR:HE1	2	1.15
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG12	1:167:A:TYR:HE2	2	1.15
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG13	1:167:A:TYR:HE1	2	1.15
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG13	1:167:A:TYR:HE2	2	1.15
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG11	1:167:A:TYR:HE1	17	1.15
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG11	1:167:A:TYR:HE2	17	1.15
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG12	1:167:A:TYR:HE1	17	1.15
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG12	1:167:A:TYR:HE2	17	1.15
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG13	1:167:A:TYR:HE1	17	1.15
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG13	1:167:A:TYR:HE2	17	1.15
(4,987)	1:19:A:THR:HG1	1:21:A:PHE:H	13	1.15
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB2	7	1.15
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB3	7	1.15
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB2	7	1.15
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB3	7	1.15
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB2	7	1.15
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB3	7	1.15
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD2	19	1.15
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD3	19	1.15
(4,819)	1:149:A:PHE:HA	1:151:A:THR:HA	10	1.15
(4,801)	1:48:A:LEU:HD21	1:201:A:LEU:H	17	1.15
(4,801)	1:48:A:LEU:HD22	1:201:A:LEU:H	17	1.15
(4,801)	1:48:A:LEU:HD23	1:201:A:LEU:H	17	1.15
(4,593)	1:17:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:CG2	13	1.15
(4,593)	1:17:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:CG2	13	1.15
(4,593)	1:17:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:CG2	13	1.15
(4,593)	1:17:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:CG2	13	1.15
(4,593)	1:17:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:CG2	13	1.15
(4,593)	1:17:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:CG2	13	1.15
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD11	5	1.15
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD12	5	1.15
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD13	5	1.15
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD21	5	1.15
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD22	5	1.15
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD23	5	1.15
(4,341)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HB	20	1.15
(4,269)	1:144:A:GLU:HB2	1:147:A:GLN:HE21	15	1.15
(4,269)	1:144:A:GLU:HB2	1:147:A:GLN:HE22	15	1.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,269)	1:144:A:GLU:HB3	1:147:A:GLN:HE21	15	1.15
(4,269)	1:144:A:GLU:HB3	1:147:A:GLN:HE22	15	1.15
(4,203)	1:110:A:SER:HG	1:114:A:ASN:H	20	1.15
(4,142)	1:190:A:TYR:HA	1:191:A:LEU:HG	13	1.15
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD21	5	1.15
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD22	5	1.15
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG21	10	1.15
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG22	10	1.15
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG23	10	1.15
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD11	17	1.15
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD12	17	1.15
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD13	17	1.15
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD21	17	1.15
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD22	17	1.15
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD23	17	1.15
(2,295)	1:12:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	1	1.15
(1,322)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	15	1.15
(1,205)	1:62:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	16	1.15
(1,135)	1:213:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	13	1.15
(1,97)	1:218:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	13	1.15
(1,83)	1:36:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	9	1.15
(5,830)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	2	1.14
(5,733)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	9	1.14
(5,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	6	1.14
(5,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	1	1.14
(5,458)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	17	1.14
(5,444)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	8	1.14
(5,131)	1:140:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	10	1.14
(4,4311)	1:177:A:ILE:H	1:195:A:ASP:H	3	1.14
(4,4311)	1:177:A:ILE:H	1:195:A:ASP:H	7	1.14
(4,4246)	1:62:A:ASN:H	1:65:A:ARG:H	15	1.14
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD21	20	1.14
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD22	20	1.14
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	8	1.14
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	8	1.14
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	16	1.14
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	16	1.14
(4,3926)	1:15:A:PRO:HG3	1:34:A:PHE:HA	6	1.14
(4,3863)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE22	17	1.14
(4,3813)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD11	12	1.14
(4,3813)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD12	12	1.14
(4,3813)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD13	12	1.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3680)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	12	1.14
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:HA	13	1.14
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:HA	13	1.14
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:HA	13	1.14
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:HA	13	1.14
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:HA	13	1.14
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:HA	13	1.14
(4,3587)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:H	5	1.14
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD11	1:58:A:LEU:HG	3	1.14
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD12	1:58:A:LEU:HG	3	1.14
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD13	1:58:A:LEU:HG	3	1.14
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD21	10	1.14
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD22	10	1.14
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD23	10	1.14
(4,3544)	1:76:A:SER:HA	1:78:A:ASP:H	17	1.14
(4,3544)	1:76:A:SER:HA	1:78:A:ASP:H	18	1.14
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	2	1.14
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	2	1.14
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	2	1.14
(4,3472)	1:9:A:VAL:H	1:152:A:GLY:H	19	1.14
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG11	1:173:A:GLU:H	15	1.14
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG12	1:173:A:GLU:H	15	1.14
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG13	1:173:A:GLU:H	15	1.14
(4,3375)	1:11:A:ILE:H	1:227:A:ALA:H	17	1.14
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	8	1.14
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	8	1.14
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	8	1.14
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	8	1.14
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	8	1.14
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	8	1.14
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD11	11	1.14
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD12	11	1.14
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD13	11	1.14
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD21	11	1.14
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD22	11	1.14
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD23	11	1.14
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD11	11	1.14
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD12	11	1.14
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD13	11	1.14
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD21	11	1.14
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD22	11	1.14
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD23	11	1.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3179)	1:185:A:LEU:HD11	1:187:A:GLY:H	1	1.14
(4,3179)	1:185:A:LEU:HD12	1:187:A:GLY:H	1	1.14
(4,3179)	1:185:A:LEU:HD13	1:187:A:GLY:H	1	1.14
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD2	1:128:A:ARG:H	15	1.14
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD3	1:128:A:ARG:H	15	1.14
(4,3160)	1:64:A:ASP:HB2	1:66:A:LYS:H	19	1.14
(4,3160)	1:64:A:ASP:HB3	1:66:A:LYS:H	19	1.14
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD2	13	1.14
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD3	13	1.14
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD2	13	1.14
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD3	13	1.14
(4,3062)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HB3	11	1.14
(4,2966)	1:82:A:PHE:H	1:97:A:HIS:HA	11	1.14
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD21	1:221:A:GLU:HG2	10	1.14
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD21	1:221:A:GLU:HG3	10	1.14
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:HG2	10	1.14
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:HG3	10	1.14
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD21	1:221:A:GLU:HG2	17	1.14
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD21	1:221:A:GLU:HG3	17	1.14
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:HG2	17	1.14
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:HG3	17	1.14
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD11	9	1.14
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD12	9	1.14
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD13	9	1.14
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD11	16	1.14
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD12	16	1.14
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD13	16	1.14
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	7	1.14
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	7	1.14
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	7	1.14
(4,2289)	1:82:A:PHE:HZ	1:97:A:HIS:H	15	1.14
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	16	1.14
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	16	1.14
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	16	1.14
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD11	3	1.14
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD12	3	1.14
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD13	3	1.14
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB1	13	1.14
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB2	13	1.14
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB3	13	1.14
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB1	13	1.14
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB2	13	1.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB3	13	1.14
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG11	8	1.14
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG12	8	1.14
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG13	8	1.14
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:H	19	1.14
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:H	19	1.14
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:H	19	1.14
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD21	1:139:A:LEU:H	19	1.14
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD22	1:139:A:LEU:H	19	1.14
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD23	1:139:A:LEU:H	19	1.14
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	5	1.14
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	5	1.14
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	5	1.14
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	5	1.14
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	5	1.14
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	5	1.14
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	15	1.14
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	15	1.14
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	15	1.14
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD2	1:84:A:GLN:HB2	7	1.14
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD2	1:84:A:GLN:HB3	7	1.14
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD3	1:84:A:GLN:HB2	7	1.14
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD3	1:84:A:GLN:HB3	7	1.14
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG21	1:215:A:MET:H	18	1.14
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG22	1:215:A:MET:H	18	1.14
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG23	1:215:A:MET:H	18	1.14
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD11	1:100:A:SER:H	16	1.14
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD12	1:100:A:SER:H	16	1.14
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD13	1:100:A:SER:H	16	1.14
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	16	1.14
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	16	1.14
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	16	1.14
(4,1685)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG21	17	1.14
(4,1685)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG22	17	1.14
(4,1685)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG23	17	1.14
(4,1651)	1:59:A:PHE:H	1:165:A:LEU:HB2	12	1.14
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB2	15	1.14
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB3	15	1.14
(4,1647)	1:157:A:PRO:HA	1:159:A:ALA:H	19	1.14
(4,1644)	1:31:A:TRP:HE3	1:232:A:GLY:H	12	1.14
(4,1551)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD11	4	1.14
(4,1551)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD12	4	1.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1551)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD13	4	1.14
(4,1534)	1:38:A:SER:HB2	1:44:A:LEU:HA	13	1.14
(4,1534)	1:38:A:SER:HB3	1:44:A:LEU:HA	13	1.14
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HB2	2	1.14
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HB3	2	1.14
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HB2	2	1.14
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HB3	2	1.14
(4,1350)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD11	11	1.14
(4,1350)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD12	11	1.14
(4,1350)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD13	11	1.14
(4,1247)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD22	14	1.14
(4,1233)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HH2	16	1.14
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG21	1	1.14
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG22	1	1.14
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG23	1	1.14
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG21	1	1.14
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG22	1	1.14
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG23	1	1.14
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG21	1	1.14
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG22	1	1.14
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG23	1	1.14
(4,1134)	1:151:A:THR:H	1:152:A:GLY:H	13	1.14
(4,1104)	1:195:A:ASP:H	1:207:A:VAL:H	18	1.14
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG11	1:22:A:ALA:H	12	1.14
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG12	1:22:A:ALA:H	12	1.14
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG13	1:22:A:ALA:H	12	1.14
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG21	1:22:A:ALA:H	12	1.14
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG22	1:22:A:ALA:H	12	1.14
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG23	1:22:A:ALA:H	12	1.14
(4,1037)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:HA	8	1.14
(4,1019)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:H	13	1.14
(4,899)	1:153:A:GLN:H	1:154:A:SER:H	4	1.14
(4,899)	1:153:A:GLN:H	1:154:A:SER:H	11	1.14
(4,884)	1:94:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HD11	13	1.14
(4,884)	1:94:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HD12	13	1.14
(4,884)	1:94:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HD13	13	1.14
(4,848)	1:122:A:THR:H	1:124:A:SER:H	3	1.14
(4,819)	1:149:A:PHE:HA	1:151:A:THR:HA	6	1.14
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	19	1.14
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	19	1.14
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD11	20	1.14
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD12	20	1.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD13	20	1.14
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD11	14	1.14
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD12	14	1.14
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD13	14	1.14
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD21	14	1.14
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD22	14	1.14
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD23	14	1.14
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD11	14	1.14
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD12	14	1.14
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD13	14	1.14
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD21	14	1.14
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD22	14	1.14
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD23	14	1.14
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD11	14	1.14
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD12	14	1.14
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD13	14	1.14
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD21	14	1.14
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD22	14	1.14
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD23	14	1.14
(4,737)	1:81:A:TRP:HZ3	1:84:A:GLN:H	13	1.14
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD11	1	1.14
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD12	1	1.14
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD13	1	1.14
(4,640)	1:75:A:SER:H	1:76:A:SER:H	12	1.14
(4,626)	1:120:A:SER:HA	1:126:A:LYS:HA	2	1.14
(4,600)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB2	11	1.14
(4,600)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB2	11	1.14
(4,600)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB2	11	1.14
(4,498)	1:73:A:ILE:HB	1:188:A:PRO:HG2	17	1.14
(4,498)	1:73:A:ILE:HB	1:188:A:PRO:HG3	17	1.14
(4,476)	1:206:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:H	5	1.14
(4,476)	1:206:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:H	5	1.14
(4,476)	1:206:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:H	5	1.14
(4,459)	1:45:A:LEU:HD21	1:202:A:ILE:HA	9	1.14
(4,459)	1:45:A:LEU:HD22	1:202:A:ILE:HA	9	1.14
(4,459)	1:45:A:LEU:HD23	1:202:A:ILE:HA	9	1.14
(4,448)	1:86:A:VAL:HG11	1:93:A:TYR:HD1	13	1.14
(4,448)	1:86:A:VAL:HG11	1:93:A:TYR:HD2	13	1.14
(4,448)	1:86:A:VAL:HG12	1:93:A:TYR:HD1	13	1.14
(4,448)	1:86:A:VAL:HG12	1:93:A:TYR:HD2	13	1.14
(4,448)	1:86:A:VAL:HG13	1:93:A:TYR:HD1	13	1.14
(4,448)	1:86:A:VAL:HG13	1:93:A:TYR:HD2	13	1.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD21	11	1.14
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD22	11	1.14
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD21	13	1.14
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD22	13	1.14
(4,433)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:H	4	1.14
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB1	15	1.14
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB2	15	1.14
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB3	15	1.14
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB1	15	1.14
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB2	15	1.14
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB3	15	1.14
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB1	15	1.14
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB2	15	1.14
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB3	15	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG11	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG12	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG13	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG21	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG22	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG23	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG11	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG12	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG13	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG21	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG22	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG23	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG11	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG12	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG13	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG21	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG22	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG23	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG11	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG12	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG13	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG21	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG22	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG23	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG11	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG12	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG13	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG21	5	1.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG22	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG23	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG11	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG12	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG13	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG21	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG22	5	1.14
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG23	5	1.14
(4,341)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HB	8	1.14
(4,313)	1:79:A:VAL:HG11	1:179:A:GLU:H	2	1.14
(4,313)	1:79:A:VAL:HG12	1:179:A:GLU:H	2	1.14
(4,313)	1:79:A:VAL:HG13	1:179:A:GLU:H	2	1.14
(4,270)	1:33:A:TYR:HD1	1:232:A:GLY:H	13	1.14
(4,270)	1:33:A:TYR:HD2	1:232:A:GLY:H	13	1.14
(4,251)	1:28:A:LYS:HB3	1:29:A:ASN:HD21	8	1.14
(4,180)	1:153:A:GLN:H	1:156:A:ALA:HA	6	1.14
(4,150)	1:39:A:LEU:HA	1:44:A:LEU:HG	3	1.14
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD21	2	1.14
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD22	2	1.14
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG11	9	1.14
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG12	9	1.14
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG13	9	1.14
(4,84)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:H	15	1.14
(4,73)	1:223:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	13	1.14
(4,73)	1:223:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	13	1.14
(4,73)	1:223:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	13	1.14
(4,68)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HB	16	1.14
(4,68)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HB	16	1.14
(4,68)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HB	16	1.14
(4,59)	1:20:A:ASN:HD21	1:24:A:LYS:H	5	1.14
(1,506)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	19	1.14
(1,479)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	19	1.14
(1,197)	1:85:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	4	1.14
(1,188)	1:161:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	4	1.14
(1,118)	1:225:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	13	1.14
(1,116)	1:169:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	4	1.14
(1,5)	1:99:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	5	1.14
(5,707)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	4	1.13
(5,675)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	1	1.13
(5,576)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	14	1.13
(5,382)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	16	1.13
(5,276)	1:150:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	19	1.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,8)	1:104:A:SER:OG	1:212:A:ALA:H	1	1.13
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG21	1:183:A:ARG:H	12	1.13
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG22	1:183:A:ARG:H	12	1.13
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG23	1:183:A:ARG:H	12	1.13
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:H	3	1.13
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:H	3	1.13
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD11	17	1.13
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD12	17	1.13
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD13	17	1.13
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD21	17	1.13
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD22	17	1.13
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD23	17	1.13
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB1	3	1.13
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB2	3	1.13
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB3	3	1.13
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HA	10	1.13
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HA	10	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:HE1	1	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:HE2	1	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:HE1	1	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:HE2	1	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:HE1	1	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:HE2	1	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HE1	1	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HE2	1	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HE1	1	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HE2	1	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HE1	1	1.13
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HE2	1	1.13
(4,4069)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:H	10	1.13
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG11	1	1.13
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG12	1	1.13
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG13	1	1.13
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG11	1	1.13
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG12	1	1.13
(4,3998)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG13	1	1.13
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG21	6	1.13
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG22	6	1.13
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG23	6	1.13
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG21	18	1.13
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG22	18	1.13
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG23	18	1.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG21	18	1.13
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG22	18	1.13
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG23	18	1.13
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD11	14	1.13
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD12	14	1.13
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD13	14	1.13
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD11	14	1.13
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD12	14	1.13
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD13	14	1.13
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD11	1:58:A:LEU:HG	11	1.13
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD12	1:58:A:LEU:HG	11	1.13
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD13	1:58:A:LEU:HG	11	1.13
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE1	18	1.13
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE2	18	1.13
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD11	9	1.13
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD12	9	1.13
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD13	9	1.13
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD11	1:206:A:LEU:H	10	1.13
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD12	1:206:A:LEU:H	10	1.13
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD13	1:206:A:LEU:H	10	1.13
(4,3527)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HD21	12	1.13
(4,3527)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HD22	12	1.13
(4,3527)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HD23	12	1.13
(4,3525)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG11	2	1.13
(4,3525)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG12	2	1.13
(4,3525)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG13	2	1.13
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG21	19	1.13
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG22	19	1.13
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG23	19	1.13
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG21	19	1.13
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG22	19	1.13
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG23	19	1.13
(4,3433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:234:A:ASN:H	8	1.13
(4,3431)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HZ2	16	1.13
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD11	2	1.13
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD12	2	1.13
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD13	2	1.13
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD11	2	1.13
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD12	2	1.13
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD13	2	1.13
(4,3299)	1:61:A:ILE:HB	1:166:A:HIS:H	4	1.13
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG21	1:64:A:ASP:H	15	1.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG22	1:64:A:ASP:H	15	1.13
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG23	1:64:A:ASP:H	15	1.13
(4,3237)	1:150:A:SER:H	1:152:A:GLY:H	16	1.13
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD2	1:128:A:ARG:H	12	1.13
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD3	1:128:A:ARG:H	12	1.13
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD11	10	1.13
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD12	10	1.13
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD13	10	1.13
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD21	10	1.13
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD22	10	1.13
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD23	10	1.13
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD21	1:160:A:THR:H	6	1.13
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD22	1:160:A:THR:H	6	1.13
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG2	8	1.13
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG3	8	1.13
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG2	8	1.13
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG3	8	1.13
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG2	8	1.13
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG3	8	1.13
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG21	6	1.13
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG22	6	1.13
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG23	6	1.13
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG21	6	1.13
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG22	6	1.13
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG23	6	1.13
(4,3055)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:H	8	1.13
(4,2999)	1:184:A:ASN:HD21	1:189:A:LEU:H	14	1.13
(4,2999)	1:184:A:ASN:HD22	1:189:A:LEU:H	14	1.13
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG21	18	1.13
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG22	18	1.13
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG23	18	1.13
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG21	18	1.13
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG22	18	1.13
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG23	18	1.13
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG21	18	1.13
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG22	18	1.13
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG23	18	1.13
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HB2	9	1.13
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HB3	9	1.13
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HB2	9	1.13
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HB3	9	1.13
(4,2809)	1:55:A:ILE:HB	1:201:A:LEU:HB2	13	1.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB2	20	1.13
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB3	20	1.13
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD1	6	1.13
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD2	6	1.13
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD11	1	1.13
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD12	1	1.13
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD13	1	1.13
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD21	1	1.13
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD22	1	1.13
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD23	1	1.13
(4,2433)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:H	5	1.13
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	3	1.13
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	3	1.13
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	3	1.13
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	15	1.13
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	15	1.13
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	15	1.13
(4,2378)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:HA2	15	1.13
(4,2378)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:HA3	15	1.13
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:H	2	1.13
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:H	2	1.13
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:H	2	1.13
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:H	5	1.13
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:H	5	1.13
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:H	5	1.13
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD11	14	1.13
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD12	14	1.13
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD13	14	1.13
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD21	14	1.13
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD22	14	1.13
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD23	14	1.13
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD11	14	1.13
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD12	14	1.13
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD13	14	1.13
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD21	14	1.13
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD22	14	1.13
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD23	14	1.13
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD11	14	1.13
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD12	14	1.13
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD13	14	1.13
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD21	14	1.13
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD22	14	1.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD23	14	1.13
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HA	3	1.13
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HA	3	1.13
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HA	3	1.13
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HA	3	1.13
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HA	3	1.13
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HA	3	1.13
(4,1959)	1:73:A:ILE:HA	1:75:A:SER:H	10	1.13
(4,1946)	1:69:A:THR:HG21	1:71:A:GLN:H	11	1.13
(4,1946)	1:69:A:THR:HG22	1:71:A:GLN:H	11	1.13
(4,1946)	1:69:A:THR:HG23	1:71:A:GLN:H	11	1.13
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG11	11	1.13
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG12	11	1.13
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG13	11	1.13
(4,1800)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD21	2	1.13
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG12	6	1.13
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG13	6	1.13
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD11	7	1.13
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD12	7	1.13
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD13	7	1.13
(4,1692)	1:9:A:VAL:H	1:159:A:ALA:H	1	1.13
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG11	1:173:A:GLU:H	8	1.13
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG12	1:173:A:GLU:H	8	1.13
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG13	1:173:A:GLU:H	8	1.13
(4,1583)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG11	6	1.13
(4,1583)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG12	6	1.13
(4,1583)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG13	6	1.13
(4,1534)	1:38:A:SER:HB2	1:44:A:LEU:HA	3	1.13
(4,1534)	1:38:A:SER:HB3	1:44:A:LEU:HA	3	1.13
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD1	10	1.13
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD2	10	1.13
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD11	14	1.13
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD12	14	1.13
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD13	14	1.13
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG11	15	1.13
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG12	15	1.13
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG13	15	1.13
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:H	5	1.13
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:H	5	1.13
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:H	5	1.13
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	7	1.13
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	7	1.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1242)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:H	3	1.13
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD21	19	1.13
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD22	19	1.13
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD23	19	1.13
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:H	13	1.13
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:H	13	1.13
(4,899)	1:153:A:GLN:H	1:154:A:SER:H	2	1.13
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG21	14	1.13
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG22	14	1.13
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG23	14	1.13
(4,831)	1:203:A:GLU:HB2	1:204:A:GLN:HG2	4	1.13
(4,831)	1:203:A:GLU:HB2	1:204:A:GLN:HG3	4	1.13
(4,831)	1:203:A:GLU:HB3	1:204:A:GLN:HG2	4	1.13
(4,831)	1:203:A:GLU:HB3	1:204:A:GLN:HG3	4	1.13
(4,589)	1:83:A:LYS:HA	1:183:A:ARG:H	17	1.13
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD11	4	1.13
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD12	4	1.13
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD13	4	1.13
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD21	4	1.13
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD22	4	1.13
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD23	4	1.13
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD11	4	1.13
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD12	4	1.13
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD13	4	1.13
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD21	4	1.13
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD22	4	1.13
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD23	4	1.13
(4,433)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:H	5	1.13
(4,419)	1:39:A:LEU:HD21	1:41:A:GLU:H	20	1.13
(4,419)	1:39:A:LEU:HD22	1:41:A:GLU:H	20	1.13
(4,419)	1:39:A:LEU:HD23	1:41:A:GLU:H	20	1.13
(4,368)	1:154:A:SER:HA	1:156:A:ALA:HA	16	1.13
(4,251)	1:28:A:LYS:HB3	1:29:A:ASN:HD21	12	1.13
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE1	10	1.13
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE2	10	1.13
(4,206)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD1	19	1.13
(4,206)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD2	19	1.13
(4,170)	1:61:A:ILE:HD11	1:166:A:HIS:H	8	1.13
(4,170)	1:61:A:ILE:HD12	1:166:A:HIS:H	8	1.13
(4,170)	1:61:A:ILE:HD13	1:166:A:HIS:H	8	1.13
(4,123)	1:144:A:GLU:H	1:145:A:ASN:HD21	13	1.13
(4,108)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HE1	6	1.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,108)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HE2	6	1.13
(4,108)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HE1	6	1.13
(4,108)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HE2	6	1.13
(4,108)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HE1	6	1.13
(4,108)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HE2	6	1.13
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD11	15	1.13
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD12	15	1.13
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD13	15	1.13
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD21	15	1.13
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD22	15	1.13
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD23	15	1.13
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD11	15	1.13
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD12	15	1.13
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD13	15	1.13
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD21	15	1.13
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD22	15	1.13
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD23	15	1.13
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD11	15	1.13
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD12	15	1.13
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD13	15	1.13
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD21	15	1.13
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD22	15	1.13
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD23	15	1.13
(4,79)	1:52:A:VAL:HG21	1:232:A:GLY:H	2	1.13
(4,79)	1:52:A:VAL:HG22	1:232:A:GLY:H	2	1.13
(4,79)	1:52:A:VAL:HG23	1:232:A:GLY:H	2	1.13
(4,71)	1:177:A:ILE:HD11	1:194:A:SER:H	3	1.13
(4,71)	1:177:A:ILE:HD12	1:194:A:SER:H	3	1.13
(4,71)	1:177:A:ILE:HD13	1:194:A:SER:H	3	1.13
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD11	16	1.13
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD12	16	1.13
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD13	16	1.13
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD21	16	1.13
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD22	16	1.13
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD23	16	1.13
(2,512)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	16	1.13
(2,172)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	10	1.13
(1,550)	1:5:A:ASN:ND2	1:154:A:SER:H	16	1.13
(1,481)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	6	1.13
(1,320)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	8	1.13
(1,176)	1:84:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	4	1.13
(1,166)	1:210:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	17	1.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	6	1.12
(5,413)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	15	1.12
(5,72)	1:59:A:PHE:H	1:104:A:SER:OG	12	1.12
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG21	17	1.12
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG22	17	1.12
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG23	17	1.12
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:H	19	1.12
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:H	19	1.12
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:H	19	1.12
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG21	1:183:A:ARG:H	18	1.12
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG22	1:183:A:ARG:H	18	1.12
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG23	1:183:A:ARG:H	18	1.12
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD2	20	1.12
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD3	20	1.12
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	9	1.12
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	9	1.12
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	9	1.12
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	9	1.12
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	9	1.12
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	9	1.12
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD1	16	1.12
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD2	16	1.12
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE1	17	1.12
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE2	17	1.12
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD21	17	1.12
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD22	17	1.12
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB2	9	1.12
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB3	9	1.12
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB2	9	1.12
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB3	9	1.12
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB2	9	1.12
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB3	9	1.12
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG11	19	1.12
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG12	19	1.12
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG13	19	1.12
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG21	19	1.12
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG22	19	1.12
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG23	19	1.12
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG11	19	1.12
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG12	19	1.12
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG13	19	1.12
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG21	19	1.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG22	19	1.12
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG23	19	1.12
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG11	19	1.12
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG12	19	1.12
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG13	19	1.12
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG21	19	1.12
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG22	19	1.12
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG23	19	1.12
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD11	11	1.12
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD12	11	1.12
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD13	11	1.12
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD22	15	1.12
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD22	15	1.12
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD22	15	1.12
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD22	15	1.12
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD22	15	1.12
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD22	15	1.12
(4,3779)	1:31:A:TRP:HE1	1:233:A:PRO:HA	6	1.12
(4,3753)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:H	3	1.12
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD11	17	1.12
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD12	17	1.12
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD13	17	1.12
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD11	18	1.12
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD12	18	1.12
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD13	18	1.12
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE1	4	1.12
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE2	4	1.12
(4,3587)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:H	12	1.12
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG2	1:147:A:GLN:H	8	1.12
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG3	1:147:A:GLN:H	8	1.12
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG21	1:203:A:GLU:H	12	1.12
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG22	1:203:A:GLU:H	12	1.12
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG23	1:203:A:GLU:H	12	1.12
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG21	14	1.12
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG22	14	1.12
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG23	14	1.12
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG21	14	1.12
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG22	14	1.12
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG23	14	1.12
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG21	2	1.12
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG22	2	1.12
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG23	2	1.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG21	2	1.12
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG22	2	1.12
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG23	2	1.12
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD11	4	1.12
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD12	4	1.12
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD13	4	1.12
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD1	14	1.12
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD2	14	1.12
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD1	20	1.12
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD2	20	1.12
(4,2931)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HG	17	1.12
(4,2893)	1:153:A:GLN:HA	1:157:A:PRO:HD3	1	1.12
(4,2893)	1:153:A:GLN:HA	1:157:A:PRO:HD3	12	1.12
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:H	20	1.12
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:H	20	1.12
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB1	14	1.12
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB2	14	1.12
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB3	14	1.12
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB1	14	1.12
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB2	14	1.12
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB3	14	1.12
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB1	14	1.12
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB2	14	1.12
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB3	14	1.12
(4,2801)	1:39:A:LEU:H	1:45:A:LEU:HD11	3	1.12
(4,2801)	1:39:A:LEU:H	1:45:A:LEU:HD12	3	1.12
(4,2801)	1:39:A:LEU:H	1:45:A:LEU:HD13	3	1.12
(4,2801)	1:39:A:LEU:H	1:45:A:LEU:HD21	3	1.12
(4,2801)	1:39:A:LEU:H	1:45:A:LEU:HD22	3	1.12
(4,2801)	1:39:A:LEU:H	1:45:A:LEU:HD23	3	1.12
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD21	3	1.12
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD22	3	1.12
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD23	3	1.12
(4,2693)	1:18:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD11	9	1.12
(4,2693)	1:18:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD12	9	1.12
(4,2693)	1:18:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD13	9	1.12
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD11	12	1.12
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD12	12	1.12
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD13	12	1.12
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD1	1:95:A:ILE:H	7	1.12
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD2	1:95:A:ILE:H	7	1.12
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD1	1:95:A:ILE:H	20	1.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD2	1:95:A:ILE:H	20	1.12
(4,2575)	1:19:A:THR:HG21	1:235:A:TRP:H	17	1.12
(4,2575)	1:19:A:THR:HG22	1:235:A:TRP:H	17	1.12
(4,2575)	1:19:A:THR:HG23	1:235:A:TRP:H	17	1.12
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD21	7	1.12
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD22	7	1.12
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD23	7	1.12
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:H	13	1.12
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:H	13	1.12
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:H	13	1.12
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:H	13	1.12
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:H	13	1.12
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:H	13	1.12
(4,2365)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG1	4	1.12
(4,2317)	1:177:A:ILE:H	1:194:A:SER:H	6	1.12
(4,2279)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HB2	7	1.12
(4,2279)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HB3	7	1.12
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HB2	10	1.12
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HB2	10	1.12
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:HD21	12	1.12
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:HD22	12	1.12
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:HD23	12	1.12
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:HD21	12	1.12
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:HD22	12	1.12
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:HD23	12	1.12
(4,2196)	1:18:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	2	1.12
(4,2196)	1:18:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	2	1.12
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD11	17	1.12
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD12	17	1.12
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD13	17	1.12
(4,2137)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:H	4	1.12
(4,2137)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:H	20	1.12
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG11	1:18:A:PHE:HE1	17	1.12
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG11	1:18:A:PHE:HE2	17	1.12
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG12	1:18:A:PHE:HE1	17	1.12
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG12	1:18:A:PHE:HE2	17	1.12
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG13	1:18:A:PHE:HE1	17	1.12
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG13	1:18:A:PHE:HE2	17	1.12
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG21	1:18:A:PHE:HE1	17	1.12
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG21	1:18:A:PHE:HE2	17	1.12
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG22	1:18:A:PHE:HE1	17	1.12
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG22	1:18:A:PHE:HE2	17	1.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG23	1:18:A:PHE:HE1	17	1.12
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG23	1:18:A:PHE:HE2	17	1.12
(4,2097)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:H	13	1.12
(4,2086)	1:61:A:ILE:HB	1:164:A:ASN:HD21	16	1.12
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:H	14	1.12
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:H	14	1.12
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:H	14	1.12
(4,1992)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HB3	11	1.12
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB3	16	1.12
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB3	16	1.12
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB3	16	1.12
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD21	6	1.12
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD22	6	1.12
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD21	6	1.12
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD22	6	1.12
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD21	6	1.12
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD22	6	1.12
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD21	6	1.12
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD22	6	1.12
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD21	6	1.12
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD22	6	1.12
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD21	6	1.12
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD22	6	1.12
(4,1938)	1:18:A:PHE:HE1	1:94:A:ALA:HB1	11	1.12
(4,1938)	1:18:A:PHE:HE1	1:94:A:ALA:HB2	11	1.12
(4,1938)	1:18:A:PHE:HE1	1:94:A:ALA:HB3	11	1.12
(4,1938)	1:18:A:PHE:HE2	1:94:A:ALA:HB1	11	1.12
(4,1938)	1:18:A:PHE:HE2	1:94:A:ALA:HB2	11	1.12
(4,1938)	1:18:A:PHE:HE2	1:94:A:ALA:HB3	11	1.12
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD1	7	1.12
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD2	7	1.12
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD1	7	1.12
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD2	7	1.12
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD1	7	1.12
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD2	7	1.12
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD21	7	1.12
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD22	7	1.12
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD23	7	1.12
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD21	7	1.12
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD22	7	1.12
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD23	7	1.12
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD21	7	1.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD22	7	1.12
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD23	7	1.12
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	12	1.12
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	12	1.12
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	12	1.12
(4,1820)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA3	11	1.12
(4,1806)	1:68:A:SER:HB2	1:70:A:SER:HA	12	1.12
(4,1806)	1:68:A:SER:HB3	1:70:A:SER:HA	12	1.12
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:H	8	1.12
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:H	8	1.12
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:H	8	1.12
(4,1771)	1:72:A:GLN:HB3	1:74:A:THR:H	18	1.12
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG2	1	1.12
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG3	1	1.12
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG2	1	1.12
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG3	1	1.12
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG2	1	1.12
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG3	1	1.12
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG2	10	1.12
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG3	10	1.12
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG2	10	1.12
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG3	10	1.12
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG2	10	1.12
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG3	10	1.12
(4,1750)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:H	11	1.12
(4,1750)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:H	11	1.12
(4,1750)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:H	11	1.12
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD11	19	1.12
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD12	19	1.12
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD13	19	1.12
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD11	19	1.12
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD12	19	1.12
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD13	19	1.12
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD11	19	1.12
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD12	19	1.12
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD13	19	1.12
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HZ3	18	1.12
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HZ3	18	1.12
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HZ3	18	1.12
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HZ3	18	1.12
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HZ3	18	1.12
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HZ3	18	1.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD1	18	1.12
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD2	18	1.12
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE22	7	1.12
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE22	7	1.12
(4,1490)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HD2	20	1.12
(4,1490)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HD3	20	1.12
(4,1490)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HD2	20	1.12
(4,1490)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HD3	20	1.12
(4,1490)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HD2	20	1.12
(4,1490)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HD3	20	1.12
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB1	5	1.12
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB2	5	1.12
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB3	5	1.12
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	13	1.12
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	13	1.12
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	13	1.12
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	13	1.12
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	13	1.12
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	13	1.12
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:H	17	1.12
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:H	17	1.12
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB2	8	1.12
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB3	8	1.12
(4,1275)	1:64:A:ASP:HA	1:217:A:ASN:HB2	4	1.12
(4,1275)	1:64:A:ASP:HA	1:217:A:ASN:HB3	4	1.12
(4,1233)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HH2	15	1.12
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD21	4	1.12
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD22	4	1.12
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD23	4	1.12
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:H	18	1.12
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:H	18	1.12
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:H	18	1.12
(4,1107)	1:57:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HD1	17	1.12
(4,1107)	1:57:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HD2	17	1.12
(4,1052)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:H	4	1.12
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD11	2	1.12
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD12	2	1.12
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD13	2	1.12
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD11	2	1.12
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD12	2	1.12
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD13	2	1.12
(4,1010)	1:177:A:ILE:HG12	1:194:A:SER:H	9	1.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1010)	1:177:A:ILE:HG13	1:194:A:SER:H	9	1.12
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB1	17	1.12
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB2	17	1.12
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB3	17	1.12
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB1	17	1.12
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB2	17	1.12
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB3	17	1.12
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB1	17	1.12
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB2	17	1.12
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB3	17	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD11	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD12	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD13	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD21	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD22	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD23	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD11	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD12	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD13	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD21	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD22	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD23	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD11	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD12	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD13	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD21	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD22	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD23	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD11	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD12	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD13	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD21	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD22	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD23	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD11	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD12	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD13	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD21	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD22	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD23	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD11	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD12	16	1.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD13	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD21	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD22	16	1.12
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD23	16	1.12
(4,971)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HB2	1	1.12
(4,971)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HB3	1	1.12
(4,971)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HB2	1	1.12
(4,971)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HB3	1	1.12
(4,971)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HB2	1	1.12
(4,971)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HB3	1	1.12
(4,938)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	2	1.12
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD11	3	1.12
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD12	3	1.12
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD13	3	1.12
(4,855)	1:190:A:TYR:HE1	1:193:A:LYS:H	11	1.12
(4,855)	1:190:A:TYR:HE2	1:193:A:LYS:H	11	1.12
(4,843)	1:29:A:ASN:HD21	1:31:A:TRP:H	3	1.12
(4,707)	1:82:A:PHE:HZ	1:96:A:LEU:HD11	11	1.12
(4,707)	1:82:A:PHE:HZ	1:96:A:LEU:HD12	11	1.12
(4,707)	1:82:A:PHE:HZ	1:96:A:LEU:HD13	11	1.12
(4,707)	1:82:A:PHE:HZ	1:96:A:LEU:HD21	11	1.12
(4,707)	1:82:A:PHE:HZ	1:96:A:LEU:HD22	11	1.12
(4,707)	1:82:A:PHE:HZ	1:96:A:LEU:HD23	11	1.12
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG11	5	1.12
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG12	5	1.12
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG13	5	1.12
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG11	5	1.12
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG12	5	1.12
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG13	5	1.12
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD2	17	1.12
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD3	17	1.12
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD2	17	1.12
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD3	17	1.12
(4,448)	1:86:A:VAL:HG11	1:93:A:TYR:HD1	8	1.12
(4,448)	1:86:A:VAL:HG11	1:93:A:TYR:HD2	8	1.12
(4,448)	1:86:A:VAL:HG12	1:93:A:TYR:HD1	8	1.12
(4,448)	1:86:A:VAL:HG12	1:93:A:TYR:HD2	8	1.12
(4,448)	1:86:A:VAL:HG13	1:93:A:TYR:HD1	8	1.12
(4,448)	1:86:A:VAL:HG13	1:93:A:TYR:HD2	8	1.12
(4,419)	1:39:A:LEU:HD21	1:41:A:GLU:H	4	1.12
(4,419)	1:39:A:LEU:HD22	1:41:A:GLU:H	4	1.12
(4,419)	1:39:A:LEU:HD23	1:41:A:GLU:H	4	1.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,360)	1:231:A:LEU:HD11	1:234:A:ASN:H	2	1.12
(4,360)	1:231:A:LEU:HD12	1:234:A:ASN:H	2	1.12
(4,360)	1:231:A:LEU:HD13	1:234:A:ASN:H	2	1.12
(4,360)	1:231:A:LEU:HD21	1:234:A:ASN:H	2	1.12
(4,360)	1:231:A:LEU:HD22	1:234:A:ASN:H	2	1.12
(4,360)	1:231:A:LEU:HD23	1:234:A:ASN:H	2	1.12
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB2	14	1.12
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB3	14	1.12
(4,277)	1:82:A:PHE:HE1	1:99:A:LEU:H	12	1.12
(4,277)	1:82:A:PHE:HE2	1:99:A:LEU:H	12	1.12
(4,149)	1:234:A:ASN:HD21	1:236:A:GLU:H	11	1.12
(4,132)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD2	11	1.12
(4,132)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD2	11	1.12
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG21	17	1.12
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG22	17	1.12
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG23	17	1.12
(4,49)	1:106:A:LEU:HD11	1:109:A:GLY:H	18	1.12
(4,49)	1:106:A:LEU:HD12	1:109:A:GLY:H	18	1.12
(4,49)	1:106:A:LEU:HD13	1:109:A:GLY:H	18	1.12
(4,49)	1:106:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:H	18	1.12
(4,49)	1:106:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:H	18	1.12
(4,49)	1:106:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:H	18	1.12
(4,48)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD11	17	1.12
(4,48)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD12	17	1.12
(4,48)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD13	17	1.12
(2,77)	1:101:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	4	1.12
(1,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	1	1.12
(1,179)	1:57:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	7	1.12
(1,179)	1:57:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	12	1.12
(5,577)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	10	1.11
(5,536)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	4	1.11
(5,498)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	15	1.11
(5,416)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	12	1.11
(5,387)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	5	1.11
(5,59)	1:104:A:SER:OG	1:214:A:TYR:H	3	1.11
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG21	1:183:A:ARG:H	10	1.11
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG22	1:183:A:ARG:H	10	1.11
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG23	1:183:A:ARG:H	10	1.11
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG11	1:230:A:GLY:H	15	1.11
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG12	1:230:A:GLY:H	15	1.11
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG13	1:230:A:GLY:H	15	1.11
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG2	2	1.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG3	2	1.11
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD21	18	1.11
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD22	18	1.11
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD23	18	1.11
(4,4152)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HA	9	1.11
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD11	3	1.11
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD12	3	1.11
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD13	3	1.11
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD21	3	1.11
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD22	3	1.11
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD23	3	1.11
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD11	3	1.11
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD12	3	1.11
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD13	3	1.11
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD21	3	1.11
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD22	3	1.11
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD23	3	1.11
(4,4136)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG2	13	1.11
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD11	9	1.11
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD12	9	1.11
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD13	9	1.11
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD21	9	1.11
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD22	9	1.11
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD23	9	1.11
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:H	7	1.11
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:H	7	1.11
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG12	9	1.11
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG13	9	1.11
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG12	9	1.11
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG13	9	1.11
(4,4018)	1:164:A:ASN:H	1:165:A:LEU:HB3	4	1.11
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE1	1:152:A:GLY:H	3	1.11
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE2	1:152:A:GLY:H	3	1.11
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	5	1.11
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	5	1.11
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	5	1.11
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD22	16	1.11
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD22	16	1.11
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD22	16	1.11
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD22	16	1.11
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD22	16	1.11
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD22	16	1.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3797)	1:140:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HG21	6	1.11
(4,3797)	1:140:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HG22	6	1.11
(4,3797)	1:140:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HG23	6	1.11
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD11	20	1.11
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD12	20	1.11
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD13	20	1.11
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD11	20	1.11
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD12	20	1.11
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD13	20	1.11
(4,3717)	1:169:A:THR:HG1	1:180:A:LEU:H	18	1.11
(4,3707)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:HD1	3	1.11
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB2	1:232:A:GLY:H	12	1.11
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB3	1:232:A:GLY:H	12	1.11
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG11	12	1.11
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG12	12	1.11
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG13	12	1.11
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG11	12	1.11
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG12	12	1.11
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG13	12	1.11
(4,3679)	1:22:A:ALA:H	1:24:A:LYS:HG2	20	1.11
(4,3679)	1:22:A:ALA:H	1:24:A:LYS:HG3	20	1.11
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	19	1.11
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	19	1.11
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	19	1.11
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	19	1.11
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	19	1.11
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	19	1.11
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	19	1.11
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	19	1.11
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	19	1.11
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD21	18	1.11
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD21	18	1.11
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD21	18	1.11
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD21	18	1.11
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD21	18	1.11
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD21	18	1.11
(4,3544)	1:76:A:SER:HA	1:78:A:ASP:H	9	1.11
(4,3544)	1:76:A:SER:HA	1:78:A:ASP:H	14	1.11
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD21	1:170:A:TYR:HE1	7	1.11
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD21	1:170:A:TYR:HE2	7	1.11
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD22	1:170:A:TYR:HE1	7	1.11
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD22	1:170:A:TYR:HE2	7	1.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD23	1:170:A:TYR:HE1	7	1.11
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD23	1:170:A:TYR:HE2	7	1.11
(4,3352)	1:95:A:ILE:HA	1:97:A:HIS:HB2	7	1.11
(4,3352)	1:95:A:ILE:HA	1:97:A:HIS:HB3	7	1.11
(4,3299)	1:61:A:ILE:HB	1:166:A:HIS:H	1	1.11
(4,3205)	1:201:A:LEU:H	1:204:A:GLN:HG2	20	1.11
(4,3205)	1:201:A:LEU:H	1:204:A:GLN:HG3	20	1.11
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG21	15	1.11
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG22	15	1.11
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG23	15	1.11
(4,3052)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD21	16	1.11
(4,3052)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD22	16	1.11
(4,3052)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD23	16	1.11
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	11	1.11
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	11	1.11
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	11	1.11
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	11	1.11
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	11	1.11
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	11	1.11
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	1	1.11
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	1	1.11
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	1	1.11
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD11	18	1.11
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD12	18	1.11
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD13	18	1.11
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD21	18	1.11
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD22	18	1.11
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD23	18	1.11
(4,2849)	1:55:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:CG1	3	1.11
(4,2849)	1:55:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:CG1	3	1.11
(4,2849)	1:55:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:CG1	3	1.11
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB1	13	1.11
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB2	13	1.11
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB3	13	1.11
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB1	13	1.11
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB2	13	1.11
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB3	13	1.11
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB1	13	1.11
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB2	13	1.11
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB3	13	1.11
(4,2809)	1:55:A:ILE:HB	1:201:A:LEU:HB2	19	1.11
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD11	14	1.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD12	14	1.11
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD13	14	1.11
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD21	14	1.11
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD22	14	1.11
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD23	14	1.11
(4,2694)	1:62:A:ASN:HD22	1:65:A:ARG:H	2	1.11
(4,2689)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:HB2	14	1.11
(4,2689)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:HB2	14	1.11
(4,2689)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:HB2	14	1.11
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD21	8	1.11
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD22	8	1.11
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD21	8	1.11
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD22	8	1.11
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD21	13	1.11
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG2	1:225:A:ASN:HD22	13	1.11
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD21	13	1.11
(4,2685)	1:12:A:GLU:HG3	1:225:A:ASN:HD22	13	1.11
(4,2643)	1:136:A:GLN:HE21	1:137:A:PHE:HA	18	1.11
(4,2643)	1:136:A:GLN:HE22	1:137:A:PHE:HA	18	1.11
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD21	4	1.11
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD22	4	1.11
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD23	4	1.11
(4,2625)	1:99:A:LEU:H	1:100:A:SER:HG	9	1.11
(4,2590)	1:64:A:ASP:HA	1:66:A:LYS:H	7	1.11
(4,2585)	1:111:A:ASP:HA	1:114:A:ASN:HD22	5	1.11
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD11	2	1.11
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD12	2	1.11
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD13	2	1.11
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD21	2	1.11
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD22	2	1.11
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD23	2	1.11
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD11	2	1.11
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD12	2	1.11
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD13	2	1.11
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD21	2	1.11
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD22	2	1.11
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD23	2	1.11
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB2	1:140:A:ASN:HD21	7	1.11
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB2	1:140:A:ASN:HD22	7	1.11
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB3	1:140:A:ASN:HD21	7	1.11
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB3	1:140:A:ASN:HD22	7	1.11
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:H	17	1.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:H	17	1.11
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:H	17	1.11
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:H	17	1.11
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:H	17	1.11
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:H	17	1.11
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:H	20	1.11
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:H	20	1.11
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:H	20	1.11
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:H	20	1.11
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:H	20	1.11
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:H	20	1.11
(4,2431)	1:161:A:ALA:H	1:162:A:ASP:H	10	1.11
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD21	3	1.11
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD22	3	1.11
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD23	3	1.11
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB1	18	1.11
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB2	18	1.11
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB3	18	1.11
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB1	18	1.11
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB2	18	1.11
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB3	18	1.11
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:H	20	1.11
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:H	20	1.11
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:H	20	1.11
(4,2317)	1:177:A:ILE:H	1:194:A:SER:H	4	1.11
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD21	3	1.11
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD22	3	1.11
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD23	3	1.11
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG21	1:54:A:ALA:HA	1	1.11
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG22	1:54:A:ALA:HA	1	1.11
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG23	1:54:A:ALA:HA	1	1.11
(4,2097)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:H	2	1.11
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG21	3	1.11
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG22	3	1.11
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG23	3	1.11
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB1	1	1.11
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB2	1	1.11
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB3	1	1.11
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB1	1	1.11
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB2	1	1.11
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB3	1	1.11
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD11	18	1.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD12	18	1.11
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD13	18	1.11
(4,2005)	1:147:A:GLN:HE22	1:148:A:THR:H	8	1.11
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HE22	18	1.11
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HE22	18	1.11
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HE22	18	1.11
(4,1959)	1:73:A:ILE:HA	1:75:A:SER:H	14	1.11
(4,1771)	1:72:A:GLN:HB3	1:74:A:THR:H	19	1.11
(4,1723)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE1	10	1.11
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG11	1	1.11
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG12	1	1.11
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG13	1	1.11
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG21	1	1.11
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG22	1	1.11
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG23	1	1.11
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG11	1	1.11
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG12	1	1.11
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG13	1	1.11
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG21	1	1.11
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG22	1	1.11
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG23	1	1.11
(4,1590)	1:15:A:PRO:HG2	1:34:A:PHE:HA	7	1.11
(4,1573)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB3	2	1.11
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	8	1.11
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	8	1.11
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	8	1.11
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	8	1.11
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	8	1.11
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	8	1.11
(4,1455)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:H	19	1.11
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	5	1.11
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	5	1.11
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	5	1.11
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG11	3	1.11
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG12	3	1.11
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG13	3	1.11
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD1	7	1.11
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD2	7	1.11
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:H	11	1.11
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:H	11	1.11
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG21	19	1.11
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG22	19	1.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG23	19	1.11
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG21	19	1.11
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG22	19	1.11
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG23	19	1.11
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG21	19	1.11
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG22	19	1.11
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG23	19	1.11
(4,1092)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:H	3	1.11
(4,1092)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:H	13	1.11
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE2	2	1.11
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE3	2	1.11
(4,868)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HB2	1	1.11
(4,868)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HB3	1	1.11
(4,868)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HB2	1	1.11
(4,868)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HB3	1	1.11
(4,855)	1:190:A:TYR:HE1	1:193:A:LYS:H	18	1.11
(4,855)	1:190:A:TYR:HE2	1:193:A:LYS:H	18	1.11
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD21	18	1.11
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD22	18	1.11
(4,745)	1:95:A:ILE:HD11	1:97:A:HIS:H	20	1.11
(4,745)	1:95:A:ILE:HD12	1:97:A:HIS:H	20	1.11
(4,745)	1:95:A:ILE:HD13	1:97:A:HIS:H	20	1.11
(4,720)	1:56:A:VAL:HG11	1:169:A:THR:H	3	1.11
(4,720)	1:56:A:VAL:HG12	1:169:A:THR:H	3	1.11
(4,720)	1:56:A:VAL:HG13	1:169:A:THR:H	3	1.11
(4,608)	1:77:A:TYR:H	1:77:A:TYR:HE1	18	1.11
(4,608)	1:77:A:TYR:H	1:77:A:TYR:HE2	18	1.11
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB2	18	1.11
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB3	18	1.11
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD11	6	1.11
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD12	6	1.11
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD13	6	1.11
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD21	6	1.11
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD22	6	1.11
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD23	6	1.11
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD11	6	1.11
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD12	6	1.11
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD13	6	1.11
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD21	6	1.11
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD22	6	1.11
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD23	6	1.11
(4,497)	1:29:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD21	19	1.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,479)	1:80:A:ILE:HG21	1:101:A:ASN:H	1	1.11
(4,479)	1:80:A:ILE:HG22	1:101:A:ASN:H	1	1.11
(4,479)	1:80:A:ILE:HG23	1:101:A:ASN:H	1	1.11
(4,419)	1:39:A:LEU:HD21	1:41:A:GLU:H	3	1.11
(4,419)	1:39:A:LEU:HD22	1:41:A:GLU:H	3	1.11
(4,419)	1:39:A:LEU:HD23	1:41:A:GLU:H	3	1.11
(4,392)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:H	2	1.11
(4,392)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:H	2	1.11
(4,392)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:H	2	1.11
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD11	10	1.11
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD12	10	1.11
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD13	10	1.11
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD21	10	1.11
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD22	10	1.11
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD23	10	1.11
(4,327)	1:120:A:SER:HA	1:122:A:THR:HB	6	1.11
(4,319)	1:21:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD11	6	1.11
(4,319)	1:21:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD12	6	1.11
(4,319)	1:21:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD13	6	1.11
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE1	18	1.11
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE2	18	1.11
(4,82)	1:34:A:PHE:HE1	1:235:A:TRP:H	6	1.11
(4,82)	1:34:A:PHE:HE2	1:235:A:TRP:H	6	1.11
(4,82)	1:34:A:PHE:HE1	1:235:A:TRP:H	9	1.11
(4,82)	1:34:A:PHE:HE2	1:235:A:TRP:H	9	1.11
(2,172)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	18	1.11
(2,88)	1:104:A:SER:OG	1:106:A:LEU:H	11	1.11
(1,173)	1:58:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	20	1.11
(1,97)	1:218:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	7	1.11
(5,517)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	18	1.1
(5,485)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	16	1.1
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:H	19	1.1
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:H	19	1.1
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:H	19	1.1
(4,4251)	1:81:A:TRP:HH2	1:184:A:ASN:H	14	1.1
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE21	18	1.1
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE22	18	1.1
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD21	9	1.1
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD22	9	1.1
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD23	9	1.1
(4,4136)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG2	5	1.1
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD11	10	1.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD12	10	1.1
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD13	10	1.1
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD21	10	1.1
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD22	10	1.1
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD23	10	1.1
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE1	1:230:A:GLY:H	8	1.1
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE2	1:230:A:GLY:H	8	1.1
(4,3679)	1:22:A:ALA:H	1:24:A:LYS:HG2	19	1.1
(4,3679)	1:22:A:ALA:H	1:24:A:LYS:HG3	19	1.1
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG11	14	1.1
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG12	14	1.1
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG13	14	1.1
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG21	14	1.1
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG22	14	1.1
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG23	14	1.1
(4,3606)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB2	7	1.1
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB2	2	1.1
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB3	2	1.1
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD11	2	1.1
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD12	2	1.1
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD13	2	1.1
(4,3551)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:H	1	1.1
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB1	19	1.1
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB2	19	1.1
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB3	19	1.1
(4,3413)	1:149:A:PHE:H	1:151:A:THR:H	19	1.1
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD21	11	1.1
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD22	11	1.1
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD23	11	1.1
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD21	11	1.1
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD22	11	1.1
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD23	11	1.1
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD1	1:179:A:GLU:H	15	1.1
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD2	1:179:A:GLU:H	15	1.1
(4,3332)	1:55:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HD1	1	1.1
(4,3332)	1:55:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HD2	1	1.1
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD11	16	1.1
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD12	16	1.1
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD13	16	1.1
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD21	16	1.1
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD22	16	1.1
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD23	16	1.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3215)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:H	8	1.1
(4,3215)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:H	8	1.1
(4,3215)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:H	16	1.1
(4,3215)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:H	16	1.1
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:CG2	20	1.1
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:CG2	20	1.1
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:CG2	20	1.1
(4,3202)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA2	5	1.1
(4,3202)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA2	5	1.1
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG12	13	1.1
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG13	13	1.1
(4,3082)	1:148:A:THR:HB	1:149:A:PHE:HD1	8	1.1
(4,3082)	1:148:A:THR:HB	1:149:A:PHE:HD2	8	1.1
(4,2966)	1:82:A:PHE:H	1:97:A:HIS:HA	16	1.1
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG12	1:170:A:TYR:H	8	1.1
(4,2965)	1:168:A:ILE:HG13	1:170:A:TYR:H	8	1.1
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:H	6	1.1
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:H	6	1.1
(4,2828)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:H	18	1.1
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD1	9	1.1
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD2	9	1.1
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD1	9	1.1
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD2	9	1.1
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD1	9	1.1
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD2	9	1.1
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD11	5	1.1
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD12	5	1.1
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD13	5	1.1
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD21	5	1.1
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD22	5	1.1
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD23	5	1.1
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB1	12	1.1
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB2	12	1.1
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB3	12	1.1
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB1	12	1.1
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB2	12	1.1
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB3	12	1.1
(4,2654)	1:97:A:HIS:H	1:169:A:THR:HG1	1	1.1
(4,2643)	1:136:A:GLN:HE21	1:137:A:PHE:HA	4	1.1
(4,2643)	1:136:A:GLN:HE22	1:137:A:PHE:HA	4	1.1
(4,2604)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:H	18	1.1
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	3	1.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	3	1.1
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	3	1.1
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD11	10	1.1
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD12	10	1.1
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD13	10	1.1
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG2	10	1.1
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG3	10	1.1
(4,2324)	1:65:A:ARG:H	1:67:A:SER:H	5	1.1
(4,2263)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:H	14	1.1
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HD1	11	1.1
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG3	1:235:A:TRP:HD1	11	1.1
(4,2162)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	14	1.1
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD11	5	1.1
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD12	5	1.1
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD13	5	1.1
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD21	5	1.1
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD22	5	1.1
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD23	5	1.1
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD11	5	1.1
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD12	5	1.1
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD13	5	1.1
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD21	5	1.1
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD22	5	1.1
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD23	5	1.1
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD11	12	1.1
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD12	12	1.1
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD13	12	1.1
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD21	12	1.1
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD22	12	1.1
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD23	12	1.1
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG11	13	1.1
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG12	13	1.1
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG13	13	1.1
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG11	13	1.1
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG12	13	1.1
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG13	13	1.1
(4,1944)	1:11:A:ILE:H	1:13:A:SER:H	17	1.1
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD11	8	1.1
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD12	8	1.1
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD13	8	1.1
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	19	1.1
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	19	1.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	19	1.1
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:H	17	1.1
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:H	17	1.1
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:H	17	1.1
(4,1835)	1:56:A:VAL:HB	1:228:A:MET:HA	7	1.1
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD21	20	1.1
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD22	20	1.1
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD23	20	1.1
(4,1769)	1:5:A:ASN:HD22	1:6:A:ARG:H	7	1.1
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:H	4	1.1
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:H	4	1.1
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:H	4	1.1
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:H	15	1.1
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:H	15	1.1
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:H	15	1.1
(4,1647)	1:157:A:PRO:HA	1:159:A:ALA:H	5	1.1
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB1	15	1.1
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB2	15	1.1
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB3	15	1.1
(4,1455)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:H	12	1.1
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HG3	4	1.1
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HG3	4	1.1
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HG3	4	1.1
(4,1371)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HE22	15	1.1
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD11	3	1.1
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD12	3	1.1
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD13	3	1.1
(4,1324)	1:177:A:ILE:H	1:178:A:PHE:HE1	10	1.1
(4,1324)	1:177:A:ILE:H	1:178:A:PHE:HE2	10	1.1
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG21	1:168:A:ILE:HB	17	1.1
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG22	1:168:A:ILE:HB	17	1.1
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG23	1:168:A:ILE:HB	17	1.1
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HB	5	1.1
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HB	5	1.1
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HB	5	1.1
(4,1162)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HG	11	1.1
(4,1146)	1:106:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	10	1.1
(4,1146)	1:106:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	10	1.1
(4,1146)	1:106:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	10	1.1
(4,1134)	1:151:A:THR:H	1:152:A:GLY:H	18	1.1
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	8	1.1
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	8	1.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	8	1.1
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB1	18	1.1
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB2	18	1.1
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB3	18	1.1
(4,995)	1:34:A:PHE:HB2	1:36:A:ILE:H	13	1.1
(4,995)	1:34:A:PHE:HB3	1:36:A:ILE:H	13	1.1
(4,853)	1:76:A:SER:HA	1:79:A:VAL:H	7	1.1
(4,801)	1:48:A:LEU:HD21	1:201:A:LEU:H	19	1.1
(4,801)	1:48:A:LEU:HD22	1:201:A:LEU:H	19	1.1
(4,801)	1:48:A:LEU:HD23	1:201:A:LEU:H	19	1.1
(4,665)	1:168:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	8	1.1
(4,665)	1:168:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	8	1.1
(4,665)	1:168:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	8	1.1
(4,579)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HB	7	1.1
(4,579)	1:143:A:LYS:HG3	1:146:A:VAL:HB	7	1.1
(4,579)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HB	9	1.1
(4,579)	1:143:A:LYS:HG3	1:146:A:VAL:HB	9	1.1
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB2	9	1.1
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB3	9	1.1
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB2	9	1.1
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB3	9	1.1
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD11	20	1.1
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD12	20	1.1
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD13	20	1.1
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG21	11	1.1
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG22	11	1.1
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG23	11	1.1
(4,419)	1:39:A:LEU:HD21	1:41:A:GLU:H	17	1.1
(4,419)	1:39:A:LEU:HD22	1:41:A:GLU:H	17	1.1
(4,419)	1:39:A:LEU:HD23	1:41:A:GLU:H	17	1.1
(4,419)	1:39:A:LEU:HD21	1:41:A:GLU:H	18	1.1
(4,419)	1:39:A:LEU:HD22	1:41:A:GLU:H	18	1.1
(4,419)	1:39:A:LEU:HD23	1:41:A:GLU:H	18	1.1
(4,382)	1:32:A:ALA:HB1	1:233:A:PRO:HB2	3	1.1
(4,382)	1:32:A:ALA:HB2	1:233:A:PRO:HB2	3	1.1
(4,382)	1:32:A:ALA:HB3	1:233:A:PRO:HB2	3	1.1
(4,297)	1:142:A:ILE:HG21	1:146:A:VAL:HB	11	1.1
(4,297)	1:142:A:ILE:HG22	1:146:A:VAL:HB	11	1.1
(4,297)	1:142:A:ILE:HG23	1:146:A:VAL:HB	11	1.1
(4,287)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:H	19	1.1
(4,287)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:H	19	1.1
(4,242)	1:177:A:ILE:HB	1:206:A:LEU:HD11	7	1.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,242)	1:177:A:ILE:HB	1:206:A:LEU:HD12	7	1.1
(4,242)	1:177:A:ILE:HB	1:206:A:LEU:HD13	7	1.1
(4,242)	1:177:A:ILE:HB	1:206:A:LEU:HD21	7	1.1
(4,242)	1:177:A:ILE:HB	1:206:A:LEU:HD22	7	1.1
(4,242)	1:177:A:ILE:HB	1:206:A:LEU:HD23	7	1.1
(4,142)	1:190:A:TYR:HA	1:191:A:LEU:HG	14	1.1
(4,113)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:HA	11	1.1
(4,113)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:HA	11	1.1
(4,45)	1:151:A:THR:HA	1:154:A:SER:HA	2	1.1
(2,396)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	19	1.1
(1,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	18	1.1
(1,188)	1:161:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	2	1.1
(1,162)	1:98:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	5	1.1
(1,83)	1:36:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	17	1.1
(1,5)	1:99:A:LEU:H	1:104:A:SER:OG	20	1.1
(5,739)	1:5:A:ASN:ND2	1:37:A:TYR:H	15	1.09
(5,649)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	12	1.09
(5,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	8	1.09
(5,428)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	11	1.09
(5,290)	1:39:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	15	1.09
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD11	14	1.09
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD12	14	1.09
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD13	14	1.09
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD21	14	1.09
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD22	14	1.09
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD23	14	1.09
(4,4013)	1:11:A:ILE:HG12	1:14:A:ASN:H	4	1.09
(4,3907)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB2	6	1.09
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:H	8	1.09
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:H	8	1.09
(4,3796)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE22	10	1.09
(4,3795)	1:84:A:GLN:H	1:185:A:LEU:HD11	7	1.09
(4,3795)	1:84:A:GLN:H	1:185:A:LEU:HD12	7	1.09
(4,3795)	1:84:A:GLN:H	1:185:A:LEU:HD13	7	1.09
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:H	9	1.09
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:H	9	1.09
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:H	9	1.09
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG21	16	1.09
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG22	16	1.09
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG23	16	1.09
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG21	16	1.09
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG22	16	1.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG23	16	1.09
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG21	16	1.09
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG22	16	1.09
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG23	16	1.09
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE1	1:230:A:GLY:H	15	1.09
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE2	1:230:A:GLY:H	15	1.09
(4,3682)	1:50:A:ARG:H	1:233:A:PRO:HB2	13	1.09
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	20	1.09
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	20	1.09
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	20	1.09
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	20	1.09
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	20	1.09
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	20	1.09
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	19	1.09
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	19	1.09
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	19	1.09
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG11	1:173:A:GLU:H	11	1.09
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG12	1:173:A:GLU:H	11	1.09
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG13	1:173:A:GLU:H	11	1.09
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG21	6	1.09
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG22	6	1.09
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG23	6	1.09
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	3	1.09
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	3	1.09
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	3	1.09
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	3	1.09
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	3	1.09
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	3	1.09
(4,3279)	1:179:A:GLU:HB2	1:189:A:LEU:HD11	13	1.09
(4,3279)	1:179:A:GLU:HB2	1:189:A:LEU:HD12	13	1.09
(4,3279)	1:179:A:GLU:HB2	1:189:A:LEU:HD13	13	1.09
(4,3279)	1:179:A:GLU:HB2	1:189:A:LEU:HD21	13	1.09
(4,3279)	1:179:A:GLU:HB2	1:189:A:LEU:HD22	13	1.09
(4,3279)	1:179:A:GLU:HB2	1:189:A:LEU:HD23	13	1.09
(4,3279)	1:179:A:GLU:HB3	1:189:A:LEU:HD11	13	1.09
(4,3279)	1:179:A:GLU:HB3	1:189:A:LEU:HD12	13	1.09
(4,3279)	1:179:A:GLU:HB3	1:189:A:LEU:HD13	13	1.09
(4,3279)	1:179:A:GLU:HB3	1:189:A:LEU:HD21	13	1.09
(4,3279)	1:179:A:GLU:HB3	1:189:A:LEU:HD22	13	1.09
(4,3279)	1:179:A:GLU:HB3	1:189:A:LEU:HD23	13	1.09
(4,3225)	1:178:A:PHE:H	1:178:A:PHE:HE1	13	1.09
(4,3225)	1:178:A:PHE:H	1:178:A:PHE:HE2	13	1.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD2	1:128:A:ARG:H	2	1.09
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD3	1:128:A:ARG:H	2	1.09
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD2	5	1.09
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD3	5	1.09
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD2	5	1.09
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD3	5	1.09
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG11	5	1.09
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG12	5	1.09
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG13	5	1.09
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG11	5	1.09
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG12	5	1.09
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG13	5	1.09
(4,3089)	1:154:A:SER:HB2	1:156:A:ALA:H	11	1.09
(4,3089)	1:154:A:SER:HB3	1:156:A:ALA:H	11	1.09
(4,3081)	1:219:A:ASN:HD21	1:220:A:GLU:HB2	1	1.09
(4,3081)	1:219:A:ASN:HD21	1:220:A:GLU:HB3	1	1.09
(4,3081)	1:219:A:ASN:HD22	1:220:A:GLU:HB2	1	1.09
(4,3081)	1:219:A:ASN:HD22	1:220:A:GLU:HB3	1	1.09
(4,3051)	1:163:A:THR:HA	1:165:A:LEU:HB3	18	1.09
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG11	19	1.09
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG12	19	1.09
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG13	19	1.09
(4,2876)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:H	8	1.09
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD21	1:221:A:GLU:HG2	5	1.09
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD21	1:221:A:GLU:HG3	5	1.09
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:HG2	5	1.09
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:HG3	5	1.09
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE1	12	1.09
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE2	12	1.09
(4,2764)	1:119:A:GLN:HE22	1:134:A:THR:H	1	1.09
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD1	13	1.09
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD2	13	1.09
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:H	8	1.09
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:H	8	1.09
(4,2324)	1:65:A:ARG:H	1:67:A:SER:H	18	1.09
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB1	17	1.09
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB2	17	1.09
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB3	17	1.09
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB1	17	1.09
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB2	17	1.09
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB3	17	1.09
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB1	17	1.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB2	17	1.09
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB3	17	1.09
(4,2301)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:H	6	1.09
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD21	1:104:A:SER:H	7	1.09
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD22	1:104:A:SER:H	7	1.09
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG11	13	1.09
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG12	13	1.09
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG13	13	1.09
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:H	8	1.09
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:H	8	1.09
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:H	8	1.09
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD2	12	1.09
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD3	12	1.09
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD2	12	1.09
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD3	12	1.09
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD1	19	1.09
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD2	19	1.09
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD1	1:190:A:TYR:H	7	1.09
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD2	1:190:A:TYR:H	7	1.09
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD11	2	1.09
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD12	2	1.09
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD13	2	1.09
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD11	4	1.09
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD12	4	1.09
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD13	4	1.09
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD11	4	1.09
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD12	4	1.09
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD13	4	1.09
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:CG1	8	1.09
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:CG1	8	1.09
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:CG1	8	1.09
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	5	1.09
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	5	1.09
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	5	1.09
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	5	1.09
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	5	1.09
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	5	1.09
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG11	1:173:A:GLU:H	19	1.09
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG12	1:173:A:GLU:H	19	1.09
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG13	1:173:A:GLU:H	19	1.09
(4,1551)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD11	6	1.09
(4,1551)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD12	6	1.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1551)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD13	6	1.09
(4,1551)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD11	16	1.09
(4,1551)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD12	16	1.09
(4,1551)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD13	16	1.09
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD1	3	1.09
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD2	3	1.09
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD1	3	1.09
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD2	3	1.09
(4,1455)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:H	5	1.09
(4,1455)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:H	8	1.09
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:HA2	2	1.09
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:HA3	2	1.09
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:HA2	2	1.09
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:HA3	2	1.09
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB1	3	1.09
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB2	3	1.09
(4,1426)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:HB3	3	1.09
(4,1407)	1:25:A:LEU:HD11	1:96:A:LEU:H	10	1.09
(4,1407)	1:25:A:LEU:HD12	1:96:A:LEU:H	10	1.09
(4,1407)	1:25:A:LEU:HD13	1:96:A:LEU:H	10	1.09
(4,1407)	1:25:A:LEU:HD21	1:96:A:LEU:H	10	1.09
(4,1407)	1:25:A:LEU:HD22	1:96:A:LEU:H	10	1.09
(4,1407)	1:25:A:LEU:HD23	1:96:A:LEU:H	10	1.09
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	7	1.09
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	7	1.09
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	7	1.09
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	7	1.09
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	7	1.09
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	7	1.09
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG11	16	1.09
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG12	16	1.09
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG13	16	1.09
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG21	16	1.09
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG22	16	1.09
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG23	16	1.09
(4,1224)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:H	14	1.09
(4,1220)	1:149:A:PHE:HB3	1:151:A:THR:H	18	1.09
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG21	18	1.09
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG22	18	1.09
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG23	18	1.09
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG21	18	1.09
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG22	18	1.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG23	18	1.09
(4,1134)	1:151:A:THR:H	1:152:A:GLY:H	7	1.09
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB1	7	1.09
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB2	7	1.09
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB3	7	1.09
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB1	7	1.09
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB2	7	1.09
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB3	7	1.09
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB1	7	1.09
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB2	7	1.09
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB3	7	1.09
(4,1037)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:HA	16	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD11	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD12	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD13	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD21	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD22	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD23	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD11	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD12	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD13	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD21	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD22	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD23	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD11	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD12	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD13	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD21	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD22	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD23	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD11	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD12	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD13	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD21	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD22	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD23	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD11	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD12	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD13	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD21	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD22	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD23	19	1.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD11	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD12	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD13	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD21	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD22	19	1.09
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD23	19	1.09
(4,961)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HG2	16	1.09
(4,961)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HG3	16	1.09
(4,961)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HG2	16	1.09
(4,961)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HG3	16	1.09
(4,961)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HG2	16	1.09
(4,961)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HG3	16	1.09
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD11	1	1.09
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD12	1	1.09
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD13	1	1.09
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD21	1	1.09
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD22	1	1.09
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD23	1	1.09
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD11	1	1.09
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD12	1	1.09
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD13	1	1.09
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD21	1	1.09
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD22	1	1.09
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD23	1	1.09
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD11	1	1.09
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD12	1	1.09
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD13	1	1.09
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD21	1	1.09
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD22	1	1.09
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD23	1	1.09
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD21	6	1.09
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD22	6	1.09
(4,801)	1:48:A:LEU:HD21	1:201:A:LEU:H	8	1.09
(4,801)	1:48:A:LEU:HD22	1:201:A:LEU:H	8	1.09
(4,801)	1:48:A:LEU:HD23	1:201:A:LEU:H	8	1.09
(4,745)	1:95:A:ILE:HD11	1:97:A:HIS:H	13	1.09
(4,745)	1:95:A:ILE:HD12	1:97:A:HIS:H	13	1.09
(4,745)	1:95:A:ILE:HD13	1:97:A:HIS:H	13	1.09
(4,737)	1:81:A:TRP:HZ3	1:84:A:GLN:H	18	1.09
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD11	19	1.09
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD12	19	1.09
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD13	19	1.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD21	19	1.09
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD22	19	1.09
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD23	19	1.09
(4,492)	1:92:A:LEU:HD21	1:93:A:TYR:HD1	8	1.09
(4,492)	1:92:A:LEU:HD21	1:93:A:TYR:HD2	8	1.09
(4,492)	1:92:A:LEU:HD22	1:93:A:TYR:HD1	8	1.09
(4,492)	1:92:A:LEU:HD22	1:93:A:TYR:HD2	8	1.09
(4,492)	1:92:A:LEU:HD23	1:93:A:TYR:HD1	8	1.09
(4,492)	1:92:A:LEU:HD23	1:93:A:TYR:HD2	8	1.09
(4,266)	1:189:A:LEU:HB2	1:191:A:LEU:H	19	1.09
(4,266)	1:189:A:LEU:HB3	1:191:A:LEU:H	19	1.09
(4,203)	1:110:A:SER:HG	1:114:A:ASN:H	15	1.09
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD21	16	1.09
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD22	16	1.09
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD23	16	1.09
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB2	19	1.09
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB3	19	1.09
(2,342)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	18	1.09
(2,134)	1:103:A:GLN:H	1:104:A:SER:OG	20	1.09
(1,382)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	12	1.09
(1,219)	1:183:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	12	1.09
(1,195)	1:16:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	4	1.09
(1,57)	1:22:A:ALA:H	1:140:A:ASN:ND2	10	1.09
(5,610)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	2	1.08
(5,488)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	17	1.08
(5,299)	1:156:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	5	1.08
(5,73)	1:89:A:ALA:H	1:104:A:SER:OG	11	1.08
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG21	18	1.08
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG22	18	1.08
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG23	18	1.08
(4,4262)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HB	3	1.08
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG2	7	1.08
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG3	7	1.08
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB2	1:173:A:GLU:H	8	1.08
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB3	1:173:A:GLU:H	8	1.08
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	2	1.08
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	2	1.08
(4,4034)	1:76:A:SER:H	1:78:A:ASP:H	1	1.08
(4,4013)	1:11:A:ILE:HG12	1:14:A:ASN:H	13	1.08
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD1	20	1.08
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD2	20	1.08
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD11	1:96:A:LEU:H	9	1.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD12	1:96:A:LEU:H	9	1.08
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD13	1:96:A:LEU:H	9	1.08
(4,3807)	1:27:A:LEU:HG	1:105:A:LEU:HD11	5	1.08
(4,3807)	1:27:A:LEU:HG	1:105:A:LEU:HD12	5	1.08
(4,3807)	1:27:A:LEU:HG	1:105:A:LEU:HD13	5	1.08
(4,3807)	1:27:A:LEU:HG	1:105:A:LEU:HD21	5	1.08
(4,3807)	1:27:A:LEU:HG	1:105:A:LEU:HD22	5	1.08
(4,3807)	1:27:A:LEU:HG	1:105:A:LEU:HD23	5	1.08
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	14	1.08
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	14	1.08
(4,3682)	1:50:A:ARG:H	1:233:A:PRO:HB2	8	1.08
(4,3682)	1:50:A:ARG:H	1:233:A:PRO:HB2	10	1.08
(4,3680)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	1	1.08
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD11	1:126:A:LYS:H	13	1.08
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD12	1:126:A:LYS:H	13	1.08
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD13	1:126:A:LYS:H	13	1.08
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD21	1:126:A:LYS:H	13	1.08
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD22	1:126:A:LYS:H	13	1.08
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD23	1:126:A:LYS:H	13	1.08
(4,3606)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB2	12	1.08
(4,3544)	1:76:A:SER:HA	1:78:A:ASP:H	11	1.08
(4,3509)	1:55:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HB2	11	1.08
(4,3509)	1:55:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HB3	11	1.08
(4,3509)	1:55:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HB2	11	1.08
(4,3509)	1:55:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HB3	11	1.08
(4,3509)	1:55:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HB2	11	1.08
(4,3509)	1:55:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HB3	11	1.08
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE1	20	1.08
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE2	20	1.08
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE1	20	1.08
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE2	20	1.08
(4,3217)	1:204:A:GLN:HE21	1:207:A:VAL:H	16	1.08
(4,3217)	1:204:A:GLN:HE22	1:207:A:VAL:H	16	1.08
(4,3213)	1:29:A:ASN:H	1:31:A:TRP:HE1	19	1.08
(4,3202)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA2	2	1.08
(4,3202)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA2	2	1.08
(4,3163)	1:31:A:TRP:HE3	1:234:A:ASN:H	4	1.08
(4,3160)	1:64:A:ASP:HB2	1:66:A:LYS:H	2	1.08
(4,3160)	1:64:A:ASP:HB3	1:66:A:LYS:H	2	1.08
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:CG1	4	1.08
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:CG1	4	1.08
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:CG1	4	1.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2979)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:HB2	7	1.08
(4,2979)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:HB3	7	1.08
(4,2978)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:HA	12	1.08
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG21	16	1.08
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG22	16	1.08
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG23	16	1.08
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG21	16	1.08
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG22	16	1.08
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG23	16	1.08
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG21	16	1.08
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG22	16	1.08
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG23	16	1.08
(4,2856)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE3	15	1.08
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD1	13	1.08
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD2	13	1.08
(4,2643)	1:136:A:GLN:HE21	1:137:A:PHE:HA	10	1.08
(4,2643)	1:136:A:GLN:HE22	1:137:A:PHE:HA	10	1.08
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD11	1:144:A:GLU:H	18	1.08
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD12	1:144:A:GLU:H	18	1.08
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD13	1:144:A:GLU:H	18	1.08
(4,2603)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HD1	7	1.08
(4,2603)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HD2	7	1.08
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD1	4	1.08
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD2	4	1.08
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD1	9	1.08
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD2	9	1.08
(4,2489)	1:152:A:GLY:H	1:154:A:SER:H	20	1.08
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD11	1	1.08
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD12	1	1.08
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD13	1	1.08
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD11	19	1.08
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD12	19	1.08
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD13	19	1.08
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD21	19	1.08
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD22	19	1.08
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD23	19	1.08
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE1	1:78:A:ASP:H	6	1.08
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE2	1:78:A:ASP:H	6	1.08
(4,2285)	1:177:A:ILE:HG12	1:195:A:ASP:H	9	1.08
(4,2285)	1:177:A:ILE:HG13	1:195:A:ASP:H	9	1.08
(4,2263)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:H	20	1.08
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HA	10	1.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HA	10	1.08
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HA	10	1.08
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG21	6	1.08
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG22	6	1.08
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG23	6	1.08
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD11	12	1.08
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD12	12	1.08
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD13	12	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD21	1	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD22	1	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD21	1	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD22	1	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD21	1	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD22	1	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD21	1	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD22	1	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD21	1	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD22	1	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD21	1	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD22	1	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD21	4	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD22	4	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD21	4	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD22	4	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD21	4	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD22	4	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD21	4	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD22	4	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD21	4	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD22	4	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD21	4	1.08
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD22	4	1.08
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD1	1:190:A:TYR:H	11	1.08
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD2	1:190:A:TYR:H	11	1.08
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD11	19	1.08
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD12	19	1.08
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD13	19	1.08
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD2	2	1.08
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD3	2	1.08
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD2	2	1.08
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD3	2	1.08
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG2	13	1.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	13	1.08
(4,1807)	1:81:A:TRP:HE1	1:82:A:PHE:H	10	1.08
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG12	16	1.08
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG13	16	1.08
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD11	1:47:A:PHE:H	8	1.08
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD12	1:47:A:PHE:H	8	1.08
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD13	1:47:A:PHE:H	8	1.08
(4,1720)	1:5:A:ASN:H	1:7:A:ALA:H	5	1.08
(4,1512)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HB2	18	1.08
(4,1512)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HB3	18	1.08
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG11	6	1.08
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG12	6	1.08
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG13	6	1.08
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:H	16	1.08
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:H	16	1.08
(4,1224)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:H	2	1.08
(4,1224)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:H	17	1.08
(4,1207)	1:28:A:LYS:HB3	1:31:A:TRP:HE1	14	1.08
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG21	1:194:A:SER:H	19	1.08
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG22	1:194:A:SER:H	19	1.08
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG23	1:194:A:SER:H	19	1.08
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD11	6	1.08
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD12	6	1.08
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD13	6	1.08
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD21	6	1.08
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD22	6	1.08
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD23	6	1.08
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD11	6	1.08
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD12	6	1.08
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD13	6	1.08
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD21	6	1.08
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD22	6	1.08
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD23	6	1.08
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD11	6	1.08
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD12	6	1.08
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD13	6	1.08
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD21	6	1.08
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD22	6	1.08
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD23	6	1.08
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD11	1:199:A:THR:HG21	18	1.08
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD11	1:199:A:THR:HG22	18	1.08
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD11	1:199:A:THR:HG23	18	1.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD12	1:199:A:THR:HG21	18	1.08
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD12	1:199:A:THR:HG22	18	1.08
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD12	1:199:A:THR:HG23	18	1.08
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD13	1:199:A:THR:HG21	18	1.08
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD13	1:199:A:THR:HG22	18	1.08
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD13	1:199:A:THR:HG23	18	1.08
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD21	1:199:A:THR:HG21	18	1.08
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD21	1:199:A:THR:HG22	18	1.08
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD21	1:199:A:THR:HG23	18	1.08
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD22	1:199:A:THR:HG21	18	1.08
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD22	1:199:A:THR:HG22	18	1.08
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD22	1:199:A:THR:HG23	18	1.08
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD23	1:199:A:THR:HG21	18	1.08
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD23	1:199:A:THR:HG22	18	1.08
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD23	1:199:A:THR:HG23	18	1.08
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB2	7	1.08
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB3	7	1.08
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB2	7	1.08
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB3	7	1.08
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB2	7	1.08
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB3	7	1.08
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB2	18	1.08
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB3	18	1.08
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB2	18	1.08
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB3	18	1.08
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB2	18	1.08
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB3	18	1.08
(4,946)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:H	17	1.08
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD1	11	1.08
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD2	11	1.08
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD21	12	1.08
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD22	12	1.08
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD11	19	1.08
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD12	19	1.08
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD13	19	1.08
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD21	7	1.08
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD22	7	1.08
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD23	7	1.08
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG21	4	1.08
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG22	4	1.08
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG23	4	1.08
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG21	4	1.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG22	4	1.08
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG23	4	1.08
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG21	4	1.08
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG22	4	1.08
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG23	4	1.08
(4,716)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD11	18	1.08
(4,716)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD12	18	1.08
(4,716)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD13	18	1.08
(4,685)	1:79:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	12	1.08
(4,685)	1:79:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	12	1.08
(4,685)	1:79:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	12	1.08
(4,589)	1:83:A:LYS:HA	1:183:A:ARG:H	19	1.08
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB2	7	1.08
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB3	7	1.08
(4,433)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:H	9	1.08
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG21	8	1.08
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG22	8	1.08
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG23	8	1.08
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB1	1	1.08
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB2	1	1.08
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB3	1	1.08
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB1	1	1.08
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB2	1	1.08
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB3	1	1.08
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB1	1	1.08
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB2	1	1.08
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB3	1	1.08
(4,149)	1:234:A:ASN:HD21	1:236:A:GLU:H	18	1.08
(4,112)	1:170:A:TYR:H	1:180:A:LEU:HD11	1	1.08
(4,112)	1:170:A:TYR:H	1:180:A:LEU:HD12	1	1.08
(4,112)	1:170:A:TYR:H	1:180:A:LEU:HD13	1	1.08
(4,112)	1:170:A:TYR:H	1:180:A:LEU:HD21	1	1.08
(4,112)	1:170:A:TYR:H	1:180:A:LEU:HD22	1	1.08
(4,112)	1:170:A:TYR:H	1:180:A:LEU:HD23	1	1.08
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB2	6	1.08
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB3	6	1.08
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG21	19	1.08
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG22	19	1.08
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG23	19	1.08
(2,590)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	9	1.08
(2,513)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	3	1.08
(2,172)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	8	1.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,69)	1:140:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	15	1.08
(5,545)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	14	1.07
(5,493)	1:5:A:ASN:ND2	1:59:A:PHE:H	18	1.07
(5,371)	1:5:A:ASN:ND2	1:62:A:ASN:H	13	1.07
(5,131)	1:140:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	12	1.07
(5,86)	1:12:A:GLU:H	1:140:A:ASN:ND2	20	1.07
(4,4251)	1:81:A:TRP:HH2	1:184:A:ASN:H	16	1.07
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG12	1:214:A:TYR:HD1	4	1.07
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG12	1:214:A:TYR:HD2	4	1.07
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG13	1:214:A:TYR:HD1	4	1.07
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG13	1:214:A:TYR:HD2	4	1.07
(4,4152)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HA	8	1.07
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD11	4	1.07
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD12	4	1.07
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD13	4	1.07
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD21	4	1.07
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD22	4	1.07
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD23	4	1.07
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG21	9	1.07
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG22	9	1.07
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG23	9	1.07
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD11	1:119:A:GLN:H	14	1.07
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD12	1:119:A:GLN:H	14	1.07
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD13	1:119:A:GLN:H	14	1.07
(4,3937)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE21	9	1.07
(4,3907)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB2	20	1.07
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD1	2	1.07
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD2	2	1.07
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD1	1:228:A:MET:HG2	4	1.07
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD1	1:228:A:MET:HG3	4	1.07
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD2	1:228:A:MET:HG2	4	1.07
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD2	1:228:A:MET:HG3	4	1.07
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:H	16	1.07
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:H	16	1.07
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:H	16	1.07
(4,3755)	1:44:A:LEU:HD11	1:47:A:PHE:H	3	1.07
(4,3755)	1:44:A:LEU:HD12	1:47:A:PHE:H	3	1.07
(4,3755)	1:44:A:LEU:HD13	1:47:A:PHE:H	3	1.07
(4,3716)	1:45:A:LEU:HA	1:202:A:ILE:HD11	10	1.07
(4,3716)	1:45:A:LEU:HA	1:202:A:ILE:HD12	10	1.07
(4,3716)	1:45:A:LEU:HA	1:202:A:ILE:HD13	10	1.07
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD11	1	1.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD12	1	1.07
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD13	1	1.07
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG2	1:50:A:ARG:HD2	18	1.07
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG2	1:50:A:ARG:HD3	18	1.07
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG3	1:50:A:ARG:HD2	18	1.07
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG3	1:50:A:ARG:HD3	18	1.07
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:CD2	12	1.07
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:CD2	12	1.07
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:CD2	12	1.07
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HB2	10	1.07
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HB3	10	1.07
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HB2	10	1.07
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HB3	10	1.07
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HB2	10	1.07
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HB3	10	1.07
(4,3485)	1:126:A:LYS:HG2	1:127:A:ASN:HD21	14	1.07
(4,3485)	1:126:A:LYS:HG3	1:127:A:ASN:HD21	14	1.07
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG21	9	1.07
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG22	9	1.07
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG23	9	1.07
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG21	10	1.07
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG22	10	1.07
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG23	10	1.07
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD11	3	1.07
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD12	3	1.07
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD13	3	1.07
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD21	3	1.07
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD22	3	1.07
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD23	3	1.07
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HD1	1	1.07
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HD2	1	1.07
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HD1	1	1.07
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HD2	1	1.07
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HD1	1	1.07
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HD2	1	1.07
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD2	1:128:A:ARG:H	19	1.07
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD3	1:128:A:ARG:H	19	1.07
(4,3138)	1:5:A:ASN:H	1:8:A:VAL:H	19	1.07
(4,2970)	1:28:A:LYS:HB2	1:107:A:GLU:H	6	1.07
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HD11	10	1.07
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HD12	10	1.07
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HD13	10	1.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HD11	10	1.07
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HD12	10	1.07
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HD13	10	1.07
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HD11	10	1.07
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HD12	10	1.07
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HD13	10	1.07
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD11	2	1.07
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD12	2	1.07
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD13	2	1.07
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD11	2	1.07
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD12	2	1.07
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD13	2	1.07
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD11	2	1.07
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD12	2	1.07
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD13	2	1.07
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD11	10	1.07
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD12	10	1.07
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD13	10	1.07
(4,2828)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:H	9	1.07
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB2	12	1.07
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB3	12	1.07
(4,2571)	1:12:A:GLU:H	1:13:A:SER:H	13	1.07
(4,2564)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:H	19	1.07
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD11	1:120:A:SER:H	13	1.07
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD12	1:120:A:SER:H	13	1.07
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD13	1:120:A:SER:H	13	1.07
(4,2489)	1:152:A:GLY:H	1:154:A:SER:H	7	1.07
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	18	1.07
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	18	1.07
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	18	1.07
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG21	1:13:A:SER:HA	4	1.07
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG22	1:13:A:SER:HA	4	1.07
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG23	1:13:A:SER:HA	4	1.07
(4,2343)	1:73:A:ILE:H	1:186:A:SER:H	7	1.07
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG21	17	1.07
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG22	17	1.07
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG23	17	1.07
(4,2283)	1:60:A:PRO:HB2	1:164:A:ASN:HD22	8	1.07
(4,2283)	1:60:A:PRO:HB3	1:164:A:ASN:HD22	8	1.07
(4,2152)	1:63:A:GLU:H	1:65:A:ARG:H	10	1.07
(4,2097)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:H	15	1.07
(4,1851)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:HG	15	1.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1850)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	18	1.07
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG21	1:215:A:MET:H	10	1.07
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG22	1:215:A:MET:H	10	1.07
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG23	1:215:A:MET:H	10	1.07
(4,1771)	1:72:A:GLN:HB3	1:74:A:THR:H	17	1.07
(4,1651)	1:59:A:PHE:H	1:165:A:LEU:HB2	15	1.07
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE1	1:49:A:PRO:HG2	12	1.07
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE1	1:49:A:PRO:HG3	12	1.07
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE2	1:49:A:PRO:HG2	12	1.07
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE2	1:49:A:PRO:HG3	12	1.07
(4,1587)	1:190:A:TYR:HE1	1:192:A:GLY:H	7	1.07
(4,1587)	1:190:A:TYR:HE2	1:192:A:GLY:H	7	1.07
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD11	4	1.07
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD12	4	1.07
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD13	4	1.07
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD21	4	1.07
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD22	4	1.07
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD23	4	1.07
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD11	4	1.07
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD12	4	1.07
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD13	4	1.07
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD21	4	1.07
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD22	4	1.07
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD23	4	1.07
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD11	5	1.07
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD12	5	1.07
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD13	5	1.07
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD11	5	1.07
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD12	5	1.07
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD13	5	1.07
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD11	5	1.07
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD12	5	1.07
(4,1454)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD13	5	1.07
(4,1436)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD11	14	1.07
(4,1436)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD12	14	1.07
(4,1436)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD13	14	1.07
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB1	16	1.07
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB2	16	1.07
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB3	16	1.07
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD21	13	1.07
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD22	13	1.07
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD23	13	1.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD2	1:146:A:VAL:HB	5	1.07
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD3	1:146:A:VAL:HB	5	1.07
(4,1052)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:H	10	1.07
(4,1041)	1:23:A:HIS:HD2	1:31:A:TRP:H	18	1.07
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG11	6	1.07
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG12	6	1.07
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG13	6	1.07
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG11	6	1.07
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG12	6	1.07
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG13	6	1.07
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG11	6	1.07
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG12	6	1.07
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG13	6	1.07
(4,834)	1:99:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	6	1.07
(4,834)	1:99:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	6	1.07
(4,834)	1:99:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	6	1.07
(4,834)	1:99:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	6	1.07
(4,834)	1:99:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	6	1.07
(4,834)	1:99:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	6	1.07
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD11	2	1.07
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD12	2	1.07
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD13	2	1.07
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD11	2	1.07
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD12	2	1.07
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD13	2	1.07
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG11	16	1.07
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG12	16	1.07
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG13	16	1.07
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD21	1	1.07
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD22	1	1.07
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB2	17	1.07
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB3	17	1.07
(4,433)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:H	1	1.07
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB1	18	1.07
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB2	18	1.07
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB3	18	1.07
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB1	18	1.07
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB2	18	1.07
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB3	18	1.07
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB1	18	1.07
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB2	18	1.07
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB3	18	1.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,382)	1:32:A:ALA:HB1	1:233:A:PRO:HB2	17	1.07
(4,382)	1:32:A:ALA:HB2	1:233:A:PRO:HB2	17	1.07
(4,382)	1:32:A:ALA:HB3	1:233:A:PRO:HB2	17	1.07
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD11	10	1.07
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD12	10	1.07
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD13	10	1.07
(4,211)	1:83:A:LYS:HD2	1:86:A:VAL:H	19	1.07
(4,211)	1:83:A:LYS:HD3	1:86:A:VAL:H	19	1.07
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD21	3	1.07
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD22	3	1.07
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD23	3	1.07
(4,150)	1:39:A:LEU:HA	1:44:A:LEU:HG	6	1.07
(4,142)	1:190:A:TYR:HA	1:191:A:LEU:HG	3	1.07
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD21	4	1.07
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD22	4	1.07
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD23	4	1.07
(3,14)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:O	7	1.07
(2,77)	1:101:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	13	1.07
(1,173)	1:58:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	5	1.07
(1,159)	1:191:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	7	1.07
(1,116)	1:169:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	18	1.07
(5,678)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	7	1.06
(5,512)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	10	1.06
(5,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	5	1.06
(5,433)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	10	1.06
(5,73)	1:89:A:ALA:H	1:104:A:SER:OG	16	1.06
(4,4247)	1:126:A:LYS:HG2	1:127:A:ASN:HB2	18	1.06
(4,4247)	1:126:A:LYS:HG2	1:127:A:ASN:HB3	18	1.06
(4,4247)	1:126:A:LYS:HG3	1:127:A:ASN:HB2	18	1.06
(4,4247)	1:126:A:LYS:HG3	1:127:A:ASN:HB3	18	1.06
(4,4218)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD22	4	1.06
(4,4136)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG2	9	1.06
(4,4053)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HG	9	1.06
(4,4031)	1:181:A:ASP:HB2	1:184:A:ASN:HA	13	1.06
(4,4031)	1:181:A:ASP:HB3	1:184:A:ASN:HA	13	1.06
(4,4028)	1:177:A:ILE:HG21	1:191:A:LEU:H	7	1.06
(4,4028)	1:177:A:ILE:HG22	1:191:A:LEU:H	7	1.06
(4,4028)	1:177:A:ILE:HG23	1:191:A:LEU:H	7	1.06
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD1	18	1.06
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD2	18	1.06
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB2	14	1.06
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB3	14	1.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG21	11	1.06
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG22	11	1.06
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG23	11	1.06
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG21	10	1.06
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG22	10	1.06
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:HG23	10	1.06
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG21	10	1.06
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG22	10	1.06
(4,3954)	1:142:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:HG23	10	1.06
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	15	1.06
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	15	1.06
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	15	1.06
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD22	8	1.06
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD22	8	1.06
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD22	8	1.06
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD22	8	1.06
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD22	8	1.06
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD22	8	1.06
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD11	1:138:A:VAL:H	6	1.06
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD12	1:138:A:VAL:H	6	1.06
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD13	1:138:A:VAL:H	6	1.06
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD21	1:138:A:VAL:H	6	1.06
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD22	1:138:A:VAL:H	6	1.06
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD23	1:138:A:VAL:H	6	1.06
(4,3768)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD11	14	1.06
(4,3768)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD12	14	1.06
(4,3768)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD13	14	1.06
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD11	1:117:A:LYS:HG2	5	1.06
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD11	1:117:A:LYS:HG3	5	1.06
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD12	1:117:A:LYS:HG2	5	1.06
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD12	1:117:A:LYS:HG3	5	1.06
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD13	1:117:A:LYS:HG2	5	1.06
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD13	1:117:A:LYS:HG3	5	1.06
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD21	1:117:A:LYS:HG2	5	1.06
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD21	1:117:A:LYS:HG3	5	1.06
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD22	1:117:A:LYS:HG2	5	1.06
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD22	1:117:A:LYS:HG3	5	1.06
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD23	1:117:A:LYS:HG2	5	1.06
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD23	1:117:A:LYS:HG3	5	1.06
(4,3714)	1:19:A:THR:HG1	1:33:A:TYR:H	5	1.06
(4,3682)	1:50:A:ARG:H	1:233:A:PRO:HB2	15	1.06
(4,3680)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	18	1.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE1	14	1.06
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE2	14	1.06
(4,3587)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:H	14	1.06
(4,3560)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HA	10	1.06
(4,3544)	1:76:A:SER:HA	1:78:A:ASP:H	7	1.06
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD11	1:206:A:LEU:H	20	1.06
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD12	1:206:A:LEU:H	20	1.06
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD13	1:206:A:LEU:H	20	1.06
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG21	5	1.06
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG22	5	1.06
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG23	5	1.06
(4,3466)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HE21	10	1.06
(4,3466)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HE22	10	1.06
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HB2	12	1.06
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HB3	12	1.06
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HB2	12	1.06
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HB3	12	1.06
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG21	18	1.06
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG22	18	1.06
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG23	18	1.06
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	6	1.06
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	6	1.06
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB2	1:236:A:GLU:H	11	1.06
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB3	1:236:A:GLU:H	11	1.06
(4,3200)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:H	5	1.06
(4,3200)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:H	5	1.06
(4,3200)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:H	5	1.06
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG2	14	1.06
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG3	14	1.06
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD1	16	1.06
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD2	16	1.06
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD11	7	1.06
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD12	7	1.06
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD13	7	1.06
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD21	7	1.06
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD22	7	1.06
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD23	7	1.06
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD11	7	1.06
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD12	7	1.06
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD13	7	1.06
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD21	7	1.06
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD22	7	1.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD23	7	1.06
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD11	7	1.06
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD12	7	1.06
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD13	7	1.06
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD21	7	1.06
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD22	7	1.06
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD23	7	1.06
(4,2927)	1:67:A:SER:H	1:217:A:ASN:HB2	14	1.06
(4,2927)	1:67:A:SER:H	1:217:A:ASN:HB3	14	1.06
(4,2923)	1:36:A:ILE:H	1:38:A:SER:H	10	1.06
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD11	9	1.06
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD12	9	1.06
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD13	9	1.06
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA2	20	1.06
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA3	20	1.06
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA2	20	1.06
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA3	20	1.06
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA2	20	1.06
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA3	20	1.06
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD11	18	1.06
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD12	18	1.06
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD13	18	1.06
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD21	18	1.06
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD22	18	1.06
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD23	18	1.06
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD11	18	1.06
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD12	18	1.06
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD13	18	1.06
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD21	18	1.06
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD22	18	1.06
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD23	18	1.06
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD1	11	1.06
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD2	11	1.06
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG2	1:157:A:PRO:HB3	19	1.06
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG3	1:157:A:PRO:HB3	19	1.06
(4,2301)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:H	17	1.06
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HG	17	1.06
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HG	17	1.06
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HG	17	1.06
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HG	17	1.06
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HG	17	1.06
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HG	17	1.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2263)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:H	7	1.06
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HB2	5	1.06
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HB2	5	1.06
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD11	13	1.06
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD12	13	1.06
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD13	13	1.06
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD21	13	1.06
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD22	13	1.06
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD23	13	1.06
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD11	20	1.06
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD12	20	1.06
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD13	20	1.06
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD21	20	1.06
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD22	20	1.06
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD23	20	1.06
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HB	1	1.06
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HB	1	1.06
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HB	1	1.06
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD21	1:147:A:GLN:H	5	1.06
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD22	1:147:A:GLN:H	5	1.06
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB2	7	1.06
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB3	7	1.06
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB2	7	1.06
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB3	7	1.06
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB2	7	1.06
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB3	7	1.06
(4,2035)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:H	1	1.06
(4,2035)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:H	1	1.06
(4,2035)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:H	1	1.06
(4,1946)	1:69:A:THR:HG21	1:71:A:GLN:H	1	1.06
(4,1946)	1:69:A:THR:HG22	1:71:A:GLN:H	1	1.06
(4,1946)	1:69:A:THR:HG23	1:71:A:GLN:H	1	1.06
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:H	16	1.06
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:H	16	1.06
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:H	16	1.06
(4,1807)	1:81:A:TRP:HE1	1:82:A:PHE:H	12	1.06
(4,1546)	1:34:A:PHE:HD1	1:232:A:GLY:H	17	1.06
(4,1546)	1:34:A:PHE:HD2	1:232:A:GLY:H	17	1.06
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:HA2	5	1.06
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:HA3	5	1.06
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:HA2	5	1.06
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:HA3	5	1.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD21	3	1.06
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB2	1:140:A:ASN:HD22	3	1.06
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD21	3	1.06
(4,1435)	1:136:A:GLN:HB3	1:140:A:ASN:HD22	3	1.06
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:H	15	1.06
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:H	15	1.06
(4,1297)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:H	11	1.06
(4,1224)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:H	18	1.06
(4,1155)	1:112:A:LEU:HD11	1:114:A:ASN:H	12	1.06
(4,1155)	1:112:A:LEU:HD12	1:114:A:ASN:H	12	1.06
(4,1155)	1:112:A:LEU:HD13	1:114:A:ASN:H	12	1.06
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	17	1.06
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:H	17	1.06
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG21	3	1.06
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG22	3	1.06
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG23	3	1.06
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG11	1:167:A:TYR:HE1	4	1.06
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG11	1:167:A:TYR:HE2	4	1.06
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG12	1:167:A:TYR:HE1	4	1.06
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG12	1:167:A:TYR:HE2	4	1.06
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG13	1:167:A:TYR:HE1	4	1.06
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG13	1:167:A:TYR:HE2	4	1.06
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD11	11	1.06
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD12	11	1.06
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD13	11	1.06
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD11	11	1.06
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD12	11	1.06
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD13	11	1.06
(4,947)	1:177:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	11	1.06
(4,947)	1:177:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	11	1.06
(4,947)	1:177:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	11	1.06
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD1	18	1.06
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD2	18	1.06
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD11	8	1.06
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD12	8	1.06
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD13	8	1.06
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD21	8	1.06
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD22	8	1.06
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD23	8	1.06
(4,855)	1:190:A:TYR:HE1	1:193:A:LYS:H	1	1.06
(4,855)	1:190:A:TYR:HE2	1:193:A:LYS:H	1	1.06
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD11	9	1.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD12	9	1.06
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD13	9	1.06
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD11	9	1.06
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD12	9	1.06
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD13	9	1.06
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD11	8	1.06
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD12	8	1.06
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD13	8	1.06
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD21	8	1.06
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD22	8	1.06
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD23	8	1.06
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD11	8	1.06
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD12	8	1.06
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD13	8	1.06
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD21	8	1.06
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD22	8	1.06
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD23	8	1.06
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD11	8	1.06
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD12	8	1.06
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD13	8	1.06
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD21	8	1.06
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD22	8	1.06
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD23	8	1.06
(4,732)	1:39:A:LEU:HB2	1:208:A:ARG:HD2	16	1.06
(4,732)	1:39:A:LEU:HB2	1:208:A:ARG:HD3	16	1.06
(4,732)	1:39:A:LEU:HB3	1:208:A:ARG:HD2	16	1.06
(4,732)	1:39:A:LEU:HB3	1:208:A:ARG:HD3	16	1.06
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD11	2	1.06
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD12	2	1.06
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD13	2	1.06
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD21	2	1.06
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD22	2	1.06
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD23	2	1.06
(4,714)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:HD1	2	1.06
(4,714)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:HD2	2	1.06
(4,714)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:HD1	2	1.06
(4,714)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:HD2	2	1.06
(4,714)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:HD1	2	1.06
(4,714)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:HD2	2	1.06
(4,659)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HG	12	1.06
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD11	5	1.06
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD12	5	1.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD13	5	1.06
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD21	5	1.06
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD22	5	1.06
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD23	5	1.06
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD1	9	1.06
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD2	9	1.06
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG12	9	1.06
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG13	9	1.06
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG12	9	1.06
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG13	9	1.06
(4,400)	1:221:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG21	17	1.06
(4,400)	1:221:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG22	17	1.06
(4,400)	1:221:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG23	17	1.06
(4,375)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	19	1.06
(4,375)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	19	1.06
(4,375)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	19	1.06
(4,341)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HB	12	1.06
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD1	6	1.06
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD2	6	1.06
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD11	9	1.06
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD12	9	1.06
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD13	9	1.06
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG21	2	1.06
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG22	2	1.06
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG23	2	1.06
(4,68)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HB	11	1.06
(4,68)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HB	11	1.06
(4,68)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HB	11	1.06
(4,68)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HB	15	1.06
(4,68)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HB	15	1.06
(4,68)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HB	15	1.06
(4,42)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE22	3	1.06
(4,42)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE22	3	1.06
(4,42)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE22	3	1.06
(4,42)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE22	3	1.06
(4,42)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE22	3	1.06
(4,42)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE22	3	1.06
(4,31)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:H	19	1.06
(4,31)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:H	19	1.06
(2,456)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	1	1.06
(1,162)	1:98:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	12	1.06
(5,801)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	6	1.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,767)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	2	1.05
(5,107)	1:140:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	16	1.05
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD11	19	1.05
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD12	19	1.05
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD13	19	1.05
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD21	19	1.05
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD22	19	1.05
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD23	19	1.05
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD11	15	1.05
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD12	15	1.05
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD13	15	1.05
(4,4262)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HB	1	1.05
(4,4262)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HB	16	1.05
(4,4235)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:H	15	1.05
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE2	1:217:A:ASN:HA	19	1.05
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE3	1:217:A:ASN:HA	19	1.05
(4,4170)	1:169:A:THR:HG21	1:171:A:VAL:H	11	1.05
(4,4170)	1:169:A:THR:HG22	1:171:A:VAL:H	11	1.05
(4,4170)	1:169:A:THR:HG23	1:171:A:VAL:H	11	1.05
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD11	10	1.05
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD12	10	1.05
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD13	10	1.05
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD21	10	1.05
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD22	10	1.05
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD23	10	1.05
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD11	10	1.05
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD12	10	1.05
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD13	10	1.05
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD21	10	1.05
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD22	10	1.05
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD23	10	1.05
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HD1	6	1.05
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HD2	6	1.05
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HD1	6	1.05
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HD2	6	1.05
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HD1	6	1.05
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HD2	6	1.05
(4,4031)	1:181:A:ASP:HB2	1:184:A:ASN:HA	11	1.05
(4,4031)	1:181:A:ASP:HB3	1:184:A:ASN:HA	11	1.05
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD11	1:119:A:GLN:H	19	1.05
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD12	1:119:A:GLN:H	19	1.05
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD13	1:119:A:GLN:H	19	1.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD1	1:151:A:THR:H	4	1.05
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD2	1:151:A:THR:H	4	1.05
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HG3	18	1.05
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HG3	18	1.05
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HG3	18	1.05
(4,3794)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HE21	7	1.05
(4,3794)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HE21	7	1.05
(4,3794)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HE21	7	1.05
(4,3717)	1:169:A:THR:HG1	1:180:A:LEU:H	9	1.05
(4,3682)	1:50:A:ARG:H	1:233:A:PRO:HB2	4	1.05
(4,3682)	1:50:A:ARG:H	1:233:A:PRO:HB2	19	1.05
(4,3659)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:H	12	1.05
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:H	1	1.05
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:H	1	1.05
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:H	1	1.05
(4,3570)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD21	1	1.05
(4,3560)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HA	20	1.05
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG2	1:147:A:GLN:H	19	1.05
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG3	1:147:A:GLN:H	19	1.05
(4,3544)	1:76:A:SER:HA	1:78:A:ASP:H	20	1.05
(4,3441)	1:158:A:GLU:HB2	1:160:A:THR:H	7	1.05
(4,3441)	1:158:A:GLU:HB3	1:160:A:THR:H	7	1.05
(4,3441)	1:158:A:GLU:HB2	1:160:A:THR:H	9	1.05
(4,3441)	1:158:A:GLU:HB3	1:160:A:THR:H	9	1.05
(4,3395)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA2	1	1.05
(4,3389)	1:81:A:TRP:HZ2	1:186:A:SER:H	7	1.05
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD11	10	1.05
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD12	10	1.05
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD13	10	1.05
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD21	10	1.05
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD22	10	1.05
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD23	10	1.05
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD11	10	1.05
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD12	10	1.05
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD13	10	1.05
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD21	10	1.05
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD22	10	1.05
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD23	10	1.05
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	7	1.05
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	7	1.05
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	7	1.05
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	7	1.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3258)	1:58:A:LEU:HA	1:165:A:LEU:HB2	13	1.05
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	11	1.05
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	11	1.05
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	11	1.05
(4,3205)	1:201:A:LEU:H	1:204:A:GLN:HG2	3	1.05
(4,3205)	1:201:A:LEU:H	1:204:A:GLN:HG3	3	1.05
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG12	9	1.05
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG13	9	1.05
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:HD2	6	1.05
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:HD3	6	1.05
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:HD2	6	1.05
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:HD3	6	1.05
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:HD2	6	1.05
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:HD3	6	1.05
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:HD2	6	1.05
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:HD3	6	1.05
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:HD2	6	1.05
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:HD3	6	1.05
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:HD2	6	1.05
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:HD3	6	1.05
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	11	1.05
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	11	1.05
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	11	1.05
(4,2948)	1:25:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	18	1.05
(4,2948)	1:25:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	18	1.05
(4,2948)	1:25:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	18	1.05
(4,2923)	1:36:A:ILE:H	1:38:A:SER:H	17	1.05
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	8	1.05
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	8	1.05
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	8	1.05
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB1	16	1.05
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB2	16	1.05
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB3	16	1.05
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB1	16	1.05
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB2	16	1.05
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB3	16	1.05
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB1	16	1.05
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB2	16	1.05
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB3	16	1.05
(4,2814)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE21	9	1.05
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG21	1:229:A:LEU:H	17	1.05
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG22	1:229:A:LEU:H	17	1.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG23	1:229:A:LEU:H	17	1.05
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB2	17	1.05
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB3	17	1.05
(4,2520)	1:73:A:ILE:HB	1:75:A:SER:H	13	1.05
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	11	1.05
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	11	1.05
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	11	1.05
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	17	1.05
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	17	1.05
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	17	1.05
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE1	1:78:A:ASP:H	16	1.05
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE2	1:78:A:ASP:H	16	1.05
(4,2324)	1:65:A:ARG:H	1:67:A:SER:H	3	1.05
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG21	16	1.05
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG22	16	1.05
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG23	16	1.05
(4,2301)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:H	4	1.05
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:HB2	19	1.05
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:HB3	19	1.05
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:HB2	19	1.05
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:HB3	19	1.05
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:HB2	19	1.05
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:HB3	19	1.05
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	9	1.05
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	9	1.05
(4,2209)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HD1	14	1.05
(4,2209)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HD2	14	1.05
(4,2183)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HD1	18	1.05
(4,2183)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HD2	18	1.05
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD1	9	1.05
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD2	9	1.05
(4,2137)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:H	11	1.05
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HB	11	1.05
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HB	11	1.05
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HB	11	1.05
(4,2097)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:H	7	1.05
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	20	1.05
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	20	1.05
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	20	1.05
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD11	9	1.05
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD12	9	1.05
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD13	9	1.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1933)	1:81:A:TRP:HE1	1:187:A:GLY:H	15	1.05
(4,1907)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:H	18	1.05
(4,1907)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:H	18	1.05
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD2	4	1.05
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD3	4	1.05
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD2	4	1.05
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD3	4	1.05
(4,1841)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:H	6	1.05
(4,1807)	1:81:A:TRP:HE1	1:82:A:PHE:H	7	1.05
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG21	1:215:A:MET:H	8	1.05
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG22	1:215:A:MET:H	8	1.05
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG23	1:215:A:MET:H	8	1.05
(4,1771)	1:72:A:GLN:HB3	1:74:A:THR:H	1	1.05
(4,1559)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:H	5	1.05
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD1	6	1.05
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD2	6	1.05
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG2	8	1.05
(4,1452)	1:2:A:SER:HB2	1:143:A:LYS:HG3	8	1.05
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG2	8	1.05
(4,1452)	1:2:A:SER:HB3	1:143:A:LYS:HG3	8	1.05
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB2	10	1.05
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB2	10	1.05
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB2	10	1.05
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG2	9	1.05
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG3	9	1.05
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD1	18	1.05
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD2	18	1.05
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:H	7	1.05
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:H	7	1.05
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD21	12	1.05
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD22	12	1.05
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD23	12	1.05
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG21	1:168:A:ILE:HB	20	1.05
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG22	1:168:A:ILE:HB	20	1.05
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG23	1:168:A:ILE:HB	20	1.05
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HB	14	1.05
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HB	14	1.05
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HB	14	1.05
(4,1030)	1:31:A:TRP:HE3	1:233:A:PRO:HD2	11	1.05
(4,1030)	1:31:A:TRP:HE3	1:233:A:PRO:HD3	11	1.05
(4,946)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:H	16	1.05
(4,871)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HD1	12	1.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,871)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HD2	12	1.05
(4,871)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HD1	12	1.05
(4,871)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HD2	12	1.05
(4,871)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HD1	12	1.05
(4,871)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HD2	12	1.05
(4,853)	1:76:A:SER:HA	1:79:A:VAL:H	19	1.05
(4,790)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:H	5	1.05
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE21	1	1.05
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE22	1	1.05
(4,745)	1:95:A:ILE:HD11	1:97:A:HIS:H	15	1.05
(4,745)	1:95:A:ILE:HD12	1:97:A:HIS:H	15	1.05
(4,745)	1:95:A:ILE:HD13	1:97:A:HIS:H	15	1.05
(4,632)	1:82:A:PHE:HD1	1:100:A:SER:H	1	1.05
(4,632)	1:82:A:PHE:HD2	1:100:A:SER:H	1	1.05
(4,608)	1:77:A:TYR:H	1:77:A:TYR:HE1	8	1.05
(4,608)	1:77:A:TYR:H	1:77:A:TYR:HE2	8	1.05
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD2	19	1.05
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD3	19	1.05
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD2	19	1.05
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD3	19	1.05
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE1	17	1.05
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE2	17	1.05
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG21	16	1.05
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG22	16	1.05
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG23	16	1.05
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG21	16	1.05
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG22	16	1.05
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG23	16	1.05
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG21	1	1.05
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG22	1	1.05
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG23	1	1.05
(4,238)	1:79:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:H	20	1.05
(4,238)	1:79:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:H	20	1.05
(4,238)	1:79:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:H	20	1.05
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	14	1.05
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	14	1.05
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	14	1.05
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	14	1.05
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	14	1.05
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	14	1.05
(4,206)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD1	18	1.05
(4,206)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD2	18	1.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,120)	1:118:A:SER:HB2	1:119:A:GLN:HE21	12	1.05
(4,120)	1:118:A:SER:HB3	1:119:A:GLN:HE21	12	1.05
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG21	11	1.05
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG22	11	1.05
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG23	11	1.05
(4,59)	1:20:A:ASN:HD21	1:24:A:LYS:H	6	1.05
(2,88)	1:104:A:SER:OG	1:106:A:LEU:H	1	1.05
(1,594)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	19	1.05
(1,57)	1:22:A:ALA:H	1:140:A:ASN:ND2	8	1.05
(5,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	14	1.04
(5,72)	1:59:A:PHE:H	1:104:A:SER:OG	8	1.04
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG11	19	1.04
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG12	19	1.04
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG13	19	1.04
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB2	20	1.04
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB3	20	1.04
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB2	20	1.04
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB3	20	1.04
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB2	20	1.04
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB3	20	1.04
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	14	1.04
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	14	1.04
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	14	1.04
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	14	1.04
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	14	1.04
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	14	1.04
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	14	1.04
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	14	1.04
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	14	1.04
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	14	1.04
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	14	1.04
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	14	1.04
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	4	1.04
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	4	1.04
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	4	1.04
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	4	1.04
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	4	1.04
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	4	1.04
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HD1	16	1.04
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HD2	16	1.04
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HD1	16	1.04
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HD2	16	1.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HD1	16	1.04
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HD2	16	1.04
(4,4003)	1:172:A:GLU:HB3	1:177:A:ILE:HD11	16	1.04
(4,4003)	1:172:A:GLU:HB3	1:177:A:ILE:HD12	16	1.04
(4,4003)	1:172:A:GLU:HB3	1:177:A:ILE:HD13	16	1.04
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG11	1	1.04
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG12	1	1.04
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG13	1	1.04
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG21	1	1.04
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG22	1	1.04
(4,3978)	1:8:A:VAL:HA	1:146:A:VAL:HG23	1	1.04
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD21	10	1.04
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD22	10	1.04
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD21	10	1.04
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD22	10	1.04
(4,3717)	1:169:A:THR:HG1	1:180:A:LEU:H	4	1.04
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB2	1:232:A:GLY:H	7	1.04
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB3	1:232:A:GLY:H	7	1.04
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:H	19	1.04
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:H	19	1.04
(4,3693)	1:52:A:VAL:HB	1:202:A:ILE:H	16	1.04
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD21	1:120:A:SER:H	7	1.04
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD22	1:120:A:SER:H	7	1.04
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD23	1:120:A:SER:H	7	1.04
(4,3519)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	8	1.04
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:CD2	2	1.04
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:CD2	2	1.04
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:CD2	2	1.04
(4,3389)	1:81:A:TRP:HZ2	1:186:A:SER:H	12	1.04
(4,3365)	1:82:A:PHE:HD1	1:97:A:HIS:H	2	1.04
(4,3365)	1:82:A:PHE:HD2	1:97:A:HIS:H	2	1.04
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD11	14	1.04
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD12	14	1.04
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD13	14	1.04
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG21	17	1.04
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG22	17	1.04
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG23	17	1.04
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG21	17	1.04
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG22	17	1.04
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG23	17	1.04
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB2	1:123:A:SER:H	19	1.04
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB3	1:123:A:SER:H	19	1.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB2	1:236:A:GLU:H	10	1.04
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB3	1:236:A:GLU:H	10	1.04
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB2	1:236:A:GLU:H	16	1.04
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB3	1:236:A:GLU:H	16	1.04
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	12	1.04
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	12	1.04
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	12	1.04
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG21	1:179:A:GLU:H	1	1.04
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG22	1:179:A:GLU:H	1	1.04
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG23	1:179:A:GLU:H	1	1.04
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG21	1:179:A:GLU:H	11	1.04
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG22	1:179:A:GLU:H	11	1.04
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG23	1:179:A:GLU:H	11	1.04
(4,3127)	1:31:A:TRP:HE1	1:106:A:LEU:H	6	1.04
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD11	8	1.04
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD12	8	1.04
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD13	8	1.04
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD1	9	1.04
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD2	9	1.04
(4,3018)	1:83:A:LYS:HD2	1:85:A:SER:H	17	1.04
(4,3018)	1:83:A:LYS:HD3	1:85:A:SER:H	17	1.04
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:H	9	1.04
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:H	9	1.04
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	12	1.04
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	12	1.04
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	12	1.04
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD11	6	1.04
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD12	6	1.04
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD13	6	1.04
(4,2809)	1:55:A:ILE:HB	1:201:A:LEU:HB2	5	1.04
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD11	1	1.04
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD12	1	1.04
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD13	1	1.04
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD21	1	1.04
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD22	1	1.04
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD23	1	1.04
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD11	7	1.04
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD12	7	1.04
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD13	7	1.04
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD21	7	1.04
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD22	7	1.04
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD23	7	1.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2691)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG11	1	1.04
(4,2691)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG12	1	1.04
(4,2691)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG13	1	1.04
(4,2689)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:HB2	10	1.04
(4,2689)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:HB2	10	1.04
(4,2689)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:HB2	10	1.04
(4,2571)	1:12:A:GLU:H	1:13:A:SER:H	10	1.04
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB2	1:140:A:ASN:HD21	15	1.04
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB2	1:140:A:ASN:HD22	15	1.04
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB3	1:140:A:ASN:HD21	15	1.04
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB3	1:140:A:ASN:HD22	15	1.04
(4,2483)	1:31:A:TRP:HZ2	1:106:A:LEU:H	5	1.04
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:H	18	1.04
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:H	18	1.04
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:H	18	1.04
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG2	6	1.04
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG3	6	1.04
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB1	20	1.04
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB2	20	1.04
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB3	20	1.04
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB1	20	1.04
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB2	20	1.04
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB3	20	1.04
(4,2406)	1:81:A:TRP:HZ2	1:182:A:GLY:HA2	15	1.04
(4,2406)	1:81:A:TRP:HZ2	1:182:A:GLY:HA3	15	1.04
(4,2346)	1:74:A:THR:HB	1:76:A:SER:H	16	1.04
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HD1	16	1.04
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG3	1:235:A:TRP:HD1	16	1.04
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HB	9	1.04
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HB	9	1.04
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HB	9	1.04
(4,2104)	1:79:A:VAL:HG11	1:188:A:PRO:HB2	1	1.04
(4,2104)	1:79:A:VAL:HG12	1:188:A:PRO:HB2	1	1.04
(4,2104)	1:79:A:VAL:HG13	1:188:A:PRO:HB2	1	1.04
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD11	8	1.04
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD12	8	1.04
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD13	8	1.04
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD21	8	1.04
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD22	8	1.04
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD23	8	1.04
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD11	8	1.04
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD12	8	1.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD13	8	1.04
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD21	8	1.04
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD22	8	1.04
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD23	8	1.04
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:H	6	1.04
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:H	6	1.04
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:H	6	1.04
(4,1975)	1:44:A:LEU:HA	1:48:A:LEU:H	3	1.04
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD1	1:190:A:TYR:H	2	1.04
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD2	1:190:A:TYR:H	2	1.04
(4,1959)	1:73:A:ILE:HA	1:75:A:SER:H	6	1.04
(4,1604)	1:233:A:PRO:HB3	1:235:A:TRP:HE1	14	1.04
(4,1559)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:H	15	1.04
(4,1557)	1:213:A:SER:HA	1:217:A:ASN:HD21	17	1.04
(4,1557)	1:213:A:SER:HA	1:217:A:ASN:HD22	17	1.04
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	17	1.04
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	17	1.04
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	17	1.04
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	17	1.04
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	17	1.04
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	17	1.04
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	8	1.04
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	8	1.04
(4,1052)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:H	16	1.04
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG11	11	1.04
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG12	11	1.04
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG13	11	1.04
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG21	11	1.04
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG22	11	1.04
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG23	11	1.04
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG11	11	1.04
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG12	11	1.04
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG13	11	1.04
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG21	11	1.04
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG22	11	1.04
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG23	11	1.04
(4,946)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:H	18	1.04
(4,940)	1:153:A:GLN:HE21	1:154:A:SER:HA	19	1.04
(4,874)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:H	8	1.04
(4,874)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:H	8	1.04
(4,874)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:H	8	1.04
(4,843)	1:29:A:ASN:HD21	1:31:A:TRP:H	10	1.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD21	20	1.04
(4,828)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:HD22	20	1.04
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD21	10	1.04
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD22	10	1.04
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD23	10	1.04
(4,790)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:H	9	1.04
(4,770)	1:39:A:LEU:HA	1:41:A:GLU:HB2	7	1.04
(4,760)	1:57:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:CD1	16	1.04
(4,760)	1:57:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:CD1	16	1.04
(4,760)	1:57:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:CD1	16	1.04
(4,760)	1:57:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:CD1	16	1.04
(4,760)	1:57:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:CD1	16	1.04
(4,760)	1:57:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:CD1	16	1.04
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	13	1.04
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	13	1.04
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	13	1.04
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD11	20	1.04
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD12	20	1.04
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD13	20	1.04
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD21	20	1.04
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD22	20	1.04
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD23	20	1.04
(4,685)	1:79:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	4	1.04
(4,685)	1:79:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	4	1.04
(4,685)	1:79:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	4	1.04
(4,667)	1:136:A:GLN:HB2	1:139:A:LEU:HB2	8	1.04
(4,667)	1:136:A:GLN:HB2	1:139:A:LEU:HB3	8	1.04
(4,667)	1:136:A:GLN:HB3	1:139:A:LEU:HB2	8	1.04
(4,667)	1:136:A:GLN:HB3	1:139:A:LEU:HB3	8	1.04
(4,658)	1:76:A:SER:H	1:188:A:PRO:HG3	17	1.04
(4,649)	1:88:A:ASN:HB2	1:146:A:VAL:H	6	1.04
(4,649)	1:88:A:ASN:HB3	1:146:A:VAL:H	6	1.04
(4,649)	1:88:A:ASN:HB2	1:146:A:VAL:H	15	1.04
(4,649)	1:88:A:ASN:HB3	1:146:A:VAL:H	15	1.04
(4,498)	1:73:A:ILE:HB	1:188:A:PRO:HG2	2	1.04
(4,498)	1:73:A:ILE:HB	1:188:A:PRO:HG3	2	1.04
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD1	12	1.04
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD2	12	1.04
(4,392)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:H	18	1.04
(4,392)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:H	18	1.04
(4,392)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:H	18	1.04
(4,365)	1:177:A:ILE:HD11	1:191:A:LEU:CD2	19	1.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,365)	1:177:A:ILE:HD12	1:191:A:LEU:CD2	19	1.04
(4,365)	1:177:A:ILE:HD13	1:191:A:LEU:CD2	19	1.04
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD21	12	1.04
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD22	12	1.04
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD23	12	1.04
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB2	2	1.04
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB3	2	1.04
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB2	13	1.04
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB3	13	1.04
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD1	5	1.04
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD2	5	1.04
(4,244)	1:81:A:TRP:H	1:82:A:PHE:HD1	3	1.04
(4,244)	1:81:A:TRP:H	1:82:A:PHE:HD2	3	1.04
(4,180)	1:153:A:GLN:H	1:156:A:ALA:HA	4	1.04
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD21	12	1.04
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD22	12	1.04
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD23	12	1.04
(4,150)	1:39:A:LEU:HA	1:44:A:LEU:HG	2	1.04
(4,150)	1:39:A:LEU:HA	1:44:A:LEU:HG	8	1.04
(4,131)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HG12	14	1.04
(4,131)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HG13	14	1.04
(4,131)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HG12	14	1.04
(4,131)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HG13	14	1.04
(4,96)	1:115:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HG3	13	1.04
(4,96)	1:115:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HG3	13	1.04
(4,93)	1:144:A:GLU:HB2	1:149:A:PHE:HD1	9	1.04
(4,93)	1:144:A:GLU:HB2	1:149:A:PHE:HD2	9	1.04
(4,93)	1:144:A:GLU:HB3	1:149:A:PHE:HD1	9	1.04
(4,93)	1:144:A:GLU:HB3	1:149:A:PHE:HD2	9	1.04
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD1	7	1.04
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD2	7	1.04
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD1	15	1.04
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD2	15	1.04
(4,42)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE22	4	1.04
(4,42)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE22	4	1.04
(4,42)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE22	4	1.04
(4,42)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE22	4	1.04
(4,42)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE22	4	1.04
(4,42)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE22	4	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG11	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG12	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG13	17	1.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG21	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG22	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG23	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG11	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG12	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG13	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG21	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG22	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG23	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG11	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG12	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG13	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG21	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG22	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG23	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG11	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG12	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG13	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG21	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG22	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG23	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG11	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG12	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG13	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG21	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG22	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG23	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG11	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG12	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG13	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG21	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG22	17	1.04
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG23	17	1.04
(4,18)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD22	9	1.04
(4,18)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD22	9	1.04
(4,18)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD22	9	1.04
(2,577)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	5	1.04
(2,134)	1:103:A:GLN:H	1:104:A:SER:OG	1	1.04
(1,520)	1:5:A:ASN:ND2	1:180:A:LEU:H	18	1.04
(5,665)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	5	1.03
(5,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	17	1.03
(5,484)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	8	1.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,86)	1:12:A:GLU:H	1:140:A:ASN:ND2	5	1.03
(5,34)	1:104:A:SER:OG	1:126:A:LYS:H	8	1.03
(5,8)	1:104:A:SER:OG	1:212:A:ALA:H	5	1.03
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG11	6	1.03
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG12	6	1.03
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG13	6	1.03
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG11	14	1.03
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG12	14	1.03
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG13	14	1.03
(4,4152)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HA	16	1.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	17	1.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	17	1.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	17	1.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	17	1.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	17	1.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	17	1.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	17	1.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	17	1.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	17	1.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	17	1.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	17	1.03
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	17	1.03
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	14	1.03
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	14	1.03
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	14	1.03
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	14	1.03
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	14	1.03
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	14	1.03
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG12	14	1.03
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG13	14	1.03
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG12	14	1.03
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG13	14	1.03
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD21	3	1.03
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD22	3	1.03
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD23	3	1.03
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD11	1:100:A:SER:H	3	1.03
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD12	1:100:A:SER:H	3	1.03
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD13	1:100:A:SER:H	3	1.03
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB1	11	1.03
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB2	11	1.03
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB3	11	1.03
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB1	11	1.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB2	11	1.03
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB3	11	1.03
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB1	11	1.03
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB2	11	1.03
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB3	11	1.03
(4,3713)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HA	7	1.03
(4,3713)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HA	7	1.03
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD21	1:120:A:SER:H	1	1.03
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD22	1:120:A:SER:H	1	1.03
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD23	1:120:A:SER:H	1	1.03
(4,3661)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:HB2	15	1.03
(4,3661)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:HB3	15	1.03
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD11	13	1.03
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD12	13	1.03
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD13	13	1.03
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE21	12	1.03
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE22	12	1.03
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE21	12	1.03
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE22	12	1.03
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG21	9	1.03
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG22	9	1.03
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG23	9	1.03
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG21	9	1.03
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG22	9	1.03
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG23	9	1.03
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG21	1:203:A:GLU:H	5	1.03
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG22	1:203:A:GLU:H	5	1.03
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG23	1:203:A:GLU:H	5	1.03
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB2	1:123:A:SER:H	11	1.03
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB3	1:123:A:SER:H	11	1.03
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD1	3	1.03
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD2	3	1.03
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD1	7	1.03
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD2	7	1.03
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	16	1.03
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	16	1.03
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	16	1.03
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	20	1.03
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	20	1.03
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	20	1.03
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG21	1:64:A:ASP:H	5	1.03
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG22	1:64:A:ASP:H	5	1.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG23	1:64:A:ASP:H	5	1.03
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD11	7	1.03
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD12	7	1.03
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD13	7	1.03
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD21	7	1.03
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD22	7	1.03
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD23	7	1.03
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:H	15	1.03
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:H	15	1.03
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD1	3	1.03
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD2	3	1.03
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG21	3	1.03
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG22	3	1.03
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG23	3	1.03
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG21	3	1.03
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG22	3	1.03
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG23	3	1.03
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG21	13	1.03
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG22	13	1.03
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG23	13	1.03
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD21	9	1.03
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD22	9	1.03
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD23	9	1.03
(4,2764)	1:119:A:GLN:HE22	1:134:A:THR:H	16	1.03
(4,2717)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HB2	20	1.03
(4,2717)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HB3	20	1.03
(4,2699)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:H	12	1.03
(4,2699)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:H	12	1.03
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	11	1.03
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	11	1.03
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	11	1.03
(4,2525)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:H	20	1.03
(4,2525)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:H	20	1.03
(4,2525)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:H	20	1.03
(4,2520)	1:73:A:ILE:HB	1:75:A:SER:H	6	1.03
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD1	3	1.03
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD2	3	1.03
(4,2489)	1:152:A:GLY:H	1:154:A:SER:H	14	1.03
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD11	1:41:A:GLU:H	6	1.03
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD12	1:41:A:GLU:H	6	1.03
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD13	1:41:A:GLU:H	6	1.03
(4,2329)	1:39:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	19	1.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2329)	1:39:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	19	1.03
(4,2329)	1:39:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	19	1.03
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG12	17	1.03
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG13	17	1.03
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG12	17	1.03
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG13	17	1.03
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	16	1.03
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	16	1.03
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	16	1.03
(4,2183)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HD1	8	1.03
(4,2183)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HD2	8	1.03
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HB	10	1.03
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HB	10	1.03
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HB	10	1.03
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG21	1:54:A:ALA:HA	14	1.03
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG22	1:54:A:ALA:HA	14	1.03
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG23	1:54:A:ALA:HA	14	1.03
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG21	1:54:A:ALA:HA	19	1.03
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG22	1:54:A:ALA:HA	19	1.03
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG23	1:54:A:ALA:HA	19	1.03
(4,2137)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:H	15	1.03
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	9	1.03
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	9	1.03
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	9	1.03
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG11	6	1.03
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG12	6	1.03
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG13	6	1.03
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG21	1:98:A:SER:H	8	1.03
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG22	1:98:A:SER:H	8	1.03
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG23	1:98:A:SER:H	8	1.03
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG21	16	1.03
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG22	16	1.03
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG23	16	1.03
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE1	17	1.03
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD21	1:82:A:PHE:HE2	17	1.03
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE1	17	1.03
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD22	1:82:A:PHE:HE2	17	1.03
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE1	17	1.03
(4,2047)	1:25:A:LEU:HD23	1:82:A:PHE:HE2	17	1.03
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	4	1.03
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	4	1.03
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	4	1.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	4	1.03
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	4	1.03
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	4	1.03
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	7	1.03
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	7	1.03
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	7	1.03
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	4	1.03
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	4	1.03
(4,1646)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	4	1.03
(4,1583)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG11	19	1.03
(4,1583)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG12	19	1.03
(4,1583)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG13	19	1.03
(4,1583)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG11	20	1.03
(4,1583)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG12	20	1.03
(4,1583)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG13	20	1.03
(4,1577)	1:55:A:ILE:H	1:172:A:GLU:H	1	1.03
(4,1534)	1:38:A:SER:HB2	1:44:A:LEU:HA	17	1.03
(4,1534)	1:38:A:SER:HB3	1:44:A:LEU:HA	17	1.03
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD1	11	1.03
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD2	11	1.03
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD1	11	1.03
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD2	11	1.03
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD11	7	1.03
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD12	7	1.03
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD13	7	1.03
(4,1357)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:HA	17	1.03
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HA	20	1.03
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HA	20	1.03
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HA	20	1.03
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE21	17	1.03
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE21	17	1.03
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD21	14	1.03
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD22	14	1.03
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD23	14	1.03
(4,1053)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:H	15	1.03
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD11	16	1.03
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD12	16	1.03
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD13	16	1.03
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD11	16	1.03
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD12	16	1.03
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD13	16	1.03
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD11	16	1.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD12	16	1.03
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD13	16	1.03
(4,834)	1:99:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	17	1.03
(4,834)	1:99:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	17	1.03
(4,834)	1:99:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	17	1.03
(4,834)	1:99:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	17	1.03
(4,834)	1:99:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	17	1.03
(4,834)	1:99:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	17	1.03
(4,819)	1:149:A:PHE:HA	1:151:A:THR:HA	11	1.03
(4,813)	1:36:A:ILE:HD11	1:48:A:LEU:CD2	16	1.03
(4,813)	1:36:A:ILE:HD12	1:48:A:LEU:CD2	16	1.03
(4,813)	1:36:A:ILE:HD13	1:48:A:LEU:CD2	16	1.03
(4,805)	1:48:A:LEU:HD11	1:50:A:ARG:H	18	1.03
(4,805)	1:48:A:LEU:HD12	1:50:A:ARG:H	18	1.03
(4,805)	1:48:A:LEU:HD13	1:50:A:ARG:H	18	1.03
(4,805)	1:48:A:LEU:HD21	1:50:A:ARG:H	18	1.03
(4,805)	1:48:A:LEU:HD22	1:50:A:ARG:H	18	1.03
(4,805)	1:48:A:LEU:HD23	1:50:A:ARG:H	18	1.03
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD21	6	1.03
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD22	6	1.03
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD23	6	1.03
(4,790)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:H	18	1.03
(4,786)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:H	15	1.03
(4,786)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:H	15	1.03
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD11	1	1.03
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD12	1	1.03
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD13	1	1.03
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD21	1	1.03
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD22	1	1.03
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD23	1	1.03
(4,576)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HG	16	1.03
(4,576)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HG	16	1.03
(4,576)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HG	16	1.03
(4,370)	1:216:A:GLU:HG2	1:217:A:ASN:HD21	6	1.03
(4,370)	1:216:A:GLU:HG2	1:217:A:ASN:HD22	6	1.03
(4,370)	1:216:A:GLU:HG3	1:217:A:ASN:HD21	6	1.03
(4,370)	1:216:A:GLU:HG3	1:217:A:ASN:HD22	6	1.03
(4,365)	1:177:A:ILE:HD11	1:191:A:LEU:CD2	5	1.03
(4,365)	1:177:A:ILE:HD12	1:191:A:LEU:CD2	5	1.03
(4,365)	1:177:A:ILE:HD13	1:191:A:LEU:CD2	5	1.03
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD11	13	1.03
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD12	13	1.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD13	13	1.03
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD21	13	1.03
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD22	13	1.03
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD23	13	1.03
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD11	13	1.03
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD12	13	1.03
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD13	13	1.03
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD21	13	1.03
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD22	13	1.03
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD23	13	1.03
(4,142)	1:190:A:TYR:HA	1:191:A:LEU:HG	18	1.03
(4,116)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	18	1.03
(4,116)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	18	1.03
(4,116)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	18	1.03
(4,116)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	18	1.03
(4,116)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	18	1.03
(4,116)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	18	1.03
(4,116)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	18	1.03
(4,116)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	18	1.03
(4,116)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	18	1.03
(4,116)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	18	1.03
(4,116)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	18	1.03
(4,116)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	18	1.03
(4,108)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HE1	12	1.03
(4,108)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HE2	12	1.03
(4,108)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HE1	12	1.03
(4,108)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HE2	12	1.03
(4,108)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HE1	12	1.03
(4,108)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HE2	12	1.03
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD21	12	1.03
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD22	12	1.03
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD21	12	1.03
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD22	12	1.03
(4,42)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE22	17	1.03
(4,42)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE22	17	1.03
(4,42)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE22	17	1.03
(4,42)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE22	17	1.03
(4,42)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE22	17	1.03
(4,42)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE22	17	1.03
(4,33)	1:72:A:GLN:HG2	1:74:A:THR:H	9	1.03
(4,33)	1:72:A:GLN:HG3	1:74:A:THR:H	9	1.03
(2,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	8	1.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,120)	1:100:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	6	1.03
(1,453)	1:5:A:ASN:ND2	1:84:A:GLN:H	8	1.03
(1,197)	1:85:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	13	1.03
(1,85)	1:206:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	4	1.03
(5,653)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	11	1.02
(5,617)	1:5:A:ASN:ND2	1:44:A:LEU:H	6	1.02
(5,512)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	15	1.02
(5,107)	1:140:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	6	1.02
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG21	1:192:A:GLY:HA2	17	1.02
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG22	1:192:A:GLY:HA2	17	1.02
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG23	1:192:A:GLY:HA2	17	1.02
(4,4262)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HB	17	1.02
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD1	18	1.02
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD2	18	1.02
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD21	3	1.02
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD22	3	1.02
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD23	3	1.02
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD11	8	1.02
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD12	8	1.02
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD13	8	1.02
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD21	8	1.02
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD22	8	1.02
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD23	8	1.02
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD11	12	1.02
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD12	12	1.02
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD13	12	1.02
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD21	12	1.02
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD22	12	1.02
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD23	12	1.02
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD11	12	1.02
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD12	12	1.02
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD13	12	1.02
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD21	12	1.02
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD22	12	1.02
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD23	12	1.02
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG12	3	1.02
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG13	3	1.02
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG12	3	1.02
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG13	3	1.02
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD11	1:111:A:ASP:H	19	1.02
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD12	1:111:A:ASP:H	19	1.02
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD13	1:111:A:ASP:H	19	1.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE1	6	1.02
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE2	6	1.02
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG21	3	1.02
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG22	3	1.02
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG23	3	1.02
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG11	7	1.02
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG12	7	1.02
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG13	7	1.02
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG21	7	1.02
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG22	7	1.02
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG23	7	1.02
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG11	7	1.02
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG12	7	1.02
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG13	7	1.02
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG21	7	1.02
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG22	7	1.02
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG23	7	1.02
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG11	7	1.02
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG12	7	1.02
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG13	7	1.02
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG21	7	1.02
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG22	7	1.02
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG23	7	1.02
(4,3933)	1:19:A:THR:HG1	1:22:A:ALA:H	20	1.02
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HG3	16	1.02
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HG3	16	1.02
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HG3	16	1.02
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB2	1:172:A:GLU:H	17	1.02
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB3	1:172:A:GLU:H	17	1.02
(4,3443)	1:76:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD1	18	1.02
(4,3443)	1:76:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD2	18	1.02
(4,3443)	1:76:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD1	18	1.02
(4,3443)	1:76:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD2	18	1.02
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB2	1:123:A:SER:H	10	1.02
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB3	1:123:A:SER:H	10	1.02
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE1	18	1.02
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE2	18	1.02
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE1	18	1.02
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE2	18	1.02
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE1	18	1.02
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE2	18	1.02
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB2	1:236:A:GLU:H	6	1.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB3	1:236:A:GLU:H	6	1.02
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD11	10	1.02
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD12	10	1.02
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD13	10	1.02
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD21	10	1.02
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD22	10	1.02
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD23	10	1.02
(4,3201)	1:169:A:THR:H	1:179:A:GLU:HG2	10	1.02
(4,3201)	1:169:A:THR:H	1:179:A:GLU:HG3	10	1.02
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG12	3	1.02
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG13	3	1.02
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD11	1:110:A:SER:H	15	1.02
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD12	1:110:A:SER:H	15	1.02
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD13	1:110:A:SER:H	15	1.02
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD1	9	1.02
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD2	9	1.02
(4,3055)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:H	11	1.02
(4,3039)	1:77:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD21	7	1.02
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE1	1	1.02
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG12	1:18:A:PHE:HE2	1	1.02
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE1	1	1.02
(4,2960)	1:11:A:ILE:HG13	1:18:A:PHE:HE2	1	1.02
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD11	8	1.02
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD12	8	1.02
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD13	8	1.02
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG21	1	1.02
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG22	1	1.02
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG23	1	1.02
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG21	1	1.02
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG22	1	1.02
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG23	1	1.02
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG21	1	1.02
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG22	1	1.02
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG23	1	1.02
(4,2854)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:HG2	8	1.02
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB1	1	1.02
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB2	1	1.02
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB3	1	1.02
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB1	1	1.02
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB2	1	1.02
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB3	1	1.02
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB1	1	1.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB2	1	1.02
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB3	1	1.02
(4,2735)	1:153:A:GLN:HE22	1:156:A:ALA:H	15	1.02
(4,2717)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HB2	5	1.02
(4,2717)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HB3	5	1.02
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	19	1.02
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	19	1.02
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	19	1.02
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB1	11	1.02
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB2	11	1.02
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB3	11	1.02
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB1	11	1.02
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB2	11	1.02
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB3	11	1.02
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:H	3	1.02
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:H	3	1.02
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:H	3	1.02
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:H	16	1.02
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:H	16	1.02
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:H	16	1.02
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD11	1:91:A:GLY:H	5	1.02
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD12	1:91:A:GLY:H	5	1.02
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD13	1:91:A:GLY:H	5	1.02
(4,2300)	1:134:A:THR:HG21	1:138:A:VAL:H	2	1.02
(4,2300)	1:134:A:THR:HG22	1:138:A:VAL:H	2	1.02
(4,2300)	1:134:A:THR:HG23	1:138:A:VAL:H	2	1.02
(4,2263)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:H	10	1.02
(4,2261)	1:54:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:H	8	1.02
(4,2261)	1:54:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:H	8	1.02
(4,2261)	1:54:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:H	8	1.02
(4,2241)	1:150:A:SER:HA	1:152:A:GLY:H	4	1.02
(4,2241)	1:150:A:SER:HA	1:152:A:GLY:H	18	1.02
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD11	2	1.02
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD12	2	1.02
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD13	2	1.02
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD21	2	1.02
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD22	2	1.02
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD23	2	1.02
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD11	2	1.02
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD12	2	1.02
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD13	2	1.02
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD21	2	1.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD22	2	1.02
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD23	2	1.02
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG21	1:54:A:ALA:HA	10	1.02
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG22	1:54:A:ALA:HA	10	1.02
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG23	1:54:A:ALA:HA	10	1.02
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD21	16	1.02
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD22	16	1.02
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD23	16	1.02
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD21	16	1.02
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD22	16	1.02
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD23	16	1.02
(4,2097)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:H	6	1.02
(4,2097)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:H	12	1.02
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG11	16	1.02
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG12	16	1.02
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG13	16	1.02
(4,1967)	1:83:A:LYS:HG2	1:85:A:SER:HA	5	1.02
(4,1959)	1:73:A:ILE:HA	1:75:A:SER:H	17	1.02
(4,1907)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:H	11	1.02
(4,1907)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:H	11	1.02
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD21	4	1.02
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD22	4	1.02
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD23	4	1.02
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD11	1:116:A:LEU:HA	14	1.02
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD12	1:116:A:LEU:HA	14	1.02
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD13	1:116:A:LEU:HA	14	1.02
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:HA	14	1.02
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:HA	14	1.02
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:HA	14	1.02
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	18	1.02
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	18	1.02
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	18	1.02
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	18	1.02
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	18	1.02
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	18	1.02
(4,1647)	1:157:A:PRO:HA	1:159:A:ALA:H	11	1.02
(4,1603)	1:97:A:HIS:HD1	1:182:A:GLY:H	9	1.02
(4,1559)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:H	2	1.02
(4,1551)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD11	5	1.02
(4,1551)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD12	5	1.02
(4,1551)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD13	5	1.02
(4,1492)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG3	9	1.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1490)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HD2	4	1.02
(4,1490)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HD3	4	1.02
(4,1490)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HD2	4	1.02
(4,1490)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HD3	4	1.02
(4,1490)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HD2	4	1.02
(4,1490)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HD3	4	1.02
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	19	1.02
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	19	1.02
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	19	1.02
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	19	1.02
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	19	1.02
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	19	1.02
(4,1378)	1:234:A:ASN:HA	1:236:A:GLU:H	8	1.02
(4,1344)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG21	11	1.02
(4,1344)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG22	11	1.02
(4,1344)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG23	11	1.02
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:H	8	1.02
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:H	8	1.02
(4,1310)	1:86:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD11	2	1.02
(4,1310)	1:86:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD12	2	1.02
(4,1310)	1:86:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD13	2	1.02
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HD1	19	1.02
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HD2	19	1.02
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HD1	19	1.02
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HD2	19	1.02
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HD1	19	1.02
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HD2	19	1.02
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HD1	19	1.02
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HD2	19	1.02
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HD1	19	1.02
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HD2	19	1.02
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HD1	19	1.02
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HD2	19	1.02
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD21	8	1.02
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD22	8	1.02
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD23	8	1.02
(4,1143)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:H	19	1.02
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD11	14	1.02
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD12	14	1.02
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD13	14	1.02
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD21	14	1.02
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD22	14	1.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD23	14	1.02
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD11	14	1.02
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD12	14	1.02
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD13	14	1.02
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD21	14	1.02
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD22	14	1.02
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD23	14	1.02
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG21	1:145:A:ASN:HD22	18	1.02
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG22	1:145:A:ASN:HD22	18	1.02
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG23	1:145:A:ASN:HD22	18	1.02
(4,987)	1:19:A:THR:HG1	1:21:A:PHE:H	19	1.02
(4,891)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:HB	17	1.02
(4,891)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:HB	17	1.02
(4,891)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:HB	17	1.02
(4,891)	1:206:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:HB	17	1.02
(4,891)	1:206:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:HB	17	1.02
(4,891)	1:206:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:HB	17	1.02
(4,851)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE21	20	1.02
(4,851)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE21	20	1.02
(4,851)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE21	20	1.02
(4,851)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE21	20	1.02
(4,851)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE21	20	1.02
(4,851)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE21	20	1.02
(4,818)	1:31:A:TRP:HZ3	1:232:A:GLY:HA2	9	1.02
(4,818)	1:31:A:TRP:HZ3	1:232:A:GLY:HA3	9	1.02
(4,805)	1:48:A:LEU:HD11	1:50:A:ARG:H	6	1.02
(4,805)	1:48:A:LEU:HD12	1:50:A:ARG:H	6	1.02
(4,805)	1:48:A:LEU:HD13	1:50:A:ARG:H	6	1.02
(4,805)	1:48:A:LEU:HD21	1:50:A:ARG:H	6	1.02
(4,805)	1:48:A:LEU:HD22	1:50:A:ARG:H	6	1.02
(4,805)	1:48:A:LEU:HD23	1:50:A:ARG:H	6	1.02
(4,770)	1:39:A:LEU:HA	1:41:A:GLU:HB2	13	1.02
(4,745)	1:95:A:ILE:HD11	1:97:A:HIS:H	16	1.02
(4,745)	1:95:A:ILE:HD12	1:97:A:HIS:H	16	1.02
(4,745)	1:95:A:ILE:HD13	1:97:A:HIS:H	16	1.02
(4,679)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:H	6	1.02
(4,679)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:H	6	1.02
(4,679)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:H	6	1.02
(4,679)	1:57:A:LEU:HD21	1:214:A:TYR:H	6	1.02
(4,679)	1:57:A:LEU:HD22	1:214:A:TYR:H	6	1.02
(4,679)	1:57:A:LEU:HD23	1:214:A:TYR:H	6	1.02
(4,658)	1:76:A:SER:H	1:188:A:PRO:HG3	4	1.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,651)	1:145:A:ASN:HB2	1:149:A:PHE:H	1	1.02
(4,651)	1:145:A:ASN:HB3	1:149:A:PHE:H	1	1.02
(4,419)	1:39:A:LEU:HD21	1:41:A:GLU:H	1	1.02
(4,419)	1:39:A:LEU:HD22	1:41:A:GLU:H	1	1.02
(4,419)	1:39:A:LEU:HD23	1:41:A:GLU:H	1	1.02
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE1	11	1.02
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE2	11	1.02
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG21	9	1.02
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG22	9	1.02
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG23	9	1.02
(4,71)	1:177:A:ILE:HD11	1:194:A:SER:H	1	1.02
(4,71)	1:177:A:ILE:HD12	1:194:A:SER:H	1	1.02
(4,71)	1:177:A:ILE:HD13	1:194:A:SER:H	1	1.02
(4,71)	1:177:A:ILE:HD11	1:194:A:SER:H	18	1.02
(4,71)	1:177:A:ILE:HD12	1:194:A:SER:H	18	1.02
(4,71)	1:177:A:ILE:HD13	1:194:A:SER:H	18	1.02
(4,68)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HB	4	1.02
(4,68)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HB	4	1.02
(4,68)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HB	4	1.02
(4,67)	1:21:A:PHE:HD1	1:91:A:GLY:HA2	20	1.02
(4,67)	1:21:A:PHE:HD1	1:91:A:GLY:HA3	20	1.02
(4,67)	1:21:A:PHE:HD2	1:91:A:GLY:HA2	20	1.02
(4,67)	1:21:A:PHE:HD2	1:91:A:GLY:HA3	20	1.02
(4,45)	1:151:A:THR:HA	1:154:A:SER:HA	14	1.02
(4,45)	1:151:A:THR:HA	1:154:A:SER:HA	17	1.02
(1,402)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	3	1.02
(1,220)	1:225:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	10	1.02
(1,57)	1:22:A:ALA:H	1:140:A:ASN:ND2	18	1.02
(5,666)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	4	1.01
(5,623)	1:5:A:ASN:ND2	1:39:A:LEU:H	6	1.01
(5,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	1	1.01
(5,393)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	7	1.01
(5,370)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	1	1.01
(5,290)	1:39:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	2	1.01
(5,8)	1:104:A:SER:OG	1:212:A:ALA:H	9	1.01
(4,4246)	1:62:A:ASN:H	1:65:A:ARG:H	3	1.01
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:H	4	1.01
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:H	4	1.01
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:H	4	1.01
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	4	1.01
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	4	1.01
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	4	1.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:H	4	1.01
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:H	4	1.01
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	19	1.01
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	19	1.01
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	19	1.01
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD21	18	1.01
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD22	18	1.01
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD23	18	1.01
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB2	8	1.01
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB2	8	1.01
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB2	8	1.01
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD21	1:187:A:GLY:H	8	1.01
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD22	1:187:A:GLY:H	8	1.01
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD23	1:187:A:GLY:H	8	1.01
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HD1	20	1.01
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HD2	20	1.01
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HD1	20	1.01
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HD2	20	1.01
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HD1	20	1.01
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HD2	20	1.01
(4,4034)	1:76:A:SER:H	1:78:A:ASP:H	11	1.01
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD1	11	1.01
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD2	11	1.01
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD2	1:214:A:TYR:HA	16	1.01
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD3	1:214:A:TYR:HA	16	1.01
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG11	1	1.01
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG12	1	1.01
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG13	1	1.01
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG21	1	1.01
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG22	1	1.01
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG23	1	1.01
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG11	1	1.01
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG12	1	1.01
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG13	1	1.01
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG21	1	1.01
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG22	1	1.01
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG23	1	1.01
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG11	1	1.01
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG12	1	1.01
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG13	1	1.01
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG21	1	1.01
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG22	1	1.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG23	1	1.01
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD11	1:138:A:VAL:H	17	1.01
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD12	1:138:A:VAL:H	17	1.01
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD13	1:138:A:VAL:H	17	1.01
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD21	1:138:A:VAL:H	17	1.01
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD22	1:138:A:VAL:H	17	1.01
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD23	1:138:A:VAL:H	17	1.01
(4,3682)	1:50:A:ARG:H	1:233:A:PRO:HB2	7	1.01
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD11	5	1.01
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD12	5	1.01
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD13	5	1.01
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD11	1:126:A:LYS:H	3	1.01
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD12	1:126:A:LYS:H	3	1.01
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD13	1:126:A:LYS:H	3	1.01
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD21	1:126:A:LYS:H	3	1.01
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD22	1:126:A:LYS:H	3	1.01
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD23	1:126:A:LYS:H	3	1.01
(4,3433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:234:A:ASN:H	18	1.01
(4,3391)	1:11:A:ILE:HA	1:151:A:THR:HA	15	1.01
(4,3368)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HD1	15	1.01
(4,3368)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HD2	15	1.01
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	6	1.01
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	6	1.01
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	6	1.01
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	6	1.01
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	6	1.01
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	6	1.01
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE1	14	1.01
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE2	14	1.01
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE1	14	1.01
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE2	14	1.01
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE1	14	1.01
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE2	14	1.01
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB2	1:236:A:GLU:H	7	1.01
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB3	1:236:A:GLU:H	7	1.01
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	4	1.01
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	4	1.01
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	4	1.01
(4,3237)	1:150:A:SER:H	1:152:A:GLY:H	8	1.01
(4,3237)	1:150:A:SER:H	1:152:A:GLY:H	9	1.01
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD2	1:128:A:ARG:H	6	1.01
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD3	1:128:A:ARG:H	6	1.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD2	6	1.01
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD3	6	1.01
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD2	6	1.01
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD3	6	1.01
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD11	1:110:A:SER:H	16	1.01
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD12	1:110:A:SER:H	16	1.01
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD13	1:110:A:SER:H	16	1.01
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD11	1:119:A:GLN:HE21	10	1.01
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD12	1:119:A:GLN:HE21	10	1.01
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD13	1:119:A:GLN:HE21	10	1.01
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:HE21	10	1.01
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:HE21	10	1.01
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:HE21	10	1.01
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	9	1.01
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	9	1.01
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	9	1.01
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	15	1.01
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	15	1.01
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	15	1.01
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD1	8	1.01
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD2	8	1.01
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD1	8	1.01
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD2	8	1.01
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD1	8	1.01
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD2	8	1.01
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:H	15	1.01
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:H	15	1.01
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:H	15	1.01
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:H	15	1.01
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:H	15	1.01
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:H	15	1.01
(4,2483)	1:31:A:TRP:HZ2	1:106:A:LEU:H	16	1.01
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	6	1.01
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	6	1.01
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	6	1.01
(4,2317)	1:177:A:ILE:H	1:194:A:SER:H	8	1.01
(4,2265)	1:77:A:TYR:H	1:188:A:PRO:HG2	1	1.01
(4,2265)	1:77:A:TYR:H	1:188:A:PRO:HG2	15	1.01
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG11	16	1.01
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG12	16	1.01
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG13	16	1.01
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	12	1.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	12	1.01
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	12	1.01
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD11	5	1.01
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD12	5	1.01
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD13	5	1.01
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD11	5	1.01
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD12	5	1.01
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD13	5	1.01
(4,2137)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:H	3	1.01
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD1	13	1.01
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD2	13	1.01
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	3	1.01
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	3	1.01
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	3	1.01
(4,2042)	1:215:A:MET:HA	1:216:A:GLU:HG2	13	1.01
(4,2042)	1:215:A:MET:HA	1:216:A:GLU:HG3	13	1.01
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB2	1:83:A:LYS:HG2	15	1.01
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB3	1:83:A:LYS:HG2	15	1.01
(4,2007)	1:68:A:SER:H	1:70:A:SER:H	1	1.01
(4,1959)	1:73:A:ILE:HA	1:75:A:SER:H	15	1.01
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD1	11	1.01
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD2	11	1.01
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD1	11	1.01
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD2	11	1.01
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD1	11	1.01
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD2	11	1.01
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD11	7	1.01
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD12	7	1.01
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD13	7	1.01
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG12	15	1.01
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG13	15	1.01
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG12	15	1.01
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG13	15	1.01
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG12	15	1.01
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG13	15	1.01
(4,1651)	1:59:A:PHE:H	1:165:A:LEU:HB2	18	1.01
(4,1641)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:HB2	6	1.01
(4,1641)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:HB3	6	1.01
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD11	1:189:A:LEU:HD11	19	1.01
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD11	1:189:A:LEU:HD12	19	1.01
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD11	1:189:A:LEU:HD13	19	1.01
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD11	1:189:A:LEU:HD21	19	1.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD11	1:189:A:LEU:HD22	19	1.01
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD11	1:189:A:LEU:HD23	19	1.01
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD12	1:189:A:LEU:HD11	19	1.01
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD12	1:189:A:LEU:HD12	19	1.01
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD12	1:189:A:LEU:HD13	19	1.01
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD12	1:189:A:LEU:HD21	19	1.01
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD12	1:189:A:LEU:HD22	19	1.01
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD12	1:189:A:LEU:HD23	19	1.01
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD13	1:189:A:LEU:HD11	19	1.01
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD13	1:189:A:LEU:HD12	19	1.01
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD13	1:189:A:LEU:HD13	19	1.01
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD13	1:189:A:LEU:HD21	19	1.01
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD13	1:189:A:LEU:HD22	19	1.01
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD13	1:189:A:LEU:HD23	19	1.01
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG11	8	1.01
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG12	8	1.01
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG13	8	1.01
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG11	16	1.01
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG12	16	1.01
(4,1360)	1:206:A:LEU:H	1:209:A:VAL:HG13	16	1.01
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE2	9	1.01
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE3	9	1.01
(4,1090)	1:192:A:GLY:HA3	1:206:A:LEU:HD21	19	1.01
(4,1090)	1:192:A:GLY:HA3	1:206:A:LEU:HD22	19	1.01
(4,1090)	1:192:A:GLY:HA3	1:206:A:LEU:HD23	19	1.01
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD11	4	1.01
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD12	4	1.01
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD13	4	1.01
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD21	4	1.01
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD22	4	1.01
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD23	4	1.01
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD11	4	1.01
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD12	4	1.01
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD13	4	1.01
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD21	4	1.01
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD22	4	1.01
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD23	4	1.01
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD11	4	1.01
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD12	4	1.01
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD13	4	1.01
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD21	4	1.01
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD22	4	1.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD23	4	1.01
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB1	6	1.01
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB2	6	1.01
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB3	6	1.01
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB1	6	1.01
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB2	6	1.01
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB3	6	1.01
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB1	6	1.01
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB2	6	1.01
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB3	6	1.01
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD11	13	1.01
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD12	13	1.01
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD13	13	1.01
(4,899)	1:153:A:GLN:H	1:154:A:SER:H	6	1.01
(4,717)	1:31:A:TRP:HE3	1:32:A:ALA:H	2	1.01
(4,682)	1:15:A:PRO:HG3	1:35:A:ASP:H	19	1.01
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB2	7	1.01
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB3	7	1.01
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB2	7	1.01
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB3	7	1.01
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD21	5	1.01
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD22	5	1.01
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD11	8	1.01
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD12	8	1.01
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD13	8	1.01
(4,548)	1:127:A:ASN:HD21	1:128:A:ARG:H	16	1.01
(4,370)	1:216:A:GLU:HG2	1:217:A:ASN:HD21	4	1.01
(4,370)	1:216:A:GLU:HG2	1:217:A:ASN:HD22	4	1.01
(4,370)	1:216:A:GLU:HG3	1:217:A:ASN:HD21	4	1.01
(4,370)	1:216:A:GLU:HG3	1:217:A:ASN:HD22	4	1.01
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB2	6	1.01
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB3	6	1.01
(4,295)	1:138:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:CD1	19	1.01
(4,295)	1:138:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:CD1	19	1.01
(4,295)	1:138:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:CD1	19	1.01
(4,295)	1:138:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:CD1	19	1.01
(4,295)	1:138:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:CD1	19	1.01
(4,295)	1:138:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:CD1	19	1.01
(4,266)	1:189:A:LEU:HB2	1:191:A:LEU:H	1	1.01
(4,266)	1:189:A:LEU:HB3	1:191:A:LEU:H	1	1.01
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD1	9	1.01
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD2	9	1.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,206)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD1	4	1.01
(4,206)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD2	4	1.01
(4,180)	1:153:A:GLN:H	1:156:A:ALA:HA	8	1.01
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD21	5	1.01
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD22	5	1.01
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD23	5	1.01
(2,134)	1:103:A:GLN:H	1:104:A:SER:OG	9	1.01
(2,88)	1:104:A:SER:OG	1:106:A:LEU:H	9	1.01
(2,77)	1:101:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	3	1.01
(2,29)	1:102:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	19	1.01
(1,86)	1:225:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	3	1.01
(1,78)	1:201:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	13	1.01
(1,28)	1:104:A:SER:OG	1:171:A:VAL:H	14	1.01
(5,799)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	5	1.0
(5,692)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	18	1.0
(5,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	6	1.0
(5,491)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	10	1.0
(5,299)	1:156:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	9	1.0
(5,107)	1:140:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	8	1.0
(5,59)	1:104:A:SER:OG	1:214:A:TYR:H	4	1.0
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	20	1.0
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	20	1.0
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	20	1.0
(4,4159)	1:157:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	20	1.0
(4,4159)	1:157:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	20	1.0
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB1	6	1.0
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB2	6	1.0
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB3	6	1.0
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	14	1.0
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	14	1.0
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	14	1.0
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	14	1.0
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	14	1.0
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	14	1.0
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE1	8	1.0
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE2	8	1.0
(4,3907)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB2	3	1.0
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD11	4	1.0
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD12	4	1.0
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD13	4	1.0
(4,3762)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:H	15	1.0
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG21	2	1.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG22	2	1.0
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG23	2	1.0
(4,3717)	1:169:A:THR:HG1	1:180:A:LEU:H	2	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	9	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	9	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	9	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	9	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	9	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	9	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	9	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	9	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	9	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	9	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	9	1.0
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	9	1.0
(4,3576)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:HD21	17	1.0
(4,3537)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HB	11	1.0
(4,3537)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HB	11	1.0
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD1	1:152:A:GLY:H	3	1.0
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD2	1:152:A:GLY:H	3	1.0
(4,3507)	1:153:A:GLN:HE22	1:155:A:GLU:H	18	1.0
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD11	5	1.0
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD12	5	1.0
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD13	5	1.0
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD11	5	1.0
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD12	5	1.0
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD13	5	1.0
(4,3413)	1:149:A:PHE:H	1:151:A:THR:H	2	1.0
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG21	13	1.0
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG22	13	1.0
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG23	13	1.0
(4,3370)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE21	17	1.0
(4,3299)	1:61:A:ILE:HB	1:166:A:HIS:H	3	1.0
(4,3252)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD11	19	1.0
(4,3252)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD12	19	1.0
(4,3252)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD13	19	1.0
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB2	1:236:A:GLU:H	18	1.0
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB3	1:236:A:GLU:H	18	1.0
(4,3237)	1:150:A:SER:H	1:152:A:GLY:H	10	1.0
(4,3074)	1:173:A:GLU:H	1:178:A:PHE:HD1	11	1.0
(4,3074)	1:173:A:GLU:H	1:178:A:PHE:HD2	11	1.0
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD1	15	1.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD2	15	1.0
(4,2868)	1:15:A:PRO:HG2	1:35:A:ASP:H	1	1.0
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD11	10	1.0
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD12	10	1.0
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD13	10	1.0
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD21	10	1.0
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD22	10	1.0
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD23	10	1.0
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB2	15	1.0
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB3	15	1.0
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:H	12	1.0
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:H	12	1.0
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD11	12	1.0
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD12	12	1.0
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD13	12	1.0
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG21	1:13:A:SER:HA	7	1.0
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG22	1:13:A:SER:HA	7	1.0
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG23	1:13:A:SER:HA	7	1.0
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB1	1	1.0
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB2	1	1.0
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB3	1	1.0
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB1	1	1.0
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB2	1	1.0
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB3	1	1.0
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB1	1	1.0
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB2	1	1.0
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB3	1	1.0
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HG	9	1.0
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HG	9	1.0
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HG	9	1.0
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HG	9	1.0
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HG	9	1.0
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HG	9	1.0
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:H	2	1.0
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:H	2	1.0
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:H	2	1.0
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	20	1.0
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	20	1.0
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	20	1.0
(4,2152)	1:63:A:GLU:H	1:65:A:ARG:H	3	1.0
(4,2152)	1:63:A:GLU:H	1:65:A:ARG:H	8	1.0
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HB2	10	1.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HB3	10	1.0
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HB2	10	1.0
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HB3	10	1.0
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HB2	10	1.0
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HB3	10	1.0
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD11	3	1.0
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD12	3	1.0
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD13	3	1.0
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD21	3	1.0
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD22	3	1.0
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD23	3	1.0
(4,2014)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HB2	19	1.0
(4,2014)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HB3	19	1.0
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD21	2	1.0
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD22	2	1.0
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD21	2	1.0
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD22	2	1.0
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD21	2	1.0
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD22	2	1.0
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD21	2	1.0
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD22	2	1.0
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD21	2	1.0
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD22	2	1.0
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD21	2	1.0
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD22	2	1.0
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HE22	20	1.0
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HE22	20	1.0
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HE22	20	1.0
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD11	5	1.0
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD12	5	1.0
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD13	5	1.0
(4,1851)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:HG	20	1.0
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD11	10	1.0
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD12	10	1.0
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD13	10	1.0
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD21	10	1.0
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD22	10	1.0
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD23	10	1.0
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD11	10	1.0
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD12	10	1.0
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD13	10	1.0
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD21	10	1.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD22	10	1.0
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD23	10	1.0
(4,1766)	1:86:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	15	1.0
(4,1766)	1:86:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	15	1.0
(4,1766)	1:86:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	15	1.0
(4,1559)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:H	12	1.0
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HA	2	1.0
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HA	2	1.0
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HA	2	1.0
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB1	16	1.0
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB2	16	1.0
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB3	16	1.0
(4,1455)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:H	16	1.0
(4,1261)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:H	17	1.0
(4,1261)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:H	17	1.0
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	7	1.0
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	7	1.0
(4,1153)	1:81:A:TRP:HZ3	1:82:A:PHE:H	4	1.0
(4,1113)	1:233:A:PRO:HA	1:235:A:TRP:H	8	1.0
(4,1010)	1:177:A:ILE:HG12	1:194:A:SER:H	1	1.0
(4,1010)	1:177:A:ILE:HG13	1:194:A:SER:H	1	1.0
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE2	13	1.0
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE3	13	1.0
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE2	13	1.0
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE3	13	1.0
(4,957)	1:62:A:ASN:HD21	1:65:A:ARG:H	11	1.0
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD2	4	1.0
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD3	4	1.0
(4,853)	1:76:A:SER:HA	1:79:A:VAL:H	1	1.0
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD11	10	1.0
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD12	10	1.0
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD13	10	1.0
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD21	10	1.0
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD22	10	1.0
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD23	10	1.0
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD11	10	1.0
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD12	10	1.0
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD13	10	1.0
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD21	10	1.0
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD22	10	1.0
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD23	10	1.0
(4,816)	1:168:A:ILE:HA	1:169:A:THR:HG1	11	1.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,790)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:H	11	1.0
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB2	5	1.0
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB3	5	1.0
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD11	12	1.0
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD12	12	1.0
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD13	12	1.0
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG11	6	1.0
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG12	6	1.0
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG13	6	1.0
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG21	6	1.0
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG22	6	1.0
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG23	6	1.0
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG11	6	1.0
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG12	6	1.0
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG13	6	1.0
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG21	6	1.0
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG22	6	1.0
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG23	6	1.0
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG11	6	1.0
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG12	6	1.0
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG13	6	1.0
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG21	6	1.0
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG22	6	1.0
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG23	6	1.0
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD1	10	1.0
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD2	10	1.0
(4,500)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HB	8	1.0
(4,497)	1:29:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD21	3	1.0
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD1	19	1.0
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD2	19	1.0
(4,345)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HB2	5	1.0
(4,345)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HB3	5	1.0
(4,165)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	11	1.0
(4,165)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	11	1.0
(4,165)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	11	1.0
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD21	1	1.0
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD22	1	1.0
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD23	1	1.0
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG21	20	1.0
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG22	20	1.0
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG23	20	1.0
(4,52)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:H	13	1.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,45)	1:151:A:THR:HA	1:154:A:SER:HA	10	1.0
(4,13)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:H	5	1.0
(1,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	19	1.0
(1,183)	1:159:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	6	1.0
(5,665)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	13	0.99
(5,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	9	0.99
(5,332)	1:177:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	16	0.99
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG21	20	0.99
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG22	20	0.99
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG23	20	0.99
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB2	1:207:A:VAL:HG21	14	0.99
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB2	1:207:A:VAL:HG22	14	0.99
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB2	1:207:A:VAL:HG23	14	0.99
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB3	1:207:A:VAL:HG21	14	0.99
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB3	1:207:A:VAL:HG22	14	0.99
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB3	1:207:A:VAL:HG23	14	0.99
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG2	1	0.99
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG3	1	0.99
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD21	15	0.99
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD22	15	0.99
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD11	9	0.99
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD12	9	0.99
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD13	9	0.99
(4,4090)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:H	1	0.99
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:HG11	18	0.99
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:HG12	18	0.99
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:HG13	18	0.99
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:HG11	18	0.99
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:HG12	18	0.99
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:HG13	18	0.99
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:HG11	18	0.99
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:HG12	18	0.99
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:HG13	18	0.99
(4,4069)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:H	20	0.99
(4,4013)	1:11:A:ILE:HG12	1:14:A:ASN:H	19	0.99
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE1	20	0.99
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE2	20	0.99
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD11	12	0.99
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD12	12	0.99
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD13	12	0.99
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD21	12	0.99
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD22	12	0.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD23	12	0.99
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD11	12	0.99
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD12	12	0.99
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD13	12	0.99
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD21	12	0.99
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD22	12	0.99
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD23	12	0.99
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE1	15	0.99
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE2	15	0.99
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG21	18	0.99
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG22	18	0.99
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG23	18	0.99
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	5	0.99
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	5	0.99
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:HA	12	0.99
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:HA	12	0.99
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:HA	12	0.99
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HA	12	0.99
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HA	12	0.99
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HA	12	0.99
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD11	8	0.99
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD12	8	0.99
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD13	8	0.99
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB2	1:232:A:GLY:H	6	0.99
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB3	1:232:A:GLY:H	6	0.99
(4,3659)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:H	10	0.99
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG2	6	0.99
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG3	6	0.99
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG2	6	0.99
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG3	6	0.99
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG2	6	0.99
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG3	6	0.99
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG2	1:50:A:ARG:HD2	20	0.99
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG2	1:50:A:ARG:HD3	20	0.99
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG3	1:50:A:ARG:HD2	20	0.99
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG3	1:50:A:ARG:HD3	20	0.99
(4,3557)	1:59:A:PHE:HB2	1:214:A:TYR:HB2	19	0.99
(4,3557)	1:59:A:PHE:HB2	1:214:A:TYR:HB3	19	0.99
(4,3557)	1:59:A:PHE:HB3	1:214:A:TYR:HB2	19	0.99
(4,3557)	1:59:A:PHE:HB3	1:214:A:TYR:HB3	19	0.99
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG11	1:139:A:LEU:CD1	19	0.99
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG12	1:139:A:LEU:CD1	19	0.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG13	1:139:A:LEU:CD1	19	0.99
(4,3437)	1:81:A:TRP:HZ2	1:187:A:GLY:H	15	0.99
(4,3365)	1:82:A:PHE:HD1	1:97:A:HIS:H	10	0.99
(4,3365)	1:82:A:PHE:HD2	1:97:A:HIS:H	10	0.99
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD11	2	0.99
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD12	2	0.99
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD13	2	0.99
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD21	2	0.99
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD22	2	0.99
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD23	2	0.99
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	5	0.99
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	5	0.99
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	5	0.99
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG2	1:206:A:LEU:HD11	19	0.99
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG2	1:206:A:LEU:HD12	19	0.99
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG2	1:206:A:LEU:HD13	19	0.99
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG2	1:206:A:LEU:HD21	19	0.99
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG2	1:206:A:LEU:HD22	19	0.99
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG2	1:206:A:LEU:HD23	19	0.99
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG3	1:206:A:LEU:HD11	19	0.99
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG3	1:206:A:LEU:HD12	19	0.99
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG3	1:206:A:LEU:HD13	19	0.99
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG3	1:206:A:LEU:HD21	19	0.99
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG3	1:206:A:LEU:HD22	19	0.99
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG3	1:206:A:LEU:HD23	19	0.99
(4,3190)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HB	18	0.99
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD11	12	0.99
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD12	12	0.99
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD13	12	0.99
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD21	12	0.99
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD22	12	0.99
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD23	12	0.99
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD21	1:160:A:THR:H	8	0.99
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD22	1:160:A:THR:H	8	0.99
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD1	11	0.99
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD2	11	0.99
(4,3075)	1:74:A:THR:H	1:77:A:TYR:H	18	0.99
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG11	9	0.99
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG12	9	0.99
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG13	9	0.99
(4,2927)	1:67:A:SER:H	1:217:A:ASN:HB2	9	0.99
(4,2927)	1:67:A:SER:H	1:217:A:ASN:HB3	9	0.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD11	19	0.99
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD12	19	0.99
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD13	19	0.99
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB1	5	0.99
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB2	5	0.99
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB3	5	0.99
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB1	5	0.99
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB2	5	0.99
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB3	5	0.99
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB1	5	0.99
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB2	5	0.99
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB3	5	0.99
(4,2752)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD21	10	0.99
(4,2752)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD22	10	0.99
(4,2752)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD23	10	0.99
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD11	1:145:A:ASN:H	4	0.99
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD12	1:145:A:ASN:H	4	0.99
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD13	1:145:A:ASN:H	4	0.99
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG11	15	0.99
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG12	15	0.99
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG13	15	0.99
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG11	15	0.99
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG12	15	0.99
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG13	15	0.99
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:H	2	0.99
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:H	2	0.99
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:H	2	0.99
(4,2575)	1:19:A:THR:HG21	1:235:A:TRP:H	13	0.99
(4,2575)	1:19:A:THR:HG22	1:235:A:TRP:H	13	0.99
(4,2575)	1:19:A:THR:HG23	1:235:A:TRP:H	13	0.99
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:H	8	0.99
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:H	8	0.99
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:H	8	0.99
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD21	1:167:A:TYR:H	8	0.99
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD22	1:167:A:TYR:H	8	0.99
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD23	1:167:A:TYR:H	8	0.99
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD11	16	0.99
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD12	16	0.99
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD13	16	0.99
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD21	16	0.99
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD22	16	0.99
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD23	16	0.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD11	16	0.99
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD12	16	0.99
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD13	16	0.99
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD21	16	0.99
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD22	16	0.99
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD23	16	0.99
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD21	1:226:A:PHE:H	15	0.99
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD22	1:226:A:PHE:H	15	0.99
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG21	18	0.99
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG22	18	0.99
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG23	18	0.99
(4,2289)	1:82:A:PHE:HZ	1:97:A:HIS:H	16	0.99
(4,2283)	1:60:A:PRO:HB2	1:164:A:ASN:HD22	4	0.99
(4,2283)	1:60:A:PRO:HB3	1:164:A:ASN:HD22	4	0.99
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD21	14	0.99
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD22	14	0.99
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD23	14	0.99
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD11	15	0.99
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD12	15	0.99
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD13	15	0.99
(4,1882)	1:98:A:SER:HG	1:100:A:SER:H	2	0.99
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	4	0.99
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	4	0.99
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	4	0.99
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD11	1:47:A:PHE:H	15	0.99
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD12	1:47:A:PHE:H	15	0.99
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD13	1:47:A:PHE:H	15	0.99
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:H	3	0.99
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:H	3	0.99
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:H	16	0.99
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:H	16	0.99
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:H	16	0.99
(4,1577)	1:55:A:ILE:H	1:172:A:GLU:H	13	0.99
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	9	0.99
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	9	0.99
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	9	0.99
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	9	0.99
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	9	0.99
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	9	0.99
(4,1378)	1:234:A:ASN:HA	1:236:A:GLU:H	9	0.99
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:H	1	0.99
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:H	1	0.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1354)	1:170:A:TYR:H	1:170:A:TYR:HE1	1	0.99
(4,1354)	1:170:A:TYR:H	1:170:A:TYR:HE2	1	0.99
(4,1297)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:H	19	0.99
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD11	9	0.99
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD12	9	0.99
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD13	9	0.99
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD21	9	0.99
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD22	9	0.99
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD23	9	0.99
(4,1208)	1:59:A:PHE:HD1	1:166:A:HIS:H	6	0.99
(4,1208)	1:59:A:PHE:HD2	1:166:A:HIS:H	6	0.99
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG21	1:168:A:ILE:HB	9	0.99
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG22	1:168:A:ILE:HB	9	0.99
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG23	1:168:A:ILE:HB	9	0.99
(4,1143)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:H	17	0.99
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD21	19	0.99
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD21	19	0.99
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD21	19	0.99
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG21	1:194:A:SER:H	14	0.99
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG22	1:194:A:SER:H	14	0.99
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG23	1:194:A:SER:H	14	0.99
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE1	9	0.99
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE2	9	0.99
(4,1029)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	15	0.99
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE2	10	0.99
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE3	10	0.99
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE2	10	0.99
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE3	10	0.99
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD1	16	0.99
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD2	16	0.99
(4,887)	1:100:A:SER:HB2	1:127:A:ASN:HA	11	0.99
(4,887)	1:100:A:SER:HB3	1:127:A:ASN:HA	11	0.99
(4,823)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:H	14	0.99
(4,823)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:H	14	0.99
(4,790)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:H	2	0.99
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG2	4	0.99
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG3	4	0.99
(4,745)	1:95:A:ILE:HD11	1:97:A:HIS:H	11	0.99
(4,745)	1:95:A:ILE:HD12	1:97:A:HIS:H	11	0.99
(4,745)	1:95:A:ILE:HD13	1:97:A:HIS:H	11	0.99
(4,732)	1:39:A:LEU:HB2	1:208:A:ARG:HD2	7	0.99
(4,732)	1:39:A:LEU:HB2	1:208:A:ARG:HD3	7	0.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,732)	1:39:A:LEU:HB3	1:208:A:ARG:HD2	7	0.99
(4,732)	1:39:A:LEU:HB3	1:208:A:ARG:HD3	7	0.99
(4,732)	1:39:A:LEU:HB2	1:208:A:ARG:HD2	8	0.99
(4,732)	1:39:A:LEU:HB2	1:208:A:ARG:HD3	8	0.99
(4,732)	1:39:A:LEU:HB3	1:208:A:ARG:HD2	8	0.99
(4,732)	1:39:A:LEU:HB3	1:208:A:ARG:HD3	8	0.99
(4,632)	1:82:A:PHE:HD1	1:100:A:SER:H	16	0.99
(4,632)	1:82:A:PHE:HD2	1:100:A:SER:H	16	0.99
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB2	3	0.99
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB3	3	0.99
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB2	3	0.99
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB3	3	0.99
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD11	14	0.99
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD12	14	0.99
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD13	14	0.99
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD21	14	0.99
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD22	14	0.99
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD23	14	0.99
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD11	14	0.99
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD12	14	0.99
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD13	14	0.99
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD21	14	0.99
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD22	14	0.99
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD23	14	0.99
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD2	13	0.99
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD3	13	0.99
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD2	13	0.99
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD3	13	0.99
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB2	6	0.99
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB3	6	0.99
(4,447)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	8	0.99
(4,375)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	20	0.99
(4,375)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	20	0.99
(4,375)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	20	0.99
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD21	16	0.99
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD22	16	0.99
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD23	16	0.99
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB2	14	0.99
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB3	14	0.99
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB2	14	0.99
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB3	14	0.99
(4,266)	1:189:A:LEU:HB2	1:191:A:LEU:H	4	0.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,266)	1:189:A:LEU:HB3	1:191:A:LEU:H	4	0.99
(4,170)	1:61:A:ILE:HD11	1:166:A:HIS:H	18	0.99
(4,170)	1:61:A:ILE:HD12	1:166:A:HIS:H	18	0.99
(4,170)	1:61:A:ILE:HD13	1:166:A:HIS:H	18	0.99
(4,116)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	10	0.99
(4,116)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	10	0.99
(4,116)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	10	0.99
(4,116)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	10	0.99
(4,116)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	10	0.99
(4,116)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	10	0.99
(4,116)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	10	0.99
(4,116)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	10	0.99
(4,116)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	10	0.99
(4,116)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	10	0.99
(4,116)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	10	0.99
(4,116)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	10	0.99
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD1	2	0.99
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD2	2	0.99
(4,33)	1:72:A:GLN:HG2	1:74:A:THR:H	19	0.99
(4,33)	1:72:A:GLN:HG3	1:74:A:THR:H	19	0.99
(2,172)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	3	0.99
(1,205)	1:62:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	1	0.99
(1,94)	1:205:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	6	0.99
(5,748)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	12	0.98
(5,734)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	1	0.98
(5,630)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	11	0.98
(5,609)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	5	0.98
(5,503)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	12	0.98
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD1	19	0.98
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD2	19	0.98
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD1	19	0.98
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD2	19	0.98
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD1	19	0.98
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD2	19	0.98
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD21	1:89:A:ALA:H	12	0.98
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD22	1:89:A:ALA:H	12	0.98
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:HG2	10	0.98
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:HG3	10	0.98
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:HG2	10	0.98
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:HG3	10	0.98
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:HG2	10	0.98
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:HG3	10	0.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD21	1	0.98
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD22	1	0.98
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD21	13	0.98
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD22	13	0.98
(4,4126)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG11	19	0.98
(4,4126)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG12	19	0.98
(4,4126)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG13	19	0.98
(4,4095)	1:192:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	8	0.98
(4,4095)	1:192:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	10	0.98
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:HG2	6	0.98
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:HG3	6	0.98
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:HG2	6	0.98
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:HG3	6	0.98
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:HG2	6	0.98
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:HG3	6	0.98
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:HG2	6	0.98
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:HG3	6	0.98
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:HG2	6	0.98
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:HG3	6	0.98
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:HG2	6	0.98
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:HG3	6	0.98
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD21	1:187:A:GLY:H	14	0.98
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD22	1:187:A:GLY:H	14	0.98
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD23	1:187:A:GLY:H	14	0.98
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG12	12	0.98
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG13	12	0.98
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG12	12	0.98
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG13	12	0.98
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB2	17	0.98
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB3	17	0.98
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG11	11	0.98
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG12	11	0.98
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG13	11	0.98
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG21	11	0.98
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG22	11	0.98
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG23	11	0.98
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG11	11	0.98
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG12	11	0.98
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG13	11	0.98
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG21	11	0.98
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG22	11	0.98
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG23	11	0.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG11	11	0.98
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG12	11	0.98
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG13	11	0.98
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG21	11	0.98
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG22	11	0.98
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG23	11	0.98
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	7	0.98
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	7	0.98
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	7	0.98
(4,3864)	1:73:A:ILE:H	1:187:A:GLY:H	10	0.98
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD1	1:228:A:MET:HG2	11	0.98
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD1	1:228:A:MET:HG3	11	0.98
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD2	1:228:A:MET:HG2	11	0.98
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD2	1:228:A:MET:HG3	11	0.98
(4,3829)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HD1	16	0.98
(4,3829)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HD2	16	0.98
(4,3436)	1:94:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HG12	10	0.98
(4,3436)	1:94:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HG13	10	0.98
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD11	3	0.98
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD12	3	0.98
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD13	3	0.98
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD11	3	0.98
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD12	3	0.98
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD13	3	0.98
(4,3280)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB2	16	0.98
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG11	4	0.98
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG12	4	0.98
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG13	4	0.98
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG21	4	0.98
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG22	4	0.98
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG23	4	0.98
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG11	4	0.98
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG12	4	0.98
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG13	4	0.98
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG21	4	0.98
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG22	4	0.98
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG23	4	0.98
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD11	6	0.98
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD12	6	0.98
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD13	6	0.98
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD21	6	0.98
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD22	6	0.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD23	6	0.98
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD11	19	0.98
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD12	19	0.98
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD13	19	0.98
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD21	19	0.98
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD22	19	0.98
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD23	19	0.98
(4,3055)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:H	9	0.98
(4,2985)	1:171:A:VAL:HB	1:172:A:GLU:HG2	10	0.98
(4,2985)	1:171:A:VAL:HB	1:172:A:GLU:HG3	10	0.98
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD11	10	0.98
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD12	10	0.98
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD13	10	0.98
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD21	10	0.98
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD22	10	0.98
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD23	10	0.98
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD11	15	0.98
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD12	15	0.98
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD13	15	0.98
(4,2828)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:H	15	0.98
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB1	17	0.98
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB2	17	0.98
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD11	1:94:A:ALA:HB3	17	0.98
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB1	17	0.98
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB2	17	0.98
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD12	1:94:A:ALA:HB3	17	0.98
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB1	17	0.98
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB2	17	0.98
(4,2773)	1:11:A:ILE:HD13	1:94:A:ALA:HB3	17	0.98
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG21	15	0.98
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG22	15	0.98
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG23	15	0.98
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD11	7	0.98
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD12	7	0.98
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD13	7	0.98
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD21	7	0.98
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD22	7	0.98
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD23	7	0.98
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD1	1:190:A:TYR:H	4	0.98
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD2	1:190:A:TYR:H	4	0.98
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB2	3	0.98
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB3	3	0.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2622)	1:5:A:ASN:HD21	1:7:A:ALA:H	15	0.98
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD1	6	0.98
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD2	6	0.98
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD1	6	0.98
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD2	6	0.98
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD1	6	0.98
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD2	6	0.98
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD1	6	0.98
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD2	6	0.98
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:H	11	0.98
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:H	11	0.98
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:H	11	0.98
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:H	15	0.98
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:H	15	0.98
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:H	15	0.98
(4,2327)	1:36:A:ILE:CD1	1:55:A:ILE:HD11	14	0.98
(4,2327)	1:36:A:ILE:CD1	1:55:A:ILE:HD12	14	0.98
(4,2327)	1:36:A:ILE:CD1	1:55:A:ILE:HD13	14	0.98
(4,2301)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:H	18	0.98
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG12	14	0.98
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG13	14	0.98
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG12	14	0.98
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG13	14	0.98
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG11	8	0.98
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG12	8	0.98
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG13	8	0.98
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	13	0.98
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	13	0.98
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD11	6	0.98
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD12	6	0.98
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD13	6	0.98
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD21	6	0.98
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD22	6	0.98
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD23	6	0.98
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD11	6	0.98
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD12	6	0.98
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD13	6	0.98
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD21	6	0.98
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD22	6	0.98
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD23	6	0.98
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE1	11	0.98
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE2	11	0.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE1	11	0.98
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE2	11	0.98
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE1	11	0.98
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE2	11	0.98
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD11	14	0.98
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD12	14	0.98
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD13	14	0.98
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:H	2	0.98
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:H	2	0.98
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:H	2	0.98
(4,1816)	1:79:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HE1	11	0.98
(4,1816)	1:79:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HE2	11	0.98
(4,1816)	1:79:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HE1	11	0.98
(4,1816)	1:79:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HE2	11	0.98
(4,1816)	1:79:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HE1	11	0.98
(4,1816)	1:79:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HE2	11	0.98
(4,1769)	1:5:A:ASN:HD22	1:6:A:ARG:H	17	0.98
(4,1651)	1:59:A:PHE:H	1:165:A:LEU:HB2	17	0.98
(4,1644)	1:31:A:TRP:HE3	1:232:A:GLY:H	9	0.98
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB2	1:204:A:GLN:HG2	17	0.98
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB2	1:204:A:GLN:HG3	17	0.98
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB3	1:204:A:GLN:HG2	17	0.98
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB3	1:204:A:GLN:HG3	17	0.98
(4,1600)	1:225:A:ASN:H	1:226:A:PHE:HB2	10	0.98
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD11	11	0.98
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD12	11	0.98
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD13	11	0.98
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD21	11	0.98
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD22	11	0.98
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD23	11	0.98
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD1	11	0.98
(4,1485)	1:222:A:ASP:HA	1:226:A:PHE:HD2	11	0.98
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB2	15	0.98
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB2	15	0.98
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB2	15	0.98
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HG3	15	0.98
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HG3	15	0.98
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HG3	15	0.98
(4,1416)	1:21:A:PHE:HB2	1:95:A:ILE:HD11	8	0.98
(4,1416)	1:21:A:PHE:HB2	1:95:A:ILE:HD12	8	0.98
(4,1416)	1:21:A:PHE:HB2	1:95:A:ILE:HD13	8	0.98
(4,1378)	1:234:A:ASN:HA	1:236:A:GLU:H	19	0.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1371)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HE22	4	0.98
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG21	1	0.98
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG22	1	0.98
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG23	1	0.98
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG21	1	0.98
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG22	1	0.98
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG23	1	0.98
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG21	20	0.98
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG22	20	0.98
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG23	20	0.98
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG21	20	0.98
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG22	20	0.98
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG23	20	0.98
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD1	15	0.98
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD2	15	0.98
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD11	8	0.98
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD12	8	0.98
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD13	8	0.98
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD11	8	0.98
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD12	8	0.98
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD13	8	0.98
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD1	10	0.98
(4,1221)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:HD2	10	0.98
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD21	2	0.98
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD22	2	0.98
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD23	2	0.98
(4,995)	1:34:A:PHE:HB2	1:36:A:ILE:H	8	0.98
(4,995)	1:34:A:PHE:HB3	1:36:A:ILE:H	8	0.98
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG11	8	0.98
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG12	8	0.98
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG13	8	0.98
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG11	8	0.98
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG12	8	0.98
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG13	8	0.98
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG11	8	0.98
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG12	8	0.98
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG13	8	0.98
(4,941)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:H	7	0.98
(4,941)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:H	7	0.98
(4,834)	1:99:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	8	0.98
(4,834)	1:99:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	8	0.98
(4,834)	1:99:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	8	0.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,834)	1:99:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	8	0.98
(4,834)	1:99:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	8	0.98
(4,834)	1:99:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	8	0.98
(4,801)	1:48:A:LEU:HD21	1:201:A:LEU:H	11	0.98
(4,801)	1:48:A:LEU:HD22	1:201:A:LEU:H	11	0.98
(4,801)	1:48:A:LEU:HD23	1:201:A:LEU:H	11	0.98
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD21	5	0.98
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD22	5	0.98
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD23	5	0.98
(4,790)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:H	15	0.98
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB2	4	0.98
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB3	4	0.98
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD21	13	0.98
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD22	13	0.98
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD23	13	0.98
(4,651)	1:145:A:ASN:HB2	1:149:A:PHE:H	19	0.98
(4,651)	1:145:A:ASN:HB3	1:149:A:PHE:H	19	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD11	11	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD12	11	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD13	11	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD21	11	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD22	11	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD23	11	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD11	11	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD12	11	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD13	11	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD21	11	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD22	11	0.98
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD23	11	0.98
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD11	10	0.98
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD12	10	0.98
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD13	10	0.98
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD21	10	0.98
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD22	10	0.98
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD23	10	0.98
(4,500)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HB	14	0.98
(4,455)	1:86:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	12	0.98
(4,455)	1:86:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	12	0.98
(4,455)	1:86:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	12	0.98
(4,455)	1:86:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	12	0.98
(4,455)	1:86:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	12	0.98
(4,455)	1:86:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	12	0.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,455)	1:86:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	12	0.98
(4,455)	1:86:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	12	0.98
(4,455)	1:86:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	12	0.98
(4,455)	1:86:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	12	0.98
(4,455)	1:86:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	12	0.98
(4,455)	1:86:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	12	0.98
(4,433)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:H	19	0.98
(4,416)	1:204:A:GLN:HG2	1:205:A:GLU:HA	19	0.98
(4,416)	1:204:A:GLN:HG3	1:205:A:GLU:HA	19	0.98
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG12	13	0.98
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG13	13	0.98
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG12	13	0.98
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG13	13	0.98
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD11	12	0.98
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD12	12	0.98
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD13	12	0.98
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD21	12	0.98
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD22	12	0.98
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD23	12	0.98
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD11	12	0.98
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD12	12	0.98
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD13	12	0.98
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD21	12	0.98
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD22	12	0.98
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD23	12	0.98
(4,238)	1:79:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:H	7	0.98
(4,238)	1:79:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:H	7	0.98
(4,238)	1:79:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:H	7	0.98
(4,224)	1:39:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:CG1	11	0.98
(4,224)	1:39:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:CG1	11	0.98
(4,224)	1:39:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:CG1	11	0.98
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE1	4	0.98
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE2	4	0.98
(4,174)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	15	0.98
(4,137)	1:111:A:ASP:HB2	1:137:A:PHE:HD1	9	0.98
(4,137)	1:111:A:ASP:HB2	1:137:A:PHE:HD2	9	0.98
(4,137)	1:111:A:ASP:HB3	1:137:A:PHE:HD1	9	0.98
(4,137)	1:111:A:ASP:HB3	1:137:A:PHE:HD2	9	0.98
(4,89)	1:80:A:ILE:HD11	1:126:A:LYS:HG2	8	0.98
(4,89)	1:80:A:ILE:HD11	1:126:A:LYS:HG3	8	0.98
(4,89)	1:80:A:ILE:HD12	1:126:A:LYS:HG2	8	0.98
(4,89)	1:80:A:ILE:HD12	1:126:A:LYS:HG3	8	0.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,89)	1:80:A:ILE:HD13	1:126:A:LYS:HG2	8	0.98
(4,89)	1:80:A:ILE:HD13	1:126:A:LYS:HG3	8	0.98
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD11	8	0.98
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD12	8	0.98
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD13	8	0.98
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD21	8	0.98
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD22	8	0.98
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD23	8	0.98
(3,22)	1:171:A:VAL:H	1:178:A:PHE:O	9	0.98
(2,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:213:A:SER:H	17	0.98
(1,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	4	0.98
(1,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	9	0.98
(1,162)	1:98:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	19	0.98
(5,685)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	12	0.97
(5,679)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	19	0.97
(5,460)	1:5:A:ASN:ND2	1:122:A:THR:H	6	0.97
(5,394)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	19	0.97
(5,305)	1:9:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	14	0.97
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG21	1:183:A:ARG:H	16	0.97
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG22	1:183:A:ARG:H	16	0.97
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG23	1:183:A:ARG:H	16	0.97
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD21	1:89:A:ALA:H	20	0.97
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD22	1:89:A:ALA:H	20	0.97
(4,4234)	1:2:A:SER:HA	1:8:A:VAL:HA	17	0.97
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	4	0.97
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	4	0.97
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD21	19	0.97
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD22	19	0.97
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD23	19	0.97
(4,4095)	1:192:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	14	0.97
(4,4095)	1:192:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	15	0.97
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD21	1:187:A:GLY:H	7	0.97
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD22	1:187:A:GLY:H	7	0.97
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD23	1:187:A:GLY:H	7	0.97
(4,4008)	1:115:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HG2	4	0.97
(4,4008)	1:115:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HG2	4	0.97
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE1	4	0.97
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE2	4	0.97
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD2	1:214:A:TYR:HA	2	0.97
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD3	1:214:A:TYR:HA	2	0.97
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	3	0.97
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	3	0.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	3	0.97
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	3	0.97
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	3	0.97
(4,3872)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HE1	10	0.97
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:H	8	0.97
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:H	8	0.97
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:H	8	0.97
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD11	14	0.97
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD12	14	0.97
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD13	14	0.97
(4,3716)	1:45:A:LEU:HA	1:202:A:ILE:HD11	4	0.97
(4,3716)	1:45:A:LEU:HA	1:202:A:ILE:HD12	4	0.97
(4,3716)	1:45:A:LEU:HA	1:202:A:ILE:HD13	4	0.97
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB2	1:232:A:GLY:H	20	0.97
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB3	1:232:A:GLY:H	20	0.97
(4,3682)	1:50:A:ARG:H	1:233:A:PRO:HB2	11	0.97
(4,3659)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:H	5	0.97
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	13	0.97
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	13	0.97
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	13	0.97
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	13	0.97
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	13	0.97
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	13	0.97
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD1	20	0.97
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD2	20	0.97
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD1	20	0.97
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD2	20	0.97
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD1	20	0.97
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD2	20	0.97
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	7	0.97
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	7	0.97
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	7	0.97
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	7	0.97
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	7	0.97
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	7	0.97
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG11	8	0.97
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG12	8	0.97
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG13	8	0.97
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	12	0.97
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	12	0.97
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	12	0.97
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	12	0.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	12	0.97
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	12	0.97
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG11	1:173:A:GLU:H	2	0.97
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG12	1:173:A:GLU:H	2	0.97
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG13	1:173:A:GLU:H	2	0.97
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG11	1:139:A:LEU:CD1	3	0.97
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG12	1:139:A:LEU:CD1	3	0.97
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG13	1:139:A:LEU:CD1	3	0.97
(4,3428)	1:41:A:GLU:HB2	1:45:A:LEU:H	14	0.97
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD11	7	0.97
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD12	7	0.97
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD13	7	0.97
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD21	7	0.97
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD22	7	0.97
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD23	7	0.97
(4,3264)	1:79:A:VAL:HB	1:173:A:GLU:H	7	0.97
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	18	0.97
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	18	0.97
(4,3244)	1:224:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	18	0.97
(4,3213)	1:29:A:ASN:H	1:31:A:TRP:HE1	10	0.97
(4,3160)	1:64:A:ASP:HB2	1:66:A:LYS:H	6	0.97
(4,3160)	1:64:A:ASP:HB3	1:66:A:LYS:H	6	0.97
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB2	14	0.97
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB3	14	0.97
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB2	14	0.97
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB3	14	0.97
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB2	14	0.97
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB3	14	0.97
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG11	16	0.97
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG12	16	0.97
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG13	16	0.97
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG11	16	0.97
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG12	16	0.97
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG13	16	0.97
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD1	18	0.97
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD2	18	0.97
(4,3074)	1:173:A:GLU:H	1:178:A:PHE:HD1	1	0.97
(4,3074)	1:173:A:GLU:H	1:178:A:PHE:HD2	1	0.97
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG21	5	0.97
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG22	5	0.97
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG23	5	0.97
(4,2979)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:HB2	3	0.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2979)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:HB3	3	0.97
(4,2978)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:HA	15	0.97
(4,2963)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:H	18	0.97
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HB3	20	0.97
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HB3	20	0.97
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HB3	20	0.97
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG21	16	0.97
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG22	16	0.97
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG23	16	0.97
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD11	1:144:A:GLU:H	12	0.97
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD12	1:144:A:GLU:H	12	0.97
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD13	1:144:A:GLU:H	12	0.97
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG12	1:206:A:LEU:H	4	0.97
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG13	1:206:A:LEU:H	4	0.97
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG11	5	0.97
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG12	5	0.97
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG13	5	0.97
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG11	5	0.97
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG12	5	0.97
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG13	5	0.97
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	7	0.97
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	7	0.97
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	4	0.97
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	4	0.97
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	4	0.97
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:HB2	14	0.97
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:HB2	14	0.97
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:HB2	14	0.97
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:HB2	14	0.97
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:HB2	14	0.97
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:HB2	14	0.97
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD21	1:226:A:PHE:H	7	0.97
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD22	1:226:A:PHE:H	7	0.97
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG11	1:189:A:LEU:H	17	0.97
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG12	1:189:A:LEU:H	17	0.97
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG13	1:189:A:LEU:H	17	0.97
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB2	3	0.97
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB3	3	0.97
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD11	8	0.97
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD12	8	0.97
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD13	8	0.97
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD21	8	0.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD22	8	0.97
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD23	8	0.97
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD11	1	0.97
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD12	1	0.97
(4,2189)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD13	1	0.97
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG21	1:54:A:ALA:HA	15	0.97
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG22	1:54:A:ALA:HA	15	0.97
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG23	1:54:A:ALA:HA	15	0.97
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG21	13	0.97
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG22	13	0.97
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG23	13	0.97
(4,2098)	1:25:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	20	0.97
(4,2098)	1:25:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	20	0.97
(4,2098)	1:25:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	20	0.97
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG11	15	0.97
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG12	15	0.97
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG13	15	0.97
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	1	0.97
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	1	0.97
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	1	0.97
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	1	0.97
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	1	0.97
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	1	0.97
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	1	0.97
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	1	0.97
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	1	0.97
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	1	0.97
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	1	0.97
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	1	0.97
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HE22	5	0.97
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HE22	5	0.97
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HE22	5	0.97
(4,1809)	1:81:A:TRP:HZ2	1:184:A:ASN:H	5	0.97
(4,1728)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD22	11	0.97
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG12	3	0.97
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG13	3	0.97
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG12	3	0.97
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG13	3	0.97
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG12	3	0.97
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG13	3	0.97
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HA	5	0.97
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HA	5	0.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HA	5	0.97
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB1	14	0.97
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB2	14	0.97
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB3	14	0.97
(4,1476)	1:29:A:ASN:HB2	1:30:A:GLU:HG2	6	0.97
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD11	9	0.97
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD12	9	0.97
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD13	9	0.97
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD21	9	0.97
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD22	9	0.97
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD23	9	0.97
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG11	19	0.97
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG12	19	0.97
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG13	19	0.97
(4,1355)	1:189:A:LEU:HG	1:191:A:LEU:H	18	0.97
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	13	0.97
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	13	0.97
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD11	1:21:A:PHE:H	8	0.97
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD12	1:21:A:PHE:H	8	0.97
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD13	1:21:A:PHE:H	8	0.97
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD11	10	0.97
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD12	10	0.97
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD13	10	0.97
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD21	10	0.97
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD22	10	0.97
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD23	10	0.97
(4,1098)	1:203:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HG2	13	0.97
(4,1098)	1:203:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HG3	13	0.97
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG21	1:145:A:ASN:HD22	9	0.97
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG22	1:145:A:ASN:HD22	9	0.97
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG23	1:145:A:ASN:HD22	9	0.97
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB2	19	0.97
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB3	19	0.97
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB2	19	0.97
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB3	19	0.97
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB2	19	0.97
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB3	19	0.97
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB2	19	0.97
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB3	19	0.97
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB2	19	0.97
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB3	19	0.97
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB2	19	0.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB3	19	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD11	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD12	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD13	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD21	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD22	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD23	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD11	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD12	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD13	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD21	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD22	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD23	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD11	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD12	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD13	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD21	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD22	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD23	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD11	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD12	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD13	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD21	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD22	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD23	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD11	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD12	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD13	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD21	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD22	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD23	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD11	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD12	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD13	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD21	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD22	10	0.97
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD23	10	0.97
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG2	4	0.97
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG3	4	0.97
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG2	4	0.97
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG3	4	0.97
(4,899)	1:153:A:GLN:H	1:154:A:SER:H	1	0.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD21	19	0.97
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD22	19	0.97
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD11	1	0.97
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD12	1	0.97
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD13	1	0.97
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD11	1	0.97
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD12	1	0.97
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD13	1	0.97
(4,755)	1:16:A:GLU:H	1:34:A:PHE:HA	14	0.97
(4,745)	1:95:A:ILE:HD11	1:97:A:HIS:H	18	0.97
(4,745)	1:95:A:ILE:HD12	1:97:A:HIS:H	18	0.97
(4,745)	1:95:A:ILE:HD13	1:97:A:HIS:H	18	0.97
(4,732)	1:39:A:LEU:HB2	1:208:A:ARG:HD2	12	0.97
(4,732)	1:39:A:LEU:HB2	1:208:A:ARG:HD3	12	0.97
(4,732)	1:39:A:LEU:HB3	1:208:A:ARG:HD2	12	0.97
(4,732)	1:39:A:LEU:HB3	1:208:A:ARG:HD3	12	0.97
(4,685)	1:79:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	17	0.97
(4,685)	1:79:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	17	0.97
(4,685)	1:79:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	17	0.97
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD11	15	0.97
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD12	15	0.97
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD13	15	0.97
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD21	15	0.97
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD22	15	0.97
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD23	15	0.97
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG11	20	0.97
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG12	20	0.97
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG13	20	0.97
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG11	20	0.97
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG12	20	0.97
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG13	20	0.97
(4,507)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:ASP:HA	5	0.97
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD21	2	0.97
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD22	2	0.97
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG12	4	0.97
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG13	4	0.97
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG12	4	0.97
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG13	4	0.97
(4,365)	1:177:A:ILE:HD11	1:191:A:LEU:CD2	11	0.97
(4,365)	1:177:A:ILE:HD12	1:191:A:LEU:CD2	11	0.97
(4,365)	1:177:A:ILE:HD13	1:191:A:LEU:CD2	11	0.97
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB2	2	0.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB3	2	0.97
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB2	2	0.97
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB3	2	0.97
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB2	6	0.97
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB3	6	0.97
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB2	6	0.97
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB3	6	0.97
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD1	10	0.97
(4,259)	1:223:A:VAL:H	1:226:A:PHE:HD2	10	0.97
(4,252)	1:160:A:THR:H	1:161:A:ALA:H	11	0.97
(4,238)	1:79:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:H	1	0.97
(4,238)	1:79:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:H	1	0.97
(4,238)	1:79:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:H	1	0.97
(4,211)	1:83:A:LYS:HD2	1:86:A:VAL:H	11	0.97
(4,211)	1:83:A:LYS:HD3	1:86:A:VAL:H	11	0.97
(4,196)	1:177:A:ILE:HG21	1:207:A:VAL:HA	7	0.97
(4,196)	1:177:A:ILE:HG22	1:207:A:VAL:HA	7	0.97
(4,196)	1:177:A:ILE:HG23	1:207:A:VAL:HA	7	0.97
(4,137)	1:111:A:ASP:HB2	1:137:A:PHE:HD1	13	0.97
(4,137)	1:111:A:ASP:HB2	1:137:A:PHE:HD2	13	0.97
(4,137)	1:111:A:ASP:HB3	1:137:A:PHE:HD1	13	0.97
(4,137)	1:111:A:ASP:HB3	1:137:A:PHE:HD2	13	0.97
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD11	13	0.97
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD12	13	0.97
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD13	13	0.97
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG21	5	0.97
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG22	5	0.97
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG23	5	0.97
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG21	19	0.97
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG22	19	0.97
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG23	19	0.97
(4,83)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG21	4	0.97
(4,83)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG22	4	0.97
(4,83)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG23	4	0.97
(4,31)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:H	4	0.97
(4,31)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:H	4	0.97
(2,172)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	17	0.97
(2,120)	1:100:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	17	0.97
(1,360)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	14	0.97
(1,182)	1:61:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	11	0.97
(1,86)	1:225:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	18	0.97
(1,72)	1:170:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	9	0.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,807)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	12	0.96
(5,770)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	19	0.96
(5,519)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	16	0.96
(5,394)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	1	0.96
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG21	5	0.96
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG22	5	0.96
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG23	5	0.96
(4,4311)	1:177:A:ILE:H	1:195:A:ASP:H	16	0.96
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG2	2	0.96
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG3	2	0.96
(4,4202)	1:56:A:VAL:HB	1:230:A:GLY:H	1	0.96
(4,4136)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG2	18	0.96
(4,4095)	1:192:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	3	0.96
(4,4095)	1:192:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	17	0.96
(4,4095)	1:192:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	18	0.96
(4,4095)	1:192:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	20	0.96
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HD1	12	0.96
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HD2	12	0.96
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HD1	12	0.96
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HD2	12	0.96
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HD1	12	0.96
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HD2	12	0.96
(4,4029)	1:208:A:ARG:H	1:209:A:VAL:HB	18	0.96
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD21	11	0.96
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD22	11	0.96
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD23	11	0.96
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:H	16	0.96
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:H	16	0.96
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:H	16	0.96
(4,3755)	1:44:A:LEU:HD11	1:47:A:PHE:H	17	0.96
(4,3755)	1:44:A:LEU:HD12	1:47:A:PHE:H	17	0.96
(4,3755)	1:44:A:LEU:HD13	1:47:A:PHE:H	17	0.96
(4,3674)	1:94:A:ALA:HA	1:97:A:HIS:HD1	2	0.96
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG2	1:50:A:ARG:HD2	6	0.96
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG2	1:50:A:ARG:HD3	6	0.96
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG3	1:50:A:ARG:HD2	6	0.96
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG3	1:50:A:ARG:HD3	6	0.96
(4,3466)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HE21	9	0.96
(4,3466)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HE22	9	0.96
(4,3371)	1:34:A:PHE:H	1:34:A:PHE:HE1	1	0.96
(4,3371)	1:34:A:PHE:H	1:34:A:PHE:HE2	1	0.96
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	4	0.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	4	0.96
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	4	0.96
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	4	0.96
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	4	0.96
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	4	0.96
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE1	17	0.96
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE2	17	0.96
(4,3203)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:H	3	0.96
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD11	1:110:A:SER:H	9	0.96
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD12	1:110:A:SER:H	9	0.96
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD13	1:110:A:SER:H	9	0.96
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HB	19	0.96
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HB	19	0.96
(4,3093)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HB	19	0.96
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD1	17	0.96
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD2	17	0.96
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD21	11	0.96
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD22	11	0.96
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD23	11	0.96
(4,2978)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:HA	17	0.96
(4,2963)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:H	4	0.96
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD11	7	0.96
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD12	7	0.96
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD13	7	0.96
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD21	7	0.96
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD22	7	0.96
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD23	7	0.96
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG21	11	0.96
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG22	11	0.96
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG23	11	0.96
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG21	11	0.96
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG22	11	0.96
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG23	11	0.96
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG21	11	0.96
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG22	11	0.96
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG23	11	0.96
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD11	1:99:A:LEU:HG	20	0.96
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD12	1:99:A:LEU:HG	20	0.96
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD13	1:99:A:LEU:HG	20	0.96
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD21	1:99:A:LEU:HG	20	0.96
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD22	1:99:A:LEU:HG	20	0.96
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD23	1:99:A:LEU:HG	20	0.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG11	20	0.96
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG12	20	0.96
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG13	20	0.96
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG11	20	0.96
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG12	20	0.96
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG13	20	0.96
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE1	1:95:A:ILE:H	18	0.96
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE2	1:95:A:ILE:H	18	0.96
(4,2631)	1:68:A:SER:HA	1:70:A:SER:H	11	0.96
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD1	10	0.96
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD2	10	0.96
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD11	16	0.96
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD12	16	0.96
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD13	16	0.96
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD21	16	0.96
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD22	16	0.96
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD23	16	0.96
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:H	18	0.96
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:H	18	0.96
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:H	18	0.96
(4,2433)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:H	3	0.96
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:H	20	0.96
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:H	20	0.96
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:H	20	0.96
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:H	20	0.96
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:H	20	0.96
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:H	20	0.96
(4,2372)	1:146:A:VAL:HA	1:148:A:THR:HA	1	0.96
(4,2372)	1:146:A:VAL:HA	1:148:A:THR:HA	12	0.96
(4,2365)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG1	20	0.96
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB2	14	0.96
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB3	14	0.96
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD21	17	0.96
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD22	17	0.96
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD23	17	0.96
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD21	1:104:A:SER:H	8	0.96
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD22	1:104:A:SER:H	8	0.96
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HD1	2	0.96
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG3	1:235:A:TRP:HD1	2	0.96
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD2	15	0.96
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD3	15	0.96
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD2	15	0.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD3	15	0.96
(4,2152)	1:63:A:GLU:H	1:65:A:ARG:H	9	0.96
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD21	1:147:A:GLN:H	14	0.96
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD22	1:147:A:GLN:H	14	0.96
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD21	1:147:A:GLN:H	19	0.96
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD22	1:147:A:GLN:H	19	0.96
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD11	13	0.96
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD12	13	0.96
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD13	13	0.96
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG21	12	0.96
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG22	12	0.96
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG23	12	0.96
(4,1998)	1:109:A:GLY:HA2	1:114:A:ASN:HD21	8	0.96
(4,1880)	1:207:A:VAL:HB	1:211:A:VAL:H	11	0.96
(4,1806)	1:68:A:SER:HB2	1:70:A:SER:HA	2	0.96
(4,1806)	1:68:A:SER:HB3	1:70:A:SER:HA	2	0.96
(4,1728)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD22	5	0.96
(4,1728)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD22	8	0.96
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD11	9	0.96
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD12	9	0.96
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD13	9	0.96
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD11	9	0.96
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD12	9	0.96
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD13	9	0.96
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD11	9	0.96
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD12	9	0.96
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD13	9	0.96
(4,1510)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HG2	1	0.96
(4,1510)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HG3	1	0.96
(4,1378)	1:234:A:ASN:HA	1:236:A:GLU:H	11	0.96
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG11	14	0.96
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG12	14	0.96
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG13	14	0.96
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG21	14	0.96
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG22	14	0.96
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG23	14	0.96
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB2	12	0.96
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB3	12	0.96
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD11	20	0.96
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD12	20	0.96
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD13	20	0.96
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD21	20	0.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD22	20	0.96
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD23	20	0.96
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:H	8	0.96
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:H	8	0.96
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:H	8	0.96
(4,1098)	1:203:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HG2	5	0.96
(4,1098)	1:203:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HG3	5	0.96
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG11	1:167:A:TYR:HE1	18	0.96
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG11	1:167:A:TYR:HE2	18	0.96
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG12	1:167:A:TYR:HE1	18	0.96
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG12	1:167:A:TYR:HE2	18	0.96
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG13	1:167:A:TYR:HE1	18	0.96
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG13	1:167:A:TYR:HE2	18	0.96
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD11	18	0.96
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD12	18	0.96
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD13	18	0.96
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD21	18	0.96
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD22	18	0.96
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD23	18	0.96
(4,971)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HB2	10	0.96
(4,971)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HB3	10	0.96
(4,971)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HB2	10	0.96
(4,971)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HB3	10	0.96
(4,971)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HB2	10	0.96
(4,971)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HB3	10	0.96
(4,950)	1:58:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:H	6	0.96
(4,950)	1:58:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:H	6	0.96
(4,950)	1:58:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:H	6	0.96
(4,950)	1:58:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:H	6	0.96
(4,950)	1:58:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:H	6	0.96
(4,950)	1:58:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:H	6	0.96
(4,946)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:H	2	0.96
(4,940)	1:153:A:GLN:HE21	1:154:A:SER:HA	4	0.96
(4,887)	1:100:A:SER:HB2	1:127:A:ASN:HA	5	0.96
(4,887)	1:100:A:SER:HB3	1:127:A:ASN:HA	5	0.96
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD11	6	0.96
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD12	6	0.96
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD13	6	0.96
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD21	6	0.96
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD22	6	0.96
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD23	6	0.96
(4,849)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:H	15	0.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD11	5	0.96
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD12	5	0.96
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD13	5	0.96
(4,739)	1:82:A:PHE:H	1:82:A:PHE:HE1	10	0.96
(4,739)	1:82:A:PHE:H	1:82:A:PHE:HE2	10	0.96
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB2	2	0.96
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB3	2	0.96
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB2	2	0.96
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB3	2	0.96
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG21	4	0.96
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG22	4	0.96
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG23	4	0.96
(4,632)	1:82:A:PHE:HD1	1:100:A:SER:H	17	0.96
(4,632)	1:82:A:PHE:HD2	1:100:A:SER:H	17	0.96
(4,619)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:H	3	0.96
(4,619)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:H	3	0.96
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB2	11	0.96
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB3	11	0.96
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB2	11	0.96
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB3	11	0.96
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB2	11	0.96
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB3	11	0.96
(4,597)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:H	15	0.96
(4,597)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:H	15	0.96
(4,597)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:H	15	0.96
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB2	8	0.96
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB3	8	0.96
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD11	5	0.96
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD12	5	0.96
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD13	5	0.96
(4,548)	1:127:A:ASN:HD21	1:128:A:ARG:H	19	0.96
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD2	15	0.96
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD3	15	0.96
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD2	15	0.96
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD3	15	0.96
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD21	1	0.96
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD22	1	0.96
(4,416)	1:204:A:GLN:HG2	1:205:A:GLU:HA	7	0.96
(4,416)	1:204:A:GLN:HG3	1:205:A:GLU:HA	7	0.96
(4,392)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:H	7	0.96
(4,392)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:H	7	0.96
(4,392)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:H	7	0.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD11	1	0.96
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD12	1	0.96
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD13	1	0.96
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD21	1	0.96
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD22	1	0.96
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD23	1	0.96
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD11	1	0.96
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD12	1	0.96
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD13	1	0.96
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD21	1	0.96
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD22	1	0.96
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD23	1	0.96
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG21	6	0.96
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG22	6	0.96
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG23	6	0.96
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG21	6	0.96
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG22	6	0.96
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG23	6	0.96
(4,325)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HE1	20	0.96
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE1	7	0.96
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE2	7	0.96
(4,256)	1:33:A:TYR:HE1	1:34:A:PHE:H	8	0.96
(4,256)	1:33:A:TYR:HE2	1:34:A:PHE:H	8	0.96
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE1	7	0.96
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE2	7	0.96
(4,161)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:H	12	0.96
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD21	8	0.96
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD22	8	0.96
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD23	8	0.96
(4,118)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HG	14	0.96
(4,118)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HG	14	0.96
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD11	17	0.96
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD12	17	0.96
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD13	17	0.96
(2,134)	1:103:A:GLN:H	1:104:A:SER:OG	7	0.96
(1,546)	1:5:A:ASN:ND2	1:19:A:THR:H	20	0.96
(1,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	10	0.96
(5,380)	1:5:A:ASN:ND2	1:200:A:ASP:H	4	0.95
(5,290)	1:39:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	1	0.95
(4,4274)	1:171:A:VAL:H	1:179:A:GLU:H	7	0.95
(4,4218)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD22	18	0.95
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	13	0.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	13	0.95
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:H	11	0.95
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:H	11	0.95
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HG12	12	0.95
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HG13	12	0.95
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HG12	12	0.95
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HG13	12	0.95
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HG12	12	0.95
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HG13	12	0.95
(4,4095)	1:192:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	4	0.95
(4,4095)	1:192:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	5	0.95
(4,4095)	1:192:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	11	0.95
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:H	15	0.95
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:H	15	0.95
(4,3997)	1:80:A:ILE:HD11	1:103:A:GLN:HE22	18	0.95
(4,3997)	1:80:A:ILE:HD12	1:103:A:GLN:HE22	18	0.95
(4,3997)	1:80:A:ILE:HD13	1:103:A:GLN:HE22	18	0.95
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE1	10	0.95
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE2	10	0.95
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD11	14	0.95
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD12	14	0.95
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD13	14	0.95
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD21	14	0.95
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD22	14	0.95
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD23	14	0.95
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD11	14	0.95
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD12	14	0.95
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD13	14	0.95
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD21	14	0.95
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD22	14	0.95
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD23	14	0.95
(4,3979)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:HA	10	0.95
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD11	1:202:A:ILE:HA	2	0.95
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD12	1:202:A:ILE:HA	2	0.95
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD13	1:202:A:ILE:HA	2	0.95
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:HE21	17	0.95
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:HE22	17	0.95
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:HE21	17	0.95
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:HE22	17	0.95
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:HE21	17	0.95
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:HE22	17	0.95
(4,3762)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:H	1	0.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3659)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:H	20	0.95
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB1	16	0.95
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB2	16	0.95
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB3	16	0.95
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD11	15	0.95
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD12	15	0.95
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD13	15	0.95
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD11	1:206:A:LEU:H	11	0.95
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD12	1:206:A:LEU:H	11	0.95
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD13	1:206:A:LEU:H	11	0.95
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD1	1:152:A:GLY:H	4	0.95
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD2	1:152:A:GLY:H	4	0.95
(4,3471)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD21	1	0.95
(4,3471)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD22	1	0.95
(4,3471)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD23	1	0.95
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HB2	10	0.95
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HB3	10	0.95
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HB2	10	0.95
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HB3	10	0.95
(4,3436)	1:94:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HG12	13	0.95
(4,3436)	1:94:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HG13	13	0.95
(4,3428)	1:41:A:GLU:HB2	1:45:A:LEU:H	13	0.95
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB2	1:123:A:SER:H	1	0.95
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB3	1:123:A:SER:H	1	0.95
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB2	1:123:A:SER:H	20	0.95
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB3	1:123:A:SER:H	20	0.95
(4,3280)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB2	18	0.95
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE1	15	0.95
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE2	15	0.95
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE1	15	0.95
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE2	15	0.95
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE1	15	0.95
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE2	15	0.95
(4,3179)	1:185:A:LEU:HD11	1:187:A:GLY:H	6	0.95
(4,3179)	1:185:A:LEU:HD12	1:187:A:GLY:H	6	0.95
(4,3179)	1:185:A:LEU:HD13	1:187:A:GLY:H	6	0.95
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD2	1:128:A:ARG:H	16	0.95
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD3	1:128:A:ARG:H	16	0.95
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG21	7	0.95
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG22	7	0.95
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG23	7	0.95
(4,3055)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:H	19	0.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	19	0.95
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	19	0.95
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	19	0.95
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	19	0.95
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	19	0.95
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	19	0.95
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD21	14	0.95
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD22	14	0.95
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD23	14	0.95
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD21	14	0.95
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD22	14	0.95
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD23	14	0.95
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD21	14	0.95
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD22	14	0.95
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD23	14	0.95
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG11	10	0.95
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG12	10	0.95
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG13	10	0.95
(4,2938)	1:27:A:LEU:HA	1:105:A:LEU:HB2	20	0.95
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB1	17	0.95
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB2	17	0.95
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB3	17	0.95
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB1	17	0.95
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB2	17	0.95
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB3	17	0.95
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD11	1:144:A:GLU:H	6	0.95
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD12	1:144:A:GLU:H	6	0.95
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD13	1:144:A:GLU:H	6	0.95
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD11	1:39:A:LEU:HB2	3	0.95
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD11	1:39:A:LEU:HB3	3	0.95
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD12	1:39:A:LEU:HB2	3	0.95
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD12	1:39:A:LEU:HB3	3	0.95
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD13	1:39:A:LEU:HB2	3	0.95
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD13	1:39:A:LEU:HB3	3	0.95
(4,2571)	1:12:A:GLU:H	1:13:A:SER:H	15	0.95
(4,2541)	1:80:A:ILE:HD11	1:127:A:ASN:HD21	5	0.95
(4,2541)	1:80:A:ILE:HD12	1:127:A:ASN:HD21	5	0.95
(4,2541)	1:80:A:ILE:HD13	1:127:A:ASN:HD21	5	0.95
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	1	0.95
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	1	0.95
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	1	0.95
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	1	0.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	1	0.95
(4,2516)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	1	0.95
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD1	5	0.95
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD2	5	0.95
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD11	12	0.95
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD12	12	0.95
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD13	12	0.95
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD21	12	0.95
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD22	12	0.95
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD23	12	0.95
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD11	12	0.95
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD12	12	0.95
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD13	12	0.95
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD21	12	0.95
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD22	12	0.95
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD23	12	0.95
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG2	15	0.95
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG3	15	0.95
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG2	15	0.95
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG3	15	0.95
(4,2372)	1:146:A:VAL:HA	1:148:A:THR:HA	14	0.95
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB1	15	0.95
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB2	15	0.95
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB3	15	0.95
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB1	15	0.95
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB2	15	0.95
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB3	15	0.95
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB1	15	0.95
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB2	15	0.95
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB3	15	0.95
(4,2300)	1:134:A:THR:HG21	1:138:A:VAL:H	4	0.95
(4,2300)	1:134:A:THR:HG22	1:138:A:VAL:H	4	0.95
(4,2300)	1:134:A:THR:HG23	1:138:A:VAL:H	4	0.95
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD21	1:104:A:SER:H	3	0.95
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD22	1:104:A:SER:H	3	0.95
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG21	3	0.95
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG22	3	0.95
(4,2248)	1:8:A:VAL:H	1:151:A:THR:HG23	3	0.95
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD11	10	0.95
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD12	10	0.95
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD13	10	0.95
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD21	10	0.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD22	10	0.95
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD23	10	0.95
(4,2183)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HD1	4	0.95
(4,2183)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HD2	4	0.95
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD1	4	0.95
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD2	4	0.95
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HB	13	0.95
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HB	13	0.95
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HB	13	0.95
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HA	11	0.95
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HA	11	0.95
(4,2122)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HA	11	0.95
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD11	8	0.95
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD12	8	0.95
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD13	8	0.95
(4,2086)	1:61:A:ILE:HB	1:164:A:ASN:HD21	4	0.95
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG11	16	0.95
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG12	16	0.95
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG13	16	0.95
(4,1998)	1:109:A:GLY:HA2	1:114:A:ASN:HD21	20	0.95
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD21	17	0.95
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD22	17	0.95
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD21	17	0.95
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD22	17	0.95
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD21	17	0.95
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD22	17	0.95
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD21	17	0.95
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD22	17	0.95
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD21	17	0.95
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD22	17	0.95
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD21	17	0.95
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD22	17	0.95
(4,1959)	1:73:A:ILE:HA	1:75:A:SER:H	1	0.95
(4,1959)	1:73:A:ILE:HA	1:75:A:SER:H	2	0.95
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	13	0.95
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	13	0.95
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD11	17	0.95
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD12	17	0.95
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD13	17	0.95
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	18	0.95
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	18	0.95
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	18	0.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:H	12	0.95
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:H	12	0.95
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:H	12	0.95
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	2	0.95
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	2	0.95
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	2	0.95
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	2	0.95
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	2	0.95
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	2	0.95
(4,1807)	1:81:A:TRP:HE1	1:82:A:PHE:H	15	0.95
(4,1806)	1:68:A:SER:HB2	1:70:A:SER:HA	5	0.95
(4,1806)	1:68:A:SER:HB3	1:70:A:SER:HA	5	0.95
(4,1800)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD21	3	0.95
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG12	19	0.95
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG13	19	0.95
(4,1771)	1:72:A:GLN:HB3	1:74:A:THR:H	14	0.95
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:CG1	15	0.95
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:CG1	15	0.95
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:CG1	15	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG11	20	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG12	20	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG13	20	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG21	20	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG22	20	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG23	20	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG11	20	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG12	20	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG13	20	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG21	20	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG22	20	0.95
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG23	20	0.95
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB2	1:204:A:GLN:HG2	13	0.95
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB2	1:204:A:GLN:HG3	13	0.95
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB3	1:204:A:GLN:HG2	13	0.95
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB3	1:204:A:GLN:HG3	13	0.95
(4,1546)	1:34:A:PHE:HD1	1:232:A:GLY:H	20	0.95
(4,1546)	1:34:A:PHE:HD2	1:232:A:GLY:H	20	0.95
(4,1534)	1:38:A:SER:HB2	1:44:A:LEU:HA	14	0.95
(4,1534)	1:38:A:SER:HB3	1:44:A:LEU:HA	14	0.95
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD1	1:227:A:ALA:H	16	0.95
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD2	1:227:A:ALA:H	16	0.95
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG11	20	0.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG12	20	0.95
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG13	20	0.95
(4,1354)	1:170:A:TYR:H	1:170:A:TYR:HE1	11	0.95
(4,1354)	1:170:A:TYR:H	1:170:A:TYR:HE2	11	0.95
(4,1220)	1:149:A:PHE:HB3	1:151:A:THR:H	10	0.95
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE21	15	0.95
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE21	15	0.95
(4,1082)	1:152:A:GLY:H	1:153:A:GLN:HB2	2	0.95
(4,1082)	1:152:A:GLY:H	1:153:A:GLN:HB3	2	0.95
(4,1058)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD21	1	0.95
(4,1058)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD22	1	0.95
(4,1058)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD23	1	0.95
(4,971)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HB2	18	0.95
(4,971)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HB3	18	0.95
(4,971)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HB2	18	0.95
(4,971)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HB3	18	0.95
(4,971)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HB2	18	0.95
(4,971)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HB3	18	0.95
(4,813)	1:36:A:ILE:HD11	1:48:A:LEU:CD2	19	0.95
(4,813)	1:36:A:ILE:HD12	1:48:A:LEU:CD2	19	0.95
(4,813)	1:36:A:ILE:HD13	1:48:A:LEU:CD2	19	0.95
(4,813)	1:36:A:ILE:HD11	1:48:A:LEU:CD2	20	0.95
(4,813)	1:36:A:ILE:HD12	1:48:A:LEU:CD2	20	0.95
(4,813)	1:36:A:ILE:HD13	1:48:A:LEU:CD2	20	0.95
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG21	16	0.95
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG22	16	0.95
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG23	16	0.95
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG21	16	0.95
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG22	16	0.95
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG23	16	0.95
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG21	16	0.95
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG22	16	0.95
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG23	16	0.95
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	3	0.95
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	3	0.95
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	3	0.95
(4,659)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HG	9	0.95
(4,589)	1:83:A:LYS:HA	1:183:A:ARG:H	8	0.95
(4,580)	1:106:A:LEU:HB2	1:113:A:ASP:H	11	0.95
(4,580)	1:106:A:LEU:HB3	1:113:A:ASP:H	11	0.95
(4,416)	1:204:A:GLN:HG2	1:205:A:GLU:HA	15	0.95
(4,416)	1:204:A:GLN:HG3	1:205:A:GLU:HA	15	0.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD11	20	0.95
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD12	20	0.95
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD13	20	0.95
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD1	6	0.95
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD2	6	0.95
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG21	5	0.95
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG22	5	0.95
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG23	5	0.95
(4,42)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE22	10	0.95
(4,42)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE22	10	0.95
(4,42)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE22	10	0.95
(4,42)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE22	10	0.95
(4,42)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE22	10	0.95
(4,42)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE22	10	0.95
(4,8)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA3	7	0.95
(4,8)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA3	7	0.95
(2,172)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	15	0.95
(1,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	17	0.95
(1,231)	1:214:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	13	0.95
(1,212)	1:179:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	4	0.95
(1,173)	1:58:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	9	0.95
(1,122)	1:154:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	3	0.95
(1,113)	1:182:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	12	0.95
(4,4311)	1:177:A:ILE:H	1:195:A:ASP:H	15	0.94
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	18	0.94
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	18	0.94
(4,4202)	1:56:A:VAL:HB	1:230:A:GLY:H	4	0.94
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG2	19	0.94
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG3	19	0.94
(4,4159)	1:157:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	13	0.94
(4,4159)	1:157:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	13	0.94
(4,4154)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HG2	9	0.94
(4,4154)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HG2	9	0.94
(4,4154)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HG2	9	0.94
(4,4095)	1:192:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	1	0.94
(4,4095)	1:192:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	13	0.94
(4,4095)	1:192:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	16	0.94
(4,3937)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE21	13	0.94
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE1	1:152:A:GLY:H	18	0.94
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE2	1:152:A:GLY:H	18	0.94
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB2	16	0.94
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB3	16	0.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB2	16	0.94
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB3	16	0.94
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB2	16	0.94
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB3	16	0.94
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD11	6	0.94
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD12	6	0.94
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD13	6	0.94
(4,3810)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD21	20	0.94
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD11	16	0.94
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD12	16	0.94
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD13	16	0.94
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD21	5	0.94
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD22	5	0.94
(4,3713)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HA	6	0.94
(4,3713)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HA	6	0.94
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE1	19	0.94
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE2	19	0.94
(4,3560)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HA	6	0.94
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG11	14	0.94
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG12	14	0.94
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG13	14	0.94
(4,3450)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HB2	4	0.94
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG11	1:139:A:LEU:CD1	17	0.94
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG12	1:139:A:LEU:CD1	17	0.94
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG13	1:139:A:LEU:CD1	17	0.94
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG11	1:139:A:LEU:CD1	18	0.94
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG12	1:139:A:LEU:CD1	18	0.94
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG13	1:139:A:LEU:CD1	18	0.94
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB1	11	0.94
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB2	11	0.94
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB3	11	0.94
(4,3396)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HG	16	0.94
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD1	1:179:A:GLU:H	19	0.94
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD2	1:179:A:GLU:H	19	0.94
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG21	3	0.94
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG22	3	0.94
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG23	3	0.94
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG21	3	0.94
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG22	3	0.94
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG23	3	0.94
(4,3252)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD11	10	0.94
(4,3252)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD12	10	0.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3252)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD13	10	0.94
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD2	11	0.94
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD3	11	0.94
(4,3202)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA2	16	0.94
(4,3202)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA2	16	0.94
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD2	1:128:A:ARG:H	20	0.94
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD3	1:128:A:ARG:H	20	0.94
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB2	4	0.94
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB3	4	0.94
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG21	12	0.94
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG22	12	0.94
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG23	12	0.94
(4,3112)	1:119:A:GLN:HE21	1:130:A:ASP:H	13	0.94
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD1	20	0.94
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD2	20	0.94
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG21	15	0.94
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG22	15	0.94
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG23	15	0.94
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD1	16	0.94
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD2	16	0.94
(4,3013)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:H	8	0.94
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD1	9	0.94
(4,2997)	1:128:A:ARG:H	1:129:A:PHE:HD2	9	0.94
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE1	13	0.94
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE2	13	0.94
(4,2970)	1:28:A:LYS:HB2	1:107:A:GLU:H	1	0.94
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE1	13	0.94
(4,2898)	1:176:A:GLY:HA3	1:190:A:TYR:HE2	13	0.94
(4,2830)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HD1	14	0.94
(4,2830)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HD2	14	0.94
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD1	1:190:A:TYR:H	18	0.94
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD2	1:190:A:TYR:H	18	0.94
(4,2664)	1:167:A:TYR:H	1:168:A:ILE:HD11	4	0.94
(4,2664)	1:167:A:TYR:H	1:168:A:ILE:HD12	4	0.94
(4,2664)	1:167:A:TYR:H	1:168:A:ILE:HD13	4	0.94
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB2	13	0.94
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB3	13	0.94
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:HB2	6	0.94
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:HB2	6	0.94
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:HB2	6	0.94
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG11	10	0.94
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG12	10	0.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG13	10	0.94
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG21	10	0.94
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG22	10	0.94
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG23	10	0.94
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD11	10	0.94
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD12	10	0.94
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD13	10	0.94
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	6	0.94
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	6	0.94
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	6	0.94
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG21	1:164:A:ASN:HD21	8	0.94
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG22	1:164:A:ASN:HD21	8	0.94
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG23	1:164:A:ASN:HD21	8	0.94
(4,2497)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HZ3	14	0.94
(4,2433)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:H	10	0.94
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:HB2	1	0.94
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:HB2	1	0.94
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:HB2	1	0.94
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:HB2	1	0.94
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:HB2	1	0.94
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:HB2	1	0.94
(4,2405)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HA	14	0.94
(4,2405)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HA	14	0.94
(4,2301)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:H	20	0.94
(4,2288)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	17	0.94
(4,2288)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	18	0.94
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD11	19	0.94
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD12	19	0.94
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD13	19	0.94
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD21	19	0.94
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD22	19	0.94
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD23	19	0.94
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB1	1:171:A:VAL:HG21	7	0.94
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB1	1:171:A:VAL:HG22	7	0.94
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB1	1:171:A:VAL:HG23	7	0.94
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB2	1:171:A:VAL:HG21	7	0.94
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB2	1:171:A:VAL:HG22	7	0.94
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB2	1:171:A:VAL:HG23	7	0.94
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB3	1:171:A:VAL:HG21	7	0.94
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB3	1:171:A:VAL:HG22	7	0.94
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB3	1:171:A:VAL:HG23	7	0.94
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA2	1:6:A:ARG:HA	16	0.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA3	1:6:A:ARG:HA	16	0.94
(4,2100)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HE3	1	0.94
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB2	1:83:A:LYS:HG2	12	0.94
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB3	1:83:A:LYS:HG2	12	0.94
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB2	1:83:A:LYS:HG2	13	0.94
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB3	1:83:A:LYS:HG2	13	0.94
(4,1975)	1:44:A:LEU:HA	1:48:A:LEU:H	18	0.94
(4,1904)	1:119:A:GLN:HE21	1:128:A:ARG:H	18	0.94
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE1	1	0.94
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE2	1	0.94
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE1	1	0.94
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE2	1	0.94
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE1	1	0.94
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE2	1	0.94
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	6	0.94
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	6	0.94
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	6	0.94
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG2	4	0.94
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	4	0.94
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:H	9	0.94
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:H	9	0.94
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD11	1:115:A:PHE:H	17	0.94
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD12	1:115:A:PHE:H	17	0.94
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD13	1:115:A:PHE:H	17	0.94
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD21	1:115:A:PHE:H	17	0.94
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD22	1:115:A:PHE:H	17	0.94
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD23	1:115:A:PHE:H	17	0.94
(4,1769)	1:5:A:ASN:HD22	1:6:A:ARG:H	10	0.94
(4,1757)	1:48:A:LEU:CD1	1:202:A:ILE:HD11	17	0.94
(4,1757)	1:48:A:LEU:CD1	1:202:A:ILE:HD12	17	0.94
(4,1757)	1:48:A:LEU:CD1	1:202:A:ILE:HD13	17	0.94
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD11	1:47:A:PHE:H	17	0.94
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD12	1:47:A:PHE:H	17	0.94
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD13	1:47:A:PHE:H	17	0.94
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:H	5	0.94
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:H	5	0.94
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:H	5	0.94
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	7	0.94
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	7	0.94
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	7	0.94
(4,1600)	1:225:A:ASN:H	1:226:A:PHE:HB2	6	0.94
(4,1559)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:H	11	0.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1546)	1:34:A:PHE:HD1	1:232:A:GLY:H	5	0.94
(4,1546)	1:34:A:PHE:HD2	1:232:A:GLY:H	5	0.94
(4,1473)	1:195:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE22	17	0.94
(4,1441)	1:235:A:TRP:HA	1:235:A:TRP:HE1	9	0.94
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB2	11	0.94
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB2	11	0.94
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB2	11	0.94
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB2	19	0.94
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB2	19	0.94
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB2	19	0.94
(4,1436)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD11	12	0.94
(4,1436)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD12	12	0.94
(4,1436)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD13	12	0.94
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG21	1:58:A:LEU:H	9	0.94
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG22	1:58:A:LEU:H	9	0.94
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG23	1:58:A:LEU:H	9	0.94
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:H	10	0.94
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:H	10	0.94
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:H	10	0.94
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD2	4	0.94
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD3	4	0.94
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD2	4	0.94
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD3	4	0.94
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG21	10	0.94
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG22	10	0.94
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG23	10	0.94
(4,1155)	1:112:A:LEU:HD11	1:114:A:ASN:H	6	0.94
(4,1155)	1:112:A:LEU:HD12	1:114:A:ASN:H	6	0.94
(4,1155)	1:112:A:LEU:HD13	1:114:A:ASN:H	6	0.94
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG11	1:12:A:GLU:H	19	0.94
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG12	1:12:A:GLU:H	19	0.94
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG13	1:12:A:GLU:H	19	0.94
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:GLU:H	19	0.94
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:GLU:H	19	0.94
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:GLU:H	19	0.94
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD1	14	0.94
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD2	14	0.94
(4,1113)	1:233:A:PRO:HA	1:235:A:TRP:H	9	0.94
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB1	8	0.94
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB2	8	0.94
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB3	8	0.94
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB1	8	0.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB2	8	0.94
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB3	8	0.94
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB1	8	0.94
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB2	8	0.94
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB3	8	0.94
(4,949)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG21	17	0.94
(4,949)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG22	17	0.94
(4,949)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG23	17	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD11	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD12	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD13	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD21	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD22	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD23	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD11	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD12	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD13	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD21	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD22	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD23	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD11	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD12	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD13	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD21	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD22	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD23	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD11	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD12	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD13	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD21	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD22	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD23	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD11	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD12	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD13	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD21	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD22	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD23	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD11	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD12	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD13	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD21	7	0.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD22	7	0.94
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD23	7	0.94
(4,899)	1:153:A:GLN:H	1:154:A:SER:H	18	0.94
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG21	8	0.94
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG22	8	0.94
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG23	8	0.94
(4,816)	1:168:A:ILE:HA	1:169:A:THR:HG1	6	0.94
(4,790)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:H	12	0.94
(4,790)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:H	13	0.94
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD11	8	0.94
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD12	8	0.94
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD13	8	0.94
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG11	7	0.94
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG12	7	0.94
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG13	7	0.94
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG21	7	0.94
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG22	7	0.94
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG23	7	0.94
(4,188)	1:36:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB2	20	0.94
(4,188)	1:36:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB3	20	0.94
(4,188)	1:36:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB2	20	0.94
(4,188)	1:36:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB3	20	0.94
(4,188)	1:36:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB2	20	0.94
(4,188)	1:36:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB3	20	0.94
(4,182)	1:55:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HG2	5	0.94
(4,182)	1:55:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HG3	5	0.94
(4,182)	1:55:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HG2	5	0.94
(4,182)	1:55:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HG3	5	0.94
(4,182)	1:55:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HG2	5	0.94
(4,182)	1:55:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HG3	5	0.94
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD21	20	0.94
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD22	20	0.94
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD23	20	0.94
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG21	7	0.94
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG22	7	0.94
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG23	7	0.94
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD21	15	0.94
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD22	15	0.94
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD21	15	0.94
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD22	15	0.94
(2,638)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	7	0.94
(2,335)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	14	0.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,88)	1:104:A:SER:OG	1:106:A:LEU:H	5	0.94
(2,88)	1:104:A:SER:OG	1:106:A:LEU:H	7	0.94
(1,219)	1:183:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	2	0.94
(1,209)	1:21:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	20	0.94
(1,113)	1:182:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	8	0.94
(5,709)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	8	0.93
(5,688)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	1	0.93
(5,662)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	12	0.93
(5,638)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	6	0.93
(5,559)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	9	0.93
(5,540)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	10	0.93
(5,518)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	8	0.93
(5,450)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	2	0.93
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD1	1:193:A:LYS:H	4	0.93
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD2	1:193:A:LYS:H	4	0.93
(4,4251)	1:81:A:TRP:HH2	1:184:A:ASN:H	18	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD11	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD12	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD13	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD21	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD22	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD23	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD11	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD12	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD13	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD21	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD22	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD23	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD11	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD12	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD13	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD21	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD22	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD23	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD11	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD12	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD13	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD21	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD22	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD23	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD11	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD12	8	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD13	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD21	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD22	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD23	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD11	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD12	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD13	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD21	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD22	8	0.93
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD23	8	0.93
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD11	18	0.93
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD12	18	0.93
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD13	18	0.93
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD21	18	0.93
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD22	18	0.93
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD23	18	0.93
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD11	18	0.93
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD12	18	0.93
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD13	18	0.93
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD21	18	0.93
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD22	18	0.93
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD23	18	0.93
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB1	19	0.93
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB2	19	0.93
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB3	19	0.93
(4,4095)	1:192:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	7	0.93
(4,4095)	1:192:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	19	0.93
(4,4035)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HA	6	0.93
(4,4035)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HA	6	0.93
(4,4012)	1:136:A:GLN:HE21	1:137:A:PHE:H	11	0.93
(4,4012)	1:136:A:GLN:HE22	1:137:A:PHE:H	11	0.93
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE1	15	0.93
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE2	15	0.93
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD21	9	0.93
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD22	9	0.93
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD11	1:117:A:LYS:HG2	14	0.93
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD11	1:117:A:LYS:HG3	14	0.93
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD12	1:117:A:LYS:HG2	14	0.93
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD12	1:117:A:LYS:HG3	14	0.93
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD13	1:117:A:LYS:HG2	14	0.93
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD13	1:117:A:LYS:HG3	14	0.93
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD21	1:117:A:LYS:HG2	14	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD21	1:117:A:LYS:HG3	14	0.93
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD22	1:117:A:LYS:HG2	14	0.93
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD22	1:117:A:LYS:HG3	14	0.93
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD23	1:117:A:LYS:HG2	14	0.93
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD23	1:117:A:LYS:HG3	14	0.93
(4,3737)	1:36:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HB2	4	0.93
(4,3737)	1:36:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HB2	4	0.93
(4,3737)	1:36:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HB2	4	0.93
(4,3682)	1:50:A:ARG:H	1:233:A:PRO:HB2	1	0.93
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG21	18	0.93
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG22	18	0.93
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG23	18	0.93
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG2	1:147:A:GLN:H	13	0.93
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG3	1:147:A:GLN:H	13	0.93
(4,3519)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	4	0.93
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG2	1:125:A:SER:H	9	0.93
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG3	1:125:A:SER:H	9	0.93
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB1	1	0.93
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB2	1	0.93
(4,3429)	1:8:A:VAL:H	1:159:A:ALA:HB3	1	0.93
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HE1	7	0.93
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HE1	7	0.93
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HE1	7	0.93
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD11	16	0.93
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD12	16	0.93
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD13	16	0.93
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD11	16	0.93
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD12	16	0.93
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD13	16	0.93
(4,3280)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB2	4	0.93
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB2	1:236:A:GLU:H	8	0.93
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB3	1:236:A:GLU:H	8	0.93
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB2	1:236:A:GLU:H	9	0.93
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB3	1:236:A:GLU:H	9	0.93
(4,3194)	1:45:A:LEU:HD11	1:202:A:ILE:H	1	0.93
(4,3194)	1:45:A:LEU:HD12	1:202:A:ILE:H	1	0.93
(4,3194)	1:45:A:LEU:HD13	1:202:A:ILE:H	1	0.93
(4,3190)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HB	3	0.93
(4,3190)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HB	5	0.93
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD11	10	0.93
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD12	10	0.93
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD13	10	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD11	10	0.93
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD12	10	0.93
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD13	10	0.93
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD11	10	0.93
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD12	10	0.93
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD13	10	0.93
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE1	14	0.93
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE2	14	0.93
(4,3160)	1:64:A:ASP:HB2	1:66:A:LYS:H	13	0.93
(4,3160)	1:64:A:ASP:HB3	1:66:A:LYS:H	13	0.93
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD1	18	0.93
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD2	18	0.93
(4,3075)	1:74:A:THR:H	1:77:A:TYR:H	6	0.93
(4,3032)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE22	13	0.93
(4,3018)	1:83:A:LYS:HD2	1:85:A:SER:H	12	0.93
(4,3018)	1:83:A:LYS:HD3	1:85:A:SER:H	12	0.93
(4,2893)	1:153:A:GLN:HA	1:157:A:PRO:HD3	19	0.93
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG21	12	0.93
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG22	12	0.93
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG23	12	0.93
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG21	12	0.93
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG22	12	0.93
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG23	12	0.93
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG21	12	0.93
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG22	12	0.93
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG23	12	0.93
(4,2830)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HD1	5	0.93
(4,2830)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HD2	5	0.93
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD1	1	0.93
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD2	1	0.93
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	2	0.93
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	2	0.93
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	2	0.93
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	2	0.93
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	2	0.93
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	2	0.93
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	16	0.93
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	16	0.93
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD11	1:144:A:GLU:H	17	0.93
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD12	1:144:A:GLU:H	17	0.93
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD13	1:144:A:GLU:H	17	0.93
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD1	20	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD2	20	0.93
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD1	1:95:A:ILE:H	6	0.93
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD2	1:95:A:ILE:H	6	0.93
(4,2575)	1:19:A:THR:HG21	1:235:A:TRP:H	15	0.93
(4,2575)	1:19:A:THR:HG22	1:235:A:TRP:H	15	0.93
(4,2575)	1:19:A:THR:HG23	1:235:A:TRP:H	15	0.93
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:HG11	17	0.93
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:HG12	17	0.93
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:HG13	17	0.93
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:HG11	17	0.93
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:HG12	17	0.93
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:HG13	17	0.93
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:HG11	17	0.93
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:HG12	17	0.93
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:HG13	17	0.93
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:H	1	0.93
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:H	1	0.93
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:H	1	0.93
(4,2346)	1:74:A:THR:HB	1:76:A:SER:H	5	0.93
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:HB2	19	0.93
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:HB2	19	0.93
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:HB2	19	0.93
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB2	19	0.93
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB2	19	0.93
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB2	19	0.93
(4,2263)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:H	19	0.93
(4,2241)	1:150:A:SER:HA	1:152:A:GLY:H	15	0.93
(4,2209)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HD1	1	0.93
(4,2209)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HD2	1	0.93
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD2	16	0.93
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD3	16	0.93
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD2	16	0.93
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD3	16	0.93
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG21	1:54:A:ALA:HA	8	0.93
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG22	1:54:A:ALA:HA	8	0.93
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG23	1:54:A:ALA:HA	8	0.93
(4,2137)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:H	2	0.93
(4,2090)	1:55:A:ILE:HD11	1:202:A:ILE:CD1	11	0.93
(4,2090)	1:55:A:ILE:HD12	1:202:A:ILE:CD1	11	0.93
(4,2090)	1:55:A:ILE:HD13	1:202:A:ILE:CD1	11	0.93
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD11	2	0.93
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD12	2	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD13	2	0.93
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD11	2	0.93
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD12	2	0.93
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD13	2	0.93
(4,2041)	1:95:A:ILE:HA	1:98:A:SER:HA	2	0.93
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD11	7	0.93
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD12	7	0.93
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD13	7	0.93
(4,2005)	1:147:A:GLN:HE22	1:148:A:THR:H	11	0.93
(4,1992)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HB3	3	0.93
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD2	1:217:A:ASN:HD22	1	0.93
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD3	1:217:A:ASN:HD22	1	0.93
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD11	5	0.93
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD12	5	0.93
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD13	5	0.93
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD11	5	0.93
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD12	5	0.93
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD13	5	0.93
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD1	1:190:A:TYR:H	8	0.93
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD2	1:190:A:TYR:H	8	0.93
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD1	3	0.93
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD2	3	0.93
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD1	3	0.93
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD2	3	0.93
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD1	3	0.93
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD2	3	0.93
(4,1892)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:HD21	3	0.93
(4,1892)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:HD22	3	0.93
(4,1892)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:HD23	3	0.93
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG11	20	0.93
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG12	20	0.93
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG13	20	0.93
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG21	20	0.93
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG22	20	0.93
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG23	20	0.93
(4,1835)	1:56:A:VAL:HB	1:228:A:MET:HA	6	0.93
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD11	2	0.93
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD12	2	0.93
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD13	2	0.93
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD21	2	0.93
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD22	2	0.93
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD23	2	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG21	1:215:A:MET:H	5	0.93
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG22	1:215:A:MET:H	5	0.93
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG23	1:215:A:MET:H	5	0.93
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD11	1:115:A:PHE:H	13	0.93
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD12	1:115:A:PHE:H	13	0.93
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD13	1:115:A:PHE:H	13	0.93
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD21	1:115:A:PHE:H	13	0.93
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD22	1:115:A:PHE:H	13	0.93
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD23	1:115:A:PHE:H	13	0.93
(4,1728)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD22	9	0.93
(4,1723)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE1	16	0.93
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD11	1:47:A:PHE:H	3	0.93
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD12	1:47:A:PHE:H	3	0.93
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD13	1:47:A:PHE:H	3	0.93
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD11	12	0.93
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD12	12	0.93
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD13	12	0.93
(4,1560)	1:80:A:ILE:HB	1:101:A:ASN:HD21	19	0.93
(4,1560)	1:80:A:ILE:HB	1:101:A:ASN:HD22	19	0.93
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG21	5	0.93
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG22	5	0.93
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG23	5	0.93
(4,1476)	1:29:A:ASN:HB2	1:30:A:GLU:HG2	4	0.93
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	4	0.93
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	4	0.93
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	4	0.93
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	4	0.93
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	4	0.93
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	4	0.93
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD21	18	0.93
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD22	18	0.93
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD23	18	0.93
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD21	18	0.93
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD22	18	0.93
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD23	18	0.93
(4,1378)	1:234:A:ASN:HA	1:236:A:GLU:H	15	0.93
(4,1355)	1:189:A:LEU:HG	1:191:A:LEU:H	9	0.93
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD11	13	0.93
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD12	13	0.93
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD13	13	0.93
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD21	13	0.93
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD22	13	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD23	13	0.93
(4,1244)	1:172:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:H	13	0.93
(4,1244)	1:172:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:H	13	0.93
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD11	1:199:A:THR:HG21	6	0.93
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD11	1:199:A:THR:HG22	6	0.93
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD11	1:199:A:THR:HG23	6	0.93
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD12	1:199:A:THR:HG21	6	0.93
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD12	1:199:A:THR:HG22	6	0.93
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD12	1:199:A:THR:HG23	6	0.93
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD13	1:199:A:THR:HG21	6	0.93
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD13	1:199:A:THR:HG22	6	0.93
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD13	1:199:A:THR:HG23	6	0.93
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD21	1:199:A:THR:HG21	6	0.93
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD21	1:199:A:THR:HG22	6	0.93
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD21	1:199:A:THR:HG23	6	0.93
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD22	1:199:A:THR:HG21	6	0.93
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD22	1:199:A:THR:HG22	6	0.93
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD22	1:199:A:THR:HG23	6	0.93
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD23	1:199:A:THR:HG21	6	0.93
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD23	1:199:A:THR:HG22	6	0.93
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD23	1:199:A:THR:HG23	6	0.93
(4,1029)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	16	0.93
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG21	1:145:A:ASN:HD22	1	0.93
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG22	1:145:A:ASN:HD22	1	0.93
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG23	1:145:A:ASN:HD22	1	0.93
(4,1010)	1:177:A:ILE:HG12	1:194:A:SER:H	5	0.93
(4,1010)	1:177:A:ILE:HG13	1:194:A:SER:H	5	0.93
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE2	9	0.93
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE3	9	0.93
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE2	9	0.93
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE3	9	0.93
(4,899)	1:153:A:GLN:H	1:154:A:SER:H	7	0.93
(4,899)	1:153:A:GLN:H	1:154:A:SER:H	9	0.93
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD11	12	0.93
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD12	12	0.93
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD13	12	0.93
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD11	12	0.93
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD12	12	0.93
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD13	12	0.93
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD11	12	0.93
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD12	12	0.93
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD13	12	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,834)	1:99:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	1	0.93
(4,834)	1:99:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	1	0.93
(4,834)	1:99:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	1	0.93
(4,834)	1:99:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	1	0.93
(4,834)	1:99:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	1	0.93
(4,834)	1:99:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	1	0.93
(4,813)	1:36:A:ILE:HD11	1:48:A:LEU:CD2	3	0.93
(4,813)	1:36:A:ILE:HD12	1:48:A:LEU:CD2	3	0.93
(4,813)	1:36:A:ILE:HD13	1:48:A:LEU:CD2	3	0.93
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB2	16	0.93
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB3	16	0.93
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD11	20	0.93
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD12	20	0.93
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD13	20	0.93
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD11	20	0.93
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD12	20	0.93
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD13	20	0.93
(4,745)	1:95:A:ILE:HD11	1:97:A:HIS:H	17	0.93
(4,745)	1:95:A:ILE:HD12	1:97:A:HIS:H	17	0.93
(4,745)	1:95:A:ILE:HD13	1:97:A:HIS:H	17	0.93
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD11	7	0.93
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD12	7	0.93
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD13	7	0.93
(4,574)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:CD2	11	0.93
(4,574)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:CD2	11	0.93
(4,574)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:CD2	11	0.93
(4,574)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:CD2	11	0.93
(4,574)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:CD2	11	0.93
(4,574)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:CD2	11	0.93
(4,548)	1:127:A:ASN:HD21	1:128:A:ARG:H	12	0.93
(4,497)	1:29:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD21	6	0.93
(4,369)	1:172:A:GLU:HG2	1:176:A:GLY:H	4	0.93
(4,369)	1:172:A:GLU:HG3	1:176:A:GLY:H	4	0.93
(4,341)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HB	13	0.93
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB2	15	0.93
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB3	15	0.93
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB2	15	0.93
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB3	15	0.93
(4,251)	1:28:A:LYS:HB3	1:29:A:ASN:HD21	20	0.93
(4,194)	1:146:A:VAL:HA	1:150:A:SER:H	6	0.93
(4,113)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:HA	15	0.93
(4,113)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:HA	15	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD11	8	0.93
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD12	8	0.93
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD13	8	0.93
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD21	8	0.93
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD22	8	0.93
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD23	8	0.93
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD11	8	0.93
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD12	8	0.93
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD13	8	0.93
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD21	8	0.93
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD22	8	0.93
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD23	8	0.93
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD11	8	0.93
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD12	8	0.93
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD13	8	0.93
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD21	8	0.93
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD22	8	0.93
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD23	8	0.93
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD1	12	0.93
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD2	12	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD11	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD12	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD13	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD21	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD22	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD23	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD11	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD12	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD13	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD21	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD22	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD23	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD11	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD12	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD13	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD21	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD22	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD23	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD11	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD12	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD13	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD21	4	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,26)	1:27:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD22	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD23	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD11	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD12	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD13	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD21	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD22	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD23	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD11	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD12	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD13	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD21	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD22	4	0.93
(4,26)	1:27:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD23	4	0.93
(2,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	11	0.93
(2,456)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	16	0.93
(2,335)	1:222:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	12	0.93
(1,560)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	9	0.93
(1,455)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	6	0.93
(5,666)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	3	0.92
(5,550)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	4	0.92
(5,439)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	4	0.92
(5,402)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	8	0.92
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD2	4	0.92
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD3	4	0.92
(4,4152)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HA	2	0.92
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD11	11	0.92
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD12	11	0.92
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD13	11	0.92
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD21	11	0.92
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD22	11	0.92
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD23	11	0.92
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:HG2	17	0.92
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:HG3	17	0.92
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:HG2	17	0.92
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:HG3	17	0.92
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:HG2	17	0.92
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:HG3	17	0.92
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:HG2	17	0.92
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:HG3	17	0.92
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:HG2	17	0.92
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:HG3	17	0.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:HG2	17	0.92
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:HG3	17	0.92
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	4	0.92
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	4	0.92
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD11	1:119:A:GLN:H	13	0.92
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD12	1:119:A:GLN:H	13	0.92
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD13	1:119:A:GLN:H	13	0.92
(4,3979)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:HA	16	0.92
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD21	7	0.92
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD22	7	0.92
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD23	7	0.92
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD11	1:100:A:SER:H	4	0.92
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD12	1:100:A:SER:H	4	0.92
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD13	1:100:A:SER:H	4	0.92
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD11	9	0.92
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD12	9	0.92
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD13	9	0.92
(4,3659)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:H	16	0.92
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:H	18	0.92
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:H	18	0.92
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:H	18	0.92
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG11	13	0.92
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG12	13	0.92
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG13	13	0.92
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HB2	8	0.92
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HB3	8	0.92
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HB2	8	0.92
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HB3	8	0.92
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD11	6	0.92
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD12	6	0.92
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD13	6	0.92
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD11	6	0.92
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD12	6	0.92
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD13	6	0.92
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD11	6	0.92
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD12	6	0.92
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD13	6	0.92
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD11	15	0.92
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD12	15	0.92
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD13	15	0.92
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD21	15	0.92
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD22	15	0.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD23	15	0.92
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD11	20	0.92
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD12	20	0.92
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD13	20	0.92
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HE1	13	0.92
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HE1	13	0.92
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HE1	13	0.92
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB2	1:123:A:SER:H	9	0.92
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB3	1:123:A:SER:H	9	0.92
(4,3229)	1:41:A:GLU:HB3	1:44:A:LEU:HD11	9	0.92
(4,3229)	1:41:A:GLU:HB3	1:44:A:LEU:HD12	9	0.92
(4,3229)	1:41:A:GLU:HB3	1:44:A:LEU:HD13	9	0.92
(4,3200)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:H	20	0.92
(4,3200)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:H	20	0.92
(4,3200)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:H	20	0.92
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD11	1:107:A:GLU:H	4	0.92
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD12	1:107:A:GLU:H	4	0.92
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD13	1:107:A:GLU:H	4	0.92
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD21	1:107:A:GLU:H	4	0.92
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD22	1:107:A:GLU:H	4	0.92
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD23	1:107:A:GLU:H	4	0.92
(4,2938)	1:27:A:LEU:HA	1:105:A:LEU:HB2	12	0.92
(4,2725)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD22	12	0.92
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB2	15	0.92
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB3	15	0.92
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB2	15	0.92
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB3	15	0.92
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB2	15	0.92
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB3	15	0.92
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG21	1:229:A:LEU:H	2	0.92
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG22	1:229:A:LEU:H	2	0.92
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG23	1:229:A:LEU:H	2	0.92
(4,2585)	1:111:A:ASP:HA	1:114:A:ASN:HD22	18	0.92
(4,2543)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:HB	13	0.92
(4,2431)	1:161:A:ALA:H	1:162:A:ASP:H	12	0.92
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD21	8	0.92
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD22	8	0.92
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD23	8	0.92
(4,2406)	1:81:A:TRP:HZ2	1:182:A:GLY:HA2	10	0.92
(4,2406)	1:81:A:TRP:HZ2	1:182:A:GLY:HA3	10	0.92
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:HB2	11	0.92
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:HB2	11	0.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:HB2	11	0.92
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB2	11	0.92
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB2	11	0.92
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB2	11	0.92
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:H	15	0.92
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:H	15	0.92
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:H	15	0.92
(4,2324)	1:65:A:ARG:H	1:67:A:SER:H	9	0.92
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB2	4	0.92
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB3	4	0.92
(4,2263)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:H	8	0.92
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB2	1	0.92
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB3	1	0.92
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB2	4	0.92
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB3	4	0.92
(4,2241)	1:150:A:SER:HA	1:152:A:GLY:H	7	0.92
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG21	16	0.92
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG22	16	0.92
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG23	16	0.92
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD1	4	0.92
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD2	4	0.92
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD11	19	0.92
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD12	19	0.92
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD13	19	0.92
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD21	19	0.92
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD22	19	0.92
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD23	19	0.92
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG2	5	0.92
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	5	0.92
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG2	14	0.92
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	14	0.92
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD11	6	0.92
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD12	6	0.92
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD13	6	0.92
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD11	16	0.92
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD12	16	0.92
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD13	16	0.92
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HZ3	1	0.92
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HZ3	1	0.92
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HZ3	1	0.92
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HZ3	1	0.92
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HZ3	1	0.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HZ3	1	0.92
(4,1559)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:H	8	0.92
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD11	6	0.92
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD12	6	0.92
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD13	6	0.92
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD21	6	0.92
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD22	6	0.92
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD23	6	0.92
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD11	6	0.92
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD12	6	0.92
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD13	6	0.92
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD21	6	0.92
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD22	6	0.92
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD23	6	0.92
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HA	3	0.92
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HA	3	0.92
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HA	3	0.92
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB1	13	0.92
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB2	13	0.92
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB3	13	0.92
(4,1492)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG3	13	0.92
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD1	1:215:A:MET:H	2	0.92
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD2	1:215:A:MET:H	2	0.92
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HG3	11	0.92
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HG3	11	0.92
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HG3	11	0.92
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD11	20	0.92
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD12	20	0.92
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD13	20	0.92
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE2	20	0.92
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE3	20	0.92
(4,1311)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG11	7	0.92
(4,1311)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG12	7	0.92
(4,1311)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG13	7	0.92
(4,1304)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD21	13	0.92
(4,1304)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD22	13	0.92
(4,1304)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD23	13	0.92
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD21	2	0.92
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD22	2	0.92
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD11	11	0.92
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD12	11	0.92
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD13	11	0.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD21	11	0.92
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD22	11	0.92
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD23	11	0.92
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD11	11	0.92
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD12	11	0.92
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD13	11	0.92
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD21	11	0.92
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD22	11	0.92
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD23	11	0.92
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD11	11	0.92
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD12	11	0.92
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD13	11	0.92
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD21	11	0.92
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD22	11	0.92
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD23	11	0.92
(4,1052)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:H	12	0.92
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD21	14	0.92
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD22	14	0.92
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD23	14	0.92
(4,947)	1:177:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	5	0.92
(4,947)	1:177:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	5	0.92
(4,947)	1:177:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	5	0.92
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG2	11	0.92
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG3	11	0.92
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG2	11	0.92
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG3	11	0.92
(4,899)	1:153:A:GLN:H	1:154:A:SER:H	13	0.92
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD2	7	0.92
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD3	7	0.92
(4,887)	1:100:A:SER:HB2	1:127:A:ASN:HA	13	0.92
(4,887)	1:100:A:SER:HB3	1:127:A:ASN:HA	13	0.92
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD21	2	0.92
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD22	2	0.92
(4,751)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:H	16	0.92
(4,751)	1:2:A:SER:HB3	1:4:A:GLU:H	16	0.92
(4,745)	1:95:A:ILE:HD11	1:97:A:HIS:H	19	0.92
(4,745)	1:95:A:ILE:HD12	1:97:A:HIS:H	19	0.92
(4,745)	1:95:A:ILE:HD13	1:97:A:HIS:H	19	0.92
(4,658)	1:76:A:SER:H	1:188:A:PRO:HG3	3	0.92
(4,658)	1:76:A:SER:H	1:188:A:PRO:HG3	9	0.92
(4,658)	1:76:A:SER:H	1:188:A:PRO:HG3	13	0.92
(4,416)	1:204:A:GLN:HG2	1:205:A:GLU:HA	2	0.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,416)	1:204:A:GLN:HG3	1:205:A:GLU:HA	2	0.92
(4,411)	1:106:A:LEU:HG	1:113:A:ASP:H	13	0.92
(4,382)	1:32:A:ALA:HB1	1:233:A:PRO:HB2	1	0.92
(4,382)	1:32:A:ALA:HB2	1:233:A:PRO:HB2	1	0.92
(4,382)	1:32:A:ALA:HB3	1:233:A:PRO:HB2	1	0.92
(4,382)	1:32:A:ALA:HB1	1:233:A:PRO:HB2	14	0.92
(4,382)	1:32:A:ALA:HB2	1:233:A:PRO:HB2	14	0.92
(4,382)	1:32:A:ALA:HB3	1:233:A:PRO:HB2	14	0.92
(4,369)	1:172:A:GLU:HG2	1:176:A:GLY:H	13	0.92
(4,369)	1:172:A:GLU:HG3	1:176:A:GLY:H	13	0.92
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG21	18	0.92
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG22	18	0.92
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG23	18	0.92
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG21	18	0.92
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG22	18	0.92
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG23	18	0.92
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD11	18	0.92
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD12	18	0.92
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD13	18	0.92
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD21	18	0.92
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD22	18	0.92
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD23	18	0.92
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD11	18	0.92
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD12	18	0.92
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD13	18	0.92
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD21	18	0.92
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD22	18	0.92
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD23	18	0.92
(4,209)	1:99:A:LEU:H	1:231:A:LEU:HD11	3	0.92
(4,209)	1:99:A:LEU:H	1:231:A:LEU:HD12	3	0.92
(4,209)	1:99:A:LEU:H	1:231:A:LEU:HD13	3	0.92
(4,209)	1:99:A:LEU:H	1:231:A:LEU:HD21	3	0.92
(4,209)	1:99:A:LEU:H	1:231:A:LEU:HD22	3	0.92
(4,209)	1:99:A:LEU:H	1:231:A:LEU:HD23	3	0.92
(4,181)	1:162:A:ASP:HB2	1:164:A:ASN:HD21	2	0.92
(4,181)	1:162:A:ASP:HB3	1:164:A:ASN:HD21	2	0.92
(4,170)	1:61:A:ILE:HD11	1:166:A:HIS:H	5	0.92
(4,170)	1:61:A:ILE:HD12	1:166:A:HIS:H	5	0.92
(4,170)	1:61:A:ILE:HD13	1:166:A:HIS:H	5	0.92
(4,59)	1:20:A:ASN:HD21	1:24:A:LYS:H	15	0.92
(3,22)	1:171:A:VAL:H	1:178:A:PHE:O	7	0.92
(2,610)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	9	0.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,529)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	3	0.92
(2,514)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	17	0.92
(2,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	4	0.92
(1,284)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	12	0.92
(1,158)	1:153:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	12	0.92
(5,807)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	20	0.91
(5,625)	1:5:A:ASN:ND2	1:193:A:LYS:H	11	0.91
(5,527)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	6	0.91
(5,396)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	1	0.91
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD1	3	0.91
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD2	3	0.91
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD1	3	0.91
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD2	3	0.91
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD1	3	0.91
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD2	3	0.91
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	6	0.91
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	6	0.91
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	6	0.91
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD21	7	0.91
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD22	7	0.91
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD23	7	0.91
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB3	12	0.91
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB3	12	0.91
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB3	12	0.91
(4,4095)	1:192:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	9	0.91
(4,4090)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:H	11	0.91
(4,4018)	1:164:A:ASN:H	1:165:A:LEU:HB3	12	0.91
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD11	1:111:A:ASP:H	4	0.91
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD12	1:111:A:ASP:H	4	0.91
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD13	1:111:A:ASP:H	4	0.91
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD11	1:119:A:GLN:H	4	0.91
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD12	1:119:A:GLN:H	4	0.91
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD13	1:119:A:GLN:H	4	0.91
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD11	1:119:A:GLN:H	18	0.91
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD12	1:119:A:GLN:H	18	0.91
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD13	1:119:A:GLN:H	18	0.91
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD21	12	0.91
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD22	12	0.91
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD21	12	0.91
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD22	12	0.91
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG11	11	0.91
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG12	11	0.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG13	11	0.91
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD11	7	0.91
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD12	7	0.91
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD13	7	0.91
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD21	7	0.91
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD22	7	0.91
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD23	7	0.91
(4,3736)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HZ3	12	0.91
(4,3713)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HA	5	0.91
(4,3713)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HA	5	0.91
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB2	1:232:A:GLY:H	19	0.91
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB3	1:232:A:GLY:H	19	0.91
(4,3682)	1:50:A:ARG:H	1:233:A:PRO:HB2	18	0.91
(4,3659)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:H	9	0.91
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	7	0.91
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	7	0.91
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	7	0.91
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	7	0.91
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	7	0.91
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	7	0.91
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG21	1	0.91
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG22	1	0.91
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG23	1	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD11	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD12	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD13	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD21	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD22	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD23	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD11	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD12	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD13	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD21	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD22	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD23	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD11	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD12	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD13	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD21	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD22	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD23	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD11	16	0.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD12	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD13	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD21	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD22	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD23	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD11	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD12	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD13	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD21	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD22	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD23	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD11	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD12	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD13	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD21	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD22	16	0.91
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD23	16	0.91
(4,3570)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD21	11	0.91
(4,3544)	1:76:A:SER:HA	1:78:A:ASP:H	19	0.91
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD1	1:152:A:GLY:H	14	0.91
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD2	1:152:A:GLY:H	14	0.91
(4,3450)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HB2	5	0.91
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD11	18	0.91
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD12	18	0.91
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD13	18	0.91
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD11	18	0.91
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD12	18	0.91
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD13	18	0.91
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD11	18	0.91
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD12	18	0.91
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD13	18	0.91
(4,3349)	1:27:A:LEU:HD21	1:32:A:ALA:H	20	0.91
(4,3349)	1:27:A:LEU:HD22	1:32:A:ALA:H	20	0.91
(4,3349)	1:27:A:LEU:HD23	1:32:A:ALA:H	20	0.91
(4,3332)	1:55:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HD1	11	0.91
(4,3332)	1:55:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HD2	11	0.91
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD21	7	0.91
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD22	7	0.91
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD23	7	0.91
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD21	7	0.91
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD22	7	0.91
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD23	7	0.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD21	7	0.91
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD22	7	0.91
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD23	7	0.91
(4,3213)	1:29:A:ASN:H	1:31:A:TRP:HE1	6	0.91
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB1	2	0.91
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB2	2	0.91
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB3	2	0.91
(4,3024)	1:204:A:GLN:HE21	1:205:A:GLU:H	9	0.91
(4,3024)	1:204:A:GLN:HE22	1:205:A:GLU:H	9	0.91
(4,2966)	1:82:A:PHE:H	1:97:A:HIS:HA	1	0.91
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD11	13	0.91
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD12	13	0.91
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD13	13	0.91
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD21	13	0.91
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD22	13	0.91
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD23	13	0.91
(4,2830)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HD1	17	0.91
(4,2830)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HD2	17	0.91
(4,2830)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HD1	20	0.91
(4,2830)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HD2	20	0.91
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG21	7	0.91
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG22	7	0.91
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG23	7	0.91
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD22	15	0.91
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD22	15	0.91
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD22	15	0.91
(4,2725)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD22	10	0.91
(4,2692)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HB3	11	0.91
(4,2626)	1:145:A:ASN:H	1:148:A:THR:H	7	0.91
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD1	7	0.91
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD2	7	0.91
(4,2582)	1:163:A:THR:HB	1:165:A:LEU:HB3	18	0.91
(4,2573)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD11	18	0.91
(4,2573)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD12	18	0.91
(4,2573)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD13	18	0.91
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:H	18	0.91
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:H	18	0.91
(4,2490)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD11	17	0.91
(4,2490)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD12	17	0.91
(4,2490)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD13	17	0.91
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD11	6	0.91
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD12	6	0.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD13	6	0.91
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD21	6	0.91
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD22	6	0.91
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD23	6	0.91
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD11	6	0.91
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD12	6	0.91
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD13	6	0.91
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD21	6	0.91
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD22	6	0.91
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD23	6	0.91
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG2	2	0.91
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG3	2	0.91
(4,2390)	1:56:A:VAL:HA	1:168:A:ILE:HG21	4	0.91
(4,2390)	1:56:A:VAL:HA	1:168:A:ILE:HG22	4	0.91
(4,2390)	1:56:A:VAL:HA	1:168:A:ILE:HG23	4	0.91
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE1	1:231:A:LEU:H	8	0.91
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE2	1:231:A:LEU:H	8	0.91
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD11	1:41:A:GLU:H	11	0.91
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD12	1:41:A:GLU:H	11	0.91
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD13	1:41:A:GLU:H	11	0.91
(4,2324)	1:65:A:ARG:H	1:67:A:SER:H	19	0.91
(4,2324)	1:65:A:ARG:H	1:67:A:SER:H	20	0.91
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HG	20	0.91
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HG	20	0.91
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HG	20	0.91
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HG	20	0.91
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HG	20	0.91
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HG	20	0.91
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD11	3	0.91
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD12	3	0.91
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD13	3	0.91
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD21	3	0.91
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD22	3	0.91
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD23	3	0.91
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD1	1:222:A:ASP:HB2	3	0.91
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD1	1:222:A:ASP:HB3	3	0.91
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD2	1:222:A:ASP:HB2	3	0.91
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD2	1:222:A:ASP:HB3	3	0.91
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE21	3	0.91
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE22	3	0.91
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG12	4	0.91
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG13	4	0.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG12	4	0.91
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG13	4	0.91
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG12	4	0.91
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG13	4	0.91
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG12	4	0.91
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG13	4	0.91
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG12	4	0.91
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG13	4	0.91
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG12	4	0.91
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG13	4	0.91
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG21	12	0.91
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG22	12	0.91
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG23	12	0.91
(4,2079)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HG	8	0.91
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG21	1:98:A:SER:H	4	0.91
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG22	1:98:A:SER:H	4	0.91
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG23	1:98:A:SER:H	4	0.91
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD11	16	0.91
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD12	16	0.91
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD13	16	0.91
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD21	16	0.91
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD22	16	0.91
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD23	16	0.91
(4,2007)	1:68:A:SER:H	1:70:A:SER:H	17	0.91
(4,2005)	1:147:A:GLN:HE22	1:148:A:THR:H	15	0.91
(4,1992)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HB3	12	0.91
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG11	13	0.91
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG12	13	0.91
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG13	13	0.91
(4,1881)	1:42:A:PRO:HB2	1:46:A:ALA:HA	17	0.91
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD11	2	0.91
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD12	2	0.91
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD13	2	0.91
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG2	10	0.91
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	10	0.91
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG21	1:215:A:MET:H	14	0.91
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG22	1:215:A:MET:H	14	0.91
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG23	1:215:A:MET:H	14	0.91
(4,1494)	1:147:A:GLN:HA	1:148:A:THR:HB	20	0.91
(4,1455)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:H	6	0.91
(4,1436)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD11	11	0.91
(4,1436)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD12	11	0.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1436)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD13	11	0.91
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD1	1:227:A:ALA:H	8	0.91
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD2	1:227:A:ALA:H	8	0.91
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD11	7	0.91
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD12	7	0.91
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD13	7	0.91
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:H	3	0.91
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:H	3	0.91
(4,1229)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:CD1	11	0.91
(4,1229)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:CD1	11	0.91
(4,1229)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:CD1	11	0.91
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG11	1:12:A:GLU:H	11	0.91
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG12	1:12:A:GLU:H	11	0.91
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG13	1:12:A:GLU:H	11	0.91
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:GLU:H	11	0.91
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:GLU:H	11	0.91
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:GLU:H	11	0.91
(4,1113)	1:233:A:PRO:HA	1:235:A:TRP:H	15	0.91
(4,1010)	1:177:A:ILE:HG12	1:194:A:SER:H	10	0.91
(4,1010)	1:177:A:ILE:HG13	1:194:A:SER:H	10	0.91
(4,987)	1:19:A:THR:HG1	1:21:A:PHE:H	2	0.91
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE2	11	0.91
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE3	11	0.91
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD11	16	0.91
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD12	16	0.91
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD13	16	0.91
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD21	16	0.91
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD22	16	0.91
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD23	16	0.91
(4,899)	1:153:A:GLN:H	1:154:A:SER:H	10	0.91
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG2	10	0.91
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG3	10	0.91
(4,667)	1:136:A:GLN:HB2	1:139:A:LEU:HB2	12	0.91
(4,667)	1:136:A:GLN:HB2	1:139:A:LEU:HB3	12	0.91
(4,667)	1:136:A:GLN:HB3	1:139:A:LEU:HB2	12	0.91
(4,667)	1:136:A:GLN:HB3	1:139:A:LEU:HB3	12	0.91
(4,641)	1:9:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:H	5	0.91
(4,641)	1:9:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:H	5	0.91
(4,641)	1:9:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:H	5	0.91
(4,641)	1:9:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:H	5	0.91
(4,641)	1:9:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:H	5	0.91
(4,641)	1:9:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:H	5	0.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,640)	1:75:A:SER:H	1:76:A:SER:H	5	0.91
(4,640)	1:75:A:SER:H	1:76:A:SER:H	18	0.91
(4,569)	1:91:A:GLY:H	1:167:A:TYR:HD1	2	0.91
(4,569)	1:91:A:GLY:H	1:167:A:TYR:HD2	2	0.91
(4,510)	1:99:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:H	7	0.91
(4,510)	1:99:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:H	7	0.91
(4,510)	1:99:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:H	7	0.91
(4,510)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	7	0.91
(4,510)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	7	0.91
(4,510)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	7	0.91
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB2	4	0.91
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB3	4	0.91
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD21	16	0.91
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD22	16	0.91
(4,433)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:H	11	0.91
(4,419)	1:39:A:LEU:HD21	1:41:A:GLU:H	10	0.91
(4,419)	1:39:A:LEU:HD22	1:41:A:GLU:H	10	0.91
(4,419)	1:39:A:LEU:HD23	1:41:A:GLU:H	10	0.91
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD11	15	0.91
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD12	15	0.91
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD13	15	0.91
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG12	2	0.91
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG13	2	0.91
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG12	2	0.91
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG13	2	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG11	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG12	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG13	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG21	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG22	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG23	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG11	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG12	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG13	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG21	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG22	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG23	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG11	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG12	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG13	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG21	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG22	16	0.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG23	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG11	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG12	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG13	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG21	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG22	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG23	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG11	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG12	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG13	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG21	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG22	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG23	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG11	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG12	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG13	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG21	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG22	16	0.91
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG23	16	0.91
(4,245)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD11	6	0.91
(4,245)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD12	6	0.91
(4,245)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD13	6	0.91
(4,191)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD11	14	0.91
(4,191)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD12	14	0.91
(4,191)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD13	14	0.91
(4,191)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD11	14	0.91
(4,191)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD12	14	0.91
(4,191)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD13	14	0.91
(4,170)	1:61:A:ILE:HD11	1:166:A:HIS:H	2	0.91
(4,170)	1:61:A:ILE:HD12	1:166:A:HIS:H	2	0.91
(4,170)	1:61:A:ILE:HD13	1:166:A:HIS:H	2	0.91
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD11	14	0.91
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD12	14	0.91
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD13	14	0.91
(4,150)	1:39:A:LEU:HA	1:44:A:LEU:HG	17	0.91
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD11	10	0.91
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD12	10	0.91
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD13	10	0.91
(4,71)	1:177:A:ILE:HD11	1:194:A:SER:H	5	0.91
(4,71)	1:177:A:ILE:HD12	1:194:A:SER:H	5	0.91
(4,71)	1:177:A:ILE:HD13	1:194:A:SER:H	5	0.91
(4,39)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:HD11	1	0.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,39)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:HD12	1	0.91
(4,39)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:HD13	1	0.91
(2,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:48:A:LEU:H	18	0.91
(2,134)	1:103:A:GLN:H	1:104:A:SER:OG	5	0.91
(1,176)	1:84:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	16	0.91
(1,146)	1:189:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	11	0.91
(1,142)	1:32:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	4	0.91
(5,780)	1:5:A:ASN:ND2	1:236:A:GLU:H	1	0.9
(5,529)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	19	0.9
(5,437)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	15	0.9
(5,363)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	4	0.9
(5,295)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	12	0.9
(4,4274)	1:171:A:VAL:H	1:179:A:GLU:H	13	0.9
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD11	18	0.9
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD12	18	0.9
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD13	18	0.9
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD21	18	0.9
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD22	18	0.9
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD23	18	0.9
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD11	18	0.9
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD12	18	0.9
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD13	18	0.9
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD21	18	0.9
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD22	18	0.9
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD23	18	0.9
(4,4251)	1:81:A:TRP:HH2	1:184:A:ASN:H	6	0.9
(4,4218)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD22	15	0.9
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	17	0.9
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	17	0.9
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD21	18	0.9
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD22	18	0.9
(4,4069)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:H	8	0.9
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	18	0.9
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	18	0.9
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	18	0.9
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	18	0.9
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	18	0.9
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	18	0.9
(4,4035)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HA	4	0.9
(4,4035)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HA	4	0.9
(4,4029)	1:208:A:ARG:H	1:209:A:VAL:HB	6	0.9
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB2	18	0.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB3	18	0.9
(4,3943)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:H	15	0.9
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:H	6	0.9
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:H	6	0.9
(4,3860)	1:38:A:SER:H	1:202:A:ILE:HG21	18	0.9
(4,3860)	1:38:A:SER:H	1:202:A:ILE:HG22	18	0.9
(4,3860)	1:38:A:SER:H	1:202:A:ILE:HG23	18	0.9
(4,3767)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD21	14	0.9
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD11	9	0.9
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD12	9	0.9
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD13	9	0.9
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD1	15	0.9
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD2	15	0.9
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD1	15	0.9
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD2	15	0.9
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD1	15	0.9
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD2	15	0.9
(4,3570)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD21	10	0.9
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD11	19	0.9
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD12	19	0.9
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD13	19	0.9
(4,3428)	1:41:A:GLU:HB2	1:45:A:LEU:H	12	0.9
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG21	1:201:A:LEU:HB2	14	0.9
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG22	1:201:A:LEU:HB2	14	0.9
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG23	1:201:A:LEU:HB2	14	0.9
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD1	6	0.9
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD2	6	0.9
(4,3286)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HA	11	0.9
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB2	1:236:A:GLU:H	2	0.9
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB3	1:236:A:GLU:H	2	0.9
(4,3246)	1:79:A:VAL:HG11	1:188:A:PRO:HB3	15	0.9
(4,3246)	1:79:A:VAL:HG12	1:188:A:PRO:HB3	15	0.9
(4,3246)	1:79:A:VAL:HG13	1:188:A:PRO:HB3	15	0.9
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD11	7	0.9
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD12	7	0.9
(4,3231)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD13	7	0.9
(4,3202)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA2	20	0.9
(4,3202)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA2	20	0.9
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:H	10	0.9
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:H	10	0.9
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:H	10	0.9
(4,3018)	1:83:A:LYS:HD2	1:85:A:SER:H	18	0.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3018)	1:83:A:LYS:HD3	1:85:A:SER:H	18	0.9
(4,2905)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:HD22	12	0.9
(4,2905)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:HD22	12	0.9
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD11	6	0.9
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD12	6	0.9
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD13	6	0.9
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD11	6	0.9
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD12	6	0.9
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD13	6	0.9
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD11	6	0.9
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD12	6	0.9
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD13	6	0.9
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD11	20	0.9
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD12	20	0.9
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD13	20	0.9
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	15	0.9
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	15	0.9
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	15	0.9
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	15	0.9
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	15	0.9
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	15	0.9
(4,2725)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD22	20	0.9
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD11	16	0.9
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD12	16	0.9
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD13	16	0.9
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD21	16	0.9
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD22	16	0.9
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD23	16	0.9
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	14	0.9
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	14	0.9
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	14	0.9
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	14	0.9
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	14	0.9
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	14	0.9
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	14	0.9
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	14	0.9
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	14	0.9
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	14	0.9
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	14	0.9
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	14	0.9
(4,2613)	1:20:A:ASN:H	1:21:A:PHE:HD1	1	0.9
(4,2613)	1:20:A:ASN:H	1:21:A:PHE:HD2	1	0.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2604)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:H	1	0.9
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG2	1:110:A:SER:H	3	0.9
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG3	1:110:A:SER:H	3	0.9
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB2	1:7:A:ALA:H	1	0.9
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB3	1:7:A:ALA:H	1	0.9
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD11	1:41:A:GLU:H	9	0.9
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD12	1:41:A:GLU:H	9	0.9
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD13	1:41:A:GLU:H	9	0.9
(4,2301)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:H	13	0.9
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	8	0.9
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	8	0.9
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	8	0.9
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	12	0.9
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	12	0.9
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	12	0.9
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD21	8	0.9
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD22	8	0.9
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD23	8	0.9
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE1	12	0.9
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE2	12	0.9
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE1	12	0.9
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE2	12	0.9
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE1	12	0.9
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE2	12	0.9
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD11	7	0.9
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD12	7	0.9
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD13	7	0.9
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD11	7	0.9
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD12	7	0.9
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD13	7	0.9
(4,2084)	1:97:A:HIS:H	1:169:A:THR:HB	2	0.9
(4,2020)	1:104:A:SER:HB2	1:105:A:LEU:HG	20	0.9
(4,2020)	1:104:A:SER:HB3	1:105:A:LEU:HG	20	0.9
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD1	6	0.9
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD2	6	0.9
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD1	6	0.9
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD2	6	0.9
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD1	6	0.9
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD2	6	0.9
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD11	1:47:A:PHE:H	12	0.9
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD12	1:47:A:PHE:H	12	0.9
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD13	1:47:A:PHE:H	12	0.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD21	3	0.9
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD22	3	0.9
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD23	3	0.9
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD21	3	0.9
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD22	3	0.9
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD23	3	0.9
(4,1569)	1:45:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	20	0.9
(4,1569)	1:45:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	20	0.9
(4,1569)	1:45:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	20	0.9
(4,1534)	1:38:A:SER:HB2	1:44:A:LEU:HA	16	0.9
(4,1534)	1:38:A:SER:HB3	1:44:A:LEU:HA	16	0.9
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD21	12	0.9
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD22	12	0.9
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD23	12	0.9
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD11	4	0.9
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD12	4	0.9
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD13	4	0.9
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD21	4	0.9
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD22	4	0.9
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD23	4	0.9
(4,1441)	1:235:A:TRP:HA	1:235:A:TRP:HE1	8	0.9
(4,1441)	1:235:A:TRP:HA	1:235:A:TRP:HE1	13	0.9
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD11	12	0.9
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD12	12	0.9
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD13	12	0.9
(4,1378)	1:234:A:ASN:HA	1:236:A:GLU:H	13	0.9
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD11	4	0.9
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD12	4	0.9
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD13	4	0.9
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD11	10	0.9
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD12	10	0.9
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD13	10	0.9
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG12	20	0.9
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG12	20	0.9
(4,1155)	1:112:A:LEU:HD11	1:114:A:ASN:H	8	0.9
(4,1155)	1:112:A:LEU:HD12	1:114:A:ASN:H	8	0.9
(4,1155)	1:112:A:LEU:HD13	1:114:A:ASN:H	8	0.9
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:H	16	0.9
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:H	16	0.9
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG21	12	0.9
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG22	12	0.9
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG23	12	0.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD11	15	0.9
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD12	15	0.9
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD13	15	0.9
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD21	15	0.9
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD22	15	0.9
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD23	15	0.9
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD11	15	0.9
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD12	15	0.9
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD13	15	0.9
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD21	15	0.9
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD22	15	0.9
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD23	15	0.9
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD11	15	0.9
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD12	15	0.9
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD13	15	0.9
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD21	15	0.9
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD22	15	0.9
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD23	15	0.9
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB2	7	0.9
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB3	7	0.9
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB2	7	0.9
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB3	7	0.9
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB2	7	0.9
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB3	7	0.9
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB2	7	0.9
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB3	7	0.9
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB2	7	0.9
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB3	7	0.9
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB2	7	0.9
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB3	7	0.9
(4,987)	1:19:A:THR:HG1	1:21:A:PHE:H	8	0.9
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB2	14	0.9
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB3	14	0.9
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB2	14	0.9
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB3	14	0.9
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB2	14	0.9
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB3	14	0.9
(4,950)	1:58:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:H	10	0.9
(4,950)	1:58:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:H	10	0.9
(4,950)	1:58:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:H	10	0.9
(4,950)	1:58:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:H	10	0.9
(4,950)	1:58:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:H	10	0.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,950)	1:58:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:H	10	0.9
(4,819)	1:149:A:PHE:HA	1:151:A:THR:HA	4	0.9
(4,813)	1:36:A:ILE:HD11	1:48:A:LEU:CD2	14	0.9
(4,813)	1:36:A:ILE:HD12	1:48:A:LEU:CD2	14	0.9
(4,813)	1:36:A:ILE:HD13	1:48:A:LEU:CD2	14	0.9
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG11	4	0.9
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG12	4	0.9
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG13	4	0.9
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG21	4	0.9
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG22	4	0.9
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG23	4	0.9
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	17	0.9
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	17	0.9
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	17	0.9
(4,649)	1:88:A:ASN:HB2	1:146:A:VAL:H	2	0.9
(4,649)	1:88:A:ASN:HB3	1:146:A:VAL:H	2	0.9
(4,589)	1:83:A:LYS:HA	1:183:A:ARG:H	2	0.9
(4,579)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HB	3	0.9
(4,579)	1:143:A:LYS:HG3	1:146:A:VAL:HB	3	0.9
(4,495)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD22	16	0.9
(4,455)	1:86:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	6	0.9
(4,455)	1:86:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	6	0.9
(4,455)	1:86:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	6	0.9
(4,455)	1:86:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	6	0.9
(4,455)	1:86:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	6	0.9
(4,455)	1:86:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	6	0.9
(4,455)	1:86:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	6	0.9
(4,455)	1:86:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	6	0.9
(4,455)	1:86:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	6	0.9
(4,455)	1:86:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	6	0.9
(4,455)	1:86:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	6	0.9
(4,455)	1:86:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	6	0.9
(4,440)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:LEU:HB3	1	0.9
(4,433)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:H	3	0.9
(4,404)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG13	4	0.9
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG11	5	0.9
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG12	5	0.9
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG13	5	0.9
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG21	5	0.9
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG22	5	0.9
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG23	5	0.9
(4,266)	1:189:A:LEU:HB2	1:191:A:LEU:H	5	0.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,266)	1:189:A:LEU:HB3	1:191:A:LEU:H	5	0.9
(4,266)	1:189:A:LEU:HB2	1:191:A:LEU:H	17	0.9
(4,266)	1:189:A:LEU:HB3	1:191:A:LEU:H	17	0.9
(4,149)	1:234:A:ASN:HD21	1:236:A:GLU:H	9	0.9
(4,71)	1:177:A:ILE:HD11	1:194:A:SER:H	9	0.9
(4,71)	1:177:A:ILE:HD12	1:194:A:SER:H	9	0.9
(4,71)	1:177:A:ILE:HD13	1:194:A:SER:H	9	0.9
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD1	10	0.9
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD2	10	0.9
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD11	9	0.9
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD12	9	0.9
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD13	9	0.9
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD21	9	0.9
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD22	9	0.9
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD23	9	0.9
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD11	1	0.9
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD12	1	0.9
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD13	1	0.9
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD21	1	0.9
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD22	1	0.9
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD23	1	0.9
(2,396)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	15	0.9
(2,172)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	4	0.9
(2,134)	1:103:A:GLN:H	1:104:A:SER:OG	18	0.9
(2,88)	1:104:A:SER:OG	1:106:A:LEU:H	12	0.9
(2,77)	1:101:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	6	0.9
(1,491)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	17	0.9
(1,306)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	6	0.9
(1,219)	1:183:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	19	0.9
(1,165)	1:180:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	8	0.9
(1,153)	1:212:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	2	0.9
(1,72)	1:170:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	5	0.9
(1,57)	1:22:A:ALA:H	1:140:A:ASN:ND2	20	0.9
(5,633)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	15	0.89
(5,566)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	7	0.89
(4,4202)	1:56:A:VAL:HB	1:230:A:GLY:H	19	0.89
(4,4157)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:H	20	0.89
(4,4095)	1:192:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	2	0.89
(4,4031)	1:181:A:ASP:HB2	1:184:A:ASN:HA	3	0.89
(4,4031)	1:181:A:ASP:HB3	1:184:A:ASN:HA	3	0.89
(4,4029)	1:208:A:ARG:H	1:209:A:VAL:HB	20	0.89
(4,3943)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:H	12	0.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3907)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB2	12	0.89
(4,3901)	1:112:A:LEU:HD11	1:116:A:LEU:H	8	0.89
(4,3901)	1:112:A:LEU:HD12	1:116:A:LEU:H	8	0.89
(4,3901)	1:112:A:LEU:HD13	1:116:A:LEU:H	8	0.89
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	19	0.89
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	19	0.89
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	19	0.89
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD11	8	0.89
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD12	8	0.89
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD13	8	0.89
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD21	8	0.89
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD22	8	0.89
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD23	8	0.89
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB2	16	0.89
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB2	16	0.89
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:H	6	0.89
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:H	6	0.89
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:H	6	0.89
(4,3799)	1:154:A:SER:HB2	1:157:A:PRO:HD3	19	0.89
(4,3799)	1:154:A:SER:HB3	1:157:A:PRO:HD3	19	0.89
(4,3737)	1:36:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HB2	10	0.89
(4,3737)	1:36:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HB2	10	0.89
(4,3737)	1:36:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HB2	10	0.89
(4,3680)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	11	0.89
(4,3568)	1:33:A:TYR:HD1	1:229:A:LEU:HD21	9	0.89
(4,3568)	1:33:A:TYR:HD1	1:229:A:LEU:HD22	9	0.89
(4,3568)	1:33:A:TYR:HD1	1:229:A:LEU:HD23	9	0.89
(4,3568)	1:33:A:TYR:HD2	1:229:A:LEU:HD21	9	0.89
(4,3568)	1:33:A:TYR:HD2	1:229:A:LEU:HD22	9	0.89
(4,3568)	1:33:A:TYR:HD2	1:229:A:LEU:HD23	9	0.89
(4,3560)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HA	8	0.89
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG11	7	0.89
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG12	7	0.89
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG13	7	0.89
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:H	6	0.89
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:H	6	0.89
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:H	6	0.89
(4,3461)	1:11:A:ILE:HG13	1:153:A:GLN:H	11	0.89
(4,3441)	1:158:A:GLU:HB2	1:160:A:THR:H	8	0.89
(4,3441)	1:158:A:GLU:HB3	1:160:A:THR:H	8	0.89
(4,3396)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HG	5	0.89
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	10	0.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	10	0.89
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD1	4	0.89
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD2	4	0.89
(4,3262)	1:190:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:H	18	0.89
(4,3262)	1:190:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:H	18	0.89
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB2	1:236:A:GLU:H	19	0.89
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB3	1:236:A:GLU:H	19	0.89
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB2	8	0.89
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB3	8	0.89
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB2	11	0.89
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB3	11	0.89
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:CG1	19	0.89
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:CG1	19	0.89
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:CG1	19	0.89
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD21	4	0.89
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD22	4	0.89
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG2	6	0.89
(4,3066)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HG3	6	0.89
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG21	16	0.89
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG22	16	0.89
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG23	16	0.89
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	4	0.89
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	4	0.89
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	4	0.89
(4,2878)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:H	7	0.89
(4,2878)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:H	7	0.89
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD11	16	0.89
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD12	16	0.89
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD13	16	0.89
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD11	16	0.89
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD12	16	0.89
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD13	16	0.89
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD11	16	0.89
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD12	16	0.89
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD13	16	0.89
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD11	9	0.89
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD12	9	0.89
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD13	9	0.89
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD21	9	0.89
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD22	9	0.89
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD23	9	0.89
(4,2854)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:HG2	5	0.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2830)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HD1	9	0.89
(4,2830)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HD2	9	0.89
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE1	1	0.89
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE2	1	0.89
(4,2735)	1:153:A:GLN:HE22	1:156:A:ALA:H	7	0.89
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG11	14	0.89
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG12	14	0.89
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG13	14	0.89
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG11	14	0.89
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG12	14	0.89
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG13	14	0.89
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD11	4	0.89
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD12	4	0.89
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD13	4	0.89
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD21	4	0.89
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD22	4	0.89
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD23	4	0.89
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD11	1:144:A:GLU:H	13	0.89
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD12	1:144:A:GLU:H	13	0.89
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD13	1:144:A:GLU:H	13	0.89
(4,2590)	1:64:A:ASP:HA	1:66:A:LYS:H	2	0.89
(4,2590)	1:64:A:ASP:HA	1:66:A:LYS:H	5	0.89
(4,2590)	1:64:A:ASP:HA	1:66:A:LYS:H	17	0.89
(4,2525)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:H	2	0.89
(4,2525)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:H	2	0.89
(4,2525)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:H	2	0.89
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG2	1:157:A:PRO:HB3	8	0.89
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG3	1:157:A:PRO:HB3	8	0.89
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:H	12	0.89
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:H	12	0.89
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:H	12	0.89
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB1	16	0.89
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB2	16	0.89
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB3	16	0.89
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB1	16	0.89
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB2	16	0.89
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB3	16	0.89
(4,2390)	1:56:A:VAL:HA	1:168:A:ILE:HG21	20	0.89
(4,2390)	1:56:A:VAL:HA	1:168:A:ILE:HG22	20	0.89
(4,2390)	1:56:A:VAL:HA	1:168:A:ILE:HG23	20	0.89
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG21	1:13:A:SER:HA	1	0.89
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG22	1:13:A:SER:HA	1	0.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG23	1:13:A:SER:HA	1	0.89
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG12	1:151:A:THR:H	2	0.89
(4,2334)	1:11:A:ILE:HG13	1:151:A:THR:H	2	0.89
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HE1	1	0.89
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HE2	1	0.89
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HE1	1	0.89
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HE2	1	0.89
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HE1	1	0.89
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HE2	1	0.89
(4,2300)	1:134:A:THR:HG21	1:138:A:VAL:H	12	0.89
(4,2300)	1:134:A:THR:HG22	1:138:A:VAL:H	12	0.89
(4,2300)	1:134:A:THR:HG23	1:138:A:VAL:H	12	0.89
(4,2263)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:H	9	0.89
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	3	0.89
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	3	0.89
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	3	0.89
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG11	12	0.89
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG12	12	0.89
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG13	12	0.89
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG11	15	0.89
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG12	15	0.89
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG13	15	0.89
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG21	15	0.89
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG22	15	0.89
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG23	15	0.89
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD21	1:147:A:GLN:H	7	0.89
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD22	1:147:A:GLN:H	7	0.89
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG11	1:18:A:PHE:HE1	19	0.89
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG11	1:18:A:PHE:HE2	19	0.89
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG12	1:18:A:PHE:HE1	19	0.89
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG12	1:18:A:PHE:HE2	19	0.89
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG13	1:18:A:PHE:HE1	19	0.89
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG13	1:18:A:PHE:HE2	19	0.89
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG21	1:18:A:PHE:HE1	19	0.89
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG21	1:18:A:PHE:HE2	19	0.89
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG22	1:18:A:PHE:HE1	19	0.89
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG22	1:18:A:PHE:HE2	19	0.89
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG23	1:18:A:PHE:HE1	19	0.89
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG23	1:18:A:PHE:HE2	19	0.89
(4,2098)	1:25:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	13	0.89
(4,2098)	1:25:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	13	0.89
(4,2098)	1:25:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	13	0.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG21	1:58:A:LEU:HG	8	0.89
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG22	1:58:A:LEU:HG	8	0.89
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG23	1:58:A:LEU:HG	8	0.89
(4,2071)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD11	3	0.89
(4,2071)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD12	3	0.89
(4,2071)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD13	3	0.89
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD11	5	0.89
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD12	5	0.89
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD13	5	0.89
(4,2018)	1:98:A:SER:H	1:169:A:THR:HG1	15	0.89
(4,1926)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD21	20	0.89
(4,1926)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD22	20	0.89
(4,1926)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD23	20	0.89
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:H	20	0.89
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:H	20	0.89
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:H	20	0.89
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD21	1:139:A:LEU:H	20	0.89
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD22	1:139:A:LEU:H	20	0.89
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD23	1:139:A:LEU:H	20	0.89
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:HA	9	0.89
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:HA	9	0.89
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:HA	9	0.89
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:HA	9	0.89
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:HA	9	0.89
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:HA	9	0.89
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:H	17	0.89
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:H	17	0.89
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:H	17	0.89
(4,1806)	1:68:A:SER:HB2	1:70:A:SER:HA	9	0.89
(4,1806)	1:68:A:SER:HB3	1:70:A:SER:HA	9	0.89
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD11	20	0.89
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD12	20	0.89
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD13	20	0.89
(4,1728)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD22	2	0.89
(4,1728)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD22	10	0.89
(4,1728)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD22	15	0.89
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD11	1:47:A:PHE:H	5	0.89
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD12	1:47:A:PHE:H	5	0.89
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD13	1:47:A:PHE:H	5	0.89
(4,1583)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG11	18	0.89
(4,1583)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG12	18	0.89
(4,1583)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG13	18	0.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1544)	1:172:A:GLU:HB2	1:177:A:ILE:H	4	0.89
(4,1441)	1:235:A:TRP:HA	1:235:A:TRP:HE1	4	0.89
(4,1378)	1:234:A:ASN:HA	1:236:A:GLU:H	16	0.89
(4,1344)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG21	3	0.89
(4,1344)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG22	3	0.89
(4,1344)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG23	3	0.89
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD1	8	0.89
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD2	8	0.89
(4,1275)	1:64:A:ASP:HA	1:217:A:ASN:HB2	12	0.89
(4,1275)	1:64:A:ASP:HA	1:217:A:ASN:HB3	12	0.89
(4,1272)	1:71:A:GLN:HG2	1:73:A:ILE:H	14	0.89
(4,1272)	1:71:A:GLN:HG3	1:73:A:ILE:H	14	0.89
(4,1240)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:H	11	0.89
(4,1050)	1:15:A:PRO:HB2	1:34:A:PHE:H	11	0.89
(4,1050)	1:15:A:PRO:HB3	1:34:A:PHE:H	11	0.89
(4,1004)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:H	2	0.89
(4,992)	1:81:A:TRP:HE1	1:84:A:GLN:H	17	0.89
(4,992)	1:81:A:TRP:HE1	1:84:A:GLN:H	18	0.89
(4,971)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HB2	7	0.89
(4,971)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HB3	7	0.89
(4,971)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HB2	7	0.89
(4,971)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HB3	7	0.89
(4,971)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HB2	7	0.89
(4,971)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HB3	7	0.89
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD11	1	0.89
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD12	1	0.89
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD13	1	0.89
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD21	1	0.89
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD22	1	0.89
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD23	1	0.89
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD1	2	0.89
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD2	2	0.89
(4,884)	1:94:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HD11	10	0.89
(4,884)	1:94:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HD12	10	0.89
(4,884)	1:94:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HD13	10	0.89
(4,831)	1:203:A:GLU:HB2	1:204:A:GLN:HG2	6	0.89
(4,831)	1:203:A:GLU:HB2	1:204:A:GLN:HG3	6	0.89
(4,831)	1:203:A:GLU:HB3	1:204:A:GLN:HG2	6	0.89
(4,831)	1:203:A:GLU:HB3	1:204:A:GLN:HG3	6	0.89
(4,829)	1:73:A:ILE:HD11	1:187:A:GLY:H	2	0.89
(4,829)	1:73:A:ILE:HD12	1:187:A:GLY:H	2	0.89
(4,829)	1:73:A:ILE:HD13	1:187:A:GLY:H	2	0.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,801)	1:48:A:LEU:HD21	1:201:A:LEU:H	13	0.89
(4,801)	1:48:A:LEU:HD22	1:201:A:LEU:H	13	0.89
(4,801)	1:48:A:LEU:HD23	1:201:A:LEU:H	13	0.89
(4,780)	1:73:A:ILE:HG12	1:76:A:SER:H	1	0.89
(4,780)	1:73:A:ILE:HG13	1:76:A:SER:H	1	0.89
(4,739)	1:82:A:PHE:H	1:82:A:PHE:HE1	3	0.89
(4,739)	1:82:A:PHE:H	1:82:A:PHE:HE2	3	0.89
(4,619)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:H	20	0.89
(4,619)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:H	20	0.89
(4,529)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HG2	20	0.89
(4,529)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HG3	20	0.89
(4,529)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HG2	20	0.89
(4,529)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HG3	20	0.89
(4,529)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HG2	20	0.89
(4,529)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HG3	20	0.89
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG12	19	0.89
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG13	19	0.89
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG12	19	0.89
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG13	19	0.89
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG21	16	0.89
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG22	16	0.89
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG23	16	0.89
(4,400)	1:221:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG21	12	0.89
(4,400)	1:221:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG22	12	0.89
(4,400)	1:221:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG23	12	0.89
(4,382)	1:32:A:ALA:HB1	1:233:A:PRO:HB2	11	0.89
(4,382)	1:32:A:ALA:HB2	1:233:A:PRO:HB2	11	0.89
(4,382)	1:32:A:ALA:HB3	1:233:A:PRO:HB2	11	0.89
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB2	15	0.89
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB3	15	0.89
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB2	6	0.89
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB3	6	0.89
(4,199)	1:66:A:LYS:H	1:68:A:SER:H	14	0.89
(4,161)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:H	1	0.89
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD21	1	0.89
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD22	1	0.89
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD21	1	0.89
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD22	1	0.89
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD11	20	0.89
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD12	20	0.89
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD13	20	0.89
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD21	20	0.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD22	20	0.89
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD23	20	0.89
(1,418)	1:5:A:ASN:ND2	1:11:A:ILE:H	16	0.89
(1,412)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	11	0.89
(1,33)	1:34:A:PHE:H	1:104:A:SER:OG	2	0.89
(5,728)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	19	0.88
(5,364)	1:5:A:ASN:ND2	1:30:A:GLU:H	17	0.88
(5,131)	1:140:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	1	0.88
(4,4254)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HE1	14	0.88
(4,4254)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HE2	14	0.88
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD21	1:89:A:ALA:H	10	0.88
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD22	1:89:A:ALA:H	10	0.88
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB2	1:173:A:GLU:H	6	0.88
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB3	1:173:A:GLU:H	6	0.88
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE2	1:217:A:ASN:HA	5	0.88
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE3	1:217:A:ASN:HA	5	0.88
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD21	10	0.88
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD22	10	0.88
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD23	10	0.88
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD21	14	0.88
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD22	14	0.88
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB2	14	0.88
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB2	14	0.88
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB2	14	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:HG2	4	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:HG3	4	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:HG2	4	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:HG3	4	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:HG2	4	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:HG3	4	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:HG2	4	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:HG3	4	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:HG2	4	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:HG3	4	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:HG2	4	0.88
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:HG3	4	0.88
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD21	4	0.88
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD22	4	0.88
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD21	4	0.88
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD22	4	0.88
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD11	1:96:A:LEU:H	18	0.88
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD12	1:96:A:LEU:H	18	0.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD13	1:96:A:LEU:H	18	0.88
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD22	7	0.88
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD22	7	0.88
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD22	7	0.88
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD22	7	0.88
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD22	7	0.88
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD22	7	0.88
(4,3767)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD21	16	0.88
(4,3730)	1:29:A:ASN:HB3	1:30:A:GLU:HG2	19	0.88
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB2	1:172:A:GLU:H	12	0.88
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB3	1:172:A:GLU:H	12	0.88
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG21	12	0.88
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG22	12	0.88
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG23	12	0.88
(4,3673)	1:98:A:SER:H	1:99:A:LEU:HB3	8	0.88
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:HA	12	0.88
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:HA	12	0.88
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:HA	12	0.88
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:HA	12	0.88
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:HA	12	0.88
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:HA	12	0.88
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB1	9	0.88
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB2	9	0.88
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB3	9	0.88
(4,3544)	1:76:A:SER:HA	1:78:A:ASP:H	15	0.88
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	16	0.88
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	16	0.88
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	16	0.88
(4,3506)	1:61:A:ILE:CD1	1:168:A:ILE:HD11	11	0.88
(4,3506)	1:61:A:ILE:CD1	1:168:A:ILE:HD12	11	0.88
(4,3506)	1:61:A:ILE:CD1	1:168:A:ILE:HD13	11	0.88
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB1	12	0.88
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB2	12	0.88
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB3	12	0.88
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD11	2	0.88
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD12	2	0.88
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD13	2	0.88
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD11	2	0.88
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD12	2	0.88
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD13	2	0.88
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD11	2	0.88
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD12	2	0.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD13	2	0.88
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD11	2	0.88
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD12	2	0.88
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD13	2	0.88
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD21	2	0.88
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD22	2	0.88
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD23	2	0.88
(4,3371)	1:34:A:PHE:H	1:34:A:PHE:HE1	13	0.88
(4,3371)	1:34:A:PHE:H	1:34:A:PHE:HE2	13	0.88
(4,3258)	1:58:A:LEU:HA	1:165:A:LEU:HB2	5	0.88
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG21	18	0.88
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG22	18	0.88
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG23	18	0.88
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB2	19	0.88
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB3	19	0.88
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB2	2	0.88
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB3	2	0.88
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB2	2	0.88
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB3	2	0.88
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD1	12	0.88
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD2	12	0.88
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD11	1:126:A:LYS:H	20	0.88
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD12	1:126:A:LYS:H	20	0.88
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD13	1:126:A:LYS:H	20	0.88
(4,3062)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HB3	2	0.88
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	3	0.88
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	3	0.88
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	3	0.88
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD11	11	0.88
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD12	11	0.88
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD13	11	0.88
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD21	11	0.88
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD22	11	0.88
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD23	11	0.88
(4,2764)	1:119:A:GLN:HE22	1:134:A:THR:H	17	0.88
(4,2725)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD22	17	0.88
(4,2654)	1:97:A:HIS:H	1:169:A:THR:HG1	8	0.88
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB2	6	0.88
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB3	6	0.88
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE1	1:95:A:ILE:H	13	0.88
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE2	1:95:A:ILE:H	13	0.88
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG12	1:206:A:LEU:H	17	0.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG13	1:206:A:LEU:H	17	0.88
(4,2613)	1:20:A:ASN:H	1:21:A:PHE:HD1	15	0.88
(4,2613)	1:20:A:ASN:H	1:21:A:PHE:HD2	15	0.88
(4,2575)	1:19:A:THR:HG21	1:235:A:TRP:H	14	0.88
(4,2575)	1:19:A:THR:HG22	1:235:A:TRP:H	14	0.88
(4,2575)	1:19:A:THR:HG23	1:235:A:TRP:H	14	0.88
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD11	19	0.88
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD12	19	0.88
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD13	19	0.88
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD21	19	0.88
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD22	19	0.88
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD23	19	0.88
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD11	19	0.88
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD12	19	0.88
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD13	19	0.88
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD21	19	0.88
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD22	19	0.88
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD23	19	0.88
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	1	0.88
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	1	0.88
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	1	0.88
(4,2372)	1:146:A:VAL:HA	1:148:A:THR:HA	8	0.88
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB2	1:168:A:ILE:H	13	0.88
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB3	1:168:A:ILE:H	13	0.88
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:H	11	0.88
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:H	11	0.88
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:H	11	0.88
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:H	11	0.88
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:H	11	0.88
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:H	11	0.88
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB2	20	0.88
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB3	20	0.88
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD21	9	0.88
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD22	9	0.88
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD23	9	0.88
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG21	1:54:A:ALA:HA	9	0.88
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG22	1:54:A:ALA:HA	9	0.88
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG23	1:54:A:ALA:HA	9	0.88
(4,2005)	1:147:A:GLN:HE22	1:148:A:THR:H	5	0.88
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD1	17	0.88
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD2	17	0.88
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD1	17	0.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD2	17	0.88
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD1	17	0.88
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD2	17	0.88
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD11	1	0.88
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD12	1	0.88
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD13	1	0.88
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD21	1	0.88
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD22	1	0.88
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD23	1	0.88
(4,1881)	1:42:A:PRO:HB2	1:46:A:ALA:HA	9	0.88
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	6	0.88
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	6	0.88
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	6	0.88
(4,1728)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD22	13	0.88
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:H	13	0.88
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:H	13	0.88
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:H	13	0.88
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB2	1:204:A:GLN:HG2	18	0.88
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB2	1:204:A:GLN:HG3	18	0.88
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB3	1:204:A:GLN:HG2	18	0.88
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB3	1:204:A:GLN:HG3	18	0.88
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD11	4	0.88
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD12	4	0.88
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD13	4	0.88
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB3	16	0.88
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB3	16	0.88
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB2	4	0.88
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB3	4	0.88
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD1	3	0.88
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD2	3	0.88
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB1	10	0.88
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB2	10	0.88
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB3	10	0.88
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD1	1:215:A:MET:H	1	0.88
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD2	1:215:A:MET:H	1	0.88
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD1	1:215:A:MET:H	16	0.88
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD2	1:215:A:MET:H	16	0.88
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG21	1:153:A:GLN:HE21	20	0.88
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG22	1:153:A:GLN:HE21	20	0.88
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG23	1:153:A:GLN:HE21	20	0.88
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB2	17	0.88
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB2	17	0.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB2	17	0.88
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG11	13	0.88
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG12	13	0.88
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG13	13	0.88
(4,1297)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:H	15	0.88
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD11	5	0.88
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD12	5	0.88
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD13	5	0.88
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD21	5	0.88
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD22	5	0.88
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD23	5	0.88
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HB	16	0.88
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HB	16	0.88
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HB	16	0.88
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	1	0.88
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:H	1	0.88
(4,1052)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:H	13	0.88
(4,987)	1:19:A:THR:HG1	1:21:A:PHE:H	10	0.88
(4,950)	1:58:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:H	19	0.88
(4,950)	1:58:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:H	19	0.88
(4,950)	1:58:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:H	19	0.88
(4,950)	1:58:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:H	19	0.88
(4,950)	1:58:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:H	19	0.88
(4,950)	1:58:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:H	19	0.88
(4,946)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:H	10	0.88
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD1	14	0.88
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD2	14	0.88
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD11	4	0.88
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD12	4	0.88
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD13	4	0.88
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD11	4	0.88
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD12	4	0.88
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD13	4	0.88
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD11	4	0.88
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD12	4	0.88
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD13	4	0.88
(4,819)	1:149:A:PHE:HA	1:151:A:THR:HA	18	0.88
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD11	5	0.88
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD12	5	0.88
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD13	5	0.88
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD11	5	0.88
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD12	5	0.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD13	5	0.88
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD11	6	0.88
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD12	6	0.88
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD13	6	0.88
(4,649)	1:88:A:ASN:HB2	1:146:A:VAL:H	4	0.88
(4,649)	1:88:A:ASN:HB3	1:146:A:VAL:H	4	0.88
(4,580)	1:106:A:LEU:HB2	1:113:A:ASP:H	16	0.88
(4,580)	1:106:A:LEU:HB3	1:113:A:ASP:H	16	0.88
(4,476)	1:206:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:H	1	0.88
(4,476)	1:206:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:H	1	0.88
(4,476)	1:206:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:H	1	0.88
(4,476)	1:206:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:H	11	0.88
(4,476)	1:206:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:H	11	0.88
(4,476)	1:206:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:H	11	0.88
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD11	16	0.88
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD12	16	0.88
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD13	16	0.88
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD21	16	0.88
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD22	16	0.88
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD23	16	0.88
(4,266)	1:189:A:LEU:HB2	1:191:A:LEU:H	9	0.88
(4,266)	1:189:A:LEU:HB3	1:191:A:LEU:H	9	0.88
(4,170)	1:61:A:ILE:HD11	1:166:A:HIS:H	6	0.88
(4,170)	1:61:A:ILE:HD12	1:166:A:HIS:H	6	0.88
(4,170)	1:61:A:ILE:HD13	1:166:A:HIS:H	6	0.88
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG21	3	0.88
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG22	3	0.88
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG23	3	0.88
(4,83)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG21	2	0.88
(4,83)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG22	2	0.88
(4,83)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG23	2	0.88
(4,64)	1:81:A:TRP:HZ2	1:183:A:ARG:H	1	0.88
(3,22)	1:171:A:VAL:H	1:178:A:PHE:O	5	0.88
(2,493)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	17	0.88
(2,342)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	10	0.88
(2,77)	1:101:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	11	0.88
(1,555)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	18	0.88
(1,502)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	20	0.88
(1,382)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	7	0.88
(1,272)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	4	0.88
(1,234)	1:100:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	19	0.88
(1,179)	1:57:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	14	0.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,170)	1:86:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	4	0.88
(5,740)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	4	0.87
(5,721)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	14	0.87
(5,339)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	6	0.87
(5,290)	1:39:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	11	0.87
(5,230)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	16	0.87
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:H	13	0.87
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:H	13	0.87
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:H	13	0.87
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG11	8	0.87
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG12	8	0.87
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG13	8	0.87
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG21	8	0.87
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG22	8	0.87
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG23	8	0.87
(4,4203)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD22	5	0.87
(4,4157)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:H	7	0.87
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD11	12	0.87
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD12	12	0.87
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD13	12	0.87
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD21	12	0.87
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD22	12	0.87
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD23	12	0.87
(4,4126)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG11	5	0.87
(4,4126)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG12	5	0.87
(4,4126)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG13	5	0.87
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG21	13	0.87
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG22	13	0.87
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG23	13	0.87
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD21	1:187:A:GLY:H	17	0.87
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD22	1:187:A:GLY:H	17	0.87
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD23	1:187:A:GLY:H	17	0.87
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	11	0.87
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	11	0.87
(4,4031)	1:181:A:ASP:HB2	1:184:A:ASN:HA	5	0.87
(4,4031)	1:181:A:ASP:HB3	1:184:A:ASN:HA	5	0.87
(4,4031)	1:181:A:ASP:HB2	1:184:A:ASN:HA	16	0.87
(4,4031)	1:181:A:ASP:HB3	1:184:A:ASN:HA	16	0.87
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD11	1:111:A:ASP:H	3	0.87
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD12	1:111:A:ASP:H	3	0.87
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD13	1:111:A:ASP:H	3	0.87
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD11	1:119:A:GLN:H	12	0.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD12	1:119:A:GLN:H	12	0.87
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD13	1:119:A:GLN:H	12	0.87
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD11	3	0.87
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD12	3	0.87
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD13	3	0.87
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD11	3	0.87
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD12	3	0.87
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD13	3	0.87
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE1	9	0.87
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE2	9	0.87
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:H	17	0.87
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:H	17	0.87
(4,3899)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:H	6	0.87
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD11	9	0.87
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD12	9	0.87
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD13	9	0.87
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB2	13	0.87
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB3	13	0.87
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB2	13	0.87
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB3	13	0.87
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB2	13	0.87
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB3	13	0.87
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD11	1:117:A:LYS:HG2	3	0.87
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD11	1:117:A:LYS:HG3	3	0.87
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD12	1:117:A:LYS:HG2	3	0.87
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD12	1:117:A:LYS:HG3	3	0.87
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD13	1:117:A:LYS:HG2	3	0.87
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD13	1:117:A:LYS:HG3	3	0.87
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD21	1:117:A:LYS:HG2	3	0.87
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD21	1:117:A:LYS:HG3	3	0.87
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD22	1:117:A:LYS:HG2	3	0.87
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD22	1:117:A:LYS:HG3	3	0.87
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD23	1:117:A:LYS:HG2	3	0.87
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD23	1:117:A:LYS:HG3	3	0.87
(4,3736)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HZ3	1	0.87
(4,3566)	1:79:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HD1	13	0.87
(4,3566)	1:79:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HD2	13	0.87
(4,3566)	1:79:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HD1	13	0.87
(4,3566)	1:79:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HD2	13	0.87
(4,3566)	1:79:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HD1	13	0.87
(4,3566)	1:79:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HD2	13	0.87
(4,3566)	1:79:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HD1	13	0.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3566)	1:79:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HD2	13	0.87
(4,3566)	1:79:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HD1	13	0.87
(4,3566)	1:79:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HD2	13	0.87
(4,3566)	1:79:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HD1	13	0.87
(4,3566)	1:79:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HD2	13	0.87
(4,3544)	1:76:A:SER:HA	1:78:A:ASP:H	3	0.87
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:H	16	0.87
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:H	16	0.87
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:H	16	0.87
(4,3365)	1:82:A:PHE:HD1	1:97:A:HIS:H	19	0.87
(4,3365)	1:82:A:PHE:HD2	1:97:A:HIS:H	19	0.87
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG21	1:201:A:LEU:HB2	4	0.87
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG22	1:201:A:LEU:HB2	4	0.87
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG23	1:201:A:LEU:HB2	4	0.87
(4,3286)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HA	19	0.87
(4,3262)	1:190:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:H	11	0.87
(4,3262)	1:190:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:H	11	0.87
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD2	1:128:A:ARG:H	11	0.87
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD3	1:128:A:ARG:H	11	0.87
(4,3138)	1:5:A:ASN:H	1:8:A:VAL:H	2	0.87
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:H	6	0.87
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:H	6	0.87
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:H	6	0.87
(4,3074)	1:173:A:GLU:H	1:178:A:PHE:HD1	2	0.87
(4,3074)	1:173:A:GLU:H	1:178:A:PHE:HD2	2	0.87
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:HB2	4	0.87
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:HB3	4	0.87
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:HB2	4	0.87
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:HB3	4	0.87
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:HB2	4	0.87
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:HB3	4	0.87
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:HB2	4	0.87
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:HB3	4	0.87
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:HB2	4	0.87
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:HB3	4	0.87
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:HB2	4	0.87
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:HB3	4	0.87
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD11	2	0.87
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD12	2	0.87
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD13	2	0.87
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD21	2	0.87
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD22	2	0.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2976)	1:83:A:LYS:HG3	1:185:A:LEU:HD23	2	0.87
(4,2923)	1:36:A:ILE:H	1:38:A:SER:H	2	0.87
(4,2910)	1:138:A:VAL:HB	1:141:A:VAL:HB	9	0.87
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB2	1	0.87
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB3	1	0.87
(4,2826)	1:53:A:LYS:HB2	1:231:A:LEU:H	18	0.87
(4,2826)	1:53:A:LYS:HB3	1:231:A:LEU:H	18	0.87
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD1	5	0.87
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD2	5	0.87
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	16	0.87
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	16	0.87
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	16	0.87
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	16	0.87
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	16	0.87
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	16	0.87
(4,2725)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD22	5	0.87
(4,2725)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD22	6	0.87
(4,2725)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD22	13	0.87
(4,2725)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD22	19	0.87
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:HB2	13	0.87
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:HB2	13	0.87
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:HB2	13	0.87
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD1	14	0.87
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD2	14	0.87
(4,2436)	1:157:A:PRO:HB2	1:160:A:THR:HA	19	0.87
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	10	0.87
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	10	0.87
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	10	0.87
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD11	1:41:A:GLU:H	7	0.87
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD12	1:41:A:GLU:H	7	0.87
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD13	1:41:A:GLU:H	7	0.87
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:H	3	0.87
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:H	3	0.87
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:H	3	0.87
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:H	3	0.87
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:H	3	0.87
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:H	3	0.87
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	18	0.87
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	18	0.87
(4,2209)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HD1	19	0.87
(4,2209)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HD2	19	0.87
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD21	17	0.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD22	17	0.87
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD23	17	0.87
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD21	17	0.87
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD22	17	0.87
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD23	17	0.87
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD11	11	0.87
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD12	11	0.87
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD13	11	0.87
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD21	11	0.87
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD22	11	0.87
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD23	11	0.87
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD11	11	0.87
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD12	11	0.87
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD13	11	0.87
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD21	11	0.87
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD22	11	0.87
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD23	11	0.87
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD11	18	0.87
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD12	18	0.87
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD13	18	0.87
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD21	18	0.87
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD22	18	0.87
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD23	18	0.87
(4,1973)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	13	0.87
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD11	9	0.87
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD12	9	0.87
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD13	9	0.87
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD11	20	0.87
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD12	20	0.87
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD13	20	0.87
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD21	20	0.87
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD22	20	0.87
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD23	20	0.87
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:H	10	0.87
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:H	10	0.87
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:H	10	0.87
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD21	1:139:A:LEU:H	10	0.87
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD22	1:139:A:LEU:H	10	0.87
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD23	1:139:A:LEU:H	10	0.87
(4,1882)	1:98:A:SER:HG	1:100:A:SER:H	1	0.87
(4,1882)	1:98:A:SER:HG	1:100:A:SER:H	16	0.87
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	2	0.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	2	0.87
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	2	0.87
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	18	0.87
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	18	0.87
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	18	0.87
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	18	0.87
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	18	0.87
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	18	0.87
(4,1807)	1:81:A:TRP:HE1	1:82:A:PHE:H	19	0.87
(4,1806)	1:68:A:SER:HB2	1:70:A:SER:HA	3	0.87
(4,1806)	1:68:A:SER:HB3	1:70:A:SER:HA	3	0.87
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD11	1:47:A:PHE:H	4	0.87
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD12	1:47:A:PHE:H	4	0.87
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD13	1:47:A:PHE:H	4	0.87
(4,1666)	1:55:A:ILE:HD11	1:202:A:ILE:HB	11	0.87
(4,1666)	1:55:A:ILE:HD12	1:202:A:ILE:HB	11	0.87
(4,1666)	1:55:A:ILE:HD13	1:202:A:ILE:HB	11	0.87
(4,1506)	1:103:A:GLN:HE21	1:104:A:SER:H	11	0.87
(4,1506)	1:103:A:GLN:HE22	1:104:A:SER:H	11	0.87
(4,1502)	1:38:A:SER:HA	1:41:A:GLU:HB2	12	0.87
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD21	18	0.87
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD22	18	0.87
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD23	18	0.87
(4,1455)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:H	20	0.87
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG21	1:90:A:CYS:H	8	0.87
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG22	1:90:A:CYS:H	8	0.87
(4,1442)	1:86:A:VAL:HG23	1:90:A:CYS:H	8	0.87
(4,1392)	1:178:A:PHE:HA	1:189:A:LEU:H	7	0.87
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD21	10	0.87
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD22	10	0.87
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD23	10	0.87
(4,1143)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:H	13	0.87
(4,1098)	1:203:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HG2	4	0.87
(4,1098)	1:203:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HG3	4	0.87
(4,1092)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:H	5	0.87
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD2	1:146:A:VAL:HB	11	0.87
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD3	1:146:A:VAL:HB	11	0.87
(4,994)	1:137:A:PHE:H	1:138:A:VAL:HB	2	0.87
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD11	19	0.87
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD12	19	0.87
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD13	19	0.87
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD21	19	0.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD22	19	0.87
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD23	19	0.87
(4,956)	1:100:A:SER:HB2	1:103:A:GLN:HE21	9	0.87
(4,956)	1:100:A:SER:HB2	1:103:A:GLN:HE22	9	0.87
(4,956)	1:100:A:SER:HB3	1:103:A:GLN:HE21	9	0.87
(4,956)	1:100:A:SER:HB3	1:103:A:GLN:HE22	9	0.87
(4,949)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG21	12	0.87
(4,949)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG22	12	0.87
(4,949)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG23	12	0.87
(4,899)	1:153:A:GLN:H	1:154:A:SER:H	14	0.87
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD11	13	0.87
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD12	13	0.87
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD13	13	0.87
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD21	13	0.87
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD22	13	0.87
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD23	13	0.87
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD21	8	0.87
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD22	8	0.87
(4,831)	1:203:A:GLU:HB2	1:204:A:GLN:HG2	5	0.87
(4,831)	1:203:A:GLU:HB2	1:204:A:GLN:HG3	5	0.87
(4,831)	1:203:A:GLU:HB3	1:204:A:GLN:HG2	5	0.87
(4,831)	1:203:A:GLU:HB3	1:204:A:GLN:HG3	5	0.87
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD21	18	0.87
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD22	18	0.87
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD23	18	0.87
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG2	16	0.87
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG3	16	0.87
(4,745)	1:95:A:ILE:HD11	1:97:A:HIS:H	3	0.87
(4,745)	1:95:A:ILE:HD12	1:97:A:HIS:H	3	0.87
(4,745)	1:95:A:ILE:HD13	1:97:A:HIS:H	3	0.87
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB2	18	0.87
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB3	18	0.87
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB2	18	0.87
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB3	18	0.87
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD11	6	0.87
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD12	6	0.87
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD13	6	0.87
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	6	0.87
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	6	0.87
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	6	0.87
(4,640)	1:75:A:SER:H	1:76:A:SER:H	16	0.87
(4,631)	1:30:A:GLU:HG3	1:31:A:TRP:HE1	18	0.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,571)	1:79:A:VAL:HG11	1:101:A:ASN:HD21	19	0.87
(4,571)	1:79:A:VAL:HG11	1:101:A:ASN:HD22	19	0.87
(4,571)	1:79:A:VAL:HG12	1:101:A:ASN:HD21	19	0.87
(4,571)	1:79:A:VAL:HG12	1:101:A:ASN:HD22	19	0.87
(4,571)	1:79:A:VAL:HG13	1:101:A:ASN:HD21	19	0.87
(4,571)	1:79:A:VAL:HG13	1:101:A:ASN:HD22	19	0.87
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD1	16	0.87
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD2	16	0.87
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD2	8	0.87
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD3	8	0.87
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD2	8	0.87
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD3	8	0.87
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG21	20	0.87
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG22	20	0.87
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG23	20	0.87
(4,447)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	10	0.87
(4,392)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:H	6	0.87
(4,392)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:H	6	0.87
(4,392)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:H	6	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG11	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG12	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG13	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG21	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG22	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG23	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG11	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG12	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG13	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG21	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG22	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG23	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG11	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG12	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG13	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG21	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG22	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG23	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG11	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG12	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG13	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG21	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG22	7	0.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG23	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG11	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG12	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG13	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG21	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG22	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG23	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG11	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG12	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG13	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG21	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG22	7	0.87
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG23	7	0.87
(4,337)	1:98:A:SER:HA	1:102:A:ASN:HD21	20	0.87
(4,337)	1:98:A:SER:HA	1:102:A:ASN:HD22	20	0.87
(4,230)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HB2	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD11	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD12	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD13	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD21	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD22	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD23	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD11	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD12	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD13	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD21	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD22	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD23	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD11	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD12	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD13	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD21	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD22	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD23	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD11	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD12	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD13	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD21	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD22	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD23	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD11	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD12	15	0.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD13	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD21	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD22	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD23	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD11	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD12	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD13	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD21	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD22	15	0.87
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD23	15	0.87
(4,165)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	18	0.87
(4,165)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	18	0.87
(4,165)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	18	0.87
(4,104)	1:206:A:LEU:HD11	1:210:A:ARG:H	5	0.87
(4,104)	1:206:A:LEU:HD12	1:210:A:ARG:H	5	0.87
(4,104)	1:206:A:LEU:HD13	1:210:A:ARG:H	5	0.87
(4,104)	1:206:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:H	5	0.87
(4,104)	1:206:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:H	5	0.87
(4,104)	1:206:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:H	5	0.87
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD21	19	0.87
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD22	19	0.87
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD21	19	0.87
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD22	19	0.87
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD1	3	0.87
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD2	3	0.87
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB2	20	0.87
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB3	20	0.87
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD11	15	0.87
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD12	15	0.87
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD13	15	0.87
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD21	15	0.87
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD22	15	0.87
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD23	15	0.87
(3,21)	1:169:A:THR:H	1:180:A:LEU:O	7	0.87
(1,546)	1:5:A:ASN:ND2	1:19:A:THR:H	9	0.87
(1,72)	1:170:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	14	0.87
(5,781)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	16	0.86
(5,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	9	0.86
(5,539)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	12	0.86
(5,491)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	3	0.86
(5,489)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	10	0.86
(5,259)	1:6:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	18	0.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,72)	1:59:A:PHE:H	1:104:A:SER:OG	19	0.86
(5,23)	1:13:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	2	0.86
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:H	1	0.86
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:H	1	0.86
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:H	1	0.86
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:H	4	0.86
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:H	4	0.86
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:H	4	0.86
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB2	15	0.86
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB3	15	0.86
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB2	15	0.86
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB3	15	0.86
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB2	15	0.86
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB3	15	0.86
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG2	11	0.86
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG3	11	0.86
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD21	1:89:A:ALA:H	11	0.86
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD22	1:89:A:ALA:H	11	0.86
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG12	8	0.86
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG13	8	0.86
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG12	8	0.86
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG13	8	0.86
(4,4008)	1:115:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HG2	16	0.86
(4,4008)	1:115:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HG2	16	0.86
(4,3907)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB2	16	0.86
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:H	16	0.86
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:H	16	0.86
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB2	1:5:A:ASN:HD21	20	0.86
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB3	1:5:A:ASN:HD21	20	0.86
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:HA	18	0.86
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:HA	18	0.86
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:HA	18	0.86
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HA	18	0.86
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HA	18	0.86
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HA	18	0.86
(4,3789)	1:157:A:PRO:HA	1:161:A:ALA:H	20	0.86
(4,3753)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:H	13	0.86
(4,3651)	1:51:A:PRO:HB3	1:201:A:LEU:H	10	0.86
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	16	0.86
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	16	0.86
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	16	0.86
(4,3597)	1:224:A:LEU:HB2	1:225:A:ASN:HD21	13	0.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3597)	1:224:A:LEU:HB2	1:225:A:ASN:HD22	13	0.86
(4,3597)	1:224:A:LEU:HB3	1:225:A:ASN:HD21	13	0.86
(4,3597)	1:224:A:LEU:HB3	1:225:A:ASN:HD22	13	0.86
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE1	2	0.86
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE2	2	0.86
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE21	2	0.86
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE22	2	0.86
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE21	2	0.86
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE22	2	0.86
(4,3428)	1:41:A:GLU:HB2	1:45:A:LEU:H	17	0.86
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG11	5	0.86
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG12	5	0.86
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG13	5	0.86
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG21	5	0.86
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG22	5	0.86
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG23	5	0.86
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD1	1:179:A:GLU:H	14	0.86
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD2	1:179:A:GLU:H	14	0.86
(4,3285)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:HD11	8	0.86
(4,3285)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:HD12	8	0.86
(4,3285)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:HD13	8	0.86
(4,3285)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:HD21	8	0.86
(4,3285)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:HD22	8	0.86
(4,3285)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:HD23	8	0.86
(4,3262)	1:190:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:H	7	0.86
(4,3262)	1:190:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:H	7	0.86
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:HB2	1	0.86
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:HB3	1	0.86
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:HB2	1	0.86
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:HB3	1	0.86
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:HB2	1	0.86
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:HB3	1	0.86
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:HB2	1	0.86
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:HB3	1	0.86
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:HB2	1	0.86
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:HB3	1	0.86
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:HB2	1	0.86
(4,3211)	1:57:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:HB3	1	0.86
(4,3160)	1:64:A:ASP:HB2	1:66:A:LYS:H	8	0.86
(4,3160)	1:64:A:ASP:HB3	1:66:A:LYS:H	8	0.86
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD11	19	0.86
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD12	19	0.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD13	19	0.86
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD21	19	0.86
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD22	19	0.86
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD23	19	0.86
(4,3075)	1:74:A:THR:H	1:77:A:TYR:H	11	0.86
(4,3032)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE22	18	0.86
(4,3008)	1:125:A:SER:H	1:128:A:ARG:H	15	0.86
(4,2982)	1:4:A:GLU:H	1:147:A:GLN:H	8	0.86
(4,2978)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:HA	19	0.86
(4,2927)	1:67:A:SER:H	1:217:A:ASN:HB2	13	0.86
(4,2927)	1:67:A:SER:H	1:217:A:ASN:HB3	13	0.86
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD21	17	0.86
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	17	0.86
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB1	19	0.86
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB2	19	0.86
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB3	19	0.86
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD11	18	0.86
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD12	18	0.86
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD13	18	0.86
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD21	18	0.86
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD22	18	0.86
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD23	18	0.86
(4,2725)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD22	9	0.86
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD11	1:144:A:GLU:H	1	0.86
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD12	1:144:A:GLU:H	1	0.86
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD13	1:144:A:GLU:H	1	0.86
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG12	1:206:A:LEU:H	3	0.86
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG13	1:206:A:LEU:H	3	0.86
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD1	7	0.86
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD2	7	0.86
(4,2585)	1:111:A:ASP:HA	1:114:A:ASN:HD22	13	0.86
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG2	1:110:A:SER:H	6	0.86
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG3	1:110:A:SER:H	6	0.86
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE1	1:78:A:ASP:H	5	0.86
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE2	1:78:A:ASP:H	5	0.86
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB2	1:168:A:ILE:H	1	0.86
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB3	1:168:A:ILE:H	1	0.86
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:H	8	0.86
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:H	8	0.86
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:H	8	0.86
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:H	8	0.86
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:H	8	0.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:H	8	0.86
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB2	1	0.86
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB3	1	0.86
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB2	14	0.86
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB3	14	0.86
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD21	11	0.86
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD22	11	0.86
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD23	11	0.86
(4,2263)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:H	2	0.86
(4,2263)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:H	5	0.86
(4,2263)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:H	17	0.86
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG21	19	0.86
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG22	19	0.86
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG23	19	0.86
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG11	7	0.86
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG12	7	0.86
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG13	7	0.86
(4,2041)	1:95:A:ILE:HA	1:98:A:SER:HA	6	0.86
(4,2020)	1:104:A:SER:HB2	1:105:A:LEU:HG	12	0.86
(4,2020)	1:104:A:SER:HB3	1:105:A:LEU:HG	12	0.86
(4,2018)	1:98:A:SER:H	1:169:A:THR:HG1	16	0.86
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HE22	7	0.86
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HE22	7	0.86
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HE22	7	0.86
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:H	8	0.86
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:H	8	0.86
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:H	8	0.86
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:H	1	0.86
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:H	1	0.86
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:H	1	0.86
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD11	7	0.86
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD12	7	0.86
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD13	7	0.86
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD21	7	0.86
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD22	7	0.86
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD23	7	0.86
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD11	13	0.86
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD12	13	0.86
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD13	13	0.86
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD11	1:100:A:SER:H	18	0.86
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD12	1:100:A:SER:H	18	0.86
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD13	1:100:A:SER:H	18	0.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	18	0.86
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	18	0.86
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	18	0.86
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD11	5	0.86
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD12	5	0.86
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD13	5	0.86
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD21	5	0.86
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD22	5	0.86
(4,1682)	1:105:A:LEU:CD2	1:231:A:LEU:HD23	5	0.86
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD1	15	0.86
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD2	15	0.86
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD1	15	0.86
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD2	15	0.86
(4,1603)	1:97:A:HIS:HD1	1:182:A:GLY:H	4	0.86
(4,1587)	1:190:A:TYR:HE1	1:192:A:GLY:H	8	0.86
(4,1587)	1:190:A:TYR:HE2	1:192:A:GLY:H	8	0.86
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HG3	20	0.86
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HG3	20	0.86
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HG3	20	0.86
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:H	4	0.86
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:H	4	0.86
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG21	18	0.86
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG22	18	0.86
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG23	18	0.86
(4,1144)	1:18:A:PHE:H	1:21:A:PHE:HD1	9	0.86
(4,1144)	1:18:A:PHE:H	1:21:A:PHE:HD2	9	0.86
(4,1113)	1:233:A:PRO:HA	1:235:A:TRP:H	5	0.86
(4,1113)	1:233:A:PRO:HA	1:235:A:TRP:H	19	0.86
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG11	1:22:A:ALA:H	18	0.86
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG12	1:22:A:ALA:H	18	0.86
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG13	1:22:A:ALA:H	18	0.86
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG21	1:22:A:ALA:H	18	0.86
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG22	1:22:A:ALA:H	18	0.86
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG23	1:22:A:ALA:H	18	0.86
(4,995)	1:34:A:PHE:HB2	1:36:A:ILE:H	11	0.86
(4,995)	1:34:A:PHE:HB3	1:36:A:ILE:H	11	0.86
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB2	11	0.86
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB3	11	0.86
(4,849)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:H	20	0.86
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB1	9	0.86
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB2	9	0.86
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB3	9	0.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,790)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:H	14	0.86
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB2	13	0.86
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB3	13	0.86
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB2	13	0.86
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB3	13	0.86
(4,658)	1:76:A:SER:H	1:188:A:PRO:HG3	5	0.86
(4,632)	1:82:A:PHE:HD1	1:100:A:SER:H	9	0.86
(4,632)	1:82:A:PHE:HD2	1:100:A:SER:H	9	0.86
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD11	5	0.86
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD12	5	0.86
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD13	5	0.86
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD21	5	0.86
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD22	5	0.86
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD23	5	0.86
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB2	16	0.86
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB3	16	0.86
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB2	16	0.86
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB3	16	0.86
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB2	16	0.86
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB3	16	0.86
(4,571)	1:79:A:VAL:HG11	1:101:A:ASN:HD21	7	0.86
(4,571)	1:79:A:VAL:HG11	1:101:A:ASN:HD22	7	0.86
(4,571)	1:79:A:VAL:HG12	1:101:A:ASN:HD21	7	0.86
(4,571)	1:79:A:VAL:HG12	1:101:A:ASN:HD22	7	0.86
(4,571)	1:79:A:VAL:HG13	1:101:A:ASN:HD21	7	0.86
(4,571)	1:79:A:VAL:HG13	1:101:A:ASN:HD22	7	0.86
(4,505)	1:98:A:SER:HB2	1:169:A:THR:HG21	11	0.86
(4,505)	1:98:A:SER:HB2	1:169:A:THR:HG22	11	0.86
(4,505)	1:98:A:SER:HB2	1:169:A:THR:HG23	11	0.86
(4,419)	1:39:A:LEU:HD21	1:41:A:GLU:H	5	0.86
(4,419)	1:39:A:LEU:HD22	1:41:A:GLU:H	5	0.86
(4,419)	1:39:A:LEU:HD23	1:41:A:GLU:H	5	0.86
(4,415)	1:95:A:ILE:HB	1:96:A:LEU:HD11	13	0.86
(4,415)	1:95:A:ILE:HB	1:96:A:LEU:HD12	13	0.86
(4,415)	1:95:A:ILE:HB	1:96:A:LEU:HD13	13	0.86
(4,415)	1:95:A:ILE:HB	1:96:A:LEU:HD21	13	0.86
(4,415)	1:95:A:ILE:HB	1:96:A:LEU:HD22	13	0.86
(4,415)	1:95:A:ILE:HB	1:96:A:LEU:HD23	13	0.86
(4,382)	1:32:A:ALA:HB1	1:233:A:PRO:HB2	13	0.86
(4,382)	1:32:A:ALA:HB2	1:233:A:PRO:HB2	13	0.86
(4,382)	1:32:A:ALA:HB3	1:233:A:PRO:HB2	13	0.86
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD21	4	0.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD22	4	0.86
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD23	4	0.86
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD11	9	0.86
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD12	9	0.86
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD13	9	0.86
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD21	9	0.86
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD22	9	0.86
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD23	9	0.86
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	4	0.86
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	4	0.86
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	4	0.86
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB2	2	0.86
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB3	2	0.86
(4,194)	1:146:A:VAL:HA	1:150:A:SER:H	10	0.86
(4,170)	1:61:A:ILE:HD11	1:166:A:HIS:H	19	0.86
(4,170)	1:61:A:ILE:HD12	1:166:A:HIS:H	19	0.86
(4,170)	1:61:A:ILE:HD13	1:166:A:HIS:H	19	0.86
(4,141)	1:170:A:TYR:HE1	1:211:A:VAL:H	20	0.86
(4,141)	1:170:A:TYR:HE2	1:211:A:VAL:H	20	0.86
(4,103)	1:15:A:PRO:HA	1:18:A:PHE:HB2	11	0.86
(4,103)	1:15:A:PRO:HA	1:18:A:PHE:HB3	11	0.86
(4,71)	1:177:A:ILE:HD11	1:194:A:SER:H	16	0.86
(4,71)	1:177:A:ILE:HD12	1:194:A:SER:H	16	0.86
(4,71)	1:177:A:ILE:HD13	1:194:A:SER:H	16	0.86
(4,67)	1:21:A:PHE:HD1	1:91:A:GLY:HA2	6	0.86
(4,67)	1:21:A:PHE:HD1	1:91:A:GLY:HA3	6	0.86
(4,67)	1:21:A:PHE:HD2	1:91:A:GLY:HA2	6	0.86
(4,67)	1:21:A:PHE:HD2	1:91:A:GLY:HA3	6	0.86
(3,22)	1:171:A:VAL:H	1:178:A:PHE:O	6	0.86
(2,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	12	0.86
(1,323)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	14	0.86
(1,225)	1:64:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	10	0.86
(1,113)	1:182:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	7	0.86
(5,703)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	18	0.85
(5,690)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	14	0.85
(5,566)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	13	0.85
(5,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	1	0.85
(5,455)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	7	0.85
(5,276)	1:150:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	12	0.85
(5,23)	1:13:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	13	0.85
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:H	13	0.85
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:H	13	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:H	13	0.85
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD1	6	0.85
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD2	6	0.85
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG2	13	0.85
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG3	13	0.85
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:H	2	0.85
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:H	2	0.85
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:H	2	0.85
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:H	2	0.85
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:H	2	0.85
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:H	2	0.85
(4,4095)	1:192:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	6	0.85
(4,4069)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:H	6	0.85
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD21	1:187:A:GLY:H	4	0.85
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD22	1:187:A:GLY:H	4	0.85
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD23	1:187:A:GLY:H	4	0.85
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG12	12	0.85
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG13	12	0.85
(4,4034)	1:76:A:SER:H	1:78:A:ASP:H	8	0.85
(4,4029)	1:208:A:ARG:H	1:209:A:VAL:HB	19	0.85
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE1	15	0.85
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE2	15	0.85
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:HA	12	0.85
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:HA	12	0.85
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:HA	12	0.85
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:HA	12	0.85
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:HA	12	0.85
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:HA	12	0.85
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	17	0.85
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	17	0.85
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	17	0.85
(4,3843)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD1	10	0.85
(4,3843)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD2	10	0.85
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD11	17	0.85
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD12	17	0.85
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD13	17	0.85
(4,3812)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HD1	18	0.85
(4,3812)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HD2	18	0.85
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD11	15	0.85
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD12	15	0.85
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD13	15	0.85
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD21	15	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD22	15	0.85
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD23	15	0.85
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG21	15	0.85
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG22	15	0.85
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG23	15	0.85
(4,3714)	1:19:A:THR:HG1	1:33:A:TYR:H	6	0.85
(4,3680)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	16	0.85
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD21	9	0.85
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD22	9	0.85
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD23	9	0.85
(4,3544)	1:76:A:SER:HA	1:78:A:ASP:H	13	0.85
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB2	7	0.85
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB3	7	0.85
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB2	7	0.85
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB3	7	0.85
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB2	7	0.85
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB3	7	0.85
(4,3537)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HB	15	0.85
(4,3537)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HB	15	0.85
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	6	0.85
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	6	0.85
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	6	0.85
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	6	0.85
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	6	0.85
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	6	0.85
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HB2	7	0.85
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HB3	7	0.85
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HB2	7	0.85
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HB3	7	0.85
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HB2	7	0.85
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HB3	7	0.85
(4,3464)	1:33:A:TYR:HA	1:230:A:GLY:H	9	0.85
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD11	9	0.85
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD12	9	0.85
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD13	9	0.85
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD11	15	0.85
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD12	15	0.85
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD13	15	0.85
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD21	15	0.85
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD22	15	0.85
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD23	15	0.85
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD11	15	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD12	15	0.85
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD13	15	0.85
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD21	15	0.85
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD22	15	0.85
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD23	15	0.85
(4,3280)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB2	11	0.85
(4,3081)	1:219:A:ASN:HD21	1:220:A:GLU:HB2	19	0.85
(4,3081)	1:219:A:ASN:HD21	1:220:A:GLU:HB3	19	0.85
(4,3081)	1:219:A:ASN:HD22	1:220:A:GLU:HB2	19	0.85
(4,3081)	1:219:A:ASN:HD22	1:220:A:GLU:HB3	19	0.85
(4,3024)	1:204:A:GLN:HE21	1:205:A:GLU:H	17	0.85
(4,3024)	1:204:A:GLN:HE22	1:205:A:GLU:H	17	0.85
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD21	14	0.85
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD22	14	0.85
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD21	14	0.85
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD22	14	0.85
(4,2927)	1:67:A:SER:H	1:217:A:ASN:HB2	2	0.85
(4,2927)	1:67:A:SER:H	1:217:A:ASN:HB3	2	0.85
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD1	11	0.85
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD2	11	0.85
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD21	19	0.85
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD22	19	0.85
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD23	19	0.85
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD21	11	0.85
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD22	11	0.85
(4,2725)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD22	3	0.85
(4,2725)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD22	14	0.85
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB2	14	0.85
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB3	14	0.85
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB2	14	0.85
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB3	14	0.85
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB2	14	0.85
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB3	14	0.85
(4,2694)	1:62:A:ASN:HD22	1:65:A:ARG:H	18	0.85
(4,2643)	1:136:A:GLN:HE21	1:137:A:PHE:HA	2	0.85
(4,2643)	1:136:A:GLN:HE22	1:137:A:PHE:HA	2	0.85
(4,2622)	1:5:A:ASN:HD21	1:7:A:ALA:H	4	0.85
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:H	6	0.85
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:H	6	0.85
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:H	6	0.85
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:H	13	0.85
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:H	13	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:H	13	0.85
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:H	13	0.85
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:H	13	0.85
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:H	13	0.85
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD1	1	0.85
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD2	1	0.85
(4,2384)	1:23:A:HIS:H	1:24:A:LYS:HG2	20	0.85
(4,2384)	1:23:A:HIS:H	1:24:A:LYS:HG3	20	0.85
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB1	16	0.85
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB2	16	0.85
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB3	16	0.85
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB1	16	0.85
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB2	16	0.85
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB3	16	0.85
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB1	16	0.85
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB2	16	0.85
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB3	16	0.85
(4,2300)	1:134:A:THR:HG21	1:138:A:VAL:H	19	0.85
(4,2300)	1:134:A:THR:HG22	1:138:A:VAL:H	19	0.85
(4,2300)	1:134:A:THR:HG23	1:138:A:VAL:H	19	0.85
(4,2283)	1:60:A:PRO:HB2	1:164:A:ASN:HD22	12	0.85
(4,2283)	1:60:A:PRO:HB3	1:164:A:ASN:HD22	12	0.85
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD11	7	0.85
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD12	7	0.85
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD13	7	0.85
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD21	7	0.85
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD22	7	0.85
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD23	7	0.85
(4,2137)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:H	6	0.85
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG21	1:58:A:LEU:HG	3	0.85
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG22	1:58:A:LEU:HG	3	0.85
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG23	1:58:A:LEU:HG	3	0.85
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG21	1:98:A:SER:H	11	0.85
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG22	1:98:A:SER:H	11	0.85
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG23	1:98:A:SER:H	11	0.85
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD11	1:96:A:LEU:HB2	12	0.85
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD11	1:96:A:LEU:HB3	12	0.85
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD12	1:96:A:LEU:HB2	12	0.85
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD12	1:96:A:LEU:HB3	12	0.85
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD13	1:96:A:LEU:HB2	12	0.85
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD13	1:96:A:LEU:HB3	12	0.85
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD21	1:96:A:LEU:HB2	12	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD21	1:96:A:LEU:HB3	12	0.85
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD22	1:96:A:LEU:HB2	12	0.85
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD22	1:96:A:LEU:HB3	12	0.85
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD23	1:96:A:LEU:HB2	12	0.85
(4,2038)	1:92:A:LEU:HD23	1:96:A:LEU:HB3	12	0.85
(4,2020)	1:104:A:SER:HB2	1:105:A:LEU:HG	14	0.85
(4,2020)	1:104:A:SER:HB3	1:105:A:LEU:HG	14	0.85
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB3	1	0.85
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB3	1	0.85
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB3	1	0.85
(4,1976)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD21	5	0.85
(4,1976)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD22	5	0.85
(4,1976)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD23	5	0.85
(4,1946)	1:69:A:THR:HG21	1:71:A:GLN:H	4	0.85
(4,1946)	1:69:A:THR:HG22	1:71:A:GLN:H	4	0.85
(4,1946)	1:69:A:THR:HG23	1:71:A:GLN:H	4	0.85
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD11	18	0.85
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD12	18	0.85
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD13	18	0.85
(4,1880)	1:207:A:VAL:HB	1:211:A:VAL:H	19	0.85
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:H	19	0.85
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:H	19	0.85
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:H	19	0.85
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	5	0.85
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	5	0.85
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	5	0.85
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	5	0.85
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	5	0.85
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	5	0.85
(4,1806)	1:68:A:SER:HB2	1:70:A:SER:HA	20	0.85
(4,1806)	1:68:A:SER:HB3	1:70:A:SER:HA	20	0.85
(4,1800)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD21	15	0.85
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG21	1:215:A:MET:H	20	0.85
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG22	1:215:A:MET:H	20	0.85
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG23	1:215:A:MET:H	20	0.85
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD11	1:115:A:PHE:H	10	0.85
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD12	1:115:A:PHE:H	10	0.85
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD13	1:115:A:PHE:H	10	0.85
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD21	1:115:A:PHE:H	10	0.85
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD22	1:115:A:PHE:H	10	0.85
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD23	1:115:A:PHE:H	10	0.85
(4,1577)	1:55:A:ILE:H	1:172:A:GLU:H	20	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HA	15	0.85
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HA	15	0.85
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HA	15	0.85
(4,1488)	1:10:A:PRO:HA	1:11:A:ILE:HB	4	0.85
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD1	1:215:A:MET:H	12	0.85
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD2	1:215:A:MET:H	12	0.85
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD1	1:215:A:MET:H	14	0.85
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD2	1:215:A:MET:H	14	0.85
(4,1378)	1:234:A:ASN:HA	1:236:A:GLU:H	6	0.85
(4,1378)	1:234:A:ASN:HA	1:236:A:GLU:H	7	0.85
(4,1378)	1:234:A:ASN:HA	1:236:A:GLU:H	12	0.85
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD21	20	0.85
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD22	20	0.85
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD23	20	0.85
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HA	2	0.85
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HA	2	0.85
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD11	7	0.85
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD12	7	0.85
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD13	7	0.85
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD21	7	0.85
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD22	7	0.85
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD23	7	0.85
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD11	7	0.85
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD12	7	0.85
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD13	7	0.85
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD21	7	0.85
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD22	7	0.85
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD23	7	0.85
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD11	7	0.85
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD12	7	0.85
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD13	7	0.85
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD21	7	0.85
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD22	7	0.85
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD23	7	0.85
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD11	1:38:A:SER:H	10	0.85
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD12	1:38:A:SER:H	10	0.85
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD13	1:38:A:SER:H	10	0.85
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:HE22	2	0.85
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:HE22	2	0.85
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:HE22	2	0.85
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD11	4	0.85
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD12	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD13	4	0.85
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD11	4	0.85
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD12	4	0.85
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD13	4	0.85
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD11	16	0.85
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD12	16	0.85
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD13	16	0.85
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD11	16	0.85
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD12	16	0.85
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD13	16	0.85
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB2	13	0.85
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB3	13	0.85
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB2	13	0.85
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB3	13	0.85
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB2	13	0.85
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB3	13	0.85
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD11	1:93:A:TYR:HD1	15	0.85
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD11	1:93:A:TYR:HD2	15	0.85
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD12	1:93:A:TYR:HD1	15	0.85
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD12	1:93:A:TYR:HD2	15	0.85
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD13	1:93:A:TYR:HD1	15	0.85
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD13	1:93:A:TYR:HD2	15	0.85
(4,1010)	1:177:A:ILE:HG12	1:194:A:SER:H	16	0.85
(4,1010)	1:177:A:ILE:HG13	1:194:A:SER:H	16	0.85
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB2	6	0.85
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB3	6	0.85
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB2	6	0.85
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB3	6	0.85
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB2	6	0.85
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB3	6	0.85
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB2	6	0.85
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB3	6	0.85
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB2	6	0.85
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB3	6	0.85
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB2	6	0.85
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB3	6	0.85
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD11	12	0.85
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD12	12	0.85
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD13	12	0.85
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD11	12	0.85
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD12	12	0.85
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD13	12	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,996)	1:115:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:H	9	0.85
(4,996)	1:115:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:H	9	0.85
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD11	11	0.85
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD12	11	0.85
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD13	11	0.85
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD21	11	0.85
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD22	11	0.85
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD23	11	0.85
(4,982)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HD1	10	0.85
(4,982)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HD2	10	0.85
(4,982)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HD1	10	0.85
(4,982)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HD2	10	0.85
(4,982)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HD1	10	0.85
(4,982)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HD2	10	0.85
(4,961)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HG2	17	0.85
(4,961)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HG3	17	0.85
(4,961)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HG2	17	0.85
(4,961)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HG3	17	0.85
(4,961)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HG2	17	0.85
(4,961)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HG3	17	0.85
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG2	16	0.85
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG3	16	0.85
(4,819)	1:149:A:PHE:HA	1:151:A:THR:HA	5	0.85
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD11	13	0.85
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD12	13	0.85
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD13	13	0.85
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD21	13	0.85
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD22	13	0.85
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD23	13	0.85
(4,720)	1:56:A:VAL:HG11	1:169:A:THR:H	18	0.85
(4,720)	1:56:A:VAL:HG12	1:169:A:THR:H	18	0.85
(4,720)	1:56:A:VAL:HG13	1:169:A:THR:H	18	0.85
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG21	20	0.85
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG22	20	0.85
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG23	20	0.85
(4,645)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD21	9	0.85
(4,645)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD22	9	0.85
(4,645)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD23	9	0.85
(4,635)	1:211:A:VAL:HG11	1:215:A:MET:H	12	0.85
(4,635)	1:211:A:VAL:HG12	1:215:A:MET:H	12	0.85
(4,635)	1:211:A:VAL:HG13	1:215:A:MET:H	12	0.85
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD11	17	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD12	17	0.85
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD13	17	0.85
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD21	17	0.85
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD22	17	0.85
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD23	17	0.85
(4,576)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HG	7	0.85
(4,576)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HG	7	0.85
(4,576)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HG	7	0.85
(4,569)	1:91:A:GLY:H	1:167:A:TYR:HD1	1	0.85
(4,569)	1:91:A:GLY:H	1:167:A:TYR:HD2	1	0.85
(4,509)	1:73:A:ILE:HD11	1:77:A:TYR:HD1	12	0.85
(4,509)	1:73:A:ILE:HD11	1:77:A:TYR:HD2	12	0.85
(4,509)	1:73:A:ILE:HD12	1:77:A:TYR:HD1	12	0.85
(4,509)	1:73:A:ILE:HD12	1:77:A:TYR:HD2	12	0.85
(4,509)	1:73:A:ILE:HD13	1:77:A:TYR:HD1	12	0.85
(4,509)	1:73:A:ILE:HD13	1:77:A:TYR:HD2	12	0.85
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD21	20	0.85
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD22	20	0.85
(4,492)	1:92:A:LEU:HD21	1:93:A:TYR:HD1	16	0.85
(4,492)	1:92:A:LEU:HD21	1:93:A:TYR:HD2	16	0.85
(4,492)	1:92:A:LEU:HD22	1:93:A:TYR:HD1	16	0.85
(4,492)	1:92:A:LEU:HD22	1:93:A:TYR:HD2	16	0.85
(4,492)	1:92:A:LEU:HD23	1:93:A:TYR:HD1	16	0.85
(4,492)	1:92:A:LEU:HD23	1:93:A:TYR:HD2	16	0.85
(4,464)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HE1	6	0.85
(4,433)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:H	7	0.85
(4,388)	1:57:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:HA	1	0.85
(4,388)	1:57:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:HA	1	0.85
(4,388)	1:57:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:HA	1	0.85
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB2	15	0.85
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB3	15	0.85
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB2	15	0.85
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB3	15	0.85
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE1	6	0.85
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE2	6	0.85
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD21	18	0.85
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD22	18	0.85
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD21	18	0.85
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD22	18	0.85
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB2	3	0.85
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB3	3	0.85
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD11	16	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD12	16	0.85
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD13	16	0.85
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD21	16	0.85
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD22	16	0.85
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD23	16	0.85
(3,24)	1:54:A:ALA:H	1:231:A:LEU:O	6	0.85
(2,134)	1:103:A:GLN:H	1:104:A:SER:OG	16	0.85
(5,506)	1:5:A:ASN:ND2	1:20:A:ASN:H	8	0.84
(5,405)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	20	0.84
(5,340)	1:5:A:ASN:ND2	1:13:A:SER:H	4	0.84
(5,290)	1:39:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	12	0.84
(5,275)	1:40:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	19	0.84
(5,107)	1:140:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	5	0.84
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:H	4	0.84
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:H	4	0.84
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:H	4	0.84
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB2	17	0.84
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB3	17	0.84
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB2	17	0.84
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB3	17	0.84
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB2	17	0.84
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB3	17	0.84
(4,4196)	1:165:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	14	0.84
(4,4196)	1:165:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	14	0.84
(4,4196)	1:165:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	14	0.84
(4,4196)	1:165:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	14	0.84
(4,4196)	1:165:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	14	0.84
(4,4196)	1:165:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	14	0.84
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD1	20	0.84
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD2	20	0.84
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD11	18	0.84
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD12	18	0.84
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD13	18	0.84
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD11	19	0.84
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD12	19	0.84
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD13	19	0.84
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:H	2	0.84
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:H	2	0.84
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:H	2	0.84
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD21	1:187:A:GLY:H	20	0.84
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD22	1:187:A:GLY:H	20	0.84
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD23	1:187:A:GLY:H	20	0.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4035)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HA	9	0.84
(4,4035)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HA	9	0.84
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE1	8	0.84
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE2	8	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD11	12	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD12	12	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD13	12	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD21	12	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD22	12	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD23	12	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD11	12	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD12	12	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD13	12	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD21	12	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD22	12	0.84
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD23	12	0.84
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD11	1:138:A:VAL:H	20	0.84
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD12	1:138:A:VAL:H	20	0.84
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD13	1:138:A:VAL:H	20	0.84
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD21	1:138:A:VAL:H	20	0.84
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD22	1:138:A:VAL:H	20	0.84
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD23	1:138:A:VAL:H	20	0.84
(4,3693)	1:52:A:VAL:HB	1:202:A:ILE:H	7	0.84
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG2	3	0.84
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG3	3	0.84
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG2	3	0.84
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG3	3	0.84
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG2	3	0.84
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG3	3	0.84
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB1	8	0.84
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB2	8	0.84
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB3	8	0.84
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	11	0.84
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	11	0.84
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	11	0.84
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB2	1	0.84
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB3	1	0.84
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD11	6	0.84
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD12	6	0.84
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD13	6	0.84
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG21	3	0.84
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG22	3	0.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG23	3	0.84
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD21	1:170:A:TYR:HE1	19	0.84
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD21	1:170:A:TYR:HE2	19	0.84
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD22	1:170:A:TYR:HE1	19	0.84
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD22	1:170:A:TYR:HE2	19	0.84
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD23	1:170:A:TYR:HE1	19	0.84
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD23	1:170:A:TYR:HE2	19	0.84
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG11	1:139:A:LEU:CD1	11	0.84
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG12	1:139:A:LEU:CD1	11	0.84
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG13	1:139:A:LEU:CD1	11	0.84
(4,3391)	1:11:A:ILE:HA	1:151:A:THR:HA	16	0.84
(4,3375)	1:11:A:ILE:H	1:227:A:ALA:H	12	0.84
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG21	1:203:A:GLU:H	19	0.84
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG22	1:203:A:GLU:H	19	0.84
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG23	1:203:A:GLU:H	19	0.84
(4,3264)	1:79:A:VAL:HB	1:173:A:GLU:H	18	0.84
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD2	9	0.84
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD3	9	0.84
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD2	9	0.84
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD3	9	0.84
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG21	18	0.84
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG22	18	0.84
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG23	18	0.84
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG21	18	0.84
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG22	18	0.84
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG23	18	0.84
(4,3039)	1:77:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD21	16	0.84
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HE1	15	0.84
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HE1	15	0.84
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HE1	15	0.84
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD11	9	0.84
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD12	9	0.84
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD13	9	0.84
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD21	9	0.84
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD22	9	0.84
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD23	9	0.84
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD11	9	0.84
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD12	9	0.84
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD13	9	0.84
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD21	9	0.84
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD22	9	0.84
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD23	9	0.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD11	9	0.84
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD12	9	0.84
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD13	9	0.84
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD21	9	0.84
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD22	9	0.84
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD23	9	0.84
(4,2985)	1:171:A:VAL:HB	1:172:A:GLU:HG2	15	0.84
(4,2985)	1:171:A:VAL:HB	1:172:A:GLU:HG3	15	0.84
(4,2966)	1:82:A:PHE:H	1:97:A:HIS:HA	17	0.84
(4,2923)	1:36:A:ILE:H	1:38:A:SER:H	12	0.84
(4,2923)	1:36:A:ILE:H	1:38:A:SER:H	16	0.84
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	16	0.84
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	16	0.84
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	16	0.84
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD11	4	0.84
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD12	4	0.84
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD13	4	0.84
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD21	4	0.84
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD22	4	0.84
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD23	4	0.84
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD11	1:99:A:LEU:HG	14	0.84
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD12	1:99:A:LEU:HG	14	0.84
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD13	1:99:A:LEU:HG	14	0.84
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD21	1:99:A:LEU:HG	14	0.84
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD22	1:99:A:LEU:HG	14	0.84
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD23	1:99:A:LEU:HG	14	0.84
(4,2696)	1:31:A:TRP:H	1:31:A:TRP:HE1	2	0.84
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:H	12	0.84
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:H	12	0.84
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:H	12	0.84
(4,2561)	1:170:A:TYR:HD1	1:180:A:LEU:H	7	0.84
(4,2561)	1:170:A:TYR:HD2	1:180:A:LEU:H	7	0.84
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:H	6	0.84
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:H	6	0.84
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:H	6	0.84
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD21	1:167:A:TYR:H	6	0.84
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD22	1:167:A:TYR:H	6	0.84
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD23	1:167:A:TYR:H	6	0.84
(4,2448)	1:119:A:GLN:H	1:119:A:GLN:HE21	8	0.84
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	19	0.84
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	19	0.84
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	19	0.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:HB2	9	0.84
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:HB2	9	0.84
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:HB2	9	0.84
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:HB2	9	0.84
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:HB2	9	0.84
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:HB2	9	0.84
(4,2372)	1:146:A:VAL:HA	1:148:A:THR:HA	4	0.84
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD11	1:41:A:GLU:H	13	0.84
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD12	1:41:A:GLU:H	13	0.84
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD13	1:41:A:GLU:H	13	0.84
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:H	4	0.84
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:H	4	0.84
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:H	4	0.84
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:H	4	0.84
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:H	4	0.84
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:H	4	0.84
(4,2278)	1:112:A:LEU:H	1:115:A:PHE:HB2	10	0.84
(4,2278)	1:112:A:LEU:H	1:115:A:PHE:HB3	10	0.84
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD21	5	0.84
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD22	5	0.84
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD23	5	0.84
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD21	3	0.84
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD22	3	0.84
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD23	3	0.84
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD11	11	0.84
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD12	11	0.84
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD13	11	0.84
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD21	11	0.84
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD22	11	0.84
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD23	11	0.84
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD2	2	0.84
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD3	2	0.84
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD2	2	0.84
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD3	2	0.84
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG21	3	0.84
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG22	3	0.84
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG23	3	0.84
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD21	1:147:A:GLN:H	9	0.84
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD22	1:147:A:GLN:H	9	0.84
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD11	17	0.84
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD12	17	0.84
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD13	17	0.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB2	17	0.84
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB3	17	0.84
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB2	17	0.84
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB3	17	0.84
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB2	17	0.84
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB3	17	0.84
(4,2055)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HB2	5	0.84
(4,2055)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HB3	5	0.84
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HA	9	0.84
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HA	9	0.84
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HA	9	0.84
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HA	9	0.84
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HA	9	0.84
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HA	9	0.84
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB1	16	0.84
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB2	16	0.84
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB3	16	0.84
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB1	16	0.84
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB2	16	0.84
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB3	16	0.84
(4,2014)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HB2	2	0.84
(4,2014)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HB3	2	0.84
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	15	0.84
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	15	0.84
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	15	0.84
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	15	0.84
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	15	0.84
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	15	0.84
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	15	0.84
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	15	0.84
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	15	0.84
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	15	0.84
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	15	0.84
(4,1988)	1:8:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	15	0.84
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:H	14	0.84
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:H	14	0.84
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:H	14	0.84
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:H	9	0.84
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:H	9	0.84
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:H	9	0.84
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD11	1:47:A:PHE:H	16	0.84
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD12	1:47:A:PHE:H	16	0.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1722)	1:45:A:LEU:HD13	1:47:A:PHE:H	16	0.84
(4,1687)	1:177:A:ILE:HB	1:192:A:GLY:H	9	0.84
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB1	15	0.84
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB2	15	0.84
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB3	15	0.84
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB1	15	0.84
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB2	15	0.84
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB3	15	0.84
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB1	15	0.84
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB2	15	0.84
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB3	15	0.84
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG11	8	0.84
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG12	8	0.84
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG13	8	0.84
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG21	8	0.84
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG22	8	0.84
(4,1591)	1:6:A:ARG:H	1:146:A:VAL:HG23	8	0.84
(4,1577)	1:55:A:ILE:H	1:172:A:GLU:H	6	0.84
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HA	6	0.84
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HA	6	0.84
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HA	6	0.84
(4,1493)	1:83:A:LYS:HG2	1:85:A:SER:H	10	0.84
(4,1476)	1:29:A:ASN:HB2	1:30:A:GLU:HG2	15	0.84
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD1	1:215:A:MET:H	11	0.84
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD2	1:215:A:MET:H	11	0.84
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD1	1:215:A:MET:H	17	0.84
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD2	1:215:A:MET:H	17	0.84
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:HA2	1	0.84
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:HA3	1	0.84
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:HA2	1	0.84
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:HA3	1	0.84
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:HB2	14	0.84
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:HB3	14	0.84
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:HB2	14	0.84
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:HB3	14	0.84
(4,1371)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HE22	7	0.84
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:H	11	0.84
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:H	11	0.84
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD2	10	0.84
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD3	10	0.84
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD2	10	0.84
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD3	10	0.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HD1	20	0.84
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HD2	20	0.84
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HD1	20	0.84
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HD2	20	0.84
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HD1	20	0.84
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HD2	20	0.84
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HD1	20	0.84
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HD2	20	0.84
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HD1	20	0.84
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HD2	20	0.84
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HD1	20	0.84
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HD2	20	0.84
(4,1123)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HD22	1	0.84
(4,1104)	1:195:A:ASP:H	1:207:A:VAL:H	16	0.84
(4,1060)	1:36:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:H	20	0.84
(4,1060)	1:36:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:H	20	0.84
(4,1060)	1:36:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:H	20	0.84
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG11	1:167:A:TYR:HE1	1	0.84
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG11	1:167:A:TYR:HE2	1	0.84
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG12	1:167:A:TYR:HE1	1	0.84
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG12	1:167:A:TYR:HE2	1	0.84
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG13	1:167:A:TYR:HE1	1	0.84
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG13	1:167:A:TYR:HE2	1	0.84
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE2	20	0.84
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE3	20	0.84
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE2	20	0.84
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE3	20	0.84
(4,995)	1:34:A:PHE:HB2	1:36:A:ILE:H	12	0.84
(4,995)	1:34:A:PHE:HB3	1:36:A:ILE:H	12	0.84
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG11	11	0.84
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG12	11	0.84
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG13	11	0.84
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG21	11	0.84
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG22	11	0.84
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG23	11	0.84
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG11	11	0.84
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG12	11	0.84
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG13	11	0.84
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG21	11	0.84
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG22	11	0.84
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG23	11	0.84
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG11	11	0.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG12	11	0.84
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG13	11	0.84
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG21	11	0.84
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG22	11	0.84
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG23	11	0.84
(4,843)	1:29:A:ASN:HD21	1:31:A:TRP:H	4	0.84
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD11	4	0.84
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD12	4	0.84
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD13	4	0.84
(4,816)	1:168:A:ILE:HA	1:169:A:THR:HG1	1	0.84
(4,797)	1:38:A:SER:H	1:41:A:GLU:HB2	7	0.84
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB1	19	0.84
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB2	19	0.84
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB3	19	0.84
(4,770)	1:39:A:LEU:HA	1:41:A:GLU:HB2	18	0.84
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE21	11	0.84
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE22	11	0.84
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB1	8	0.84
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB2	8	0.84
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB3	8	0.84
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB1	8	0.84
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB2	8	0.84
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB3	8	0.84
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB1	8	0.84
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB2	8	0.84
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB3	8	0.84
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG21	17	0.84
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG22	17	0.84
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG23	17	0.84
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG21	17	0.84
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG22	17	0.84
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG23	17	0.84
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG21	17	0.84
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG22	17	0.84
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG23	17	0.84
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB2	15	0.84
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB3	15	0.84
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB2	15	0.84
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB3	15	0.84
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD1	20	0.84
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD2	20	0.84
(4,382)	1:32:A:ALA:HB1	1:233:A:PRO:HB2	10	0.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,382)	1:32:A:ALA:HB2	1:233:A:PRO:HB2	10	0.84
(4,382)	1:32:A:ALA:HB3	1:233:A:PRO:HB2	10	0.84
(4,370)	1:216:A:GLU:HG2	1:217:A:ASN:HD21	1	0.84
(4,370)	1:216:A:GLU:HG2	1:217:A:ASN:HD22	1	0.84
(4,370)	1:216:A:GLU:HG3	1:217:A:ASN:HD21	1	0.84
(4,370)	1:216:A:GLU:HG3	1:217:A:ASN:HD22	1	0.84
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB2	19	0.84
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB3	19	0.84
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD11	8	0.84
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD12	8	0.84
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD13	8	0.84
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD21	8	0.84
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD22	8	0.84
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD23	8	0.84
(4,241)	1:59:A:PHE:HD1	1:226:A:PHE:HB2	17	0.84
(4,241)	1:59:A:PHE:HD2	1:226:A:PHE:HB2	17	0.84
(4,173)	1:17:A:VAL:H	1:18:A:PHE:HD1	9	0.84
(4,173)	1:17:A:VAL:H	1:18:A:PHE:HD2	9	0.84
(4,118)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HG	11	0.84
(4,118)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HG	11	0.84
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG21	11	0.84
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG22	11	0.84
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG23	11	0.84
(3,22)	1:171:A:VAL:H	1:178:A:PHE:O	18	0.84
(2,172)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	14	0.84
(2,88)	1:104:A:SER:OG	1:106:A:LEU:H	6	0.84
(1,603)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	5	0.84
(1,581)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	1	0.84
(1,568)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	15	0.84
(1,474)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	2	0.84
(1,420)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	18	0.84
(1,210)	1:219:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	1	0.84
(1,165)	1:180:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	5	0.84
(1,165)	1:180:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	12	0.84
(1,162)	1:98:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	20	0.84
(5,696)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	3	0.83
(5,613)	1:5:A:ASN:ND2	1:153:A:GLN:H	20	0.83
(5,420)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	13	0.83
(5,72)	1:59:A:PHE:H	1:104:A:SER:OG	10	0.83
(5,59)	1:104:A:SER:OG	1:214:A:TYR:H	13	0.83
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD11	13	0.83
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD12	13	0.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD13	13	0.83
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD21	13	0.83
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD22	13	0.83
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD23	13	0.83
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	10	0.83
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	10	0.83
(4,4152)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HA	5	0.83
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD11	11	0.83
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD12	11	0.83
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD13	11	0.83
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD21	11	0.83
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD22	11	0.83
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD23	11	0.83
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD11	19	0.83
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD12	19	0.83
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD13	19	0.83
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD21	19	0.83
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD22	19	0.83
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD23	19	0.83
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD11	19	0.83
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD12	19	0.83
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD13	19	0.83
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD21	19	0.83
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD22	19	0.83
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD23	19	0.83
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD21	20	0.83
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD22	20	0.83
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD23	20	0.83
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG12	18	0.83
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG13	18	0.83
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG12	19	0.83
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG13	19	0.83
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG12	19	0.83
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG13	19	0.83
(4,4029)	1:208:A:ARG:H	1:209:A:VAL:HB	11	0.83
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD11	1:119:A:GLN:H	5	0.83
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD12	1:119:A:GLN:H	5	0.83
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD13	1:119:A:GLN:H	5	0.83
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD1	1:151:A:THR:H	5	0.83
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD2	1:151:A:THR:H	5	0.83
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD21	15	0.83
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD22	15	0.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD23	15	0.83
(4,3937)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE21	8	0.83
(4,3937)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE21	17	0.83
(4,3872)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HE1	11	0.83
(4,3864)	1:73:A:ILE:H	1:187:A:GLY:H	3	0.83
(4,3799)	1:154:A:SER:HB2	1:157:A:PRO:HD3	9	0.83
(4,3799)	1:154:A:SER:HB3	1:157:A:PRO:HD3	9	0.83
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD11	2	0.83
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD12	2	0.83
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD13	2	0.83
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD21	2	0.83
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD22	2	0.83
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD23	2	0.83
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB2	17	0.83
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB3	17	0.83
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB2	17	0.83
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB3	17	0.83
(4,3659)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:H	15	0.83
(4,3650)	1:222:A:ASP:HA	1:225:A:ASN:HD21	6	0.83
(4,3650)	1:222:A:ASP:HA	1:225:A:ASN:HD22	6	0.83
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HB2	10	0.83
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HB3	10	0.83
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HB2	10	0.83
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HB3	10	0.83
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HB2	10	0.83
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HB3	10	0.83
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	7	0.83
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	7	0.83
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	7	0.83
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	7	0.83
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	7	0.83
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	7	0.83
(4,3391)	1:11:A:ILE:HA	1:151:A:THR:HA	11	0.83
(4,3268)	1:210:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD1	8	0.83
(4,3268)	1:210:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD2	8	0.83
(4,3268)	1:210:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD1	8	0.83
(4,3268)	1:210:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD2	8	0.83
(4,3237)	1:150:A:SER:H	1:152:A:GLY:H	12	0.83
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD11	3	0.83
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD12	3	0.83
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD13	3	0.83
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD21	3	0.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD22	3	0.83
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD23	3	0.83
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD2	18	0.83
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD3	18	0.83
(4,3220)	1:31:A:TRP:HE3	1:53:A:LYS:H	6	0.83
(4,3213)	1:29:A:ASN:H	1:31:A:TRP:HE1	16	0.83
(4,3190)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HB	12	0.83
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG2	13	0.83
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG3	13	0.83
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG2	13	0.83
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG3	13	0.83
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG2	13	0.83
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG3	13	0.83
(4,3062)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HB3	10	0.83
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE1	1:194:A:SER:H	6	0.83
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE2	1:194:A:SER:H	6	0.83
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD21	6	0.83
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD22	6	0.83
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD21	6	0.83
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD22	6	0.83
(4,2838)	1:73:A:ILE:H	1:75:A:SER:H	16	0.83
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB1	17	0.83
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB2	17	0.83
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB3	17	0.83
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG11	1:210:A:ARG:HG2	20	0.83
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG11	1:210:A:ARG:HG3	20	0.83
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG12	1:210:A:ARG:HG2	20	0.83
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG12	1:210:A:ARG:HG3	20	0.83
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG13	1:210:A:ARG:HG2	20	0.83
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG13	1:210:A:ARG:HG3	20	0.83
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	20	0.83
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	20	0.83
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	20	0.83
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	20	0.83
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	20	0.83
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	20	0.83
(4,2725)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD22	18	0.83
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG2	1:110:A:SER:H	10	0.83
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG3	1:110:A:SER:H	10	0.83
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:H	7	0.83
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:H	7	0.83
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:H	7	0.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:H	7	0.83
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:H	7	0.83
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:H	7	0.83
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD1	8	0.83
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD2	8	0.83
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	2	0.83
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	2	0.83
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	2	0.83
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE21	4	0.83
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE22	4	0.83
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE21	15	0.83
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE22	15	0.83
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:HB2	6	0.83
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:HB2	6	0.83
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:HB2	6	0.83
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB2	6	0.83
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB2	6	0.83
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB2	6	0.83
(4,2288)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	2	0.83
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:HB2	15	0.83
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:HB3	15	0.83
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:HB2	15	0.83
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:HB3	15	0.83
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:HB2	15	0.83
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:HB3	15	0.83
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD11	14	0.83
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD12	14	0.83
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD13	14	0.83
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD21	14	0.83
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD22	14	0.83
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD23	14	0.83
(4,2200)	1:59:A:PHE:HD1	1:215:A:MET:HA	15	0.83
(4,2200)	1:59:A:PHE:HD2	1:215:A:MET:HA	15	0.83
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD21	4	0.83
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD22	4	0.83
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD23	4	0.83
(4,2152)	1:63:A:GLU:H	1:65:A:ARG:H	12	0.83
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD21	14	0.83
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD22	14	0.83
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD23	14	0.83
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD21	14	0.83
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD22	14	0.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2135)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD23	14	0.83
(4,2084)	1:97:A:HIS:H	1:169:A:THR:HB	5	0.83
(4,2061)	1:33:A:TYR:H	1:234:A:ASN:HA	18	0.83
(4,2048)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HD11	6	0.83
(4,2048)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HD12	6	0.83
(4,2048)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HD13	6	0.83
(4,2031)	1:153:A:GLN:HE21	1:154:A:SER:H	6	0.83
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB2	1:83:A:LYS:HG2	14	0.83
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB3	1:83:A:LYS:HG2	14	0.83
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD1	1:190:A:TYR:H	5	0.83
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD2	1:190:A:TYR:H	5	0.83
(4,1907)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:H	4	0.83
(4,1907)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:H	4	0.83
(4,1856)	1:29:A:ASN:HD22	1:30:A:GLU:H	8	0.83
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:H	5	0.83
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:H	5	0.83
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:H	5	0.83
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:H	13	0.83
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:H	13	0.83
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:H	13	0.83
(4,1841)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:H	7	0.83
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG2	2	0.83
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG3	2	0.83
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG2	2	0.83
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG3	2	0.83
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG2	2	0.83
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG3	2	0.83
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:CG1	4	0.83
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:CG1	4	0.83
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:CG1	4	0.83
(4,1742)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD11	13	0.83
(4,1742)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD12	13	0.83
(4,1742)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD13	13	0.83
(4,1728)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD22	17	0.83
(4,1687)	1:177:A:ILE:HB	1:192:A:GLY:H	11	0.83
(4,1573)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB3	15	0.83
(4,1531)	1:156:A:ALA:H	1:157:A:PRO:HB3	4	0.83
(4,1520)	1:23:A:HIS:HD2	1:29:A:ASN:H	10	0.83
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB1	4	0.83
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB2	4	0.83
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB3	4	0.83
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD21	2	0.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD22	2	0.83
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD23	2	0.83
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG11	9	0.83
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG12	9	0.83
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG13	9	0.83
(4,1378)	1:234:A:ASN:HA	1:236:A:GLU:H	10	0.83
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG21	16	0.83
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG22	16	0.83
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG23	16	0.83
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:H	2	0.83
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:H	2	0.83
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:H	2	0.83
(4,1311)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG11	2	0.83
(4,1311)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG12	2	0.83
(4,1311)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG13	2	0.83
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD11	1:21:A:PHE:H	19	0.83
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD12	1:21:A:PHE:H	19	0.83
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD13	1:21:A:PHE:H	19	0.83
(4,1244)	1:172:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:H	11	0.83
(4,1244)	1:172:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:H	11	0.83
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE21	16	0.83
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE21	16	0.83
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG21	1:168:A:ILE:HB	14	0.83
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG22	1:168:A:ILE:HB	14	0.83
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG23	1:168:A:ILE:HB	14	0.83
(4,1164)	1:119:A:GLN:HG2	1:126:A:LYS:H	4	0.83
(4,1164)	1:119:A:GLN:HG3	1:126:A:LYS:H	4	0.83
(4,1143)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:H	1	0.83
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD21	20	0.83
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD22	20	0.83
(4,1107)	1:57:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HD1	1	0.83
(4,1107)	1:57:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HD2	1	0.83
(4,995)	1:34:A:PHE:HB2	1:36:A:ILE:H	5	0.83
(4,995)	1:34:A:PHE:HB3	1:36:A:ILE:H	5	0.83
(4,995)	1:34:A:PHE:HB2	1:36:A:ILE:H	14	0.83
(4,995)	1:34:A:PHE:HB3	1:36:A:ILE:H	14	0.83
(4,994)	1:137:A:PHE:H	1:138:A:VAL:HB	19	0.83
(4,992)	1:81:A:TRP:HE1	1:84:A:GLN:H	14	0.83
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD1	10	0.83
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD2	10	0.83
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD1	19	0.83
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD2	19	0.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD11	8	0.83
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD12	8	0.83
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD13	8	0.83
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD11	8	0.83
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD12	8	0.83
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD13	8	0.83
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD11	8	0.83
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD12	8	0.83
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD13	8	0.83
(4,831)	1:203:A:GLU:HB2	1:204:A:GLN:HG2	10	0.83
(4,831)	1:203:A:GLU:HB2	1:204:A:GLN:HG3	10	0.83
(4,831)	1:203:A:GLU:HB3	1:204:A:GLN:HG2	10	0.83
(4,831)	1:203:A:GLU:HB3	1:204:A:GLN:HG3	10	0.83
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG11	10	0.83
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG12	10	0.83
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG13	10	0.83
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG21	10	0.83
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG22	10	0.83
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG23	10	0.83
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG11	10	0.83
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG12	10	0.83
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG13	10	0.83
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG21	10	0.83
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG22	10	0.83
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG23	10	0.83
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG11	10	0.83
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG12	10	0.83
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG13	10	0.83
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG21	10	0.83
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG22	10	0.83
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG23	10	0.83
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD11	7	0.83
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD12	7	0.83
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD13	7	0.83
(4,732)	1:39:A:LEU:HB2	1:208:A:ARG:HD2	4	0.83
(4,732)	1:39:A:LEU:HB2	1:208:A:ARG:HD3	4	0.83
(4,732)	1:39:A:LEU:HB3	1:208:A:ARG:HD2	4	0.83
(4,732)	1:39:A:LEU:HB3	1:208:A:ARG:HD3	4	0.83
(4,685)	1:79:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	16	0.83
(4,685)	1:79:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	16	0.83
(4,685)	1:79:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	16	0.83
(4,679)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:H	9	0.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,679)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:H	9	0.83
(4,679)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:H	9	0.83
(4,679)	1:57:A:LEU:HD21	1:214:A:TYR:H	9	0.83
(4,679)	1:57:A:LEU:HD22	1:214:A:TYR:H	9	0.83
(4,679)	1:57:A:LEU:HD23	1:214:A:TYR:H	9	0.83
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD21	18	0.83
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD22	18	0.83
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD11	19	0.83
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD12	19	0.83
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD13	19	0.83
(4,388)	1:57:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:HA	12	0.83
(4,388)	1:57:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:HA	12	0.83
(4,388)	1:57:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:HA	12	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG11	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG12	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG13	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG21	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG22	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG23	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG11	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG12	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG13	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG21	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG22	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG23	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG11	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG12	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG13	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG21	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG22	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG23	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG11	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG12	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG13	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG21	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG22	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG23	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG11	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG12	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG13	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG21	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG22	11	0.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG23	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG11	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG12	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG13	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG21	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG22	11	0.83
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG23	11	0.83
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	8	0.83
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	8	0.83
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	8	0.83
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG11	13	0.83
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG12	13	0.83
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG13	13	0.83
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG21	13	0.83
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG22	13	0.83
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG23	13	0.83
(4,295)	1:138:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:CD1	9	0.83
(4,295)	1:138:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:CD1	9	0.83
(4,295)	1:138:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:CD1	9	0.83
(4,295)	1:138:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:CD1	9	0.83
(4,295)	1:138:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:CD1	9	0.83
(4,295)	1:138:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:CD1	9	0.83
(4,278)	1:32:A:ALA:HB1	1:34:A:PHE:HD1	12	0.83
(4,278)	1:32:A:ALA:HB1	1:34:A:PHE:HD2	12	0.83
(4,278)	1:32:A:ALA:HB2	1:34:A:PHE:HD1	12	0.83
(4,278)	1:32:A:ALA:HB2	1:34:A:PHE:HD2	12	0.83
(4,278)	1:32:A:ALA:HB3	1:34:A:PHE:HD1	12	0.83
(4,278)	1:32:A:ALA:HB3	1:34:A:PHE:HD2	12	0.83
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD11	2	0.83
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD12	2	0.83
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD13	2	0.83
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD21	2	0.83
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD22	2	0.83
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD23	2	0.83
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD11	2	0.83
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD12	2	0.83
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD13	2	0.83
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD21	2	0.83
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD22	2	0.83
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD23	2	0.83
(4,251)	1:28:A:LYS:HB3	1:29:A:ASN:HD21	17	0.83
(4,244)	1:81:A:TRP:H	1:82:A:PHE:HD1	10	0.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,244)	1:81:A:TRP:H	1:82:A:PHE:HD2	10	0.83
(4,183)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:HG12	11	0.83
(4,183)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:HG13	11	0.83
(4,183)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:HG12	11	0.83
(4,183)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:HG13	11	0.83
(4,183)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:HG12	11	0.83
(4,183)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:HG13	11	0.83
(4,182)	1:55:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HG2	1	0.83
(4,182)	1:55:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HG3	1	0.83
(4,182)	1:55:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HG2	1	0.83
(4,182)	1:55:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HG3	1	0.83
(4,182)	1:55:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HG2	1	0.83
(4,182)	1:55:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HG3	1	0.83
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD21	3	0.83
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD22	3	0.83
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD23	3	0.83
(3,24)	1:54:A:ALA:H	1:231:A:LEU:O	10	0.83
(2,514)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	15	0.83
(2,172)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:ASN:ND2	12	0.83
(1,550)	1:5:A:ASN:ND2	1:154:A:SER:H	3	0.83
(1,176)	1:84:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	2	0.83
(1,83)	1:36:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	10	0.83
(5,756)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	10	0.82
(5,624)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	2	0.82
(5,436)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	13	0.82
(5,412)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	20	0.82
(4,4274)	1:171:A:VAL:H	1:179:A:GLU:H	14	0.82
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD21	1:89:A:ALA:H	14	0.82
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD22	1:89:A:ALA:H	14	0.82
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD21	1:89:A:ALA:H	17	0.82
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD22	1:89:A:ALA:H	17	0.82
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB2	1:173:A:GLU:H	2	0.82
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB3	1:173:A:GLU:H	2	0.82
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE21	9	0.82
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE22	9	0.82
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:HG2	19	0.82
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:HG3	19	0.82
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:HG2	19	0.82
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:HG3	19	0.82
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:HG2	19	0.82
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:HG3	19	0.82
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	1	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	1	0.82
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	1	0.82
(4,4161)	1:11:A:ILE:HA	1:153:A:GLN:HA	16	0.82
(4,4157)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:H	3	0.82
(4,4157)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:H	12	0.82
(4,4070)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:H	20	0.82
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:H	1	0.82
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:H	1	0.82
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:H	1	0.82
(4,4029)	1:208:A:ARG:H	1:209:A:VAL:HB	7	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB2	13	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB3	13	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB2	13	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB3	13	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB2	13	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB3	13	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB2	13	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB3	13	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB2	13	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB3	13	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB2	13	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB3	13	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB2	19	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB3	19	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB2	19	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB3	19	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB2	19	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB3	19	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB2	19	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB3	19	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB2	19	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB3	19	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB2	19	0.82
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB3	19	0.82
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE1	19	0.82
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE2	19	0.82
(4,3933)	1:19:A:THR:HG1	1:22:A:ALA:H	14	0.82
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE1	1:152:A:GLY:H	7	0.82
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE2	1:152:A:GLY:H	7	0.82
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB2	1:5:A:ASN:HD21	3	0.82
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB3	1:5:A:ASN:HD21	3	0.82
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB2	1:5:A:ASN:HD21	12	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB3	1:5:A:ASN:HD21	12	0.82
(4,3872)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HE1	18	0.82
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD11	13	0.82
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD12	13	0.82
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD13	13	0.82
(4,3803)	1:158:A:GLU:H	1:161:A:ALA:H	2	0.82
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD21	11	0.82
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD22	11	0.82
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG11	4	0.82
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG12	4	0.82
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG13	4	0.82
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG21	4	0.82
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG22	4	0.82
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG23	4	0.82
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG11	4	0.82
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG12	4	0.82
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG13	4	0.82
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG21	4	0.82
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG22	4	0.82
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG23	4	0.82
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD11	3	0.82
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD12	3	0.82
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD13	3	0.82
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD21	3	0.82
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD22	3	0.82
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD23	3	0.82
(4,3729)	1:92:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG11	20	0.82
(4,3729)	1:92:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG12	20	0.82
(4,3729)	1:92:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG13	20	0.82
(4,3729)	1:92:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG21	20	0.82
(4,3729)	1:92:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG22	20	0.82
(4,3729)	1:92:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG23	20	0.82
(4,3729)	1:92:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG11	20	0.82
(4,3729)	1:92:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG12	20	0.82
(4,3729)	1:92:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG13	20	0.82
(4,3729)	1:92:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG21	20	0.82
(4,3729)	1:92:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG22	20	0.82
(4,3729)	1:92:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG23	20	0.82
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG11	15	0.82
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG12	15	0.82
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG13	15	0.82
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	3	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	3	0.82
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	3	0.82
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB2	6	0.82
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB3	6	0.82
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB2	6	0.82
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB3	6	0.82
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB2	6	0.82
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB3	6	0.82
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD1	1:152:A:GLY:H	17	0.82
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD2	1:152:A:GLY:H	17	0.82
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG21	10	0.82
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG22	10	0.82
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG23	10	0.82
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG21	10	0.82
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG22	10	0.82
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG23	10	0.82
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD11	17	0.82
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD12	17	0.82
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD13	17	0.82
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD11	17	0.82
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD12	17	0.82
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD13	17	0.82
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD11	17	0.82
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD12	17	0.82
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD13	17	0.82
(4,3396)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HG	18	0.82
(4,3344)	1:106:A:LEU:HB2	1:110:A:SER:HG	19	0.82
(4,3344)	1:106:A:LEU:HB3	1:110:A:SER:HG	19	0.82
(4,3280)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB2	5	0.82
(4,3280)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB2	10	0.82
(4,3205)	1:201:A:LEU:H	1:204:A:GLN:HG2	5	0.82
(4,3205)	1:201:A:LEU:H	1:204:A:GLN:HG3	5	0.82
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD11	14	0.82
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD12	14	0.82
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD13	14	0.82
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD21	14	0.82
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD22	14	0.82
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD23	14	0.82
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:HD2	15	0.82
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:HD3	15	0.82
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:HD2	15	0.82
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:HD3	15	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:HD2	15	0.82
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:HD3	15	0.82
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:HD2	15	0.82
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:HD3	15	0.82
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:HD2	15	0.82
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:HD3	15	0.82
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:HD2	15	0.82
(4,3115)	1:39:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:HD3	15	0.82
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG2	2	0.82
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG3	2	0.82
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG2	2	0.82
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG3	2	0.82
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG2	2	0.82
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG3	2	0.82
(4,3032)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE22	3	0.82
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	16	0.82
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	16	0.82
(4,2972)	1:171:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	16	0.82
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:H	7	0.82
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:H	7	0.82
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD11	4	0.82
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD12	4	0.82
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD13	4	0.82
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD21	4	0.82
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD22	4	0.82
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD23	4	0.82
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD22	11	0.82
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD22	11	0.82
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD22	11	0.82
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB1	15	0.82
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB2	15	0.82
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB3	15	0.82
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB1	15	0.82
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB2	15	0.82
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB3	15	0.82
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD11	3	0.82
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD12	3	0.82
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD13	3	0.82
(4,2585)	1:111:A:ASP:HA	1:114:A:ASN:HD22	17	0.82
(4,2545)	1:83:A:LYS:HD2	1:85:A:SER:HA	2	0.82
(4,2545)	1:83:A:LYS:HD3	1:85:A:SER:HA	2	0.82
(4,2384)	1:23:A:HIS:H	1:24:A:LYS:HG2	12	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2384)	1:23:A:HIS:H	1:24:A:LYS:HG3	12	0.82
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD21	1:226:A:PHE:H	1	0.82
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD22	1:226:A:PHE:H	1	0.82
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB2	17	0.82
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB3	17	0.82
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG12	2	0.82
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG13	2	0.82
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG12	2	0.82
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG13	2	0.82
(4,2241)	1:150:A:SER:HA	1:152:A:GLY:H	1	0.82
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HB	16	0.82
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HB	16	0.82
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HB	16	0.82
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG21	8	0.82
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG22	8	0.82
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG23	8	0.82
(4,2041)	1:95:A:ILE:HA	1:98:A:SER:HA	11	0.82
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB3	18	0.82
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB3	18	0.82
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB3	18	0.82
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:H	17	0.82
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:H	17	0.82
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:H	17	0.82
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD21	1:139:A:LEU:H	17	0.82
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD22	1:139:A:LEU:H	17	0.82
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD23	1:139:A:LEU:H	17	0.82
(4,1841)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:H	5	0.82
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:H	15	0.82
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:H	15	0.82
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:H	15	0.82
(4,1806)	1:68:A:SER:HB2	1:70:A:SER:HA	19	0.82
(4,1806)	1:68:A:SER:HB3	1:70:A:SER:HA	19	0.82
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:CG1	16	0.82
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:CG1	16	0.82
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:CG1	16	0.82
(4,1728)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD22	1	0.82
(4,1723)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE1	2	0.82
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG11	1:173:A:GLU:H	5	0.82
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG12	1:173:A:GLU:H	5	0.82
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG13	1:173:A:GLU:H	5	0.82
(4,1493)	1:83:A:LYS:HG2	1:85:A:SER:H	2	0.82
(4,1378)	1:234:A:ASN:HA	1:236:A:GLU:H	4	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1378)	1:234:A:ASN:HA	1:236:A:GLU:H	18	0.82
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG11	15	0.82
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG12	15	0.82
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG13	15	0.82
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG21	15	0.82
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG22	15	0.82
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG23	15	0.82
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD11	7	0.82
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD12	7	0.82
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD13	7	0.82
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD21	7	0.82
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD22	7	0.82
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD23	7	0.82
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD11	7	0.82
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD12	7	0.82
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD13	7	0.82
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD21	7	0.82
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD22	7	0.82
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD23	7	0.82
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD11	7	0.82
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD12	7	0.82
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD13	7	0.82
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD21	7	0.82
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD22	7	0.82
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD23	7	0.82
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD1	19	0.82
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD2	19	0.82
(4,1120)	1:27:A:LEU:H	1:107:A:GLU:H	18	0.82
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG21	17	0.82
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG22	17	0.82
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG23	17	0.82
(4,1113)	1:233:A:PRO:HA	1:235:A:TRP:H	20	0.82
(4,1104)	1:195:A:ASP:H	1:207:A:VAL:H	9	0.82
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG11	1:22:A:ALA:H	2	0.82
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG12	1:22:A:ALA:H	2	0.82
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG13	1:22:A:ALA:H	2	0.82
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG21	1:22:A:ALA:H	2	0.82
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG22	1:22:A:ALA:H	2	0.82
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG23	1:22:A:ALA:H	2	0.82
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG21	1:93:A:TYR:HD1	3	0.82
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG21	1:93:A:TYR:HD2	3	0.82
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG22	1:93:A:TYR:HD1	3	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG22	1:93:A:TYR:HD2	3	0.82
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG23	1:93:A:TYR:HD1	3	0.82
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG23	1:93:A:TYR:HD2	3	0.82
(4,1050)	1:15:A:PRO:HB2	1:34:A:PHE:H	1	0.82
(4,1050)	1:15:A:PRO:HB3	1:34:A:PHE:H	1	0.82
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD11	4	0.82
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD12	4	0.82
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD13	4	0.82
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD21	4	0.82
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD22	4	0.82
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD23	4	0.82
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD11	4	0.82
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD12	4	0.82
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD13	4	0.82
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD21	4	0.82
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD22	4	0.82
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD23	4	0.82
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD11	4	0.82
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD12	4	0.82
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD13	4	0.82
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD21	4	0.82
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD22	4	0.82
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD23	4	0.82
(4,995)	1:34:A:PHE:HB2	1:36:A:ILE:H	7	0.82
(4,995)	1:34:A:PHE:HB3	1:36:A:ILE:H	7	0.82
(4,987)	1:19:A:THR:HG1	1:21:A:PHE:H	16	0.82
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD11	3	0.82
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD12	3	0.82
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD13	3	0.82
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD21	3	0.82
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD22	3	0.82
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD23	3	0.82
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB1	20	0.82
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB2	20	0.82
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB3	20	0.82
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG21	20	0.82
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG22	20	0.82
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG23	20	0.82
(4,851)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE21	6	0.82
(4,851)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE21	6	0.82
(4,851)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE21	6	0.82
(4,851)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE21	6	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,851)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE21	6	0.82
(4,851)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE21	6	0.82
(4,848)	1:122:A:THR:H	1:124:A:SER:H	18	0.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD11	3	0.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD12	3	0.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD13	3	0.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD21	3	0.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD22	3	0.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD23	3	0.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD11	3	0.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD12	3	0.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD13	3	0.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD21	3	0.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD22	3	0.82
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD23	3	0.82
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD21	19	0.82
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD22	19	0.82
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD23	19	0.82
(4,790)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:H	19	0.82
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE21	12	0.82
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE22	12	0.82
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE21	14	0.82
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE22	14	0.82
(4,703)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:CG2	8	0.82
(4,703)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:CG2	8	0.82
(4,703)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:CG2	8	0.82
(4,703)	1:206:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:CG2	8	0.82
(4,703)	1:206:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:CG2	8	0.82
(4,703)	1:206:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:CG2	8	0.82
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD21	13	0.82
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD22	13	0.82
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD23	13	0.82
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD21	2	0.82
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD22	2	0.82
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG21	14	0.82
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG22	14	0.82
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG23	14	0.82
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB2	1	0.82
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB3	1	0.82
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB2	1	0.82
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB3	1	0.82
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB2	1	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB3	1	0.82
(4,416)	1:204:A:GLN:HG2	1:205:A:GLU:HA	14	0.82
(4,416)	1:204:A:GLN:HG3	1:205:A:GLU:HA	14	0.82
(4,382)	1:32:A:ALA:HB1	1:233:A:PRO:HB2	20	0.82
(4,382)	1:32:A:ALA:HB2	1:233:A:PRO:HB2	20	0.82
(4,382)	1:32:A:ALA:HB3	1:233:A:PRO:HB2	20	0.82
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG21	10	0.82
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG22	10	0.82
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG23	10	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG11	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG12	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG13	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG21	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG22	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG23	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG11	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG12	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG13	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG21	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG22	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG23	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG11	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG12	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG13	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG21	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG22	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG23	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG11	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG12	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG13	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG21	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG22	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG23	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG11	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG12	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG13	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG21	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG22	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG23	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG11	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG12	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG13	2	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG21	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG22	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG23	2	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG11	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG12	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG13	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG21	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG22	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG23	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG11	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG12	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG13	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG21	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG22	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG23	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG11	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG12	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG13	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG21	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG22	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG23	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG11	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG12	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG13	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG21	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG22	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG23	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG11	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG12	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG13	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG21	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG22	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG23	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG11	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG12	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG13	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG21	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG22	4	0.82
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG23	4	0.82
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG21	7	0.82
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG22	7	0.82
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG23	7	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG21	7	0.82
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG22	7	0.82
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG23	7	0.82
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB2	4	0.82
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB3	4	0.82
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB2	4	0.82
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB3	4	0.82
(4,258)	1:18:A:PHE:HE1	1:95:A:ILE:HD11	11	0.82
(4,258)	1:18:A:PHE:HE1	1:95:A:ILE:HD12	11	0.82
(4,258)	1:18:A:PHE:HE1	1:95:A:ILE:HD13	11	0.82
(4,258)	1:18:A:PHE:HE2	1:95:A:ILE:HD11	11	0.82
(4,258)	1:18:A:PHE:HE2	1:95:A:ILE:HD12	11	0.82
(4,258)	1:18:A:PHE:HE2	1:95:A:ILE:HD13	11	0.82
(4,161)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:H	15	0.82
(4,159)	1:12:A:GLU:H	1:13:A:SER:HA	15	0.82
(4,124)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG11	4	0.82
(4,124)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG12	4	0.82
(4,124)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG13	4	0.82
(4,124)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG11	4	0.82
(4,124)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG12	4	0.82
(4,124)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG13	4	0.82
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD1	19	0.82
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD2	19	0.82
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD1	19	0.82
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD2	19	0.82
(4,33)	1:72:A:GLN:HG2	1:74:A:THR:H	15	0.82
(4,33)	1:72:A:GLN:HG3	1:74:A:THR:H	15	0.82
(3,24)	1:54:A:ALA:H	1:231:A:LEU:O	4	0.82
(3,24)	1:54:A:ALA:H	1:231:A:LEU:O	8	0.82
(1,592)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	9	0.82
(1,476)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	9	0.82
(1,181)	1:208:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	10	0.82
(5,491)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	20	0.81
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:H	9	0.81
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:H	9	0.81
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:H	9	0.81
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG11	8	0.81
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG12	8	0.81
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG13	8	0.81
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	15	0.81
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	15	0.81
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	15	0.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD11	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD12	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD13	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD21	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD22	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD23	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD11	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD12	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD13	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD21	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD22	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD23	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD11	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD12	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD13	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD21	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD22	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD23	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD11	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD12	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD13	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD21	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD22	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD23	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD11	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD12	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD13	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD21	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD22	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD23	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD11	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD12	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD13	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD21	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD22	7	0.81
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD23	7	0.81
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:H	12	0.81
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:H	12	0.81
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:H	12	0.81
(4,4157)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:H	6	0.81
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:HG2	9	0.81
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:HG3	9	0.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:HG2	9	0.81
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:HG3	9	0.81
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:HG2	9	0.81
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:HG3	9	0.81
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:HG2	9	0.81
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:HG3	9	0.81
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:HG2	9	0.81
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:HG3	9	0.81
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:HG2	9	0.81
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:HG3	9	0.81
(4,4029)	1:208:A:ARG:H	1:209:A:VAL:HB	15	0.81
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD1	18	0.81
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD2	18	0.81
(4,4012)	1:136:A:GLN:HE21	1:137:A:PHE:H	18	0.81
(4,4012)	1:136:A:GLN:HE22	1:137:A:PHE:H	18	0.81
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD21	5	0.81
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD22	5	0.81
(4,3966)	1:147:A:GLN:HE21	1:148:A:THR:H	3	0.81
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG11	2	0.81
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG12	2	0.81
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG13	2	0.81
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG21	2	0.81
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG22	2	0.81
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG23	2	0.81
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG11	2	0.81
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG12	2	0.81
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG13	2	0.81
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG21	2	0.81
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG22	2	0.81
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG23	2	0.81
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG11	2	0.81
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG12	2	0.81
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG13	2	0.81
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG21	2	0.81
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG22	2	0.81
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG23	2	0.81
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:H	13	0.81
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:H	13	0.81
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	10	0.81
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	10	0.81
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	10	0.81
(4,3864)	1:73:A:ILE:H	1:187:A:GLY:H	9	0.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3863)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE22	8	0.81
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD11	14	0.81
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD12	14	0.81
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD13	14	0.81
(4,3753)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:H	5	0.81
(4,3712)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD11	8	0.81
(4,3712)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD12	8	0.81
(4,3712)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD13	8	0.81
(4,3703)	1:165:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	14	0.81
(4,3703)	1:165:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	14	0.81
(4,3703)	1:165:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	14	0.81
(4,3703)	1:165:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	14	0.81
(4,3703)	1:165:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	14	0.81
(4,3703)	1:165:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	14	0.81
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG21	9	0.81
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG22	9	0.81
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG23	9	0.81
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	4	0.81
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	4	0.81
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	4	0.81
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	4	0.81
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	4	0.81
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	4	0.81
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD1	1:152:A:GLY:H	1	0.81
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD2	1:152:A:GLY:H	1	0.81
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG2	1:125:A:SER:H	18	0.81
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG3	1:125:A:SER:H	18	0.81
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD11	19	0.81
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD12	19	0.81
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD13	19	0.81
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD11	19	0.81
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD12	19	0.81
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD13	19	0.81
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD11	8	0.81
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD12	8	0.81
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD13	8	0.81
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD21	8	0.81
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD22	8	0.81
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD23	8	0.81
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD11	1:51:A:PRO:HB3	16	0.81
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD12	1:51:A:PRO:HB3	16	0.81
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD13	1:51:A:PRO:HB3	16	0.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD21	1:51:A:PRO:HB3	16	0.81
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD22	1:51:A:PRO:HB3	16	0.81
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD23	1:51:A:PRO:HB3	16	0.81
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD1	1:179:A:GLU:H	18	0.81
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD2	1:179:A:GLU:H	18	0.81
(4,3213)	1:29:A:ASN:H	1:31:A:TRP:HE1	9	0.81
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD2	1:128:A:ARG:H	9	0.81
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD3	1:128:A:ARG:H	9	0.81
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD11	4	0.81
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD12	4	0.81
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD13	4	0.81
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD21	4	0.81
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD22	4	0.81
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD23	4	0.81
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD1	17	0.81
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD2	17	0.81
(4,3051)	1:163:A:THR:HA	1:165:A:LEU:HB3	14	0.81
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD11	17	0.81
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD12	17	0.81
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD13	17	0.81
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD21	17	0.81
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD22	17	0.81
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD23	17	0.81
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD11	17	0.81
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD12	17	0.81
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD13	17	0.81
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD21	17	0.81
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD22	17	0.81
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD23	17	0.81
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD1	2	0.81
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD2	2	0.81
(4,2752)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD21	20	0.81
(4,2752)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD22	20	0.81
(4,2752)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD23	20	0.81
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB1	7	0.81
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB2	7	0.81
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB3	7	0.81
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB1	7	0.81
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB2	7	0.81
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB3	7	0.81
(4,2704)	1:146:A:VAL:HB	1:148:A:THR:H	11	0.81
(4,2696)	1:31:A:TRP:H	1:31:A:TRP:HE1	4	0.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2654)	1:97:A:HIS:H	1:169:A:THR:HG1	19	0.81
(4,2603)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HD1	6	0.81
(4,2603)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HD2	6	0.81
(4,2564)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:H	4	0.81
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HB	2	0.81
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HB	2	0.81
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HB	2	0.81
(4,2431)	1:161:A:ALA:H	1:162:A:ASP:H	2	0.81
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	6	0.81
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	6	0.81
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	6	0.81
(4,2343)	1:73:A:ILE:H	1:186:A:SER:H	4	0.81
(4,2343)	1:73:A:ILE:H	1:186:A:SER:H	16	0.81
(4,2263)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:H	11	0.81
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD21	1	0.81
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD22	1	0.81
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD23	1	0.81
(4,2241)	1:150:A:SER:HA	1:152:A:GLY:H	2	0.81
(4,2183)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HD1	1	0.81
(4,2183)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HD2	1	0.81
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD1	7	0.81
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD2	7	0.81
(4,2151)	1:45:A:LEU:HB2	1:48:A:LEU:H	3	0.81
(4,2151)	1:45:A:LEU:HB3	1:48:A:LEU:H	3	0.81
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HB	10	0.81
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HB	10	0.81
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HB	10	0.81
(4,2098)	1:25:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	11	0.81
(4,2098)	1:25:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	11	0.81
(4,2098)	1:25:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	11	0.81
(4,2074)	1:45:A:LEU:HD21	1:202:A:ILE:H	9	0.81
(4,2074)	1:45:A:LEU:HD22	1:202:A:ILE:H	9	0.81
(4,2074)	1:45:A:LEU:HD23	1:202:A:ILE:H	9	0.81
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG21	1:98:A:SER:H	3	0.81
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG22	1:98:A:SER:H	3	0.81
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG23	1:98:A:SER:H	3	0.81
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB2	1:83:A:LYS:HG2	17	0.81
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB3	1:83:A:LYS:HG2	17	0.81
(4,2005)	1:147:A:GLN:HE22	1:148:A:THR:H	20	0.81
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD2	1:217:A:ASN:HD22	15	0.81
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD3	1:217:A:ASN:HD22	15	0.81
(4,1926)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD21	14	0.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1926)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD22	14	0.81
(4,1926)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD23	14	0.81
(4,1914)	1:19:A:THR:HG21	1:32:A:ALA:H	2	0.81
(4,1914)	1:19:A:THR:HG22	1:32:A:ALA:H	2	0.81
(4,1914)	1:19:A:THR:HG23	1:32:A:ALA:H	2	0.81
(4,1880)	1:207:A:VAL:HB	1:211:A:VAL:H	5	0.81
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD11	1	0.81
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD12	1	0.81
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD13	1	0.81
(4,1820)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA3	5	0.81
(4,1807)	1:81:A:TRP:HE1	1:82:A:PHE:H	2	0.81
(4,1733)	1:39:A:LEU:HG	1:41:A:GLU:H	19	0.81
(4,1696)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:HG21	18	0.81
(4,1696)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:HG22	18	0.81
(4,1696)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:HG23	18	0.81
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG11	1:173:A:GLU:H	1	0.81
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG12	1:173:A:GLU:H	1	0.81
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG13	1:173:A:GLU:H	1	0.81
(4,1603)	1:97:A:HIS:HD1	1:182:A:GLY:H	19	0.81
(4,1573)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB3	17	0.81
(4,1544)	1:172:A:GLU:HB2	1:177:A:ILE:H	7	0.81
(4,1493)	1:83:A:LYS:HG2	1:85:A:SER:H	4	0.81
(4,1493)	1:83:A:LYS:HG2	1:85:A:SER:H	13	0.81
(4,1113)	1:233:A:PRO:HA	1:235:A:TRP:H	1	0.81
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD11	4	0.81
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD12	4	0.81
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD13	4	0.81
(4,1037)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:HA	10	0.81
(4,1006)	1:17:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:H	20	0.81
(4,1006)	1:17:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:H	20	0.81
(4,1006)	1:17:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:H	20	0.81
(4,1006)	1:17:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:H	20	0.81
(4,1006)	1:17:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:H	20	0.81
(4,1006)	1:17:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:H	20	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD11	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD12	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD13	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD21	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD22	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD23	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD11	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD12	8	0.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD13	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD21	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD22	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD23	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD11	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD12	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD13	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD21	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD22	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD23	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD11	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD12	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD13	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD21	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD22	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD23	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD11	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD12	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD13	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD21	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD22	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD23	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD11	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD12	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD13	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD21	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD22	8	0.81
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD23	8	0.81
(4,995)	1:34:A:PHE:HB2	1:36:A:ILE:H	9	0.81
(4,995)	1:34:A:PHE:HB3	1:36:A:ILE:H	9	0.81
(4,958)	1:31:A:TRP:HA	1:231:A:LEU:HD11	10	0.81
(4,958)	1:31:A:TRP:HA	1:231:A:LEU:HD12	10	0.81
(4,958)	1:31:A:TRP:HA	1:231:A:LEU:HD13	10	0.81
(4,958)	1:31:A:TRP:HA	1:231:A:LEU:HD21	10	0.81
(4,958)	1:31:A:TRP:HA	1:231:A:LEU:HD22	10	0.81
(4,958)	1:31:A:TRP:HA	1:231:A:LEU:HD23	10	0.81
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD2	5	0.81
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD3	5	0.81
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD2	11	0.81
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD3	11	0.81
(4,887)	1:100:A:SER:HB2	1:127:A:ASN:HA	12	0.81
(4,887)	1:100:A:SER:HB3	1:127:A:ASN:HA	12	0.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG21	17	0.81
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG22	17	0.81
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG23	17	0.81
(4,829)	1:73:A:ILE:HD11	1:187:A:GLY:H	8	0.81
(4,829)	1:73:A:ILE:HD12	1:187:A:GLY:H	8	0.81
(4,829)	1:73:A:ILE:HD13	1:187:A:GLY:H	8	0.81
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD11	4	0.81
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD12	4	0.81
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD13	4	0.81
(4,685)	1:79:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	6	0.81
(4,685)	1:79:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	6	0.81
(4,685)	1:79:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	6	0.81
(4,685)	1:79:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	18	0.81
(4,685)	1:79:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	18	0.81
(4,685)	1:79:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	18	0.81
(4,682)	1:15:A:PRO:HG3	1:35:A:ASP:H	12	0.81
(4,658)	1:76:A:SER:H	1:188:A:PRO:HG3	14	0.81
(4,658)	1:76:A:SER:H	1:188:A:PRO:HG3	15	0.81
(4,632)	1:82:A:PHE:HD1	1:100:A:SER:H	6	0.81
(4,632)	1:82:A:PHE:HD2	1:100:A:SER:H	6	0.81
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD1	18	0.81
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD2	18	0.81
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD21	1	0.81
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD22	1	0.81
(4,387)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:HG2	19	0.81
(4,387)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:HG3	19	0.81
(4,387)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:HG2	19	0.81
(4,387)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:HG3	19	0.81
(4,387)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:HG2	19	0.81
(4,387)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:HG3	19	0.81
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD11	3	0.81
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD12	3	0.81
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD13	3	0.81
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD21	3	0.81
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD22	3	0.81
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD23	3	0.81
(4,347)	1:39:A:LEU:HD11	1:55:A:ILE:CD1	16	0.81
(4,347)	1:39:A:LEU:HD12	1:55:A:ILE:CD1	16	0.81
(4,347)	1:39:A:LEU:HD13	1:55:A:ILE:CD1	16	0.81
(4,347)	1:39:A:LEU:HD21	1:55:A:ILE:CD1	16	0.81
(4,347)	1:39:A:LEU:HD22	1:55:A:ILE:CD1	16	0.81
(4,347)	1:39:A:LEU:HD23	1:55:A:ILE:CD1	16	0.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,345)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HB2	16	0.81
(4,345)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HB3	16	0.81
(4,203)	1:110:A:SER:HG	1:114:A:ASN:H	16	0.81
(4,170)	1:61:A:ILE:HD11	1:166:A:HIS:H	9	0.81
(4,170)	1:61:A:ILE:HD12	1:166:A:HIS:H	9	0.81
(4,170)	1:61:A:ILE:HD13	1:166:A:HIS:H	9	0.81
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG21	15	0.81
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG22	15	0.81
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG23	15	0.81
(4,33)	1:72:A:GLN:HG2	1:74:A:THR:H	17	0.81
(4,33)	1:72:A:GLN:HG3	1:74:A:THR:H	17	0.81
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD21	17	0.81
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD22	17	0.81
(2,446)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	13	0.81
(1,527)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	15	0.81
(5,679)	1:5:A:ASN:ND2	1:212:A:ALA:H	3	0.8
(5,632)	1:5:A:ASN:ND2	1:97:A:HIS:H	16	0.8
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG2	20	0.8
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG3	20	0.8
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE2	1:217:A:ASN:HA	4	0.8
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE3	1:217:A:ASN:HA	4	0.8
(4,4179)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:HD1	14	0.8
(4,4175)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:HB2	2	0.8
(4,4175)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:HB3	2	0.8
(4,4157)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:H	8	0.8
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:H	1	0.8
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:H	1	0.8
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:H	1	0.8
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:H	1	0.8
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:H	1	0.8
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:H	1	0.8
(4,4070)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:H	19	0.8
(4,4069)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:H	14	0.8
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	3	0.8
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	3	0.8
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	3	0.8
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	3	0.8
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	3	0.8
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	3	0.8
(4,4029)	1:208:A:ARG:H	1:209:A:VAL:HB	3	0.8
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD1	3	0.8
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD2	3	0.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD1	10	0.8
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD2	10	0.8
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD21	17	0.8
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD22	17	0.8
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD21	17	0.8
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD22	17	0.8
(4,3933)	1:19:A:THR:HG1	1:22:A:ALA:H	7	0.8
(4,3872)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HE1	16	0.8
(4,3839)	1:97:A:HIS:HD1	1:169:A:THR:HG1	8	0.8
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HG3	14	0.8
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HG3	14	0.8
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HG3	14	0.8
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:HA	16	0.8
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:HA	16	0.8
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:HA	16	0.8
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:HA	16	0.8
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:HA	16	0.8
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:HA	16	0.8
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	5	0.8
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	5	0.8
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	5	0.8
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG21	12	0.8
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG22	12	0.8
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG23	12	0.8
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD11	2	0.8
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD12	2	0.8
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD13	2	0.8
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:H	2	0.8
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:H	2	0.8
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:H	2	0.8
(4,3431)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HZ2	11	0.8
(4,3394)	1:90:A:CYS:HB2	1:167:A:TYR:H	1	0.8
(4,3394)	1:90:A:CYS:HB3	1:167:A:TYR:H	1	0.8
(4,3355)	1:54:A:ALA:HA	1:170:A:TYR:H	2	0.8
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD1	4	0.8
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD2	4	0.8
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB1	13	0.8
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB2	13	0.8
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB3	13	0.8
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB1	13	0.8
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB2	13	0.8
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB3	13	0.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB1	13	0.8
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB2	13	0.8
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB3	13	0.8
(4,3300)	1:163:A:THR:HG21	1:166:A:HIS:HA	20	0.8
(4,3300)	1:163:A:THR:HG22	1:166:A:HIS:HA	20	0.8
(4,3300)	1:163:A:THR:HG23	1:166:A:HIS:HA	20	0.8
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG21	17	0.8
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG22	17	0.8
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG23	17	0.8
(4,3160)	1:64:A:ASP:HB2	1:66:A:LYS:H	15	0.8
(4,3160)	1:64:A:ASP:HB3	1:66:A:LYS:H	15	0.8
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD1	17	0.8
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD2	17	0.8
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD1	17	0.8
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD2	17	0.8
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD1	17	0.8
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD2	17	0.8
(4,3062)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HB3	5	0.8
(4,3032)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE22	10	0.8
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD21	2	0.8
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD22	2	0.8
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD23	2	0.8
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	8	0.8
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	8	0.8
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	8	0.8
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HB2	15	0.8
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HB3	15	0.8
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HB2	15	0.8
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HB3	15	0.8
(4,2828)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:H	12	0.8
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB2	1:8:A:VAL:H	5	0.8
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB3	1:8:A:VAL:H	5	0.8
(4,2699)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:H	16	0.8
(4,2699)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:H	16	0.8
(4,2634)	1:214:A:TYR:H	1:217:A:ASN:H	6	0.8
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD1	19	0.8
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD2	19	0.8
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	7	0.8
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	7	0.8
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	7	0.8
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB1	1:215:A:MET:HB2	7	0.8
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB2	1:215:A:MET:HB2	7	0.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB3	1:215:A:MET:HB2	7	0.8
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD11	5	0.8
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD12	5	0.8
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD13	5	0.8
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD21	5	0.8
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD22	5	0.8
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD23	5	0.8
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD21	1	0.8
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD22	1	0.8
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD23	1	0.8
(4,2405)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HA	17	0.8
(4,2405)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HA	17	0.8
(4,2391)	1:133:A:THR:H	1:135:A:ASP:HB2	6	0.8
(4,2391)	1:133:A:THR:H	1:135:A:ASP:HB3	6	0.8
(4,2384)	1:23:A:HIS:H	1:24:A:LYS:HG2	8	0.8
(4,2384)	1:23:A:HIS:H	1:24:A:LYS:HG3	8	0.8
(4,2384)	1:23:A:HIS:H	1:24:A:LYS:HG2	19	0.8
(4,2384)	1:23:A:HIS:H	1:24:A:LYS:HG3	19	0.8
(4,2372)	1:146:A:VAL:HA	1:148:A:THR:HA	13	0.8
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD21	9	0.8
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD22	9	0.8
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD23	9	0.8
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD21	1:104:A:SER:H	4	0.8
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD22	1:104:A:SER:H	4	0.8
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:H	16	0.8
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:H	16	0.8
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:H	16	0.8
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD2	10	0.8
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD3	10	0.8
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD2	10	0.8
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD3	10	0.8
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG11	19	0.8
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG12	19	0.8
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG13	19	0.8
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG21	19	0.8
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG22	19	0.8
(4,2157)	1:5:A:ASN:HD21	1:86:A:VAL:HG23	19	0.8
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD1	5	0.8
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD2	5	0.8
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD1	5	0.8
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD2	5	0.8
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD1	5	0.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD2	5	0.8
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:CD1	9	0.8
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:CD1	9	0.8
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:CD1	9	0.8
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:CD1	9	0.8
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:CD1	9	0.8
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:CD1	9	0.8
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG12	1:166:A:HIS:H	20	0.8
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG13	1:166:A:HIS:H	20	0.8
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:H	3	0.8
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:H	3	0.8
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:H	3	0.8
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	5	0.8
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	5	0.8
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	5	0.8
(4,1833)	1:145:A:ASN:H	1:147:A:GLN:HG2	9	0.8
(4,1833)	1:145:A:ASN:H	1:147:A:GLN:HG3	9	0.8
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD21	2	0.8
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD22	2	0.8
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD23	2	0.8
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD21	10	0.8
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD22	10	0.8
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD23	10	0.8
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG21	1:215:A:MET:H	19	0.8
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG22	1:215:A:MET:H	19	0.8
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG23	1:215:A:MET:H	19	0.8
(4,1769)	1:5:A:ASN:HD22	1:6:A:ARG:H	2	0.8
(4,1767)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HB2	16	0.8
(4,1767)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HB3	16	0.8
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	14	0.8
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	14	0.8
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	14	0.8
(4,1651)	1:59:A:PHE:H	1:165:A:LEU:HB2	1	0.8
(4,1626)	1:95:A:ILE:H	1:98:A:SER:HG	10	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD11	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD12	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD13	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD21	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD22	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD23	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD11	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD12	2	0.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD13	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD21	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD22	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD23	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD11	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD12	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD13	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD21	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD22	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD23	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD11	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD12	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD13	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD21	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD22	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD23	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD11	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD12	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD13	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD21	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD22	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD23	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD11	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD12	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD13	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD21	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD22	2	0.8
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD23	2	0.8
(4,1480)	1:177:A:ILE:HD11	1:206:A:LEU:HB3	18	0.8
(4,1480)	1:177:A:ILE:HD12	1:206:A:LEU:HB3	18	0.8
(4,1480)	1:177:A:ILE:HD13	1:206:A:LEU:HB3	18	0.8
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG21	1:153:A:GLN:HE21	6	0.8
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG22	1:153:A:GLN:HE21	6	0.8
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG23	1:153:A:GLN:HE21	6	0.8
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD11	3	0.8
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD12	3	0.8
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD13	3	0.8
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB2	1:206:A:LEU:HD21	7	0.8
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB2	1:206:A:LEU:HD22	7	0.8
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB2	1:206:A:LEU:HD23	7	0.8
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB3	1:206:A:LEU:HD21	7	0.8
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB3	1:206:A:LEU:HD22	7	0.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB3	1:206:A:LEU:HD23	7	0.8
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD1	10	0.8
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD2	10	0.8
(4,1292)	1:98:A:SER:HB2	1:102:A:ASN:HD21	9	0.8
(4,1292)	1:98:A:SER:HB2	1:102:A:ASN:HD22	9	0.8
(4,1292)	1:98:A:SER:HB3	1:102:A:ASN:HD21	9	0.8
(4,1292)	1:98:A:SER:HB3	1:102:A:ASN:HD22	9	0.8
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB1	17	0.8
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB2	17	0.8
(4,1256)	1:155:A:GLU:H	1:161:A:ALA:HB3	17	0.8
(4,1224)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:H	20	0.8
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB1	7	0.8
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB2	7	0.8
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB3	7	0.8
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB1	7	0.8
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB2	7	0.8
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB3	7	0.8
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB1	7	0.8
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB2	7	0.8
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB3	7	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD11	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD12	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD13	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD21	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD22	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD23	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD11	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD12	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD13	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD21	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD22	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD23	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD11	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD12	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD13	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD21	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD22	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD23	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD11	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD12	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD13	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD21	6	0.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD22	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD23	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD11	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD12	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD13	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD21	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD22	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD23	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD11	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD12	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD13	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD21	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD22	6	0.8
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD23	6	0.8
(4,995)	1:34:A:PHE:HB2	1:36:A:ILE:H	20	0.8
(4,995)	1:34:A:PHE:HB3	1:36:A:ILE:H	20	0.8
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD2	13	0.8
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD3	13	0.8
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD21	4	0.8
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD22	4	0.8
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD23	4	0.8
(4,853)	1:76:A:SER:HA	1:79:A:VAL:H	14	0.8
(4,823)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:H	12	0.8
(4,823)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:H	12	0.8
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD11	20	0.8
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD12	20	0.8
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD13	20	0.8
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD21	20	0.8
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD22	20	0.8
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD23	20	0.8
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD11	20	0.8
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD12	20	0.8
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD13	20	0.8
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD21	20	0.8
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD22	20	0.8
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD23	20	0.8
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD11	20	0.8
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD12	20	0.8
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD13	20	0.8
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD21	20	0.8
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD22	20	0.8
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD23	20	0.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,659)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HG	2	0.8
(4,580)	1:106:A:LEU:HB2	1:113:A:ASP:H	8	0.8
(4,580)	1:106:A:LEU:HB3	1:113:A:ASP:H	8	0.8
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD21	8	0.8
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD22	8	0.8
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD23	8	0.8
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG11	4	0.8
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG12	4	0.8
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG13	4	0.8
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG21	4	0.8
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG22	4	0.8
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG23	4	0.8
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG11	4	0.8
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG12	4	0.8
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG13	4	0.8
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG21	4	0.8
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG22	4	0.8
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG23	4	0.8
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG11	4	0.8
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG12	4	0.8
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG13	4	0.8
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG21	4	0.8
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG22	4	0.8
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG23	4	0.8
(4,500)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HB	15	0.8
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB2	9	0.8
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB3	9	0.8
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB2	9	0.8
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB3	9	0.8
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB2	9	0.8
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB3	9	0.8
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD11	11	0.8
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD12	11	0.8
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD13	11	0.8
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD11	6	0.8
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD12	6	0.8
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD13	6	0.8
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD21	6	0.8
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD22	6	0.8
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD23	6	0.8
(4,345)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HB2	1	0.8
(4,345)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HB3	1	0.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,326)	1:45:A:LEU:HB2	1:203:A:GLU:HB2	5	0.8
(4,326)	1:45:A:LEU:HB2	1:203:A:GLU:HB3	5	0.8
(4,326)	1:45:A:LEU:HB3	1:203:A:GLU:HB2	5	0.8
(4,326)	1:45:A:LEU:HB3	1:203:A:GLU:HB3	5	0.8
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB2	14	0.8
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB3	14	0.8
(4,266)	1:189:A:LEU:HB2	1:191:A:LEU:H	8	0.8
(4,266)	1:189:A:LEU:HB3	1:191:A:LEU:H	8	0.8
(4,185)	1:177:A:ILE:HG21	1:192:A:GLY:HA3	4	0.8
(4,185)	1:177:A:ILE:HG22	1:192:A:GLY:HA3	4	0.8
(4,185)	1:177:A:ILE:HG23	1:192:A:GLY:HA3	4	0.8
(4,165)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	5	0.8
(4,165)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	5	0.8
(4,165)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	5	0.8
(4,124)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG11	1	0.8
(4,124)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG12	1	0.8
(4,124)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG13	1	0.8
(4,124)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG11	1	0.8
(4,124)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG12	1	0.8
(4,124)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG13	1	0.8
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD11	16	0.8
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD12	16	0.8
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD13	16	0.8
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD21	16	0.8
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD22	16	0.8
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD23	16	0.8
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD11	16	0.8
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD12	16	0.8
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD13	16	0.8
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD21	16	0.8
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD22	16	0.8
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD23	16	0.8
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD11	16	0.8
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD12	16	0.8
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD13	16	0.8
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD21	16	0.8
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD22	16	0.8
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD23	16	0.8
(4,83)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG21	3	0.8
(4,83)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG22	3	0.8
(4,83)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG23	3	0.8
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD11	11	0.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD12	11	0.8
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD13	11	0.8
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD21	11	0.8
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD22	11	0.8
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD23	11	0.8
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD11	12	0.8
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD12	12	0.8
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD13	12	0.8
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD21	12	0.8
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD22	12	0.8
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD23	12	0.8
(3,22)	1:171:A:VAL:H	1:178:A:PHE:O	20	0.8
(3,13)	1:177:A:ILE:O	1:191:A:LEU:H	13	0.8
(2,638)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	20	0.8
(2,88)	1:104:A:SER:OG	1:106:A:LEU:H	19	0.8
(1,599)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	3	0.8
(1,165)	1:180:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	3	0.8
(1,131)	1:225:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	6	0.8
(1,83)	1:36:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	16	0.8
(5,778)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	10	0.79
(5,383)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	11	0.79
(5,327)	1:151:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	12	0.79
(5,131)	1:140:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	4	0.79
(4,4202)	1:56:A:VAL:HB	1:230:A:GLY:H	7	0.79
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	7	0.79
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	7	0.79
(4,4189)	1:56:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	7	0.79
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG2	7	0.79
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG3	7	0.79
(4,4152)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HA	20	0.79
(4,4122)	1:81:A:TRP:HH2	1:187:A:GLY:H	14	0.79
(4,4072)	1:11:A:ILE:HG21	1:13:A:SER:H	16	0.79
(4,4072)	1:11:A:ILE:HG22	1:13:A:SER:H	16	0.79
(4,4072)	1:11:A:ILE:HG23	1:13:A:SER:H	16	0.79
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB2	16	0.79
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB3	16	0.79
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB2	16	0.79
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB3	16	0.79
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB2	16	0.79
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB3	16	0.79
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB2	16	0.79
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB3	16	0.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB2	16	0.79
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB3	16	0.79
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB2	16	0.79
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB3	16	0.79
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD1	5	0.79
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD2	5	0.79
(4,3817)	1:195:A:ASP:HB2	1:204:A:GLN:HE21	11	0.79
(4,3817)	1:195:A:ASP:HB2	1:204:A:GLN:HE22	11	0.79
(4,3817)	1:195:A:ASP:HB3	1:204:A:GLN:HE21	11	0.79
(4,3817)	1:195:A:ASP:HB3	1:204:A:GLN:HE22	11	0.79
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:H	14	0.79
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:H	14	0.79
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:H	14	0.79
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	8	0.79
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	8	0.79
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:H	11	0.79
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:H	11	0.79
(4,3693)	1:52:A:VAL:HB	1:202:A:ILE:H	20	0.79
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:H	17	0.79
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:H	17	0.79
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:H	17	0.79
(4,3571)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	20	0.79
(4,3571)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	20	0.79
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	19	0.79
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	19	0.79
(4,3450)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HB2	19	0.79
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:CD1	2	0.79
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:CD1	2	0.79
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:CD1	2	0.79
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:CD1	2	0.79
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:CD1	2	0.79
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:CD1	2	0.79
(4,3344)	1:106:A:LEU:HB2	1:110:A:SER:HG	16	0.79
(4,3344)	1:106:A:LEU:HB3	1:110:A:SER:HG	16	0.79
(4,3258)	1:58:A:LEU:HA	1:165:A:LEU:HB2	1	0.79
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB2	1:236:A:GLU:H	4	0.79
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB3	1:236:A:GLU:H	4	0.79
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD2	6	0.79
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD3	6	0.79
(4,3201)	1:169:A:THR:H	1:179:A:GLU:HG2	11	0.79
(4,3201)	1:169:A:THR:H	1:179:A:GLU:HG3	11	0.79
(4,3194)	1:45:A:LEU:HD11	1:202:A:ILE:H	19	0.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3194)	1:45:A:LEU:HD12	1:202:A:ILE:H	19	0.79
(4,3194)	1:45:A:LEU:HD13	1:202:A:ILE:H	19	0.79
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD2	1:128:A:ARG:H	10	0.79
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD3	1:128:A:ARG:H	10	0.79
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB2	7	0.79
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB3	7	0.79
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB2	7	0.79
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB3	7	0.79
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB2	7	0.79
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB3	7	0.79
(4,2979)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:HB2	8	0.79
(4,2979)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:HB3	8	0.79
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HD11	8	0.79
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HD12	8	0.79
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HD13	8	0.79
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HD11	8	0.79
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HD12	8	0.79
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HD13	8	0.79
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HD11	8	0.79
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HD12	8	0.79
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HD13	8	0.79
(4,2858)	1:79:A:VAL:HB	1:127:A:ASN:HD21	9	0.79
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HB2	16	0.79
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HB3	16	0.79
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HB2	16	0.79
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HB3	16	0.79
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD1	7	0.79
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD2	7	0.79
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	15	0.79
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	15	0.79
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	15	0.79
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	15	0.79
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	15	0.79
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	15	0.79
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD11	3	0.79
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD12	3	0.79
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD13	3	0.79
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD21	3	0.79
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD22	3	0.79
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD23	3	0.79
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD11	11	0.79
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD12	11	0.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD13	11	0.79
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD21	11	0.79
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD22	11	0.79
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD23	11	0.79
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB1	13	0.79
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB2	13	0.79
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG2	1:227:A:ALA:HB3	13	0.79
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB1	13	0.79
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB2	13	0.79
(4,2709)	1:12:A:GLU:HG3	1:227:A:ALA:HB3	13	0.79
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD1	9	0.79
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD2	9	0.79
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD1	9	0.79
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD2	9	0.79
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD1	9	0.79
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD2	9	0.79
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:H	17	0.79
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:H	17	0.79
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:H	17	0.79
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:H	17	0.79
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:H	17	0.79
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:H	17	0.79
(4,2372)	1:146:A:VAL:HA	1:148:A:THR:HA	5	0.79
(4,2368)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HB3	9	0.79
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD11	1:41:A:GLU:H	14	0.79
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD12	1:41:A:GLU:H	14	0.79
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD13	1:41:A:GLU:H	14	0.79
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD21	1:226:A:PHE:H	16	0.79
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD22	1:226:A:PHE:H	16	0.79
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HG	7	0.79
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HG	7	0.79
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HG	7	0.79
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HG	7	0.79
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HG	7	0.79
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HG	7	0.79
(4,2263)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:H	1	0.79
(4,2242)	1:52:A:VAL:HB	1:55:A:ILE:HD11	7	0.79
(4,2242)	1:52:A:VAL:HB	1:55:A:ILE:HD12	7	0.79
(4,2242)	1:52:A:VAL:HB	1:55:A:ILE:HD13	7	0.79
(4,2152)	1:63:A:GLU:H	1:65:A:ARG:H	15	0.79
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD11	5	0.79
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD12	5	0.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD13	5	0.79
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD11	4	0.79
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD12	4	0.79
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD13	4	0.79
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD21	4	0.79
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD22	4	0.79
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD23	4	0.79
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD11	4	0.79
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD12	4	0.79
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD13	4	0.79
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD21	4	0.79
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD22	4	0.79
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD23	4	0.79
(4,2041)	1:95:A:ILE:HA	1:98:A:SER:HA	19	0.79
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB1	3	0.79
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB2	3	0.79
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB3	3	0.79
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB1	3	0.79
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB2	3	0.79
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB3	3	0.79
(4,1975)	1:44:A:LEU:HA	1:48:A:LEU:H	16	0.79
(4,1973)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	8	0.79
(4,1933)	1:81:A:TRP:HE1	1:187:A:GLY:H	7	0.79
(4,1905)	1:213:A:SER:H	1:214:A:TYR:HE1	1	0.79
(4,1905)	1:213:A:SER:H	1:214:A:TYR:HE2	1	0.79
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE1	5	0.79
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE2	5	0.79
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE1	5	0.79
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE2	5	0.79
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE1	5	0.79
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE2	5	0.79
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:H	10	0.79
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:H	10	0.79
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:H	10	0.79
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD2	15	0.79
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD3	15	0.79
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD2	15	0.79
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD3	15	0.79
(4,1708)	1:45:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:CD2	19	0.79
(4,1708)	1:45:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:CD2	19	0.79
(4,1708)	1:45:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:CD2	19	0.79
(4,1708)	1:45:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:CD2	19	0.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1708)	1:45:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:CD2	19	0.79
(4,1708)	1:45:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:CD2	19	0.79
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB1	16	0.79
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB2	16	0.79
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB3	16	0.79
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB1	16	0.79
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB2	16	0.79
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB3	16	0.79
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB1	16	0.79
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB2	16	0.79
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB3	16	0.79
(4,1626)	1:95:A:ILE:H	1:98:A:SER:HG	13	0.79
(4,1577)	1:55:A:ILE:H	1:172:A:GLU:H	4	0.79
(4,1510)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HG2	7	0.79
(4,1510)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HG3	7	0.79
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD11	17	0.79
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD12	17	0.79
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD13	17	0.79
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG21	10	0.79
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG22	10	0.79
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG23	10	0.79
(4,1349)	1:169:A:THR:HB	1:180:A:LEU:H	11	0.79
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD11	16	0.79
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD12	16	0.79
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD13	16	0.79
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD21	16	0.79
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD22	16	0.79
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD23	16	0.79
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG21	15	0.79
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG22	15	0.79
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG23	15	0.79
(4,1187)	1:82:A:PHE:HE1	1:100:A:SER:H	2	0.79
(4,1187)	1:82:A:PHE:HE2	1:100:A:SER:H	2	0.79
(4,1184)	1:97:A:HIS:HD1	1:169:A:THR:H	8	0.79
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD21	11	0.79
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD22	11	0.79
(4,1120)	1:27:A:LEU:H	1:107:A:GLU:H	2	0.79
(4,1092)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:H	19	0.79
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE1	20	0.79
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE2	20	0.79
(4,1004)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:H	10	0.79
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD11	7	0.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD12	7	0.79
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD13	7	0.79
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD11	7	0.79
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD12	7	0.79
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD13	7	0.79
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD11	9	0.79
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD12	9	0.79
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD13	9	0.79
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD11	9	0.79
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD12	9	0.79
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD13	9	0.79
(4,950)	1:58:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:H	7	0.79
(4,950)	1:58:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:H	7	0.79
(4,950)	1:58:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:H	7	0.79
(4,950)	1:58:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:H	7	0.79
(4,950)	1:58:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:H	7	0.79
(4,950)	1:58:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:H	7	0.79
(4,940)	1:153:A:GLN:HE21	1:154:A:SER:HA	17	0.79
(4,910)	1:78:A:ASP:H	1:174:A:ASN:HD22	8	0.79
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG2	16	0.79
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG3	16	0.79
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG2	16	0.79
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG3	16	0.79
(4,851)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE21	1	0.79
(4,851)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE21	1	0.79
(4,851)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE21	1	0.79
(4,851)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE21	1	0.79
(4,851)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE21	1	0.79
(4,851)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE21	1	0.79
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD11	11	0.79
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD12	11	0.79
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD13	11	0.79
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD21	11	0.79
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD22	11	0.79
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD23	11	0.79
(4,823)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:H	13	0.79
(4,823)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:H	13	0.79
(4,823)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:H	19	0.79
(4,823)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:H	19	0.79
(4,819)	1:149:A:PHE:HA	1:151:A:THR:HA	1	0.79
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB1	1	0.79
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB2	1	0.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB3	1	0.79
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG2	13	0.79
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG3	13	0.79
(4,714)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:HD1	13	0.79
(4,714)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:HD2	13	0.79
(4,714)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:HD1	13	0.79
(4,714)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:HD2	13	0.79
(4,714)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:HD1	13	0.79
(4,714)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:HD2	13	0.79
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG21	9	0.79
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG22	9	0.79
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG23	9	0.79
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	18	0.79
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	18	0.79
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	18	0.79
(4,629)	1:57:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:H	18	0.79
(4,629)	1:57:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:H	18	0.79
(4,629)	1:57:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:H	18	0.79
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD1	3	0.79
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD2	3	0.79
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD1	3	0.79
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD2	3	0.79
(4,498)	1:73:A:ILE:HB	1:188:A:PRO:HG2	5	0.79
(4,498)	1:73:A:ILE:HB	1:188:A:PRO:HG3	5	0.79
(4,455)	1:86:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD21	15	0.79
(4,455)	1:86:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HD22	15	0.79
(4,455)	1:86:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD21	15	0.79
(4,455)	1:86:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HD22	15	0.79
(4,455)	1:86:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD21	15	0.79
(4,455)	1:86:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HD22	15	0.79
(4,455)	1:86:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD21	15	0.79
(4,455)	1:86:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HD22	15	0.79
(4,455)	1:86:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD21	15	0.79
(4,455)	1:86:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HD22	15	0.79
(4,455)	1:86:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD21	15	0.79
(4,455)	1:86:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HD22	15	0.79
(4,438)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HB2	10	0.79
(4,438)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HB3	10	0.79
(4,387)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:HG2	2	0.79
(4,387)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:HG3	2	0.79
(4,387)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:HG2	2	0.79
(4,387)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:HG3	2	0.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,387)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:HG2	2	0.79
(4,387)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:HG3	2	0.79
(4,387)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:HG2	4	0.79
(4,387)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:HG3	4	0.79
(4,387)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:HG2	4	0.79
(4,387)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:HG3	4	0.79
(4,387)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:HG2	4	0.79
(4,387)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:HG3	4	0.79
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE1	14	0.79
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE2	14	0.79
(4,360)	1:231:A:LEU:HD11	1:234:A:ASN:H	5	0.79
(4,360)	1:231:A:LEU:HD12	1:234:A:ASN:H	5	0.79
(4,360)	1:231:A:LEU:HD13	1:234:A:ASN:H	5	0.79
(4,360)	1:231:A:LEU:HD21	1:234:A:ASN:H	5	0.79
(4,360)	1:231:A:LEU:HD22	1:234:A:ASN:H	5	0.79
(4,360)	1:231:A:LEU:HD23	1:234:A:ASN:H	5	0.79
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD11	6	0.79
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD12	6	0.79
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD13	6	0.79
(4,296)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD21	2	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD11	16	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD12	16	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD13	16	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD21	16	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD22	16	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD23	16	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD11	16	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD12	16	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD13	16	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD21	16	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD22	16	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD23	16	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD11	19	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD12	19	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD13	19	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD21	19	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD22	19	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD23	19	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD11	19	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD12	19	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD13	19	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD21	19	0.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD22	19	0.79
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD23	19	0.79
(4,241)	1:59:A:PHE:HD1	1:226:A:PHE:HB2	14	0.79
(4,241)	1:59:A:PHE:HD2	1:226:A:PHE:HB2	14	0.79
(4,158)	1:100:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	19	0.79
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG21	12	0.79
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG22	12	0.79
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG23	12	0.79
(4,50)	1:25:A:LEU:HA	1:111:A:ASP:HA	9	0.79
(3,19)	1:55:A:ILE:H	1:170:A:TYR:O	12	0.79
(3,18)	1:32:A:ALA:O	1:232:A:GLY:H	9	0.79
(3,18)	1:32:A:ALA:O	1:232:A:GLY:H	20	0.79
(3,15)	1:169:A:THR:O	1:180:A:LEU:H	7	0.79
(3,3)	1:179:A:GLU:O	1:189:A:LEU:H	20	0.79
(1,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	1	0.79
(1,472)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	15	0.79
(1,398)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	15	0.79
(1,356)	1:5:A:ASN:ND2	1:36:A:ILE:H	14	0.79
(1,28)	1:104:A:SER:OG	1:171:A:VAL:H	11	0.79
(5,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	17	0.78
(5,427)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	12	0.78
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:H	17	0.78
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:H	17	0.78
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:H	17	0.78
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG11	1:230:A:GLY:H	17	0.78
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG12	1:230:A:GLY:H	17	0.78
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG13	1:230:A:GLY:H	17	0.78
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE2	1:217:A:ASN:HA	7	0.78
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE3	1:217:A:ASN:HA	7	0.78
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:H	16	0.78
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:H	16	0.78
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:H	16	0.78
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB1	18	0.78
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB2	18	0.78
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB3	18	0.78
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	11	0.78
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	11	0.78
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	11	0.78
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	11	0.78
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	11	0.78
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	11	0.78
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	11	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	11	0.78
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	11	0.78
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	11	0.78
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	11	0.78
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	11	0.78
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB2	11	0.78
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB2	11	0.78
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB2	11	0.78
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD21	1:187:A:GLY:H	10	0.78
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD22	1:187:A:GLY:H	10	0.78
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD23	1:187:A:GLY:H	10	0.78
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD21	1:187:A:GLY:H	12	0.78
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD22	1:187:A:GLY:H	12	0.78
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD23	1:187:A:GLY:H	12	0.78
(4,4047)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:H	16	0.78
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB3	15	0.78
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB3	15	0.78
(4,4036)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD21	19	0.78
(4,4031)	1:181:A:ASP:HB2	1:184:A:ASN:HA	6	0.78
(4,4031)	1:181:A:ASP:HB3	1:184:A:ASN:HA	6	0.78
(4,4030)	1:125:A:SER:HA	1:127:A:ASN:H	5	0.78
(4,4030)	1:125:A:SER:HA	1:127:A:ASN:H	15	0.78
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB2	17	0.78
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB3	17	0.78
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB2	17	0.78
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB3	17	0.78
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB2	17	0.78
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB3	17	0.78
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB2	17	0.78
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB3	17	0.78
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB2	17	0.78
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB3	17	0.78
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB2	17	0.78
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB3	17	0.78
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD11	6	0.78
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD12	6	0.78
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD13	6	0.78
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD11	6	0.78
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD12	6	0.78
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD13	6	0.78
(4,3979)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:HA	5	0.78
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD2	1:214:A:TYR:HA	9	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD3	1:214:A:TYR:HA	9	0.78
(4,3933)	1:19:A:THR:HG1	1:22:A:ALA:H	11	0.78
(4,3673)	1:98:A:SER:H	1:99:A:LEU:HB3	12	0.78
(4,3466)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HE21	12	0.78
(4,3466)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HE22	12	0.78
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HD11	17	0.78
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HD12	17	0.78
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HD13	17	0.78
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HD11	17	0.78
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HD12	17	0.78
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HD13	17	0.78
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HD11	17	0.78
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HD12	17	0.78
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HD13	17	0.78
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD1	1:179:A:GLU:H	8	0.78
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD2	1:179:A:GLU:H	8	0.78
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD11	14	0.78
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD12	14	0.78
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD13	14	0.78
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD11	14	0.78
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD12	14	0.78
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD13	14	0.78
(4,3190)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HB	7	0.78
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD2	1:128:A:ARG:H	7	0.78
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD3	1:128:A:ARG:H	7	0.78
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD1	9	0.78
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD2	9	0.78
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:H	7	0.78
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:H	7	0.78
(4,3048)	1:179:A:GLU:HB2	1:189:A:LEU:H	13	0.78
(4,3048)	1:179:A:GLU:HB3	1:189:A:LEU:H	13	0.78
(4,3042)	1:162:A:ASP:H	1:164:A:ASN:H	15	0.78
(4,3039)	1:77:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD21	5	0.78
(4,3024)	1:204:A:GLN:HE21	1:205:A:GLU:H	16	0.78
(4,3024)	1:204:A:GLN:HE22	1:205:A:GLU:H	16	0.78
(4,2998)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HA	18	0.78
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD11	1:107:A:GLU:H	5	0.78
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD12	1:107:A:GLU:H	5	0.78
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD13	1:107:A:GLU:H	5	0.78
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD21	1:107:A:GLU:H	5	0.78
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD22	1:107:A:GLU:H	5	0.78
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD23	1:107:A:GLU:H	5	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG11	4	0.78
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG12	4	0.78
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG13	4	0.78
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD21	9	0.78
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD22	9	0.78
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD21	9	0.78
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD22	9	0.78
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	20	0.78
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	20	0.78
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	20	0.78
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD11	9	0.78
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD12	9	0.78
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD13	9	0.78
(4,2736)	1:160:A:THR:H	1:162:A:ASP:H	15	0.78
(4,2634)	1:214:A:TYR:H	1:217:A:ASN:H	9	0.78
(4,2634)	1:214:A:TYR:H	1:217:A:ASN:H	14	0.78
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD11	1:144:A:GLU:H	3	0.78
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD12	1:144:A:GLU:H	3	0.78
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD13	1:144:A:GLU:H	3	0.78
(4,2604)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:H	8	0.78
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:H	19	0.78
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:H	19	0.78
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:H	19	0.78
(4,2520)	1:73:A:ILE:HB	1:75:A:SER:H	14	0.78
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG21	1:13:A:SER:HA	9	0.78
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG22	1:13:A:SER:HA	9	0.78
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG23	1:13:A:SER:HA	9	0.78
(4,2288)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	11	0.78
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:H	13	0.78
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:H	13	0.78
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:H	13	0.78
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:H	13	0.78
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:H	13	0.78
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:H	13	0.78
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD21	12	0.78
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD22	12	0.78
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD23	12	0.78
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG12	3	0.78
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG13	3	0.78
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG12	3	0.78
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG13	3	0.78
(4,2182)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HB2	14	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG21	7	0.78
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG22	7	0.78
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG23	7	0.78
(4,2079)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HG	7	0.78
(4,1880)	1:207:A:VAL:HB	1:211:A:VAL:H	8	0.78
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:H	13	0.78
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:H	13	0.78
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:H	13	0.78
(4,1809)	1:81:A:TRP:HZ2	1:184:A:ASN:H	16	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD11	9	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD12	9	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD13	9	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD21	9	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD22	9	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD23	9	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD11	9	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD12	9	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD13	9	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD21	9	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD22	9	0.78
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD23	9	0.78
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:H	4	0.78
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:H	4	0.78
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:H	4	0.78
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG11	1:173:A:GLU:H	10	0.78
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG12	1:173:A:GLU:H	10	0.78
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG13	1:173:A:GLU:H	10	0.78
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB2	1	0.78
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB3	1	0.78
(4,1577)	1:55:A:ILE:H	1:172:A:GLU:H	3	0.78
(4,1573)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB3	8	0.78
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD1	1:215:A:MET:H	3	0.78
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD2	1:215:A:MET:H	3	0.78
(4,1458)	1:179:A:GLU:H	1:180:A:LEU:HD11	2	0.78
(4,1458)	1:179:A:GLU:H	1:180:A:LEU:HD12	2	0.78
(4,1458)	1:179:A:GLU:H	1:180:A:LEU:HD13	2	0.78
(4,1458)	1:179:A:GLU:H	1:180:A:LEU:HD21	2	0.78
(4,1458)	1:179:A:GLU:H	1:180:A:LEU:HD22	2	0.78
(4,1458)	1:179:A:GLU:H	1:180:A:LEU:HD23	2	0.78
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HG3	19	0.78
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HG3	19	0.78
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HG3	19	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG2	18	0.78
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG3	18	0.78
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD11	14	0.78
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD12	14	0.78
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD13	14	0.78
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG21	3	0.78
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG22	3	0.78
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG23	3	0.78
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG21	3	0.78
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG22	3	0.78
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG23	3	0.78
(4,1349)	1:169:A:THR:HB	1:180:A:LEU:H	1	0.78
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE2	11	0.78
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE3	11	0.78
(4,1134)	1:151:A:THR:H	1:152:A:GLY:H	11	0.78
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG11	1:12:A:GLU:H	16	0.78
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG12	1:12:A:GLU:H	16	0.78
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG13	1:12:A:GLU:H	16	0.78
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:GLU:H	16	0.78
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:GLU:H	16	0.78
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:GLU:H	16	0.78
(4,1104)	1:195:A:ASP:H	1:207:A:VAL:H	20	0.78
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD2	1:146:A:VAL:HB	8	0.78
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD3	1:146:A:VAL:HB	8	0.78
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE1	12	0.78
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE2	12	0.78
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD11	18	0.78
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD12	18	0.78
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD13	18	0.78
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD11	18	0.78
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD12	18	0.78
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD13	18	0.78
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB2	14	0.78
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB3	14	0.78
(4,946)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:H	4	0.78
(4,946)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:H	9	0.78
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD1	15	0.78
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD2	15	0.78
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD21	8	0.78
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD22	8	0.78
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD23	8	0.78
(4,856)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HB2	14	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,856)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HB3	14	0.78
(4,831)	1:203:A:GLU:HB2	1:204:A:GLN:HG2	13	0.78
(4,831)	1:203:A:GLU:HB2	1:204:A:GLN:HG3	13	0.78
(4,831)	1:203:A:GLU:HB3	1:204:A:GLN:HG2	13	0.78
(4,831)	1:203:A:GLU:HB3	1:204:A:GLN:HG3	13	0.78
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD11	12	0.78
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD12	12	0.78
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD13	12	0.78
(4,819)	1:149:A:PHE:HA	1:151:A:THR:HA	8	0.78
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB2	2	0.78
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB3	2	0.78
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG2	7	0.78
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG3	7	0.78
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG2	12	0.78
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG3	12	0.78
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB1	1	0.78
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB2	1	0.78
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB3	1	0.78
(4,717)	1:31:A:TRP:HE3	1:32:A:ALA:H	15	0.78
(4,638)	1:73:A:ILE:HG21	1:186:A:SER:H	8	0.78
(4,638)	1:73:A:ILE:HG22	1:186:A:SER:H	8	0.78
(4,638)	1:73:A:ILE:HG23	1:186:A:SER:H	8	0.78
(4,632)	1:82:A:PHE:HD1	1:100:A:SER:H	18	0.78
(4,632)	1:82:A:PHE:HD2	1:100:A:SER:H	18	0.78
(4,623)	1:235:A:TRP:HE3	1:236:A:GLU:H	5	0.78
(4,548)	1:127:A:ASN:HD21	1:128:A:ARG:H	15	0.78
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD1	14	0.78
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD2	14	0.78
(4,382)	1:32:A:ALA:HB1	1:233:A:PRO:HB2	7	0.78
(4,382)	1:32:A:ALA:HB2	1:233:A:PRO:HB2	7	0.78
(4,382)	1:32:A:ALA:HB3	1:233:A:PRO:HB2	7	0.78
(4,326)	1:45:A:LEU:HB2	1:203:A:GLU:HB2	11	0.78
(4,326)	1:45:A:LEU:HB2	1:203:A:GLU:HB3	11	0.78
(4,326)	1:45:A:LEU:HB3	1:203:A:GLU:HB2	11	0.78
(4,326)	1:45:A:LEU:HB3	1:203:A:GLU:HB3	11	0.78
(4,71)	1:177:A:ILE:HD11	1:194:A:SER:H	11	0.78
(4,71)	1:177:A:ILE:HD12	1:194:A:SER:H	11	0.78
(4,71)	1:177:A:ILE:HD13	1:194:A:SER:H	11	0.78
(4,60)	1:79:A:VAL:HG11	1:190:A:TYR:H	6	0.78
(4,60)	1:79:A:VAL:HG12	1:190:A:TYR:H	6	0.78
(4,60)	1:79:A:VAL:HG13	1:190:A:TYR:H	6	0.78
(3,21)	1:169:A:THR:H	1:180:A:LEU:O	1	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(3,18)	1:32:A:ALA:O	1:232:A:GLY:H	5	0.78
(3,18)	1:32:A:ALA:O	1:232:A:GLY:H	17	0.78
(1,555)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	11	0.78
(1,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	20	0.78
(1,430)	1:5:A:ASN:ND2	1:161:A:ALA:H	3	0.78
(1,174)	1:94:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	4	0.78
(1,146)	1:189:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	14	0.78
(1,146)	1:189:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	20	0.78
(1,136)	1:207:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	10	0.78
(1,48)	1:26:A:GLY:H	1:104:A:SER:OG	4	0.78
(5,761)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	7	0.77
(5,636)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	16	0.77
(5,574)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	3	0.77
(4,4274)	1:171:A:VAL:H	1:179:A:GLU:H	17	0.77
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG2	8	0.77
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG3	8	0.77
(4,4251)	1:81:A:TRP:HH2	1:184:A:ASN:H	17	0.77
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	20	0.77
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	20	0.77
(4,4203)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD22	17	0.77
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB3	20	0.77
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB3	20	0.77
(4,3864)	1:73:A:ILE:H	1:187:A:GLY:H	20	0.77
(4,3839)	1:97:A:HIS:HD1	1:169:A:THR:HG1	18	0.77
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD11	1	0.77
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD12	1	0.77
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD13	1	0.77
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD11	1:138:A:VAL:H	10	0.77
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD12	1:138:A:VAL:H	10	0.77
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD13	1:138:A:VAL:H	10	0.77
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD21	1:138:A:VAL:H	10	0.77
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD22	1:138:A:VAL:H	10	0.77
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD23	1:138:A:VAL:H	10	0.77
(4,3784)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD11	7	0.77
(4,3784)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD12	7	0.77
(4,3784)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD13	7	0.77
(4,3753)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:H	19	0.77
(4,3693)	1:52:A:VAL:HB	1:202:A:ILE:H	2	0.77
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD21	1:120:A:SER:H	17	0.77
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD22	1:120:A:SER:H	17	0.77
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD23	1:120:A:SER:H	17	0.77
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD11	20	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD12	20	0.77
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD13	20	0.77
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE1	15	0.77
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE2	15	0.77
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG21	7	0.77
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG22	7	0.77
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG23	7	0.77
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG21	7	0.77
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG22	7	0.77
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG23	7	0.77
(4,3659)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:H	3	0.77
(4,3633)	1:90:A:CYS:H	1:94:A:ALA:H	12	0.77
(4,3633)	1:90:A:CYS:H	1:94:A:ALA:H	16	0.77
(4,3551)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:H	4	0.77
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG2	1:147:A:GLN:H	4	0.77
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG3	1:147:A:GLN:H	4	0.77
(4,3527)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HD21	13	0.77
(4,3527)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HD22	13	0.77
(4,3527)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HD23	13	0.77
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG2	1:125:A:SER:H	3	0.77
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG3	1:125:A:SER:H	3	0.77
(4,3464)	1:33:A:TYR:HA	1:230:A:GLY:H	20	0.77
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB2	8	0.77
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB3	8	0.77
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB2	8	0.77
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB3	8	0.77
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB2	8	0.77
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB3	8	0.77
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB2	8	0.77
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB3	8	0.77
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB2	8	0.77
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB3	8	0.77
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB2	8	0.77
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB3	8	0.77
(4,3349)	1:27:A:LEU:HD21	1:32:A:ALA:H	7	0.77
(4,3349)	1:27:A:LEU:HD22	1:32:A:ALA:H	7	0.77
(4,3349)	1:27:A:LEU:HD23	1:32:A:ALA:H	7	0.77
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD1	11	0.77
(4,3317)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HD2	11	0.77
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	14	0.77
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	14	0.77
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	14	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	14	0.77
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	14	0.77
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	14	0.77
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB2	15	0.77
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB3	15	0.77
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB2	15	0.77
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB3	15	0.77
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB2	15	0.77
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB3	15	0.77
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG11	3	0.77
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG12	3	0.77
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG13	3	0.77
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG11	3	0.77
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG12	3	0.77
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG13	3	0.77
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:CG1	16	0.77
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:CG1	16	0.77
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:CG1	16	0.77
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG21	7	0.77
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG22	7	0.77
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG23	7	0.77
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG21	7	0.77
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG22	7	0.77
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG23	7	0.77
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD11	20	0.77
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD12	20	0.77
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD13	20	0.77
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD21	20	0.77
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD22	20	0.77
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD23	20	0.77
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD11	20	0.77
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD12	20	0.77
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD13	20	0.77
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD21	20	0.77
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD22	20	0.77
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD23	20	0.77
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG21	8	0.77
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG22	8	0.77
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG23	8	0.77
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG21	8	0.77
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG22	8	0.77
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG23	8	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3055)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:H	12	0.77
(4,3032)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE22	12	0.77
(4,3024)	1:204:A:GLN:HE21	1:205:A:GLU:H	11	0.77
(4,3024)	1:204:A:GLN:HE22	1:205:A:GLU:H	11	0.77
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE1	1	0.77
(4,2943)	1:13:A:SER:H	1:167:A:TYR:HE2	1	0.77
(4,2828)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:H	10	0.77
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD1	18	0.77
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD2	18	0.77
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD11	1:99:A:LEU:HG	7	0.77
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD12	1:99:A:LEU:HG	7	0.77
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD13	1:99:A:LEU:HG	7	0.77
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD21	1:99:A:LEU:HG	7	0.77
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD22	1:99:A:LEU:HG	7	0.77
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD23	1:99:A:LEU:HG	7	0.77
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE1	18	0.77
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE2	18	0.77
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD11	17	0.77
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD12	17	0.77
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD13	17	0.77
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD21	17	0.77
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD22	17	0.77
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD23	17	0.77
(4,2634)	1:214:A:TYR:H	1:217:A:ASN:H	7	0.77
(4,2634)	1:214:A:TYR:H	1:217:A:ASN:H	15	0.77
(4,2613)	1:20:A:ASN:H	1:21:A:PHE:HD1	14	0.77
(4,2613)	1:20:A:ASN:H	1:21:A:PHE:HD2	14	0.77
(4,2520)	1:73:A:ILE:HB	1:75:A:SER:H	18	0.77
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HG	10	0.77
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HG	10	0.77
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HG	10	0.77
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HG	10	0.77
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HG	10	0.77
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HG	10	0.77
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:H	7	0.77
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:H	7	0.77
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:H	7	0.77
(4,2137)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:H	19	0.77
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:H	13	0.77
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:H	13	0.77
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG21	14	0.77
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG22	14	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG23	14	0.77
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD1	14	0.77
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD2	14	0.77
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD21	1:147:A:GLN:H	8	0.77
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD22	1:147:A:GLN:H	8	0.77
(4,2055)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HB2	16	0.77
(4,2055)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HB3	16	0.77
(4,2041)	1:95:A:ILE:HA	1:98:A:SER:HA	17	0.77
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:HA	3	0.77
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:HA	3	0.77
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:HA	3	0.77
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:HA	3	0.77
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:HA	3	0.77
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:HA	3	0.77
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD11	2	0.77
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD12	2	0.77
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD13	2	0.77
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD21	2	0.77
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD22	2	0.77
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD23	2	0.77
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG21	12	0.77
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG22	12	0.77
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG23	12	0.77
(4,1938)	1:18:A:PHE:HE1	1:94:A:ALA:HB1	9	0.77
(4,1938)	1:18:A:PHE:HE1	1:94:A:ALA:HB2	9	0.77
(4,1938)	1:18:A:PHE:HE1	1:94:A:ALA:HB3	9	0.77
(4,1938)	1:18:A:PHE:HE2	1:94:A:ALA:HB1	9	0.77
(4,1938)	1:18:A:PHE:HE2	1:94:A:ALA:HB2	9	0.77
(4,1938)	1:18:A:PHE:HE2	1:94:A:ALA:HB3	9	0.77
(4,1910)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD21	16	0.77
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:CG1	10	0.77
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:CG1	10	0.77
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:CG1	10	0.77
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	8	0.77
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	8	0.77
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	8	0.77
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE1	1:49:A:PRO:HG2	19	0.77
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE1	1:49:A:PRO:HG3	19	0.77
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE2	1:49:A:PRO:HG2	19	0.77
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE2	1:49:A:PRO:HG3	19	0.77
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HZ3	8	0.77
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HZ3	8	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HZ3	8	0.77
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HZ3	8	0.77
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HZ3	8	0.77
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HZ3	8	0.77
(4,1546)	1:34:A:PHE:HD1	1:232:A:GLY:H	9	0.77
(4,1546)	1:34:A:PHE:HD2	1:232:A:GLY:H	9	0.77
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD11	15	0.77
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD12	15	0.77
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD13	15	0.77
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG2	4	0.77
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG3	4	0.77
(4,1400)	1:67:A:SER:H	1:68:A:SER:HA	14	0.77
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD21	1:151:A:THR:H	1	0.77
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD22	1:151:A:THR:H	1	0.77
(4,1344)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG21	20	0.77
(4,1344)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG22	20	0.77
(4,1344)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG23	20	0.77
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:H	6	0.77
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:H	6	0.77
(4,1261)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:H	20	0.77
(4,1261)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:H	20	0.77
(4,1134)	1:151:A:THR:H	1:152:A:GLY:H	8	0.77
(4,1092)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:H	6	0.77
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG11	1:22:A:ALA:H	16	0.77
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG12	1:22:A:ALA:H	16	0.77
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG13	1:22:A:ALA:H	16	0.77
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG21	1:22:A:ALA:H	16	0.77
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG22	1:22:A:ALA:H	16	0.77
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG23	1:22:A:ALA:H	16	0.77
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD11	13	0.77
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD12	13	0.77
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD13	13	0.77
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD21	13	0.77
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD22	13	0.77
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD23	13	0.77
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD11	13	0.77
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD12	13	0.77
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD13	13	0.77
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD21	13	0.77
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD22	13	0.77
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD23	13	0.77
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD11	13	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD12	13	0.77
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD13	13	0.77
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD21	13	0.77
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD22	13	0.77
(4,1070)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD23	13	0.77
(4,1037)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:HA	3	0.77
(4,1004)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:H	8	0.77
(4,994)	1:137:A:PHE:H	1:138:A:VAL:HB	5	0.77
(4,994)	1:137:A:PHE:H	1:138:A:VAL:HB	11	0.77
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD2	3	0.77
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD3	3	0.77
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD11	4	0.77
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD12	4	0.77
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD13	4	0.77
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD21	4	0.77
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD22	4	0.77
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD23	4	0.77
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD2	16	0.77
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD3	16	0.77
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD2	18	0.77
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD3	18	0.77
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG2	15	0.77
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG3	15	0.77
(4,720)	1:56:A:VAL:HG11	1:169:A:THR:H	11	0.77
(4,720)	1:56:A:VAL:HG12	1:169:A:THR:H	11	0.77
(4,720)	1:56:A:VAL:HG13	1:169:A:THR:H	11	0.77
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG21	10	0.77
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG22	10	0.77
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG23	10	0.77
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD1	20	0.77
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD2	20	0.77
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE1	8	0.77
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE2	8	0.77
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD11	7	0.77
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD12	7	0.77
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD13	7	0.77
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD21	7	0.77
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD22	7	0.77
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD23	7	0.77
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD11	7	0.77
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD12	7	0.77
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD13	7	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD21	7	0.77
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD22	7	0.77
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD23	7	0.77
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD11	7	0.77
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD12	7	0.77
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD13	7	0.77
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD21	7	0.77
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD22	7	0.77
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD23	7	0.77
(4,132)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD2	15	0.77
(4,132)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD2	15	0.77
(4,71)	1:177:A:ILE:HD11	1:194:A:SER:H	6	0.77
(4,71)	1:177:A:ILE:HD12	1:194:A:SER:H	6	0.77
(4,71)	1:177:A:ILE:HD13	1:194:A:SER:H	6	0.77
(4,68)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HB	19	0.77
(4,68)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HB	19	0.77
(4,68)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HB	19	0.77
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD1	14	0.77
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD2	14	0.77
(3,15)	1:169:A:THR:O	1:180:A:LEU:H	1	0.77
(3,13)	1:177:A:ILE:O	1:191:A:LEU:H	7	0.77
(2,88)	1:104:A:SER:OG	1:106:A:LEU:H	17	0.77
(1,577)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	20	0.77
(1,415)	1:5:A:ASN:ND2	1:99:A:LEU:H	6	0.77
(1,394)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	1	0.77
(5,449)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	15	0.76
(4,4294)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:HD22	19	0.76
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:H	14	0.76
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:H	14	0.76
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:H	14	0.76
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:H	17	0.76
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:H	17	0.76
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:H	17	0.76
(4,4157)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:H	5	0.76
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:H	19	0.76
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:H	19	0.76
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:H	19	0.76
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG12	7	0.76
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG13	7	0.76
(4,4029)	1:208:A:ARG:H	1:209:A:VAL:HB	14	0.76
(4,4029)	1:208:A:ARG:H	1:209:A:VAL:HB	17	0.76
(4,4003)	1:172:A:GLU:HB3	1:177:A:ILE:HD11	15	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4003)	1:172:A:GLU:HB3	1:177:A:ILE:HD12	15	0.76
(4,4003)	1:172:A:GLU:HB3	1:177:A:ILE:HD13	15	0.76
(4,3933)	1:19:A:THR:HG1	1:22:A:ALA:H	19	0.76
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD11	14	0.76
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD12	14	0.76
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD13	14	0.76
(4,3860)	1:38:A:SER:H	1:202:A:ILE:HG21	17	0.76
(4,3860)	1:38:A:SER:H	1:202:A:ILE:HG22	17	0.76
(4,3860)	1:38:A:SER:H	1:202:A:ILE:HG23	17	0.76
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:H	17	0.76
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:H	17	0.76
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:H	17	0.76
(4,3796)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE22	3	0.76
(4,3784)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD11	2	0.76
(4,3784)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD12	2	0.76
(4,3784)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD13	2	0.76
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:HE21	11	0.76
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:HE22	11	0.76
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:HE21	11	0.76
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:HE22	11	0.76
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:HE21	11	0.76
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:HE22	11	0.76
(4,3730)	1:29:A:ASN:HB3	1:30:A:GLU:HG2	18	0.76
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	6	0.76
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	6	0.76
(4,3680)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	15	0.76
(4,3659)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:H	7	0.76
(4,3633)	1:90:A:CYS:H	1:94:A:ALA:H	4	0.76
(4,3611)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:H	2	0.76
(4,3611)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:H	2	0.76
(4,3611)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:H	2	0.76
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG2	1:147:A:GLN:H	16	0.76
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG3	1:147:A:GLN:H	16	0.76
(4,3528)	1:164:A:ASN:H	1:164:A:ASN:HD22	5	0.76
(4,3464)	1:33:A:TYR:HA	1:230:A:GLY:H	5	0.76
(4,3464)	1:33:A:TYR:HA	1:230:A:GLY:H	14	0.76
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG11	8	0.76
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG12	8	0.76
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG13	8	0.76
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG21	8	0.76
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG22	8	0.76
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG23	8	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3364)	1:65:A:ARG:HA	1:67:A:SER:HB2	2	0.76
(4,3364)	1:65:A:ARG:HA	1:67:A:SER:HB3	2	0.76
(4,3217)	1:204:A:GLN:HE21	1:207:A:VAL:H	7	0.76
(4,3217)	1:204:A:GLN:HE22	1:207:A:VAL:H	7	0.76
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB1	14	0.76
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB2	14	0.76
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB3	14	0.76
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD11	3	0.76
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD12	3	0.76
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD13	3	0.76
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD21	3	0.76
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD22	3	0.76
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD23	3	0.76
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD11	3	0.76
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD12	3	0.76
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD13	3	0.76
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD21	3	0.76
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD22	3	0.76
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD23	3	0.76
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD11	3	0.76
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD12	3	0.76
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD13	3	0.76
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD21	3	0.76
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD22	3	0.76
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD23	3	0.76
(4,2948)	1:25:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	14	0.76
(4,2948)	1:25:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	14	0.76
(4,2948)	1:25:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	14	0.76
(4,2923)	1:36:A:ILE:H	1:38:A:SER:H	5	0.76
(4,2867)	1:36:A:ILE:HD11	1:55:A:ILE:HB	3	0.76
(4,2867)	1:36:A:ILE:HD12	1:55:A:ILE:HB	3	0.76
(4,2867)	1:36:A:ILE:HD13	1:55:A:ILE:HB	3	0.76
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA2	2	0.76
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG21	1:91:A:GLY:HA3	2	0.76
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA2	2	0.76
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG22	1:91:A:GLY:HA3	2	0.76
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA2	2	0.76
(4,2842)	1:11:A:ILE:HG23	1:91:A:GLY:HA3	2	0.76
(4,2814)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE21	4	0.76
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD21	13	0.76
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD22	13	0.76
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD23	13	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2621)	1:40:A:THR:HA	1:203:A:GLU:HA	12	0.76
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD11	5	0.76
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD12	5	0.76
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD13	5	0.76
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD21	5	0.76
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD22	5	0.76
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD23	5	0.76
(4,2571)	1:12:A:GLU:H	1:13:A:SER:H	17	0.76
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:H	16	0.76
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:H	16	0.76
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:H	16	0.76
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB2	1:140:A:ASN:HD21	12	0.76
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB2	1:140:A:ASN:HD22	12	0.76
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB3	1:140:A:ASN:HD21	12	0.76
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB3	1:140:A:ASN:HD22	12	0.76
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	13	0.76
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	13	0.76
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	13	0.76
(4,2405)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HA	10	0.76
(4,2405)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HA	10	0.76
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG2	17	0.76
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG3	17	0.76
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG2	17	0.76
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG3	17	0.76
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG21	8	0.76
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG22	8	0.76
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG23	8	0.76
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	9	0.76
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	9	0.76
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	9	0.76
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE21	4	0.76
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE22	4	0.76
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA2	1:6:A:ARG:HA	20	0.76
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA3	1:6:A:ARG:HA	20	0.76
(4,2130)	1:92:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG11	15	0.76
(4,2130)	1:92:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG12	15	0.76
(4,2130)	1:92:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG13	15	0.76
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD11	14	0.76
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD12	14	0.76
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD13	14	0.76
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD21	14	0.76
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD22	14	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD23	14	0.76
(4,2009)	1:80:A:ILE:H	1:180:A:LEU:HD11	13	0.76
(4,2009)	1:80:A:ILE:H	1:180:A:LEU:HD12	13	0.76
(4,2009)	1:80:A:ILE:H	1:180:A:LEU:HD13	13	0.76
(4,2009)	1:80:A:ILE:H	1:180:A:LEU:HD21	13	0.76
(4,2009)	1:80:A:ILE:H	1:180:A:LEU:HD22	13	0.76
(4,2009)	1:80:A:ILE:H	1:180:A:LEU:HD23	13	0.76
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD1	1:190:A:TYR:H	1	0.76
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD2	1:190:A:TYR:H	1	0.76
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HE22	17	0.76
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HE22	17	0.76
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HE22	17	0.76
(4,1914)	1:19:A:THR:HG21	1:32:A:ALA:H	6	0.76
(4,1914)	1:19:A:THR:HG22	1:32:A:ALA:H	6	0.76
(4,1914)	1:19:A:THR:HG23	1:32:A:ALA:H	6	0.76
(4,1856)	1:29:A:ASN:HD22	1:30:A:GLU:H	11	0.76
(4,1835)	1:56:A:VAL:HB	1:228:A:MET:HA	4	0.76
(4,1728)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD22	7	0.76
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:H	4	0.76
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:H	4	0.76
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:H	4	0.76
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:H	6	0.76
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:H	6	0.76
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	5	0.76
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	5	0.76
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	5	0.76
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD11	11	0.76
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD12	11	0.76
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD13	11	0.76
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HG3	8	0.76
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HG3	8	0.76
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HG3	8	0.76
(4,1400)	1:67:A:SER:H	1:68:A:SER:HA	2	0.76
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:H	10	0.76
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:H	10	0.76
(4,1164)	1:119:A:GLN:HG2	1:126:A:LYS:H	6	0.76
(4,1164)	1:119:A:GLN:HG3	1:126:A:LYS:H	6	0.76
(4,1164)	1:119:A:GLN:HG2	1:126:A:LYS:H	20	0.76
(4,1164)	1:119:A:GLN:HG3	1:126:A:LYS:H	20	0.76
(4,1098)	1:203:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HG2	6	0.76
(4,1098)	1:203:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HG3	6	0.76
(4,1074)	1:79:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:H	11	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1074)	1:79:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:H	11	0.76
(4,1074)	1:79:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:H	11	0.76
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG12	11	0.76
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG13	11	0.76
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG12	11	0.76
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG13	11	0.76
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG12	11	0.76
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG13	11	0.76
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG12	11	0.76
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG13	11	0.76
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG12	11	0.76
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG13	11	0.76
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG12	11	0.76
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG13	11	0.76
(4,1038)	1:174:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HE1	12	0.76
(4,1038)	1:174:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HE2	12	0.76
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD11	1:93:A:TYR:HD1	12	0.76
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD11	1:93:A:TYR:HD2	12	0.76
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD12	1:93:A:TYR:HD1	12	0.76
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD12	1:93:A:TYR:HD2	12	0.76
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD13	1:93:A:TYR:HD1	12	0.76
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD13	1:93:A:TYR:HD2	12	0.76
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD11	14	0.76
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD12	14	0.76
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD13	14	0.76
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD21	14	0.76
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD22	14	0.76
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD23	14	0.76
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD11	14	0.76
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD12	14	0.76
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD13	14	0.76
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD21	14	0.76
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD22	14	0.76
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD23	14	0.76
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD11	14	0.76
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD12	14	0.76
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD13	14	0.76
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD21	14	0.76
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD22	14	0.76
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD23	14	0.76
(4,946)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:H	12	0.76
(4,941)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:H	8	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,941)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:H	8	0.76
(4,870)	1:34:A:PHE:H	1:232:A:GLY:H	5	0.76
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG21	4	0.76
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG22	4	0.76
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG23	4	0.76
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	1	0.76
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	1	0.76
(4,765)	1:79:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:CD2	11	0.76
(4,765)	1:79:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:CD2	11	0.76
(4,765)	1:79:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:CD2	11	0.76
(4,706)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HA	10	0.76
(4,665)	1:168:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	20	0.76
(4,665)	1:168:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	20	0.76
(4,665)	1:168:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	20	0.76
(4,623)	1:235:A:TRP:HE3	1:236:A:GLU:H	15	0.76
(4,579)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HB	1	0.76
(4,579)	1:143:A:LYS:HG3	1:146:A:VAL:HB	1	0.76
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD11	5	0.76
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD12	5	0.76
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD13	5	0.76
(4,483)	1:205:A:GLU:HG2	1:209:A:VAL:H	2	0.76
(4,483)	1:205:A:GLU:HG3	1:209:A:VAL:H	2	0.76
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB2	13	0.76
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB3	13	0.76
(4,278)	1:32:A:ALA:HB1	1:34:A:PHE:HD1	13	0.76
(4,278)	1:32:A:ALA:HB1	1:34:A:PHE:HD2	13	0.76
(4,278)	1:32:A:ALA:HB2	1:34:A:PHE:HD1	13	0.76
(4,278)	1:32:A:ALA:HB2	1:34:A:PHE:HD2	13	0.76
(4,278)	1:32:A:ALA:HB3	1:34:A:PHE:HD1	13	0.76
(4,278)	1:32:A:ALA:HB3	1:34:A:PHE:HD2	13	0.76
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE1	15	0.76
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE2	15	0.76
(4,142)	1:190:A:TYR:HA	1:191:A:LEU:HG	7	0.76
(4,120)	1:118:A:SER:HB2	1:119:A:GLN:HE21	10	0.76
(4,120)	1:118:A:SER:HB3	1:119:A:GLN:HE21	10	0.76
(4,96)	1:115:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HG3	18	0.76
(4,96)	1:115:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HG3	18	0.76
(4,67)	1:21:A:PHE:HD1	1:91:A:GLY:HA2	19	0.76
(4,67)	1:21:A:PHE:HD1	1:91:A:GLY:HA3	19	0.76
(4,67)	1:21:A:PHE:HD2	1:91:A:GLY:HA2	19	0.76
(4,67)	1:21:A:PHE:HD2	1:91:A:GLY:HA3	19	0.76
(3,3)	1:179:A:GLU:O	1:189:A:LEU:H	19	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,598)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	16	0.76
(2,120)	1:100:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	15	0.76
(2,77)	1:101:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	10	0.76
(1,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	16	0.76
(1,523)	1:5:A:ASN:ND2	1:225:A:ASN:H	11	0.76
(1,366)	1:5:A:ASN:ND2	1:47:A:PHE:H	18	0.76
(1,292)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	17	0.76
(1,113)	1:182:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	19	0.76
(1,97)	1:218:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	14	0.76
(1,94)	1:205:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	4	0.76
(5,772)	1:5:A:ASN:ND2	1:151:A:THR:H	12	0.75
(5,614)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	3	0.75
(5,596)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	14	0.75
(5,581)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	11	0.75
(5,561)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	6	0.75
(5,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	19	0.75
(5,506)	1:5:A:ASN:ND2	1:20:A:ASN:H	15	0.75
(5,436)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	4	0.75
(5,8)	1:104:A:SER:OG	1:212:A:ALA:H	20	0.75
(4,4218)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD22	17	0.75
(4,4202)	1:56:A:VAL:HB	1:230:A:GLY:H	6	0.75
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD1	5	0.75
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD2	5	0.75
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:H	3	0.75
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:H	3	0.75
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:H	3	0.75
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB3	19	0.75
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB3	19	0.75
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB2	15	0.75
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB3	15	0.75
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB2	15	0.75
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB3	15	0.75
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB2	15	0.75
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB3	15	0.75
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB2	15	0.75
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB3	15	0.75
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB2	15	0.75
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB3	15	0.75
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB2	15	0.75
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB3	15	0.75
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD1	19	0.75
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD2	19	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE1	7	0.75
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE2	7	0.75
(4,3979)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:HA	2	0.75
(4,3949)	1:140:A:ASN:H	1:143:A:LYS:HB2	6	0.75
(4,3949)	1:140:A:ASN:H	1:143:A:LYS:HB3	6	0.75
(4,3933)	1:19:A:THR:HG1	1:22:A:ALA:H	1	0.75
(4,3907)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB2	19	0.75
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD11	4	0.75
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD12	4	0.75
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD13	4	0.75
(4,3796)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE22	11	0.75
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:H	14	0.75
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:H	14	0.75
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:H	14	0.75
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD11	16	0.75
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD12	16	0.75
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD13	16	0.75
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD21	16	0.75
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD22	16	0.75
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD23	16	0.75
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG11	11	0.75
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG12	11	0.75
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG13	11	0.75
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG11	11	0.75
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG12	11	0.75
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG13	11	0.75
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD21	1:120:A:SER:H	2	0.75
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD22	1:120:A:SER:H	2	0.75
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD23	1:120:A:SER:H	2	0.75
(4,3633)	1:90:A:CYS:H	1:94:A:ALA:H	2	0.75
(4,3633)	1:90:A:CYS:H	1:94:A:ALA:H	3	0.75
(4,3633)	1:90:A:CYS:H	1:94:A:ALA:H	13	0.75
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	4	0.75
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	4	0.75
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	4	0.75
(4,3597)	1:224:A:LEU:HB2	1:225:A:ASN:HD21	10	0.75
(4,3597)	1:224:A:LEU:HB2	1:225:A:ASN:HD22	10	0.75
(4,3597)	1:224:A:LEU:HB3	1:225:A:ASN:HD21	10	0.75
(4,3597)	1:224:A:LEU:HB3	1:225:A:ASN:HD22	10	0.75
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG2	1:147:A:GLN:H	18	0.75
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG3	1:147:A:GLN:H	18	0.75
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:H	3	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:H	3	0.75
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:H	3	0.75
(4,3485)	1:126:A:LYS:HG2	1:127:A:ASN:HD21	2	0.75
(4,3485)	1:126:A:LYS:HG3	1:127:A:ASN:HD21	2	0.75
(4,3370)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE21	11	0.75
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB1	8	0.75
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB2	8	0.75
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB3	8	0.75
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB1	8	0.75
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB2	8	0.75
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB3	8	0.75
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB1	8	0.75
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB2	8	0.75
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB3	8	0.75
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB1	7	0.75
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB2	7	0.75
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB3	7	0.75
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD2	20	0.75
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD3	20	0.75
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD2	20	0.75
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD3	20	0.75
(4,3018)	1:83:A:LYS:HD2	1:85:A:SER:H	20	0.75
(4,3018)	1:83:A:LYS:HD3	1:85:A:SER:H	20	0.75
(4,3010)	1:81:A:TRP:H	1:127:A:ASN:HD22	13	0.75
(4,3010)	1:81:A:TRP:H	1:127:A:ASN:HD22	14	0.75
(4,3003)	1:222:A:ASP:H	1:223:A:VAL:HB	2	0.75
(4,2986)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:HD11	15	0.75
(4,2986)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:HD12	15	0.75
(4,2986)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:HD13	15	0.75
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	2	0.75
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	2	0.75
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	2	0.75
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB1	16	0.75
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB2	16	0.75
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB3	16	0.75
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE1	13	0.75
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE2	13	0.75
(4,2745)	1:81:A:TRP:H	1:128:A:ARG:H	2	0.75
(4,2735)	1:153:A:GLN:HE22	1:156:A:ALA:H	6	0.75
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD1	1:190:A:TYR:H	8	0.75
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD2	1:190:A:TYR:H	8	0.75
(4,2634)	1:214:A:TYR:H	1:217:A:ASN:H	3	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2575)	1:19:A:THR:HG21	1:235:A:TRP:H	1	0.75
(4,2575)	1:19:A:THR:HG22	1:235:A:TRP:H	1	0.75
(4,2575)	1:19:A:THR:HG23	1:235:A:TRP:H	1	0.75
(4,2571)	1:12:A:GLU:H	1:13:A:SER:H	6	0.75
(4,2564)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:H	9	0.75
(4,2534)	1:77:A:TYR:HD1	1:188:A:PRO:HG3	5	0.75
(4,2534)	1:77:A:TYR:HD2	1:188:A:PRO:HG3	5	0.75
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG2	1:110:A:SER:H	2	0.75
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG3	1:110:A:SER:H	2	0.75
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG11	9	0.75
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG12	9	0.75
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG13	9	0.75
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG21	9	0.75
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG22	9	0.75
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG23	9	0.75
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG11	9	0.75
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG12	9	0.75
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG13	9	0.75
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG21	9	0.75
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG22	9	0.75
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG23	9	0.75
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD21	12	0.75
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD22	12	0.75
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD23	12	0.75
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:HB2	18	0.75
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:HB2	18	0.75
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:HB2	18	0.75
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:HB2	18	0.75
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:HB2	18	0.75
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:HB2	18	0.75
(4,2405)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HA	15	0.75
(4,2405)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HA	15	0.75
(4,2378)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:HA2	16	0.75
(4,2378)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:HA3	16	0.75
(4,2343)	1:73:A:ILE:H	1:186:A:SER:H	9	0.75
(4,2343)	1:73:A:ILE:H	1:186:A:SER:H	19	0.75
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:H	3	0.75
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:H	3	0.75
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:H	3	0.75
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:H	3	0.75
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:H	3	0.75
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:H	3	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:H	14	0.75
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:H	14	0.75
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:H	14	0.75
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG11	1:189:A:LEU:H	12	0.75
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG12	1:189:A:LEU:H	12	0.75
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG13	1:189:A:LEU:H	12	0.75
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD21	1:104:A:SER:H	5	0.75
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD22	1:104:A:SER:H	5	0.75
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG21	1:54:A:ALA:HA	13	0.75
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG22	1:54:A:ALA:HA	13	0.75
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG23	1:54:A:ALA:HA	13	0.75
(4,2084)	1:97:A:HIS:H	1:169:A:THR:HB	1	0.75
(4,2031)	1:153:A:GLN:HE21	1:154:A:SER:H	15	0.75
(4,2031)	1:153:A:GLN:HE21	1:154:A:SER:H	18	0.75
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB2	1:83:A:LYS:HG2	11	0.75
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB3	1:83:A:LYS:HG2	11	0.75
(4,1987)	1:92:A:LEU:HA	1:95:A:ILE:HD11	10	0.75
(4,1987)	1:92:A:LEU:HA	1:95:A:ILE:HD12	10	0.75
(4,1987)	1:92:A:LEU:HA	1:95:A:ILE:HD13	10	0.75
(4,1973)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	10	0.75
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HE22	8	0.75
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HE22	8	0.75
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HE22	8	0.75
(4,1950)	1:208:A:ARG:HA	1:212:A:ALA:HB1	20	0.75
(4,1950)	1:208:A:ARG:HA	1:212:A:ALA:HB2	20	0.75
(4,1950)	1:208:A:ARG:HA	1:212:A:ALA:HB3	20	0.75
(4,1864)	1:11:A:ILE:H	1:90:A:CYS:H	8	0.75
(4,1858)	1:19:A:THR:HG21	1:23:A:HIS:H	6	0.75
(4,1858)	1:19:A:THR:HG22	1:23:A:HIS:H	6	0.75
(4,1858)	1:19:A:THR:HG23	1:23:A:HIS:H	6	0.75
(4,1856)	1:29:A:ASN:HD22	1:30:A:GLU:H	2	0.75
(4,1850)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	19	0.75
(4,1814)	1:36:A:ILE:H	1:227:A:ALA:HB1	10	0.75
(4,1814)	1:36:A:ILE:H	1:227:A:ALA:HB2	10	0.75
(4,1814)	1:36:A:ILE:H	1:227:A:ALA:HB3	10	0.75
(4,1750)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:H	2	0.75
(4,1750)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:H	2	0.75
(4,1750)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:H	2	0.75
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB1	17	0.75
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB2	17	0.75
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB3	17	0.75
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB1	17	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB2	17	0.75
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB3	17	0.75
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB1	17	0.75
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB2	17	0.75
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB3	17	0.75
(4,1514)	1:102:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	3	0.75
(4,1514)	1:102:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	3	0.75
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB2	16	0.75
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB2	16	0.75
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB2	16	0.75
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD1	1:227:A:ALA:H	9	0.75
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD2	1:227:A:ALA:H	9	0.75
(4,1357)	1:4:A:GLU:H	1:7:A:ALA:HA	19	0.75
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG11	20	0.75
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG12	20	0.75
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG13	20	0.75
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG21	20	0.75
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG22	20	0.75
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG23	20	0.75
(4,1333)	1:153:A:GLN:HG2	1:157:A:PRO:HD3	20	0.75
(4,1333)	1:153:A:GLN:HG3	1:157:A:PRO:HD3	20	0.75
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG11	1:55:A:ILE:HD11	7	0.75
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG11	1:55:A:ILE:HD12	7	0.75
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG11	1:55:A:ILE:HD13	7	0.75
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG12	1:55:A:ILE:HD11	7	0.75
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG12	1:55:A:ILE:HD12	7	0.75
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG12	1:55:A:ILE:HD13	7	0.75
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG13	1:55:A:ILE:HD11	7	0.75
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG13	1:55:A:ILE:HD12	7	0.75
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG13	1:55:A:ILE:HD13	7	0.75
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:H	5	0.75
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:H	5	0.75
(4,1113)	1:233:A:PRO:HA	1:235:A:TRP:H	14	0.75
(4,1104)	1:195:A:ASP:H	1:207:A:VAL:H	4	0.75
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG11	1:22:A:ALA:H	6	0.75
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG12	1:22:A:ALA:H	6	0.75
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG13	1:22:A:ALA:H	6	0.75
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG21	1:22:A:ALA:H	6	0.75
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG22	1:22:A:ALA:H	6	0.75
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG23	1:22:A:ALA:H	6	0.75
(4,1053)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:H	16	0.75
(4,1052)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:H	18	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG12	8	0.75
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG13	8	0.75
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG12	8	0.75
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG13	8	0.75
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG12	8	0.75
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG13	8	0.75
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG12	8	0.75
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG13	8	0.75
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG12	8	0.75
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG13	8	0.75
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG12	8	0.75
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG13	8	0.75
(4,1041)	1:23:A:HIS:HD2	1:31:A:TRP:H	13	0.75
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG11	1:167:A:TYR:HE1	16	0.75
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG11	1:167:A:TYR:HE2	16	0.75
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG12	1:167:A:TYR:HE1	16	0.75
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG12	1:167:A:TYR:HE2	16	0.75
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG13	1:167:A:TYR:HE1	16	0.75
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG13	1:167:A:TYR:HE2	16	0.75
(4,992)	1:81:A:TRP:HE1	1:84:A:GLN:H	3	0.75
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG11	4	0.75
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG12	4	0.75
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG13	4	0.75
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG11	4	0.75
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG12	4	0.75
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG13	4	0.75
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG11	4	0.75
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG12	4	0.75
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG13	4	0.75
(4,848)	1:122:A:THR:H	1:124:A:SER:H	5	0.75
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD21	5	0.75
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD22	5	0.75
(4,755)	1:16:A:GLU:H	1:34:A:PHE:HA	5	0.75
(4,751)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:H	4	0.75
(4,751)	1:2:A:SER:HB3	1:4:A:GLU:H	4	0.75
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG21	6	0.75
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG22	6	0.75
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG23	6	0.75
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG21	6	0.75
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG22	6	0.75
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG23	6	0.75
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG21	6	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG22	6	0.75
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG23	6	0.75
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB2	6	0.75
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB3	6	0.75
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB2	6	0.75
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB3	6	0.75
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB2	6	0.75
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB3	6	0.75
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG11	7	0.75
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG12	7	0.75
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG13	7	0.75
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG21	7	0.75
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG22	7	0.75
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG23	7	0.75
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG11	7	0.75
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG12	7	0.75
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG13	7	0.75
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG21	7	0.75
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG22	7	0.75
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG23	7	0.75
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG11	7	0.75
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG12	7	0.75
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG13	7	0.75
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG21	7	0.75
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG22	7	0.75
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG23	7	0.75
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD1	12	0.75
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD2	12	0.75
(4,431)	1:88:A:ASN:HD21	1:159:A:ALA:HB1	1	0.75
(4,431)	1:88:A:ASN:HD21	1:159:A:ALA:HB2	1	0.75
(4,431)	1:88:A:ASN:HD21	1:159:A:ALA:HB3	1	0.75
(4,431)	1:88:A:ASN:HD22	1:159:A:ALA:HB1	1	0.75
(4,431)	1:88:A:ASN:HD22	1:159:A:ALA:HB2	1	0.75
(4,431)	1:88:A:ASN:HD22	1:159:A:ALA:HB3	1	0.75
(4,419)	1:39:A:LEU:HD21	1:41:A:GLU:H	15	0.75
(4,419)	1:39:A:LEU:HD22	1:41:A:GLU:H	15	0.75
(4,419)	1:39:A:LEU:HD23	1:41:A:GLU:H	15	0.75
(4,391)	1:44:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	5	0.75
(4,391)	1:44:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	5	0.75
(4,391)	1:44:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	5	0.75
(4,375)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	2	0.75
(4,375)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	2	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,375)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	2	0.75
(4,321)	1:134:A:THR:HG21	1:137:A:PHE:H	7	0.75
(4,321)	1:134:A:THR:HG22	1:137:A:PHE:H	7	0.75
(4,321)	1:134:A:THR:HG23	1:137:A:PHE:H	7	0.75
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG21	5	0.75
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG22	5	0.75
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG23	5	0.75
(4,297)	1:142:A:ILE:HG21	1:146:A:VAL:HB	8	0.75
(4,297)	1:142:A:ILE:HG22	1:146:A:VAL:HB	8	0.75
(4,297)	1:142:A:ILE:HG23	1:146:A:VAL:HB	8	0.75
(4,295)	1:138:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:CD1	20	0.75
(4,295)	1:138:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:CD1	20	0.75
(4,295)	1:138:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:CD1	20	0.75
(4,295)	1:138:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:CD1	20	0.75
(4,295)	1:138:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:CD1	20	0.75
(4,295)	1:138:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:CD1	20	0.75
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD11	3	0.75
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD12	3	0.75
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD13	3	0.75
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD21	3	0.75
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD22	3	0.75
(4,264)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:HD23	3	0.75
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD11	3	0.75
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD12	3	0.75
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD13	3	0.75
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD21	3	0.75
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD22	3	0.75
(4,264)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:HD23	3	0.75
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD11	15	0.75
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD12	15	0.75
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD13	15	0.75
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD21	15	0.75
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD22	15	0.75
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD23	15	0.75
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD21	8	0.75
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD22	8	0.75
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD23	8	0.75
(4,174)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	17	0.75
(4,173)	1:17:A:VAL:H	1:18:A:PHE:HD1	14	0.75
(4,173)	1:17:A:VAL:H	1:18:A:PHE:HD2	14	0.75
(4,173)	1:17:A:VAL:H	1:18:A:PHE:HD1	20	0.75
(4,173)	1:17:A:VAL:H	1:18:A:PHE:HD2	20	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,170)	1:61:A:ILE:HD11	1:166:A:HIS:H	12	0.75
(4,170)	1:61:A:ILE:HD12	1:166:A:HIS:H	12	0.75
(4,170)	1:61:A:ILE:HD13	1:166:A:HIS:H	12	0.75
(4,149)	1:234:A:ASN:HD21	1:236:A:GLU:H	8	0.75
(4,137)	1:111:A:ASP:HB2	1:137:A:PHE:HD1	8	0.75
(4,137)	1:111:A:ASP:HB2	1:137:A:PHE:HD2	8	0.75
(4,137)	1:111:A:ASP:HB3	1:137:A:PHE:HD1	8	0.75
(4,137)	1:111:A:ASP:HB3	1:137:A:PHE:HD2	8	0.75
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD21	14	0.75
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD22	14	0.75
(4,68)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HB	3	0.75
(4,68)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HB	3	0.75
(4,68)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HB	3	0.75
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG21	10	0.75
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG22	10	0.75
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG23	10	0.75
(4,52)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:H	3	0.75
(4,42)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE22	7	0.75
(4,42)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE22	7	0.75
(4,42)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE22	7	0.75
(4,42)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE22	7	0.75
(4,42)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE22	7	0.75
(4,42)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE22	7	0.75
(1,258)	1:5:A:ASN:ND2	1:170:A:TYR:H	12	0.75
(1,94)	1:205:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	2	0.75
(5,745)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	15	0.74
(5,651)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	17	0.74
(5,543)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	15	0.74
(5,315)	1:11:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	14	0.74
(5,290)	1:39:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	3	0.74
(4,4218)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD22	11	0.74
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD1	14	0.74
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD2	14	0.74
(4,4170)	1:169:A:THR:HG21	1:171:A:VAL:H	3	0.74
(4,4170)	1:169:A:THR:HG22	1:171:A:VAL:H	3	0.74
(4,4170)	1:169:A:THR:HG23	1:171:A:VAL:H	3	0.74
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD11	9	0.74
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD12	9	0.74
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD13	9	0.74
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD21	9	0.74
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD22	9	0.74
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD23	9	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD11	9	0.74
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD12	9	0.74
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD13	9	0.74
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD21	9	0.74
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD22	9	0.74
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD23	9	0.74
(4,4090)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:H	3	0.74
(4,4090)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:H	20	0.74
(4,4047)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:H	12	0.74
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB3	18	0.74
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB3	18	0.74
(4,4013)	1:11:A:ILE:HG12	1:14:A:ASN:H	5	0.74
(4,3979)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:HA	3	0.74
(4,3899)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:H	15	0.74
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD1	19	0.74
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD2	19	0.74
(4,3864)	1:73:A:ILE:H	1:187:A:GLY:H	7	0.74
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD21	1	0.74
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD22	1	0.74
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD23	1	0.74
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD21	19	0.74
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD22	19	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD11	1:117:A:LYS:HG2	19	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD11	1:117:A:LYS:HG3	19	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD12	1:117:A:LYS:HG2	19	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD12	1:117:A:LYS:HG3	19	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD13	1:117:A:LYS:HG2	19	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD13	1:117:A:LYS:HG3	19	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD21	1:117:A:LYS:HG2	19	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD21	1:117:A:LYS:HG3	19	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD22	1:117:A:LYS:HG2	19	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD22	1:117:A:LYS:HG3	19	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD23	1:117:A:LYS:HG2	19	0.74
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD23	1:117:A:LYS:HG3	19	0.74
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB2	1:232:A:GLY:H	10	0.74
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB3	1:232:A:GLY:H	10	0.74
(4,3648)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HD21	4	0.74
(4,3633)	1:90:A:CYS:H	1:94:A:ALA:H	19	0.74
(4,3587)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:H	9	0.74
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG21	12	0.74
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG22	12	0.74
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG23	12	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3560)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HA	2	0.74
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD21	17	0.74
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG11	1:174:A:ASN:HD22	17	0.74
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD21	17	0.74
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG12	1:174:A:ASN:HD22	17	0.74
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD21	17	0.74
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG13	1:174:A:ASN:HD22	17	0.74
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD21	17	0.74
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG21	1:174:A:ASN:HD22	17	0.74
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD21	17	0.74
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG22	1:174:A:ASN:HD22	17	0.74
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD21	17	0.74
(4,3465)	1:79:A:VAL:HG23	1:174:A:ASN:HD22	17	0.74
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG2	1:116:A:LEU:HD11	8	0.74
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG2	1:116:A:LEU:HD12	8	0.74
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG2	1:116:A:LEU:HD13	8	0.74
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG2	1:116:A:LEU:HD21	8	0.74
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG2	1:116:A:LEU:HD22	8	0.74
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG2	1:116:A:LEU:HD23	8	0.74
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG3	1:116:A:LEU:HD11	8	0.74
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG3	1:116:A:LEU:HD12	8	0.74
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG3	1:116:A:LEU:HD13	8	0.74
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG3	1:116:A:LEU:HD21	8	0.74
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG3	1:116:A:LEU:HD22	8	0.74
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG3	1:116:A:LEU:HD23	8	0.74
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD11	13	0.74
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD12	13	0.74
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD13	13	0.74
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD21	13	0.74
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD22	13	0.74
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD23	13	0.74
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HD11	12	0.74
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HD12	12	0.74
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HD13	12	0.74
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HD11	12	0.74
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HD12	12	0.74
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HD13	12	0.74
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HD11	12	0.74
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HD12	12	0.74
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HD13	12	0.74
(4,3402)	1:30:A:GLU:HG2	1:31:A:TRP:HE1	12	0.74
(4,3398)	1:35:A:ASP:HB2	1:37:A:TYR:HE1	2	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3398)	1:35:A:ASP:HB2	1:37:A:TYR:HE2	2	0.74
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG21	1:203:A:GLU:H	14	0.74
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG22	1:203:A:GLU:H	14	0.74
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG23	1:203:A:GLU:H	14	0.74
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB2	1:123:A:SER:H	8	0.74
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB3	1:123:A:SER:H	8	0.74
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD21	5	0.74
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD22	5	0.74
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD23	5	0.74
(4,3280)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB2	20	0.74
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB1	6	0.74
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB2	6	0.74
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB3	6	0.74
(4,3052)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD21	4	0.74
(4,3052)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD22	4	0.74
(4,3052)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD23	4	0.74
(4,3032)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE22	20	0.74
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB2	1:206:A:LEU:HD11	10	0.74
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB2	1:206:A:LEU:HD12	10	0.74
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB2	1:206:A:LEU:HD13	10	0.74
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB2	1:206:A:LEU:HD21	10	0.74
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB2	1:206:A:LEU:HD22	10	0.74
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB2	1:206:A:LEU:HD23	10	0.74
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB3	1:206:A:LEU:HD11	10	0.74
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB3	1:206:A:LEU:HD12	10	0.74
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB3	1:206:A:LEU:HD13	10	0.74
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB3	1:206:A:LEU:HD21	10	0.74
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB3	1:206:A:LEU:HD22	10	0.74
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB3	1:206:A:LEU:HD23	10	0.74
(4,2801)	1:39:A:LEU:H	1:45:A:LEU:HD11	1	0.74
(4,2801)	1:39:A:LEU:H	1:45:A:LEU:HD12	1	0.74
(4,2801)	1:39:A:LEU:H	1:45:A:LEU:HD13	1	0.74
(4,2801)	1:39:A:LEU:H	1:45:A:LEU:HD21	1	0.74
(4,2801)	1:39:A:LEU:H	1:45:A:LEU:HD22	1	0.74
(4,2801)	1:39:A:LEU:H	1:45:A:LEU:HD23	1	0.74
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE1	17	0.74
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE2	17	0.74
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD11	1:145:A:ASN:H	5	0.74
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD12	1:145:A:ASN:H	5	0.74
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD13	1:145:A:ASN:H	5	0.74
(4,2613)	1:20:A:ASN:H	1:21:A:PHE:HD1	5	0.74
(4,2613)	1:20:A:ASN:H	1:21:A:PHE:HD2	5	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:H	6	0.74
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:H	6	0.74
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HB	9	0.74
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HB	9	0.74
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HB	9	0.74
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD1	10	0.74
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD2	10	0.74
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD1	10	0.74
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD2	10	0.74
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD1	10	0.74
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD2	10	0.74
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HD1	17	0.74
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HD2	17	0.74
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HD1	17	0.74
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HD2	17	0.74
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HD1	17	0.74
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HD2	17	0.74
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB2	16	0.74
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB3	16	0.74
(4,2384)	1:23:A:HIS:H	1:24:A:LYS:HG2	17	0.74
(4,2384)	1:23:A:HIS:H	1:24:A:LYS:HG3	17	0.74
(4,2378)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:HA2	18	0.74
(4,2378)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:HA3	18	0.74
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD11	1:41:A:GLU:H	8	0.74
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD12	1:41:A:GLU:H	8	0.74
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD13	1:41:A:GLU:H	8	0.74
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB1	17	0.74
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB2	17	0.74
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB3	17	0.74
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB1	17	0.74
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB2	17	0.74
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB3	17	0.74
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD21	1:226:A:PHE:H	5	0.74
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD22	1:226:A:PHE:H	5	0.74
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD21	14	0.74
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD22	14	0.74
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD23	14	0.74
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD21	14	0.74
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD22	14	0.74
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD23	14	0.74
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG11	1:189:A:LEU:H	4	0.74
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG12	1:189:A:LEU:H	4	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG13	1:189:A:LEU:H	4	0.74
(4,2263)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:H	3	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD11	11	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD12	11	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD13	11	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD21	11	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD22	11	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD23	11	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD11	11	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD12	11	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD13	11	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD21	11	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD22	11	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD23	11	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD11	11	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD12	11	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD13	11	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD21	11	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD22	11	0.74
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD23	11	0.74
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD1	1:222:A:ASP:HB2	4	0.74
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD1	1:222:A:ASP:HB3	4	0.74
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD2	1:222:A:ASP:HB2	4	0.74
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD2	1:222:A:ASP:HB3	4	0.74
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:H	14	0.74
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:H	14	0.74
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG21	2	0.74
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG22	2	0.74
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG23	2	0.74
(4,2098)	1:25:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	9	0.74
(4,2098)	1:25:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	9	0.74
(4,2098)	1:25:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	9	0.74
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	12	0.74
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	12	0.74
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	12	0.74
(4,2061)	1:33:A:TYR:H	1:234:A:ASN:HA	3	0.74
(4,2031)	1:153:A:GLN:HE21	1:154:A:SER:H	5	0.74
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD11	1	0.74
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD12	1	0.74
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD13	1	0.74
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD21	1	0.74
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD22	1	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD23	1	0.74
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB1	12	0.74
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB2	12	0.74
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB3	12	0.74
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB1	12	0.74
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB2	12	0.74
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB3	12	0.74
(4,2005)	1:147:A:GLN:HE22	1:148:A:THR:H	17	0.74
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD2	1:217:A:ASN:HD22	14	0.74
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD3	1:217:A:ASN:HD22	14	0.74
(4,1946)	1:69:A:THR:HG21	1:71:A:GLN:H	18	0.74
(4,1946)	1:69:A:THR:HG22	1:71:A:GLN:H	18	0.74
(4,1946)	1:69:A:THR:HG23	1:71:A:GLN:H	18	0.74
(4,1946)	1:69:A:THR:HG21	1:71:A:GLN:H	20	0.74
(4,1946)	1:69:A:THR:HG22	1:71:A:GLN:H	20	0.74
(4,1946)	1:69:A:THR:HG23	1:71:A:GLN:H	20	0.74
(4,1856)	1:29:A:ASN:HD22	1:30:A:GLU:H	5	0.74
(4,1856)	1:29:A:ASN:HD22	1:30:A:GLU:H	12	0.74
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	9	0.74
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	9	0.74
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	9	0.74
(4,1841)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:H	16	0.74
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:H	8	0.74
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:H	8	0.74
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:H	8	0.74
(4,1721)	1:214:A:TYR:H	1:215:A:MET:HG2	2	0.74
(4,1721)	1:214:A:TYR:H	1:215:A:MET:HG3	2	0.74
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG11	1:202:A:ILE:HB	5	0.74
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG12	1:202:A:ILE:HB	5	0.74
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG13	1:202:A:ILE:HB	5	0.74
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB1	18	0.74
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB2	18	0.74
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB3	18	0.74
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB1	18	0.74
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB2	18	0.74
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB3	18	0.74
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB1	18	0.74
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB2	18	0.74
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB3	18	0.74
(4,1651)	1:59:A:PHE:H	1:165:A:LEU:HB2	5	0.74
(4,1623)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HE1	18	0.74
(4,1623)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HE2	18	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1531)	1:156:A:ALA:H	1:157:A:PRO:HB3	15	0.74
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD1	1:215:A:MET:H	10	0.74
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD2	1:215:A:MET:H	10	0.74
(4,1400)	1:67:A:SER:H	1:68:A:SER:HA	5	0.74
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD21	1:151:A:THR:H	2	0.74
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD22	1:151:A:THR:H	2	0.74
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD11	3	0.74
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD12	3	0.74
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD13	3	0.74
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:H	12	0.74
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:H	12	0.74
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:H	12	0.74
(4,1354)	1:170:A:TYR:H	1:170:A:TYR:HE1	15	0.74
(4,1354)	1:170:A:TYR:H	1:170:A:TYR:HE2	15	0.74
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG11	4	0.74
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG12	4	0.74
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG13	4	0.74
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG21	4	0.74
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG22	4	0.74
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG23	4	0.74
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD11	4	0.74
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD12	4	0.74
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD13	4	0.74
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD1	14	0.74
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD2	14	0.74
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD11	1	0.74
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD12	1	0.74
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD13	1	0.74
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD21	1	0.74
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD22	1	0.74
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD23	1	0.74
(4,1113)	1:233:A:PRO:HA	1:235:A:TRP:H	17	0.74
(4,1074)	1:79:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:H	4	0.74
(4,1074)	1:79:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:H	4	0.74
(4,1074)	1:79:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:H	4	0.74
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD11	5	0.74
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD12	5	0.74
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD13	5	0.74
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD11	5	0.74
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD12	5	0.74
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD13	5	0.74
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB1	9	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB2	9	0.74
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB3	9	0.74
(4,991)	1:137:A:PHE:HB2	1:139:A:LEU:H	4	0.74
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD11	3	0.74
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD12	3	0.74
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD13	3	0.74
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD21	3	0.74
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD22	3	0.74
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD23	3	0.74
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD1	3	0.74
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD2	3	0.74
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG2	7	0.74
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG3	7	0.74
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG2	7	0.74
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG3	7	0.74
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD11	16	0.74
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD12	16	0.74
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD13	16	0.74
(4,801)	1:48:A:LEU:HD21	1:201:A:LEU:H	20	0.74
(4,801)	1:48:A:LEU:HD22	1:201:A:LEU:H	20	0.74
(4,801)	1:48:A:LEU:HD23	1:201:A:LEU:H	20	0.74
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB2	9	0.74
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB3	9	0.74
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB2	19	0.74
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB3	19	0.74
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB2	19	0.74
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB3	19	0.74
(4,626)	1:120:A:SER:HA	1:126:A:LYS:HA	6	0.74
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB2	13	0.74
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB3	13	0.74
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB2	13	0.74
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB3	13	0.74
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB2	3	0.74
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB3	3	0.74
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB2	3	0.74
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB3	3	0.74
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB2	3	0.74
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB3	3	0.74
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG21	11	0.74
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG22	11	0.74
(4,405)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG23	11	0.74
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD11	13	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD12	13	0.74
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD13	13	0.74
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD21	13	0.74
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD22	13	0.74
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD23	13	0.74
(4,324)	1:153:A:GLN:HE21	1:156:A:ALA:H	9	0.74
(4,296)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD21	16	0.74
(4,266)	1:189:A:LEU:HB2	1:191:A:LEU:H	10	0.74
(4,266)	1:189:A:LEU:HB3	1:191:A:LEU:H	10	0.74
(4,218)	1:144:A:GLU:HB2	1:145:A:ASN:HD21	15	0.74
(4,218)	1:144:A:GLU:HB2	1:145:A:ASN:HD22	15	0.74
(4,218)	1:144:A:GLU:HB3	1:145:A:ASN:HD21	15	0.74
(4,218)	1:144:A:GLU:HB3	1:145:A:ASN:HD22	15	0.74
(4,171)	1:50:A:ARG:H	1:50:A:ARG:HD3	12	0.74
(4,149)	1:234:A:ASN:HD21	1:236:A:GLU:H	7	0.74
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD11	7	0.74
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD12	7	0.74
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD13	7	0.74
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG21	16	0.74
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG22	16	0.74
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG23	16	0.74
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD21	19	0.74
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD22	19	0.74
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD23	19	0.74
(3,24)	1:54:A:ALA:H	1:231:A:LEU:O	7	0.74
(3,15)	1:169:A:THR:O	1:180:A:LEU:H	11	0.74
(1,146)	1:189:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	9	0.74
(1,87)	1:220:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	16	0.74
(1,86)	1:225:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	11	0.74
(5,699)	1:5:A:ASN:ND2	1:50:A:ARG:H	7	0.73
(5,346)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	19	0.73
(5,131)	1:140:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	9	0.73
(5,90)	1:140:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	18	0.73
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG2	14	0.73
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG3	14	0.73
(4,4251)	1:81:A:TRP:HH2	1:184:A:ASN:H	10	0.73
(4,4251)	1:81:A:TRP:HH2	1:184:A:ASN:H	11	0.73
(4,4246)	1:62:A:ASN:H	1:65:A:ARG:H	12	0.73
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	14	0.73
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	14	0.73
(4,4157)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:H	16	0.73
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	15	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	15	0.73
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	15	0.73
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	15	0.73
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	15	0.73
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	15	0.73
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	15	0.73
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	15	0.73
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	15	0.73
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	15	0.73
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	15	0.73
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	15	0.73
(4,4090)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:H	13	0.73
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE1	18	0.73
(4,3992)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HE2	18	0.73
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG11	1:141:A:VAL:HB	4	0.73
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG12	1:141:A:VAL:HB	4	0.73
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG13	1:141:A:VAL:HB	4	0.73
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG21	1:141:A:VAL:HB	4	0.73
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG22	1:141:A:VAL:HB	4	0.73
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG23	1:141:A:VAL:HB	4	0.73
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	8	0.73
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	8	0.73
(4,3863)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE22	2	0.73
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD21	16	0.73
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD22	16	0.73
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD23	16	0.73
(4,3810)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD21	4	0.73
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:H	2	0.73
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:H	2	0.73
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:H	2	0.73
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:H	20	0.73
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:H	20	0.73
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:H	20	0.73
(4,3797)	1:140:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HG21	12	0.73
(4,3797)	1:140:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HG22	12	0.73
(4,3797)	1:140:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HG23	12	0.73
(4,3768)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD11	20	0.73
(4,3768)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD12	20	0.73
(4,3768)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD13	20	0.73
(4,3753)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:H	18	0.73
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD11	4	0.73
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD12	4	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD13	4	0.73
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD21	4	0.73
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD22	4	0.73
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD23	4	0.73
(4,3717)	1:169:A:THR:HG1	1:180:A:LEU:H	1	0.73
(4,3713)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HA	13	0.73
(4,3713)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HA	13	0.73
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG11	11	0.73
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG12	11	0.73
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG13	11	0.73
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG21	11	0.73
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG22	11	0.73
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG23	11	0.73
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE1	3	0.73
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE2	3	0.73
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG21	1:146:A:VAL:H	19	0.73
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG22	1:146:A:VAL:H	19	0.73
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG23	1:146:A:VAL:H	19	0.73
(4,3633)	1:90:A:CYS:H	1:94:A:ALA:H	5	0.73
(4,3633)	1:90:A:CYS:H	1:94:A:ALA:H	6	0.73
(4,3633)	1:90:A:CYS:H	1:94:A:ALA:H	20	0.73
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE1	1:98:A:SER:H	3	0.73
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE2	1:98:A:SER:H	3	0.73
(4,3571)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	4	0.73
(4,3571)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	4	0.73
(4,3570)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD21	13	0.73
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG2	1:147:A:GLN:H	1	0.73
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG3	1:147:A:GLN:H	1	0.73
(4,3537)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HB	19	0.73
(4,3537)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HB	19	0.73
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	20	0.73
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	20	0.73
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	20	0.73
(4,3489)	1:132:A:VAL:HB	1:135:A:ASP:H	5	0.73
(4,3485)	1:126:A:LYS:HG2	1:127:A:ASN:HD21	17	0.73
(4,3485)	1:126:A:LYS:HG3	1:127:A:ASN:HD21	17	0.73
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG21	1:203:A:GLU:H	10	0.73
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG22	1:203:A:GLU:H	10	0.73
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG23	1:203:A:GLU:H	10	0.73
(4,3268)	1:210:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD1	9	0.73
(4,3268)	1:210:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD2	9	0.73
(4,3268)	1:210:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD1	9	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3268)	1:210:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD2	9	0.73
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG21	1:64:A:ASP:H	12	0.73
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG22	1:64:A:ASP:H	12	0.73
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG23	1:64:A:ASP:H	12	0.73
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG21	1:179:A:GLU:H	16	0.73
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG22	1:179:A:GLU:H	16	0.73
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG23	1:179:A:GLU:H	16	0.73
(4,3127)	1:31:A:TRP:HE1	1:106:A:LEU:H	8	0.73
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:H	18	0.73
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:H	18	0.73
(4,3073)	1:34:A:PHE:HB2	1:230:A:GLY:H	14	0.73
(4,3073)	1:34:A:PHE:HB3	1:230:A:GLY:H	14	0.73
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD11	1:115:A:PHE:HA	6	0.73
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD12	1:115:A:PHE:HA	6	0.73
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD13	1:115:A:PHE:HA	6	0.73
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD21	1:115:A:PHE:HA	6	0.73
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD22	1:115:A:PHE:HA	6	0.73
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD23	1:115:A:PHE:HA	6	0.73
(4,2980)	1:202:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:H	2	0.73
(4,2980)	1:202:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:H	2	0.73
(4,2980)	1:202:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:H	2	0.73
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	11	0.73
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	11	0.73
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	11	0.73
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	19	0.73
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	19	0.73
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	19	0.73
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB2	15	0.73
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB3	15	0.73
(4,2809)	1:55:A:ILE:HB	1:201:A:LEU:HB2	9	0.73
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:H	5	0.73
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:H	5	0.73
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:H	5	0.73
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD1	1:190:A:TYR:H	19	0.73
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD2	1:190:A:TYR:H	19	0.73
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:H	16	0.73
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:H	16	0.73
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:H	16	0.73
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB2	5	0.73
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB3	5	0.73
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG11	14	0.73
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG12	14	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG13	14	0.73
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG21	14	0.73
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG22	14	0.73
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG23	14	0.73
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD11	18	0.73
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD12	18	0.73
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD13	18	0.73
(4,2575)	1:19:A:THR:HG21	1:235:A:TRP:H	9	0.73
(4,2575)	1:19:A:THR:HG22	1:235:A:TRP:H	9	0.73
(4,2575)	1:19:A:THR:HG23	1:235:A:TRP:H	9	0.73
(4,2489)	1:152:A:GLY:H	1:154:A:SER:H	10	0.73
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG2	20	0.73
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG3	20	0.73
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG2	20	0.73
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG3	20	0.73
(4,2439)	1:79:A:VAL:HG21	1:188:A:PRO:HB2	1	0.73
(4,2439)	1:79:A:VAL:HG22	1:188:A:PRO:HB2	1	0.73
(4,2439)	1:79:A:VAL:HG23	1:188:A:PRO:HB2	1	0.73
(4,2433)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:H	20	0.73
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB2	1:7:A:ALA:H	7	0.73
(4,2420)	1:4:A:GLU:HB3	1:7:A:ALA:H	7	0.73
(4,2324)	1:65:A:ARG:H	1:67:A:SER:H	16	0.73
(4,2317)	1:177:A:ILE:H	1:194:A:SER:H	14	0.73
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD11	3	0.73
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD12	3	0.73
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD13	3	0.73
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD11	3	0.73
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD12	3	0.73
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD13	3	0.73
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD11	3	0.73
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD12	3	0.73
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD13	3	0.73
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD11	1:114:A:ASN:H	2	0.73
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD12	1:114:A:ASN:H	2	0.73
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD13	1:114:A:ASN:H	2	0.73
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD11	13	0.73
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD12	13	0.73
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD13	13	0.73
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD21	13	0.73
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD22	13	0.73
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD23	13	0.73
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	1	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	1	0.73
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	1	0.73
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	8	0.73
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	8	0.73
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	8	0.73
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	8	0.73
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	8	0.73
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	8	0.73
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD1	7	0.73
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD2	7	0.73
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	17	0.73
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	17	0.73
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	17	0.73
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB2	1:83:A:LYS:HG2	6	0.73
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB3	1:83:A:LYS:HG2	6	0.73
(4,1946)	1:69:A:THR:HG21	1:71:A:GLN:H	8	0.73
(4,1946)	1:69:A:THR:HG22	1:71:A:GLN:H	8	0.73
(4,1946)	1:69:A:THR:HG23	1:71:A:GLN:H	8	0.73
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG2	19	0.73
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	19	0.73
(4,1809)	1:81:A:TRP:HZ2	1:184:A:ASN:H	14	0.73
(4,1800)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD21	16	0.73
(4,1750)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:H	10	0.73
(4,1750)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:H	10	0.73
(4,1750)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:H	10	0.73
(4,1721)	1:214:A:TYR:H	1:215:A:MET:HG2	16	0.73
(4,1721)	1:214:A:TYR:H	1:215:A:MET:HG3	16	0.73
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:H	4	0.73
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:H	4	0.73
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:H	4	0.73
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB1	8	0.73
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB2	8	0.73
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB3	8	0.73
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB1	8	0.73
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB2	8	0.73
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB3	8	0.73
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB1	8	0.73
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB2	8	0.73
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB3	8	0.73
(4,1587)	1:190:A:TYR:HE1	1:192:A:GLY:H	4	0.73
(4,1587)	1:190:A:TYR:HE2	1:192:A:GLY:H	4	0.73
(4,1544)	1:172:A:GLU:HB2	1:177:A:ILE:H	14	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1520)	1:23:A:HIS:HD2	1:29:A:ASN:H	15	0.73
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HA	10	0.73
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HA	10	0.73
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HA	10	0.73
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HA	18	0.73
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HA	18	0.73
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HA	18	0.73
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD1	1:215:A:MET:H	6	0.73
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD2	1:215:A:MET:H	6	0.73
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD11	5	0.73
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD12	5	0.73
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD13	5	0.73
(4,1431)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HZ	19	0.73
(4,1431)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HZ	19	0.73
(4,1431)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HZ	19	0.73
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD21	5	0.73
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD22	5	0.73
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD23	5	0.73
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD21	5	0.73
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD22	5	0.73
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD23	5	0.73
(4,1378)	1:234:A:ASN:HA	1:236:A:GLU:H	2	0.73
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG21	12	0.73
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG22	12	0.73
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG23	12	0.73
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HA	10	0.73
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HA	10	0.73
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HA	10	0.73
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD2	3	0.73
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD3	3	0.73
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD2	3	0.73
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD3	3	0.73
(4,1240)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:H	20	0.73
(4,1233)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HH2	12	0.73
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG21	14	0.73
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG22	14	0.73
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG23	14	0.73
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG21	14	0.73
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG22	14	0.73
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG23	14	0.73
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG21	14	0.73
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG22	14	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG23	14	0.73
(4,1107)	1:57:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HD1	2	0.73
(4,1107)	1:57:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HD2	2	0.73
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD11	1:93:A:TYR:HD1	3	0.73
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD11	1:93:A:TYR:HD2	3	0.73
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD12	1:93:A:TYR:HD1	3	0.73
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD12	1:93:A:TYR:HD2	3	0.73
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD13	1:93:A:TYR:HD1	3	0.73
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD13	1:93:A:TYR:HD2	3	0.73
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD11	1:93:A:TYR:HD1	18	0.73
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD11	1:93:A:TYR:HD2	18	0.73
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD12	1:93:A:TYR:HD1	18	0.73
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD12	1:93:A:TYR:HD2	18	0.73
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD13	1:93:A:TYR:HD1	18	0.73
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD13	1:93:A:TYR:HD2	18	0.73
(4,1010)	1:177:A:ILE:HG12	1:194:A:SER:H	11	0.73
(4,1010)	1:177:A:ILE:HG13	1:194:A:SER:H	11	0.73
(4,1010)	1:177:A:ILE:HG12	1:194:A:SER:H	20	0.73
(4,1010)	1:177:A:ILE:HG13	1:194:A:SER:H	20	0.73
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE2	4	0.73
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE3	4	0.73
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE2	4	0.73
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE3	4	0.73
(4,994)	1:137:A:PHE:H	1:138:A:VAL:HB	7	0.73
(4,983)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:H	10	0.73
(4,946)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:H	11	0.73
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD11	5	0.73
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD12	5	0.73
(4,902)	1:39:A:LEU:CD2	1:55:A:ILE:HD13	5	0.73
(4,853)	1:76:A:SER:HA	1:79:A:VAL:H	11	0.73
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB1	7	0.73
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB2	7	0.73
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB3	7	0.73
(4,780)	1:73:A:ILE:HG12	1:76:A:SER:H	2	0.73
(4,780)	1:73:A:ILE:HG13	1:76:A:SER:H	2	0.73
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD21	3	0.73
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD22	3	0.73
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD23	3	0.73
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD21	16	0.73
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD22	16	0.73
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD23	16	0.73
(4,751)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:H	7	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,751)	1:2:A:SER:HB3	1:4:A:GLU:H	7	0.73
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB1	19	0.73
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB2	19	0.73
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB3	19	0.73
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB1	19	0.73
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB2	19	0.73
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB3	19	0.73
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB1	19	0.73
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB2	19	0.73
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB3	19	0.73
(4,703)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:CG2	13	0.73
(4,703)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:CG2	13	0.73
(4,703)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:CG2	13	0.73
(4,703)	1:206:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:CG2	13	0.73
(4,703)	1:206:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:CG2	13	0.73
(4,703)	1:206:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:CG2	13	0.73
(4,703)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:CG2	17	0.73
(4,703)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:CG2	17	0.73
(4,703)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:CG2	17	0.73
(4,703)	1:206:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:CG2	17	0.73
(4,703)	1:206:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:CG2	17	0.73
(4,703)	1:206:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:CG2	17	0.73
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD1	6	0.73
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD2	6	0.73
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD1	13	0.73
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD2	13	0.73
(4,509)	1:73:A:ILE:HD11	1:77:A:TYR:HD1	4	0.73
(4,509)	1:73:A:ILE:HD11	1:77:A:TYR:HD2	4	0.73
(4,509)	1:73:A:ILE:HD12	1:77:A:TYR:HD1	4	0.73
(4,509)	1:73:A:ILE:HD12	1:77:A:TYR:HD2	4	0.73
(4,509)	1:73:A:ILE:HD13	1:77:A:TYR:HD1	4	0.73
(4,509)	1:73:A:ILE:HD13	1:77:A:TYR:HD2	4	0.73
(4,500)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HB	11	0.73
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD11	14	0.73
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD12	14	0.73
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD13	14	0.73
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD21	14	0.73
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD22	14	0.73
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD23	14	0.73
(4,382)	1:32:A:ALA:HB1	1:233:A:PRO:HB2	9	0.73
(4,382)	1:32:A:ALA:HB2	1:233:A:PRO:HB2	9	0.73
(4,382)	1:32:A:ALA:HB3	1:233:A:PRO:HB2	9	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,325)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HE1	13	0.73
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE1	4	0.73
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE2	4	0.73
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD11	9	0.73
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD12	9	0.73
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD13	9	0.73
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD21	9	0.73
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD22	9	0.73
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD23	9	0.73
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD11	9	0.73
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD12	9	0.73
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD13	9	0.73
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD21	9	0.73
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD22	9	0.73
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD23	9	0.73
(4,108)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HE1	19	0.73
(4,108)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HE2	19	0.73
(4,108)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HE1	19	0.73
(4,108)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HE2	19	0.73
(4,108)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HE1	19	0.73
(4,108)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HE2	19	0.73
(4,104)	1:206:A:LEU:HD11	1:210:A:ARG:H	1	0.73
(4,104)	1:206:A:LEU:HD12	1:210:A:ARG:H	1	0.73
(4,104)	1:206:A:LEU:HD13	1:210:A:ARG:H	1	0.73
(4,104)	1:206:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:H	1	0.73
(4,104)	1:206:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:H	1	0.73
(4,104)	1:206:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:H	1	0.73
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD11	19	0.73
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD12	19	0.73
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD13	19	0.73
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD21	19	0.73
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD22	19	0.73
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD23	19	0.73
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD11	19	0.73
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD12	19	0.73
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD13	19	0.73
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD21	19	0.73
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD22	19	0.73
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD23	19	0.73
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD11	19	0.73
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD12	19	0.73
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD13	19	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD21	19	0.73
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD22	19	0.73
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD23	19	0.73
(4,79)	1:52:A:VAL:HG21	1:232:A:GLY:H	3	0.73
(4,79)	1:52:A:VAL:HG22	1:232:A:GLY:H	3	0.73
(4,79)	1:52:A:VAL:HG23	1:232:A:GLY:H	3	0.73
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB2	13	0.73
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB3	13	0.73
(4,61)	1:29:A:ASN:H	1:30:A:GLU:HG2	14	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG11	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG12	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG13	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG21	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG22	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG23	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG11	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG12	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG13	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG21	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG22	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG23	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG11	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG12	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG13	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG21	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG22	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG23	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG11	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG12	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG13	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG21	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG22	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG23	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG11	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG12	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG13	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG21	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG22	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG23	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG11	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG12	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG13	2	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG21	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG22	2	0.73
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG23	2	0.73
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD21	2	0.73
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD22	2	0.73
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD23	2	0.73
(4,8)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA3	13	0.73
(4,8)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA3	13	0.73
(3,3)	1:179:A:GLU:O	1:189:A:LEU:H	6	0.73
(2,638)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	6	0.73
(2,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	1	0.73
(2,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:89:A:ALA:H	19	0.73
(2,379)	1:13:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	1	0.73
(1,593)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	13	0.73
(1,554)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	11	0.73
(1,234)	1:100:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	5	0.73
(5,700)	1:5:A:ASN:ND2	1:70:A:SER:H	14	0.72
(5,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	13	0.72
(5,402)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	19	0.72
(5,312)	1:149:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	8	0.72
(4,4262)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HB	10	0.72
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:HG2	8	0.72
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:HG3	8	0.72
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:HG2	8	0.72
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:HG3	8	0.72
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:HG2	8	0.72
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:HG3	8	0.72
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	8	0.72
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	8	0.72
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	8	0.72
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	8	0.72
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	8	0.72
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	8	0.72
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	8	0.72
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	8	0.72
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	8	0.72
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	8	0.72
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	8	0.72
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	8	0.72
(4,4090)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:H	5	0.72
(4,4090)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:H	10	0.72
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:H	8	0.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:H	8	0.72
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD1	1:151:A:THR:H	20	0.72
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD2	1:151:A:THR:H	20	0.72
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB2	10	0.72
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB3	10	0.72
(4,3949)	1:140:A:ASN:H	1:143:A:LYS:HB2	12	0.72
(4,3949)	1:140:A:ASN:H	1:143:A:LYS:HB3	12	0.72
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	15	0.72
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	15	0.72
(4,3919)	1:82:A:PHE:HZ	1:100:A:SER:H	6	0.72
(4,3843)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD1	4	0.72
(4,3843)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD2	4	0.72
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB2	1	0.72
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB3	1	0.72
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB2	1	0.72
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB3	1	0.72
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB2	1	0.72
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB3	1	0.72
(4,3796)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE22	1	0.72
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD11	11	0.72
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD12	11	0.72
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD13	11	0.72
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD21	11	0.72
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD22	11	0.72
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD23	11	0.72
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB2	1:172:A:GLU:H	20	0.72
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB3	1:172:A:GLU:H	20	0.72
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG11	5	0.72
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG12	5	0.72
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG13	5	0.72
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG11	6	0.72
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG12	6	0.72
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG13	6	0.72
(4,3717)	1:169:A:THR:HG1	1:180:A:LEU:H	14	0.72
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG21	1:146:A:VAL:H	11	0.72
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG22	1:146:A:VAL:H	11	0.72
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG23	1:146:A:VAL:H	11	0.72
(4,3633)	1:90:A:CYS:H	1:94:A:ALA:H	10	0.72
(4,3633)	1:90:A:CYS:H	1:94:A:ALA:H	11	0.72
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB1	7	0.72
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB2	7	0.72
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB3	7	0.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	18	0.72
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	18	0.72
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	18	0.72
(4,3597)	1:224:A:LEU:HB2	1:225:A:ASN:HD21	6	0.72
(4,3597)	1:224:A:LEU:HB2	1:225:A:ASN:HD22	6	0.72
(4,3597)	1:224:A:LEU:HB3	1:225:A:ASN:HD21	6	0.72
(4,3597)	1:224:A:LEU:HB3	1:225:A:ASN:HD22	6	0.72
(4,3587)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:H	17	0.72
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	17	0.72
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	17	0.72
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	17	0.72
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	17	0.72
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	17	0.72
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	17	0.72
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG2	1:125:A:SER:H	1	0.72
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG3	1:125:A:SER:H	1	0.72
(4,3466)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HE21	15	0.72
(4,3466)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HE22	15	0.72
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG11	1:173:A:GLU:H	4	0.72
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG12	1:173:A:GLU:H	4	0.72
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG13	1:173:A:GLU:H	4	0.72
(4,3450)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HB2	8	0.72
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD11	11	0.72
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD12	11	0.72
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD13	11	0.72
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB1	9	0.72
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB2	9	0.72
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB3	9	0.72
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB1	9	0.72
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB2	9	0.72
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB3	9	0.72
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB1	9	0.72
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB2	9	0.72
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB3	9	0.72
(4,3200)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:H	7	0.72
(4,3200)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:H	7	0.72
(4,3200)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:H	7	0.72
(4,3190)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HB	16	0.72
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD11	4	0.72
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD12	4	0.72
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD13	4	0.72
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD21	4	0.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD22	4	0.72
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD23	4	0.72
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD11	4	0.72
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD12	4	0.72
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD13	4	0.72
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD21	4	0.72
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD22	4	0.72
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD23	4	0.72
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG12	17	0.72
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG13	17	0.72
(4,3133)	1:18:A:PHE:H	1:18:A:PHE:HE1	9	0.72
(4,3133)	1:18:A:PHE:H	1:18:A:PHE:HE2	9	0.72
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD1	19	0.72
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD2	19	0.72
(4,3032)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE22	9	0.72
(4,3024)	1:204:A:GLN:HE21	1:205:A:GLU:H	1	0.72
(4,3024)	1:204:A:GLN:HE22	1:205:A:GLU:H	1	0.72
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD21	18	0.72
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	18	0.72
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HB3	8	0.72
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HB3	8	0.72
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HB3	8	0.72
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD11	17	0.72
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD12	17	0.72
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD13	17	0.72
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD21	17	0.72
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD22	17	0.72
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD23	17	0.72
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD11	13	0.72
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD12	13	0.72
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD13	13	0.72
(4,2814)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE21	11	0.72
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:H	9	0.72
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:H	9	0.72
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:H	9	0.72
(4,2752)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD21	7	0.72
(4,2752)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD22	7	0.72
(4,2752)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD23	7	0.72
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD11	1:145:A:ASN:H	8	0.72
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD12	1:145:A:ASN:H	8	0.72
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD13	1:145:A:ASN:H	8	0.72
(4,2717)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HB2	12	0.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2717)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HB3	12	0.72
(4,2603)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HD1	1	0.72
(4,2603)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HD2	1	0.72
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD11	12	0.72
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD12	12	0.72
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD13	12	0.72
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD21	12	0.72
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD22	12	0.72
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD23	12	0.72
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:H	11	0.72
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:H	11	0.72
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:H	11	0.72
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD11	6	0.72
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD12	6	0.72
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD13	6	0.72
(4,2384)	1:23:A:HIS:H	1:24:A:LYS:HG2	3	0.72
(4,2384)	1:23:A:HIS:H	1:24:A:LYS:HG3	3	0.72
(4,2368)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HB3	2	0.72
(4,2288)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	4	0.72
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	4	0.72
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	4	0.72
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	8	0.72
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	8	0.72
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	8	0.72
(4,2144)	1:81:A:TRP:HH2	1:84:A:GLN:H	12	0.72
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE1	1	0.72
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE2	1	0.72
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE1	1	0.72
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE2	1	0.72
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE1	1	0.72
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE2	1	0.72
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD11	17	0.72
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD12	17	0.72
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD13	17	0.72
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD21	1:147:A:GLN:H	4	0.72
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD22	1:147:A:GLN:H	4	0.72
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD21	1:147:A:GLN:H	12	0.72
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD22	1:147:A:GLN:H	12	0.72
(4,2084)	1:97:A:HIS:H	1:169:A:THR:HB	8	0.72
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	2	0.72
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	2	0.72
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	2	0.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2005)	1:147:A:GLN:HE22	1:148:A:THR:H	4	0.72
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD11	1:152:A:GLY:H	7	0.72
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD12	1:152:A:GLY:H	7	0.72
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD13	1:152:A:GLY:H	7	0.72
(4,1967)	1:83:A:LYS:HG2	1:85:A:SER:HA	4	0.72
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD11	9	0.72
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD12	9	0.72
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD13	9	0.72
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD21	9	0.72
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD22	9	0.72
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD23	9	0.72
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG11	18	0.72
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG12	18	0.72
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG13	18	0.72
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG21	18	0.72
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG22	18	0.72
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG23	18	0.72
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD11	11	0.72
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD12	11	0.72
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD13	11	0.72
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:H	20	0.72
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:H	20	0.72
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:H	20	0.72
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD11	11	0.72
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD12	11	0.72
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD13	11	0.72
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD21	11	0.72
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD22	11	0.72
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD23	11	0.72
(4,1800)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD21	12	0.72
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:H	18	0.72
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:H	18	0.72
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:H	18	0.72
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG12	11	0.72
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG13	11	0.72
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG12	11	0.72
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG13	11	0.72
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG12	11	0.72
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG13	11	0.72
(4,1673)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HB	5	0.72
(4,1626)	1:95:A:ILE:H	1:98:A:SER:HG	6	0.72
(4,1573)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB3	5	0.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG11	14	0.72
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG12	14	0.72
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG13	14	0.72
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG21	14	0.72
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG22	14	0.72
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG23	14	0.72
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD1	1:215:A:MET:H	5	0.72
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD2	1:215:A:MET:H	5	0.72
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD1	1:215:A:MET:H	13	0.72
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD2	1:215:A:MET:H	13	0.72
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD1	1:215:A:MET:H	18	0.72
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD2	1:215:A:MET:H	18	0.72
(4,1455)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:H	2	0.72
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG11	4	0.72
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG12	4	0.72
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG13	4	0.72
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:H	8	0.72
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:H	8	0.72
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:H	8	0.72
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG11	19	0.72
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG12	19	0.72
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG13	19	0.72
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG21	19	0.72
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG22	19	0.72
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG23	19	0.72
(4,1292)	1:98:A:SER:HB2	1:102:A:ASN:HD21	2	0.72
(4,1292)	1:98:A:SER:HB2	1:102:A:ASN:HD22	2	0.72
(4,1292)	1:98:A:SER:HB3	1:102:A:ASN:HD21	2	0.72
(4,1292)	1:98:A:SER:HB3	1:102:A:ASN:HD22	2	0.72
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:H	1	0.72
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:H	1	0.72
(4,1266)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:TYR:HD1	18	0.72
(4,1266)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:TYR:HD2	18	0.72
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG21	4	0.72
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG22	4	0.72
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG23	4	0.72
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD21	1:114:A:ASN:H	2	0.72
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD22	1:114:A:ASN:H	2	0.72
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD23	1:114:A:ASN:H	2	0.72
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE21	10	0.72
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE22	10	0.72
(4,1104)	1:195:A:ASP:H	1:207:A:VAL:H	11	0.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG21	1:194:A:SER:H	2	0.72
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG22	1:194:A:SER:H	2	0.72
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG23	1:194:A:SER:H	2	0.72
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD11	11	0.72
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD12	11	0.72
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD13	11	0.72
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD11	11	0.72
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD12	11	0.72
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD13	11	0.72
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD11	4	0.72
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD12	4	0.72
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD13	4	0.72
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD11	4	0.72
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD12	4	0.72
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD13	4	0.72
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD11	4	0.72
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD12	4	0.72
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD13	4	0.72
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB2	20	0.72
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB3	20	0.72
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD11	6	0.72
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD12	6	0.72
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD13	6	0.72
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD21	6	0.72
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD22	6	0.72
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD23	6	0.72
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD1	7	0.72
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD2	7	0.72
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD11	5	0.72
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD12	5	0.72
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD13	5	0.72
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD11	5	0.72
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD12	5	0.72
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD13	5	0.72
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD11	5	0.72
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD12	5	0.72
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD13	5	0.72
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD21	16	0.72
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD22	16	0.72
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD23	16	0.72
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB1	4	0.72
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB2	4	0.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB3	4	0.72
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	17	0.72
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	17	0.72
(4,790)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:H	4	0.72
(4,703)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:CG2	12	0.72
(4,703)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:CG2	12	0.72
(4,703)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:CG2	12	0.72
(4,703)	1:206:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:CG2	12	0.72
(4,703)	1:206:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:CG2	12	0.72
(4,703)	1:206:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:CG2	12	0.72
(4,679)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:H	14	0.72
(4,679)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:H	14	0.72
(4,679)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:H	14	0.72
(4,679)	1:57:A:LEU:HD21	1:214:A:TYR:H	14	0.72
(4,679)	1:57:A:LEU:HD22	1:214:A:TYR:H	14	0.72
(4,679)	1:57:A:LEU:HD23	1:214:A:TYR:H	14	0.72
(4,667)	1:136:A:GLN:HB2	1:139:A:LEU:HB2	16	0.72
(4,667)	1:136:A:GLN:HB2	1:139:A:LEU:HB3	16	0.72
(4,667)	1:136:A:GLN:HB3	1:139:A:LEU:HB2	16	0.72
(4,667)	1:136:A:GLN:HB3	1:139:A:LEU:HB3	16	0.72
(4,651)	1:145:A:ASN:HB2	1:149:A:PHE:H	12	0.72
(4,651)	1:145:A:ASN:HB3	1:149:A:PHE:H	12	0.72
(4,638)	1:73:A:ILE:HG21	1:186:A:SER:H	19	0.72
(4,638)	1:73:A:ILE:HG22	1:186:A:SER:H	19	0.72
(4,638)	1:73:A:ILE:HG23	1:186:A:SER:H	19	0.72
(4,600)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB2	4	0.72
(4,600)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB2	4	0.72
(4,600)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB2	4	0.72
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD1	7	0.72
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD2	7	0.72
(4,497)	1:29:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD21	10	0.72
(4,438)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HB2	2	0.72
(4,438)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HB3	2	0.72
(4,341)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HB	1	0.72
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD11	18	0.72
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD12	18	0.72
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD13	18	0.72
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD21	18	0.72
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD22	18	0.72
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD23	18	0.72
(4,287)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:H	10	0.72
(4,287)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:H	10	0.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,241)	1:59:A:PHE:HD1	1:226:A:PHE:HB2	16	0.72
(4,241)	1:59:A:PHE:HD2	1:226:A:PHE:HB2	16	0.72
(4,224)	1:39:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:CG1	17	0.72
(4,224)	1:39:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:CG1	17	0.72
(4,224)	1:39:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:CG1	17	0.72
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	10	0.72
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	10	0.72
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	10	0.72
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	10	0.72
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	10	0.72
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	10	0.72
(4,194)	1:146:A:VAL:HA	1:150:A:SER:H	3	0.72
(4,170)	1:61:A:ILE:HD11	1:166:A:HIS:H	16	0.72
(4,170)	1:61:A:ILE:HD12	1:166:A:HIS:H	16	0.72
(4,170)	1:61:A:ILE:HD13	1:166:A:HIS:H	16	0.72
(4,131)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HG12	9	0.72
(4,131)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HG13	9	0.72
(4,131)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HG12	9	0.72
(4,131)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HG13	9	0.72
(4,96)	1:115:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HG3	7	0.72
(4,96)	1:115:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HG3	7	0.72
(4,50)	1:25:A:LEU:HA	1:111:A:ASP:HA	8	0.72
(4,38)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HG3	16	0.72
(4,38)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HG3	16	0.72
(4,38)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HG3	16	0.72
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD21	7	0.72
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD22	7	0.72
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD23	7	0.72
(3,19)	1:55:A:ILE:H	1:170:A:TYR:O	17	0.72
(3,18)	1:32:A:ALA:O	1:232:A:GLY:H	14	0.72
(1,234)	1:100:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	7	0.72
(1,197)	1:85:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	15	0.72
(1,176)	1:84:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	1	0.72
(1,176)	1:84:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	15	0.72
(1,162)	1:98:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	8	0.72
(1,91)	1:209:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	10	0.72
(5,745)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	13	0.71
(5,733)	1:5:A:ASN:ND2	1:118:A:SER:H	17	0.71
(5,451)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	9	0.71
(5,426)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	16	0.71
(5,396)	1:5:A:ASN:ND2	1:95:A:ILE:H	11	0.71
(5,131)	1:140:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	18	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,8)	1:104:A:SER:OG	1:212:A:ALA:H	18	0.71
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:H	2	0.71
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:H	2	0.71
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:H	2	0.71
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:H	10	0.71
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:H	10	0.71
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:H	10	0.71
(4,4209)	1:101:A:ASN:H	1:102:A:ASN:HD21	12	0.71
(4,4209)	1:101:A:ASN:H	1:102:A:ASN:HD22	12	0.71
(4,4152)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HA	4	0.71
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:HG11	3	0.71
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:HG12	3	0.71
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:HG13	3	0.71
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:HG11	3	0.71
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:HG12	3	0.71
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:HG13	3	0.71
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:HG11	3	0.71
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:HG12	3	0.71
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:HG13	3	0.71
(4,4070)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:H	12	0.71
(4,4069)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:H	12	0.71
(4,4060)	1:93:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:H	11	0.71
(4,4060)	1:93:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:H	11	0.71
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	6	0.71
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	6	0.71
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG12	16	0.71
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG13	16	0.71
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG12	16	0.71
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG13	16	0.71
(4,4035)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HA	11	0.71
(4,4035)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HA	11	0.71
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB2	9	0.71
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB3	9	0.71
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB2	9	0.71
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB3	9	0.71
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB2	9	0.71
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB3	9	0.71
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB2	9	0.71
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB3	9	0.71
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB2	9	0.71
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB3	9	0.71
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB2	9	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB3	9	0.71
(4,3979)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:HA	7	0.71
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD11	14	0.71
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD12	14	0.71
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD13	14	0.71
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD21	14	0.71
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD22	14	0.71
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD23	14	0.71
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG21	20	0.71
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG22	20	0.71
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG23	20	0.71
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG21	20	0.71
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG22	20	0.71
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG23	20	0.71
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:H	9	0.71
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:H	9	0.71
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:H	9	0.71
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:HE21	6	0.71
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:HE22	6	0.71
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:HE21	6	0.71
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:HE22	6	0.71
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:HE21	6	0.71
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:HE22	6	0.71
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB2	1:232:A:GLY:H	3	0.71
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB3	1:232:A:GLY:H	3	0.71
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG21	11	0.71
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG22	11	0.71
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG23	11	0.71
(4,3469)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HD1	12	0.71
(4,3437)	1:81:A:TRP:HZ2	1:187:A:GLY:H	1	0.71
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD11	16	0.71
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD12	16	0.71
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD13	16	0.71
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD11	16	0.71
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD12	16	0.71
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD13	16	0.71
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD11	16	0.71
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD12	16	0.71
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD13	16	0.71
(4,3396)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HG	1	0.71
(4,3355)	1:54:A:ALA:HA	1:170:A:TYR:H	7	0.71
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD21	16	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD22	16	0.71
(4,3339)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD23	16	0.71
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG21	8	0.71
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG22	8	0.71
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG23	8	0.71
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG21	8	0.71
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG22	8	0.71
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG23	8	0.71
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HE1	8	0.71
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HE1	8	0.71
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HE1	8	0.71
(4,3237)	1:150:A:SER:H	1:152:A:GLY:H	11	0.71
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD11	20	0.71
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD12	20	0.71
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD13	20	0.71
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD21	20	0.71
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD22	20	0.71
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD23	20	0.71
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD11	20	0.71
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD12	20	0.71
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD13	20	0.71
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD21	20	0.71
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD22	20	0.71
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD23	20	0.71
(4,3133)	1:18:A:PHE:H	1:18:A:PHE:HE1	20	0.71
(4,3133)	1:18:A:PHE:H	1:18:A:PHE:HE2	20	0.71
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB1	7	0.71
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB2	7	0.71
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB3	7	0.71
(4,3111)	1:89:A:ALA:H	1:93:A:TYR:HD1	18	0.71
(4,3111)	1:89:A:ALA:H	1:93:A:TYR:HD2	18	0.71
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD11	4	0.71
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD12	4	0.71
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD13	4	0.71
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD21	4	0.71
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD22	4	0.71
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD23	4	0.71
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD11	4	0.71
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD12	4	0.71
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD13	4	0.71
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD21	4	0.71
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD22	4	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD23	4	0.71
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HE1	2	0.71
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HE1	2	0.71
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HE1	2	0.71
(4,3021)	1:15:A:PRO:HG2	1:35:A:ASP:HB3	7	0.71
(4,3021)	1:15:A:PRO:HG3	1:35:A:ASP:HB3	7	0.71
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD21	8	0.71
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD22	8	0.71
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD23	8	0.71
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD21	8	0.71
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD22	8	0.71
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD23	8	0.71
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD21	8	0.71
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD22	8	0.71
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD23	8	0.71
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD21	13	0.71
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD1	1:101:A:ASN:HD22	13	0.71
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD21	13	0.71
(4,2933)	1:82:A:PHE:HD2	1:101:A:ASN:HD22	13	0.71
(4,2923)	1:36:A:ILE:H	1:38:A:SER:H	1	0.71
(4,2836)	1:98:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	20	0.71
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD11	9	0.71
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD12	9	0.71
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD13	9	0.71
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD21	9	0.71
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD22	9	0.71
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD23	9	0.71
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD21	1:221:A:GLU:HG2	1	0.71
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD21	1:221:A:GLU:HG3	1	0.71
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:HG2	1	0.71
(4,2786)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:HG3	1	0.71
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD11	1:99:A:LEU:HG	1	0.71
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD12	1:99:A:LEU:HG	1	0.71
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD13	1:99:A:LEU:HG	1	0.71
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD21	1:99:A:LEU:HG	1	0.71
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD22	1:99:A:LEU:HG	1	0.71
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD23	1:99:A:LEU:HG	1	0.71
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG11	1:152:A:GLY:H	1	0.71
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG12	1:152:A:GLY:H	1	0.71
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG13	1:152:A:GLY:H	1	0.71
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	1	0.71
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	1	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2770)	1:9:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	1	0.71
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB1	15	0.71
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB2	15	0.71
(4,2740)	1:8:A:VAL:HA	1:159:A:ALA:HB3	15	0.71
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD11	14	0.71
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD12	14	0.71
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD13	14	0.71
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD21	14	0.71
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD22	14	0.71
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD23	14	0.71
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD11	14	0.71
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD12	14	0.71
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD13	14	0.71
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD21	14	0.71
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD22	14	0.71
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD23	14	0.71
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD11	14	0.71
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD12	14	0.71
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD13	14	0.71
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD21	14	0.71
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD22	14	0.71
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD23	14	0.71
(4,2634)	1:214:A:TYR:H	1:217:A:ASN:H	5	0.71
(4,2613)	1:20:A:ASN:H	1:21:A:PHE:HD1	11	0.71
(4,2613)	1:20:A:ASN:H	1:21:A:PHE:HD2	11	0.71
(4,2575)	1:19:A:THR:HG21	1:235:A:TRP:H	16	0.71
(4,2575)	1:19:A:THR:HG22	1:235:A:TRP:H	16	0.71
(4,2575)	1:19:A:THR:HG23	1:235:A:TRP:H	16	0.71
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD11	1:201:A:LEU:H	10	0.71
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD12	1:201:A:LEU:H	10	0.71
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD13	1:201:A:LEU:H	10	0.71
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG11	3	0.71
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG12	3	0.71
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG13	3	0.71
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG21	3	0.71
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG22	3	0.71
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG23	3	0.71
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG11	3	0.71
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG12	3	0.71
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG13	3	0.71
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG21	3	0.71
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG22	3	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG23	3	0.71
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:H	20	0.71
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:H	20	0.71
(4,2490)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD11	15	0.71
(4,2490)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD12	15	0.71
(4,2490)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD13	15	0.71
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD1	12	0.71
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD2	12	0.71
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD1	12	0.71
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD2	12	0.71
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD1	12	0.71
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD2	12	0.71
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD11	2	0.71
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD12	2	0.71
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD13	2	0.71
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	2	0.71
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	2	0.71
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	2	0.71
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB1	10	0.71
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB2	10	0.71
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB3	10	0.71
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB1	10	0.71
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB2	10	0.71
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB3	10	0.71
(4,2343)	1:73:A:ILE:H	1:186:A:SER:H	1	0.71
(4,2343)	1:73:A:ILE:H	1:186:A:SER:H	11	0.71
(4,2227)	1:57:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:HG2	12	0.71
(4,2227)	1:57:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:HG3	12	0.71
(4,2227)	1:57:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:HG2	12	0.71
(4,2227)	1:57:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:HG3	12	0.71
(4,2227)	1:57:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:HG2	12	0.71
(4,2227)	1:57:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:HG3	12	0.71
(4,2137)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:H	18	0.71
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG21	9	0.71
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG22	9	0.71
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG23	9	0.71
(4,1944)	1:11:A:ILE:H	1:13:A:SER:H	16	0.71
(4,1881)	1:42:A:PRO:HB2	1:46:A:ALA:HA	3	0.71
(4,1881)	1:42:A:PRO:HB2	1:46:A:ALA:HA	10	0.71
(4,1880)	1:207:A:VAL:HB	1:211:A:VAL:H	18	0.71
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD11	18	0.71
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD12	18	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD13	18	0.71
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD2	1:84:A:GLN:HB2	3	0.71
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD2	1:84:A:GLN:HB3	3	0.71
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD3	1:84:A:GLN:HB2	3	0.71
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD3	1:84:A:GLN:HB3	3	0.71
(4,1830)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD22	6	0.71
(4,1809)	1:81:A:TRP:HZ2	1:184:A:ASN:H	18	0.71
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:H	8	0.71
(4,1797)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:H	8	0.71
(4,1728)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD22	6	0.71
(4,1721)	1:214:A:TYR:H	1:215:A:MET:HG2	13	0.71
(4,1721)	1:214:A:TYR:H	1:215:A:MET:HG3	13	0.71
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG11	1:173:A:GLU:H	6	0.71
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG12	1:173:A:GLU:H	6	0.71
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG13	1:173:A:GLU:H	6	0.71
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	15	0.71
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	15	0.71
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	15	0.71
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE1	1:49:A:PRO:HG2	14	0.71
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE1	1:49:A:PRO:HG3	14	0.71
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE2	1:49:A:PRO:HG2	14	0.71
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE2	1:49:A:PRO:HG3	14	0.71
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:CG2	15	0.71
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:CG2	15	0.71
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:CG2	15	0.71
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:CG2	15	0.71
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:CG2	15	0.71
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:CG2	15	0.71
(4,1520)	1:23:A:HIS:HD2	1:29:A:ASN:H	5	0.71
(4,1493)	1:83:A:LYS:HG2	1:85:A:SER:H	18	0.71
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD1	19	0.71
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD2	19	0.71
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD1	19	0.71
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD2	19	0.71
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD1	1:215:A:MET:H	9	0.71
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD2	1:215:A:MET:H	9	0.71
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	18	0.71
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	18	0.71
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	18	0.71
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	18	0.71
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	18	0.71
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	18	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD1	7	0.71
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD2	7	0.71
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG11	19	0.71
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG12	19	0.71
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG13	19	0.71
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:H	4	0.71
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:H	4	0.71
(4,1354)	1:170:A:TYR:H	1:170:A:TYR:HE1	19	0.71
(4,1354)	1:170:A:TYR:H	1:170:A:TYR:HE2	19	0.71
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG11	18	0.71
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG12	18	0.71
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG13	18	0.71
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG21	18	0.71
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG22	18	0.71
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG23	18	0.71
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG21	6	0.71
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG22	6	0.71
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG23	6	0.71
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG21	6	0.71
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG22	6	0.71
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG23	6	0.71
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD1	8	0.71
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD2	8	0.71
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:H	19	0.71
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:H	19	0.71
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:H	19	0.71
(4,1094)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:H	14	0.71
(4,1094)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:H	16	0.71
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB2	2	0.71
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB3	2	0.71
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB2	2	0.71
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB3	2	0.71
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB2	2	0.71
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB3	2	0.71
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB2	2	0.71
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB3	2	0.71
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB2	2	0.71
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB3	2	0.71
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB2	2	0.71
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB3	2	0.71
(4,1004)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:H	17	0.71
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB2	1	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB3	1	0.71
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB2	1	0.71
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB3	1	0.71
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB2	1	0.71
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB3	1	0.71
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB2	9	0.71
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB3	9	0.71
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB2	9	0.71
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB3	9	0.71
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB2	9	0.71
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB3	9	0.71
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD11	18	0.71
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD12	18	0.71
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD13	18	0.71
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD21	18	0.71
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD22	18	0.71
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD23	18	0.71
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD11	18	0.71
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD12	18	0.71
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD13	18	0.71
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD21	18	0.71
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD22	18	0.71
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD23	18	0.71
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD11	18	0.71
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD12	18	0.71
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD13	18	0.71
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD21	18	0.71
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD22	18	0.71
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD23	18	0.71
(4,958)	1:31:A:TRP:HA	1:231:A:LEU:HD11	8	0.71
(4,958)	1:31:A:TRP:HA	1:231:A:LEU:HD12	8	0.71
(4,958)	1:31:A:TRP:HA	1:231:A:LEU:HD13	8	0.71
(4,958)	1:31:A:TRP:HA	1:231:A:LEU:HD21	8	0.71
(4,958)	1:31:A:TRP:HA	1:231:A:LEU:HD22	8	0.71
(4,958)	1:31:A:TRP:HA	1:231:A:LEU:HD23	8	0.71
(4,929)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:H	9	0.71
(4,929)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:H	9	0.71
(4,929)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:H	9	0.71
(4,855)	1:190:A:TYR:HE1	1:193:A:LYS:H	2	0.71
(4,855)	1:190:A:TYR:HE2	1:193:A:LYS:H	2	0.71
(4,853)	1:76:A:SER:HA	1:79:A:VAL:H	9	0.71
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG11	14	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG12	14	0.71
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG13	14	0.71
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB1	10	0.71
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB2	10	0.71
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB3	10	0.71
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB1	10	0.71
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB2	10	0.71
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB3	10	0.71
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB1	10	0.71
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB2	10	0.71
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB3	10	0.71
(4,737)	1:81:A:TRP:HZ3	1:84:A:GLN:H	5	0.71
(4,730)	1:119:A:GLN:H	1:119:A:GLN:HE22	6	0.71
(4,685)	1:79:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	15	0.71
(4,685)	1:79:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	15	0.71
(4,685)	1:79:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	15	0.71
(4,667)	1:136:A:GLN:HB2	1:139:A:LEU:HB2	20	0.71
(4,667)	1:136:A:GLN:HB2	1:139:A:LEU:HB3	20	0.71
(4,667)	1:136:A:GLN:HB3	1:139:A:LEU:HB2	20	0.71
(4,667)	1:136:A:GLN:HB3	1:139:A:LEU:HB3	20	0.71
(4,649)	1:88:A:ASN:HB2	1:146:A:VAL:H	9	0.71
(4,649)	1:88:A:ASN:HB3	1:146:A:VAL:H	9	0.71
(4,639)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	15	0.71
(4,600)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB2	1	0.71
(4,600)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB2	1	0.71
(4,600)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB2	1	0.71
(4,598)	1:79:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:H	11	0.71
(4,598)	1:79:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:H	11	0.71
(4,598)	1:79:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:H	11	0.71
(4,598)	1:79:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:H	11	0.71
(4,598)	1:79:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:H	11	0.71
(4,598)	1:79:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:H	11	0.71
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB2	20	0.71
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB3	20	0.71
(4,483)	1:205:A:GLU:HG2	1:209:A:VAL:H	20	0.71
(4,483)	1:205:A:GLU:HG3	1:209:A:VAL:H	20	0.71
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD21	18	0.71
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD22	18	0.71
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD21	18	0.71
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD22	18	0.71
(4,416)	1:204:A:GLN:HG2	1:205:A:GLU:HA	1	0.71
(4,416)	1:204:A:GLN:HG3	1:205:A:GLU:HA	1	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG11	18	0.71
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG12	18	0.71
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG13	18	0.71
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG21	18	0.71
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG22	18	0.71
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG23	18	0.71
(4,382)	1:32:A:ALA:HB1	1:233:A:PRO:HB2	2	0.71
(4,382)	1:32:A:ALA:HB2	1:233:A:PRO:HB2	2	0.71
(4,382)	1:32:A:ALA:HB3	1:233:A:PRO:HB2	2	0.71
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	2	0.71
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	2	0.71
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	2	0.71
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	2	0.71
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	2	0.71
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	2	0.71
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD21	7	0.71
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD22	7	0.71
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD23	7	0.71
(4,149)	1:234:A:ASN:HD21	1:236:A:GLU:H	6	0.71
(4,141)	1:170:A:TYR:HE1	1:211:A:VAL:H	3	0.71
(4,141)	1:170:A:TYR:HE2	1:211:A:VAL:H	3	0.71
(4,96)	1:115:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HG3	2	0.71
(4,96)	1:115:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HG3	2	0.71
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB2	8	0.71
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB3	8	0.71
(4,50)	1:25:A:LEU:HA	1:111:A:ASP:HA	11	0.71
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD11	4	0.71
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD12	4	0.71
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD13	4	0.71
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD21	4	0.71
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD22	4	0.71
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD23	4	0.71
(3,24)	1:54:A:ALA:H	1:231:A:LEU:O	16	0.71
(3,3)	1:179:A:GLU:O	1:189:A:LEU:H	15	0.71
(1,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	9	0.71
(1,428)	1:5:A:ASN:ND2	1:57:A:LEU:H	12	0.71
(1,255)	1:5:A:ASN:ND2	1:59:A:PHE:H	17	0.71
(1,123)	1:97:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	16	0.71
(1,118)	1:225:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	4	0.71
(5,584)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	5	0.7
(5,430)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	19	0.7
(5,388)	1:5:A:ASN:ND2	1:130:A:ASP:H	19	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,350)	1:5:A:ASN:ND2	1:181:A:ASP:H	17	0.7
(5,73)	1:89:A:ALA:H	1:104:A:SER:OG	13	0.7
(4,4278)	1:66:A:LYS:HB2	1:217:A:ASN:HB2	14	0.7
(4,4278)	1:66:A:LYS:HB2	1:217:A:ASN:HB3	14	0.7
(4,4278)	1:66:A:LYS:HB3	1:217:A:ASN:HB2	14	0.7
(4,4278)	1:66:A:LYS:HB3	1:217:A:ASN:HB3	14	0.7
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG11	1:230:A:GLY:H	10	0.7
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG12	1:230:A:GLY:H	10	0.7
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG13	1:230:A:GLY:H	10	0.7
(4,4214)	1:55:A:ILE:H	1:56:A:VAL:HB	10	0.7
(4,4107)	1:177:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HE21	14	0.7
(4,4107)	1:177:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HE22	14	0.7
(4,4107)	1:177:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HE21	14	0.7
(4,4107)	1:177:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HE22	14	0.7
(4,4107)	1:177:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HE21	14	0.7
(4,4107)	1:177:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HE22	14	0.7
(4,4094)	1:86:A:VAL:H	1:93:A:TYR:HD1	8	0.7
(4,4094)	1:86:A:VAL:H	1:93:A:TYR:HD2	8	0.7
(4,4069)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:H	5	0.7
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	20	0.7
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	20	0.7
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:H	2	0.7
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:H	2	0.7
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:H	2	0.7
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB2	1:5:A:ASN:HD21	17	0.7
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB3	1:5:A:ASN:HD21	17	0.7
(4,3864)	1:73:A:ILE:H	1:187:A:GLY:H	18	0.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HB2	10	0.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HB3	10	0.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HB2	10	0.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HB3	10	0.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HB2	10	0.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HB3	10	0.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HB2	10	0.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HB3	10	0.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HB2	10	0.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HB3	10	0.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HB2	10	0.7
(4,3845)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HB3	10	0.7
(4,3832)	1:64:A:ASP:H	1:217:A:ASN:HB2	16	0.7
(4,3832)	1:64:A:ASP:H	1:217:A:ASN:HB3	16	0.7
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB2	1:220:A:GLU:HG2	8	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB2	1:220:A:GLU:HG3	8	0.7
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB3	1:220:A:GLU:HG2	8	0.7
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB3	1:220:A:GLU:HG3	8	0.7
(4,3810)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD21	9	0.7
(4,3794)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HE21	16	0.7
(4,3794)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HE21	16	0.7
(4,3794)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HE21	16	0.7
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:H	8	0.7
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:H	8	0.7
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:H	8	0.7
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG21	6	0.7
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG22	6	0.7
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG23	6	0.7
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG21	6	0.7
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG22	6	0.7
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG23	6	0.7
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG21	6	0.7
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG22	6	0.7
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG23	6	0.7
(4,3784)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD11	11	0.7
(4,3784)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD12	11	0.7
(4,3784)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD13	11	0.7
(4,3777)	1:178:A:PHE:HD1	1:191:A:LEU:H	10	0.7
(4,3777)	1:178:A:PHE:HD2	1:191:A:LEU:H	10	0.7
(4,3777)	1:178:A:PHE:HD1	1:191:A:LEU:H	15	0.7
(4,3777)	1:178:A:PHE:HD2	1:191:A:LEU:H	15	0.7
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD11	6	0.7
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD12	6	0.7
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD13	6	0.7
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD21	6	0.7
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD22	6	0.7
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD23	6	0.7
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG11	9	0.7
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG12	9	0.7
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG13	9	0.7
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG21	9	0.7
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG22	9	0.7
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG23	9	0.7
(4,3659)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:H	8	0.7
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	16	0.7
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	16	0.7
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	16	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	16	0.7
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	16	0.7
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	16	0.7
(4,3633)	1:90:A:CYS:H	1:94:A:ALA:H	1	0.7
(4,3633)	1:90:A:CYS:H	1:94:A:ALA:H	8	0.7
(4,3633)	1:90:A:CYS:H	1:94:A:ALA:H	17	0.7
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	15	0.7
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	15	0.7
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	15	0.7
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB2	8	0.7
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB3	8	0.7
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB2	8	0.7
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB3	8	0.7
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB2	8	0.7
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB3	8	0.7
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	14	0.7
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	14	0.7
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	14	0.7
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG2	1:125:A:SER:H	4	0.7
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG3	1:125:A:SER:H	4	0.7
(4,3441)	1:158:A:GLU:HB2	1:160:A:THR:H	3	0.7
(4,3441)	1:158:A:GLU:HB3	1:160:A:THR:H	3	0.7
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB2	3	0.7
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB3	3	0.7
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB2	3	0.7
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB3	3	0.7
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB2	3	0.7
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB3	3	0.7
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG21	1	0.7
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG22	1	0.7
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG23	1	0.7
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG21	1	0.7
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG22	1	0.7
(4,3380)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG23	1	0.7
(4,3370)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE21	16	0.7
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD11	11	0.7
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD12	11	0.7
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD13	11	0.7
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD21	11	0.7
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD22	11	0.7
(4,3337)	1:27:A:LEU:CG	1:105:A:LEU:HD23	11	0.7
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD11	1	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD12	1	0.7
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD13	1	0.7
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD21	1	0.7
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD22	1	0.7
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD23	1	0.7
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD11	1	0.7
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD12	1	0.7
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD13	1	0.7
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD21	1	0.7
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD22	1	0.7
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD23	1	0.7
(4,3286)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HA	8	0.7
(4,3206)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:H	7	0.7
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG2	1:217:A:ASN:HB2	16	0.7
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG2	1:217:A:ASN:HB3	16	0.7
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG3	1:217:A:ASN:HB2	16	0.7
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG3	1:217:A:ASN:HB3	16	0.7
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG12	7	0.7
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG13	7	0.7
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD2	1:128:A:ARG:H	1	0.7
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD3	1:128:A:ARG:H	1	0.7
(4,3133)	1:18:A:PHE:H	1:18:A:PHE:HE1	14	0.7
(4,3133)	1:18:A:PHE:H	1:18:A:PHE:HE2	14	0.7
(4,3075)	1:74:A:THR:H	1:77:A:TYR:H	9	0.7
(4,2970)	1:28:A:LYS:HB2	1:107:A:GLU:H	3	0.7
(4,2923)	1:36:A:ILE:H	1:38:A:SER:H	18	0.7
(4,2693)	1:18:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD11	12	0.7
(4,2693)	1:18:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD12	12	0.7
(4,2693)	1:18:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD13	12	0.7
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD11	2	0.7
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD12	2	0.7
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD13	2	0.7
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	1	0.7
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	1	0.7
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	1	0.7
(4,2563)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HD1	2	0.7
(4,2563)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HD2	2	0.7
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD11	2	0.7
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD12	2	0.7
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD13	2	0.7
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD21	2	0.7
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD22	2	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD23	2	0.7
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:H	7	0.7
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:H	7	0.7
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:H	7	0.7
(4,2525)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:H	8	0.7
(4,2525)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:H	8	0.7
(4,2525)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:H	8	0.7
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD11	1:120:A:SER:H	4	0.7
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD12	1:120:A:SER:H	4	0.7
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD13	1:120:A:SER:H	4	0.7
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:H	9	0.7
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:H	9	0.7
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD11	5	0.7
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD12	5	0.7
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD13	5	0.7
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD21	5	0.7
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD22	5	0.7
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD23	5	0.7
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:HB2	7	0.7
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:HB3	7	0.7
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:HB2	7	0.7
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:HB3	7	0.7
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:HB2	7	0.7
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:HB3	7	0.7
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD1	1:222:A:ASP:HB2	2	0.7
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD1	1:222:A:ASP:HB3	2	0.7
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD2	1:222:A:ASP:HB2	2	0.7
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD2	1:222:A:ASP:HB3	2	0.7
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD11	19	0.7
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD12	19	0.7
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD13	19	0.7
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD21	19	0.7
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD22	19	0.7
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD23	19	0.7
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB2	14	0.7
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB3	14	0.7
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB2	14	0.7
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB3	14	0.7
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB2	14	0.7
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB3	14	0.7
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB3	2	0.7
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB3	2	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB3	2	0.7
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD2	1:217:A:ASN:HD22	5	0.7
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD3	1:217:A:ASN:HD22	5	0.7
(4,1973)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	4	0.7
(4,1967)	1:83:A:LYS:HG2	1:85:A:SER:HA	13	0.7
(4,1967)	1:83:A:LYS:HG2	1:85:A:SER:HA	18	0.7
(4,1928)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HD11	6	0.7
(4,1928)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HD12	6	0.7
(4,1928)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HD13	6	0.7
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD11	11	0.7
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD12	11	0.7
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD13	11	0.7
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD21	11	0.7
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD22	11	0.7
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD23	11	0.7
(4,1914)	1:19:A:THR:HG21	1:32:A:ALA:H	14	0.7
(4,1914)	1:19:A:THR:HG22	1:32:A:ALA:H	14	0.7
(4,1914)	1:19:A:THR:HG23	1:32:A:ALA:H	14	0.7
(4,1856)	1:29:A:ASN:HD22	1:30:A:GLU:H	15	0.7
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD11	1:100:A:SER:H	7	0.7
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD12	1:100:A:SER:H	7	0.7
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD13	1:100:A:SER:H	7	0.7
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	7	0.7
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	7	0.7
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	7	0.7
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD11	1:115:A:PHE:H	18	0.7
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD12	1:115:A:PHE:H	18	0.7
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD13	1:115:A:PHE:H	18	0.7
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD21	1:115:A:PHE:H	18	0.7
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD22	1:115:A:PHE:H	18	0.7
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD23	1:115:A:PHE:H	18	0.7
(4,1767)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HB2	11	0.7
(4,1767)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HB3	11	0.7
(4,1721)	1:214:A:TYR:H	1:215:A:MET:HG2	12	0.7
(4,1721)	1:214:A:TYR:H	1:215:A:MET:HG3	12	0.7
(4,1687)	1:177:A:ILE:HB	1:192:A:GLY:H	10	0.7
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG11	1:208:A:ARG:HD2	15	0.7
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG11	1:208:A:ARG:HD3	15	0.7
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG12	1:208:A:ARG:HD2	15	0.7
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG12	1:208:A:ARG:HD3	15	0.7
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG13	1:208:A:ARG:HD2	15	0.7
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG13	1:208:A:ARG:HD3	15	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG21	1:208:A:ARG:HD2	15	0.7
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG21	1:208:A:ARG:HD3	15	0.7
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG22	1:208:A:ARG:HD2	15	0.7
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG22	1:208:A:ARG:HD3	15	0.7
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG23	1:208:A:ARG:HD2	15	0.7
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG23	1:208:A:ARG:HD3	15	0.7
(4,1544)	1:172:A:GLU:HB2	1:177:A:ILE:H	8	0.7
(4,1520)	1:23:A:HIS:HD2	1:29:A:ASN:H	1	0.7
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB1	15	0.7
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB2	15	0.7
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB3	15	0.7
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HB2	4	0.7
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HB3	4	0.7
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HB2	4	0.7
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HB3	4	0.7
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:HA2	14	0.7
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:HA3	14	0.7
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:HA2	14	0.7
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:HA3	14	0.7
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:H	7	0.7
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:H	7	0.7
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:H	15	0.7
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:H	15	0.7
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:H	15	0.7
(4,1350)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD11	20	0.7
(4,1350)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD12	20	0.7
(4,1350)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD13	20	0.7
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB2	1	0.7
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB3	1	0.7
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	19	0.7
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	19	0.7
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD2	16	0.7
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD3	16	0.7
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD2	16	0.7
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD3	16	0.7
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD11	4	0.7
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD12	4	0.7
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD13	4	0.7
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD11	4	0.7
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD12	4	0.7
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD13	4	0.7
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG21	15	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG22	15	0.7
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG23	15	0.7
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG21	9	0.7
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG22	9	0.7
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG23	9	0.7
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG21	9	0.7
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG22	9	0.7
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG23	9	0.7
(4,1189)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:GLU:H	15	0.7
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG21	7	0.7
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG22	7	0.7
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG23	7	0.7
(4,1164)	1:119:A:GLN:HG2	1:126:A:LYS:H	9	0.7
(4,1164)	1:119:A:GLN:HG3	1:126:A:LYS:H	9	0.7
(4,1143)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:H	2	0.7
(4,1094)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:H	6	0.7
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG21	1:194:A:SER:H	4	0.7
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG22	1:194:A:SER:H	4	0.7
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG23	1:194:A:SER:H	4	0.7
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG12	19	0.7
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG13	19	0.7
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG12	19	0.7
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG13	19	0.7
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG12	19	0.7
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG13	19	0.7
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG12	19	0.7
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG13	19	0.7
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG12	19	0.7
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG13	19	0.7
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG12	19	0.7
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG13	19	0.7
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD11	15	0.7
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD12	15	0.7
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD13	15	0.7
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD11	15	0.7
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD12	15	0.7
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD13	15	0.7
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD11	1:93:A:TYR:HD1	9	0.7
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD11	1:93:A:TYR:HD2	9	0.7
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD12	1:93:A:TYR:HD1	9	0.7
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD12	1:93:A:TYR:HD2	9	0.7
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD13	1:93:A:TYR:HD1	9	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD13	1:93:A:TYR:HD2	9	0.7
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG11	15	0.7
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG12	15	0.7
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG13	15	0.7
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG21	15	0.7
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG22	15	0.7
(4,1013)	1:2:A:SER:HB2	1:8:A:VAL:HG23	15	0.7
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG11	15	0.7
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG12	15	0.7
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG13	15	0.7
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG21	15	0.7
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG22	15	0.7
(4,1013)	1:2:A:SER:HB3	1:8:A:VAL:HG23	15	0.7
(4,987)	1:19:A:THR:HG1	1:21:A:PHE:H	3	0.7
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB2	6	0.7
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB3	6	0.7
(4,957)	1:62:A:ASN:HD21	1:65:A:ARG:H	6	0.7
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB2	2	0.7
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB3	2	0.7
(4,843)	1:29:A:ASN:HD21	1:31:A:TRP:H	14	0.7
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG2	20	0.7
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG3	20	0.7
(4,835)	1:92:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:H	7	0.7
(4,835)	1:92:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:H	7	0.7
(4,835)	1:92:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:H	7	0.7
(4,835)	1:92:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:H	15	0.7
(4,835)	1:92:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:H	15	0.7
(4,835)	1:92:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:H	15	0.7
(4,835)	1:92:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:H	17	0.7
(4,835)	1:92:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:H	17	0.7
(4,835)	1:92:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:H	17	0.7
(4,823)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:H	20	0.7
(4,823)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:H	20	0.7
(4,641)	1:9:A:VAL:HG11	1:156:A:ALA:H	15	0.7
(4,641)	1:9:A:VAL:HG12	1:156:A:ALA:H	15	0.7
(4,641)	1:9:A:VAL:HG13	1:156:A:ALA:H	15	0.7
(4,641)	1:9:A:VAL:HG21	1:156:A:ALA:H	15	0.7
(4,641)	1:9:A:VAL:HG22	1:156:A:ALA:H	15	0.7
(4,641)	1:9:A:VAL:HG23	1:156:A:ALA:H	15	0.7
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD11	10	0.7
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD12	10	0.7
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD13	10	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD21	10	0.7
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD22	10	0.7
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD23	10	0.7
(4,569)	1:91:A:GLY:H	1:167:A:TYR:HD1	13	0.7
(4,569)	1:91:A:GLY:H	1:167:A:TYR:HD2	13	0.7
(4,437)	1:126:A:LYS:HG2	1:127:A:ASN:HD22	2	0.7
(4,437)	1:126:A:LYS:HG3	1:127:A:ASN:HD22	2	0.7
(4,379)	1:79:A:VAL:HG21	1:179:A:GLU:H	7	0.7
(4,379)	1:79:A:VAL:HG22	1:179:A:GLU:H	7	0.7
(4,379)	1:79:A:VAL:HG23	1:179:A:GLU:H	7	0.7
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD11	16	0.7
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD12	16	0.7
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD13	16	0.7
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD11	2	0.7
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD12	2	0.7
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD13	2	0.7
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD21	2	0.7
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD22	2	0.7
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD23	2	0.7
(4,324)	1:153:A:GLN:HE21	1:156:A:ALA:H	15	0.7
(4,321)	1:134:A:THR:HG21	1:137:A:PHE:H	14	0.7
(4,321)	1:134:A:THR:HG22	1:137:A:PHE:H	14	0.7
(4,321)	1:134:A:THR:HG23	1:137:A:PHE:H	14	0.7
(4,174)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	20	0.7
(4,165)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	16	0.7
(4,165)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	16	0.7
(4,165)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	16	0.7
(4,108)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HE1	9	0.7
(4,108)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HE2	9	0.7
(4,108)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HE1	9	0.7
(4,108)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HE2	9	0.7
(4,108)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HE1	9	0.7
(4,108)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HE2	9	0.7
(4,6)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HA	1	0.7
(3,19)	1:55:A:ILE:H	1:170:A:TYR:O	2	0.7
(2,512)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	3	0.7
(2,88)	1:104:A:SER:OG	1:106:A:LEU:H	20	0.7
(1,537)	1:5:A:ASN:ND2	1:69:A:THR:H	5	0.7
(1,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	3	0.7
(1,492)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	11	0.7
(1,486)	1:5:A:ASN:ND2	1:20:A:ASN:H	10	0.7
(1,234)	1:100:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	12	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,212)	1:179:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	7	0.7
(1,59)	1:93:A:TYR:H	1:140:A:ASN:ND2	13	0.7
(5,688)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	19	0.69
(5,107)	1:140:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	20	0.69
(5,23)	1:13:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	1	0.69
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG21	1:183:A:ARG:H	8	0.69
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG22	1:183:A:ARG:H	8	0.69
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG23	1:183:A:ARG:H	8	0.69
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD11	4	0.69
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD12	4	0.69
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD13	4	0.69
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD2	13	0.69
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD3	13	0.69
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD21	1:89:A:ALA:H	6	0.69
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD22	1:89:A:ALA:H	6	0.69
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD1	1	0.69
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD2	1	0.69
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:HG11	9	0.69
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:HG12	9	0.69
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:HG13	9	0.69
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:HG11	9	0.69
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:HG12	9	0.69
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:HG13	9	0.69
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:HG11	9	0.69
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:HG12	9	0.69
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:HG13	9	0.69
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:HG2	3	0.69
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:HG3	3	0.69
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:HG2	3	0.69
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:HG3	3	0.69
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:HG2	3	0.69
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:HG3	3	0.69
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:HG2	3	0.69
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:HG3	3	0.69
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:HG2	3	0.69
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:HG3	3	0.69
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:HG2	3	0.69
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:HG3	3	0.69
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	3	0.69
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	3	0.69
(4,4054)	1:23:A:HIS:HD2	1:24:A:LYS:H	19	0.69
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB3	14	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB3	14	0.69
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG12	15	0.69
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG13	15	0.69
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG12	15	0.69
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG13	15	0.69
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB2	1	0.69
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB3	1	0.69
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB2	1	0.69
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB3	1	0.69
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB2	1	0.69
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB3	1	0.69
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB2	1	0.69
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB3	1	0.69
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB2	1	0.69
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB3	1	0.69
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB2	1	0.69
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB3	1	0.69
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE1	12	0.69
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE2	12	0.69
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB2	20	0.69
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB3	20	0.69
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB2	20	0.69
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB3	20	0.69
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB2	20	0.69
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB3	20	0.69
(4,3908)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD11	3	0.69
(4,3908)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD12	3	0.69
(4,3908)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD13	3	0.69
(4,3908)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD21	3	0.69
(4,3908)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD22	3	0.69
(4,3908)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD23	3	0.69
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG21	3	0.69
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG22	3	0.69
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG23	3	0.69
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG21	3	0.69
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG22	3	0.69
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG23	3	0.69
(4,3843)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD1	8	0.69
(4,3843)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD2	8	0.69
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:HA	17	0.69
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:HA	17	0.69
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:HA	17	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HA	17	0.69
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HA	17	0.69
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HA	17	0.69
(4,3814)	1:79:A:VAL:H	1:178:A:PHE:HE1	11	0.69
(4,3814)	1:79:A:VAL:H	1:178:A:PHE:HE2	11	0.69
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:H	15	0.69
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:H	15	0.69
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:H	15	0.69
(4,3799)	1:154:A:SER:HB2	1:157:A:PRO:HD3	11	0.69
(4,3799)	1:154:A:SER:HB3	1:157:A:PRO:HD3	11	0.69
(4,3795)	1:84:A:GLN:H	1:185:A:LEU:HD11	10	0.69
(4,3795)	1:84:A:GLN:H	1:185:A:LEU:HD12	10	0.69
(4,3795)	1:84:A:GLN:H	1:185:A:LEU:HD13	10	0.69
(4,3779)	1:31:A:TRP:HE1	1:233:A:PRO:HA	18	0.69
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB2	1:172:A:GLU:H	15	0.69
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB3	1:172:A:GLU:H	15	0.69
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	12	0.69
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	12	0.69
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	12	0.69
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	12	0.69
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	12	0.69
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	12	0.69
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	12	0.69
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	12	0.69
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	12	0.69
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	12	0.69
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	12	0.69
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	12	0.69
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	4	0.69
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	4	0.69
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	4	0.69
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	4	0.69
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	4	0.69
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	4	0.69
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	18	0.69
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	18	0.69
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	18	0.69
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	18	0.69
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	18	0.69
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	18	0.69
(4,3633)	1:90:A:CYS:H	1:94:A:ALA:H	14	0.69
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	5	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	5	0.69
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	5	0.69
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	5	0.69
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	5	0.69
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	5	0.69
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG2	1:147:A:GLN:H	14	0.69
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG3	1:147:A:GLN:H	14	0.69
(4,3525)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG11	3	0.69
(4,3525)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG12	3	0.69
(4,3525)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG13	3	0.69
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG12	19	0.69
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG13	19	0.69
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG12	19	0.69
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG13	19	0.69
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG12	19	0.69
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG13	19	0.69
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HD11	9	0.69
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HD12	9	0.69
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HD13	9	0.69
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HD11	9	0.69
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HD12	9	0.69
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HD13	9	0.69
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HD11	9	0.69
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HD12	9	0.69
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HD13	9	0.69
(4,3396)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HG	10	0.69
(4,3370)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE21	9	0.69
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD1	1:179:A:GLU:H	1	0.69
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD2	1:179:A:GLU:H	1	0.69
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD11	17	0.69
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD12	17	0.69
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD13	17	0.69
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD21	17	0.69
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD22	17	0.69
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD23	17	0.69
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD11	17	0.69
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD12	17	0.69
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD13	17	0.69
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD21	17	0.69
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD22	17	0.69
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD23	17	0.69
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD11	18	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD12	18	0.69
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD13	18	0.69
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	12	0.69
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	12	0.69
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	12	0.69
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	12	0.69
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	12	0.69
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	12	0.69
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	2	0.69
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	2	0.69
(4,3214)	1:80:A:ILE:HD11	1:103:A:GLN:HE21	11	0.69
(4,3214)	1:80:A:ILE:HD12	1:103:A:GLN:HE21	11	0.69
(4,3214)	1:80:A:ILE:HD13	1:103:A:GLN:HE21	11	0.69
(4,3194)	1:45:A:LEU:HD11	1:202:A:ILE:H	18	0.69
(4,3194)	1:45:A:LEU:HD12	1:202:A:ILE:H	18	0.69
(4,3194)	1:45:A:LEU:HD13	1:202:A:ILE:H	18	0.69
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HD1	20	0.69
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HD2	20	0.69
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HD1	20	0.69
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HD2	20	0.69
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HD1	20	0.69
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HD2	20	0.69
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD2	16	0.69
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD3	16	0.69
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD2	16	0.69
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD3	16	0.69
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG21	19	0.69
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG22	19	0.69
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG23	19	0.69
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD1	4	0.69
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD2	4	0.69
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:H	15	0.69
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:H	15	0.69
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:H	15	0.69
(4,3032)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE22	16	0.69
(4,3024)	1:204:A:GLN:HE21	1:205:A:GLU:H	8	0.69
(4,3024)	1:204:A:GLN:HE22	1:205:A:GLU:H	8	0.69
(4,3003)	1:222:A:ASP:H	1:223:A:VAL:HB	10	0.69
(4,2828)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:H	1	0.69
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB1	1	0.69
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB2	1	0.69
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB3	1	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2795)	1:119:A:GLN:HE21	1:127:A:ASN:H	8	0.69
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD11	4	0.69
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD12	4	0.69
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD13	4	0.69
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD21	4	0.69
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD22	4	0.69
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD23	4	0.69
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG11	7	0.69
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG12	7	0.69
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG13	7	0.69
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG21	7	0.69
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG22	7	0.69
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG23	7	0.69
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG11	7	0.69
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG12	7	0.69
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG13	7	0.69
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG21	7	0.69
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG22	7	0.69
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG23	7	0.69
(4,2745)	1:81:A:TRP:H	1:128:A:ARG:H	18	0.69
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD11	12	0.69
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD12	12	0.69
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD13	12	0.69
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD21	12	0.69
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD22	12	0.69
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD23	12	0.69
(4,2704)	1:146:A:VAL:HB	1:148:A:THR:H	9	0.69
(4,2704)	1:146:A:VAL:HB	1:148:A:THR:H	16	0.69
(4,2692)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HB3	8	0.69
(4,2692)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HB3	18	0.69
(4,2688)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HD21	5	0.69
(4,2621)	1:40:A:THR:HA	1:203:A:GLU:HA	20	0.69
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG12	1:206:A:LEU:H	12	0.69
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG13	1:206:A:LEU:H	12	0.69
(4,2520)	1:73:A:ILE:HB	1:75:A:SER:H	20	0.69
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG2	1:157:A:PRO:HB3	4	0.69
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG3	1:157:A:PRO:HB3	4	0.69
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD21	10	0.69
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD22	10	0.69
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD23	10	0.69
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD21	10	0.69
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD22	10	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD23	10	0.69
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD21	10	0.69
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD22	10	0.69
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD23	10	0.69
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:H	2	0.69
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:H	2	0.69
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:H	2	0.69
(4,2324)	1:65:A:ARG:H	1:67:A:SER:H	7	0.69
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG21	11	0.69
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG22	11	0.69
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG23	11	0.69
(4,2285)	1:177:A:ILE:HG12	1:195:A:ASP:H	3	0.69
(4,2285)	1:177:A:ILE:HG13	1:195:A:ASP:H	3	0.69
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD21	1:104:A:SER:H	17	0.69
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD22	1:104:A:SER:H	17	0.69
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HB2	17	0.69
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HB2	17	0.69
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD11	3	0.69
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD12	3	0.69
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD13	3	0.69
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD21	3	0.69
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD22	3	0.69
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB2	1:201:A:LEU:HD23	3	0.69
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD11	3	0.69
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD12	3	0.69
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD13	3	0.69
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD21	3	0.69
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD22	3	0.69
(4,2195)	1:53:A:LYS:HB3	1:201:A:LEU:HD23	3	0.69
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA2	1:6:A:ARG:HA	15	0.69
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA3	1:6:A:ARG:HA	15	0.69
(4,2061)	1:33:A:TYR:H	1:234:A:ASN:HA	2	0.69
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB2	5	0.69
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB3	5	0.69
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB2	5	0.69
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB3	5	0.69
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB2	5	0.69
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB3	5	0.69
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:HA	13	0.69
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:HA	13	0.69
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:HA	13	0.69
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:HA	13	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:HA	13	0.69
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:HA	13	0.69
(4,2035)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:H	17	0.69
(4,2035)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:H	17	0.69
(4,2035)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:H	17	0.69
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB2	1:83:A:LYS:HG2	8	0.69
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB3	1:83:A:LYS:HG2	8	0.69
(4,1977)	1:56:A:VAL:H	1:170:A:TYR:HD1	17	0.69
(4,1977)	1:56:A:VAL:H	1:170:A:TYR:HD2	17	0.69
(4,1973)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	18	0.69
(4,1944)	1:11:A:ILE:H	1:13:A:SER:H	2	0.69
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	3	0.69
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	3	0.69
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	15	0.69
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	15	0.69
(4,1904)	1:119:A:GLN:HE21	1:128:A:ARG:H	13	0.69
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD11	7	0.69
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD12	7	0.69
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD13	7	0.69
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD11	12	0.69
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD12	12	0.69
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD13	12	0.69
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD21	12	0.69
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD22	12	0.69
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD23	12	0.69
(4,1814)	1:36:A:ILE:H	1:227:A:ALA:HB1	19	0.69
(4,1814)	1:36:A:ILE:H	1:227:A:ALA:HB2	19	0.69
(4,1814)	1:36:A:ILE:H	1:227:A:ALA:HB3	19	0.69
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:H	6	0.69
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:H	6	0.69
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:H	6	0.69
(4,1687)	1:177:A:ILE:HB	1:192:A:GLY:H	5	0.69
(4,1676)	1:172:A:GLU:HB3	1:176:A:GLY:H	13	0.69
(4,1600)	1:225:A:ASN:H	1:226:A:PHE:HB2	2	0.69
(4,1546)	1:34:A:PHE:HD1	1:232:A:GLY:H	1	0.69
(4,1546)	1:34:A:PHE:HD2	1:232:A:GLY:H	1	0.69
(4,1534)	1:38:A:SER:HB2	1:44:A:LEU:HA	2	0.69
(4,1534)	1:38:A:SER:HB3	1:44:A:LEU:HA	2	0.69
(4,1514)	1:102:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	7	0.69
(4,1514)	1:102:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	7	0.69
(4,1496)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HB2	14	0.69
(4,1496)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HB3	14	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1476)	1:29:A:ASN:HB2	1:30:A:GLU:HG2	16	0.69
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	14	0.69
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	14	0.69
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	14	0.69
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	14	0.69
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	14	0.69
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	14	0.69
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD11	9	0.69
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD12	9	0.69
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD13	9	0.69
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD11	15	0.69
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD12	15	0.69
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD13	15	0.69
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:H	2	0.69
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:H	2	0.69
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG21	11	0.69
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG22	11	0.69
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG23	11	0.69
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG21	11	0.69
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG22	11	0.69
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG23	11	0.69
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	12	0.69
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	12	0.69
(4,1261)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:H	9	0.69
(4,1261)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:H	9	0.69
(4,1113)	1:233:A:PRO:HA	1:235:A:TRP:H	11	0.69
(4,1094)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:H	11	0.69
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG21	1:194:A:SER:H	13	0.69
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG22	1:194:A:SER:H	13	0.69
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG23	1:194:A:SER:H	13	0.69
(4,938)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	5	0.69
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	6	0.69
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	6	0.69
(4,739)	1:82:A:PHE:H	1:82:A:PHE:HE1	4	0.69
(4,739)	1:82:A:PHE:H	1:82:A:PHE:HE2	4	0.69
(4,679)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:H	2	0.69
(4,679)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:H	2	0.69
(4,679)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:H	2	0.69
(4,679)	1:57:A:LEU:HD21	1:214:A:TYR:H	2	0.69
(4,679)	1:57:A:LEU:HD22	1:214:A:TYR:H	2	0.69
(4,679)	1:57:A:LEU:HD23	1:214:A:TYR:H	2	0.69
(4,632)	1:82:A:PHE:HD1	1:100:A:SER:H	14	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,632)	1:82:A:PHE:HD2	1:100:A:SER:H	14	0.69
(4,626)	1:120:A:SER:HA	1:126:A:LYS:HA	10	0.69
(4,623)	1:235:A:TRP:HE3	1:236:A:GLU:H	20	0.69
(4,568)	1:191:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:HB	4	0.69
(4,568)	1:191:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:HB	4	0.69
(4,568)	1:191:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:HB	4	0.69
(4,568)	1:191:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:HB	4	0.69
(4,568)	1:191:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:HB	4	0.69
(4,568)	1:191:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:HB	4	0.69
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG21	3	0.69
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG22	3	0.69
(4,560)	1:4:A:GLU:HG2	1:142:A:ILE:HG23	3	0.69
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG21	3	0.69
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG22	3	0.69
(4,560)	1:4:A:GLU:HG3	1:142:A:ILE:HG23	3	0.69
(4,416)	1:204:A:GLN:HG2	1:205:A:GLU:HA	11	0.69
(4,416)	1:204:A:GLN:HG3	1:205:A:GLU:HA	11	0.69
(4,416)	1:204:A:GLN:HG2	1:205:A:GLU:HA	17	0.69
(4,416)	1:204:A:GLN:HG3	1:205:A:GLU:HA	17	0.69
(4,404)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG13	17	0.69
(4,337)	1:98:A:SER:HA	1:102:A:ASN:HD21	2	0.69
(4,337)	1:98:A:SER:HA	1:102:A:ASN:HD22	2	0.69
(4,337)	1:98:A:SER:HA	1:102:A:ASN:HD21	9	0.69
(4,337)	1:98:A:SER:HA	1:102:A:ASN:HD22	9	0.69
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG11	19	0.69
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG12	19	0.69
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG13	19	0.69
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG21	19	0.69
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG22	19	0.69
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG23	19	0.69
(4,303)	1:59:A:PHE:HD1	1:62:A:ASN:H	15	0.69
(4,303)	1:59:A:PHE:HD2	1:62:A:ASN:H	15	0.69
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB2	16	0.69
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB3	16	0.69
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB2	16	0.69
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB3	16	0.69
(4,277)	1:82:A:PHE:HE1	1:99:A:LEU:H	18	0.69
(4,277)	1:82:A:PHE:HE2	1:99:A:LEU:H	18	0.69
(4,173)	1:17:A:VAL:H	1:18:A:PHE:HD1	17	0.69
(4,173)	1:17:A:VAL:H	1:18:A:PHE:HD2	17	0.69
(4,166)	1:181:A:ASP:H	1:184:A:ASN:HD21	13	0.69
(4,166)	1:181:A:ASP:H	1:184:A:ASN:HD22	13	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,161)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:H	17	0.69
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD21	5	0.69
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD22	5	0.69
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD23	5	0.69
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD21	6	0.69
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD22	6	0.69
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD23	6	0.69
(4,116)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	15	0.69
(4,116)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	15	0.69
(4,116)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	15	0.69
(4,116)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	15	0.69
(4,116)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	15	0.69
(4,116)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	15	0.69
(4,116)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	15	0.69
(4,116)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	15	0.69
(4,116)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	15	0.69
(4,116)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	15	0.69
(4,116)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	15	0.69
(4,116)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	15	0.69
(4,39)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:HD11	19	0.69
(4,39)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:HD12	19	0.69
(4,39)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:HD13	19	0.69
(4,28)	1:57:A:LEU:HD11	1:170:A:TYR:HE1	19	0.69
(4,28)	1:57:A:LEU:HD11	1:170:A:TYR:HE2	19	0.69
(4,28)	1:57:A:LEU:HD12	1:170:A:TYR:HE1	19	0.69
(4,28)	1:57:A:LEU:HD12	1:170:A:TYR:HE2	19	0.69
(4,28)	1:57:A:LEU:HD13	1:170:A:TYR:HE1	19	0.69
(4,28)	1:57:A:LEU:HD13	1:170:A:TYR:HE2	19	0.69
(3,22)	1:171:A:VAL:H	1:178:A:PHE:O	13	0.69
(2,287)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:ND2	7	0.69
(2,120)	1:100:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	12	0.69
(2,88)	1:104:A:SER:OG	1:106:A:LEU:H	8	0.69
(1,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	18	0.69
(1,461)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	17	0.69
(1,386)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	12	0.69
(1,144)	1:87:A:LYS:H	1:225:A:ASN:ND2	18	0.69
(1,88)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	5	0.69
(5,738)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	5	0.68
(5,721)	1:5:A:ASN:ND2	1:128:A:ARG:H	13	0.68
(5,388)	1:5:A:ASN:ND2	1:130:A:ASP:H	3	0.68
(4,4157)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:H	11	0.68
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HA	8	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HA	8	0.68
(4,4029)	1:208:A:ARG:H	1:209:A:VAL:HB	9	0.68
(4,4018)	1:164:A:ASN:H	1:165:A:LEU:HB3	9	0.68
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD2	1:214:A:TYR:HA	8	0.68
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD3	1:214:A:TYR:HA	8	0.68
(4,3933)	1:19:A:THR:HG1	1:22:A:ALA:H	9	0.68
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:HA	18	0.68
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:HA	18	0.68
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:HA	18	0.68
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:HA	18	0.68
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:HA	18	0.68
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:HA	18	0.68
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG21	19	0.68
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG22	19	0.68
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG23	19	0.68
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG21	19	0.68
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG22	19	0.68
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG23	19	0.68
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD11	12	0.68
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD12	12	0.68
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD13	12	0.68
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD21	12	0.68
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD22	12	0.68
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD23	12	0.68
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD11	5	0.68
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD12	5	0.68
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD13	5	0.68
(4,3648)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HD21	7	0.68
(4,3633)	1:90:A:CYS:H	1:94:A:ALA:H	7	0.68
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	4	0.68
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	4	0.68
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	4	0.68
(4,3589)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:HB2	10	0.68
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	20	0.68
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	20	0.68
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	20	0.68
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	20	0.68
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	20	0.68
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	20	0.68
(4,3518)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:H	3	0.68
(4,3518)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:H	3	0.68
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:H	15	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:H	15	0.68
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:H	15	0.68
(4,3433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:234:A:ASN:H	19	0.68
(4,3413)	1:149:A:PHE:H	1:151:A:THR:H	5	0.68
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG21	4	0.68
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG22	4	0.68
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG23	4	0.68
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HE1	19	0.68
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HE1	19	0.68
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HE1	19	0.68
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:CG2	1	0.68
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:CG2	1	0.68
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:CG2	1	0.68
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG21	1:179:A:GLU:H	5	0.68
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG22	1:179:A:GLU:H	5	0.68
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG23	1:179:A:GLU:H	5	0.68
(4,3190)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HB	9	0.68
(4,3190)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HB	13	0.68
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD11	6	0.68
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD12	6	0.68
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD13	6	0.68
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD21	6	0.68
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD22	6	0.68
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD23	6	0.68
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD11	6	0.68
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD12	6	0.68
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD13	6	0.68
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD21	6	0.68
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD22	6	0.68
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD23	6	0.68
(4,3133)	1:18:A:PHE:H	1:18:A:PHE:HE1	17	0.68
(4,3133)	1:18:A:PHE:H	1:18:A:PHE:HE2	17	0.68
(4,2979)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:HB2	5	0.68
(4,2979)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:HB3	5	0.68
(4,2910)	1:138:A:VAL:HB	1:141:A:VAL:HB	3	0.68
(4,2885)	1:119:A:GLN:HE22	1:133:A:THR:H	12	0.68
(4,2876)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:H	15	0.68
(4,2859)	1:52:A:VAL:H	1:201:A:LEU:H	4	0.68
(4,2837)	1:84:A:GLN:H	1:182:A:GLY:H	1	0.68
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE1	3	0.68
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE2	3	0.68
(4,2730)	1:126:A:LYS:H	1:127:A:ASN:HB2	5	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2730)	1:126:A:LYS:H	1:127:A:ASN:HB3	5	0.68
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB2	14	0.68
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB3	14	0.68
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD11	20	0.68
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD12	20	0.68
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD11	1:95:A:ILE:HD13	20	0.68
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD11	20	0.68
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD12	20	0.68
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD12	1:95:A:ILE:HD13	20	0.68
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD11	20	0.68
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD12	20	0.68
(4,2495)	1:11:A:ILE:HD13	1:95:A:ILE:HD13	20	0.68
(4,2368)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HB3	16	0.68
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD21	1:226:A:PHE:H	11	0.68
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD22	1:226:A:PHE:H	11	0.68
(4,2343)	1:73:A:ILE:H	1:186:A:SER:H	17	0.68
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB1	18	0.68
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB2	18	0.68
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB3	18	0.68
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB1	18	0.68
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB2	18	0.68
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB3	18	0.68
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB1	18	0.68
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB2	18	0.68
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB3	18	0.68
(4,2209)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HD1	8	0.68
(4,2209)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HD2	8	0.68
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD11	7	0.68
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD12	7	0.68
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD13	7	0.68
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD21	7	0.68
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD22	7	0.68
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD23	7	0.68
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD11	19	0.68
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD12	19	0.68
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD13	19	0.68
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD21	19	0.68
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD22	19	0.68
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD23	19	0.68
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HB	1	0.68
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HB	1	0.68
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HB	1	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:H	9	0.68
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:H	9	0.68
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG21	4	0.68
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG22	4	0.68
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG23	4	0.68
(4,2079)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HG	13	0.68
(4,2068)	1:65:A:ARG:HG2	1:217:A:ASN:HB2	3	0.68
(4,2068)	1:65:A:ARG:HG2	1:217:A:ASN:HB3	3	0.68
(4,2068)	1:65:A:ARG:HG3	1:217:A:ASN:HB2	3	0.68
(4,2068)	1:65:A:ARG:HG3	1:217:A:ASN:HB3	3	0.68
(4,2061)	1:33:A:TYR:H	1:234:A:ASN:HA	15	0.68
(4,2020)	1:104:A:SER:HB2	1:105:A:LEU:HG	1	0.68
(4,2020)	1:104:A:SER:HB3	1:105:A:LEU:HG	1	0.68
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB2	1:83:A:LYS:HG2	16	0.68
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB3	1:83:A:LYS:HG2	16	0.68
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB2	1:83:A:LYS:HG2	19	0.68
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB3	1:83:A:LYS:HG2	19	0.68
(4,1997)	1:36:A:ILE:HD11	1:48:A:LEU:HD11	17	0.68
(4,1997)	1:36:A:ILE:HD11	1:48:A:LEU:HD12	17	0.68
(4,1997)	1:36:A:ILE:HD11	1:48:A:LEU:HD13	17	0.68
(4,1997)	1:36:A:ILE:HD11	1:48:A:LEU:HD21	17	0.68
(4,1997)	1:36:A:ILE:HD11	1:48:A:LEU:HD22	17	0.68
(4,1997)	1:36:A:ILE:HD11	1:48:A:LEU:HD23	17	0.68
(4,1997)	1:36:A:ILE:HD12	1:48:A:LEU:HD11	17	0.68
(4,1997)	1:36:A:ILE:HD12	1:48:A:LEU:HD12	17	0.68
(4,1997)	1:36:A:ILE:HD12	1:48:A:LEU:HD13	17	0.68
(4,1997)	1:36:A:ILE:HD12	1:48:A:LEU:HD21	17	0.68
(4,1997)	1:36:A:ILE:HD12	1:48:A:LEU:HD22	17	0.68
(4,1997)	1:36:A:ILE:HD12	1:48:A:LEU:HD23	17	0.68
(4,1997)	1:36:A:ILE:HD13	1:48:A:LEU:HD11	17	0.68
(4,1997)	1:36:A:ILE:HD13	1:48:A:LEU:HD12	17	0.68
(4,1997)	1:36:A:ILE:HD13	1:48:A:LEU:HD13	17	0.68
(4,1997)	1:36:A:ILE:HD13	1:48:A:LEU:HD21	17	0.68
(4,1997)	1:36:A:ILE:HD13	1:48:A:LEU:HD22	17	0.68
(4,1997)	1:36:A:ILE:HD13	1:48:A:LEU:HD23	17	0.68
(4,1944)	1:11:A:ILE:H	1:13:A:SER:H	3	0.68
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:H	2	0.68
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:H	2	0.68
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:H	2	0.68
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD11	4	0.68
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD12	4	0.68
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD13	4	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD21	4	0.68
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD22	4	0.68
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD23	4	0.68
(4,1800)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD21	9	0.68
(4,1800)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD21	11	0.68
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD11	15	0.68
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD12	15	0.68
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD13	15	0.68
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD11	15	0.68
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD12	15	0.68
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD13	15	0.68
(4,1676)	1:172:A:GLU:HB3	1:176:A:GLY:H	4	0.68
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	20	0.68
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	20	0.68
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	20	0.68
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE1	1:49:A:PRO:HG2	15	0.68
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE1	1:49:A:PRO:HG3	15	0.68
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE2	1:49:A:PRO:HG2	15	0.68
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE2	1:49:A:PRO:HG3	15	0.68
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD1	11	0.68
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD2	11	0.68
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD1	6	0.68
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD2	6	0.68
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD1	8	0.68
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD2	8	0.68
(4,1400)	1:67:A:SER:H	1:68:A:SER:HA	15	0.68
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD11	6	0.68
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD12	6	0.68
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD13	6	0.68
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:H	13	0.68
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:H	13	0.68
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB2	17	0.68
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB3	17	0.68
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD2	8	0.68
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD3	8	0.68
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD2	8	0.68
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD3	8	0.68
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD11	2	0.68
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD12	2	0.68
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD13	2	0.68
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD21	2	0.68
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD22	2	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD23	2	0.68
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG21	1:168:A:ILE:HB	5	0.68
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG22	1:168:A:ILE:HB	5	0.68
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG23	1:168:A:ILE:HB	5	0.68
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD1	11	0.68
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD2	11	0.68
(4,1094)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:H	3	0.68
(4,1094)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:H	13	0.68
(4,1094)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:H	17	0.68
(4,1060)	1:36:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:H	4	0.68
(4,1060)	1:36:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:H	4	0.68
(4,1060)	1:36:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:H	4	0.68
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD11	12	0.68
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD12	12	0.68
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD13	12	0.68
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD11	12	0.68
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD12	12	0.68
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD13	12	0.68
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE2	5	0.68
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE3	5	0.68
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE2	5	0.68
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE3	5	0.68
(4,1004)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:H	6	0.68
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD21	11	0.68
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD22	11	0.68
(4,823)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:H	9	0.68
(4,823)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:H	9	0.68
(4,819)	1:149:A:PHE:HA	1:151:A:THR:HA	9	0.68
(4,790)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:H	7	0.68
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD21	8	0.68
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD22	8	0.68
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD23	8	0.68
(4,755)	1:16:A:GLU:H	1:34:A:PHE:HA	20	0.68
(4,730)	1:119:A:GLN:H	1:119:A:GLN:HE22	10	0.68
(4,722)	1:27:A:LEU:HA	1:106:A:LEU:HD11	16	0.68
(4,722)	1:27:A:LEU:HA	1:106:A:LEU:HD12	16	0.68
(4,722)	1:27:A:LEU:HA	1:106:A:LEU:HD13	16	0.68
(4,722)	1:27:A:LEU:HA	1:106:A:LEU:HD21	16	0.68
(4,722)	1:27:A:LEU:HA	1:106:A:LEU:HD22	16	0.68
(4,722)	1:27:A:LEU:HA	1:106:A:LEU:HD23	16	0.68
(4,680)	1:179:A:GLU:H	1:190:A:TYR:H	13	0.68
(4,675)	1:3:A:GLY:H	1:5:A:ASN:H	2	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD11	16	0.68
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD12	16	0.68
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD13	16	0.68
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD21	16	0.68
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD22	16	0.68
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD23	16	0.68
(4,669)	1:8:A:VAL:H	1:88:A:ASN:H	3	0.68
(4,632)	1:82:A:PHE:HD1	1:100:A:SER:H	5	0.68
(4,632)	1:82:A:PHE:HD2	1:100:A:SER:H	5	0.68
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD11	13	0.68
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD12	13	0.68
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD13	13	0.68
(4,496)	1:79:A:VAL:HG21	1:189:A:LEU:H	19	0.68
(4,496)	1:79:A:VAL:HG22	1:189:A:LEU:H	19	0.68
(4,496)	1:79:A:VAL:HG23	1:189:A:LEU:H	19	0.68
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG21	7	0.68
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG22	7	0.68
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG23	7	0.68
(4,360)	1:231:A:LEU:HD11	1:234:A:ASN:H	20	0.68
(4,360)	1:231:A:LEU:HD12	1:234:A:ASN:H	20	0.68
(4,360)	1:231:A:LEU:HD13	1:234:A:ASN:H	20	0.68
(4,360)	1:231:A:LEU:HD21	1:234:A:ASN:H	20	0.68
(4,360)	1:231:A:LEU:HD22	1:234:A:ASN:H	20	0.68
(4,360)	1:231:A:LEU:HD23	1:234:A:ASN:H	20	0.68
(4,345)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HB2	12	0.68
(4,345)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HB3	12	0.68
(4,251)	1:28:A:LYS:HB3	1:29:A:ASN:HD21	1	0.68
(4,230)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HB2	14	0.68
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD21	13	0.68
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD22	13	0.68
(4,100)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:HB2	1	0.68
(4,100)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:HB3	1	0.68
(4,100)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:HB2	1	0.68
(4,100)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:HB3	1	0.68
(4,100)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:HB2	1	0.68
(4,100)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:HB3	1	0.68
(4,100)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:HB2	1	0.68
(4,100)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:HB3	1	0.68
(4,100)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:HB2	1	0.68
(4,100)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:HB3	1	0.68
(4,100)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:HB2	1	0.68
(4,100)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:HB3	1	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,71)	1:177:A:ILE:HD11	1:194:A:SER:H	10	0.68
(4,71)	1:177:A:ILE:HD12	1:194:A:SER:H	10	0.68
(4,71)	1:177:A:ILE:HD13	1:194:A:SER:H	10	0.68
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB2	14	0.68
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB3	14	0.68
(4,66)	1:198:A:ALA:H	1:200:A:ASP:H	8	0.68
(4,56)	1:129:A:PHE:HD1	1:130:A:ASP:H	19	0.68
(4,56)	1:129:A:PHE:HD2	1:130:A:ASP:H	19	0.68
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD11	1	0.68
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD12	1	0.68
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD13	1	0.68
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD21	1	0.68
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD22	1	0.68
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD23	1	0.68
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD21	11	0.68
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD22	11	0.68
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD23	11	0.68
(2,638)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	5	0.68
(1,488)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	12	0.68
(1,275)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	4	0.68
(1,179)	1:57:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	5	0.68
(5,638)	1:5:A:ASN:ND2	1:160:A:THR:H	12	0.67
(5,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	15	0.67
(5,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	15	0.67
(5,425)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	1	0.67
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:H	16	0.67
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:H	16	0.67
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:H	16	0.67
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD11	12	0.67
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD12	12	0.67
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD13	12	0.67
(4,4070)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:H	8	0.67
(4,4047)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:H	6	0.67
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB2	2	0.67
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB3	2	0.67
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB2	2	0.67
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB3	2	0.67
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB2	2	0.67
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB3	2	0.67
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB2	2	0.67
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB3	2	0.67
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB2	2	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB3	2	0.67
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB2	2	0.67
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB3	2	0.67
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG21	1	0.67
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG22	1	0.67
(4,3959)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG23	1	0.67
(4,3813)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD11	18	0.67
(4,3813)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD12	18	0.67
(4,3813)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD13	18	0.67
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:H	17	0.67
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:H	17	0.67
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:H	17	0.67
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD11	4	0.67
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD12	4	0.67
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD13	4	0.67
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD21	4	0.67
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD22	4	0.67
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD23	4	0.67
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD11	14	0.67
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD12	14	0.67
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD13	14	0.67
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD21	14	0.67
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD22	14	0.67
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD23	14	0.67
(4,3733)	1:177:A:ILE:HD11	1:206:A:LEU:HB2	10	0.67
(4,3733)	1:177:A:ILE:HD12	1:206:A:LEU:HB2	10	0.67
(4,3733)	1:177:A:ILE:HD13	1:206:A:LEU:HB2	10	0.67
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	10	0.67
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	10	0.67
(4,3673)	1:98:A:SER:H	1:99:A:LEU:HB3	17	0.67
(4,3658)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HB2	2	0.67
(4,3658)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HB3	2	0.67
(4,3658)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HB2	2	0.67
(4,3658)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HB3	2	0.67
(4,3658)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HB2	2	0.67
(4,3658)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HB3	2	0.67
(4,3589)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:HB2	11	0.67
(4,3528)	1:164:A:ASN:H	1:164:A:ASN:HD22	13	0.67
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HB2	16	0.67
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HB3	16	0.67
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HB2	16	0.67
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HB3	16	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD11	5	0.67
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD12	5	0.67
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD13	5	0.67
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD21	5	0.67
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD22	5	0.67
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD23	5	0.67
(4,3286)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HA	16	0.67
(4,3264)	1:79:A:VAL:HB	1:173:A:GLU:H	8	0.67
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD11	10	0.67
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD12	10	0.67
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD13	10	0.67
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD21	10	0.67
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD22	10	0.67
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD23	10	0.67
(4,3202)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA2	13	0.67
(4,3202)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA2	13	0.67
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD1	6	0.67
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD2	6	0.67
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD1	7	0.67
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD2	7	0.67
(4,3003)	1:222:A:ASP:H	1:223:A:VAL:HB	5	0.67
(4,3003)	1:222:A:ASP:H	1:223:A:VAL:HB	13	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:HD11	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:HD12	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:HD13	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:HD21	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:HD22	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:HD23	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:HD11	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:HD12	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:HD13	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:HD21	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:HD22	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:HD23	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:HD11	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:HD12	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:HD13	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:HD21	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:HD22	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:HD23	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:HD11	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:HD12	1	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:HD13	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:HD21	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:HD22	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:HD23	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:HD11	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:HD12	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:HD13	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:HD21	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:HD22	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:HD23	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:HD11	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:HD12	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:HD13	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:HD21	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:HD22	1	0.67
(4,2946)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:HD23	1	0.67
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG21	4	0.67
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG22	4	0.67
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG23	4	0.67
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG21	4	0.67
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG22	4	0.67
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG23	4	0.67
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG21	4	0.67
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG22	4	0.67
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG23	4	0.67
(4,2821)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HE1	20	0.67
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB1	3	0.67
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB2	3	0.67
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB3	3	0.67
(4,2795)	1:119:A:GLN:HE21	1:127:A:ASN:H	20	0.67
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD1	1:190:A:TYR:H	16	0.67
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD2	1:190:A:TYR:H	16	0.67
(4,2634)	1:214:A:TYR:H	1:217:A:ASN:H	17	0.67
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HG21	12	0.67
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HG22	12	0.67
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HG23	12	0.67
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HG21	12	0.67
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HG22	12	0.67
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HG23	12	0.67
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HG21	12	0.67
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HG22	12	0.67
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HG23	12	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2614)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HD1	3	0.67
(4,2614)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HD2	3	0.67
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD11	13	0.67
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD12	13	0.67
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD13	13	0.67
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB2	12	0.67
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB3	12	0.67
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB2	1:168:A:ILE:H	3	0.67
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB3	1:168:A:ILE:H	3	0.67
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB2	1:168:A:ILE:H	12	0.67
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB3	1:168:A:ILE:H	12	0.67
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD21	1:226:A:PHE:H	19	0.67
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD22	1:226:A:PHE:H	19	0.67
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB2	12	0.67
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB3	12	0.67
(4,2251)	1:3:A:GLY:H	1:4:A:GLU:HB2	19	0.67
(4,2251)	1:3:A:GLY:H	1:4:A:GLU:HB3	19	0.67
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE21	19	0.67
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE22	19	0.67
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD11	17	0.67
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD12	17	0.67
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD13	17	0.67
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD21	17	0.67
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD22	17	0.67
(4,2187)	1:227:A:ALA:H	1:229:A:LEU:HD23	17	0.67
(4,2061)	1:33:A:TYR:H	1:234:A:ASN:HA	6	0.67
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB2	11	0.67
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB3	11	0.67
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB2	11	0.67
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB3	11	0.67
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB2	11	0.67
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB3	11	0.67
(4,2009)	1:80:A:ILE:H	1:180:A:LEU:HD11	2	0.67
(4,2009)	1:80:A:ILE:H	1:180:A:LEU:HD12	2	0.67
(4,2009)	1:80:A:ILE:H	1:180:A:LEU:HD13	2	0.67
(4,2009)	1:80:A:ILE:H	1:180:A:LEU:HD21	2	0.67
(4,2009)	1:80:A:ILE:H	1:180:A:LEU:HD22	2	0.67
(4,2009)	1:80:A:ILE:H	1:180:A:LEU:HD23	2	0.67
(4,1976)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD21	13	0.67
(4,1976)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD22	13	0.67
(4,1976)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD23	13	0.67
(4,1975)	1:44:A:LEU:HA	1:48:A:LEU:H	2	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD1	13	0.67
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD11	1:37:A:TYR:HD2	13	0.67
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD1	13	0.67
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD12	1:37:A:TYR:HD2	13	0.67
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD1	13	0.67
(4,1922)	1:36:A:ILE:HD13	1:37:A:TYR:HD2	13	0.67
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD11	2	0.67
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD12	2	0.67
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD13	2	0.67
(4,1800)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD21	14	0.67
(4,1757)	1:48:A:LEU:CD1	1:202:A:ILE:HD11	18	0.67
(4,1757)	1:48:A:LEU:CD1	1:202:A:ILE:HD12	18	0.67
(4,1757)	1:48:A:LEU:CD1	1:202:A:ILE:HD13	18	0.67
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD1	3	0.67
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG2	1:214:A:TYR:HD2	3	0.67
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD1	3	0.67
(4,1670)	1:65:A:ARG:HG3	1:214:A:TYR:HD2	3	0.67
(4,1666)	1:55:A:ILE:HD11	1:202:A:ILE:HB	18	0.67
(4,1666)	1:55:A:ILE:HD12	1:202:A:ILE:HB	18	0.67
(4,1666)	1:55:A:ILE:HD13	1:202:A:ILE:HB	18	0.67
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	13	0.67
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	13	0.67
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	13	0.67
(4,1573)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB3	14	0.67
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD11	18	0.67
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD12	18	0.67
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD13	18	0.67
(4,1496)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HB2	5	0.67
(4,1496)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HB3	5	0.67
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG2	4	0.67
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG3	4	0.67
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG2	4	0.67
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG3	4	0.67
(4,1353)	1:29:A:ASN:H	1:29:A:ASN:HD22	18	0.67
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD2	12	0.67
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD3	12	0.67
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD2	12	0.67
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD3	12	0.67
(4,1304)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD21	10	0.67
(4,1304)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD22	10	0.67
(4,1304)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD23	10	0.67
(4,1266)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:TYR:HD1	8	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1266)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:TYR:HD2	8	0.67
(4,1240)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:H	3	0.67
(4,1158)	1:57:A:LEU:HB2	1:168:A:ILE:HG21	8	0.67
(4,1158)	1:57:A:LEU:HB2	1:168:A:ILE:HG22	8	0.67
(4,1158)	1:57:A:LEU:HB2	1:168:A:ILE:HG23	8	0.67
(4,1158)	1:57:A:LEU:HB3	1:168:A:ILE:HG21	8	0.67
(4,1158)	1:57:A:LEU:HB3	1:168:A:ILE:HG22	8	0.67
(4,1158)	1:57:A:LEU:HB3	1:168:A:ILE:HG23	8	0.67
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG11	1:12:A:GLU:H	9	0.67
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG12	1:12:A:GLU:H	9	0.67
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG13	1:12:A:GLU:H	9	0.67
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:GLU:H	9	0.67
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:GLU:H	9	0.67
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:GLU:H	9	0.67
(4,1120)	1:27:A:LEU:H	1:107:A:GLU:H	1	0.67
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB2	2	0.67
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB3	2	0.67
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB2	10	0.67
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB3	10	0.67
(4,952)	1:18:A:PHE:HD1	1:229:A:LEU:HD21	9	0.67
(4,952)	1:18:A:PHE:HD1	1:229:A:LEU:HD22	9	0.67
(4,952)	1:18:A:PHE:HD1	1:229:A:LEU:HD23	9	0.67
(4,952)	1:18:A:PHE:HD2	1:229:A:LEU:HD21	9	0.67
(4,952)	1:18:A:PHE:HD2	1:229:A:LEU:HD22	9	0.67
(4,952)	1:18:A:PHE:HD2	1:229:A:LEU:HD23	9	0.67
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD2	3	0.67
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD3	3	0.67
(4,887)	1:100:A:SER:HB2	1:127:A:ASN:HA	1	0.67
(4,887)	1:100:A:SER:HB3	1:127:A:ASN:HA	1	0.67
(4,831)	1:203:A:GLU:HB2	1:204:A:GLN:HG2	20	0.67
(4,831)	1:203:A:GLU:HB2	1:204:A:GLN:HG3	20	0.67
(4,831)	1:203:A:GLU:HB3	1:204:A:GLN:HG2	20	0.67
(4,831)	1:203:A:GLU:HB3	1:204:A:GLN:HG3	20	0.67
(4,823)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:H	8	0.67
(4,823)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:H	8	0.67
(4,730)	1:119:A:GLN:H	1:119:A:GLN:HE22	1	0.67
(4,673)	1:172:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:H	17	0.67
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD11	11	0.67
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD12	11	0.67
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD13	11	0.67
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD21	11	0.67
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD22	11	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD23	11	0.67
(4,652)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HB2	3	0.67
(4,652)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HB3	3	0.67
(4,652)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HB2	3	0.67
(4,652)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HB3	3	0.67
(4,616)	1:61:A:ILE:HA	1:214:A:TYR:HD1	6	0.67
(4,616)	1:61:A:ILE:HA	1:214:A:TYR:HD2	6	0.67
(4,589)	1:83:A:LYS:HA	1:183:A:ARG:H	6	0.67
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD21	15	0.67
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD22	15	0.67
(4,548)	1:127:A:ASN:HD21	1:128:A:ARG:H	10	0.67
(4,496)	1:79:A:VAL:HG21	1:189:A:LEU:H	3	0.67
(4,496)	1:79:A:VAL:HG22	1:189:A:LEU:H	3	0.67
(4,496)	1:79:A:VAL:HG23	1:189:A:LEU:H	3	0.67
(4,496)	1:79:A:VAL:HG21	1:189:A:LEU:H	15	0.67
(4,496)	1:79:A:VAL:HG22	1:189:A:LEU:H	15	0.67
(4,496)	1:79:A:VAL:HG23	1:189:A:LEU:H	15	0.67
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG21	3	0.67
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG22	3	0.67
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG23	3	0.67
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG21	1	0.67
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG22	1	0.67
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG23	1	0.67
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG21	1	0.67
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG22	1	0.67
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG23	1	0.67
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG21	1	0.67
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG22	1	0.67
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG23	1	0.67
(4,372)	1:81:A:TRP:HE3	1:129:A:PHE:H	18	0.67
(4,369)	1:172:A:GLU:HG2	1:176:A:GLY:H	11	0.67
(4,369)	1:172:A:GLU:HG3	1:176:A:GLY:H	11	0.67
(4,345)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HB2	20	0.67
(4,345)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HB3	20	0.67
(4,230)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HB2	10	0.67
(4,214)	1:30:A:GLU:HB2	1:31:A:TRP:HE1	17	0.67
(4,214)	1:30:A:GLU:HB3	1:31:A:TRP:HE1	17	0.67
(4,173)	1:17:A:VAL:H	1:18:A:PHE:HD1	12	0.67
(4,173)	1:17:A:VAL:H	1:18:A:PHE:HD2	12	0.67
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD21	18	0.67
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD22	18	0.67
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG21	4	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG22	4	0.67
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG23	4	0.67
(4,98)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HB2	19	0.67
(4,98)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HB3	19	0.67
(4,98)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HB2	19	0.67
(4,98)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HB3	19	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD11	3	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD12	3	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD13	3	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD21	3	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD22	3	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD23	3	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD11	3	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD12	3	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD13	3	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD21	3	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD22	3	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD23	3	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD11	3	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD12	3	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD13	3	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD21	3	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD22	3	0.67
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD23	3	0.67
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD11	15	0.67
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD12	15	0.67
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD13	15	0.67
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD21	15	0.67
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD22	15	0.67
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD23	15	0.67
(3,24)	1:54:A:ALA:H	1:231:A:LEU:O	18	0.67
(3,3)	1:179:A:GLU:O	1:189:A:LEU:H	13	0.67
(2,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	3	0.67
(2,613)	1:5:A:ASN:ND2	1:143:A:LYS:H	1	0.67
(1,376)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	1	0.67
(1,48)	1:26:A:GLY:H	1:104:A:SER:OG	16	0.67
(5,823)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	9	0.66
(5,819)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	11	0.66
(5,812)	1:5:A:ASN:ND2	1:155:A:GLU:H	12	0.66
(5,489)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	15	0.66
(5,425)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	8	0.66
(5,116)	1:55:A:ILE:H	1:140:A:ASN:ND2	1	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG21	6	0.66
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG22	6	0.66
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG23	6	0.66
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB2	1:173:A:GLU:H	4	0.66
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB3	1:173:A:GLU:H	4	0.66
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE21	4	0.66
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE22	4	0.66
(4,4175)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:HB2	10	0.66
(4,4175)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:HB3	10	0.66
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:H	13	0.66
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:H	13	0.66
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:H	13	0.66
(4,4157)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:H	19	0.66
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD11	13	0.66
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD12	13	0.66
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD13	13	0.66
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD21	13	0.66
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD22	13	0.66
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD23	13	0.66
(4,4131)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG21	12	0.66
(4,4131)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG22	12	0.66
(4,4131)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG23	12	0.66
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD11	4	0.66
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD12	4	0.66
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD13	4	0.66
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD21	4	0.66
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD22	4	0.66
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD23	4	0.66
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG11	20	0.66
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG12	20	0.66
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG13	20	0.66
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG21	20	0.66
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG22	20	0.66
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG23	20	0.66
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD11	10	0.66
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD12	10	0.66
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD13	10	0.66
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD11	6	0.66
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD12	6	0.66
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD13	6	0.66
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD21	6	0.66
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD22	6	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD23	6	0.66
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD11	6	0.66
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD12	6	0.66
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD13	6	0.66
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD21	6	0.66
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD22	6	0.66
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD23	6	0.66
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD11	12	0.66
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD12	12	0.66
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD13	12	0.66
(4,3784)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD11	19	0.66
(4,3784)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD12	19	0.66
(4,3784)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD13	19	0.66
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD11	18	0.66
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD12	18	0.66
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD13	18	0.66
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD21	18	0.66
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD22	18	0.66
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD23	18	0.66
(4,3767)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD21	20	0.66
(4,3682)	1:50:A:ARG:H	1:233:A:PRO:HB2	9	0.66
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:HA	9	0.66
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:HA	9	0.66
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:HA	9	0.66
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:HA	9	0.66
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:HA	9	0.66
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:HA	9	0.66
(4,3651)	1:51:A:PRO:HB3	1:201:A:LEU:H	8	0.66
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG21	1:146:A:VAL:H	3	0.66
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG22	1:146:A:VAL:H	3	0.66
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG23	1:146:A:VAL:H	3	0.66
(4,3633)	1:90:A:CYS:H	1:94:A:ALA:H	9	0.66
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:H	9	0.66
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:H	9	0.66
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:H	9	0.66
(4,3568)	1:33:A:TYR:HD1	1:229:A:LEU:HD21	17	0.66
(4,3568)	1:33:A:TYR:HD1	1:229:A:LEU:HD22	17	0.66
(4,3568)	1:33:A:TYR:HD1	1:229:A:LEU:HD23	17	0.66
(4,3568)	1:33:A:TYR:HD2	1:229:A:LEU:HD21	17	0.66
(4,3568)	1:33:A:TYR:HD2	1:229:A:LEU:HD22	17	0.66
(4,3568)	1:33:A:TYR:HD2	1:229:A:LEU:HD23	17	0.66
(4,3537)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HB	2	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3537)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HB	2	0.66
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	7	0.66
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	7	0.66
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	7	0.66
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD11	1	0.66
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD12	1	0.66
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD13	1	0.66
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD11	1	0.66
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD12	1	0.66
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD13	1	0.66
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD11	1	0.66
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD12	1	0.66
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD13	1	0.66
(4,3286)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HA	18	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD11	14	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD12	14	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD13	14	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD21	14	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD22	14	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD23	14	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD11	14	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD12	14	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD13	14	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD21	14	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD22	14	0.66
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD23	14	0.66
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG2	1:217:A:ASN:HB2	2	0.66
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG2	1:217:A:ASN:HB3	2	0.66
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG3	1:217:A:ASN:HB2	2	0.66
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG3	1:217:A:ASN:HB3	2	0.66
(4,3154)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:H	19	0.66
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD1	6	0.66
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD2	6	0.66
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD1	6	0.66
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD2	6	0.66
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD1	6	0.66
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD2	6	0.66
(4,3112)	1:119:A:GLN:HE21	1:130:A:ASP:H	6	0.66
(4,3112)	1:119:A:GLN:HE21	1:130:A:ASP:H	7	0.66
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD11	1:119:A:GLN:HE21	11	0.66
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD12	1:119:A:GLN:HE21	11	0.66
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD13	1:119:A:GLN:HE21	11	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:HE21	11	0.66
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:HE21	11	0.66
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:HE21	11	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD11	2	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD12	2	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD13	2	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD21	2	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD22	2	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD23	2	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD11	2	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD12	2	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD13	2	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD21	2	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD22	2	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD23	2	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD11	2	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD12	2	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD13	2	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD21	2	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD22	2	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD23	2	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD11	19	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD12	19	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD13	19	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD21	19	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD22	19	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD23	19	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD11	19	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD12	19	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD13	19	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD21	19	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD22	19	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD23	19	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD11	19	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD12	19	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD13	19	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD21	19	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD22	19	0.66
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD23	19	0.66
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG21	12	0.66
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG22	12	0.66
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG23	12	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3003)	1:222:A:ASP:H	1:223:A:VAL:HB	1	0.66
(4,3003)	1:222:A:ASP:H	1:223:A:VAL:HB	19	0.66
(4,2970)	1:28:A:LYS:HB2	1:107:A:GLU:H	15	0.66
(4,2923)	1:36:A:ILE:H	1:38:A:SER:H	15	0.66
(4,2868)	1:15:A:PRO:HG2	1:35:A:ASP:H	15	0.66
(4,2837)	1:84:A:GLN:H	1:182:A:GLY:H	5	0.66
(4,2826)	1:53:A:LYS:HB2	1:231:A:LEU:H	12	0.66
(4,2826)	1:53:A:LYS:HB3	1:231:A:LEU:H	12	0.66
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE1	15	0.66
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE2	15	0.66
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	7	0.66
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	7	0.66
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	7	0.66
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	7	0.66
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	7	0.66
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	7	0.66
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	7	0.66
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	7	0.66
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	7	0.66
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	7	0.66
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	7	0.66
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	7	0.66
(4,2692)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HB3	6	0.66
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD11	5	0.66
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD12	5	0.66
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD13	5	0.66
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD21	5	0.66
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD22	5	0.66
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD23	5	0.66
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD11	5	0.66
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD12	5	0.66
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD13	5	0.66
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD21	5	0.66
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD22	5	0.66
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD23	5	0.66
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD11	19	0.66
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD12	19	0.66
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD13	19	0.66
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG21	1:164:A:ASN:HD21	3	0.66
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG22	1:164:A:ASN:HD21	3	0.66
(4,2551)	1:61:A:ILE:HG23	1:164:A:ASN:HD21	3	0.66
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB2	2	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB3	2	0.66
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD11	3	0.66
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD12	3	0.66
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD13	3	0.66
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG2	17	0.66
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG3	17	0.66
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG2	17	0.66
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG3	17	0.66
(4,2433)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:H	8	0.66
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	1	0.66
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	1	0.66
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	1	0.66
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE1	1:231:A:LEU:H	6	0.66
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE2	1:231:A:LEU:H	6	0.66
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB1	3	0.66
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB2	3	0.66
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB3	3	0.66
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB1	3	0.66
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB2	3	0.66
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB3	3	0.66
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB1	3	0.66
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB2	3	0.66
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB3	3	0.66
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB1	13	0.66
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB2	13	0.66
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB3	13	0.66
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB1	13	0.66
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB2	13	0.66
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB3	13	0.66
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB1	13	0.66
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB2	13	0.66
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB3	13	0.66
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG21	6	0.66
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG22	6	0.66
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG23	6	0.66
(4,2314)	1:107:A:GLU:H	1:110:A:SER:HG	4	0.66
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG21	3	0.66
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG22	3	0.66
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG23	3	0.66
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD11	10	0.66
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD12	10	0.66
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD13	10	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD11	10	0.66
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD12	10	0.66
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD13	10	0.66
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD11	10	0.66
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD12	10	0.66
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD13	10	0.66
(4,2280)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:H	8	0.66
(4,2261)	1:54:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:H	5	0.66
(4,2261)	1:54:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:H	5	0.66
(4,2261)	1:54:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:H	5	0.66
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD21	12	0.66
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD22	12	0.66
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD23	12	0.66
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	15	0.66
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	15	0.66
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	15	0.66
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD1	5	0.66
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD2	5	0.66
(4,2104)	1:79:A:VAL:HG11	1:188:A:PRO:HB2	11	0.66
(4,2104)	1:79:A:VAL:HG12	1:188:A:PRO:HB2	11	0.66
(4,2104)	1:79:A:VAL:HG13	1:188:A:PRO:HB2	11	0.66
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD11	8	0.66
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD12	8	0.66
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD13	8	0.66
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD21	8	0.66
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD22	8	0.66
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD23	8	0.66
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD11	9	0.66
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD12	9	0.66
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD13	9	0.66
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG21	15	0.66
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG22	15	0.66
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG23	15	0.66
(4,1977)	1:56:A:VAL:H	1:170:A:TYR:HD1	18	0.66
(4,1977)	1:56:A:VAL:H	1:170:A:TYR:HD2	18	0.66
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD11	4	0.66
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD12	4	0.66
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD13	4	0.66
(4,1933)	1:81:A:TRP:HE1	1:187:A:GLY:H	10	0.66
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE1	13	0.66
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HE2	13	0.66
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE1	13	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HE2	13	0.66
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE1	13	0.66
(4,1898)	1:11:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HE2	13	0.66
(4,1881)	1:42:A:PRO:HB2	1:46:A:ALA:HA	8	0.66
(4,1814)	1:36:A:ILE:H	1:227:A:ALA:HB1	7	0.66
(4,1814)	1:36:A:ILE:H	1:227:A:ALA:HB2	7	0.66
(4,1814)	1:36:A:ILE:H	1:227:A:ALA:HB3	7	0.66
(4,1728)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD22	18	0.66
(4,1617)	1:25:A:LEU:H	1:99:A:LEU:HD11	8	0.66
(4,1617)	1:25:A:LEU:H	1:99:A:LEU:HD12	8	0.66
(4,1617)	1:25:A:LEU:H	1:99:A:LEU:HD13	8	0.66
(4,1617)	1:25:A:LEU:H	1:99:A:LEU:HD21	8	0.66
(4,1617)	1:25:A:LEU:H	1:99:A:LEU:HD22	8	0.66
(4,1617)	1:25:A:LEU:H	1:99:A:LEU:HD23	8	0.66
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE1	1:49:A:PRO:HG2	13	0.66
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE1	1:49:A:PRO:HG3	13	0.66
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE2	1:49:A:PRO:HG2	13	0.66
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE2	1:49:A:PRO:HG3	13	0.66
(4,1492)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG3	7	0.66
(4,1455)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:H	13	0.66
(4,1455)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:H	17	0.66
(4,1414)	1:169:A:THR:H	1:169:A:THR:HG1	6	0.66
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG21	20	0.66
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG22	20	0.66
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG23	20	0.66
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG21	20	0.66
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG22	20	0.66
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG23	20	0.66
(4,1303)	1:106:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	10	0.66
(4,1303)	1:106:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	10	0.66
(4,1303)	1:106:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	10	0.66
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG11	8	0.66
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG12	8	0.66
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG13	8	0.66
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG21	8	0.66
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG22	8	0.66
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG23	8	0.66
(4,1247)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD22	13	0.66
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG21	20	0.66
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG22	20	0.66
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG23	20	0.66
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD21	1:114:A:ASN:H	1	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD22	1:114:A:ASN:H	1	0.66
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD23	1:114:A:ASN:H	1	0.66
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD11	7	0.66
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD12	7	0.66
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD13	7	0.66
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:H	2	0.66
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:H	2	0.66
(4,1120)	1:27:A:LEU:H	1:107:A:GLU:H	14	0.66
(4,1103)	1:54:A:ALA:HA	1:201:A:LEU:HD21	14	0.66
(4,1103)	1:54:A:ALA:HA	1:201:A:LEU:HD22	14	0.66
(4,1103)	1:54:A:ALA:HA	1:201:A:LEU:HD23	14	0.66
(4,1094)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:H	5	0.66
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG21	3	0.66
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG22	3	0.66
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG23	3	0.66
(4,1082)	1:152:A:GLY:H	1:153:A:GLN:HB2	4	0.66
(4,1082)	1:152:A:GLY:H	1:153:A:GLN:HB3	4	0.66
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB1	10	0.66
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB2	10	0.66
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB3	10	0.66
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB1	10	0.66
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB2	10	0.66
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB3	10	0.66
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB1	10	0.66
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB2	10	0.66
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB3	10	0.66
(4,983)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:H	15	0.66
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB2	15	0.66
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB3	15	0.66
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB2	15	0.66
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB3	15	0.66
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB2	15	0.66
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB3	15	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD11	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD12	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD13	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD21	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD22	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD23	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD11	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD12	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD13	2	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD21	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD22	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD23	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD11	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD12	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD13	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD21	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD22	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD23	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD11	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD12	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD13	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD21	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD22	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD23	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD11	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD12	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD13	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD21	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD22	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD23	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD11	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD12	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD13	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD21	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD22	2	0.66
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD23	2	0.66
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG11	16	0.66
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG12	16	0.66
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG13	16	0.66
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG21	16	0.66
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG22	16	0.66
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG23	16	0.66
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG11	16	0.66
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG12	16	0.66
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG13	16	0.66
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG21	16	0.66
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG22	16	0.66
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG23	16	0.66
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG11	16	0.66
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG12	16	0.66
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG13	16	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG21	16	0.66
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG22	16	0.66
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG23	16	0.66
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	15	0.66
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	15	0.66
(4,673)	1:172:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:H	4	0.66
(4,448)	1:86:A:VAL:HG11	1:93:A:TYR:HD1	12	0.66
(4,448)	1:86:A:VAL:HG11	1:93:A:TYR:HD2	12	0.66
(4,448)	1:86:A:VAL:HG12	1:93:A:TYR:HD1	12	0.66
(4,448)	1:86:A:VAL:HG12	1:93:A:TYR:HD2	12	0.66
(4,448)	1:86:A:VAL:HG13	1:93:A:TYR:HD1	12	0.66
(4,448)	1:86:A:VAL:HG13	1:93:A:TYR:HD2	12	0.66
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG21	15	0.66
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG22	15	0.66
(4,357)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG23	15	0.66
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB2	17	0.66
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB3	17	0.66
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG11	1	0.66
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG12	1	0.66
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG13	1	0.66
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG21	1	0.66
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG22	1	0.66
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG23	1	0.66
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB2	19	0.66
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB3	19	0.66
(4,270)	1:33:A:TYR:HD1	1:232:A:GLY:H	11	0.66
(4,270)	1:33:A:TYR:HD2	1:232:A:GLY:H	11	0.66
(4,268)	1:170:A:TYR:HB2	1:207:A:VAL:HG11	11	0.66
(4,268)	1:170:A:TYR:HB2	1:207:A:VAL:HG12	11	0.66
(4,268)	1:170:A:TYR:HB2	1:207:A:VAL:HG13	11	0.66
(4,268)	1:170:A:TYR:HB3	1:207:A:VAL:HG11	11	0.66
(4,268)	1:170:A:TYR:HB3	1:207:A:VAL:HG12	11	0.66
(4,268)	1:170:A:TYR:HB3	1:207:A:VAL:HG13	11	0.66
(4,250)	1:57:A:LEU:HD11	1:210:A:ARG:HG2	5	0.66
(4,250)	1:57:A:LEU:HD11	1:210:A:ARG:HG3	5	0.66
(4,250)	1:57:A:LEU:HD12	1:210:A:ARG:HG2	5	0.66
(4,250)	1:57:A:LEU:HD12	1:210:A:ARG:HG3	5	0.66
(4,250)	1:57:A:LEU:HD13	1:210:A:ARG:HG2	5	0.66
(4,250)	1:57:A:LEU:HD13	1:210:A:ARG:HG3	5	0.66
(4,250)	1:57:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:HG2	5	0.66
(4,250)	1:57:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:HG3	5	0.66
(4,250)	1:57:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:HG2	5	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,250)	1:57:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:HG3	5	0.66
(4,250)	1:57:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:HG2	5	0.66
(4,250)	1:57:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:HG3	5	0.66
(4,181)	1:162:A:ASP:HB2	1:164:A:ASN:HD21	9	0.66
(4,181)	1:162:A:ASP:HB3	1:164:A:ASN:HD21	9	0.66
(4,150)	1:39:A:LEU:HA	1:44:A:LEU:HG	7	0.66
(4,124)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG11	8	0.66
(4,124)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG12	8	0.66
(4,124)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG13	8	0.66
(4,124)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG11	8	0.66
(4,124)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG12	8	0.66
(4,124)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG13	8	0.66
(4,80)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:CD2	10	0.66
(4,80)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:CD2	10	0.66
(4,80)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:CD2	10	0.66
(4,80)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:CD2	10	0.66
(4,80)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:CD2	10	0.66
(4,80)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:CD2	10	0.66
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD21	13	0.66
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD22	13	0.66
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD23	13	0.66
(4,6)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HA	8	0.66
(1,220)	1:225:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	3	0.66
(1,86)	1:225:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	1	0.66
(5,591)	1:5:A:ASN:ND2	1:174:A:ASN:H	9	0.65
(5,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	12	0.65
(5,408)	1:5:A:ASN:ND2	1:24:A:LYS:H	10	0.65
(5,312)	1:149:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	5	0.65
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG11	4	0.65
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG12	4	0.65
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG13	4	0.65
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD1	1:193:A:LYS:H	5	0.65
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD2	1:193:A:LYS:H	5	0.65
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG11	12	0.65
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG12	12	0.65
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG13	12	0.65
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:H	2	0.65
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:H	2	0.65
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:H	2	0.65
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG11	16	0.65
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG12	16	0.65
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG13	16	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG21	16	0.65
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG22	16	0.65
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG23	16	0.65
(4,4159)	1:157:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	5	0.65
(4,4159)	1:157:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	5	0.65
(4,4152)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HA	1	0.65
(4,4137)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HD1	9	0.65
(4,4137)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HD2	9	0.65
(4,4137)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HD1	9	0.65
(4,4137)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HD2	9	0.65
(4,4137)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HD1	9	0.65
(4,4137)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HD2	9	0.65
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	13	0.65
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	13	0.65
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	13	0.65
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	13	0.65
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	13	0.65
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	13	0.65
(4,4095)	1:192:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	12	0.65
(4,4090)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:H	2	0.65
(4,4090)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:H	19	0.65
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HD1	14	0.65
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HD2	14	0.65
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HD1	14	0.65
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HD2	14	0.65
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HD1	14	0.65
(4,4037)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HD2	14	0.65
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB2	8	0.65
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB3	8	0.65
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB2	8	0.65
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB3	8	0.65
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB2	8	0.65
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB3	8	0.65
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB2	8	0.65
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB3	8	0.65
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB2	8	0.65
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB3	8	0.65
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB2	8	0.65
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB3	8	0.65
(4,3893)	1:119:A:GLN:HE21	1:125:A:SER:H	8	0.65
(4,3872)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HE1	2	0.65
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD21	4	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD22	4	0.65
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD23	4	0.65
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG11	10	0.65
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG12	10	0.65
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG13	10	0.65
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB2	1:220:A:GLU:HG2	17	0.65
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB2	1:220:A:GLU:HG3	17	0.65
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB3	1:220:A:GLU:HG2	17	0.65
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB3	1:220:A:GLU:HG3	17	0.65
(4,3812)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HD1	2	0.65
(4,3812)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HD2	2	0.65
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD11	14	0.65
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD12	14	0.65
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD13	14	0.65
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD21	14	0.65
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD22	14	0.65
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD23	14	0.65
(4,3736)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HZ3	16	0.65
(4,3722)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HG	13	0.65
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:HA	18	0.65
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:HA	18	0.65
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:HA	18	0.65
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:HA	18	0.65
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:HA	18	0.65
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:HA	18	0.65
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	5	0.65
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	5	0.65
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	5	0.65
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	5	0.65
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	5	0.65
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	5	0.65
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	11	0.65
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	11	0.65
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	11	0.65
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	11	0.65
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	11	0.65
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	11	0.65
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD11	1:206:A:LEU:H	8	0.65
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD12	1:206:A:LEU:H	8	0.65
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD13	1:206:A:LEU:H	8	0.65
(4,3528)	1:164:A:ASN:H	1:164:A:ASN:HD22	11	0.65
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG21	14	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG22	14	0.65
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG23	14	0.65
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG21	14	0.65
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG22	14	0.65
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG23	14	0.65
(4,3450)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HB2	14	0.65
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD1	1:179:A:GLU:H	6	0.65
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD2	1:179:A:GLU:H	6	0.65
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD1	1:179:A:GLU:H	11	0.65
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD2	1:179:A:GLU:H	11	0.65
(4,3262)	1:190:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:H	15	0.65
(4,3262)	1:190:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:H	15	0.65
(4,3214)	1:80:A:ILE:HD11	1:103:A:GLN:HE21	18	0.65
(4,3214)	1:80:A:ILE:HD12	1:103:A:GLN:HE21	18	0.65
(4,3214)	1:80:A:ILE:HD13	1:103:A:GLN:HE21	18	0.65
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG21	1:179:A:GLU:H	9	0.65
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG22	1:179:A:GLU:H	9	0.65
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG23	1:179:A:GLU:H	9	0.65
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB1	11	0.65
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB2	11	0.65
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB3	11	0.65
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD11	16	0.65
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD12	16	0.65
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD13	16	0.65
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD21	16	0.65
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD22	16	0.65
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD23	16	0.65
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD1	7	0.65
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD2	7	0.65
(4,3064)	1:48:A:LEU:CD2	1:52:A:VAL:HG21	20	0.65
(4,3064)	1:48:A:LEU:CD2	1:52:A:VAL:HG22	20	0.65
(4,3064)	1:48:A:LEU:CD2	1:52:A:VAL:HG23	20	0.65
(4,3062)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HB3	17	0.65
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	7	0.65
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	7	0.65
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	7	0.65
(4,3003)	1:222:A:ASP:H	1:223:A:VAL:HB	3	0.65
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	8	0.65
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	8	0.65
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	8	0.65
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	18	0.65
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	18	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	18	0.65
(4,2841)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:H	4	0.65
(4,2717)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HB2	14	0.65
(4,2717)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HB3	14	0.65
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG11	19	0.65
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG12	19	0.65
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG13	19	0.65
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG11	19	0.65
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG12	19	0.65
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG13	19	0.65
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:H	10	0.65
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:H	10	0.65
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:H	10	0.65
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD11	1	0.65
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD12	1	0.65
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD13	1	0.65
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD11	2	0.65
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD12	2	0.65
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD13	2	0.65
(4,2564)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:H	15	0.65
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD1	3	0.65
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD2	3	0.65
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD1	3	0.65
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD2	3	0.65
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD1	3	0.65
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD2	3	0.65
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD1	8	0.65
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD2	8	0.65
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD21	5	0.65
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD22	5	0.65
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD23	5	0.65
(4,2406)	1:81:A:TRP:HZ2	1:182:A:GLY:HA2	7	0.65
(4,2406)	1:81:A:TRP:HZ2	1:182:A:GLY:HA3	7	0.65
(4,2317)	1:177:A:ILE:H	1:194:A:SER:H	17	0.65
(4,2285)	1:177:A:ILE:HG12	1:195:A:ASP:H	16	0.65
(4,2285)	1:177:A:ILE:HG13	1:195:A:ASP:H	16	0.65
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB2	11	0.65
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB3	11	0.65
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD21	1:104:A:SER:H	1	0.65
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD22	1:104:A:SER:H	1	0.65
(4,2196)	1:18:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	16	0.65
(4,2196)	1:18:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	16	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2175)	1:97:A:HIS:HA	1:100:A:SER:HG	16	0.65
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG21	1:58:A:LEU:HG	7	0.65
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG22	1:58:A:LEU:HG	7	0.65
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG23	1:58:A:LEU:HG	7	0.65
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB2	2	0.65
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB3	2	0.65
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB2	2	0.65
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB3	2	0.65
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB2	2	0.65
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB3	2	0.65
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	19	0.65
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	19	0.65
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	12	0.65
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	12	0.65
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	12	0.65
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	12	0.65
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	12	0.65
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	12	0.65
(4,1882)	1:98:A:SER:HG	1:100:A:SER:H	15	0.65
(4,1882)	1:98:A:SER:HG	1:100:A:SER:H	18	0.65
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD11	12	0.65
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD12	12	0.65
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD13	12	0.65
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:H	5	0.65
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:H	5	0.65
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:H	5	0.65
(4,1769)	1:5:A:ASN:HD22	1:6:A:ARG:H	19	0.65
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG21	1:55:A:ILE:HA	12	0.65
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG22	1:55:A:ILE:HA	12	0.65
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG23	1:55:A:ILE:HA	12	0.65
(4,1730)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HG2	10	0.65
(4,1730)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HG3	10	0.65
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD11	1:116:A:LEU:HA	8	0.65
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD12	1:116:A:LEU:HA	8	0.65
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD13	1:116:A:LEU:HA	8	0.65
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:HA	8	0.65
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:HA	8	0.65
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:HA	8	0.65
(4,1721)	1:214:A:TYR:H	1:215:A:MET:HG2	5	0.65
(4,1721)	1:214:A:TYR:H	1:215:A:MET:HG3	5	0.65
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	12	0.65
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	12	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	12	0.65
(4,1577)	1:55:A:ILE:H	1:172:A:GLU:H	19	0.65
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD1	9	0.65
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD2	9	0.65
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD1	9	0.65
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD2	9	0.65
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:HA2	3	0.65
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:HA3	3	0.65
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:HA2	3	0.65
(4,1450)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:HA3	3	0.65
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD11	1	0.65
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD12	1	0.65
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD13	1	0.65
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD11	12	0.65
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD12	12	0.65
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD13	12	0.65
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD2	7	0.65
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD3	7	0.65
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD2	7	0.65
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD3	7	0.65
(4,1271)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HA	13	0.65
(4,1183)	1:77:A:TYR:H	1:188:A:PRO:HG3	1	0.65
(4,1094)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:H	20	0.65
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG21	15	0.65
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG22	15	0.65
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG23	15	0.65
(4,983)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:H	3	0.65
(4,956)	1:100:A:SER:HB2	1:103:A:GLN:HE21	8	0.65
(4,956)	1:100:A:SER:HB2	1:103:A:GLN:HE22	8	0.65
(4,956)	1:100:A:SER:HB3	1:103:A:GLN:HE21	8	0.65
(4,956)	1:100:A:SER:HB3	1:103:A:GLN:HE22	8	0.65
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB2	14	0.65
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB3	14	0.65
(4,870)	1:34:A:PHE:H	1:232:A:GLY:H	14	0.65
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	2	0.65
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	2	0.65
(4,790)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:H	20	0.65
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG2	2	0.65
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG3	2	0.65
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG2	11	0.65
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG3	11	0.65
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG21	15	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG22	15	0.65
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG23	15	0.65
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD11	10	0.65
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD12	10	0.65
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD13	10	0.65
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD21	10	0.65
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD22	10	0.65
(4,686)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:HD23	10	0.65
(4,632)	1:82:A:PHE:HD1	1:100:A:SER:H	19	0.65
(4,632)	1:82:A:PHE:HD2	1:100:A:SER:H	19	0.65
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD1	20	0.65
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD2	20	0.65
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD1	20	0.65
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD2	20	0.65
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD1	9	0.65
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD2	9	0.65
(4,495)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD22	9	0.65
(4,492)	1:92:A:LEU:HD21	1:93:A:TYR:HD1	13	0.65
(4,492)	1:92:A:LEU:HD21	1:93:A:TYR:HD2	13	0.65
(4,492)	1:92:A:LEU:HD22	1:93:A:TYR:HD1	13	0.65
(4,492)	1:92:A:LEU:HD22	1:93:A:TYR:HD2	13	0.65
(4,492)	1:92:A:LEU:HD23	1:93:A:TYR:HD1	13	0.65
(4,492)	1:92:A:LEU:HD23	1:93:A:TYR:HD2	13	0.65
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB2	10	0.65
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB3	10	0.65
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB2	10	0.65
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB3	10	0.65
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB2	10	0.65
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB3	10	0.65
(4,369)	1:172:A:GLU:HG2	1:176:A:GLY:H	8	0.65
(4,369)	1:172:A:GLU:HG3	1:176:A:GLY:H	8	0.65
(4,303)	1:59:A:PHE:HD1	1:62:A:ASN:H	2	0.65
(4,303)	1:59:A:PHE:HD2	1:62:A:ASN:H	2	0.65
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB2	17	0.65
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB3	17	0.65
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB2	17	0.65
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB3	17	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD11	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD12	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD13	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD21	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD22	19	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD23	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD11	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD12	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD13	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD21	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD22	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD23	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD11	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD12	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD13	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD21	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD22	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD23	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD11	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD12	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD13	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD21	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD22	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD23	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD11	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD12	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD13	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD21	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD22	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD23	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD11	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD12	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD13	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD21	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD22	19	0.65
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD23	19	0.65
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD21	15	0.65
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD22	15	0.65
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD23	15	0.65
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG21	8	0.65
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG22	8	0.65
(4,109)	1:120:A:SER:H	1:122:A:THR:HG23	8	0.65
(4,73)	1:223:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	1	0.65
(4,73)	1:223:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	1	0.65
(4,73)	1:223:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	1	0.65
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB2	18	0.65
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB3	18	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD1	19	0.65
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD2	19	0.65
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD11	5	0.65
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD12	5	0.65
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD13	5	0.65
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD21	5	0.65
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD22	5	0.65
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD23	5	0.65
(4,45)	1:151:A:THR:HA	1:154:A:SER:HA	4	0.65
(1,386)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	17	0.65
(1,347)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	17	0.65
(1,342)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	11	0.65
(1,320)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	1	0.65
(1,162)	1:98:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	11	0.65
(1,72)	1:170:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	20	0.65
(1,48)	1:26:A:GLY:H	1:104:A:SER:OG	3	0.65
(5,675)	1:5:A:ASN:ND2	1:52:A:VAL:H	10	0.64
(5,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	20	0.64
(5,539)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	5	0.64
(5,441)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	18	0.64
(5,412)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	10	0.64
(5,312)	1:149:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	12	0.64
(5,305)	1:9:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	20	0.64
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD2	18	0.64
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD3	18	0.64
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG11	7	0.64
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG12	7	0.64
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG13	7	0.64
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG21	7	0.64
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG22	7	0.64
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG23	7	0.64
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE21	13	0.64
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE22	13	0.64
(4,4214)	1:55:A:ILE:H	1:56:A:VAL:HB	17	0.64
(4,4157)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:H	15	0.64
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:H	7	0.64
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:H	7	0.64
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:H	7	0.64
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG11	6	0.64
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG12	6	0.64
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG13	6	0.64
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG11	6	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG12	6	0.64
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG13	6	0.64
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD21	8	0.64
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD22	8	0.64
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE1	3	0.64
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE2	3	0.64
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD21	20	0.64
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD22	20	0.64
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD21	20	0.64
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD22	20	0.64
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD11	16	0.64
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD12	16	0.64
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD13	16	0.64
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD11	16	0.64
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD12	16	0.64
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD13	16	0.64
(4,3933)	1:19:A:THR:HG1	1:22:A:ALA:H	4	0.64
(4,3933)	1:19:A:THR:HG1	1:22:A:ALA:H	10	0.64
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:H	10	0.64
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:H	10	0.64
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:H	10	0.64
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD11	19	0.64
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD12	19	0.64
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD13	19	0.64
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD11	1:96:A:LEU:H	14	0.64
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD12	1:96:A:LEU:H	14	0.64
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD13	1:96:A:LEU:H	14	0.64
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB2	1:220:A:GLU:HG2	18	0.64
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB2	1:220:A:GLU:HG3	18	0.64
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB3	1:220:A:GLU:HG2	18	0.64
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB3	1:220:A:GLU:HG3	18	0.64
(4,3784)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD11	13	0.64
(4,3784)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD12	13	0.64
(4,3784)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD13	13	0.64
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD11	17	0.64
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD12	17	0.64
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD13	17	0.64
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD21	17	0.64
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD22	17	0.64
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD23	17	0.64
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	18	0.64
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	18	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD11	8	0.64
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD12	8	0.64
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD13	8	0.64
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD11	8	0.64
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD12	8	0.64
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD13	8	0.64
(4,3682)	1:50:A:ARG:H	1:233:A:PRO:HB2	14	0.64
(4,3680)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	5	0.64
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG11	18	0.64
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG12	18	0.64
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG13	18	0.64
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG21	18	0.64
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG22	18	0.64
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG23	18	0.64
(4,3650)	1:222:A:ASP:HA	1:225:A:ASN:HD21	13	0.64
(4,3650)	1:222:A:ASP:HA	1:225:A:ASN:HD22	13	0.64
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	16	0.64
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	16	0.64
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	16	0.64
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG21	1:56:A:VAL:HB	7	0.64
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG22	1:56:A:VAL:HB	7	0.64
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG23	1:56:A:VAL:HB	7	0.64
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG11	19	0.64
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG12	19	0.64
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG13	19	0.64
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG2	1:147:A:GLN:H	9	0.64
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG3	1:147:A:GLN:H	9	0.64
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE21	15	0.64
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE22	15	0.64
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE21	15	0.64
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE22	15	0.64
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE21	15	0.64
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE22	15	0.64
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE21	15	0.64
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE22	15	0.64
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE21	15	0.64
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE22	15	0.64
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE21	15	0.64
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE22	15	0.64
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:CG2	9	0.64
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:CG2	9	0.64
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:CG2	9	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3207)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:H	19	0.64
(4,3179)	1:185:A:LEU:HD11	1:187:A:GLY:H	19	0.64
(4,3179)	1:185:A:LEU:HD12	1:187:A:GLY:H	19	0.64
(4,3179)	1:185:A:LEU:HD13	1:187:A:GLY:H	19	0.64
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB2	10	0.64
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB3	10	0.64
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB2	10	0.64
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB3	10	0.64
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HE1	10	0.64
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HE2	10	0.64
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HE1	10	0.64
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HE2	10	0.64
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HE1	10	0.64
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HE2	10	0.64
(4,3074)	1:173:A:GLU:H	1:178:A:PHE:HD1	7	0.64
(4,3074)	1:173:A:GLU:H	1:178:A:PHE:HD2	7	0.64
(4,3003)	1:222:A:ASP:H	1:223:A:VAL:HB	9	0.64
(4,2999)	1:184:A:ASN:HD21	1:189:A:LEU:H	7	0.64
(4,2999)	1:184:A:ASN:HD22	1:189:A:LEU:H	7	0.64
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD21	5	0.64
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD22	5	0.64
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD23	5	0.64
(4,2970)	1:28:A:LYS:HB2	1:107:A:GLU:H	19	0.64
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HB2	8	0.64
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HB3	8	0.64
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HB2	8	0.64
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HB3	8	0.64
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB1	19	0.64
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB2	19	0.64
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB3	19	0.64
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB1	19	0.64
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB2	19	0.64
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB3	19	0.64
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB1	19	0.64
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB2	19	0.64
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB3	19	0.64
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD1	16	0.64
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD2	16	0.64
(4,2802)	1:57:A:LEU:HD21	1:59:A:PHE:HD1	19	0.64
(4,2802)	1:57:A:LEU:HD21	1:59:A:PHE:HD2	19	0.64
(4,2802)	1:57:A:LEU:HD22	1:59:A:PHE:HD1	19	0.64
(4,2802)	1:57:A:LEU:HD22	1:59:A:PHE:HD2	19	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2802)	1:57:A:LEU:HD23	1:59:A:PHE:HD1	19	0.64
(4,2802)	1:57:A:LEU:HD23	1:59:A:PHE:HD2	19	0.64
(4,2692)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HB3	19	0.64
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD11	16	0.64
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD12	16	0.64
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD13	16	0.64
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:H	9	0.64
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:H	9	0.64
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:H	9	0.64
(4,2520)	1:73:A:ILE:HB	1:75:A:SER:H	3	0.64
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB1	12	0.64
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB2	12	0.64
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB3	12	0.64
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB1	12	0.64
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB2	12	0.64
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB3	12	0.64
(4,2368)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HB3	13	0.64
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD11	1:91:A:GLY:H	1	0.64
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD12	1:91:A:GLY:H	1	0.64
(4,2354)	1:11:A:ILE:HD13	1:91:A:GLY:H	1	0.64
(4,2317)	1:177:A:ILE:H	1:194:A:SER:H	1	0.64
(4,2317)	1:177:A:ILE:H	1:194:A:SER:H	3	0.64
(4,2227)	1:57:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:HG2	18	0.64
(4,2227)	1:57:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:HG3	18	0.64
(4,2227)	1:57:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:HG2	18	0.64
(4,2227)	1:57:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:HG3	18	0.64
(4,2227)	1:57:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:HG2	18	0.64
(4,2227)	1:57:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:HG3	18	0.64
(4,2209)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HD1	9	0.64
(4,2209)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HD2	9	0.64
(4,2175)	1:97:A:HIS:HA	1:100:A:SER:HG	15	0.64
(4,2155)	1:141:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	8	0.64
(4,2155)	1:141:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	8	0.64
(4,2155)	1:141:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	8	0.64
(4,2144)	1:81:A:TRP:HH2	1:84:A:GLN:H	7	0.64
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HB	18	0.64
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HB	18	0.64
(4,2132)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HB	18	0.64
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD11	19	0.64
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD12	19	0.64
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD13	19	0.64
(4,1973)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	16	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	2	0.64
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	2	0.64
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:HA	19	0.64
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:HA	19	0.64
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:HA	19	0.64
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:HA	19	0.64
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:HA	19	0.64
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:HA	19	0.64
(4,1879)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HB3	18	0.64
(4,1851)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:HG	4	0.64
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD2	8	0.64
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD3	8	0.64
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD2	8	0.64
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD3	8	0.64
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:H	11	0.64
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:H	11	0.64
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:H	11	0.64
(4,1832)	1:78:A:ASP:H	1:178:A:PHE:HE1	6	0.64
(4,1832)	1:78:A:ASP:H	1:178:A:PHE:HE2	6	0.64
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD11	19	0.64
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD12	19	0.64
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD13	19	0.64
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD21	19	0.64
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD22	19	0.64
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD23	19	0.64
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD11	19	0.64
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD12	19	0.64
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD13	19	0.64
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD21	19	0.64
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD22	19	0.64
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD23	19	0.64
(4,1794)	1:80:A:ILE:HG12	1:128:A:ARG:H	7	0.64
(4,1794)	1:80:A:ILE:HG13	1:128:A:ARG:H	7	0.64
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG21	1:93:A:TYR:H	15	0.64
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG22	1:93:A:TYR:H	15	0.64
(4,1765)	1:11:A:ILE:HG23	1:93:A:TYR:H	15	0.64
(4,1730)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HG2	9	0.64
(4,1730)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HG3	9	0.64
(4,1721)	1:214:A:TYR:H	1:215:A:MET:HG2	18	0.64
(4,1721)	1:214:A:TYR:H	1:215:A:MET:HG3	18	0.64
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE1	1:49:A:PRO:HG2	2	0.64
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE1	1:49:A:PRO:HG3	2	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE2	1:49:A:PRO:HG2	2	0.64
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE2	1:49:A:PRO:HG3	2	0.64
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD21	2	0.64
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD22	2	0.64
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD23	2	0.64
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD21	1:151:A:THR:H	20	0.64
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD22	1:151:A:THR:H	20	0.64
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:H	18	0.64
(4,1369)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:H	18	0.64
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE1	1:134:A:THR:HG21	13	0.64
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE1	1:134:A:THR:HG22	13	0.64
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE1	1:134:A:THR:HG23	13	0.64
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE2	1:134:A:THR:HG21	13	0.64
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE2	1:134:A:THR:HG22	13	0.64
(4,1356)	1:82:A:PHE:HE2	1:134:A:THR:HG23	13	0.64
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG21	14	0.64
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG22	14	0.64
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG23	14	0.64
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG21	14	0.64
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG22	14	0.64
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG23	14	0.64
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE2	10	0.64
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE3	10	0.64
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD2	19	0.64
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD3	19	0.64
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD2	19	0.64
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD3	19	0.64
(4,1297)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:H	1	0.64
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HD1	17	0.64
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HD2	17	0.64
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HD1	17	0.64
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HD2	17	0.64
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HD1	17	0.64
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HD2	17	0.64
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HD1	17	0.64
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HD2	17	0.64
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HD1	17	0.64
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HD2	17	0.64
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HD1	17	0.64
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HD2	17	0.64
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE21	9	0.64
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE22	9	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD21	1	0.64
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD22	1	0.64
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD23	1	0.64
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB1	3	0.64
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB2	3	0.64
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB3	3	0.64
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB1	3	0.64
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB2	3	0.64
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB3	3	0.64
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB1	3	0.64
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB2	3	0.64
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB3	3	0.64
(4,1041)	1:23:A:HIS:HD2	1:31:A:TRP:H	3	0.64
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB1	16	0.64
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB2	16	0.64
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB3	16	0.64
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB2	11	0.64
(4,979)	1:151:A:THR:HG21	1:153:A:GLN:HB3	11	0.64
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB2	11	0.64
(4,979)	1:151:A:THR:HG22	1:153:A:GLN:HB3	11	0.64
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB2	11	0.64
(4,979)	1:151:A:THR:HG23	1:153:A:GLN:HB3	11	0.64
(4,856)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HB2	13	0.64
(4,856)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HB3	13	0.64
(4,831)	1:203:A:GLU:HB2	1:204:A:GLN:HG2	3	0.64
(4,831)	1:203:A:GLU:HB2	1:204:A:GLN:HG3	3	0.64
(4,831)	1:203:A:GLU:HB3	1:204:A:GLN:HG2	3	0.64
(4,831)	1:203:A:GLU:HB3	1:204:A:GLN:HG3	3	0.64
(4,818)	1:31:A:TRP:HZ3	1:232:A:GLY:HA2	12	0.64
(4,818)	1:31:A:TRP:HZ3	1:232:A:GLY:HA3	12	0.64
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB1	19	0.64
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB2	19	0.64
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB3	19	0.64
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB1	19	0.64
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB2	19	0.64
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB3	19	0.64
(4,661)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:HE22	7	0.64
(4,661)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:HE22	7	0.64
(4,649)	1:88:A:ASN:HB2	1:146:A:VAL:H	11	0.64
(4,649)	1:88:A:ASN:HB3	1:146:A:VAL:H	11	0.64
(4,618)	1:78:A:ASP:HB2	1:173:A:GLU:HG2	5	0.64
(4,618)	1:78:A:ASP:HB2	1:173:A:GLU:HG3	5	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,618)	1:78:A:ASP:HB3	1:173:A:GLU:HG2	5	0.64
(4,618)	1:78:A:ASP:HB3	1:173:A:GLU:HG3	5	0.64
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD21	5	0.64
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD22	5	0.64
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB2	9	0.64
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB3	9	0.64
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD21	10	0.64
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD22	10	0.64
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD21	10	0.64
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD22	10	0.64
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB1	19	0.64
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB2	19	0.64
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB3	19	0.64
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB1	19	0.64
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB2	19	0.64
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB3	19	0.64
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB1	19	0.64
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB2	19	0.64
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB3	19	0.64
(4,391)	1:44:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	11	0.64
(4,391)	1:44:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	11	0.64
(4,391)	1:44:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	11	0.64
(4,360)	1:231:A:LEU:HD11	1:234:A:ASN:H	6	0.64
(4,360)	1:231:A:LEU:HD12	1:234:A:ASN:H	6	0.64
(4,360)	1:231:A:LEU:HD13	1:234:A:ASN:H	6	0.64
(4,360)	1:231:A:LEU:HD21	1:234:A:ASN:H	6	0.64
(4,360)	1:231:A:LEU:HD22	1:234:A:ASN:H	6	0.64
(4,360)	1:231:A:LEU:HD23	1:234:A:ASN:H	6	0.64
(4,345)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HB2	8	0.64
(4,345)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HB3	8	0.64
(4,277)	1:82:A:PHE:HE1	1:99:A:LEU:H	6	0.64
(4,277)	1:82:A:PHE:HE2	1:99:A:LEU:H	6	0.64
(4,251)	1:28:A:LYS:HB3	1:29:A:ASN:HD21	7	0.64
(4,228)	1:112:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:HA	14	0.64
(4,228)	1:112:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:HA	14	0.64
(4,228)	1:112:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:HA	14	0.64
(4,170)	1:61:A:ILE:HD11	1:166:A:HIS:H	15	0.64
(4,170)	1:61:A:ILE:HD12	1:166:A:HIS:H	15	0.64
(4,170)	1:61:A:ILE:HD13	1:166:A:HIS:H	15	0.64
(4,141)	1:170:A:TYR:HE1	1:211:A:VAL:H	8	0.64
(4,141)	1:170:A:TYR:HE2	1:211:A:VAL:H	8	0.64
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD1	18	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD2	18	0.64
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB2	16	0.64
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB3	16	0.64
(3,22)	1:171:A:VAL:H	1:178:A:PHE:O	4	0.64
(2,88)	1:104:A:SER:OG	1:106:A:LEU:H	15	0.64
(1,571)	1:5:A:ASN:ND2	1:70:A:SER:H	17	0.64
(1,199)	1:25:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	13	0.64
(1,159)	1:191:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	6	0.64
(1,158)	1:153:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	7	0.64
(5,583)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	14	0.63
(5,299)	1:156:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	15	0.63
(5,90)	1:140:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	20	0.63
(4,4274)	1:171:A:VAL:H	1:179:A:GLU:H	2	0.63
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD1	7	0.63
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD2	7	0.63
(4,4136)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG2	16	0.63
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD11	20	0.63
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD12	20	0.63
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD13	20	0.63
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD21	20	0.63
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD22	20	0.63
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD23	20	0.63
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	18	0.63
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	18	0.63
(4,4047)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:H	2	0.63
(4,4035)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HA	2	0.63
(4,4035)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HA	2	0.63
(4,3929)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:H	20	0.63
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB2	4	0.63
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB3	4	0.63
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB2	4	0.63
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB3	4	0.63
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB2	4	0.63
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB3	4	0.63
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB2	1:220:A:GLU:HG2	3	0.63
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB2	1:220:A:GLU:HG3	3	0.63
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB3	1:220:A:GLU:HG2	3	0.63
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB3	1:220:A:GLU:HG3	3	0.63
(4,3814)	1:79:A:VAL:H	1:178:A:PHE:HE1	10	0.63
(4,3814)	1:79:A:VAL:H	1:178:A:PHE:HE2	10	0.63
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG11	15	0.63
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG12	15	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG13	15	0.63
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG21	15	0.63
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG22	15	0.63
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG23	15	0.63
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG11	15	0.63
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG12	15	0.63
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG13	15	0.63
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG21	15	0.63
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG22	15	0.63
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG23	15	0.63
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG11	20	0.63
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG12	20	0.63
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG13	20	0.63
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG21	20	0.63
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG22	20	0.63
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG23	20	0.63
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG21	6	0.63
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG22	6	0.63
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG23	6	0.63
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG21	6	0.63
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG22	6	0.63
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG23	6	0.63
(4,3658)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HB2	14	0.63
(4,3658)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HB3	14	0.63
(4,3658)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HB2	14	0.63
(4,3658)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HB3	14	0.63
(4,3658)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HB2	14	0.63
(4,3658)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HB3	14	0.63
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	9	0.63
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	9	0.63
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	9	0.63
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	9	0.63
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	9	0.63
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	9	0.63
(4,3633)	1:90:A:CYS:H	1:94:A:ALA:H	15	0.63
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB2	18	0.63
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB3	18	0.63
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB2	18	0.63
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB3	18	0.63
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB2	18	0.63
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB3	18	0.63
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	15	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	15	0.63
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	15	0.63
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	15	0.63
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	15	0.63
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	15	0.63
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG21	18	0.63
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG22	18	0.63
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG23	18	0.63
(4,3433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:234:A:ASN:H	6	0.63
(4,3395)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA2	16	0.63
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG11	9	0.63
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG12	9	0.63
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG13	9	0.63
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG21	9	0.63
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG22	9	0.63
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG23	9	0.63
(4,3370)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE21	20	0.63
(4,3341)	1:146:A:VAL:H	1:150:A:SER:H	12	0.63
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	12	0.63
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	12	0.63
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:HA	20	0.63
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:HA	20	0.63
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:HA	20	0.63
(4,3201)	1:169:A:THR:H	1:179:A:GLU:HG2	8	0.63
(4,3201)	1:169:A:THR:H	1:179:A:GLU:HG3	8	0.63
(4,3190)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HB	19	0.63
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB2	2	0.63
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB3	2	0.63
(4,3154)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:H	1	0.63
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD11	7	0.63
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD12	7	0.63
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD13	7	0.63
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD21	7	0.63
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD22	7	0.63
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD23	7	0.63
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:H	11	0.63
(4,3104)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:H	11	0.63
(4,3055)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:H	13	0.63
(4,3003)	1:222:A:ASP:H	1:223:A:VAL:HB	11	0.63
(4,3003)	1:222:A:ASP:H	1:223:A:VAL:HB	20	0.63
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HD1	10	0.63
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HD2	10	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HD1	10	0.63
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HD2	10	0.63
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HD1	10	0.63
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HD2	10	0.63
(4,2916)	1:104:A:SER:HB2	1:105:A:LEU:HB3	2	0.63
(4,2916)	1:104:A:SER:HB3	1:105:A:LEU:HB3	2	0.63
(4,2826)	1:53:A:LYS:HB2	1:231:A:LEU:H	20	0.63
(4,2826)	1:53:A:LYS:HB3	1:231:A:LEU:H	20	0.63
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB1	12	0.63
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB2	12	0.63
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB3	12	0.63
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB1	20	0.63
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB2	20	0.63
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB3	20	0.63
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD1	18	0.63
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD2	18	0.63
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD1	18	0.63
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD2	18	0.63
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD1	18	0.63
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD2	18	0.63
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD21	20	0.63
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD22	20	0.63
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD23	20	0.63
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:H	11	0.63
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:H	11	0.63
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:H	11	0.63
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD11	1:99:A:LEU:HG	4	0.63
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD12	1:99:A:LEU:HG	4	0.63
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD13	1:99:A:LEU:HG	4	0.63
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD21	1:99:A:LEU:HG	4	0.63
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD22	1:99:A:LEU:HG	4	0.63
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD23	1:99:A:LEU:HG	4	0.63
(4,2732)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:H	15	0.63
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD11	18	0.63
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD12	18	0.63
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD13	18	0.63
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD21	18	0.63
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD22	18	0.63
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD23	18	0.63
(4,2654)	1:97:A:HIS:H	1:169:A:THR:HG1	15	0.63
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:HB2	11	0.63
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:HB2	11	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:HB2	11	0.63
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD21	1:102:A:ASN:HD21	6	0.63
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD21	1:102:A:ASN:HD22	6	0.63
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD22	1:102:A:ASN:HD21	6	0.63
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD22	1:102:A:ASN:HD22	6	0.63
(4,2455)	1:45:A:LEU:HB2	1:48:A:LEU:HB2	17	0.63
(4,2455)	1:45:A:LEU:HB2	1:48:A:LEU:HB3	17	0.63
(4,2455)	1:45:A:LEU:HB3	1:48:A:LEU:HB2	17	0.63
(4,2455)	1:45:A:LEU:HB3	1:48:A:LEU:HB3	17	0.63
(4,2448)	1:119:A:GLN:H	1:119:A:GLN:HE21	19	0.63
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD21	19	0.63
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD22	19	0.63
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD23	19	0.63
(4,2397)	1:210:A:ARG:HG2	1:212:A:ALA:H	2	0.63
(4,2397)	1:210:A:ARG:HG3	1:212:A:ALA:H	2	0.63
(4,2397)	1:210:A:ARG:HG2	1:212:A:ALA:H	5	0.63
(4,2397)	1:210:A:ARG:HG3	1:212:A:ALA:H	5	0.63
(4,2390)	1:56:A:VAL:HA	1:168:A:ILE:HG21	7	0.63
(4,2390)	1:56:A:VAL:HA	1:168:A:ILE:HG22	7	0.63
(4,2390)	1:56:A:VAL:HA	1:168:A:ILE:HG23	7	0.63
(4,2265)	1:77:A:TYR:H	1:188:A:PRO:HG2	19	0.63
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD11	16	0.63
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD12	16	0.63
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD13	16	0.63
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD21	16	0.63
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD22	16	0.63
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD23	16	0.63
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD21	11	0.63
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD22	11	0.63
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD23	11	0.63
(4,2130)	1:92:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG11	10	0.63
(4,2130)	1:92:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG12	10	0.63
(4,2130)	1:92:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG13	10	0.63
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:H	4	0.63
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:H	4	0.63
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD21	1:147:A:GLN:H	6	0.63
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD22	1:147:A:GLN:H	6	0.63
(4,2090)	1:55:A:ILE:HD11	1:202:A:ILE:CD1	1	0.63
(4,2090)	1:55:A:ILE:HD12	1:202:A:ILE:CD1	1	0.63
(4,2090)	1:55:A:ILE:HD13	1:202:A:ILE:CD1	1	0.63
(4,2086)	1:61:A:ILE:HB	1:164:A:ASN:HD21	5	0.63
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG21	1:58:A:LEU:HG	13	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG22	1:58:A:LEU:HG	13	0.63
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG23	1:58:A:LEU:HG	13	0.63
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB2	1:83:A:LYS:HG2	1	0.63
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB3	1:83:A:LYS:HG2	1	0.63
(4,1975)	1:44:A:LEU:HA	1:48:A:LEU:H	10	0.63
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:HA	11	0.63
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:HA	11	0.63
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:HA	11	0.63
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:HA	11	0.63
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:HA	11	0.63
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:HA	11	0.63
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:CD1	2	0.63
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:CD1	2	0.63
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:CD1	2	0.63
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:CD1	2	0.63
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:CD1	2	0.63
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:CD1	2	0.63
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:H	1	0.63
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:H	1	0.63
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:H	1	0.63
(4,1850)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	5	0.63
(4,1809)	1:81:A:TRP:HZ2	1:184:A:ASN:H	6	0.63
(4,1733)	1:39:A:LEU:HG	1:41:A:GLU:H	20	0.63
(4,1539)	1:25:A:LEU:HB2	1:99:A:LEU:HB2	8	0.63
(4,1539)	1:25:A:LEU:HB2	1:99:A:LEU:HB3	8	0.63
(4,1539)	1:25:A:LEU:HB3	1:99:A:LEU:HB2	8	0.63
(4,1539)	1:25:A:LEU:HB3	1:99:A:LEU:HB3	8	0.63
(4,1506)	1:103:A:GLN:HE21	1:104:A:SER:H	12	0.63
(4,1506)	1:103:A:GLN:HE22	1:104:A:SER:H	12	0.63
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG21	8	0.63
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG22	8	0.63
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG23	8	0.63
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG21	8	0.63
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG22	8	0.63
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG23	8	0.63
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:H	1	0.63
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:H	1	0.63
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:H	1	0.63
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG11	8	0.63
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG12	8	0.63
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG13	8	0.63
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG21	8	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG22	8	0.63
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG23	8	0.63
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD21	11	0.63
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD22	11	0.63
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD23	11	0.63
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG21	10	0.63
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG22	10	0.63
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG23	10	0.63
(4,1189)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:GLU:H	10	0.63
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG21	3	0.63
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG22	3	0.63
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG23	3	0.63
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG21	6	0.63
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG22	6	0.63
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG23	6	0.63
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB2	17	0.63
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB3	17	0.63
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB2	17	0.63
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB3	17	0.63
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB2	17	0.63
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB3	17	0.63
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD11	1:93:A:TYR:HD1	1	0.63
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD11	1:93:A:TYR:HD2	1	0.63
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD12	1:93:A:TYR:HD1	1	0.63
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD12	1:93:A:TYR:HD2	1	0.63
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD13	1:93:A:TYR:HD1	1	0.63
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD13	1:93:A:TYR:HD2	1	0.63
(4,1004)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:H	9	0.63
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG21	9	0.63
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG22	9	0.63
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG23	9	0.63
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG21	18	0.63
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG22	18	0.63
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG23	18	0.63
(4,843)	1:29:A:ASN:HD21	1:31:A:TRP:H	20	0.63
(4,835)	1:92:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:H	2	0.63
(4,835)	1:92:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:H	2	0.63
(4,835)	1:92:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:H	2	0.63
(4,835)	1:92:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:H	11	0.63
(4,835)	1:92:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:H	11	0.63
(4,835)	1:92:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:H	11	0.63
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD11	12	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD12	12	0.63
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD13	12	0.63
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD11	12	0.63
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD12	12	0.63
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD13	12	0.63
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG11	1	0.63
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG12	1	0.63
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG13	1	0.63
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB1	19	0.63
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB2	19	0.63
(4,726)	1:9:A:VAL:H	1:156:A:ALA:HB3	19	0.63
(4,638)	1:73:A:ILE:HG21	1:186:A:SER:H	5	0.63
(4,638)	1:73:A:ILE:HG22	1:186:A:SER:H	5	0.63
(4,638)	1:73:A:ILE:HG23	1:186:A:SER:H	5	0.63
(4,635)	1:211:A:VAL:HG11	1:215:A:MET:H	7	0.63
(4,635)	1:211:A:VAL:HG12	1:215:A:MET:H	7	0.63
(4,635)	1:211:A:VAL:HG13	1:215:A:MET:H	7	0.63
(4,632)	1:82:A:PHE:HD1	1:100:A:SER:H	7	0.63
(4,632)	1:82:A:PHE:HD2	1:100:A:SER:H	7	0.63
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD11	11	0.63
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD12	11	0.63
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD13	11	0.63
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD21	11	0.63
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD22	11	0.63
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD23	11	0.63
(4,576)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HG	9	0.63
(4,576)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HG	9	0.63
(4,576)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HG	9	0.63
(4,482)	1:87:A:LYS:HG2	1:90:A:CYS:H	11	0.63
(4,482)	1:87:A:LYS:HG3	1:90:A:CYS:H	11	0.63
(4,391)	1:44:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	6	0.63
(4,391)	1:44:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	6	0.63
(4,391)	1:44:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	6	0.63
(4,389)	1:157:A:PRO:HG2	1:158:A:GLU:HA	10	0.63
(4,389)	1:157:A:PRO:HG3	1:158:A:GLU:HA	10	0.63
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD11	17	0.63
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD12	17	0.63
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD13	17	0.63
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD21	17	0.63
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD22	17	0.63
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD23	17	0.63
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG11	15	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG12	15	0.63
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG13	15	0.63
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG21	15	0.63
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG22	15	0.63
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG23	15	0.63
(4,270)	1:33:A:TYR:HD1	1:232:A:GLY:H	18	0.63
(4,270)	1:33:A:TYR:HD2	1:232:A:GLY:H	18	0.63
(4,174)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	7	0.63
(4,137)	1:111:A:ASP:HB2	1:137:A:PHE:HD1	12	0.63
(4,137)	1:111:A:ASP:HB2	1:137:A:PHE:HD2	12	0.63
(4,137)	1:111:A:ASP:HB3	1:137:A:PHE:HD1	12	0.63
(4,137)	1:111:A:ASP:HB3	1:137:A:PHE:HD2	12	0.63
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD11	7	0.63
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD12	7	0.63
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD13	7	0.63
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD21	7	0.63
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD22	7	0.63
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD23	7	0.63
(4,2)	1:59:A:PHE:C	1:166:A:HIS:N	13	0.63
(4,1)	1:30:A:GLU:C	1:234:A:ASN:N	12	0.63
(3,24)	1:54:A:ALA:H	1:231:A:LEU:O	19	0.63
(3,18)	1:32:A:ALA:O	1:232:A:GLY:H	15	0.63
(2,446)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	12	0.63
(1,397)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	12	0.63
(1,395)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	18	0.63
(1,162)	1:98:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	7	0.63
(5,644)	1:5:A:ASN:ND2	1:180:A:LEU:H	8	0.62
(5,563)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	10	0.62
(5,422)	1:5:A:ASN:ND2	1:55:A:ILE:H	9	0.62
(5,354)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	1	0.62
(5,296)	1:5:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	15	0.62
(5,290)	1:39:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	10	0.62
(5,107)	1:140:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	7	0.62
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD21	1:89:A:ALA:H	16	0.62
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD22	1:89:A:ALA:H	16	0.62
(4,4246)	1:62:A:ASN:H	1:65:A:ARG:H	19	0.62
(4,4243)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG11	11	0.62
(4,4243)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG12	11	0.62
(4,4243)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG13	11	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD11	4	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD12	4	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD13	4	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD21	4	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD22	4	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD23	4	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD11	4	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD12	4	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD13	4	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD21	4	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD22	4	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD23	4	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD11	16	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD12	16	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD13	16	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD21	16	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD22	16	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD23	16	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD11	16	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD12	16	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD13	16	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD21	16	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD22	16	0.62
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD23	16	0.62
(4,4140)	1:110:A:SER:H	1:110:A:SER:HG	16	0.62
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD11	13	0.62
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD12	13	0.62
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD13	13	0.62
(4,4054)	1:23:A:HIS:HD2	1:24:A:LYS:H	5	0.62
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB2	1:5:A:ASN:HD21	4	0.62
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB3	1:5:A:ASN:HD21	4	0.62
(4,3810)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD21	2	0.62
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD11	10	0.62
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD12	10	0.62
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD13	10	0.62
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG11	18	0.62
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG12	18	0.62
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG13	18	0.62
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB2	1:232:A:GLY:H	4	0.62
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB3	1:232:A:GLY:H	4	0.62
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD11	20	0.62
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD12	20	0.62
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD13	20	0.62
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD11	20	0.62
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD12	20	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD13	20	0.62
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD11	20	0.62
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD12	20	0.62
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD13	20	0.62
(4,3673)	1:98:A:SER:H	1:99:A:LEU:HB3	11	0.62
(4,3590)	1:40:A:THR:H	1:41:A:GLU:HB3	10	0.62
(4,3576)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:HD21	12	0.62
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG11	10	0.62
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG12	10	0.62
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG13	10	0.62
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE1	16	0.62
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE2	16	0.62
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD1	1:152:A:GLY:H	12	0.62
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD2	1:152:A:GLY:H	12	0.62
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE21	20	0.62
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE22	20	0.62
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE21	20	0.62
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE22	20	0.62
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE21	20	0.62
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE22	20	0.62
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE21	20	0.62
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE22	20	0.62
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE21	20	0.62
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE22	20	0.62
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE21	20	0.62
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE22	20	0.62
(4,3466)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HE21	3	0.62
(4,3466)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HE22	3	0.62
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG21	7	0.62
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG22	7	0.62
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG23	7	0.62
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG21	7	0.62
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG22	7	0.62
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG23	7	0.62
(4,3437)	1:81:A:TRP:HZ2	1:187:A:GLY:H	8	0.62
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD11	14	0.62
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD12	14	0.62
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD13	14	0.62
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD11	14	0.62
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD12	14	0.62
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD13	14	0.62
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD11	1:51:A:PRO:HB3	15	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD12	1:51:A:PRO:HB3	15	0.62
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD13	1:51:A:PRO:HB3	15	0.62
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD21	1:51:A:PRO:HB3	15	0.62
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD22	1:51:A:PRO:HB3	15	0.62
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD23	1:51:A:PRO:HB3	15	0.62
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD21	15	0.62
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD22	15	0.62
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD23	15	0.62
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD21	15	0.62
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD22	15	0.62
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD23	15	0.62
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD21	15	0.62
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD22	15	0.62
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD23	15	0.62
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB2	1:236:A:GLU:H	15	0.62
(4,3248)	1:234:A:ASN:HB3	1:236:A:GLU:H	15	0.62
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD11	3	0.62
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD12	3	0.62
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD13	3	0.62
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD21	3	0.62
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD22	3	0.62
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD23	3	0.62
(4,3217)	1:204:A:GLN:HE21	1:207:A:VAL:H	8	0.62
(4,3217)	1:204:A:GLN:HE22	1:207:A:VAL:H	8	0.62
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB1	20	0.62
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB2	20	0.62
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB3	20	0.62
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB2	6	0.62
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB3	6	0.62
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD1	7	0.62
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD2	7	0.62
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD1	7	0.62
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD2	7	0.62
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD1	7	0.62
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD2	7	0.62
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:H	19	0.62
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:H	19	0.62
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:H	19	0.62
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD11	1:110:A:SER:H	18	0.62
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD12	1:110:A:SER:H	18	0.62
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD13	1:110:A:SER:H	18	0.62
(4,3074)	1:173:A:GLU:H	1:178:A:PHE:HD1	8	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3074)	1:173:A:GLU:H	1:178:A:PHE:HD2	8	0.62
(4,3064)	1:48:A:LEU:CD2	1:52:A:VAL:HG21	6	0.62
(4,3064)	1:48:A:LEU:CD2	1:52:A:VAL:HG22	6	0.62
(4,3064)	1:48:A:LEU:CD2	1:52:A:VAL:HG23	6	0.62
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD11	20	0.62
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD12	20	0.62
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD13	20	0.62
(4,3052)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD21	18	0.62
(4,3052)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD22	18	0.62
(4,3052)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD23	18	0.62
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD11	1:115:A:PHE:HA	15	0.62
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD12	1:115:A:PHE:HA	15	0.62
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD13	1:115:A:PHE:HA	15	0.62
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD21	1:115:A:PHE:HA	15	0.62
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD22	1:115:A:PHE:HA	15	0.62
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD23	1:115:A:PHE:HA	15	0.62
(4,3039)	1:77:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD21	4	0.62
(4,2998)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HA	9	0.62
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD21	11	0.62
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD22	11	0.62
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD23	11	0.62
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD21	11	0.62
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD22	11	0.62
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD23	11	0.62
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD21	11	0.62
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD22	11	0.62
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD23	11	0.62
(4,2978)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:HA	16	0.62
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD21	1:144:A:GLU:H	8	0.62
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD22	1:144:A:GLU:H	8	0.62
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD23	1:144:A:GLU:H	8	0.62
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB2	1:168:A:ILE:H	11	0.62
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB3	1:168:A:ILE:H	11	0.62
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD21	4	0.62
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	4	0.62
(4,2878)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:H	2	0.62
(4,2878)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:H	2	0.62
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:H	13	0.62
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:H	13	0.62
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:H	13	0.62
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:H	13	0.62
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:H	13	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2848)	1:8:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:H	13	0.62
(4,2841)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:H	1	0.62
(4,2837)	1:84:A:GLN:H	1:182:A:GLY:H	2	0.62
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:H	14	0.62
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:H	14	0.62
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:H	14	0.62
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD22	8	0.62
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD22	8	0.62
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD22	8	0.62
(4,2704)	1:146:A:VAL:HB	1:148:A:THR:H	19	0.62
(4,2696)	1:31:A:TRP:H	1:31:A:TRP:HE1	14	0.62
(4,2613)	1:20:A:ASN:H	1:21:A:PHE:HD1	8	0.62
(4,2613)	1:20:A:ASN:H	1:21:A:PHE:HD2	8	0.62
(4,2590)	1:64:A:ASP:HA	1:66:A:LYS:H	9	0.62
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:H	4	0.62
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:H	4	0.62
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:H	12	0.62
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:H	12	0.62
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:H	12	0.62
(4,2514)	1:58:A:LEU:HD21	1:227:A:ALA:H	20	0.62
(4,2514)	1:58:A:LEU:HD22	1:227:A:ALA:H	20	0.62
(4,2514)	1:58:A:LEU:HD23	1:227:A:ALA:H	20	0.62
(4,2461)	1:3:A:GLY:H	1:7:A:ALA:H	15	0.62
(4,2372)	1:146:A:VAL:HA	1:148:A:THR:HA	16	0.62
(4,2372)	1:146:A:VAL:HA	1:148:A:THR:HA	17	0.62
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB1	13	0.62
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB2	13	0.62
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB2	1:227:A:ALA:HB3	13	0.62
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB1	13	0.62
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB2	13	0.62
(4,2353)	1:12:A:GLU:HB3	1:227:A:ALA:HB3	13	0.62
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:H	9	0.62
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:H	9	0.62
(4,2351)	1:92:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:H	9	0.62
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE21	20	0.62
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE22	20	0.62
(4,2343)	1:73:A:ILE:H	1:186:A:SER:H	15	0.62
(4,2324)	1:65:A:ARG:H	1:67:A:SER:H	4	0.62
(4,2280)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:H	6	0.62
(4,2280)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:H	15	0.62
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	9	0.62
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	9	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	9	0.62
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	9	0.62
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	9	0.62
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	9	0.62
(4,2086)	1:61:A:ILE:HB	1:164:A:ASN:HD21	20	0.62
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	19	0.62
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	19	0.62
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	19	0.62
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB2	1:83:A:LYS:HG2	7	0.62
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB3	1:83:A:LYS:HG2	7	0.62
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB2	1:83:A:LYS:HG2	9	0.62
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB3	1:83:A:LYS:HG2	9	0.62
(4,1955)	1:72:A:GLN:HB2	1:74:A:THR:H	16	0.62
(4,1946)	1:69:A:THR:HG21	1:71:A:GLN:H	19	0.62
(4,1946)	1:69:A:THR:HG22	1:71:A:GLN:H	19	0.62
(4,1946)	1:69:A:THR:HG23	1:71:A:GLN:H	19	0.62
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD11	3	0.62
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD12	3	0.62
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD13	3	0.62
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:H	3	0.62
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:H	3	0.62
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:H	3	0.62
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG21	1:215:A:MET:H	11	0.62
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG22	1:215:A:MET:H	11	0.62
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG23	1:215:A:MET:H	11	0.62
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD11	7	0.62
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD12	7	0.62
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD13	7	0.62
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	6	0.62
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	6	0.62
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	6	0.62
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	8	0.62
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	8	0.62
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	8	0.62
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	8	0.62
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	8	0.62
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	8	0.62
(4,1687)	1:177:A:ILE:HB	1:192:A:GLY:H	16	0.62
(4,1577)	1:55:A:ILE:H	1:172:A:GLU:H	12	0.62
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD11	16	0.62
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD12	16	0.62
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD13	16	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1551)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD11	13	0.62
(4,1551)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD12	13	0.62
(4,1551)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD13	13	0.62
(4,1544)	1:172:A:GLU:HB2	1:177:A:ILE:H	19	0.62
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HA	17	0.62
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HA	17	0.62
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HA	17	0.62
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB1	8	0.62
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB2	8	0.62
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB3	8	0.62
(4,1479)	1:18:A:PHE:HB2	1:229:A:LEU:HD11	11	0.62
(4,1479)	1:18:A:PHE:HB2	1:229:A:LEU:HD12	11	0.62
(4,1479)	1:18:A:PHE:HB2	1:229:A:LEU:HD13	11	0.62
(4,1479)	1:18:A:PHE:HB2	1:229:A:LEU:HD21	11	0.62
(4,1479)	1:18:A:PHE:HB2	1:229:A:LEU:HD22	11	0.62
(4,1479)	1:18:A:PHE:HB2	1:229:A:LEU:HD23	11	0.62
(4,1479)	1:18:A:PHE:HB3	1:229:A:LEU:HD11	11	0.62
(4,1479)	1:18:A:PHE:HB3	1:229:A:LEU:HD12	11	0.62
(4,1479)	1:18:A:PHE:HB3	1:229:A:LEU:HD13	11	0.62
(4,1479)	1:18:A:PHE:HB3	1:229:A:LEU:HD21	11	0.62
(4,1479)	1:18:A:PHE:HB3	1:229:A:LEU:HD22	11	0.62
(4,1479)	1:18:A:PHE:HB3	1:229:A:LEU:HD23	11	0.62
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD11	4	0.62
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD12	4	0.62
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD13	4	0.62
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD11	17	0.62
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD12	17	0.62
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD13	17	0.62
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD11	4	0.62
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD12	4	0.62
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD13	4	0.62
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD11	1	0.62
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD12	1	0.62
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD13	1	0.62
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	3	0.62
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	3	0.62
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	3	0.62
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	3	0.62
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	3	0.62
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	3	0.62
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD2	2	0.62
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD3	2	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD2	2	0.62
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD3	2	0.62
(4,1275)	1:64:A:ASP:HA	1:217:A:ASN:HB2	20	0.62
(4,1275)	1:64:A:ASP:HA	1:217:A:ASN:HB3	20	0.62
(4,1242)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:H	5	0.62
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE1	1:180:A:LEU:H	16	0.62
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE2	1:180:A:LEU:H	16	0.62
(4,1214)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG21	3	0.62
(4,1214)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG22	3	0.62
(4,1214)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG23	3	0.62
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG21	16	0.62
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG22	16	0.62
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG23	16	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD11	2	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD12	2	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD13	2	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD21	2	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD22	2	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD23	2	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD11	2	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD12	2	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD13	2	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD21	2	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD22	2	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD23	2	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD11	2	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD12	2	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD13	2	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD21	2	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD22	2	0.62
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD23	2	0.62
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB1	16	0.62
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB2	16	0.62
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB3	16	0.62
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB1	16	0.62
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB2	16	0.62
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB3	16	0.62
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB1	16	0.62
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB2	16	0.62
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB3	16	0.62
(4,1052)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:H	19	0.62
(4,1004)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:H	4	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,995)	1:34:A:PHE:HB2	1:36:A:ILE:H	15	0.62
(4,995)	1:34:A:PHE:HB3	1:36:A:ILE:H	15	0.62
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG2	2	0.62
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG3	2	0.62
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG2	2	0.62
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG3	2	0.62
(4,896)	1:82:A:PHE:HE1	1:127:A:ASN:H	15	0.62
(4,896)	1:82:A:PHE:HE2	1:127:A:ASN:H	15	0.62
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD21	18	0.62
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD22	18	0.62
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD23	18	0.62
(4,765)	1:79:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:CD2	10	0.62
(4,765)	1:79:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:CD2	10	0.62
(4,765)	1:79:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:CD2	10	0.62
(4,730)	1:119:A:GLN:H	1:119:A:GLN:HE22	11	0.62
(4,730)	1:119:A:GLN:H	1:119:A:GLN:HE22	16	0.62
(4,687)	1:25:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG21	6	0.62
(4,687)	1:25:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG22	6	0.62
(4,687)	1:25:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG23	6	0.62
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD11	5	0.62
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD12	5	0.62
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD13	5	0.62
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD21	5	0.62
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD22	5	0.62
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD23	5	0.62
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD11	14	0.62
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD12	14	0.62
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD13	14	0.62
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD21	14	0.62
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD22	14	0.62
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD23	14	0.62
(4,580)	1:106:A:LEU:HB2	1:113:A:ASP:H	7	0.62
(4,580)	1:106:A:LEU:HB3	1:113:A:ASP:H	7	0.62
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD21	1	0.62
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD22	1	0.62
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD23	1	0.62
(4,554)	1:221:A:GLU:HA	1:224:A:LEU:HA	17	0.62
(4,422)	1:43:A:GLU:HG2	1:45:A:LEU:H	6	0.62
(4,422)	1:43:A:GLU:HG3	1:45:A:LEU:H	6	0.62
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB2	8	0.62
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB3	8	0.62
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG21	5	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG22	5	0.62
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG23	5	0.62
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG21	5	0.62
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG22	5	0.62
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG23	5	0.62
(4,303)	1:59:A:PHE:HD1	1:62:A:ASN:H	12	0.62
(4,303)	1:59:A:PHE:HD2	1:62:A:ASN:H	12	0.62
(4,203)	1:110:A:SER:HG	1:114:A:ASN:H	4	0.62
(4,161)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:H	5	0.62
(4,132)	1:10:A:PRO:HD2	1:157:A:PRO:HD2	5	0.62
(4,132)	1:10:A:PRO:HD3	1:157:A:PRO:HD2	5	0.62
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD11	14	0.62
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD12	14	0.62
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD13	14	0.62
(4,79)	1:52:A:VAL:HG21	1:232:A:GLY:H	20	0.62
(4,79)	1:52:A:VAL:HG22	1:232:A:GLY:H	20	0.62
(4,79)	1:52:A:VAL:HG23	1:232:A:GLY:H	20	0.62
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD1	4	0.62
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD2	4	0.62
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG21	1	0.62
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG22	1	0.62
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG23	1	0.62
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD11	4	0.62
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD12	4	0.62
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD13	4	0.62
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD21	4	0.62
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD22	4	0.62
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD23	4	0.62
(4,49)	1:106:A:LEU:HD11	1:109:A:GLY:H	6	0.62
(4,49)	1:106:A:LEU:HD12	1:109:A:GLY:H	6	0.62
(4,49)	1:106:A:LEU:HD13	1:109:A:GLY:H	6	0.62
(4,49)	1:106:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:H	6	0.62
(4,49)	1:106:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:H	6	0.62
(4,49)	1:106:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:H	6	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG11	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG12	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG13	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG21	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG22	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG23	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG11	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG12	7	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG13	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG21	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG22	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG23	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG11	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG12	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG13	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG21	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG22	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG23	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG11	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG12	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG13	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG21	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG22	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG23	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG11	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG12	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG13	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG21	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG22	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG23	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG11	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG12	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG13	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG21	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG22	7	0.62
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG23	7	0.62
(4,8)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA3	18	0.62
(4,8)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA3	18	0.62
(4,6)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HA	14	0.62
(4,2)	1:59:A:PHE:C	1:166:A:HIS:N	6	0.62
(1,289)	1:5:A:ASN:ND2	1:205:A:GLU:H	13	0.62
(1,169)	1:9:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	11	0.62
(1,83)	1:36:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	5	0.62
(5,696)	1:5:A:ASN:ND2	1:201:A:LEU:H	5	0.61
(5,633)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	10	0.61
(5,34)	1:104:A:SER:OG	1:126:A:LYS:H	6	0.61
(5,8)	1:104:A:SER:OG	1:212:A:ALA:H	16	0.61
(4,4304)	1:86:A:VAL:H	1:89:A:ALA:HB1	19	0.61
(4,4304)	1:86:A:VAL:H	1:89:A:ALA:HB2	19	0.61
(4,4304)	1:86:A:VAL:H	1:89:A:ALA:HB3	19	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG21	1:183:A:ARG:H	9	0.61
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG22	1:183:A:ARG:H	9	0.61
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG23	1:183:A:ARG:H	9	0.61
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG2	17	0.61
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG3	17	0.61
(4,4246)	1:62:A:ASN:H	1:65:A:ARG:H	9	0.61
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG11	1:230:A:GLY:H	4	0.61
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG12	1:230:A:GLY:H	4	0.61
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG13	1:230:A:GLY:H	4	0.61
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:H	11	0.61
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:H	11	0.61
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:H	11	0.61
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	11	0.61
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	11	0.61
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	11	0.61
(4,4194)	1:112:A:LEU:HA	1:137:A:PHE:HD1	9	0.61
(4,4194)	1:112:A:LEU:HA	1:137:A:PHE:HD2	9	0.61
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD21	19	0.61
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD22	19	0.61
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD23	19	0.61
(4,4157)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:H	10	0.61
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE21	13	0.61
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE22	13	0.61
(4,4054)	1:23:A:HIS:HD2	1:24:A:LYS:H	9	0.61
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB2	11	0.61
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB3	11	0.61
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB2	11	0.61
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB3	11	0.61
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB2	11	0.61
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB3	11	0.61
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB2	11	0.61
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB3	11	0.61
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB2	11	0.61
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB3	11	0.61
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB2	11	0.61
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB3	11	0.61
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG11	1	0.61
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG12	1	0.61
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG13	1	0.61
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG21	1	0.61
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG22	1	0.61
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG23	1	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE1	4	0.61
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE2	4	0.61
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD11	2	0.61
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD12	2	0.61
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD13	2	0.61
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD21	13	0.61
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD22	13	0.61
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD23	13	0.61
(4,3860)	1:38:A:SER:H	1:202:A:ILE:HG21	9	0.61
(4,3860)	1:38:A:SER:H	1:202:A:ILE:HG22	9	0.61
(4,3860)	1:38:A:SER:H	1:202:A:ILE:HG23	9	0.61
(4,3779)	1:31:A:TRP:HE1	1:233:A:PRO:HA	19	0.61
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG21	6	0.61
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG22	6	0.61
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG23	6	0.61
(4,3680)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	3	0.61
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB1	3	0.61
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB2	3	0.61
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB3	3	0.61
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG11	3	0.61
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG12	3	0.61
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG13	3	0.61
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD11	3	0.61
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD12	3	0.61
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD13	3	0.61
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD21	3	0.61
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD22	3	0.61
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD23	3	0.61
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD11	3	0.61
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD12	3	0.61
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD13	3	0.61
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD21	3	0.61
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD22	3	0.61
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD23	3	0.61
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD11	11	0.61
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD12	11	0.61
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD13	11	0.61
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD21	11	0.61
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD22	11	0.61
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD23	11	0.61
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD11	5	0.61
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD12	5	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD13	5	0.61
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD21	5	0.61
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD22	5	0.61
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD23	5	0.61
(4,3398)	1:35:A:ASP:HB2	1:37:A:TYR:HE1	15	0.61
(4,3398)	1:35:A:ASP:HB2	1:37:A:TYR:HE2	15	0.61
(4,3373)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:H	20	0.61
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD1	1:179:A:GLU:H	5	0.61
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD2	1:179:A:GLU:H	5	0.61
(4,3364)	1:65:A:ARG:HA	1:67:A:SER:HB2	5	0.61
(4,3364)	1:65:A:ARG:HA	1:67:A:SER:HB3	5	0.61
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD11	7	0.61
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD12	7	0.61
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD13	7	0.61
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD11	19	0.61
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD12	19	0.61
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD13	19	0.61
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD21	19	0.61
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD22	19	0.61
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD23	19	0.61
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD11	19	0.61
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD12	19	0.61
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD13	19	0.61
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD21	19	0.61
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD22	19	0.61
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD23	19	0.61
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD11	15	0.61
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD12	15	0.61
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD13	15	0.61
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD11	15	0.61
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD12	15	0.61
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD13	15	0.61
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG21	1:179:A:GLU:H	10	0.61
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG22	1:179:A:GLU:H	10	0.61
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG23	1:179:A:GLU:H	10	0.61
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD1	8	0.61
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD2	8	0.61
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HE1	11	0.61
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HE2	11	0.61
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HE1	11	0.61
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HE2	11	0.61
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HE1	11	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HE2	11	0.61
(4,2998)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HA	17	0.61
(4,2980)	1:202:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:H	5	0.61
(4,2980)	1:202:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:H	5	0.61
(4,2980)	1:202:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:H	5	0.61
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HD1	2	0.61
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HD2	2	0.61
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HD1	2	0.61
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HD2	2	0.61
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HD1	2	0.61
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HD2	2	0.61
(4,2928)	1:138:A:VAL:HA	1:141:A:VAL:HB	4	0.61
(4,2836)	1:98:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	15	0.61
(4,2796)	1:41:A:GLU:HB3	1:43:A:GLU:HA	18	0.61
(4,2745)	1:81:A:TRP:H	1:128:A:ARG:H	19	0.61
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD11	1:144:A:GLU:H	5	0.61
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD12	1:144:A:GLU:H	5	0.61
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD13	1:144:A:GLU:H	5	0.61
(4,2603)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HD1	2	0.61
(4,2603)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HD2	2	0.61
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD1	19	0.61
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD2	19	0.61
(4,2573)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD11	2	0.61
(4,2573)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD12	2	0.61
(4,2573)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD13	2	0.61
(4,2543)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:HB	10	0.61
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD11	1:200:A:ASP:H	9	0.61
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD12	1:200:A:ASP:H	9	0.61
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD13	1:200:A:ASP:H	9	0.61
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD21	1:200:A:ASP:H	9	0.61
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD22	1:200:A:ASP:H	9	0.61
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD23	1:200:A:ASP:H	9	0.61
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD11	12	0.61
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD12	12	0.61
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD13	12	0.61
(4,2372)	1:146:A:VAL:HA	1:148:A:THR:HA	18	0.61
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD11	1:41:A:GLU:H	16	0.61
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD12	1:41:A:GLU:H	16	0.61
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD13	1:41:A:GLU:H	16	0.61
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:HB2	13	0.61
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:HB2	13	0.61
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:HB2	13	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB2	13	0.61
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB2	13	0.61
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB2	13	0.61
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG21	18	0.61
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG22	18	0.61
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG23	18	0.61
(4,2301)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:H	5	0.61
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB2	7	0.61
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB3	7	0.61
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD21	18	0.61
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD22	18	0.61
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD23	18	0.61
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HD1	20	0.61
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG3	1:235:A:TRP:HD1	20	0.61
(4,2137)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:H	9	0.61
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD21	1:147:A:GLN:H	18	0.61
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD22	1:147:A:GLN:H	18	0.61
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	1	0.61
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	1	0.61
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	1	0.61
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	11	0.61
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	11	0.61
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	11	0.61
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HB2	17	0.61
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HB3	17	0.61
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HB2	17	0.61
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HB3	17	0.61
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HB2	17	0.61
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HB3	17	0.61
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB2	9	0.61
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB3	9	0.61
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB2	9	0.61
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB3	9	0.61
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	10	0.61
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	10	0.61
(4,1907)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:H	3	0.61
(4,1907)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:H	3	0.61
(4,1881)	1:42:A:PRO:HB2	1:46:A:ALA:HA	7	0.61
(4,1881)	1:42:A:PRO:HB2	1:46:A:ALA:HA	12	0.61
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE1	1:210:A:ARG:HB2	14	0.61
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE1	1:210:A:ARG:HB3	14	0.61
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE2	1:210:A:ARG:HB2	14	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1870)	1:170:A:TYR:HE2	1:210:A:ARG:HB3	14	0.61
(4,1835)	1:56:A:VAL:HB	1:228:A:MET:HA	14	0.61
(4,1733)	1:39:A:LEU:HG	1:41:A:GLU:H	3	0.61
(4,1733)	1:39:A:LEU:HG	1:41:A:GLU:H	10	0.61
(4,1687)	1:177:A:ILE:HB	1:192:A:GLY:H	1	0.61
(4,1666)	1:55:A:ILE:HD11	1:202:A:ILE:HB	14	0.61
(4,1666)	1:55:A:ILE:HD12	1:202:A:ILE:HB	14	0.61
(4,1666)	1:55:A:ILE:HD13	1:202:A:ILE:HB	14	0.61
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB2	13	0.61
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB3	13	0.61
(4,1645)	1:109:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	13	0.61
(4,1603)	1:97:A:HIS:HD1	1:182:A:GLY:H	17	0.61
(4,1577)	1:55:A:ILE:H	1:172:A:GLU:H	17	0.61
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD1	7	0.61
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD2	7	0.61
(4,1488)	1:10:A:PRO:HA	1:11:A:ILE:HB	9	0.61
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG21	1:153:A:GLN:HE21	11	0.61
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG22	1:153:A:GLN:HE21	11	0.61
(4,1465)	1:11:A:ILE:HG23	1:153:A:GLN:HE21	11	0.61
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD11	20	0.61
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD12	20	0.61
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD13	20	0.61
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD11	1:21:A:PHE:H	20	0.61
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD12	1:21:A:PHE:H	20	0.61
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD13	1:21:A:PHE:H	20	0.61
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HD1	5	0.61
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HD2	5	0.61
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HD1	5	0.61
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HD2	5	0.61
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HD1	5	0.61
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HD2	5	0.61
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HD1	5	0.61
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HD2	5	0.61
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HD1	5	0.61
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HD2	5	0.61
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HD1	5	0.61
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HD2	5	0.61
(4,1244)	1:172:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:H	4	0.61
(4,1244)	1:172:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:H	4	0.61
(4,1220)	1:149:A:PHE:HB3	1:151:A:THR:H	5	0.61
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG21	17	0.61
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG22	17	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG23	17	0.61
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG11	1:12:A:GLU:H	17	0.61
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG12	1:12:A:GLU:H	17	0.61
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG13	1:12:A:GLU:H	17	0.61
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:GLU:H	17	0.61
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:GLU:H	17	0.61
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:GLU:H	17	0.61
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG21	14	0.61
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG22	14	0.61
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG23	14	0.61
(4,1112)	1:81:A:TRP:HZ2	1:181:A:ASP:H	2	0.61
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD11	1:93:A:TYR:HD1	8	0.61
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD11	1:93:A:TYR:HD2	8	0.61
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD12	1:93:A:TYR:HD1	8	0.61
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD12	1:93:A:TYR:HD2	8	0.61
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD13	1:93:A:TYR:HD1	8	0.61
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD13	1:93:A:TYR:HD2	8	0.61
(4,983)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:H	14	0.61
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD11	18	0.61
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD12	18	0.61
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD13	18	0.61
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD21	18	0.61
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD22	18	0.61
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD23	18	0.61
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD1	4	0.61
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD2	4	0.61
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD1	8	0.61
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD2	8	0.61
(4,870)	1:34:A:PHE:H	1:232:A:GLY:H	9	0.61
(4,853)	1:76:A:SER:HA	1:79:A:VAL:H	18	0.61
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD11	7	0.61
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD12	7	0.61
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD13	7	0.61
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD11	7	0.61
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD12	7	0.61
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD13	7	0.61
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD11	7	0.61
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD12	7	0.61
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD13	7	0.61
(4,839)	1:216:A:GLU:HB2	1:217:A:ASN:HD21	13	0.61
(4,839)	1:216:A:GLU:HB3	1:217:A:ASN:HD21	13	0.61
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB1	5	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB2	5	0.61
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB3	5	0.61
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB1	5	0.61
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB2	5	0.61
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB3	5	0.61
(4,790)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:H	1	0.61
(4,759)	1:177:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:H	18	0.61
(4,759)	1:177:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:H	18	0.61
(4,759)	1:177:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:H	18	0.61
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE21	10	0.61
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE22	10	0.61
(4,687)	1:25:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG21	17	0.61
(4,687)	1:25:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG22	17	0.61
(4,687)	1:25:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG23	17	0.61
(4,608)	1:77:A:TYR:H	1:77:A:TYR:HE1	10	0.61
(4,608)	1:77:A:TYR:H	1:77:A:TYR:HE2	10	0.61
(4,580)	1:106:A:LEU:HB2	1:113:A:ASP:H	20	0.61
(4,580)	1:106:A:LEU:HB3	1:113:A:ASP:H	20	0.61
(4,520)	1:137:A:PHE:HB3	1:139:A:LEU:H	16	0.61
(4,494)	1:33:A:TYR:HA	1:231:A:LEU:HD11	14	0.61
(4,494)	1:33:A:TYR:HA	1:231:A:LEU:HD12	14	0.61
(4,494)	1:33:A:TYR:HA	1:231:A:LEU:HD13	14	0.61
(4,494)	1:33:A:TYR:HA	1:231:A:LEU:HD21	14	0.61
(4,494)	1:33:A:TYR:HA	1:231:A:LEU:HD22	14	0.61
(4,494)	1:33:A:TYR:HA	1:231:A:LEU:HD23	14	0.61
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD11	6	0.61
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD12	6	0.61
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD13	6	0.61
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE1	1	0.61
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE2	1	0.61
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE1	16	0.61
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE2	16	0.61
(4,269)	1:144:A:GLU:HB2	1:147:A:GLN:HE21	20	0.61
(4,269)	1:144:A:GLU:HB2	1:147:A:GLN:HE22	20	0.61
(4,269)	1:144:A:GLU:HB3	1:147:A:GLN:HE21	20	0.61
(4,269)	1:144:A:GLU:HB3	1:147:A:GLN:HE22	20	0.61
(4,169)	1:145:A:ASN:H	1:150:A:SER:H	12	0.61
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD11	4	0.61
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD12	4	0.61
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD13	4	0.61
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG11	8	0.61
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG12	8	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG13	8	0.61
(4,66)	1:198:A:ALA:H	1:200:A:ASP:H	19	0.61
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG21	13	0.61
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG22	13	0.61
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG23	13	0.61
(4,2)	1:59:A:PHE:C	1:166:A:HIS:N	9	0.61
(4,2)	1:59:A:PHE:C	1:166:A:HIS:N	20	0.61
(3,18)	1:32:A:ALA:O	1:232:A:GLY:H	8	0.61
(2,437)	1:221:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	17	0.61
(1,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	9	0.61
(1,191)	1:68:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	13	0.61
(1,128)	1:215:A:MET:H	1:225:A:ASN:ND2	20	0.61
(1,111)	1:82:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	18	0.61
(5,633)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	11	0.6
(5,611)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	3	0.6
(5,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	16	0.6
(5,399)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	4	0.6
(5,328)	1:148:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	14	0.6
(5,276)	1:150:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	9	0.6
(5,86)	1:12:A:GLU:H	1:140:A:ASN:ND2	16	0.6
(5,8)	1:104:A:SER:OG	1:212:A:ALA:H	7	0.6
(4,4311)	1:177:A:ILE:H	1:195:A:ASP:H	9	0.6
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:H	13	0.6
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:H	13	0.6
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:H	13	0.6
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG21	9	0.6
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG22	9	0.6
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG23	9	0.6
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG21	9	0.6
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG22	9	0.6
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG23	9	0.6
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB2	5	0.6
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB3	5	0.6
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB2	5	0.6
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB3	5	0.6
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB2	5	0.6
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB3	5	0.6
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD21	11	0.6
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD22	11	0.6
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD23	11	0.6
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:H	6	0.6
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:H	6	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:H	6	0.6
(4,4244)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG11	6	0.6
(4,4244)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG12	6	0.6
(4,4244)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG13	6	0.6
(4,4216)	1:93:A:TYR:H	1:96:A:LEU:HD11	9	0.6
(4,4216)	1:93:A:TYR:H	1:96:A:LEU:HD12	9	0.6
(4,4216)	1:93:A:TYR:H	1:96:A:LEU:HD13	9	0.6
(4,4216)	1:93:A:TYR:H	1:96:A:LEU:HD21	9	0.6
(4,4216)	1:93:A:TYR:H	1:96:A:LEU:HD22	9	0.6
(4,4216)	1:93:A:TYR:H	1:96:A:LEU:HD23	9	0.6
(4,4214)	1:55:A:ILE:H	1:56:A:VAL:HB	15	0.6
(4,4209)	1:101:A:ASN:H	1:102:A:ASN:HD21	2	0.6
(4,4209)	1:101:A:ASN:H	1:102:A:ASN:HD22	2	0.6
(4,4157)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:H	13	0.6
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD11	8	0.6
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD12	8	0.6
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD13	8	0.6
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD21	8	0.6
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD22	8	0.6
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD23	8	0.6
(4,4070)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:H	16	0.6
(4,4063)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:HB2	6	0.6
(4,4063)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:HB3	6	0.6
(4,4054)	1:23:A:HIS:HD2	1:24:A:LYS:H	13	0.6
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	8	0.6
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	8	0.6
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	8	0.6
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	8	0.6
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	8	0.6
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	8	0.6
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD11	1	0.6
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD12	1	0.6
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD13	1	0.6
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD11	13	0.6
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD12	13	0.6
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD13	13	0.6
(4,3979)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:HA	18	0.6
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB2	1:5:A:ASN:HD21	10	0.6
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB3	1:5:A:ASN:HD21	10	0.6
(4,3843)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD1	20	0.6
(4,3843)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD2	20	0.6
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD22	18	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD22	18	0.6
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD22	18	0.6
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD22	18	0.6
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD22	18	0.6
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD22	18	0.6
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:H	12	0.6
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:H	12	0.6
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:H	12	0.6
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE1	1:230:A:GLY:H	8	0.6
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE2	1:230:A:GLY:H	8	0.6
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE1	1:230:A:GLY:H	6	0.6
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE2	1:230:A:GLY:H	6	0.6
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG11	11	0.6
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG12	11	0.6
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG13	11	0.6
(4,3717)	1:169:A:THR:HG1	1:180:A:LEU:H	10	0.6
(4,3673)	1:98:A:SER:H	1:99:A:LEU:HB3	18	0.6
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:HA	2	0.6
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:HA	2	0.6
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:HA	2	0.6
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:HA	2	0.6
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:HA	2	0.6
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:HA	2	0.6
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG2	2	0.6
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG3	2	0.6
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG2	2	0.6
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG3	2	0.6
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG2	2	0.6
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG3	2	0.6
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:H	15	0.6
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:H	15	0.6
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:H	15	0.6
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG2	1:125:A:SER:H	10	0.6
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG3	1:125:A:SER:H	10	0.6
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HB2	4	0.6
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HB3	4	0.6
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HB2	4	0.6
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HB3	4	0.6
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG21	20	0.6
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG22	20	0.6
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG23	20	0.6
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG21	20	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG22	20	0.6
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG23	20	0.6
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD11	2	0.6
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD12	2	0.6
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD13	2	0.6
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD21	2	0.6
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD22	2	0.6
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD23	2	0.6
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD11	2	0.6
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD12	2	0.6
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD13	2	0.6
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD21	2	0.6
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD22	2	0.6
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD23	2	0.6
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB2	1:123:A:SER:H	4	0.6
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB3	1:123:A:SER:H	4	0.6
(4,3220)	1:31:A:TRP:HE3	1:53:A:LYS:H	10	0.6
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB1	5	0.6
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB2	5	0.6
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB3	5	0.6
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD2	11	0.6
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD3	11	0.6
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD2	11	0.6
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD3	11	0.6
(4,3133)	1:18:A:PHE:H	1:18:A:PHE:HE1	12	0.6
(4,3133)	1:18:A:PHE:H	1:18:A:PHE:HE2	12	0.6
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HE1	13	0.6
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD11	1:82:A:PHE:HE2	13	0.6
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HE1	13	0.6
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD12	1:82:A:PHE:HE2	13	0.6
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HE1	13	0.6
(4,3107)	1:80:A:ILE:HD13	1:82:A:PHE:HE2	13	0.6
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD11	20	0.6
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD12	20	0.6
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD13	20	0.6
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD21	20	0.6
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD22	20	0.6
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD23	20	0.6
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD11	1:115:A:PHE:HA	12	0.6
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD12	1:115:A:PHE:HA	12	0.6
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD13	1:115:A:PHE:HA	12	0.6
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD21	1:115:A:PHE:HA	12	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD22	1:115:A:PHE:HA	12	0.6
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD23	1:115:A:PHE:HA	12	0.6
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HE1	4	0.6
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HE1	4	0.6
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HE1	4	0.6
(4,3010)	1:81:A:TRP:H	1:127:A:ASN:HD22	17	0.6
(4,2958)	1:52:A:VAL:H	1:54:A:ALA:H	9	0.6
(4,2858)	1:79:A:VAL:HB	1:127:A:ASN:HD21	11	0.6
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD1	4	0.6
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD2	4	0.6
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD1	4	0.6
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD2	4	0.6
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD1	4	0.6
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD2	4	0.6
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD21	1	0.6
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD22	1	0.6
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:H	19	0.6
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:H	19	0.6
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:H	19	0.6
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD11	1:145:A:ASN:H	3	0.6
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD12	1:145:A:ASN:H	3	0.6
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD13	1:145:A:ASN:H	3	0.6
(4,2691)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG11	11	0.6
(4,2691)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG12	11	0.6
(4,2691)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG13	11	0.6
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD11	7	0.6
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD12	7	0.6
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD13	7	0.6
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD21	7	0.6
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD22	7	0.6
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD23	7	0.6
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD11	7	0.6
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD12	7	0.6
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD13	7	0.6
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD21	7	0.6
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD22	7	0.6
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD23	7	0.6
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD11	7	0.6
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD12	7	0.6
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD13	7	0.6
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD21	7	0.6
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD22	7	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD23	7	0.6
(4,2673)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	12	0.6
(4,2673)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	12	0.6
(4,2673)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	12	0.6
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD1	1:95:A:ILE:H	19	0.6
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD2	1:95:A:ILE:H	19	0.6
(4,2559)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD21	17	0.6
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG2	1:110:A:SER:H	20	0.6
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG3	1:110:A:SER:H	20	0.6
(4,2508)	1:52:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD11	4	0.6
(4,2508)	1:52:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD12	4	0.6
(4,2508)	1:52:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD13	4	0.6
(4,2508)	1:52:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD21	4	0.6
(4,2508)	1:52:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD22	4	0.6
(4,2508)	1:52:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD23	4	0.6
(4,2508)	1:52:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD11	4	0.6
(4,2508)	1:52:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD12	4	0.6
(4,2508)	1:52:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD13	4	0.6
(4,2508)	1:52:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD21	4	0.6
(4,2508)	1:52:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD22	4	0.6
(4,2508)	1:52:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD23	4	0.6
(4,2508)	1:52:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD11	4	0.6
(4,2508)	1:52:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD12	4	0.6
(4,2508)	1:52:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD13	4	0.6
(4,2508)	1:52:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD21	4	0.6
(4,2508)	1:52:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD22	4	0.6
(4,2508)	1:52:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD23	4	0.6
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB2	6	0.6
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB3	6	0.6
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD1	10	0.6
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD2	10	0.6
(4,2428)	1:136:A:GLN:HA	1:139:A:LEU:HD21	10	0.6
(4,2428)	1:136:A:GLN:HA	1:139:A:LEU:HD22	10	0.6
(4,2428)	1:136:A:GLN:HA	1:139:A:LEU:HD23	10	0.6
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:HB2	8	0.6
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:HB2	8	0.6
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:HB2	8	0.6
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:HB2	8	0.6
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:HB2	8	0.6
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:HB2	8	0.6
(4,2372)	1:146:A:VAL:HA	1:148:A:THR:HA	15	0.6
(4,2365)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG1	18	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB2	1:168:A:ILE:H	18	0.6
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB3	1:168:A:ILE:H	18	0.6
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE21	13	0.6
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE22	13	0.6
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD21	6	0.6
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD22	6	0.6
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD23	6	0.6
(4,2209)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HD1	16	0.6
(4,2209)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HD2	16	0.6
(4,2200)	1:59:A:PHE:HD1	1:215:A:MET:HA	14	0.6
(4,2200)	1:59:A:PHE:HD2	1:215:A:MET:HA	14	0.6
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD1	17	0.6
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD2	17	0.6
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:HA	5	0.6
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:HA	5	0.6
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:HA	5	0.6
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:HA	5	0.6
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:HA	5	0.6
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:HA	5	0.6
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB1	14	0.6
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB2	14	0.6
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB3	14	0.6
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB1	14	0.6
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB2	14	0.6
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB3	14	0.6
(4,1975)	1:44:A:LEU:HA	1:48:A:LEU:H	13	0.6
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:HA	13	0.6
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:HA	13	0.6
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:HA	13	0.6
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:HA	13	0.6
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:HA	13	0.6
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:HA	13	0.6
(4,1882)	1:98:A:SER:HG	1:100:A:SER:H	3	0.6
(4,1881)	1:42:A:PRO:HB2	1:46:A:ALA:HA	4	0.6
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	8	0.6
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	8	0.6
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	8	0.6
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	8	0.6
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	8	0.6
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	8	0.6
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD11	1:115:A:PHE:H	15	0.6
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD12	1:115:A:PHE:H	15	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD13	1:115:A:PHE:H	15	0.6
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD21	1:115:A:PHE:H	15	0.6
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD22	1:115:A:PHE:H	15	0.6
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD23	1:115:A:PHE:H	15	0.6
(4,1742)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD11	16	0.6
(4,1742)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD12	16	0.6
(4,1742)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD13	16	0.6
(4,1723)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE1	18	0.6
(4,1721)	1:214:A:TYR:H	1:215:A:MET:HG2	9	0.6
(4,1721)	1:214:A:TYR:H	1:215:A:MET:HG3	9	0.6
(4,1721)	1:214:A:TYR:H	1:215:A:MET:HG2	11	0.6
(4,1721)	1:214:A:TYR:H	1:215:A:MET:HG3	11	0.6
(4,1603)	1:97:A:HIS:HD1	1:182:A:GLY:H	3	0.6
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG11	10	0.6
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG12	10	0.6
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG13	10	0.6
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG21	10	0.6
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG22	10	0.6
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG23	10	0.6
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG11	10	0.6
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG12	10	0.6
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG13	10	0.6
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG21	10	0.6
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG22	10	0.6
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG23	10	0.6
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HZ3	7	0.6
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HZ3	7	0.6
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HZ3	7	0.6
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HZ3	7	0.6
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HZ3	7	0.6
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HZ3	7	0.6
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG21	6	0.6
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG22	6	0.6
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG23	6	0.6
(4,1510)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HG2	4	0.6
(4,1510)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HG3	4	0.6
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	6	0.6
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	6	0.6
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	6	0.6
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	6	0.6
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	6	0.6
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	6	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD11	12	0.6
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD12	12	0.6
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD13	12	0.6
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG21	1:58:A:LEU:H	4	0.6
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG22	1:58:A:LEU:H	4	0.6
(4,1379)	1:56:A:VAL:HG23	1:58:A:LEU:H	4	0.6
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD21	1:96:A:LEU:H	17	0.6
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD22	1:96:A:LEU:H	17	0.6
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD23	1:96:A:LEU:H	17	0.6
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD1	11	0.6
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD2	11	0.6
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG11	2	0.6
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG12	2	0.6
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG13	2	0.6
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG21	2	0.6
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG22	2	0.6
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG23	2	0.6
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:H	9	0.6
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:H	9	0.6
(4,1232)	1:8:A:VAL:HB	1:159:A:ALA:HA	15	0.6
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG21	19	0.6
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG22	19	0.6
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG23	19	0.6
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG21	5	0.6
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG22	5	0.6
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG23	5	0.6
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG21	5	0.6
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG22	5	0.6
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG23	5	0.6
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG21	5	0.6
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG22	5	0.6
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG23	5	0.6
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HD1	18	0.6
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HD2	18	0.6
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HD1	18	0.6
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HD2	18	0.6
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HD1	18	0.6
(4,1182)	1:55:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HD2	18	0.6
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HB	10	0.6
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HB	10	0.6
(4,1177)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HB	10	0.6
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:HD21	16	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:HD22	16	0.6
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:HD21	16	0.6
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:HD22	16	0.6
(4,1134)	1:151:A:THR:H	1:152:A:GLY:H	14	0.6
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG11	1:22:A:ALA:H	13	0.6
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG12	1:22:A:ALA:H	13	0.6
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG13	1:22:A:ALA:H	13	0.6
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG21	1:22:A:ALA:H	13	0.6
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG22	1:22:A:ALA:H	13	0.6
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG23	1:22:A:ALA:H	13	0.6
(4,983)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:H	7	0.6
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB2	3	0.6
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB3	3	0.6
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB2	10	0.6
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB3	10	0.6
(4,823)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:H	5	0.6
(4,823)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:H	5	0.6
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD11	3	0.6
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD12	3	0.6
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD13	3	0.6
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD21	3	0.6
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD22	3	0.6
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD23	3	0.6
(4,717)	1:31:A:TRP:HE3	1:32:A:ALA:H	4	0.6
(4,623)	1:235:A:TRP:HE3	1:236:A:GLU:H	4	0.6
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD21	6	0.6
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD22	6	0.6
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD23	6	0.6
(4,494)	1:33:A:TYR:HA	1:231:A:LEU:HD11	17	0.6
(4,494)	1:33:A:TYR:HA	1:231:A:LEU:HD12	17	0.6
(4,494)	1:33:A:TYR:HA	1:231:A:LEU:HD13	17	0.6
(4,494)	1:33:A:TYR:HA	1:231:A:LEU:HD21	17	0.6
(4,494)	1:33:A:TYR:HA	1:231:A:LEU:HD22	17	0.6
(4,494)	1:33:A:TYR:HA	1:231:A:LEU:HD23	17	0.6
(4,459)	1:45:A:LEU:HD21	1:202:A:ILE:HA	20	0.6
(4,459)	1:45:A:LEU:HD22	1:202:A:ILE:HA	20	0.6
(4,459)	1:45:A:LEU:HD23	1:202:A:ILE:HA	20	0.6
(4,422)	1:43:A:GLU:HG2	1:45:A:LEU:H	13	0.6
(4,422)	1:43:A:GLU:HG3	1:45:A:LEU:H	13	0.6
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD1	14	0.6
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD2	14	0.6
(4,416)	1:204:A:GLN:HG2	1:205:A:GLU:HA	8	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,416)	1:204:A:GLN:HG3	1:205:A:GLU:HA	8	0.6
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD11	18	0.6
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD12	18	0.6
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD13	18	0.6
(4,256)	1:33:A:TYR:HE1	1:34:A:PHE:H	4	0.6
(4,256)	1:33:A:TYR:HE2	1:34:A:PHE:H	4	0.6
(4,211)	1:83:A:LYS:HD2	1:86:A:VAL:H	5	0.6
(4,211)	1:83:A:LYS:HD3	1:86:A:VAL:H	5	0.6
(4,141)	1:170:A:TYR:HE1	1:211:A:VAL:H	4	0.6
(4,141)	1:170:A:TYR:HE2	1:211:A:VAL:H	4	0.6
(4,141)	1:170:A:TYR:HE1	1:211:A:VAL:H	10	0.6
(4,141)	1:170:A:TYR:HE2	1:211:A:VAL:H	10	0.6
(4,120)	1:118:A:SER:HB2	1:119:A:GLN:HE21	6	0.6
(4,120)	1:118:A:SER:HB3	1:119:A:GLN:HE21	6	0.6
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG11	14	0.6
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG12	14	0.6
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG13	14	0.6
(4,84)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:H	9	0.6
(4,2)	1:59:A:PHE:C	1:166:A:HIS:N	16	0.6
(3,24)	1:54:A:ALA:H	1:231:A:LEU:O	13	0.6
(2,396)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	16	0.6
(1,597)	1:5:A:ASN:ND2	1:68:A:SER:H	5	0.6
(1,541)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	19	0.6
(1,489)	1:5:A:ASN:ND2	1:64:A:ASP:H	15	0.6
(1,451)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	19	0.6
(1,205)	1:62:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	6	0.6
(1,190)	1:102:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	6	0.6
(1,166)	1:210:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	2	0.6
(1,99)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	2	0.6
(1,85)	1:206:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	18	0.6
(5,745)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	19	0.59
(5,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	4	0.59
(5,418)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	16	0.59
(5,332)	1:177:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	2	0.59
(5,131)	1:140:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	5	0.59
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD21	1:89:A:ALA:H	4	0.59
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD22	1:89:A:ALA:H	4	0.59
(4,4214)	1:55:A:ILE:H	1:56:A:VAL:HB	13	0.59
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	15	0.59
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	15	0.59
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	15	0.59
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:H	12	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:H	12	0.59
(4,4070)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:H	18	0.59
(4,4069)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:H	2	0.59
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE21	15	0.59
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE22	15	0.59
(4,4047)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:H	14	0.59
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD1	4	0.59
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD2	4	0.59
(4,4012)	1:136:A:GLN:HE21	1:137:A:PHE:H	2	0.59
(4,4012)	1:136:A:GLN:HE22	1:137:A:PHE:H	2	0.59
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD11	1:119:A:GLN:H	8	0.59
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD12	1:119:A:GLN:H	8	0.59
(4,4004)	1:116:A:LEU:HD13	1:119:A:GLN:H	8	0.59
(4,3979)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:HA	19	0.59
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	19	0.59
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	19	0.59
(4,3839)	1:97:A:HIS:HD1	1:169:A:THR:HG1	15	0.59
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB2	1:220:A:GLU:HG2	10	0.59
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB2	1:220:A:GLU:HG3	10	0.59
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB3	1:220:A:GLU:HG2	10	0.59
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB3	1:220:A:GLU:HG3	10	0.59
(4,3804)	1:40:A:THR:H	1:45:A:LEU:HD11	3	0.59
(4,3804)	1:40:A:THR:H	1:45:A:LEU:HD12	3	0.59
(4,3804)	1:40:A:THR:H	1:45:A:LEU:HD13	3	0.59
(4,3804)	1:40:A:THR:H	1:45:A:LEU:HD21	3	0.59
(4,3804)	1:40:A:THR:H	1:45:A:LEU:HD22	3	0.59
(4,3804)	1:40:A:THR:H	1:45:A:LEU:HD23	3	0.59
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:H	1	0.59
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:H	1	0.59
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:H	1	0.59
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:H	16	0.59
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:H	16	0.59
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:H	16	0.59
(4,3762)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:H	11	0.59
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE1	1:230:A:GLY:H	3	0.59
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE2	1:230:A:GLY:H	3	0.59
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB2	1:232:A:GLY:H	8	0.59
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB3	1:232:A:GLY:H	8	0.59
(4,3674)	1:94:A:ALA:HA	1:97:A:HIS:HD1	9	0.59
(4,3651)	1:51:A:PRO:HB3	1:201:A:LEU:H	20	0.59
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG21	1:146:A:VAL:H	8	0.59
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG22	1:146:A:VAL:H	8	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG23	1:146:A:VAL:H	8	0.59
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG2	18	0.59
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG3	18	0.59
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG2	18	0.59
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG3	18	0.59
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG2	18	0.59
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG3	18	0.59
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB1	4	0.59
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB2	4	0.59
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB3	4	0.59
(4,3506)	1:61:A:ILE:CD1	1:168:A:ILE:HD11	8	0.59
(4,3506)	1:61:A:ILE:CD1	1:168:A:ILE:HD12	8	0.59
(4,3506)	1:61:A:ILE:CD1	1:168:A:ILE:HD13	8	0.59
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG21	20	0.59
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG22	20	0.59
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG23	20	0.59
(4,3453)	1:62:A:ASN:HB2	1:63:A:GLU:HA	3	0.59
(4,3427)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HB3	1	0.59
(4,3400)	1:234:A:ASN:HD22	1:236:A:GLU:H	3	0.59
(4,3396)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HG	9	0.59
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG21	11	0.59
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG22	11	0.59
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG23	11	0.59
(4,3300)	1:163:A:THR:HG21	1:166:A:HIS:HA	14	0.59
(4,3300)	1:163:A:THR:HG22	1:166:A:HIS:HA	14	0.59
(4,3300)	1:163:A:THR:HG23	1:166:A:HIS:HA	14	0.59
(4,3262)	1:190:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:H	8	0.59
(4,3262)	1:190:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:H	8	0.59
(4,3260)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HE22	7	0.59
(4,3260)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HE22	7	0.59
(4,3260)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HE22	7	0.59
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HD1	11	0.59
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HD2	11	0.59
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HD1	11	0.59
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HD2	11	0.59
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HD1	11	0.59
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HD2	11	0.59
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD2	2	0.59
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD3	2	0.59
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD2	2	0.59
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD3	2	0.59
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG21	1:210:A:ARG:HG2	17	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG21	1:210:A:ARG:HG3	17	0.59
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG22	1:210:A:ARG:HG2	17	0.59
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG22	1:210:A:ARG:HG3	17	0.59
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG23	1:210:A:ARG:HG2	17	0.59
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG23	1:210:A:ARG:HG3	17	0.59
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD11	1:119:A:GLN:HE21	1	0.59
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD12	1:119:A:GLN:HE21	1	0.59
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD13	1:119:A:GLN:HE21	1	0.59
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:HE21	1	0.59
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:HE21	1	0.59
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:HE21	1	0.59
(4,3075)	1:74:A:THR:H	1:77:A:TYR:H	1	0.59
(4,3062)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HB3	9	0.59
(4,3051)	1:163:A:THR:HA	1:165:A:LEU:HB3	3	0.59
(4,3010)	1:81:A:TRP:H	1:127:A:ASN:HD22	16	0.59
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD11	11	0.59
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD12	11	0.59
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD13	11	0.59
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD21	11	0.59
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD22	11	0.59
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD23	11	0.59
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD11	11	0.59
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD12	11	0.59
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD13	11	0.59
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD21	11	0.59
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD22	11	0.59
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD23	11	0.59
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD11	11	0.59
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD12	11	0.59
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD13	11	0.59
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD21	11	0.59
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD22	11	0.59
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD23	11	0.59
(4,2979)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:HB2	2	0.59
(4,2979)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:HB3	2	0.59
(4,2967)	1:209:A:VAL:HA	1:213:A:SER:HB2	4	0.59
(4,2967)	1:209:A:VAL:HA	1:213:A:SER:HB3	4	0.59
(4,2938)	1:27:A:LEU:HA	1:105:A:LEU:HB2	10	0.59
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB2	6	0.59
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB3	6	0.59
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:H	18	0.59
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:H	18	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HD11	6	0.59
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HD12	6	0.59
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HD13	6	0.59
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HD11	6	0.59
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HD12	6	0.59
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HD13	6	0.59
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HD11	6	0.59
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HD12	6	0.59
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HD13	6	0.59
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD11	7	0.59
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD12	7	0.59
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD13	7	0.59
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD21	7	0.59
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD22	7	0.59
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD23	7	0.59
(4,2781)	1:65:A:ARG:HD2	1:66:A:LYS:H	10	0.59
(4,2781)	1:65:A:ARG:HD3	1:66:A:LYS:H	10	0.59
(4,2781)	1:65:A:ARG:HD2	1:66:A:LYS:H	12	0.59
(4,2781)	1:65:A:ARG:HD3	1:66:A:LYS:H	12	0.59
(4,2771)	1:201:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	17	0.59
(4,2771)	1:201:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	17	0.59
(4,2771)	1:201:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	17	0.59
(4,2764)	1:119:A:GLN:HE22	1:134:A:THR:H	4	0.59
(4,2745)	1:81:A:TRP:H	1:128:A:ARG:H	6	0.59
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD11	1:145:A:ASN:H	14	0.59
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD12	1:145:A:ASN:H	14	0.59
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD13	1:145:A:ASN:H	14	0.59
(4,2664)	1:167:A:TYR:H	1:168:A:ILE:HD11	20	0.59
(4,2664)	1:167:A:TYR:H	1:168:A:ILE:HD12	20	0.59
(4,2664)	1:167:A:TYR:H	1:168:A:ILE:HD13	20	0.59
(4,2658)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HB2	20	0.59
(4,2658)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HB3	20	0.59
(4,2644)	1:18:A:PHE:HD1	1:229:A:LEU:HD11	7	0.59
(4,2644)	1:18:A:PHE:HD1	1:229:A:LEU:HD12	7	0.59
(4,2644)	1:18:A:PHE:HD1	1:229:A:LEU:HD13	7	0.59
(4,2644)	1:18:A:PHE:HD2	1:229:A:LEU:HD11	7	0.59
(4,2644)	1:18:A:PHE:HD2	1:229:A:LEU:HD12	7	0.59
(4,2644)	1:18:A:PHE:HD2	1:229:A:LEU:HD13	7	0.59
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD1	14	0.59
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD2	14	0.59
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB1	1:215:A:MET:HB2	14	0.59
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB2	1:215:A:MET:HB2	14	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB3	1:215:A:MET:HB2	14	0.59
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD1	1:95:A:ILE:H	14	0.59
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD2	1:95:A:ILE:H	14	0.59
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD11	8	0.59
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD12	8	0.59
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD13	8	0.59
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD21	8	0.59
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD22	8	0.59
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD23	8	0.59
(4,2548)	1:94:A:ALA:HB1	1:169:A:THR:HG1	19	0.59
(4,2548)	1:94:A:ALA:HB2	1:169:A:THR:HG1	19	0.59
(4,2548)	1:94:A:ALA:HB3	1:169:A:THR:HG1	19	0.59
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG2	1:110:A:SER:H	5	0.59
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG3	1:110:A:SER:H	5	0.59
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG2	1:110:A:SER:H	17	0.59
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG3	1:110:A:SER:H	17	0.59
(4,2528)	1:36:A:ILE:CD1	1:52:A:VAL:HG21	20	0.59
(4,2528)	1:36:A:ILE:CD1	1:52:A:VAL:HG22	20	0.59
(4,2528)	1:36:A:ILE:CD1	1:52:A:VAL:HG23	20	0.59
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HB	17	0.59
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HB	17	0.59
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HB	17	0.59
(4,2461)	1:3:A:GLY:H	1:7:A:ALA:H	13	0.59
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD21	20	0.59
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD22	20	0.59
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD23	20	0.59
(4,2385)	1:148:A:THR:H	1:150:A:SER:H	6	0.59
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD21	1:226:A:PHE:H	3	0.59
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD22	1:226:A:PHE:H	3	0.59
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB1	19	0.59
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB2	19	0.59
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB3	19	0.59
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB1	19	0.59
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB2	19	0.59
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB3	19	0.59
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB1	19	0.59
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB2	19	0.59
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB3	19	0.59
(4,2314)	1:107:A:GLU:H	1:110:A:SER:HG	13	0.59
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG11	1:189:A:LEU:H	16	0.59
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG12	1:189:A:LEU:H	16	0.59
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG13	1:189:A:LEU:H	16	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2270)	1:66:A:LYS:H	1:67:A:SER:HB2	4	0.59
(4,2270)	1:66:A:LYS:H	1:67:A:SER:HB3	4	0.59
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	2	0.59
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	2	0.59
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	2	0.59
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	2	0.59
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	2	0.59
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	2	0.59
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:H	19	0.59
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:H	19	0.59
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:H	19	0.59
(4,2162)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	13	0.59
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD21	1:147:A:GLN:H	16	0.59
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD22	1:147:A:GLN:H	16	0.59
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB2	20	0.59
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB3	20	0.59
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB2	20	0.59
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB3	20	0.59
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB2	20	0.59
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB3	20	0.59
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD21	3	0.59
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD22	3	0.59
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD21	3	0.59
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD22	3	0.59
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD21	3	0.59
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD22	3	0.59
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD21	3	0.59
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD22	3	0.59
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD21	3	0.59
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD22	3	0.59
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD21	3	0.59
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD22	3	0.59
(4,1973)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	11	0.59
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:HA	12	0.59
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:HA	12	0.59
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:HA	12	0.59
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:HA	12	0.59
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:HA	12	0.59
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:HA	12	0.59
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD2	1:84:A:GLN:HB2	18	0.59
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD2	1:84:A:GLN:HB3	18	0.59
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD3	1:84:A:GLN:HB2	18	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD3	1:84:A:GLN:HB3	18	0.59
(4,1767)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HB2	9	0.59
(4,1767)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HB3	9	0.59
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG21	1:55:A:ILE:HA	11	0.59
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG22	1:55:A:ILE:HA	11	0.59
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG23	1:55:A:ILE:HA	11	0.59
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG11	7	0.59
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG12	7	0.59
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG13	7	0.59
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG21	7	0.59
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG22	7	0.59
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG23	7	0.59
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG11	7	0.59
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG12	7	0.59
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG13	7	0.59
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG21	7	0.59
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG22	7	0.59
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG23	7	0.59
(4,1712)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HB2	12	0.59
(4,1712)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HB2	12	0.59
(4,1712)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HB2	12	0.59
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD11	1	0.59
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD12	1	0.59
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD13	1	0.59
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD11	1	0.59
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD12	1	0.59
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD13	1	0.59
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD11	1	0.59
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD12	1	0.59
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD13	1	0.59
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:H	10	0.59
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:H	10	0.59
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:H	10	0.59
(4,1653)	1:17:A:VAL:H	1:152:A:GLY:HA2	1	0.59
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HZ3	3	0.59
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HZ3	3	0.59
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HZ3	3	0.59
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HZ3	3	0.59
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HZ3	3	0.59
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HZ3	3	0.59
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HZ3	16	0.59
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HZ3	16	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HZ3	16	0.59
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HZ3	16	0.59
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HZ3	16	0.59
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HZ3	16	0.59
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:CG2	4	0.59
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:CG2	4	0.59
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:CG2	4	0.59
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:CG2	4	0.59
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:CG2	4	0.59
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:CG2	4	0.59
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HA	9	0.59
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HA	9	0.59
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HA	9	0.59
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:H	14	0.59
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:H	14	0.59
(4,1271)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HA	5	0.59
(4,1214)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG21	20	0.59
(4,1214)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG22	20	0.59
(4,1214)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG23	20	0.59
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG21	6	0.59
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG22	6	0.59
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG23	6	0.59
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG21	15	0.59
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG22	15	0.59
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG23	15	0.59
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD21	15	0.59
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD22	15	0.59
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD23	15	0.59
(4,1143)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:H	20	0.59
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD21	7	0.59
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD22	7	0.59
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD11	3	0.59
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD12	3	0.59
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD13	3	0.59
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD21	3	0.59
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD22	3	0.59
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD23	3	0.59
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD11	3	0.59
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD12	3	0.59
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD13	3	0.59
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD21	3	0.59
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD22	3	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD23	3	0.59
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD11	3	0.59
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD12	3	0.59
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD13	3	0.59
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD21	3	0.59
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD22	3	0.59
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD23	3	0.59
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:HE22	14	0.59
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:HE22	14	0.59
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:HE22	14	0.59
(4,1059)	1:31:A:TRP:HB3	1:232:A:GLY:H	11	0.59
(4,1052)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:H	7	0.59
(4,1041)	1:23:A:HIS:HD2	1:31:A:TRP:H	7	0.59
(4,999)	1:81:A:TRP:HZ3	1:129:A:PHE:H	4	0.59
(4,996)	1:115:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:H	14	0.59
(4,996)	1:115:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:H	14	0.59
(4,983)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:H	17	0.59
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE2	16	0.59
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE3	16	0.59
(4,870)	1:34:A:PHE:H	1:232:A:GLY:H	17	0.59
(4,855)	1:190:A:TYR:HE1	1:193:A:LYS:H	19	0.59
(4,855)	1:190:A:TYR:HE2	1:193:A:LYS:H	19	0.59
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD11	18	0.59
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD12	18	0.59
(4,852)	1:25:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HD13	18	0.59
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD11	18	0.59
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD12	18	0.59
(4,852)	1:25:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HD13	18	0.59
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD11	18	0.59
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD12	18	0.59
(4,852)	1:25:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HD13	18	0.59
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG2	15	0.59
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG3	15	0.59
(4,839)	1:216:A:GLU:HB2	1:217:A:ASN:HD21	7	0.59
(4,839)	1:216:A:GLU:HB3	1:217:A:ASN:HD21	7	0.59
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG2	5	0.59
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG3	5	0.59
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD21	20	0.59
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD22	20	0.59
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD23	20	0.59
(4,706)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HA	14	0.59
(4,632)	1:82:A:PHE:HD1	1:100:A:SER:H	8	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,632)	1:82:A:PHE:HD2	1:100:A:SER:H	8	0.59
(4,626)	1:120:A:SER:HA	1:126:A:LYS:HA	20	0.59
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB2	16	0.59
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB3	16	0.59
(4,510)	1:99:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:H	20	0.59
(4,510)	1:99:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:H	20	0.59
(4,510)	1:99:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:H	20	0.59
(4,510)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	20	0.59
(4,510)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	20	0.59
(4,510)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	20	0.59
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD21	9	0.59
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD22	9	0.59
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD21	9	0.59
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD22	9	0.59
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD11	5	0.59
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD12	5	0.59
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD13	5	0.59
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD21	5	0.59
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD22	5	0.59
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD23	5	0.59
(4,416)	1:204:A:GLN:HG2	1:205:A:GLU:HA	9	0.59
(4,416)	1:204:A:GLN:HG3	1:205:A:GLU:HA	9	0.59
(4,409)	1:143:A:LYS:HG2	1:145:A:ASN:H	7	0.59
(4,409)	1:143:A:LYS:HG3	1:145:A:ASN:H	7	0.59
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD11	12	0.59
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD12	12	0.59
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD13	12	0.59
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG21	14	0.59
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG22	14	0.59
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG23	14	0.59
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG21	14	0.59
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG22	14	0.59
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG23	14	0.59
(4,295)	1:138:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:CD1	11	0.59
(4,295)	1:138:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:CD1	11	0.59
(4,295)	1:138:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:CD1	11	0.59
(4,295)	1:138:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:CD1	11	0.59
(4,295)	1:138:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:CD1	11	0.59
(4,295)	1:138:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:CD1	11	0.59
(4,287)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:H	1	0.59
(4,287)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:H	1	0.59
(4,230)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HB2	17	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD11	18	0.59
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD12	18	0.59
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD13	18	0.59
(4,158)	1:100:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	15	0.59
(4,137)	1:111:A:ASP:HB2	1:137:A:PHE:HD1	17	0.59
(4,137)	1:111:A:ASP:HB2	1:137:A:PHE:HD2	17	0.59
(4,137)	1:111:A:ASP:HB3	1:137:A:PHE:HD1	17	0.59
(4,137)	1:111:A:ASP:HB3	1:137:A:PHE:HD2	17	0.59
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG11	7	0.59
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG12	7	0.59
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG13	7	0.59
(4,93)	1:144:A:GLU:HB2	1:149:A:PHE:HD1	4	0.59
(4,93)	1:144:A:GLU:HB2	1:149:A:PHE:HD2	4	0.59
(4,93)	1:144:A:GLU:HB3	1:149:A:PHE:HD1	4	0.59
(4,93)	1:144:A:GLU:HB3	1:149:A:PHE:HD2	4	0.59
(4,80)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:CD2	14	0.59
(4,80)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:CD2	14	0.59
(4,80)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:CD2	14	0.59
(4,80)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:CD2	14	0.59
(4,80)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:CD2	14	0.59
(4,80)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:CD2	14	0.59
(4,66)	1:198:A:ALA:H	1:200:A:ASP:H	1	0.59
(4,66)	1:198:A:ALA:H	1:200:A:ASP:H	11	0.59
(4,66)	1:198:A:ALA:H	1:200:A:ASP:H	15	0.59
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD1	1	0.59
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD2	1	0.59
(4,59)	1:20:A:ASN:HD21	1:24:A:LYS:H	8	0.59
(4,2)	1:59:A:PHE:C	1:166:A:HIS:N	18	0.59
(1,577)	1:5:A:ASN:ND2	1:149:A:PHE:H	8	0.59
(1,384)	1:5:A:ASN:ND2	1:215:A:MET:H	13	0.59
(1,97)	1:218:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	10	0.59
(1,91)	1:209:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	17	0.59
(1,59)	1:93:A:TYR:H	1:140:A:ASN:ND2	15	0.59
(5,644)	1:5:A:ASN:ND2	1:180:A:LEU:H	1	0.58
(5,511)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	12	0.58
(5,403)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	16	0.58
(5,275)	1:40:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	9	0.58
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD11	3	0.58
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD12	3	0.58
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD13	3	0.58
(4,4159)	1:157:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	19	0.58
(4,4159)	1:157:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	19	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB1	12	0.58
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB2	12	0.58
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB3	12	0.58
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB1	14	0.58
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB2	14	0.58
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB3	14	0.58
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:HD11	16	0.58
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:HD12	16	0.58
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:HD13	16	0.58
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:HD21	16	0.58
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:HD22	16	0.58
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:HD23	16	0.58
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:HD11	16	0.58
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:HD12	16	0.58
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:HD13	16	0.58
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:HD21	16	0.58
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:HD22	16	0.58
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:HD23	16	0.58
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:HD11	16	0.58
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:HD12	16	0.58
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:HD13	16	0.58
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:HD21	16	0.58
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:HD22	16	0.58
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:HD23	16	0.58
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB2	12	0.58
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB3	12	0.58
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB2	12	0.58
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB3	12	0.58
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB2	12	0.58
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB3	12	0.58
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB2	12	0.58
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB3	12	0.58
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB2	12	0.58
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB3	12	0.58
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB2	12	0.58
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB3	12	0.58
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG11	1:141:A:VAL:HB	1	0.58
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG12	1:141:A:VAL:HB	1	0.58
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG13	1:141:A:VAL:HB	1	0.58
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG21	1:141:A:VAL:HB	1	0.58
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG22	1:141:A:VAL:HB	1	0.58
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG23	1:141:A:VAL:HB	1	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3979)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:HA	20	0.58
(4,3933)	1:19:A:THR:HG1	1:22:A:ALA:H	13	0.58
(4,3933)	1:19:A:THR:HG1	1:22:A:ALA:H	17	0.58
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD2	9	0.58
(4,3905)	1:203:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HD3	9	0.58
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:H	2	0.58
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:H	2	0.58
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:H	12	0.58
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:H	12	0.58
(4,3895)	1:211:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HG2	5	0.58
(4,3895)	1:211:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HG3	5	0.58
(4,3895)	1:211:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HG2	5	0.58
(4,3895)	1:211:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HG3	5	0.58
(4,3895)	1:211:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HG2	5	0.58
(4,3895)	1:211:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HG3	5	0.58
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD21	17	0.58
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD22	17	0.58
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD23	17	0.58
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB2	1:220:A:GLU:HG2	20	0.58
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB2	1:220:A:GLU:HG3	20	0.58
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB3	1:220:A:GLU:HG2	20	0.58
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB3	1:220:A:GLU:HG3	20	0.58
(4,3797)	1:140:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HG21	4	0.58
(4,3797)	1:140:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HG22	4	0.58
(4,3797)	1:140:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HG23	4	0.58
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:H	19	0.58
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:H	19	0.58
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:H	19	0.58
(4,3716)	1:45:A:LEU:HA	1:202:A:ILE:HD11	9	0.58
(4,3716)	1:45:A:LEU:HA	1:202:A:ILE:HD12	9	0.58
(4,3716)	1:45:A:LEU:HA	1:202:A:ILE:HD13	9	0.58
(4,3652)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD11	10	0.58
(4,3652)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD12	10	0.58
(4,3652)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD13	10	0.58
(4,3633)	1:90:A:CYS:H	1:94:A:ALA:H	18	0.58
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	8	0.58
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	8	0.58
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	8	0.58
(4,3589)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:HB2	7	0.58
(4,3589)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:HB2	14	0.58
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG21	13	0.58
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG22	13	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG23	13	0.58
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD21	19	0.58
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD21	19	0.58
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD21	19	0.58
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD21	19	0.58
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD21	19	0.58
(4,3561)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD21	19	0.58
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE1	12	0.58
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE2	12	0.58
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	5	0.58
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	5	0.58
(4,3519)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	7	0.58
(4,3518)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:H	17	0.58
(4,3518)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:H	17	0.58
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:H	14	0.58
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:H	14	0.58
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:H	14	0.58
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE1	11	0.58
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE2	11	0.58
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE1	11	0.58
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE2	11	0.58
(4,3453)	1:62:A:ASN:HB2	1:63:A:GLU:HA	17	0.58
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD11	18	0.58
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD12	18	0.58
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD13	18	0.58
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD21	18	0.58
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD22	18	0.58
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD23	18	0.58
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG21	5	0.58
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG22	5	0.58
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG23	5	0.58
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG21	5	0.58
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG22	5	0.58
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG23	5	0.58
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HE1	17	0.58
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HE1	17	0.58
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HE1	17	0.58
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG2	1:217:A:ASN:HB2	19	0.58
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG2	1:217:A:ASN:HB3	19	0.58
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG3	1:217:A:ASN:HB2	19	0.58
(4,3185)	1:66:A:LYS:HG3	1:217:A:ASN:HB3	19	0.58
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD1	1	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD2	1	0.58
(4,3091)	1:164:A:ASN:H	1:165:A:LEU:H	15	0.58
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD11	1:126:A:LYS:H	13	0.58
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD12	1:126:A:LYS:H	13	0.58
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD13	1:126:A:LYS:H	13	0.58
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG21	4	0.58
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG22	4	0.58
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG23	4	0.58
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG21	2	0.58
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG22	2	0.58
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG23	2	0.58
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG21	2	0.58
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG22	2	0.58
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG23	2	0.58
(4,3042)	1:162:A:ASP:H	1:164:A:ASN:H	12	0.58
(4,2979)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:HB2	14	0.58
(4,2979)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:HB3	14	0.58
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD21	2	0.58
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	2	0.58
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HB3	19	0.58
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HB3	19	0.58
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HB3	19	0.58
(4,2858)	1:79:A:VAL:HB	1:127:A:ASN:HD21	8	0.58
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD11	2	0.58
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD12	2	0.58
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD13	2	0.58
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB1	18	0.58
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB2	18	0.58
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB3	18	0.58
(4,2809)	1:55:A:ILE:HB	1:201:A:LEU:HB2	12	0.58
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD1	10	0.58
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD2	10	0.58
(4,2732)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:H	9	0.58
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	16	0.58
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	16	0.58
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	16	0.58
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	16	0.58
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	16	0.58
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	16	0.58
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	16	0.58
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	16	0.58
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	16	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	16	0.58
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	16	0.58
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	16	0.58
(4,2704)	1:146:A:VAL:HB	1:148:A:THR:H	2	0.58
(4,2692)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HB3	7	0.58
(4,2691)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG11	12	0.58
(4,2691)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG12	12	0.58
(4,2691)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG13	12	0.58
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD1	1:190:A:TYR:H	3	0.58
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD2	1:190:A:TYR:H	3	0.58
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD11	1:144:A:GLU:H	8	0.58
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD12	1:144:A:GLU:H	8	0.58
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD13	1:144:A:GLU:H	8	0.58
(4,2626)	1:145:A:ASN:H	1:148:A:THR:H	5	0.58
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG12	1:206:A:LEU:H	18	0.58
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG13	1:206:A:LEU:H	18	0.58
(4,2543)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:HB	2	0.58
(4,2543)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:HB	15	0.58
(4,2514)	1:58:A:LEU:HD21	1:227:A:ALA:H	17	0.58
(4,2514)	1:58:A:LEU:HD22	1:227:A:ALA:H	17	0.58
(4,2514)	1:58:A:LEU:HD23	1:227:A:ALA:H	17	0.58
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD21	1:102:A:ASN:HD21	13	0.58
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD21	1:102:A:ASN:HD22	13	0.58
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD22	1:102:A:ASN:HD21	13	0.58
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD22	1:102:A:ASN:HD22	13	0.58
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE2	1:214:A:TYR:HA	9	0.58
(4,2477)	1:66:A:LYS:HE3	1:214:A:TYR:HA	9	0.58
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB2	18	0.58
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB3	18	0.58
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:HB2	4	0.58
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:HB2	4	0.58
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:HB2	4	0.58
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:HB2	4	0.58
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:HB2	4	0.58
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:HB2	4	0.58
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD21	14	0.58
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD22	14	0.58
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD23	14	0.58
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD21	14	0.58
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD22	14	0.58
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD23	14	0.58
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD21	14	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD22	14	0.58
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD23	14	0.58
(4,2365)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG1	5	0.58
(4,2365)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG1	16	0.58
(4,2341)	1:32:A:ALA:H	1:231:A:LEU:HD21	2	0.58
(4,2341)	1:32:A:ALA:H	1:231:A:LEU:HD22	2	0.58
(4,2341)	1:32:A:ALA:H	1:231:A:LEU:HD23	2	0.58
(4,2314)	1:107:A:GLU:H	1:110:A:SER:HG	19	0.58
(4,2293)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD21	4	0.58
(4,2293)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD22	4	0.58
(4,2293)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD23	4	0.58
(4,2288)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	12	0.58
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB2	6	0.58
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB3	6	0.58
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD11	1:114:A:ASN:H	6	0.58
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD12	1:114:A:ASN:H	6	0.58
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD13	1:114:A:ASN:H	6	0.58
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:H	16	0.58
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:H	16	0.58
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:H	16	0.58
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG11	1:18:A:PHE:HE1	20	0.58
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG11	1:18:A:PHE:HE2	20	0.58
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG12	1:18:A:PHE:HE1	20	0.58
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG12	1:18:A:PHE:HE2	20	0.58
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG13	1:18:A:PHE:HE1	20	0.58
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG13	1:18:A:PHE:HE2	20	0.58
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG21	1:18:A:PHE:HE1	20	0.58
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG21	1:18:A:PHE:HE2	20	0.58
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG22	1:18:A:PHE:HE1	20	0.58
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG22	1:18:A:PHE:HE2	20	0.58
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG23	1:18:A:PHE:HE1	20	0.58
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG23	1:18:A:PHE:HE2	20	0.58
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG11	4	0.58
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG12	4	0.58
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG13	4	0.58
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	12	0.58
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	12	0.58
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD11	3	0.58
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD12	3	0.58
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD13	3	0.58
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD21	3	0.58
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD22	3	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD23	3	0.58
(4,1914)	1:19:A:THR:HG21	1:32:A:ALA:H	19	0.58
(4,1914)	1:19:A:THR:HG22	1:32:A:ALA:H	19	0.58
(4,1914)	1:19:A:THR:HG23	1:32:A:ALA:H	19	0.58
(4,1907)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:H	14	0.58
(4,1907)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:H	14	0.58
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	2	0.58
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	2	0.58
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	2	0.58
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	2	0.58
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	2	0.58
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	2	0.58
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD11	11	0.58
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD12	11	0.58
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD13	11	0.58
(4,1856)	1:29:A:ASN:HD22	1:30:A:GLU:H	4	0.58
(4,1837)	1:7:A:ALA:HA	1:88:A:ASN:H	3	0.58
(4,1810)	1:143:A:LYS:H	1:143:A:LYS:HE2	10	0.58
(4,1810)	1:143:A:LYS:H	1:143:A:LYS:HE3	10	0.58
(4,1809)	1:81:A:TRP:HZ2	1:184:A:ASN:H	11	0.58
(4,1728)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD22	19	0.58
(4,1727)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG11	7	0.58
(4,1727)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG12	7	0.58
(4,1727)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG13	7	0.58
(4,1727)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG11	7	0.58
(4,1727)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG12	7	0.58
(4,1727)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG13	7	0.58
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD11	1:111:A:ASP:H	9	0.58
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD12	1:111:A:ASP:H	9	0.58
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD13	1:111:A:ASP:H	9	0.58
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD21	1:111:A:ASP:H	9	0.58
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD22	1:111:A:ASP:H	9	0.58
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD23	1:111:A:ASP:H	9	0.58
(4,1534)	1:38:A:SER:HB2	1:44:A:LEU:HA	11	0.58
(4,1534)	1:38:A:SER:HB3	1:44:A:LEU:HA	11	0.58
(4,1481)	1:9:A:VAL:H	1:151:A:THR:H	19	0.58
(4,1467)	1:123:A:SER:H	1:124:A:SER:HB2	3	0.58
(4,1467)	1:123:A:SER:H	1:124:A:SER:HB3	3	0.58
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD21	5	0.58
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD22	5	0.58
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD23	5	0.58
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG2	10	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG3	10	0.58
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	2	0.58
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	2	0.58
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	2	0.58
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	2	0.58
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	2	0.58
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	2	0.58
(4,1351)	1:55:A:ILE:HB	1:170:A:TYR:H	17	0.58
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD11	11	0.58
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD12	11	0.58
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD13	11	0.58
(4,1233)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HH2	11	0.58
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE21	7	0.58
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE21	7	0.58
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD21	13	0.58
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD22	13	0.58
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD23	13	0.58
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD21	10	0.58
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD22	10	0.58
(4,1131)	1:47:A:PHE:H	1:48:A:LEU:HB3	8	0.58
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG21	11	0.58
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG22	11	0.58
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG23	11	0.58
(4,1053)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:H	5	0.58
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB1	3	0.58
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB2	3	0.58
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB3	3	0.58
(4,999)	1:81:A:TRP:HZ3	1:129:A:PHE:H	12	0.58
(4,947)	1:177:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	17	0.58
(4,947)	1:177:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	17	0.58
(4,947)	1:177:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	17	0.58
(4,922)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:HB2	13	0.58
(4,922)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:HB3	13	0.58
(4,856)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HB2	16	0.58
(4,856)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HB3	16	0.58
(4,834)	1:99:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	5	0.58
(4,834)	1:99:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	5	0.58
(4,834)	1:99:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	5	0.58
(4,834)	1:99:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	5	0.58
(4,834)	1:99:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	5	0.58
(4,834)	1:99:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	5	0.58
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD21	13	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD22	13	0.58
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD23	13	0.58
(4,737)	1:81:A:TRP:HZ3	1:84:A:GLN:H	16	0.58
(4,730)	1:119:A:GLN:H	1:119:A:GLN:HE22	20	0.58
(4,639)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	9	0.58
(4,623)	1:235:A:TRP:HE3	1:236:A:GLU:H	12	0.58
(4,593)	1:17:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:CG2	1	0.58
(4,593)	1:17:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:CG2	1	0.58
(4,593)	1:17:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:CG2	1	0.58
(4,593)	1:17:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:CG2	1	0.58
(4,593)	1:17:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:CG2	1	0.58
(4,593)	1:17:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:CG2	1	0.58
(4,593)	1:17:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:CG2	5	0.58
(4,593)	1:17:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:CG2	5	0.58
(4,593)	1:17:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:CG2	5	0.58
(4,593)	1:17:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:CG2	5	0.58
(4,593)	1:17:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:CG2	5	0.58
(4,593)	1:17:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:CG2	5	0.58
(4,577)	1:168:A:ILE:HG12	1:181:A:ASP:HB2	20	0.58
(4,577)	1:168:A:ILE:HG12	1:181:A:ASP:HB3	20	0.58
(4,577)	1:168:A:ILE:HG13	1:181:A:ASP:HB2	20	0.58
(4,577)	1:168:A:ILE:HG13	1:181:A:ASP:HB3	20	0.58
(4,566)	1:79:A:VAL:HB	1:101:A:ASN:HD21	19	0.58
(4,566)	1:79:A:VAL:HB	1:101:A:ASN:HD22	19	0.58
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB2	12	0.58
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB3	12	0.58
(4,554)	1:221:A:GLU:HA	1:224:A:LEU:HA	12	0.58
(4,483)	1:205:A:GLU:HG2	1:209:A:VAL:H	9	0.58
(4,483)	1:205:A:GLU:HG3	1:209:A:VAL:H	9	0.58
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD21	17	0.58
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD22	17	0.58
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD21	17	0.58
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD22	17	0.58
(4,467)	1:214:A:TYR:H	1:214:A:TYR:HE1	3	0.58
(4,467)	1:214:A:TYR:H	1:214:A:TYR:HE2	3	0.58
(4,416)	1:204:A:GLN:HG2	1:205:A:GLU:HA	12	0.58
(4,416)	1:204:A:GLN:HG3	1:205:A:GLU:HA	12	0.58
(4,360)	1:231:A:LEU:HD11	1:234:A:ASN:H	18	0.58
(4,360)	1:231:A:LEU:HD12	1:234:A:ASN:H	18	0.58
(4,360)	1:231:A:LEU:HD13	1:234:A:ASN:H	18	0.58
(4,360)	1:231:A:LEU:HD21	1:234:A:ASN:H	18	0.58
(4,360)	1:231:A:LEU:HD22	1:234:A:ASN:H	18	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,360)	1:231:A:LEU:HD23	1:234:A:ASN:H	18	0.58
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	9	0.58
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	9	0.58
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	9	0.58
(4,277)	1:82:A:PHE:HE1	1:99:A:LEU:H	8	0.58
(4,277)	1:82:A:PHE:HE2	1:99:A:LEU:H	8	0.58
(4,270)	1:33:A:TYR:HD1	1:232:A:GLY:H	1	0.58
(4,270)	1:33:A:TYR:HD2	1:232:A:GLY:H	1	0.58
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD11	8	0.58
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD12	8	0.58
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD13	8	0.58
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD21	8	0.58
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD22	8	0.58
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD23	8	0.58
(4,164)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG12	10	0.58
(4,149)	1:234:A:ASN:HD21	1:236:A:GLU:H	19	0.58
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD11	14	0.58
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD12	14	0.58
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD13	14	0.58
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD21	14	0.58
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD22	14	0.58
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD23	14	0.58
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD11	14	0.58
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD12	14	0.58
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD13	14	0.58
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD21	14	0.58
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD22	14	0.58
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD23	14	0.58
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD11	14	0.58
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD12	14	0.58
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD13	14	0.58
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD21	14	0.58
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD22	14	0.58
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD23	14	0.58
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE1	15	0.58
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE2	15	0.58
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE1	15	0.58
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE2	15	0.58
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE1	15	0.58
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE2	15	0.58
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB2	17	0.58
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB3	17	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,66)	1:198:A:ALA:H	1:200:A:ASP:H	13	0.58
(4,66)	1:198:A:ALA:H	1:200:A:ASP:H	18	0.58
(4,60)	1:79:A:VAL:HG11	1:190:A:TYR:H	7	0.58
(4,60)	1:79:A:VAL:HG12	1:190:A:TYR:H	7	0.58
(4,60)	1:79:A:VAL:HG13	1:190:A:TYR:H	7	0.58
(4,2)	1:59:A:PHE:C	1:166:A:HIS:N	2	0.58
(4,2)	1:59:A:PHE:C	1:166:A:HIS:N	7	0.58
(4,2)	1:59:A:PHE:C	1:166:A:HIS:N	8	0.58
(4,2)	1:59:A:PHE:C	1:166:A:HIS:N	12	0.58
(4,1)	1:30:A:GLU:C	1:234:A:ASN:N	14	0.58
(3,13)	1:177:A:ILE:O	1:191:A:LEU:H	11	0.58
(3,3)	1:179:A:GLU:O	1:189:A:LEU:H	1	0.58
(2,77)	1:101:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	2	0.58
(1,546)	1:5:A:ASN:ND2	1:19:A:THR:H	3	0.58
(1,348)	1:5:A:ASN:ND2	1:56:A:VAL:H	12	0.58
(1,112)	1:211:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	6	0.58
(1,36)	1:104:A:SER:OG	1:115:A:PHE:H	10	0.58
(5,634)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	10	0.57
(5,402)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	14	0.57
(5,131)	1:140:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	11	0.57
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:H	15	0.57
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:H	15	0.57
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:H	15	0.57
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG11	11	0.57
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG12	11	0.57
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG13	11	0.57
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB2	1	0.57
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB3	1	0.57
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB2	1	0.57
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB3	1	0.57
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB2	1	0.57
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB3	1	0.57
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD21	1:89:A:ALA:H	9	0.57
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD22	1:89:A:ALA:H	9	0.57
(4,4214)	1:55:A:ILE:H	1:56:A:VAL:HB	6	0.57
(4,4170)	1:169:A:THR:HG21	1:171:A:VAL:H	1	0.57
(4,4170)	1:169:A:THR:HG22	1:171:A:VAL:H	1	0.57
(4,4170)	1:169:A:THR:HG23	1:171:A:VAL:H	1	0.57
(4,4161)	1:11:A:ILE:HA	1:153:A:GLN:HA	6	0.57
(4,4140)	1:110:A:SER:H	1:110:A:SER:HG	4	0.57
(4,4081)	1:168:A:ILE:H	1:169:A:THR:HG1	15	0.57
(4,4070)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:H	1	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	9	0.57
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	9	0.57
(4,3933)	1:19:A:THR:HG1	1:22:A:ALA:H	2	0.57
(4,3929)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:H	1	0.57
(4,3929)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:H	15	0.57
(4,3929)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:H	16	0.57
(4,3901)	1:112:A:LEU:HD11	1:116:A:LEU:H	6	0.57
(4,3901)	1:112:A:LEU:HD12	1:116:A:LEU:H	6	0.57
(4,3901)	1:112:A:LEU:HD13	1:116:A:LEU:H	6	0.57
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD21	10	0.57
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD22	10	0.57
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD23	10	0.57
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD11	1:96:A:LEU:H	1	0.57
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD12	1:96:A:LEU:H	1	0.57
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD13	1:96:A:LEU:H	1	0.57
(4,3796)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE22	16	0.57
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:H	6	0.57
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:H	6	0.57
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:H	6	0.57
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB2	1:232:A:GLY:H	16	0.57
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB3	1:232:A:GLY:H	16	0.57
(4,3673)	1:98:A:SER:H	1:99:A:LEU:HB3	5	0.57
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD11	11	0.57
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD12	11	0.57
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD13	11	0.57
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD11	18	0.57
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD12	18	0.57
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD13	18	0.57
(4,3658)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HB2	10	0.57
(4,3658)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HB3	10	0.57
(4,3658)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HB2	10	0.57
(4,3658)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HB3	10	0.57
(4,3658)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HB2	10	0.57
(4,3658)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HB3	10	0.57
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:HA	1	0.57
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:HA	1	0.57
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:HA	1	0.57
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:HA	1	0.57
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:HA	1	0.57
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:HA	1	0.57
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	20	0.57
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	20	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	20	0.57
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	9	0.57
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	9	0.57
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	9	0.57
(4,3589)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:HB2	3	0.57
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:H	8	0.57
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:H	8	0.57
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:H	8	0.57
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:H	8	0.57
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:H	8	0.57
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:H	8	0.57
(4,3517)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG21	7	0.57
(4,3517)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG22	7	0.57
(4,3517)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG23	7	0.57
(4,3453)	1:62:A:ASN:HB2	1:63:A:GLU:HA	20	0.57
(4,3428)	1:41:A:GLU:HB2	1:45:A:LEU:H	1	0.57
(4,3427)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HB3	13	0.57
(4,3427)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HB3	19	0.57
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB2	9	0.57
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB3	9	0.57
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB2	9	0.57
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB3	9	0.57
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB2	9	0.57
(4,3403)	1:168:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB3	9	0.57
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG21	1:203:A:GLU:H	17	0.57
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG22	1:203:A:GLU:H	17	0.57
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG23	1:203:A:GLU:H	17	0.57
(4,3355)	1:54:A:ALA:HA	1:170:A:TYR:H	17	0.57
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HE1	18	0.57
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HE1	18	0.57
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HE1	18	0.57
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD11	5	0.57
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD12	5	0.57
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD13	5	0.57
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD11	5	0.57
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD12	5	0.57
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD13	5	0.57
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD1	8	0.57
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD2	8	0.57
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD1	11	0.57
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD2	11	0.57
(4,3286)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HA	7	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3217)	1:204:A:GLN:HE21	1:207:A:VAL:H	9	0.57
(4,3217)	1:204:A:GLN:HE22	1:207:A:VAL:H	9	0.57
(4,3201)	1:169:A:THR:H	1:179:A:GLU:HG2	1	0.57
(4,3201)	1:169:A:THR:H	1:179:A:GLU:HG3	1	0.57
(4,3188)	1:118:A:SER:HB2	1:119:A:GLN:HG2	13	0.57
(4,3188)	1:118:A:SER:HB2	1:119:A:GLN:HG3	13	0.57
(4,3188)	1:118:A:SER:HB3	1:119:A:GLN:HG2	13	0.57
(4,3188)	1:118:A:SER:HB3	1:119:A:GLN:HG3	13	0.57
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB2	9	0.57
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB3	9	0.57
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB2	20	0.57
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB3	20	0.57
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG21	1:210:A:ARG:HG2	1	0.57
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG21	1:210:A:ARG:HG3	1	0.57
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG22	1:210:A:ARG:HG2	1	0.57
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG22	1:210:A:ARG:HG3	1	0.57
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG23	1:210:A:ARG:HG2	1	0.57
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG23	1:210:A:ARG:HG3	1	0.57
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG21	1:210:A:ARG:HG2	10	0.57
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG21	1:210:A:ARG:HG3	10	0.57
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG22	1:210:A:ARG:HG2	10	0.57
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG22	1:210:A:ARG:HG3	10	0.57
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG23	1:210:A:ARG:HG2	10	0.57
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG23	1:210:A:ARG:HG3	10	0.57
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD11	2	0.57
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD12	2	0.57
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD13	2	0.57
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD21	2	0.57
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD22	2	0.57
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE1	1:48:A:LEU:HD23	2	0.57
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD11	2	0.57
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD12	2	0.57
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD13	2	0.57
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD21	2	0.57
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD22	2	0.57
(4,3078)	1:34:A:PHE:HE2	1:48:A:LEU:HD23	2	0.57
(4,3064)	1:48:A:LEU:CD2	1:52:A:VAL:HG21	3	0.57
(4,3064)	1:48:A:LEU:CD2	1:52:A:VAL:HG22	3	0.57
(4,3064)	1:48:A:LEU:CD2	1:52:A:VAL:HG23	3	0.57
(4,3010)	1:81:A:TRP:H	1:127:A:ASN:HD22	20	0.57
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	19	0.57
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	19	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	19	0.57
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE1	4	0.57
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE2	4	0.57
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB2	1:168:A:ILE:H	5	0.57
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB3	1:168:A:ILE:H	5	0.57
(4,2923)	1:36:A:ILE:H	1:38:A:SER:H	11	0.57
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB2	14	0.57
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB3	14	0.57
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	7	0.57
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	7	0.57
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	7	0.57
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD11	2	0.57
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD12	2	0.57
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD13	2	0.57
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD21	2	0.57
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD22	2	0.57
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD23	2	0.57
(4,2859)	1:52:A:VAL:H	1:201:A:LEU:H	6	0.57
(4,2854)	1:81:A:TRP:HE1	1:83:A:LYS:HG2	13	0.57
(4,2847)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:H	1	0.57
(4,2841)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:H	2	0.57
(4,2839)	1:31:A:TRP:HZ3	1:53:A:LYS:H	14	0.57
(4,2796)	1:41:A:GLU:HB3	1:43:A:GLU:HA	13	0.57
(4,2796)	1:41:A:GLU:HB3	1:43:A:GLU:HA	17	0.57
(4,2748)	1:48:A:LEU:HD11	1:202:A:ILE:CD1	6	0.57
(4,2748)	1:48:A:LEU:HD12	1:202:A:ILE:CD1	6	0.57
(4,2748)	1:48:A:LEU:HD13	1:202:A:ILE:CD1	6	0.57
(4,2732)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:H	16	0.57
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB1	8	0.57
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB2	8	0.57
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB3	8	0.57
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB1	8	0.57
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB2	8	0.57
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB3	8	0.57
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD1	1:190:A:TYR:H	10	0.57
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD2	1:190:A:TYR:H	10	0.57
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	2	0.57
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	2	0.57
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD11	20	0.57
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD12	20	0.57
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD13	20	0.57
(4,2631)	1:68:A:SER:HA	1:70:A:SER:H	18	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB1	1:215:A:MET:HB2	3	0.57
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB2	1:215:A:MET:HB2	3	0.57
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB3	1:215:A:MET:HB2	3	0.57
(4,2564)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:H	16	0.57
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:H	13	0.57
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:H	13	0.57
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD11	13	0.57
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD12	13	0.57
(4,2468)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD13	13	0.57
(4,2448)	1:119:A:GLN:H	1:119:A:GLN:HE21	17	0.57
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG2	9	0.57
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG3	9	0.57
(4,2385)	1:148:A:THR:H	1:150:A:SER:H	3	0.57
(4,2385)	1:148:A:THR:H	1:150:A:SER:H	14	0.57
(4,2368)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HB3	18	0.57
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD11	1:41:A:GLU:H	12	0.57
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD12	1:41:A:GLU:H	12	0.57
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD13	1:41:A:GLU:H	12	0.57
(4,2337)	1:147:A:GLN:H	1:147:A:GLN:HE22	15	0.57
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB2	17	0.57
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB3	17	0.57
(4,2288)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	5	0.57
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB2	15	0.57
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB3	15	0.57
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG12	19	0.57
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG13	19	0.57
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG12	19	0.57
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG13	19	0.57
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD21	8	0.57
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD22	8	0.57
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD23	8	0.57
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD21	20	0.57
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD22	20	0.57
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD23	20	0.57
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD11	1:164:A:ASN:HD21	9	0.57
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD12	1:164:A:ASN:HD21	9	0.57
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD13	1:164:A:ASN:HD21	9	0.57
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD11	1:164:A:ASN:HD21	11	0.57
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD12	1:164:A:ASN:HD21	11	0.57
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD13	1:164:A:ASN:HD21	11	0.57
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HA	6	0.57
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HA	6	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HA	6	0.57
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HA	6	0.57
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HA	6	0.57
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HA	6	0.57
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:H	17	0.57
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:H	17	0.57
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:H	17	0.57
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:H	1	0.57
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:H	1	0.57
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:H	1	0.57
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:H	19	0.57
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:H	19	0.57
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:H	19	0.57
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE1	7	0.57
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE2	7	0.57
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE1	7	0.57
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE2	7	0.57
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE1	7	0.57
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE2	7	0.57
(4,2079)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HG	6	0.57
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG21	20	0.57
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG22	20	0.57
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG23	20	0.57
(4,1881)	1:42:A:PRO:HB2	1:46:A:ALA:HA	18	0.57
(4,1835)	1:56:A:VAL:HB	1:228:A:MET:HA	13	0.57
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD11	18	0.57
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD12	18	0.57
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD13	18	0.57
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD21	18	0.57
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD22	18	0.57
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD23	18	0.57
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD21	14	0.57
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD22	14	0.57
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD23	14	0.57
(4,1809)	1:81:A:TRP:HZ2	1:184:A:ASN:H	13	0.57
(4,1769)	1:5:A:ASN:HD22	1:6:A:ARG:H	20	0.57
(4,1721)	1:214:A:TYR:H	1:215:A:MET:HG2	6	0.57
(4,1721)	1:214:A:TYR:H	1:215:A:MET:HG3	6	0.57
(4,1721)	1:214:A:TYR:H	1:215:A:MET:HG2	8	0.57
(4,1721)	1:214:A:TYR:H	1:215:A:MET:HG3	8	0.57
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:H	20	0.57
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:H	20	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1719)	1:57:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:H	20	0.57
(4,1676)	1:172:A:GLU:HB3	1:176:A:GLY:H	8	0.57
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB1	1	0.57
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB2	1	0.57
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB3	1	0.57
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB1	1	0.57
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB2	1	0.57
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB3	1	0.57
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB1	1	0.57
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB2	1	0.57
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB3	1	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD11	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD12	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD13	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD21	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD22	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD23	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD11	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD12	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD13	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD21	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD22	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD23	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD11	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD12	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD13	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD21	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD22	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD23	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD11	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD12	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD13	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD21	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD22	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD23	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD11	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD12	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD13	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD21	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD22	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD23	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD11	14	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD12	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD13	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD21	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD22	14	0.57
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD23	14	0.57
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD21	16	0.57
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD22	16	0.57
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD23	16	0.57
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD21	16	0.57
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD22	16	0.57
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD23	16	0.57
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG11	7	0.57
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG12	7	0.57
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG13	7	0.57
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG21	7	0.57
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG22	7	0.57
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG23	7	0.57
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG11	7	0.57
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG12	7	0.57
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG13	7	0.57
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG21	7	0.57
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG22	7	0.57
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG23	7	0.57
(4,1577)	1:55:A:ILE:H	1:172:A:GLU:H	2	0.57
(4,1577)	1:55:A:ILE:H	1:172:A:GLU:H	8	0.57
(4,1560)	1:80:A:ILE:HB	1:101:A:ASN:HD21	18	0.57
(4,1560)	1:80:A:ILE:HB	1:101:A:ASN:HD22	18	0.57
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HB2	16	0.57
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HB3	16	0.57
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HB2	16	0.57
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HB3	16	0.57
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD1	1:215:A:MET:H	7	0.57
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD2	1:215:A:MET:H	7	0.57
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD1	1:215:A:MET:H	20	0.57
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD2	1:215:A:MET:H	20	0.57
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG11	11	0.57
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG12	11	0.57
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG13	11	0.57
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG21	11	0.57
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG22	11	0.57
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG23	11	0.57
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD11	8	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD12	8	0.57
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD13	8	0.57
(4,1333)	1:153:A:GLN:HG2	1:157:A:PRO:HD3	12	0.57
(4,1333)	1:153:A:GLN:HG3	1:157:A:PRO:HD3	12	0.57
(4,1289)	1:191:A:LEU:HD11	1:210:A:ARG:H	6	0.57
(4,1289)	1:191:A:LEU:HD12	1:210:A:ARG:H	6	0.57
(4,1289)	1:191:A:LEU:HD13	1:210:A:ARG:H	6	0.57
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD11	7	0.57
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD12	7	0.57
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD13	7	0.57
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD21	7	0.57
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD22	7	0.57
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD23	7	0.57
(4,1261)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:H	5	0.57
(4,1261)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:H	5	0.57
(4,1240)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:H	15	0.57
(4,1189)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:GLU:H	11	0.57
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD21	1	0.57
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD22	1	0.57
(4,1159)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD23	1	0.57
(4,1094)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:H	10	0.57
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD11	1:38:A:SER:H	9	0.57
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD12	1:38:A:SER:H	9	0.57
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD13	1:38:A:SER:H	9	0.57
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB1	7	0.57
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB2	7	0.57
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB3	7	0.57
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB1	7	0.57
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB2	7	0.57
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB3	7	0.57
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB1	7	0.57
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB2	7	0.57
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB3	7	0.57
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG12	10	0.57
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG13	10	0.57
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG12	10	0.57
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG13	10	0.57
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG12	10	0.57
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG13	10	0.57
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG12	10	0.57
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG13	10	0.57
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG12	10	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG13	10	0.57
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG12	10	0.57
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG13	10	0.57
(4,1004)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:H	1	0.57
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD11	1	0.57
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD12	1	0.57
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD13	1	0.57
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD21	1	0.57
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD22	1	0.57
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD23	1	0.57
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD11	1	0.57
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD12	1	0.57
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD13	1	0.57
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD21	1	0.57
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD22	1	0.57
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD23	1	0.57
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD11	1	0.57
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD12	1	0.57
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD13	1	0.57
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD21	1	0.57
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD22	1	0.57
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD23	1	0.57
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE2	17	0.57
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE3	17	0.57
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD2	9	0.57
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD3	9	0.57
(4,856)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HB2	10	0.57
(4,856)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HB3	10	0.57
(4,835)	1:92:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:H	19	0.57
(4,835)	1:92:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:H	19	0.57
(4,835)	1:92:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:H	19	0.57
(4,777)	1:74:A:THR:HB	1:76:A:SER:HA	19	0.57
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD11	7	0.57
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD12	7	0.57
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD13	7	0.57
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD11	7	0.57
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD12	7	0.57
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD13	7	0.57
(4,745)	1:95:A:ILE:HD11	1:97:A:HIS:H	5	0.57
(4,745)	1:95:A:ILE:HD12	1:97:A:HIS:H	5	0.57
(4,745)	1:95:A:ILE:HD13	1:97:A:HIS:H	5	0.57
(4,730)	1:119:A:GLN:H	1:119:A:GLN:HE22	12	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,667)	1:136:A:GLN:HB2	1:139:A:LEU:HB2	1	0.57
(4,667)	1:136:A:GLN:HB2	1:139:A:LEU:HB3	1	0.57
(4,667)	1:136:A:GLN:HB3	1:139:A:LEU:HB2	1	0.57
(4,667)	1:136:A:GLN:HB3	1:139:A:LEU:HB3	1	0.57
(4,651)	1:145:A:ASN:HB2	1:149:A:PHE:H	17	0.57
(4,651)	1:145:A:ASN:HB3	1:149:A:PHE:H	17	0.57
(4,627)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HG	20	0.57
(4,580)	1:106:A:LEU:HB2	1:113:A:ASP:H	12	0.57
(4,580)	1:106:A:LEU:HB3	1:113:A:ASP:H	12	0.57
(4,479)	1:80:A:ILE:HG21	1:101:A:ASN:H	6	0.57
(4,479)	1:80:A:ILE:HG22	1:101:A:ASN:H	6	0.57
(4,479)	1:80:A:ILE:HG23	1:101:A:ASN:H	6	0.57
(4,422)	1:43:A:GLU:HG2	1:45:A:LEU:H	11	0.57
(4,422)	1:43:A:GLU:HG3	1:45:A:LEU:H	11	0.57
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD11	13	0.57
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD12	13	0.57
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD13	13	0.57
(4,360)	1:231:A:LEU:HD11	1:234:A:ASN:H	11	0.57
(4,360)	1:231:A:LEU:HD12	1:234:A:ASN:H	11	0.57
(4,360)	1:231:A:LEU:HD13	1:234:A:ASN:H	11	0.57
(4,360)	1:231:A:LEU:HD21	1:234:A:ASN:H	11	0.57
(4,360)	1:231:A:LEU:HD22	1:234:A:ASN:H	11	0.57
(4,360)	1:231:A:LEU:HD23	1:234:A:ASN:H	11	0.57
(4,347)	1:39:A:LEU:HD11	1:55:A:ILE:CD1	5	0.57
(4,347)	1:39:A:LEU:HD12	1:55:A:ILE:CD1	5	0.57
(4,347)	1:39:A:LEU:HD13	1:55:A:ILE:CD1	5	0.57
(4,347)	1:39:A:LEU:HD21	1:55:A:ILE:CD1	5	0.57
(4,347)	1:39:A:LEU:HD22	1:55:A:ILE:CD1	5	0.57
(4,347)	1:39:A:LEU:HD23	1:55:A:ILE:CD1	5	0.57
(4,326)	1:45:A:LEU:HB2	1:203:A:GLU:HB2	16	0.57
(4,326)	1:45:A:LEU:HB2	1:203:A:GLU:HB3	16	0.57
(4,326)	1:45:A:LEU:HB3	1:203:A:GLU:HB2	16	0.57
(4,326)	1:45:A:LEU:HB3	1:203:A:GLU:HB3	16	0.57
(4,299)	1:206:A:LEU:HA	1:210:A:ARG:HB2	8	0.57
(4,299)	1:206:A:LEU:HA	1:210:A:ARG:HB3	8	0.57
(4,230)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HB2	20	0.57
(4,158)	1:100:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	2	0.57
(4,66)	1:198:A:ALA:H	1:200:A:ASP:H	20	0.57
(4,56)	1:129:A:PHE:HD1	1:130:A:ASP:H	3	0.57
(4,56)	1:129:A:PHE:HD2	1:130:A:ASP:H	3	0.57
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD11	6	0.57
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD12	6	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD13	6	0.57
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD21	6	0.57
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD22	6	0.57
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD23	6	0.57
(4,49)	1:106:A:LEU:HD11	1:109:A:GLY:H	19	0.57
(4,49)	1:106:A:LEU:HD12	1:109:A:GLY:H	19	0.57
(4,49)	1:106:A:LEU:HD13	1:109:A:GLY:H	19	0.57
(4,49)	1:106:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:H	19	0.57
(4,49)	1:106:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:H	19	0.57
(4,49)	1:106:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:H	19	0.57
(4,2)	1:59:A:PHE:C	1:166:A:HIS:N	4	0.57
(4,1)	1:30:A:GLU:C	1:234:A:ASN:N	16	0.57
(3,24)	1:54:A:ALA:H	1:231:A:LEU:O	3	0.57
(2,638)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	3	0.57
(1,524)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	13	0.57
(1,500)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	15	0.57
(1,234)	1:100:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	11	0.57
(5,645)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	5	0.56
(5,569)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	2	0.56
(5,552)	1:5:A:ASN:ND2	1:176:A:GLY:H	13	0.56
(5,532)	1:5:A:ASN:ND2	1:163:A:THR:H	13	0.56
(5,512)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	3	0.56
(5,451)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	17	0.56
(4,4304)	1:86:A:VAL:H	1:89:A:ALA:HB1	9	0.56
(4,4304)	1:86:A:VAL:H	1:89:A:ALA:HB2	9	0.56
(4,4304)	1:86:A:VAL:H	1:89:A:ALA:HB3	9	0.56
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG11	1:230:A:GLY:H	14	0.56
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG12	1:230:A:GLY:H	14	0.56
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG13	1:230:A:GLY:H	14	0.56
(4,4175)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:HB2	13	0.56
(4,4175)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:HB3	13	0.56
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	2	0.56
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	2	0.56
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	2	0.56
(4,4122)	1:81:A:TRP:HH2	1:187:A:GLY:H	16	0.56
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD11	8	0.56
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD12	8	0.56
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD13	8	0.56
(4,4090)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:H	4	0.56
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG12	10	0.56
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG13	10	0.56
(4,3966)	1:147:A:GLN:HE21	1:148:A:THR:H	16	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3957)	1:102:A:ASN:H	1:105:A:LEU:H	8	0.56
(4,3955)	1:106:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	6	0.56
(4,3955)	1:106:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	6	0.56
(4,3955)	1:106:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	6	0.56
(4,3943)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:H	16	0.56
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:HA	17	0.56
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:HA	17	0.56
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:HA	17	0.56
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:HA	17	0.56
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:HA	17	0.56
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:HA	17	0.56
(4,3899)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:H	7	0.56
(4,3893)	1:119:A:GLN:HE21	1:125:A:SER:H	19	0.56
(4,3762)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:H	12	0.56
(4,3743)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB2	7	0.56
(4,3707)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:HD1	20	0.56
(4,3680)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	9	0.56
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD11	13	0.56
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD12	13	0.56
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD13	13	0.56
(4,3650)	1:222:A:ASP:HA	1:225:A:ASN:HD21	16	0.56
(4,3650)	1:222:A:ASP:HA	1:225:A:ASN:HD22	16	0.56
(4,3648)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HD21	14	0.56
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	2	0.56
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	2	0.56
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	2	0.56
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD11	11	0.56
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD12	11	0.56
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD13	11	0.56
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD21	11	0.56
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD22	11	0.56
(4,3564)	1:23:A:HIS:HD2	1:27:A:LEU:HD23	11	0.56
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB2	9	0.56
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB3	9	0.56
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB2	9	0.56
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB3	9	0.56
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB2	9	0.56
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB3	9	0.56
(4,3518)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:H	11	0.56
(4,3518)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:H	11	0.56
(4,3489)	1:132:A:VAL:HB	1:135:A:ASP:H	14	0.56
(4,3466)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HE21	1	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3466)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HE22	1	0.56
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HB2	6	0.56
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HB3	6	0.56
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HB2	6	0.56
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HB3	6	0.56
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG11	1:173:A:GLU:H	7	0.56
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG12	1:173:A:GLU:H	7	0.56
(4,3451)	1:171:A:VAL:HG13	1:173:A:GLU:H	7	0.56
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	16	0.56
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	16	0.56
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	16	0.56
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	16	0.56
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	16	0.56
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	16	0.56
(4,3237)	1:150:A:SER:H	1:152:A:GLY:H	6	0.56
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG21	1:179:A:GLU:H	3	0.56
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG22	1:179:A:GLU:H	3	0.56
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG23	1:179:A:GLU:H	3	0.56
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD1	14	0.56
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD2	14	0.56
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD11	1:110:A:SER:H	19	0.56
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD12	1:110:A:SER:H	19	0.56
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD13	1:110:A:SER:H	19	0.56
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD1	13	0.56
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD2	13	0.56
(4,3073)	1:34:A:PHE:HB2	1:230:A:GLY:H	12	0.56
(4,3073)	1:34:A:PHE:HB3	1:230:A:GLY:H	12	0.56
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG21	16	0.56
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG22	16	0.56
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG23	16	0.56
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG21	16	0.56
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG22	16	0.56
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG23	16	0.56
(4,2977)	1:40:A:THR:H	1:41:A:GLU:HG2	12	0.56
(4,2977)	1:40:A:THR:H	1:41:A:GLU:HG3	12	0.56
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	5	0.56
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	5	0.56
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	5	0.56
(4,2958)	1:52:A:VAL:H	1:54:A:ALA:H	17	0.56
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB2	1:168:A:ILE:H	13	0.56
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB3	1:168:A:ILE:H	13	0.56
(4,2929)	1:87:A:LYS:H	1:89:A:ALA:HB1	19	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2929)	1:87:A:LYS:H	1:89:A:ALA:HB2	19	0.56
(4,2929)	1:87:A:LYS:H	1:89:A:ALA:HB3	19	0.56
(4,2910)	1:138:A:VAL:HB	1:141:A:VAL:HB	16	0.56
(4,2867)	1:36:A:ILE:HD11	1:55:A:ILE:HB	6	0.56
(4,2867)	1:36:A:ILE:HD12	1:55:A:ILE:HB	6	0.56
(4,2867)	1:36:A:ILE:HD13	1:55:A:ILE:HB	6	0.56
(4,2841)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:H	6	0.56
(4,2836)	1:98:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	12	0.56
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD1	3	0.56
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD2	3	0.56
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD11	14	0.56
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD12	14	0.56
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD13	14	0.56
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD21	14	0.56
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD22	14	0.56
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD23	14	0.56
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG21	1:229:A:LEU:H	12	0.56
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG22	1:229:A:LEU:H	12	0.56
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG23	1:229:A:LEU:H	12	0.56
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD11	20	0.56
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD12	20	0.56
(4,2587)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HD13	20	0.56
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD11	1:201:A:LEU:H	15	0.56
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD12	1:201:A:LEU:H	15	0.56
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD13	1:201:A:LEU:H	15	0.56
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:CD2	5	0.56
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:CD2	5	0.56
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:CD2	5	0.56
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD1	18	0.56
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD2	18	0.56
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG2	9	0.56
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG3	9	0.56
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG2	9	0.56
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG3	9	0.56
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:H	9	0.56
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:H	9	0.56
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:H	9	0.56
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:H	9	0.56
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:H	9	0.56
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:H	9	0.56
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB1	1	0.56
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB2	1	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB3	1	0.56
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB1	1	0.56
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB2	1	0.56
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB3	1	0.56
(4,2337)	1:147:A:GLN:H	1:147:A:GLN:HE22	3	0.56
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD11	1:114:A:ASN:H	13	0.56
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD12	1:114:A:ASN:H	13	0.56
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD13	1:114:A:ASN:H	13	0.56
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	14	0.56
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	14	0.56
(4,2182)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HB2	20	0.56
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD2	1	0.56
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD3	1	0.56
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD2	1	0.56
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD3	1	0.56
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG21	20	0.56
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG22	20	0.56
(4,2117)	1:196:A:PRO:HG3	1:197:A:THR:HG23	20	0.56
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	16	0.56
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	16	0.56
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	16	0.56
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG11	18	0.56
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG12	18	0.56
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG13	18	0.56
(4,2041)	1:95:A:ILE:HA	1:98:A:SER:HA	20	0.56
(4,2018)	1:98:A:SER:H	1:169:A:THR:HG1	8	0.56
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG11	14	0.56
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG12	14	0.56
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG13	14	0.56
(4,1884)	1:38:A:SER:HB2	1:44:A:LEU:H	4	0.56
(4,1884)	1:38:A:SER:HB3	1:44:A:LEU:H	4	0.56
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD11	7	0.56
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD12	7	0.56
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD13	7	0.56
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD21	7	0.56
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD22	7	0.56
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD23	7	0.56
(4,1811)	1:104:A:SER:HB2	1:106:A:LEU:H	14	0.56
(4,1811)	1:104:A:SER:HB3	1:106:A:LEU:H	14	0.56
(4,1809)	1:81:A:TRP:HZ2	1:184:A:ASN:H	17	0.56
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG21	1:215:A:MET:H	1	0.56
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG22	1:215:A:MET:H	1	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG23	1:215:A:MET:H	1	0.56
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD11	4	0.56
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD12	4	0.56
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD13	4	0.56
(4,1676)	1:172:A:GLU:HB3	1:176:A:GLY:H	2	0.56
(4,1623)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HE1	1	0.56
(4,1623)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HE2	1	0.56
(4,1590)	1:15:A:PRO:HG2	1:34:A:PHE:HA	3	0.56
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB2	1:210:A:ARG:HB2	20	0.56
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB2	1:210:A:ARG:HB3	20	0.56
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB3	1:210:A:ARG:HB2	20	0.56
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB3	1:210:A:ARG:HB3	20	0.56
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD11	1	0.56
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD12	1	0.56
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD13	1	0.56
(4,1557)	1:213:A:SER:HA	1:217:A:ASN:HD21	10	0.56
(4,1557)	1:213:A:SER:HA	1:217:A:ASN:HD22	10	0.56
(4,1540)	1:33:A:TYR:HD1	1:231:A:LEU:H	8	0.56
(4,1540)	1:33:A:TYR:HD2	1:231:A:LEU:H	8	0.56
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG11	4	0.56
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG12	4	0.56
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG13	4	0.56
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG21	4	0.56
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG22	4	0.56
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG23	4	0.56
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD1	1:215:A:MET:H	15	0.56
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD2	1:215:A:MET:H	15	0.56
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	2	0.56
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	2	0.56
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	2	0.56
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	2	0.56
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	2	0.56
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	2	0.56
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB2	7	0.56
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB2	7	0.56
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB2	7	0.56
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG11	20	0.56
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG12	20	0.56
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG13	20	0.56
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD1	1:227:A:ALA:H	19	0.56
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD2	1:227:A:ALA:H	19	0.56
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD21	4	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD22	4	0.56
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD23	4	0.56
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD21	4	0.56
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD22	4	0.56
(4,1417)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD23	4	0.56
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB2	1:206:A:LEU:HD21	14	0.56
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB2	1:206:A:LEU:HD22	14	0.56
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB2	1:206:A:LEU:HD23	14	0.56
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB3	1:206:A:LEU:HD21	14	0.56
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB3	1:206:A:LEU:HD22	14	0.56
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB3	1:206:A:LEU:HD23	14	0.56
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB2	3	0.56
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB3	3	0.56
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:H	5	0.56
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:H	5	0.56
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:H	18	0.56
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:H	18	0.56
(4,1099)	1:45:A:LEU:HG	1:202:A:ILE:HB	18	0.56
(4,1098)	1:203:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HG2	18	0.56
(4,1098)	1:203:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HG3	18	0.56
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG21	20	0.56
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG22	20	0.56
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG23	20	0.56
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE1	11	0.56
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE2	11	0.56
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD11	7	0.56
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD12	7	0.56
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD13	7	0.56
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD11	11	0.56
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD12	11	0.56
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD13	11	0.56
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD21	11	0.56
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD22	11	0.56
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD23	11	0.56
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD11	11	0.56
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD12	11	0.56
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD13	11	0.56
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD21	11	0.56
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD22	11	0.56
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD23	11	0.56
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD11	11	0.56
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD12	11	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD13	11	0.56
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD21	11	0.56
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD22	11	0.56
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD23	11	0.56
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD11	3	0.56
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD12	3	0.56
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD13	3	0.56
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD21	3	0.56
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD22	3	0.56
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD23	3	0.56
(4,870)	1:34:A:PHE:H	1:232:A:GLY:H	20	0.56
(4,856)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HB2	3	0.56
(4,856)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HB3	3	0.56
(4,839)	1:216:A:GLU:HB2	1:217:A:ASN:HD21	6	0.56
(4,839)	1:216:A:GLU:HB3	1:217:A:ASN:HD21	6	0.56
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD11	16	0.56
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD12	16	0.56
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD13	16	0.56
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD11	16	0.56
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD12	16	0.56
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD13	16	0.56
(4,770)	1:39:A:LEU:HA	1:41:A:GLU:HB2	17	0.56
(4,720)	1:56:A:VAL:HG11	1:169:A:THR:H	1	0.56
(4,720)	1:56:A:VAL:HG12	1:169:A:THR:H	1	0.56
(4,720)	1:56:A:VAL:HG13	1:169:A:THR:H	1	0.56
(4,717)	1:31:A:TRP:HE3	1:32:A:ALA:H	17	0.56
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD11	19	0.56
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD12	19	0.56
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD13	19	0.56
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD21	19	0.56
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD22	19	0.56
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD23	19	0.56
(4,608)	1:77:A:TYR:H	1:77:A:TYR:HE1	14	0.56
(4,608)	1:77:A:TYR:H	1:77:A:TYR:HE2	14	0.56
(4,598)	1:79:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:H	2	0.56
(4,598)	1:79:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:H	2	0.56
(4,598)	1:79:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:H	2	0.56
(4,598)	1:79:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:H	2	0.56
(4,598)	1:79:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:H	2	0.56
(4,598)	1:79:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:H	2	0.56
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD11	7	0.56
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD12	7	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD13	7	0.56
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD21	7	0.56
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD22	7	0.56
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD23	7	0.56
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD21	4	0.56
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD22	4	0.56
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD11	15	0.56
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD12	15	0.56
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD13	15	0.56
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD11	2	0.56
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD12	2	0.56
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD13	2	0.56
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD21	2	0.56
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD22	2	0.56
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD23	2	0.56
(4,514)	1:109:A:GLY:HA2	1:113:A:ASP:H	18	0.56
(4,506)	1:22:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD11	8	0.56
(4,506)	1:22:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD12	8	0.56
(4,506)	1:22:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD13	8	0.56
(4,506)	1:22:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD11	8	0.56
(4,506)	1:22:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD12	8	0.56
(4,506)	1:22:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD13	8	0.56
(4,506)	1:22:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD11	8	0.56
(4,506)	1:22:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD12	8	0.56
(4,506)	1:22:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD13	8	0.56
(4,492)	1:92:A:LEU:HD21	1:93:A:TYR:HD1	15	0.56
(4,492)	1:92:A:LEU:HD21	1:93:A:TYR:HD2	15	0.56
(4,492)	1:92:A:LEU:HD22	1:93:A:TYR:HD1	15	0.56
(4,492)	1:92:A:LEU:HD22	1:93:A:TYR:HD2	15	0.56
(4,492)	1:92:A:LEU:HD23	1:93:A:TYR:HD1	15	0.56
(4,492)	1:92:A:LEU:HD23	1:93:A:TYR:HD2	15	0.56
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG21	4	0.56
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG22	4	0.56
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG23	4	0.56
(4,468)	1:81:A:TRP:HE1	1:183:A:ARG:H	11	0.56
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD1	3	0.56
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD2	3	0.56
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD11	7	0.56
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD12	7	0.56
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD13	7	0.56
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD21	7	0.56
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD22	7	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD23	7	0.56
(4,370)	1:216:A:GLU:HG2	1:217:A:ASN:HD21	2	0.56
(4,370)	1:216:A:GLU:HG2	1:217:A:ASN:HD22	2	0.56
(4,370)	1:216:A:GLU:HG3	1:217:A:ASN:HD21	2	0.56
(4,370)	1:216:A:GLU:HG3	1:217:A:ASN:HD22	2	0.56
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG21	8	0.56
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG22	8	0.56
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG23	8	0.56
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG21	16	0.56
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG22	16	0.56
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG23	16	0.56
(4,149)	1:234:A:ASN:HD21	1:236:A:GLU:H	16	0.56
(4,141)	1:170:A:TYR:HE1	1:211:A:VAL:H	18	0.56
(4,141)	1:170:A:TYR:HE2	1:211:A:VAL:H	18	0.56
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD21	15	0.56
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD22	15	0.56
(4,67)	1:21:A:PHE:HD1	1:91:A:GLY:HA2	17	0.56
(4,67)	1:21:A:PHE:HD1	1:91:A:GLY:HA3	17	0.56
(4,67)	1:21:A:PHE:HD2	1:91:A:GLY:HA2	17	0.56
(4,67)	1:21:A:PHE:HD2	1:91:A:GLY:HA3	17	0.56
(4,56)	1:129:A:PHE:HD1	1:130:A:ASP:H	11	0.56
(4,56)	1:129:A:PHE:HD2	1:130:A:ASP:H	11	0.56
(4,8)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA3	4	0.56
(4,8)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA3	4	0.56
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD11	8	0.56
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD12	8	0.56
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD13	8	0.56
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD21	8	0.56
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD22	8	0.56
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD23	8	0.56
(4,1)	1:30:A:GLU:C	1:234:A:ASN:N	20	0.56
(3,24)	1:54:A:ALA:H	1:231:A:LEU:O	9	0.56
(3,12)	1:34:A:PHE:O	1:230:A:GLY:H	20	0.56
(3,3)	1:179:A:GLU:O	1:189:A:LEU:H	2	0.56
(2,88)	1:104:A:SER:OG	1:106:A:LEU:H	10	0.56
(1,259)	1:5:A:ASN:ND2	1:53:A:LYS:H	6	0.56
(1,188)	1:161:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	11	0.56
(1,179)	1:57:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	20	0.56
(1,99)	1:7:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	5	0.56
(5,653)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	9	0.55
(5,498)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	19	0.55
(5,424)	1:5:A:ASN:ND2	1:41:A:GLU:H	4	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,343)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	2	0.55
(5,312)	1:149:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	9	0.55
(5,72)	1:59:A:PHE:H	1:104:A:SER:OG	15	0.55
(5,72)	1:59:A:PHE:H	1:104:A:SER:OG	16	0.55
(4,4262)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HB	12	0.55
(4,4243)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG11	8	0.55
(4,4243)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG12	8	0.55
(4,4243)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG13	8	0.55
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE1	3	0.55
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE2	3	0.55
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE21	5	0.55
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE22	5	0.55
(4,4214)	1:55:A:ILE:H	1:56:A:VAL:HB	5	0.55
(4,4209)	1:101:A:ASN:H	1:102:A:ASN:HD21	20	0.55
(4,4209)	1:101:A:ASN:H	1:102:A:ASN:HD22	20	0.55
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG2	16	0.55
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG3	16	0.55
(4,4179)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:HD1	19	0.55
(4,4094)	1:86:A:VAL:H	1:93:A:TYR:HD1	4	0.55
(4,4094)	1:86:A:VAL:H	1:93:A:TYR:HD2	4	0.55
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:HG11	5	0.55
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:HG12	5	0.55
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:HG13	5	0.55
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:HG11	5	0.55
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:HG12	5	0.55
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:HG13	5	0.55
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:HG11	5	0.55
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:HG12	5	0.55
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:HG13	5	0.55
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE21	6	0.55
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE22	6	0.55
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE21	18	0.55
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE22	18	0.55
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD11	20	0.55
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD12	20	0.55
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD13	20	0.55
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD11	20	0.55
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD12	20	0.55
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD13	20	0.55
(4,3933)	1:19:A:THR:HG1	1:22:A:ALA:H	16	0.55
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD11	2	0.55
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD12	2	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD13	2	0.55
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD21	2	0.55
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD22	2	0.55
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD23	2	0.55
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:HA	13	0.55
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:HA	13	0.55
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:HA	13	0.55
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HA	13	0.55
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HA	13	0.55
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HA	13	0.55
(4,3777)	1:178:A:PHE:HD1	1:191:A:LEU:H	19	0.55
(4,3777)	1:178:A:PHE:HD2	1:191:A:LEU:H	19	0.55
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB2	1:172:A:GLU:H	5	0.55
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB3	1:172:A:GLU:H	5	0.55
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG21	18	0.55
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG22	18	0.55
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG23	18	0.55
(4,3720)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:H	20	0.55
(4,3720)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:H	20	0.55
(4,3720)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:H	20	0.55
(4,3707)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:HD1	12	0.55
(4,3680)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	14	0.55
(4,3651)	1:51:A:PRO:HB3	1:201:A:LEU:H	18	0.55
(4,3590)	1:40:A:THR:H	1:41:A:GLU:HB3	15	0.55
(4,3587)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:H	18	0.55
(4,3570)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD21	7	0.55
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:CD2	6	0.55
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:CD2	6	0.55
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:CD2	6	0.55
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HB2	20	0.55
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HB3	20	0.55
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HB2	20	0.55
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HB3	20	0.55
(4,3428)	1:41:A:GLU:HB2	1:45:A:LEU:H	7	0.55
(4,3427)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HB3	7	0.55
(4,3402)	1:30:A:GLU:HG2	1:31:A:TRP:HE1	10	0.55
(4,3389)	1:81:A:TRP:HZ2	1:186:A:SER:H	3	0.55
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG21	8	0.55
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG22	8	0.55
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG23	8	0.55
(4,3370)	1:198:A:ALA:H	1:204:A:GLN:HE21	1	0.55
(4,3364)	1:65:A:ARG:HA	1:67:A:SER:HB2	4	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3364)	1:65:A:ARG:HA	1:67:A:SER:HB3	4	0.55
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE1	7	0.55
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE2	7	0.55
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE1	7	0.55
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE2	7	0.55
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE1	7	0.55
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE2	7	0.55
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	2	0.55
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	2	0.55
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	2	0.55
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	2	0.55
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	2	0.55
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	2	0.55
(4,3207)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:H	15	0.55
(4,3205)	1:201:A:LEU:H	1:204:A:GLN:HG2	6	0.55
(4,3205)	1:201:A:LEU:H	1:204:A:GLN:HG3	6	0.55
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG12	6	0.55
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG13	6	0.55
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB2	1	0.55
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB3	1	0.55
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB2	1	0.55
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB3	1	0.55
(4,3133)	1:18:A:PHE:H	1:18:A:PHE:HE1	19	0.55
(4,3133)	1:18:A:PHE:H	1:18:A:PHE:HE2	19	0.55
(4,3073)	1:34:A:PHE:HB2	1:230:A:GLY:H	20	0.55
(4,3073)	1:34:A:PHE:HB3	1:230:A:GLY:H	20	0.55
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE1	8	0.55
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE2	8	0.55
(4,2963)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:H	8	0.55
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB2	13	0.55
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB3	13	0.55
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB2	1:214:A:TYR:HD1	3	0.55
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB2	1:214:A:TYR:HD2	3	0.55
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB3	1:214:A:TYR:HD1	3	0.55
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB3	1:214:A:TYR:HD2	3	0.55
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:H	4	0.55
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:H	4	0.55
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB1	2	0.55
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB2	2	0.55
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB3	2	0.55
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB1	4	0.55
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB2	4	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB3	4	0.55
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD1	20	0.55
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD2	20	0.55
(4,2796)	1:41:A:GLU:HB3	1:43:A:GLU:HA	14	0.55
(4,2795)	1:119:A:GLN:HE21	1:127:A:ASN:H	19	0.55
(4,2598)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:HD22	18	0.55
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD11	5	0.55
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD12	5	0.55
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD13	5	0.55
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD11	5	0.55
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD12	5	0.55
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD13	5	0.55
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD1	3	0.55
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD2	3	0.55
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD1	3	0.55
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD2	3	0.55
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD1	3	0.55
(4,2473)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD2	3	0.55
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD11	14	0.55
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD12	14	0.55
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD13	14	0.55
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD11	14	0.55
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD12	14	0.55
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD13	14	0.55
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD11	3	0.55
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD12	3	0.55
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD13	3	0.55
(4,2288)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	3	0.55
(4,2285)	1:177:A:ILE:HG12	1:195:A:ASP:H	1	0.55
(4,2285)	1:177:A:ILE:HG13	1:195:A:ASP:H	1	0.55
(4,2266)	1:214:A:TYR:HA	1:217:A:ASN:HD21	18	0.55
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD21	1:104:A:SER:H	18	0.55
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD22	1:104:A:SER:H	18	0.55
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD11	1:114:A:ASN:H	5	0.55
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD12	1:114:A:ASN:H	5	0.55
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD13	1:114:A:ASN:H	5	0.55
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD11	8	0.55
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD12	8	0.55
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD13	8	0.55
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD11	8	0.55
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD12	8	0.55
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD13	8	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD11	8	0.55
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD12	8	0.55
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD13	8	0.55
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD11	8	0.55
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD12	8	0.55
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD13	8	0.55
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD11	8	0.55
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD12	8	0.55
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD13	8	0.55
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD11	8	0.55
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD12	8	0.55
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD13	8	0.55
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	19	0.55
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	19	0.55
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	19	0.55
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	18	0.55
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	18	0.55
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	18	0.55
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD11	10	0.55
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD12	10	0.55
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD13	10	0.55
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD21	10	0.55
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD22	10	0.55
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD23	10	0.55
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD11	10	0.55
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD12	10	0.55
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD13	10	0.55
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD21	10	0.55
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD22	10	0.55
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD23	10	0.55
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD11	10	0.55
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD12	10	0.55
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD13	10	0.55
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD21	10	0.55
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD22	10	0.55
(4,2201)	1:54:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD23	10	0.55
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:H	17	0.55
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:H	17	0.55
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:H	17	0.55
(4,2144)	1:81:A:TRP:HH2	1:84:A:GLN:H	4	0.55
(4,2086)	1:61:A:ILE:HB	1:164:A:ASN:HD21	9	0.55
(4,2041)	1:95:A:ILE:HA	1:98:A:SER:HA	7	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:H	10	0.55
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:H	10	0.55
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:H	10	0.55
(4,1769)	1:5:A:ASN:HD22	1:6:A:ARG:H	13	0.55
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG2	5	0.55
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG3	5	0.55
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG2	5	0.55
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG3	5	0.55
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG2	5	0.55
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG3	5	0.55
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD11	1:111:A:ASP:H	13	0.55
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD12	1:111:A:ASP:H	13	0.55
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD13	1:111:A:ASP:H	13	0.55
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD21	1:111:A:ASP:H	13	0.55
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD22	1:111:A:ASP:H	13	0.55
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD23	1:111:A:ASP:H	13	0.55
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG11	1:208:A:ARG:HD2	4	0.55
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG11	1:208:A:ARG:HD3	4	0.55
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG12	1:208:A:ARG:HD2	4	0.55
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG12	1:208:A:ARG:HD3	4	0.55
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG13	1:208:A:ARG:HD2	4	0.55
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG13	1:208:A:ARG:HD3	4	0.55
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG21	1:208:A:ARG:HD2	4	0.55
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG21	1:208:A:ARG:HD3	4	0.55
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG22	1:208:A:ARG:HD2	4	0.55
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG22	1:208:A:ARG:HD3	4	0.55
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG23	1:208:A:ARG:HD2	4	0.55
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG23	1:208:A:ARG:HD3	4	0.55
(4,1577)	1:55:A:ILE:H	1:172:A:GLU:H	9	0.55
(4,1559)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:H	4	0.55
(4,1522)	1:218:A:ALA:HB1	1:223:A:VAL:HB	18	0.55
(4,1522)	1:218:A:ALA:HB2	1:223:A:VAL:HB	18	0.55
(4,1522)	1:218:A:ALA:HB3	1:223:A:VAL:HB	18	0.55
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD1	1:56:A:VAL:HG21	12	0.55
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD1	1:56:A:VAL:HG22	12	0.55
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD1	1:56:A:VAL:HG23	12	0.55
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD2	1:56:A:VAL:HG21	12	0.55
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD2	1:56:A:VAL:HG22	12	0.55
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD2	1:56:A:VAL:HG23	12	0.55
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HA	20	0.55
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HA	20	0.55
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HA	20	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1496)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HB2	12	0.55
(4,1496)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HB3	12	0.55
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD11	1:189:A:LEU:HD11	10	0.55
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD11	1:189:A:LEU:HD12	10	0.55
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD11	1:189:A:LEU:HD13	10	0.55
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD11	1:189:A:LEU:HD21	10	0.55
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD11	1:189:A:LEU:HD22	10	0.55
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD11	1:189:A:LEU:HD23	10	0.55
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD12	1:189:A:LEU:HD11	10	0.55
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD12	1:189:A:LEU:HD12	10	0.55
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD12	1:189:A:LEU:HD13	10	0.55
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD12	1:189:A:LEU:HD21	10	0.55
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD12	1:189:A:LEU:HD22	10	0.55
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD12	1:189:A:LEU:HD23	10	0.55
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD13	1:189:A:LEU:HD11	10	0.55
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD13	1:189:A:LEU:HD12	10	0.55
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD13	1:189:A:LEU:HD13	10	0.55
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD13	1:189:A:LEU:HD21	10	0.55
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD13	1:189:A:LEU:HD22	10	0.55
(4,1409)	1:73:A:ILE:HD13	1:189:A:LEU:HD23	10	0.55
(4,1341)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:HD21	1	0.55
(4,1341)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:HD22	1	0.55
(4,1341)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:HD23	1	0.55
(4,1192)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB3	7	0.55
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD21	1:114:A:ASN:H	4	0.55
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD22	1:114:A:ASN:H	4	0.55
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD23	1:114:A:ASN:H	4	0.55
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE21	20	0.55
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE22	20	0.55
(4,1143)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:H	4	0.55
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG11	1:22:A:ALA:H	3	0.55
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG12	1:22:A:ALA:H	3	0.55
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG13	1:22:A:ALA:H	3	0.55
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG21	1:22:A:ALA:H	3	0.55
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG22	1:22:A:ALA:H	3	0.55
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG23	1:22:A:ALA:H	3	0.55
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG11	1:22:A:ALA:H	15	0.55
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG12	1:22:A:ALA:H	15	0.55
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG13	1:22:A:ALA:H	15	0.55
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG21	1:22:A:ALA:H	15	0.55
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG22	1:22:A:ALA:H	15	0.55
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG23	1:22:A:ALA:H	15	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1053)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:H	18	0.55
(4,992)	1:81:A:TRP:HE1	1:84:A:GLN:H	16	0.55
(4,992)	1:81:A:TRP:HE1	1:84:A:GLN:H	20	0.55
(4,983)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:H	6	0.55
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD11	12	0.55
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD12	12	0.55
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD13	12	0.55
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD11	12	0.55
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD12	12	0.55
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD13	12	0.55
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD11	12	0.55
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD12	12	0.55
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD13	12	0.55
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB2	18	0.55
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB3	18	0.55
(4,866)	1:36:A:ILE:HB	1:38:A:SER:HA	8	0.55
(4,851)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE21	3	0.55
(4,851)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE21	3	0.55
(4,851)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE21	3	0.55
(4,851)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE21	3	0.55
(4,851)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE21	3	0.55
(4,851)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE21	3	0.55
(4,851)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE21	18	0.55
(4,851)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE21	18	0.55
(4,851)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE21	18	0.55
(4,851)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE21	18	0.55
(4,851)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE21	18	0.55
(4,851)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE21	18	0.55
(4,829)	1:73:A:ILE:HD11	1:187:A:GLY:H	7	0.55
(4,829)	1:73:A:ILE:HD12	1:187:A:GLY:H	7	0.55
(4,829)	1:73:A:ILE:HD13	1:187:A:GLY:H	7	0.55
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB2	6	0.55
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB3	6	0.55
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG11	6	0.55
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG12	6	0.55
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG13	6	0.55
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG21	6	0.55
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG22	6	0.55
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG23	6	0.55
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG21	7	0.55
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG22	7	0.55
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG23	7	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,673)	1:172:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:H	3	0.55
(4,629)	1:57:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:H	19	0.55
(4,629)	1:57:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:H	19	0.55
(4,629)	1:57:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:H	19	0.55
(4,584)	1:219:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB2	5	0.55
(4,584)	1:219:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB3	5	0.55
(4,584)	1:219:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB2	5	0.55
(4,584)	1:219:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB3	5	0.55
(4,580)	1:106:A:LEU:HB2	1:113:A:ASP:H	4	0.55
(4,580)	1:106:A:LEU:HB3	1:113:A:ASP:H	4	0.55
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG11	8	0.55
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG12	8	0.55
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG13	8	0.55
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG21	8	0.55
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG22	8	0.55
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG23	8	0.55
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG11	8	0.55
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG12	8	0.55
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG13	8	0.55
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG21	8	0.55
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG22	8	0.55
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG23	8	0.55
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG11	8	0.55
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG12	8	0.55
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG13	8	0.55
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG21	8	0.55
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG22	8	0.55
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG23	8	0.55
(4,514)	1:109:A:GLY:HA2	1:113:A:ASP:H	10	0.55
(4,500)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HB	6	0.55
(4,435)	1:58:A:LEU:H	1:59:A:PHE:HD1	3	0.55
(4,435)	1:58:A:LEU:H	1:59:A:PHE:HD2	3	0.55
(4,376)	1:170:A:TYR:H	1:170:A:TYR:HD1	11	0.55
(4,376)	1:170:A:TYR:H	1:170:A:TYR:HD2	11	0.55
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD21	5	0.55
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD22	5	0.55
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD23	5	0.55
(4,345)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HB2	15	0.55
(4,345)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HB3	15	0.55
(4,313)	1:79:A:VAL:HG11	1:179:A:GLU:H	15	0.55
(4,313)	1:79:A:VAL:HG12	1:179:A:GLU:H	15	0.55
(4,313)	1:79:A:VAL:HG13	1:179:A:GLU:H	15	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB2	8	0.55
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB3	8	0.55
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB2	8	0.55
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB3	8	0.55
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB2	12	0.55
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB3	12	0.55
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD11	3	0.55
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD12	3	0.55
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD13	3	0.55
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD21	3	0.55
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD22	3	0.55
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD23	3	0.55
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD11	3	0.55
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD12	3	0.55
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD13	3	0.55
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD21	3	0.55
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD22	3	0.55
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD23	3	0.55
(4,251)	1:28:A:LYS:HB3	1:29:A:ASN:HD21	9	0.55
(4,183)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:HG12	12	0.55
(4,183)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:HG13	12	0.55
(4,183)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:HG12	12	0.55
(4,183)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:HG13	12	0.55
(4,183)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:HG12	12	0.55
(4,183)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:HG13	12	0.55
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD21	15	0.55
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD22	15	0.55
(4,153)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD23	15	0.55
(4,142)	1:190:A:TYR:HA	1:191:A:LEU:HG	12	0.55
(4,113)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:HA	13	0.55
(4,113)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:HA	13	0.55
(4,96)	1:115:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HG3	8	0.55
(4,96)	1:115:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HG3	8	0.55
(4,66)	1:198:A:ALA:H	1:200:A:ASP:H	2	0.55
(4,64)	1:81:A:TRP:HZ2	1:183:A:ARG:H	11	0.55
(4,2)	1:59:A:PHE:C	1:166:A:HIS:N	10	0.55
(4,1)	1:30:A:GLU:C	1:234:A:ASN:N	7	0.55
(3,12)	1:34:A:PHE:O	1:230:A:GLY:H	9	0.55
(2,538)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	6	0.55
(2,514)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	2	0.55
(1,190)	1:102:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	10	0.55
(5,748)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	4	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,370)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	15	0.54
(5,353)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	15	0.54
(4,4243)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG11	14	0.54
(4,4243)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG12	14	0.54
(4,4243)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG13	14	0.54
(4,4235)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:H	1	0.54
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB2	1:173:A:GLU:H	5	0.54
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB3	1:173:A:GLU:H	5	0.54
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG2	4	0.54
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG3	4	0.54
(4,4152)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HA	13	0.54
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD11	6	0.54
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD12	6	0.54
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD13	6	0.54
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD21	6	0.54
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD22	6	0.54
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD23	6	0.54
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD11	6	0.54
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD12	6	0.54
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD13	6	0.54
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD21	6	0.54
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD22	6	0.54
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD23	6	0.54
(4,4090)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:H	16	0.54
(4,4063)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:HB2	10	0.54
(4,4063)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:HB3	10	0.54
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE1	10	0.54
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE2	10	0.54
(4,3949)	1:140:A:ASN:H	1:143:A:LYS:HB2	20	0.54
(4,3949)	1:140:A:ASN:H	1:143:A:LYS:HB3	20	0.54
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	13	0.54
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	13	0.54
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	13	0.54
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	14	0.54
(4,3940)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	14	0.54
(4,3933)	1:19:A:THR:HG1	1:22:A:ALA:H	6	0.54
(4,3933)	1:19:A:THR:HG1	1:22:A:ALA:H	15	0.54
(4,3929)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:H	12	0.54
(4,3929)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:H	14	0.54
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:H	5	0.54
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:H	5	0.54
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:H	5	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3779)	1:31:A:TRP:HE1	1:233:A:PRO:HA	8	0.54
(4,3750)	1:200:A:ASP:H	1:203:A:GLU:HG2	4	0.54
(4,3750)	1:200:A:ASP:H	1:203:A:GLU:HG3	4	0.54
(4,3659)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:H	4	0.54
(4,3611)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:H	16	0.54
(4,3611)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:H	16	0.54
(4,3611)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:H	16	0.54
(4,3576)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:HD21	8	0.54
(4,3576)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:HD21	11	0.54
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE1	20	0.54
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE2	20	0.54
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	18	0.54
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	18	0.54
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	18	0.54
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	18	0.54
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	18	0.54
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	18	0.54
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	19	0.54
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	19	0.54
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	19	0.54
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	19	0.54
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	19	0.54
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	19	0.54
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	4	0.54
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	4	0.54
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	4	0.54
(4,3437)	1:81:A:TRP:HZ2	1:187:A:GLY:H	10	0.54
(4,3427)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HB3	12	0.54
(4,3427)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HB3	15	0.54
(4,3413)	1:149:A:PHE:H	1:151:A:THR:H	1	0.54
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HD11	18	0.54
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HD12	18	0.54
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HD13	18	0.54
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HD11	18	0.54
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HD12	18	0.54
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HD13	18	0.54
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HD11	18	0.54
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HD12	18	0.54
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HD13	18	0.54
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG21	1:203:A:GLU:H	3	0.54
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG22	1:203:A:GLU:H	3	0.54
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG23	1:203:A:GLU:H	3	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD21	14	0.54
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD22	14	0.54
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD23	14	0.54
(4,3246)	1:79:A:VAL:HG11	1:188:A:PRO:HB3	2	0.54
(4,3246)	1:79:A:VAL:HG12	1:188:A:PRO:HB3	2	0.54
(4,3246)	1:79:A:VAL:HG13	1:188:A:PRO:HB3	2	0.54
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD11	6	0.54
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD12	6	0.54
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD13	6	0.54
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD21	6	0.54
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD22	6	0.54
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD23	6	0.54
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD11	15	0.54
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD12	15	0.54
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD13	15	0.54
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD21	15	0.54
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD22	15	0.54
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD23	15	0.54
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD11	16	0.54
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD12	16	0.54
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD13	16	0.54
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD21	16	0.54
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD22	16	0.54
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD23	16	0.54
(4,3194)	1:45:A:LEU:HD11	1:202:A:ILE:H	10	0.54
(4,3194)	1:45:A:LEU:HD12	1:202:A:ILE:H	10	0.54
(4,3194)	1:45:A:LEU:HD13	1:202:A:ILE:H	10	0.54
(4,3168)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:CG2	20	0.54
(4,3168)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:CG2	20	0.54
(4,3168)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:CG2	20	0.54
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD1	4	0.54
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD2	4	0.54
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD1	8	0.54
(4,3092)	1:225:A:ASN:HA	1:226:A:PHE:HD2	8	0.54
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD21	14	0.54
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD22	14	0.54
(4,3010)	1:81:A:TRP:H	1:127:A:ASN:HD22	8	0.54
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD11	6	0.54
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD12	6	0.54
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD13	6	0.54
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD21	6	0.54
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD22	6	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD23	6	0.54
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD11	6	0.54
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD12	6	0.54
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD13	6	0.54
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD21	6	0.54
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD22	6	0.54
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD23	6	0.54
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD11	6	0.54
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD12	6	0.54
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD13	6	0.54
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD21	6	0.54
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD22	6	0.54
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD23	6	0.54
(4,2979)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:HB2	18	0.54
(4,2979)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:HB3	18	0.54
(4,2951)	1:106:A:LEU:HG	1:110:A:SER:HB2	12	0.54
(4,2951)	1:106:A:LEU:HG	1:110:A:SER:HB3	12	0.54
(4,2893)	1:153:A:GLN:HA	1:157:A:PRO:HD3	8	0.54
(4,2876)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:H	18	0.54
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD11	3	0.54
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD12	3	0.54
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD13	3	0.54
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD11	3	0.54
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD12	3	0.54
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD13	3	0.54
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD11	3	0.54
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD12	3	0.54
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD13	3	0.54
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD11	15	0.54
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD12	15	0.54
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD13	15	0.54
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD11	15	0.54
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD12	15	0.54
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD13	15	0.54
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD11	15	0.54
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD12	15	0.54
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD13	15	0.54
(4,2796)	1:41:A:GLU:HB3	1:43:A:GLU:HA	7	0.54
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD21	3	0.54
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD22	3	0.54
(4,2732)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:H	18	0.54
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD1	1:190:A:TYR:H	5	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD2	1:190:A:TYR:H	5	0.54
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD11	1:144:A:GLU:H	14	0.54
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD12	1:144:A:GLU:H	14	0.54
(4,2627)	1:142:A:ILE:HD13	1:144:A:GLU:H	14	0.54
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB1	1:215:A:MET:HB2	1	0.54
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB2	1:215:A:MET:HB2	1	0.54
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB3	1:215:A:MET:HB2	1	0.54
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD11	7	0.54
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD12	7	0.54
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD13	7	0.54
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD21	7	0.54
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD22	7	0.54
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD23	7	0.54
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG2	1:110:A:SER:H	12	0.54
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG3	1:110:A:SER:H	12	0.54
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:H	16	0.54
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:H	16	0.54
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:H	16	0.54
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD21	1:167:A:TYR:H	16	0.54
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD22	1:167:A:TYR:H	16	0.54
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD23	1:167:A:TYR:H	16	0.54
(4,2372)	1:146:A:VAL:HA	1:148:A:THR:HA	10	0.54
(4,2346)	1:74:A:THR:HB	1:76:A:SER:H	18	0.54
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD11	1:114:A:ASN:H	18	0.54
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD12	1:114:A:ASN:H	18	0.54
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD13	1:114:A:ASN:H	18	0.54
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD11	1:114:A:ASN:H	19	0.54
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD12	1:114:A:ASN:H	19	0.54
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD13	1:114:A:ASN:H	19	0.54
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HB2	14	0.54
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HB2	14	0.54
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD2	19	0.54
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD3	19	0.54
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD2	19	0.54
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD3	19	0.54
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD2	20	0.54
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD3	20	0.54
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD2	20	0.54
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD3	20	0.54
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG21	1:54:A:ALA:HA	17	0.54
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG22	1:54:A:ALA:HA	17	0.54
(4,2160)	1:52:A:VAL:HG23	1:54:A:ALA:HA	17	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2151)	1:45:A:LEU:HB2	1:48:A:LEU:H	20	0.54
(4,2151)	1:45:A:LEU:HB3	1:48:A:LEU:H	20	0.54
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:H	18	0.54
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:H	18	0.54
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD21	1:147:A:GLN:H	2	0.54
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD22	1:147:A:GLN:H	2	0.54
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:HA	17	0.54
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:HA	17	0.54
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:HA	17	0.54
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:HA	17	0.54
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:HA	17	0.54
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:HA	17	0.54
(4,2033)	1:141:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	1	0.54
(4,2033)	1:141:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	1	0.54
(4,2033)	1:141:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	1	0.54
(4,1987)	1:92:A:LEU:HA	1:95:A:ILE:HD11	9	0.54
(4,1987)	1:92:A:LEU:HA	1:95:A:ILE:HD12	9	0.54
(4,1987)	1:92:A:LEU:HA	1:95:A:ILE:HD13	9	0.54
(4,1976)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD21	20	0.54
(4,1976)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD22	20	0.54
(4,1976)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD23	20	0.54
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG21	16	0.54
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG22	16	0.54
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG23	16	0.54
(4,1820)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA3	15	0.54
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:HA2	9	0.54
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:HA3	9	0.54
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:HA2	9	0.54
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:HA3	9	0.54
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:H	17	0.54
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:H	17	0.54
(4,1784)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:H	17	0.54
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG11	14	0.54
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG12	14	0.54
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG13	14	0.54
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG21	14	0.54
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG22	14	0.54
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG23	14	0.54
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG11	14	0.54
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG12	14	0.54
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG13	14	0.54
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG21	14	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG22	14	0.54
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG23	14	0.54
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	1	0.54
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	1	0.54
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	1	0.54
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	1	0.54
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	1	0.54
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	1	0.54
(4,1604)	1:233:A:PRO:HB3	1:235:A:TRP:HE1	15	0.54
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG11	1:208:A:ARG:HD2	7	0.54
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG11	1:208:A:ARG:HD3	7	0.54
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG12	1:208:A:ARG:HD2	7	0.54
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG12	1:208:A:ARG:HD3	7	0.54
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG13	1:208:A:ARG:HD2	7	0.54
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG13	1:208:A:ARG:HD3	7	0.54
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG21	1:208:A:ARG:HD2	7	0.54
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG21	1:208:A:ARG:HD3	7	0.54
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG22	1:208:A:ARG:HD2	7	0.54
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG22	1:208:A:ARG:HD3	7	0.54
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG23	1:208:A:ARG:HD2	7	0.54
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG23	1:208:A:ARG:HD3	7	0.54
(4,1580)	1:157:A:PRO:HB2	1:158:A:GLU:HB2	17	0.54
(4,1580)	1:157:A:PRO:HB2	1:158:A:GLU:HB3	17	0.54
(4,1577)	1:55:A:ILE:H	1:172:A:GLU:H	10	0.54
(4,1577)	1:55:A:ILE:H	1:172:A:GLU:H	11	0.54
(4,1549)	1:92:A:LEU:HD11	1:138:A:VAL:HA	15	0.54
(4,1549)	1:92:A:LEU:HD12	1:138:A:VAL:HA	15	0.54
(4,1549)	1:92:A:LEU:HD13	1:138:A:VAL:HA	15	0.54
(4,1549)	1:92:A:LEU:HD21	1:138:A:VAL:HA	15	0.54
(4,1549)	1:92:A:LEU:HD22	1:138:A:VAL:HA	15	0.54
(4,1549)	1:92:A:LEU:HD23	1:138:A:VAL:HA	15	0.54
(4,1544)	1:172:A:GLU:HB2	1:177:A:ILE:H	18	0.54
(4,1510)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HG2	10	0.54
(4,1510)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HG3	10	0.54
(4,1506)	1:103:A:GLN:HE21	1:104:A:SER:H	7	0.54
(4,1506)	1:103:A:GLN:HE22	1:104:A:SER:H	7	0.54
(4,1501)	1:163:A:THR:HB	1:164:A:ASN:HA	8	0.54
(4,1501)	1:163:A:THR:HB	1:164:A:ASN:HA	18	0.54
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HG3	10	0.54
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HG3	10	0.54
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HG3	10	0.54
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HG3	12	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HG3	12	0.54
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HG3	12	0.54
(4,1400)	1:67:A:SER:H	1:68:A:SER:HA	1	0.54
(4,1302)	1:172:A:GLU:HG2	1:177:A:ILE:HD11	7	0.54
(4,1302)	1:172:A:GLU:HG2	1:177:A:ILE:HD12	7	0.54
(4,1302)	1:172:A:GLU:HG2	1:177:A:ILE:HD13	7	0.54
(4,1302)	1:172:A:GLU:HG3	1:177:A:ILE:HD11	7	0.54
(4,1302)	1:172:A:GLU:HG3	1:177:A:ILE:HD12	7	0.54
(4,1302)	1:172:A:GLU:HG3	1:177:A:ILE:HD13	7	0.54
(4,1224)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:H	13	0.54
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD21	1:114:A:ASN:H	5	0.54
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD22	1:114:A:ASN:H	5	0.54
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD23	1:114:A:ASN:H	5	0.54
(4,1143)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:H	18	0.54
(4,1134)	1:151:A:THR:H	1:152:A:GLY:H	16	0.54
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD11	16	0.54
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD12	16	0.54
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD13	16	0.54
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD21	16	0.54
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD22	16	0.54
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD23	16	0.54
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD11	16	0.54
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD12	16	0.54
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD13	16	0.54
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD21	16	0.54
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD22	16	0.54
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD23	16	0.54
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG21	7	0.54
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG22	7	0.54
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG23	7	0.54
(4,1004)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:H	7	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD11	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD12	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD13	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD21	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD22	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD23	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD11	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD12	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD13	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD21	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD22	2	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD23	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD11	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD12	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD13	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD21	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD22	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD23	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD11	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD12	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD13	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD21	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD22	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD23	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD11	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD12	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD13	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD21	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD22	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD23	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD11	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD12	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD13	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD21	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD22	2	0.54
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD23	2	0.54
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB2	8	0.54
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB3	8	0.54
(4,866)	1:36:A:ILE:HB	1:38:A:SER:HA	7	0.54
(4,786)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:H	17	0.54
(4,786)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:H	17	0.54
(4,730)	1:119:A:GLN:H	1:119:A:GLN:HE22	13	0.54
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD11	5	0.54
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD12	5	0.54
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD13	5	0.54
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD21	5	0.54
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD22	5	0.54
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD23	5	0.54
(4,720)	1:56:A:VAL:HG11	1:169:A:THR:H	12	0.54
(4,720)	1:56:A:VAL:HG12	1:169:A:THR:H	12	0.54
(4,720)	1:56:A:VAL:HG13	1:169:A:THR:H	12	0.54
(4,685)	1:79:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	14	0.54
(4,685)	1:79:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	14	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,685)	1:79:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	14	0.54
(4,674)	1:139:A:LEU:HA	1:142:A:ILE:HD11	20	0.54
(4,674)	1:139:A:LEU:HA	1:142:A:ILE:HD12	20	0.54
(4,674)	1:139:A:LEU:HA	1:142:A:ILE:HD13	20	0.54
(4,646)	1:90:A:CYS:H	1:93:A:TYR:HD1	18	0.54
(4,646)	1:90:A:CYS:H	1:93:A:TYR:HD2	18	0.54
(4,632)	1:82:A:PHE:HD1	1:100:A:SER:H	15	0.54
(4,632)	1:82:A:PHE:HD2	1:100:A:SER:H	15	0.54
(4,568)	1:191:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:HB	18	0.54
(4,568)	1:191:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:HB	18	0.54
(4,568)	1:191:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:HB	18	0.54
(4,568)	1:191:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:HB	18	0.54
(4,568)	1:191:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:HB	18	0.54
(4,568)	1:191:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:HB	18	0.54
(4,533)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HD22	11	0.54
(4,528)	1:117:A:LYS:H	1:119:A:GLN:HE21	7	0.54
(4,506)	1:22:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD11	10	0.54
(4,506)	1:22:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD12	10	0.54
(4,506)	1:22:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD13	10	0.54
(4,506)	1:22:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD11	10	0.54
(4,506)	1:22:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD12	10	0.54
(4,506)	1:22:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD13	10	0.54
(4,506)	1:22:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD11	10	0.54
(4,506)	1:22:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD12	10	0.54
(4,506)	1:22:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD13	10	0.54
(4,464)	1:233:A:PRO:HB2	1:235:A:TRP:HE1	12	0.54
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD1	17	0.54
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD2	17	0.54
(4,376)	1:170:A:TYR:H	1:170:A:TYR:HD1	1	0.54
(4,376)	1:170:A:TYR:H	1:170:A:TYR:HD2	1	0.54
(4,368)	1:154:A:SER:HA	1:156:A:ALA:HA	4	0.54
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD11	17	0.54
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD12	17	0.54
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD13	17	0.54
(4,353)	1:56:A:VAL:HB	1:229:A:LEU:H	16	0.54
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG11	11	0.54
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG12	11	0.54
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG13	11	0.54
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG21	11	0.54
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG22	11	0.54
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG23	11	0.54
(4,270)	1:33:A:TYR:HD1	1:232:A:GLY:H	12	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,270)	1:33:A:TYR:HD2	1:232:A:GLY:H	12	0.54
(4,256)	1:33:A:TYR:HE1	1:34:A:PHE:H	7	0.54
(4,256)	1:33:A:TYR:HE2	1:34:A:PHE:H	7	0.54
(4,182)	1:55:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HG2	8	0.54
(4,182)	1:55:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HG3	8	0.54
(4,182)	1:55:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HG2	8	0.54
(4,182)	1:55:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HG3	8	0.54
(4,182)	1:55:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HG2	8	0.54
(4,182)	1:55:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HG3	8	0.54
(4,120)	1:118:A:SER:HB2	1:119:A:GLN:HE21	20	0.54
(4,120)	1:118:A:SER:HB3	1:119:A:GLN:HE21	20	0.54
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG11	13	0.54
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG12	13	0.54
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG13	13	0.54
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG11	19	0.54
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG12	19	0.54
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG13	19	0.54
(4,83)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG21	8	0.54
(4,83)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG22	8	0.54
(4,83)	1:102:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:HG23	8	0.54
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD1	5	0.54
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD2	5	0.54
(3,22)	1:171:A:VAL:H	1:178:A:PHE:O	2	0.54
(3,21)	1:169:A:THR:H	1:180:A:LEU:O	2	0.54
(3,3)	1:179:A:GLU:O	1:189:A:LEU:H	18	0.54
(2,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	9	0.54
(2,362)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	10	0.54
(1,530)	1:5:A:ASN:ND2	1:191:A:LEU:H	13	0.54
(1,234)	1:100:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	20	0.54
(1,214)	1:155:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	4	0.54
(1,162)	1:98:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	17	0.54
(1,112)	1:211:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	20	0.54
(5,796)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	7	0.53
(5,635)	1:5:A:ASN:ND2	1:156:A:ALA:H	6	0.53
(5,634)	1:5:A:ASN:ND2	1:138:A:VAL:H	5	0.53
(5,553)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	16	0.53
(5,491)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	16	0.53
(5,131)	1:140:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	20	0.53
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG21	1:183:A:ARG:H	19	0.53
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG22	1:183:A:ARG:H	19	0.53
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG23	1:183:A:ARG:H	19	0.53
(4,4218)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD22	9	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB3	2	0.53
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB3	2	0.53
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB3	2	0.53
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB3	3	0.53
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB3	3	0.53
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB3	3	0.53
(4,4159)	1:157:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	1	0.53
(4,4159)	1:157:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	1	0.53
(4,4158)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE22	5	0.53
(4,4152)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HA	14	0.53
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	4	0.53
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	4	0.53
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	4	0.53
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	4	0.53
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	4	0.53
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	4	0.53
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	4	0.53
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	4	0.53
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	4	0.53
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	4	0.53
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	4	0.53
(4,4103)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	4	0.53
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE21	1	0.53
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE22	1	0.53
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB3	9	0.53
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB3	9	0.53
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB3	13	0.53
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB3	13	0.53
(4,3901)	1:112:A:LEU:HD11	1:116:A:LEU:H	12	0.53
(4,3901)	1:112:A:LEU:HD12	1:116:A:LEU:H	12	0.53
(4,3901)	1:112:A:LEU:HD13	1:116:A:LEU:H	12	0.53
(4,3890)	1:184:A:ASN:HD21	1:185:A:LEU:H	8	0.53
(4,3890)	1:184:A:ASN:HD22	1:185:A:LEU:H	8	0.53
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB2	1:5:A:ASN:HD21	19	0.53
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB3	1:5:A:ASN:HD21	19	0.53
(4,3812)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HD1	17	0.53
(4,3812)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HD2	17	0.53
(4,3810)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD21	11	0.53
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE1	1:230:A:GLY:H	2	0.53
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE2	1:230:A:GLY:H	2	0.53
(4,3753)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:H	11	0.53
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD11	15	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD12	15	0.53
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD13	15	0.53
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD21	15	0.53
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD22	15	0.53
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD23	15	0.53
(4,3737)	1:36:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HB2	3	0.53
(4,3737)	1:36:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HB2	3	0.53
(4,3737)	1:36:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HB2	3	0.53
(4,3682)	1:50:A:ARG:H	1:233:A:PRO:HB2	16	0.53
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD11	1	0.53
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD12	1	0.53
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD13	1	0.53
(4,3592)	1:36:A:ILE:H	1:37:A:TYR:HD1	5	0.53
(4,3592)	1:36:A:ILE:H	1:37:A:TYR:HD2	5	0.53
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	3	0.53
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	3	0.53
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	3	0.53
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	3	0.53
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	3	0.53
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	3	0.53
(4,3551)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:H	16	0.53
(4,3528)	1:164:A:ASN:H	1:164:A:ASN:HD22	3	0.53
(4,3483)	1:55:A:ILE:HD11	1:202:A:ILE:H	17	0.53
(4,3483)	1:55:A:ILE:HD12	1:202:A:ILE:H	17	0.53
(4,3483)	1:55:A:ILE:HD13	1:202:A:ILE:H	17	0.53
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD11	19	0.53
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD12	19	0.53
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD13	19	0.53
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD21	19	0.53
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD22	19	0.53
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD23	19	0.53
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:HA	16	0.53
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:HA	16	0.53
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:HA	16	0.53
(4,3286)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HA	5	0.53
(4,3256)	1:81:A:TRP:H	1:180:A:LEU:HD11	13	0.53
(4,3256)	1:81:A:TRP:H	1:180:A:LEU:HD12	13	0.53
(4,3256)	1:81:A:TRP:H	1:180:A:LEU:HD13	13	0.53
(4,3256)	1:81:A:TRP:H	1:180:A:LEU:HD21	13	0.53
(4,3256)	1:81:A:TRP:H	1:180:A:LEU:HD22	13	0.53
(4,3256)	1:81:A:TRP:H	1:180:A:LEU:HD23	13	0.53
(4,3227)	1:216:A:GLU:HB2	1:217:A:ASN:HD22	13	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3227)	1:216:A:GLU:HB3	1:217:A:ASN:HD22	13	0.53
(4,3205)	1:201:A:LEU:H	1:204:A:GLN:HG2	4	0.53
(4,3205)	1:201:A:LEU:H	1:204:A:GLN:HG3	4	0.53
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	15	0.53
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	15	0.53
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	15	0.53
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	16	0.53
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	16	0.53
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	16	0.53
(4,2985)	1:171:A:VAL:HB	1:172:A:GLU:HG2	9	0.53
(4,2985)	1:171:A:VAL:HB	1:172:A:GLU:HG3	9	0.53
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE1	16	0.53
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE2	16	0.53
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG11	16	0.53
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG12	16	0.53
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG13	16	0.53
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG21	16	0.53
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG22	16	0.53
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG23	16	0.53
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB2	19	0.53
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB3	19	0.53
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD11	1	0.53
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD12	1	0.53
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD13	1	0.53
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD11	1	0.53
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD12	1	0.53
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD13	1	0.53
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD11	1	0.53
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD12	1	0.53
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD13	1	0.53
(4,2853)	1:84:A:GLN:H	1:183:A:ARG:H	11	0.53
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD11	12	0.53
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD12	12	0.53
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD13	12	0.53
(4,2837)	1:84:A:GLN:H	1:182:A:GLY:H	17	0.53
(4,2784)	1:74:A:THR:HG21	1:76:A:SER:H	16	0.53
(4,2784)	1:74:A:THR:HG22	1:76:A:SER:H	16	0.53
(4,2784)	1:74:A:THR:HG23	1:76:A:SER:H	16	0.53
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD11	3	0.53
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD12	3	0.53
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD13	3	0.53
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD22	12	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD22	12	0.53
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD22	12	0.53
(4,2704)	1:146:A:VAL:HB	1:148:A:THR:H	18	0.53
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD11	11	0.53
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD12	11	0.53
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD13	11	0.53
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD21	11	0.53
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD22	11	0.53
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD23	11	0.53
(4,2640)	1:204:A:GLN:H	1:206:A:LEU:H	15	0.53
(4,2621)	1:40:A:THR:HA	1:203:A:GLU:HA	10	0.53
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG12	1:206:A:LEU:H	9	0.53
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG13	1:206:A:LEU:H	9	0.53
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD11	10	0.53
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD12	10	0.53
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD13	10	0.53
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD21	10	0.53
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD22	10	0.53
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD23	10	0.53
(4,2544)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HB2	1	0.53
(4,2544)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HB3	1	0.53
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG11	1	0.53
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG12	1	0.53
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG13	1	0.53
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG21	1	0.53
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG22	1	0.53
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG23	1	0.53
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG11	1	0.53
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG12	1	0.53
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG13	1	0.53
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG21	1	0.53
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG22	1	0.53
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG23	1	0.53
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD21	1:102:A:ASN:HD21	8	0.53
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD21	1:102:A:ASN:HD22	8	0.53
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD22	1:102:A:ASN:HD21	8	0.53
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD22	1:102:A:ASN:HD22	8	0.53
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:H	10	0.53
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:H	10	0.53
(4,2494)	1:59:A:PHE:HA	1:226:A:PHE:H	6	0.53
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD11	6	0.53
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD12	6	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD13	6	0.53
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD11	6	0.53
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD12	6	0.53
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD13	6	0.53
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:H	16	0.53
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:H	16	0.53
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:H	16	0.53
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD11	15	0.53
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD12	15	0.53
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD13	15	0.53
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD21	15	0.53
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD22	15	0.53
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD23	15	0.53
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD21	9	0.53
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD22	9	0.53
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD23	9	0.53
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD21	9	0.53
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD22	9	0.53
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD23	9	0.53
(4,2251)	1:3:A:GLY:H	1:4:A:GLU:HB2	16	0.53
(4,2251)	1:3:A:GLY:H	1:4:A:GLU:HB3	16	0.53
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HB2	13	0.53
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HB2	13	0.53
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB1	1:216:A:GLU:HB2	17	0.53
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB1	1:216:A:GLU:HB3	17	0.53
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB2	1:216:A:GLU:HB2	17	0.53
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB2	1:216:A:GLU:HB3	17	0.53
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB3	1:216:A:GLU:HB2	17	0.53
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB3	1:216:A:GLU:HB3	17	0.53
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	1	0.53
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	1	0.53
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	1	0.53
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	1	0.53
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	1	0.53
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	1	0.53
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB2	1:83:A:LYS:HG2	20	0.53
(4,2012)	1:82:A:PHE:HB3	1:83:A:LYS:HG2	20	0.53
(4,1973)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	20	0.53
(4,1944)	1:11:A:ILE:H	1:13:A:SER:H	4	0.53
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD11	2	0.53
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD12	2	0.53
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD13	2	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1933)	1:81:A:TRP:HE1	1:187:A:GLY:H	19	0.53
(4,1914)	1:19:A:THR:HG21	1:32:A:ALA:H	13	0.53
(4,1914)	1:19:A:THR:HG22	1:32:A:ALA:H	13	0.53
(4,1914)	1:19:A:THR:HG23	1:32:A:ALA:H	13	0.53
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD21	10	0.53
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD22	10	0.53
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD23	10	0.53
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD21	10	0.53
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD22	10	0.53
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD23	10	0.53
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD21	10	0.53
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD22	10	0.53
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD23	10	0.53
(4,1882)	1:98:A:SER:HG	1:100:A:SER:H	12	0.53
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD2	1:84:A:GLN:HB2	19	0.53
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD2	1:84:A:GLN:HB3	19	0.53
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD3	1:84:A:GLN:HB2	19	0.53
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD3	1:84:A:GLN:HB3	19	0.53
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG2	2	0.53
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	2	0.53
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:H	14	0.53
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:H	14	0.53
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:H	14	0.53
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:H	15	0.53
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:H	15	0.53
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:H	15	0.53
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD11	1:100:A:SER:H	11	0.53
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD12	1:100:A:SER:H	11	0.53
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD13	1:100:A:SER:H	11	0.53
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	11	0.53
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	11	0.53
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	11	0.53
(4,1733)	1:39:A:LEU:HG	1:41:A:GLU:H	17	0.53
(4,1672)	1:21:A:PHE:HD1	1:22:A:ALA:HA	20	0.53
(4,1672)	1:21:A:PHE:HD2	1:22:A:ALA:HA	20	0.53
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB1	13	0.53
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB2	13	0.53
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB3	13	0.53
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB1	13	0.53
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB2	13	0.53
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB3	13	0.53
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB1	13	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB2	13	0.53
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB3	13	0.53
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	2	0.53
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	2	0.53
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	2	0.53
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD1	1:117:A:LYS:H	6	0.53
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD2	1:117:A:LYS:H	6	0.53
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD21	1:151:A:THR:H	8	0.53
(4,1399)	1:145:A:ASN:HD22	1:151:A:THR:H	8	0.53
(4,1351)	1:55:A:ILE:HB	1:170:A:TYR:H	12	0.53
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG21	12	0.53
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG22	12	0.53
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG23	12	0.53
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG21	12	0.53
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG22	12	0.53
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG23	12	0.53
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HD1	14	0.53
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HD2	14	0.53
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HD1	14	0.53
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HD2	14	0.53
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HD1	14	0.53
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HD2	14	0.53
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HD1	14	0.53
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HD2	14	0.53
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HD1	14	0.53
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HD2	14	0.53
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HD1	14	0.53
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HD2	14	0.53
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:H	12	0.53
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:H	12	0.53
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD21	6	0.53
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD22	6	0.53
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD23	6	0.53
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG21	3	0.53
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG22	3	0.53
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG23	3	0.53
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE1	1:229:A:LEU:HD11	17	0.53
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE1	1:229:A:LEU:HD12	17	0.53
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE1	1:229:A:LEU:HD13	17	0.53
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE1	1:229:A:LEU:HD21	17	0.53
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE1	1:229:A:LEU:HD22	17	0.53
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE1	1:229:A:LEU:HD23	17	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE2	1:229:A:LEU:HD11	17	0.53
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE2	1:229:A:LEU:HD12	17	0.53
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE2	1:229:A:LEU:HD13	17	0.53
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE2	1:229:A:LEU:HD21	17	0.53
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE2	1:229:A:LEU:HD22	17	0.53
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE2	1:229:A:LEU:HD23	17	0.53
(4,1074)	1:79:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:H	16	0.53
(4,1074)	1:79:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:H	16	0.53
(4,1074)	1:79:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:H	16	0.53
(4,1038)	1:174:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HE1	6	0.53
(4,1038)	1:174:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HE2	6	0.53
(4,995)	1:34:A:PHE:HB2	1:36:A:ILE:H	4	0.53
(4,995)	1:34:A:PHE:HB3	1:36:A:ILE:H	4	0.53
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB1	18	0.53
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB2	18	0.53
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB3	18	0.53
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB1	18	0.53
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB2	18	0.53
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB3	18	0.53
(4,853)	1:76:A:SER:HA	1:79:A:VAL:H	8	0.53
(4,823)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:H	7	0.53
(4,823)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:H	7	0.53
(4,823)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:H	15	0.53
(4,823)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:H	15	0.53
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	12	0.53
(4,794)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	12	0.53
(4,790)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:H	17	0.53
(4,737)	1:81:A:TRP:HZ3	1:84:A:GLN:H	11	0.53
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD11	1	0.53
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD12	1	0.53
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD13	1	0.53
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD21	1	0.53
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD22	1	0.53
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD23	1	0.53
(4,661)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:HE22	12	0.53
(4,661)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:HE22	12	0.53
(4,652)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HB2	8	0.53
(4,652)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HB3	8	0.53
(4,652)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HB2	8	0.53
(4,652)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HB3	8	0.53
(4,639)	1:217:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	14	0.53
(4,619)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:H	15	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,619)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:H	15	0.53
(4,599)	1:11:A:ILE:HG13	1:14:A:ASN:H	17	0.53
(4,566)	1:79:A:VAL:HB	1:101:A:ASN:HD21	7	0.53
(4,566)	1:79:A:VAL:HB	1:101:A:ASN:HD22	7	0.53
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD11	3	0.53
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD12	3	0.53
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD13	3	0.53
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD11	10	0.53
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD12	10	0.53
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD13	10	0.53
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD21	8	0.53
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD22	8	0.53
(4,507)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:ASP:HA	1	0.53
(4,500)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HB	13	0.53
(4,498)	1:73:A:ILE:HB	1:188:A:PRO:HG2	7	0.53
(4,498)	1:73:A:ILE:HB	1:188:A:PRO:HG3	7	0.53
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG21	16	0.53
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG22	16	0.53
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG23	16	0.53
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG12	3	0.53
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG13	3	0.53
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG12	3	0.53
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG13	3	0.53
(4,375)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	12	0.53
(4,375)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	12	0.53
(4,375)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	12	0.53
(4,375)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	16	0.53
(4,375)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	16	0.53
(4,375)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	16	0.53
(4,325)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HE1	7	0.53
(4,297)	1:142:A:ILE:HG21	1:146:A:VAL:HB	2	0.53
(4,297)	1:142:A:ILE:HG22	1:146:A:VAL:HB	2	0.53
(4,297)	1:142:A:ILE:HG23	1:146:A:VAL:HB	2	0.53
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG21	3	0.53
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG22	3	0.53
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG23	3	0.53
(4,256)	1:33:A:TYR:HE1	1:34:A:PHE:H	6	0.53
(4,256)	1:33:A:TYR:HE2	1:34:A:PHE:H	6	0.53
(4,206)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD1	8	0.53
(4,206)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD2	8	0.53
(4,206)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD1	15	0.53
(4,206)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD2	15	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,185)	1:177:A:ILE:HG21	1:192:A:GLY:HA3	8	0.53
(4,185)	1:177:A:ILE:HG22	1:192:A:GLY:HA3	8	0.53
(4,185)	1:177:A:ILE:HG23	1:192:A:GLY:HA3	8	0.53
(4,182)	1:55:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HG2	18	0.53
(4,182)	1:55:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HG3	18	0.53
(4,182)	1:55:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HG2	18	0.53
(4,182)	1:55:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HG3	18	0.53
(4,182)	1:55:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HG2	18	0.53
(4,182)	1:55:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HG3	18	0.53
(4,161)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:H	3	0.53
(4,123)	1:144:A:GLU:H	1:145:A:ASN:HD21	15	0.53
(4,116)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	6	0.53
(4,116)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	6	0.53
(4,116)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	6	0.53
(4,116)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	6	0.53
(4,116)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	6	0.53
(4,116)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	6	0.53
(4,116)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	6	0.53
(4,116)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	6	0.53
(4,116)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	6	0.53
(4,116)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	6	0.53
(4,116)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	6	0.53
(4,116)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	6	0.53
(4,108)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HE1	8	0.53
(4,108)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HE2	8	0.53
(4,108)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HE1	8	0.53
(4,108)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HE2	8	0.53
(4,108)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HE1	8	0.53
(4,108)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HE2	8	0.53
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB2	11	0.53
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB3	11	0.53
(4,66)	1:198:A:ALA:H	1:200:A:ASP:H	17	0.53
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD11	12	0.53
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD12	12	0.53
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD13	12	0.53
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD21	12	0.53
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD22	12	0.53
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD23	12	0.53
(4,6)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HA	10	0.53
(4,2)	1:59:A:PHE:C	1:166:A:HIS:N	17	0.53
(4,1)	1:30:A:GLU:C	1:234:A:ASN:N	2	0.53
(4,1)	1:30:A:GLU:C	1:234:A:ASN:N	6	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,495)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	4	0.53
(2,77)	1:101:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	8	0.53
(1,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	13	0.53
(1,160)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	20	0.53
(5,757)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	9	0.52
(5,707)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	7	0.52
(5,689)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	6	0.52
(5,538)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	7	0.52
(5,376)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	17	0.52
(5,362)	1:5:A:ASN:ND2	1:224:A:LEU:H	11	0.52
(5,332)	1:177:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	18	0.52
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:H	15	0.52
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:H	15	0.52
(4,4302)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:H	15	0.52
(4,4294)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:HD22	20	0.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD11	2	0.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD12	2	0.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD13	2	0.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD21	2	0.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD22	2	0.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD23	2	0.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD11	2	0.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD12	2	0.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD13	2	0.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD21	2	0.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD22	2	0.52
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD23	2	0.52
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG11	1:230:A:GLY:H	13	0.52
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG12	1:230:A:GLY:H	13	0.52
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG13	1:230:A:GLY:H	13	0.52
(4,4183)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HB2	1	0.52
(4,4183)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HB3	1	0.52
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD1	5	0.52
(4,4176)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:HD2	5	0.52
(4,4159)	1:157:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	11	0.52
(4,4159)	1:157:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	11	0.52
(4,4154)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HG2	16	0.52
(4,4154)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HG2	16	0.52
(4,4154)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HG2	16	0.52
(4,4090)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:H	15	0.52
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:H	14	0.52
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:H	14	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB3	1	0.52
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB3	1	0.52
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB3	6	0.52
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB3	6	0.52
(4,4012)	1:136:A:GLN:HE21	1:137:A:PHE:H	1	0.52
(4,4012)	1:136:A:GLN:HE22	1:137:A:PHE:H	1	0.52
(4,3957)	1:102:A:ASN:H	1:105:A:LEU:H	10	0.52
(4,3937)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE21	2	0.52
(4,3929)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:H	19	0.52
(4,3906)	1:115:A:PHE:HD1	1:116:A:LEU:HA	10	0.52
(4,3906)	1:115:A:PHE:HD2	1:116:A:LEU:HA	10	0.52
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD11	3	0.52
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD12	3	0.52
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD13	3	0.52
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD21	3	0.52
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD22	3	0.52
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD23	3	0.52
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD21	9	0.52
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD22	9	0.52
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD23	9	0.52
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD21	14	0.52
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD22	14	0.52
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD23	14	0.52
(4,3835)	1:153:A:GLN:HB2	1:157:A:PRO:HD2	12	0.52
(4,3835)	1:153:A:GLN:HB3	1:157:A:PRO:HD2	12	0.52
(4,3829)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HD1	19	0.52
(4,3829)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HD2	19	0.52
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:HA	3	0.52
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:HA	3	0.52
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:HA	3	0.52
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HA	3	0.52
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HA	3	0.52
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HA	3	0.52
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:HA	15	0.52
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:HA	15	0.52
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:HA	15	0.52
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HA	15	0.52
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HA	15	0.52
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HA	15	0.52
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD11	17	0.52
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD12	17	0.52
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD13	17	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD11	17	0.52
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD12	17	0.52
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD13	17	0.52
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:HA	5	0.52
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:HA	5	0.52
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:HA	5	0.52
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:HA	5	0.52
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:HA	5	0.52
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:HA	5	0.52
(4,3651)	1:51:A:PRO:HB3	1:201:A:LEU:H	15	0.52
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE1	1:98:A:SER:H	18	0.52
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE2	1:98:A:SER:H	18	0.52
(4,3571)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	10	0.52
(4,3571)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	10	0.52
(4,3545)	1:79:A:VAL:HG11	1:188:A:PRO:HG2	11	0.52
(4,3545)	1:79:A:VAL:HG11	1:188:A:PRO:HG3	11	0.52
(4,3545)	1:79:A:VAL:HG12	1:188:A:PRO:HG2	11	0.52
(4,3545)	1:79:A:VAL:HG12	1:188:A:PRO:HG3	11	0.52
(4,3545)	1:79:A:VAL:HG13	1:188:A:PRO:HG2	11	0.52
(4,3545)	1:79:A:VAL:HG13	1:188:A:PRO:HG3	11	0.52
(4,3545)	1:79:A:VAL:HG21	1:188:A:PRO:HG2	11	0.52
(4,3545)	1:79:A:VAL:HG21	1:188:A:PRO:HG3	11	0.52
(4,3545)	1:79:A:VAL:HG22	1:188:A:PRO:HG2	11	0.52
(4,3545)	1:79:A:VAL:HG22	1:188:A:PRO:HG3	11	0.52
(4,3545)	1:79:A:VAL:HG23	1:188:A:PRO:HG2	11	0.52
(4,3545)	1:79:A:VAL:HG23	1:188:A:PRO:HG3	11	0.52
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB2	20	0.52
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB3	20	0.52
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB2	20	0.52
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB3	20	0.52
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB2	20	0.52
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB3	20	0.52
(4,3528)	1:164:A:ASN:H	1:164:A:ASN:HD22	20	0.52
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	6	0.52
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	6	0.52
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	6	0.52
(4,3464)	1:33:A:TYR:HA	1:230:A:GLY:H	17	0.52
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG21	4	0.52
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG22	4	0.52
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG23	4	0.52
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG21	4	0.52
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG22	4	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG23	4	0.52
(4,3427)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HB3	6	0.52
(4,3355)	1:54:A:ALA:HA	1:170:A:TYR:H	8	0.52
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD11	8	0.52
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD12	8	0.52
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD13	8	0.52
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD21	8	0.52
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD22	8	0.52
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD23	8	0.52
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD11	8	0.52
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD12	8	0.52
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD13	8	0.52
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD21	8	0.52
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD22	8	0.52
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD23	8	0.52
(4,3303)	1:22:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HB2	3	0.52
(4,3303)	1:22:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HB3	3	0.52
(4,3217)	1:204:A:GLN:HE21	1:207:A:VAL:H	12	0.52
(4,3217)	1:204:A:GLN:HE22	1:207:A:VAL:H	12	0.52
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD11	13	0.52
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD12	13	0.52
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD13	13	0.52
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD21	13	0.52
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD22	13	0.52
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD23	13	0.52
(4,3075)	1:74:A:THR:H	1:77:A:TYR:H	17	0.52
(4,2998)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HA	8	0.52
(4,2986)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:HD11	14	0.52
(4,2986)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:HD12	14	0.52
(4,2986)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:HD13	14	0.52
(4,2970)	1:28:A:LYS:HB2	1:107:A:GLU:H	12	0.52
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD11	1:107:A:GLU:H	1	0.52
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD12	1:107:A:GLU:H	1	0.52
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD13	1:107:A:GLU:H	1	0.52
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD21	1:107:A:GLU:H	1	0.52
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD22	1:107:A:GLU:H	1	0.52
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD23	1:107:A:GLU:H	1	0.52
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB2	1:168:A:ILE:H	20	0.52
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB3	1:168:A:ILE:H	20	0.52
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG11	6	0.52
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG12	6	0.52
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG13	6	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2923)	1:36:A:ILE:H	1:38:A:SER:H	19	0.52
(4,2826)	1:53:A:LYS:HB2	1:231:A:LEU:H	7	0.52
(4,2826)	1:53:A:LYS:HB3	1:231:A:LEU:H	7	0.52
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB1	11	0.52
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB2	11	0.52
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB3	11	0.52
(4,2814)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE21	18	0.52
(4,2771)	1:201:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	8	0.52
(4,2771)	1:201:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	8	0.52
(4,2771)	1:201:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	8	0.52
(4,2771)	1:201:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	14	0.52
(4,2771)	1:201:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	14	0.52
(4,2771)	1:201:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	14	0.52
(4,2736)	1:160:A:THR:H	1:162:A:ASP:H	2	0.52
(4,2689)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:HB2	5	0.52
(4,2689)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:HB2	5	0.52
(4,2689)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:HB2	5	0.52
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD1	1:218:A:ALA:HB1	17	0.52
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD1	1:218:A:ALA:HB2	17	0.52
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD1	1:218:A:ALA:HB3	17	0.52
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD2	1:218:A:ALA:HB1	17	0.52
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD2	1:218:A:ALA:HB2	17	0.52
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD2	1:218:A:ALA:HB3	17	0.52
(4,2626)	1:145:A:ASN:H	1:148:A:THR:H	2	0.52
(4,2590)	1:64:A:ASP:HA	1:66:A:LYS:H	11	0.52
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	17	0.52
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	17	0.52
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	17	0.52
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD11	3	0.52
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD12	3	0.52
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD13	3	0.52
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD21	3	0.52
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD22	3	0.52
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD23	3	0.52
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:H	5	0.52
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:H	5	0.52
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:H	5	0.52
(4,2494)	1:59:A:PHE:HA	1:226:A:PHE:H	1	0.52
(4,2466)	1:103:A:GLN:HG2	1:106:A:LEU:HD11	8	0.52
(4,2466)	1:103:A:GLN:HG2	1:106:A:LEU:HD12	8	0.52
(4,2466)	1:103:A:GLN:HG2	1:106:A:LEU:HD13	8	0.52
(4,2466)	1:103:A:GLN:HG2	1:106:A:LEU:HD21	8	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2466)	1:103:A:GLN:HG2	1:106:A:LEU:HD22	8	0.52
(4,2466)	1:103:A:GLN:HG2	1:106:A:LEU:HD23	8	0.52
(4,2466)	1:103:A:GLN:HG3	1:106:A:LEU:HD11	8	0.52
(4,2466)	1:103:A:GLN:HG3	1:106:A:LEU:HD12	8	0.52
(4,2466)	1:103:A:GLN:HG3	1:106:A:LEU:HD13	8	0.52
(4,2466)	1:103:A:GLN:HG3	1:106:A:LEU:HD21	8	0.52
(4,2466)	1:103:A:GLN:HG3	1:106:A:LEU:HD22	8	0.52
(4,2466)	1:103:A:GLN:HG3	1:106:A:LEU:HD23	8	0.52
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB1	7	0.52
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB2	7	0.52
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB3	7	0.52
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB1	7	0.52
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB2	7	0.52
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB3	7	0.52
(4,2405)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HA	12	0.52
(4,2405)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HA	12	0.52
(4,2378)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:HA2	5	0.52
(4,2378)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:HA3	5	0.52
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB1	4	0.52
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB2	4	0.52
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB3	4	0.52
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB1	4	0.52
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB2	4	0.52
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB3	4	0.52
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB1	4	0.52
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB2	4	0.52
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB3	4	0.52
(4,2280)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:H	7	0.52
(4,2261)	1:54:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:H	7	0.52
(4,2261)	1:54:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:H	7	0.52
(4,2261)	1:54:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:H	7	0.52
(4,2242)	1:52:A:VAL:HB	1:55:A:ILE:HD11	16	0.52
(4,2242)	1:52:A:VAL:HB	1:55:A:ILE:HD12	16	0.52
(4,2242)	1:52:A:VAL:HB	1:55:A:ILE:HD13	16	0.52
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HA	16	0.52
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HA	16	0.52
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HA	16	0.52
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HA	16	0.52
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HA	16	0.52
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HA	16	0.52
(4,2209)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HD1	3	0.52
(4,2209)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HD2	3	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG11	17	0.52
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG12	17	0.52
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG13	17	0.52
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD1	3	0.52
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD2	3	0.52
(4,2155)	1:141:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	13	0.52
(4,2155)	1:141:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	13	0.52
(4,2155)	1:141:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	13	0.52
(4,1978)	1:142:A:ILE:HG12	1:143:A:LYS:HA	4	0.52
(4,1978)	1:142:A:ILE:HG13	1:143:A:LYS:HA	4	0.52
(4,1973)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	6	0.52
(4,1914)	1:19:A:THR:HG21	1:32:A:ALA:H	5	0.52
(4,1914)	1:19:A:THR:HG22	1:32:A:ALA:H	5	0.52
(4,1914)	1:19:A:THR:HG23	1:32:A:ALA:H	5	0.52
(4,1904)	1:119:A:GLN:HE21	1:128:A:ARG:H	5	0.52
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD11	4	0.52
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD12	4	0.52
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD13	4	0.52
(4,1771)	1:72:A:GLN:HB3	1:74:A:THR:H	6	0.52
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG2	13	0.52
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG3	13	0.52
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG2	13	0.52
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG3	13	0.52
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG2	13	0.52
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG3	13	0.52
(4,1733)	1:39:A:LEU:HG	1:41:A:GLU:H	6	0.52
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	6	0.52
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	6	0.52
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	6	0.52
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB2	10	0.52
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB3	10	0.52
(4,1603)	1:97:A:HIS:HD1	1:182:A:GLY:H	5	0.52
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG11	1:208:A:ARG:HD2	13	0.52
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG11	1:208:A:ARG:HD3	13	0.52
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG12	1:208:A:ARG:HD2	13	0.52
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG12	1:208:A:ARG:HD3	13	0.52
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG13	1:208:A:ARG:HD2	13	0.52
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG13	1:208:A:ARG:HD3	13	0.52
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG21	1:208:A:ARG:HD2	13	0.52
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG21	1:208:A:ARG:HD3	13	0.52
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG22	1:208:A:ARG:HD2	13	0.52
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG22	1:208:A:ARG:HD3	13	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG23	1:208:A:ARG:HD2	13	0.52
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG23	1:208:A:ARG:HD3	13	0.52
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD11	14	0.52
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD12	14	0.52
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD13	14	0.52
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD21	14	0.52
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD22	14	0.52
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD23	14	0.52
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE22	19	0.52
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE22	19	0.52
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HA	7	0.52
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HA	7	0.52
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HA	7	0.52
(4,1473)	1:195:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE22	1	0.52
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	10	0.52
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	10	0.52
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	10	0.52
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	10	0.52
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	10	0.52
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	10	0.52
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD21	1:96:A:LEU:H	19	0.52
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD22	1:96:A:LEU:H	19	0.52
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD23	1:96:A:LEU:H	19	0.52
(4,1350)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD11	2	0.52
(4,1350)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD12	2	0.52
(4,1350)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD13	2	0.52
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG11	15	0.52
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG12	15	0.52
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG13	15	0.52
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG21	15	0.52
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG22	15	0.52
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG23	15	0.52
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG21	16	0.52
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG22	16	0.52
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG23	16	0.52
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG21	16	0.52
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG22	16	0.52
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG23	16	0.52
(4,1189)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:GLU:H	6	0.52
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:HD21	7	0.52
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:HD22	7	0.52
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:HD21	7	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:HD22	7	0.52
(4,1123)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HD22	16	0.52
(4,1073)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HB	18	0.52
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG21	1:145:A:ASN:HD22	4	0.52
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG22	1:145:A:ASN:HD22	4	0.52
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG23	1:145:A:ASN:HD22	4	0.52
(4,971)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HB2	11	0.52
(4,971)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HB3	11	0.52
(4,971)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HB2	11	0.52
(4,971)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HB3	11	0.52
(4,971)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HB2	11	0.52
(4,971)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HB3	11	0.52
(4,961)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HG2	5	0.52
(4,961)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HG3	5	0.52
(4,961)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HG2	5	0.52
(4,961)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HG3	5	0.52
(4,961)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HG2	5	0.52
(4,961)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HG3	5	0.52
(4,924)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HG21	11	0.52
(4,924)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HG22	11	0.52
(4,924)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HG23	11	0.52
(4,924)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HG21	11	0.52
(4,924)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HG22	11	0.52
(4,924)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HG23	11	0.52
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB2	4	0.52
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB3	4	0.52
(4,855)	1:190:A:TYR:HE1	1:193:A:LYS:H	13	0.52
(4,855)	1:190:A:TYR:HE2	1:193:A:LYS:H	13	0.52
(4,835)	1:92:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:H	3	0.52
(4,835)	1:92:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:H	3	0.52
(4,835)	1:92:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:H	3	0.52
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD21	7	0.52
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD22	7	0.52
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD23	7	0.52
(4,790)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:H	10	0.52
(4,780)	1:73:A:ILE:HG12	1:76:A:SER:H	10	0.52
(4,780)	1:73:A:ILE:HG13	1:76:A:SER:H	10	0.52
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD11	10	0.52
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD12	10	0.52
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD13	10	0.52
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD11	10	0.52
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD12	10	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD13	10	0.52
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB2	4	0.52
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB3	4	0.52
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB2	4	0.52
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB3	4	0.52
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD11	17	0.52
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD12	17	0.52
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD13	17	0.52
(4,703)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:CG2	16	0.52
(4,703)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:CG2	16	0.52
(4,703)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:CG2	16	0.52
(4,703)	1:206:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:CG2	16	0.52
(4,703)	1:206:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:CG2	16	0.52
(4,703)	1:206:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:CG2	16	0.52
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	9	0.52
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	9	0.52
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	9	0.52
(4,675)	1:3:A:GLY:H	1:5:A:ASN:H	17	0.52
(4,673)	1:172:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:H	9	0.52
(4,599)	1:11:A:ILE:HG13	1:14:A:ASN:H	15	0.52
(4,598)	1:79:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:H	13	0.52
(4,598)	1:79:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:H	13	0.52
(4,598)	1:79:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:H	13	0.52
(4,598)	1:79:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:H	13	0.52
(4,598)	1:79:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:H	13	0.52
(4,598)	1:79:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:H	13	0.52
(4,579)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HB	19	0.52
(4,579)	1:143:A:LYS:HG3	1:146:A:VAL:HB	19	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG11	19	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG12	19	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG13	19	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG21	19	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG22	19	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG23	19	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG11	19	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG12	19	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG13	19	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG21	19	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG22	19	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG23	19	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG11	19	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG12	19	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG13	19	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG21	19	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG22	19	0.52
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG23	19	0.52
(4,528)	1:117:A:LYS:H	1:119:A:GLN:HE21	15	0.52
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD11	6	0.52
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD12	6	0.52
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD13	6	0.52
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD21	6	0.52
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD22	6	0.52
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD23	6	0.52
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD2	9	0.52
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD3	9	0.52
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD2	9	0.52
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD3	9	0.52
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD2	11	0.52
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD3	11	0.52
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD2	11	0.52
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD3	11	0.52
(4,495)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD22	11	0.52
(4,391)	1:44:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	10	0.52
(4,391)	1:44:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	10	0.52
(4,391)	1:44:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	10	0.52
(4,388)	1:57:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:HA	17	0.52
(4,388)	1:57:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:HA	17	0.52
(4,388)	1:57:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:HA	17	0.52
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD11	18	0.52
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD12	18	0.52
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD13	18	0.52
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD21	18	0.52
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD22	18	0.52
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD23	18	0.52
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB2	7	0.52
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB3	7	0.52
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB2	11	0.52
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB3	11	0.52
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB2	11	0.52
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB3	11	0.52
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB2	15	0.52
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB3	15	0.52
(4,270)	1:33:A:TYR:HD1	1:232:A:GLY:H	7	0.52
(4,270)	1:33:A:TYR:HD2	1:232:A:GLY:H	7	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,241)	1:59:A:PHE:HD1	1:226:A:PHE:HB2	15	0.52
(4,241)	1:59:A:PHE:HD2	1:226:A:PHE:HB2	15	0.52
(4,188)	1:36:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB2	15	0.52
(4,188)	1:36:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB3	15	0.52
(4,188)	1:36:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB2	15	0.52
(4,188)	1:36:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB3	15	0.52
(4,188)	1:36:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB2	15	0.52
(4,188)	1:36:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB3	15	0.52
(4,182)	1:55:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HG2	6	0.52
(4,182)	1:55:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HG3	6	0.52
(4,182)	1:55:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HG2	6	0.52
(4,182)	1:55:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HG3	6	0.52
(4,182)	1:55:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HG2	6	0.52
(4,182)	1:55:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HG3	6	0.52
(4,131)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HG12	2	0.52
(4,131)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HG13	2	0.52
(4,131)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HG12	2	0.52
(4,131)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HG13	2	0.52
(4,79)	1:52:A:VAL:HG21	1:232:A:GLY:H	7	0.52
(4,79)	1:52:A:VAL:HG22	1:232:A:GLY:H	7	0.52
(4,79)	1:52:A:VAL:HG23	1:232:A:GLY:H	7	0.52
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD21	14	0.52
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD22	14	0.52
(4,2)	1:59:A:PHE:C	1:166:A:HIS:N	3	0.52
(4,2)	1:59:A:PHE:C	1:166:A:HIS:N	15	0.52
(4,2)	1:59:A:PHE:C	1:166:A:HIS:N	19	0.52
(3,21)	1:169:A:THR:H	1:180:A:LEU:O	12	0.52
(3,12)	1:34:A:PHE:O	1:230:A:GLY:H	12	0.52
(2,580)	1:5:A:ASN:ND2	1:63:A:GLU:H	5	0.52
(2,362)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	4	0.52
(1,537)	1:5:A:ASN:ND2	1:69:A:THR:H	17	0.52
(1,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	11	0.52
(1,229)	1:187:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	10	0.52
(1,28)	1:104:A:SER:OG	1:171:A:VAL:H	13	0.52
(5,666)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	14	0.51
(5,549)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	19	0.51
(5,423)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	5	0.51
(5,399)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	3	0.51
(5,116)	1:55:A:ILE:H	1:140:A:ASN:ND2	7	0.51
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG21	12	0.51
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG22	12	0.51
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG23	12	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4203)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD22	8	0.51
(4,4153)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HB3	9	0.51
(4,4153)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HB3	9	0.51
(4,4153)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HB3	9	0.51
(4,4084)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:HB3	18	0.51
(4,4054)	1:23:A:HIS:HD2	1:24:A:LYS:H	17	0.51
(4,3929)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:H	5	0.51
(4,3927)	1:31:A:TRP:H	1:31:A:TRP:HE3	20	0.51
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD21	18	0.51
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD22	18	0.51
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD23	18	0.51
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:H	3	0.51
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:H	3	0.51
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:H	3	0.51
(4,3720)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:H	6	0.51
(4,3720)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:H	6	0.51
(4,3720)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:H	6	0.51
(4,3673)	1:98:A:SER:H	1:99:A:LEU:HB3	4	0.51
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD11	19	0.51
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD12	19	0.51
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD13	19	0.51
(4,3651)	1:51:A:PRO:HB3	1:201:A:LEU:H	19	0.51
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE1	4	0.51
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE2	4	0.51
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	14	0.51
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	14	0.51
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	14	0.51
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	14	0.51
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	14	0.51
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	14	0.51
(4,3520)	1:57:A:LEU:HB2	1:211:A:VAL:HB	18	0.51
(4,3520)	1:57:A:LEU:HB3	1:211:A:VAL:HB	18	0.51
(4,3489)	1:132:A:VAL:HB	1:135:A:ASP:H	2	0.51
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:H	16	0.51
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:H	16	0.51
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:H	16	0.51
(4,3431)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HZ2	19	0.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB2	19	0.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG11	1:155:A:GLU:HB3	19	0.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB2	19	0.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG12	1:155:A:GLU:HB3	19	0.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB2	19	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG13	1:155:A:GLU:HB3	19	0.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB2	19	0.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG21	1:155:A:GLU:HB3	19	0.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB2	19	0.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG22	1:155:A:GLU:HB3	19	0.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB2	19	0.51
(4,3381)	1:9:A:VAL:HG23	1:155:A:GLU:HB3	19	0.51
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG11	14	0.51
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG12	14	0.51
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG13	14	0.51
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG21	14	0.51
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG22	14	0.51
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG23	14	0.51
(4,3332)	1:55:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HD1	2	0.51
(4,3332)	1:55:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HD2	2	0.51
(4,3303)	1:22:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HB2	9	0.51
(4,3303)	1:22:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HB3	9	0.51
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD21	19	0.51
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD22	19	0.51
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD23	19	0.51
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD11	7	0.51
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD12	7	0.51
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD13	7	0.51
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD21	7	0.51
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD22	7	0.51
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD23	7	0.51
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD11	7	0.51
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD12	7	0.51
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD13	7	0.51
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD21	7	0.51
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD22	7	0.51
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD23	7	0.51
(4,3207)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:H	14	0.51
(4,3203)	1:156:A:ALA:HA	1:159:A:ALA:H	15	0.51
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD11	10	0.51
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD12	10	0.51
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD13	10	0.51
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD21	10	0.51
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD22	10	0.51
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD23	10	0.51
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD11	10	0.51
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD12	10	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD13	10	0.51
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD21	10	0.51
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD22	10	0.51
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD23	10	0.51
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG12	2	0.51
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG13	2	0.51
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD11	20	0.51
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD12	20	0.51
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD13	20	0.51
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG11	17	0.51
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG12	17	0.51
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG13	17	0.51
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG11	17	0.51
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG12	17	0.51
(4,3139)	1:137:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG13	17	0.51
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD1	3	0.51
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD2	3	0.51
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD1	3	0.51
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD2	3	0.51
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD1	3	0.51
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD2	3	0.51
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD1	13	0.51
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD2	13	0.51
(4,3073)	1:34:A:PHE:HB2	1:230:A:GLY:H	9	0.51
(4,3073)	1:34:A:PHE:HB3	1:230:A:GLY:H	9	0.51
(4,3055)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:H	17	0.51
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HE1	8	0.51
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HE1	8	0.51
(4,3012)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HE1	8	0.51
(4,2970)	1:28:A:LYS:HB2	1:107:A:GLU:H	20	0.51
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD21	1:144:A:GLU:H	2	0.51
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD22	1:144:A:GLU:H	2	0.51
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD23	1:144:A:GLU:H	2	0.51
(4,2967)	1:209:A:VAL:HA	1:213:A:SER:HB2	20	0.51
(4,2967)	1:209:A:VAL:HA	1:213:A:SER:HB3	20	0.51
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD21	11	0.51
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	11	0.51
(4,2910)	1:138:A:VAL:HB	1:141:A:VAL:HB	12	0.51
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HB3	15	0.51
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HB3	15	0.51
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HB3	15	0.51
(4,2884)	1:112:A:LEU:HD11	1:116:A:LEU:HB2	14	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2884)	1:112:A:LEU:HD11	1:116:A:LEU:HB3	14	0.51
(4,2884)	1:112:A:LEU:HD12	1:116:A:LEU:HB2	14	0.51
(4,2884)	1:112:A:LEU:HD12	1:116:A:LEU:HB3	14	0.51
(4,2884)	1:112:A:LEU:HD13	1:116:A:LEU:HB2	14	0.51
(4,2884)	1:112:A:LEU:HD13	1:116:A:LEU:HB3	14	0.51
(4,2884)	1:112:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:HB2	14	0.51
(4,2884)	1:112:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:HB3	14	0.51
(4,2884)	1:112:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:HB2	14	0.51
(4,2884)	1:112:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:HB3	14	0.51
(4,2884)	1:112:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:HB2	14	0.51
(4,2884)	1:112:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:HB3	14	0.51
(4,2874)	1:92:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:CG2	20	0.51
(4,2874)	1:92:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:CG2	20	0.51
(4,2874)	1:92:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:CG2	20	0.51
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD11	14	0.51
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD12	14	0.51
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD13	14	0.51
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD21	14	0.51
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD22	14	0.51
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD23	14	0.51
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB1	13	0.51
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB2	13	0.51
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB3	13	0.51
(4,2732)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:H	10	0.51
(4,2603)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HD1	11	0.51
(4,2603)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HD2	11	0.51
(4,2580)	1:31:A:TRP:HA	1:232:A:GLY:H	16	0.51
(4,2564)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:H	11	0.51
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD21	1:226:A:PHE:H	9	0.51
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD22	1:226:A:PHE:H	9	0.51
(4,2343)	1:73:A:ILE:H	1:186:A:SER:H	14	0.51
(4,2296)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD11	10	0.51
(4,2296)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD12	10	0.51
(4,2296)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD13	10	0.51
(4,2285)	1:177:A:ILE:HG12	1:195:A:ASP:H	11	0.51
(4,2285)	1:177:A:ILE:HG13	1:195:A:ASP:H	11	0.51
(4,2266)	1:214:A:TYR:HA	1:217:A:ASN:HD21	17	0.51
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD11	1:114:A:ASN:H	20	0.51
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD12	1:114:A:ASN:H	20	0.51
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD13	1:114:A:ASN:H	20	0.51
(4,2242)	1:52:A:VAL:HB	1:55:A:ILE:HD11	18	0.51
(4,2242)	1:52:A:VAL:HB	1:55:A:ILE:HD12	18	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2242)	1:52:A:VAL:HB	1:55:A:ILE:HD13	18	0.51
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:H	4	0.51
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:H	4	0.51
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:H	4	0.51
(4,2192)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG11	7	0.51
(4,2192)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG12	7	0.51
(4,2192)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG13	7	0.51
(4,2192)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG21	7	0.51
(4,2192)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG22	7	0.51
(4,2192)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG23	7	0.51
(4,2104)	1:79:A:VAL:HG11	1:188:A:PRO:HB2	15	0.51
(4,2104)	1:79:A:VAL:HG12	1:188:A:PRO:HB2	15	0.51
(4,2104)	1:79:A:VAL:HG13	1:188:A:PRO:HB2	15	0.51
(4,2014)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HB2	1	0.51
(4,2014)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HB3	1	0.51
(4,2007)	1:68:A:SER:H	1:70:A:SER:H	13	0.51
(4,1995)	1:36:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:H	20	0.51
(4,1995)	1:36:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:H	20	0.51
(4,1995)	1:36:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:H	20	0.51
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG11	2	0.51
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG12	2	0.51
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG13	2	0.51
(4,1969)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HG11	12	0.51
(4,1969)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HG12	12	0.51
(4,1969)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HG13	12	0.51
(4,1969)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HG11	12	0.51
(4,1969)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HG12	12	0.51
(4,1969)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HG13	12	0.51
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	11	0.51
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	11	0.51
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	11	0.51
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	11	0.51
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	11	0.51
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	11	0.51
(4,1858)	1:19:A:THR:HG21	1:23:A:HIS:H	9	0.51
(4,1858)	1:19:A:THR:HG22	1:23:A:HIS:H	9	0.51
(4,1858)	1:19:A:THR:HG23	1:23:A:HIS:H	9	0.51
(4,1835)	1:56:A:VAL:HB	1:228:A:MET:HA	15	0.51
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD11	14	0.51
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD12	14	0.51
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD13	14	0.51
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD21	14	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD22	14	0.51
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD23	14	0.51
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD11	1:115:A:PHE:H	9	0.51
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD12	1:115:A:PHE:H	9	0.51
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD13	1:115:A:PHE:H	9	0.51
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD21	1:115:A:PHE:H	9	0.51
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD22	1:115:A:PHE:H	9	0.51
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD23	1:115:A:PHE:H	9	0.51
(4,1728)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD22	3	0.51
(4,1728)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD22	12	0.51
(4,1653)	1:17:A:VAL:H	1:152:A:GLY:HA2	13	0.51
(4,1619)	1:219:A:ASN:HD22	1:220:A:GLU:H	1	0.51
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HZ3	13	0.51
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HZ3	13	0.51
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HZ3	13	0.51
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HZ3	13	0.51
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HZ3	13	0.51
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HZ3	13	0.51
(4,1476)	1:29:A:ASN:HB2	1:30:A:GLU:HG2	19	0.51
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD1	1:215:A:MET:H	4	0.51
(4,1469)	1:214:A:TYR:HD2	1:215:A:MET:H	4	0.51
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	5	0.51
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	5	0.51
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	5	0.51
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	5	0.51
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	5	0.51
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	5	0.51
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG11	12	0.51
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG12	12	0.51
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG13	12	0.51
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:H	17	0.51
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:H	17	0.51
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:H	17	0.51
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG11	2	0.51
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG12	2	0.51
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG13	2	0.51
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG21	2	0.51
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG22	2	0.51
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG23	2	0.51
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB2	6	0.51
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB3	6	0.51
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG12	7	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG12	7	0.51
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG21	6	0.51
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG22	6	0.51
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG23	6	0.51
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG21	6	0.51
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG22	6	0.51
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG23	6	0.51
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG21	6	0.51
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG22	6	0.51
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG23	6	0.51
(4,1146)	1:106:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	15	0.51
(4,1146)	1:106:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	15	0.51
(4,1146)	1:106:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	15	0.51
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD1	3	0.51
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD2	3	0.51
(4,1114)	1:214:A:TYR:HB2	1:215:A:MET:HB2	19	0.51
(4,1114)	1:214:A:TYR:HB2	1:215:A:MET:HB3	19	0.51
(4,1114)	1:214:A:TYR:HB3	1:215:A:MET:HB2	19	0.51
(4,1114)	1:214:A:TYR:HB3	1:215:A:MET:HB3	19	0.51
(4,1107)	1:57:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HD1	16	0.51
(4,1107)	1:57:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HD2	16	0.51
(4,1103)	1:54:A:ALA:HA	1:201:A:LEU:HD21	4	0.51
(4,1103)	1:54:A:ALA:HA	1:201:A:LEU:HD22	4	0.51
(4,1103)	1:54:A:ALA:HA	1:201:A:LEU:HD23	4	0.51
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG11	1:22:A:ALA:H	17	0.51
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG12	1:22:A:ALA:H	17	0.51
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG13	1:22:A:ALA:H	17	0.51
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG21	1:22:A:ALA:H	17	0.51
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG22	1:22:A:ALA:H	17	0.51
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG23	1:22:A:ALA:H	17	0.51
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD11	2	0.51
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD12	2	0.51
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD13	2	0.51
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD21	2	0.51
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD22	2	0.51
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD23	2	0.51
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD11	2	0.51
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD12	2	0.51
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD13	2	0.51
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD21	2	0.51
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD22	2	0.51
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD23	2	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD11	2	0.51
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD12	2	0.51
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD13	2	0.51
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD21	2	0.51
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD22	2	0.51
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD23	2	0.51
(4,971)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HB2	16	0.51
(4,971)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HB3	16	0.51
(4,971)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HB2	16	0.51
(4,971)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HB3	16	0.51
(4,971)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HB2	16	0.51
(4,971)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HB3	16	0.51
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB2	5	0.51
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB3	5	0.51
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD11	20	0.51
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD12	20	0.51
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD13	20	0.51
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD21	20	0.51
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD22	20	0.51
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD23	20	0.51
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB1	2	0.51
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB2	2	0.51
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB3	2	0.51
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB1	2	0.51
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB2	2	0.51
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB3	2	0.51
(4,853)	1:76:A:SER:HA	1:79:A:VAL:H	3	0.51
(4,843)	1:29:A:ASN:HD21	1:31:A:TRP:H	12	0.51
(4,834)	1:99:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	2	0.51
(4,834)	1:99:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	2	0.51
(4,834)	1:99:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	2	0.51
(4,834)	1:99:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	2	0.51
(4,834)	1:99:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	2	0.51
(4,834)	1:99:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	2	0.51
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG11	4	0.51
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG12	4	0.51
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG13	4	0.51
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG21	4	0.51
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG22	4	0.51
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG23	4	0.51
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG11	4	0.51
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG12	4	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG13	4	0.51
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG21	4	0.51
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG22	4	0.51
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG23	4	0.51
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG11	4	0.51
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG12	4	0.51
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG13	4	0.51
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG21	4	0.51
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG22	4	0.51
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG23	4	0.51
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD11	6	0.51
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD12	6	0.51
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD13	6	0.51
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD11	6	0.51
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD12	6	0.51
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD13	6	0.51
(4,759)	1:177:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:H	9	0.51
(4,759)	1:177:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:H	9	0.51
(4,759)	1:177:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:H	9	0.51
(4,758)	1:19:A:THR:HG21	1:21:A:PHE:H	7	0.51
(4,758)	1:19:A:THR:HG22	1:21:A:PHE:H	7	0.51
(4,758)	1:19:A:THR:HG23	1:21:A:PHE:H	7	0.51
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE21	15	0.51
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE22	15	0.51
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD11	17	0.51
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD12	17	0.51
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD13	17	0.51
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD21	17	0.51
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD22	17	0.51
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD23	17	0.51
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD11	17	0.51
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD12	17	0.51
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD13	17	0.51
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD21	17	0.51
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD22	17	0.51
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD23	17	0.51
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD11	17	0.51
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD12	17	0.51
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD13	17	0.51
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD21	17	0.51
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD22	17	0.51
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD23	17	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,734)	1:143:A:LYS:HG3	1:146:A:VAL:HG11	18	0.51
(4,734)	1:143:A:LYS:HG3	1:146:A:VAL:HG12	18	0.51
(4,734)	1:143:A:LYS:HG3	1:146:A:VAL:HG13	18	0.51
(4,734)	1:143:A:LYS:HG3	1:146:A:VAL:HG21	18	0.51
(4,734)	1:143:A:LYS:HG3	1:146:A:VAL:HG22	18	0.51
(4,734)	1:143:A:LYS:HG3	1:146:A:VAL:HG23	18	0.51
(4,706)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HA	13	0.51
(4,676)	1:81:A:TRP:HE1	1:182:A:GLY:HA3	3	0.51
(4,667)	1:136:A:GLN:HB2	1:139:A:LEU:HB2	15	0.51
(4,667)	1:136:A:GLN:HB2	1:139:A:LEU:HB3	15	0.51
(4,667)	1:136:A:GLN:HB3	1:139:A:LEU:HB2	15	0.51
(4,667)	1:136:A:GLN:HB3	1:139:A:LEU:HB3	15	0.51
(4,659)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HG	15	0.51
(4,651)	1:145:A:ASN:HB2	1:149:A:PHE:H	3	0.51
(4,651)	1:145:A:ASN:HB3	1:149:A:PHE:H	3	0.51
(4,617)	1:171:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD11	9	0.51
(4,617)	1:171:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD12	9	0.51
(4,617)	1:171:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD13	9	0.51
(4,617)	1:171:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD21	9	0.51
(4,617)	1:171:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD22	9	0.51
(4,617)	1:171:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD23	9	0.51
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB2	4	0.51
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB3	4	0.51
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB2	4	0.51
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB3	4	0.51
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB2	4	0.51
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB3	4	0.51
(4,609)	1:178:A:PHE:HB2	1:190:A:TYR:H	15	0.51
(4,609)	1:178:A:PHE:HB3	1:190:A:TYR:H	15	0.51
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD1	19	0.51
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD2	19	0.51
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD1	19	0.51
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD2	19	0.51
(4,584)	1:219:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB2	10	0.51
(4,584)	1:219:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB3	10	0.51
(4,584)	1:219:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB2	10	0.51
(4,584)	1:219:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB3	10	0.51
(4,554)	1:221:A:GLU:HA	1:224:A:LEU:HA	15	0.51
(4,514)	1:109:A:GLY:HA2	1:113:A:ASP:H	1	0.51
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD21	3	0.51
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD22	3	0.51
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG21	13	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG22	13	0.51
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG23	13	0.51
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD21	6	0.51
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD22	6	0.51
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD21	6	0.51
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD22	6	0.51
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD11	5	0.51
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD12	5	0.51
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD13	5	0.51
(4,409)	1:143:A:LYS:HG2	1:145:A:ASN:H	5	0.51
(4,409)	1:143:A:LYS:HG3	1:145:A:ASN:H	5	0.51
(4,375)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	18	0.51
(4,375)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	18	0.51
(4,375)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	18	0.51
(4,368)	1:154:A:SER:HA	1:156:A:ALA:HA	6	0.51
(4,360)	1:231:A:LEU:HD11	1:234:A:ASN:H	12	0.51
(4,360)	1:231:A:LEU:HD12	1:234:A:ASN:H	12	0.51
(4,360)	1:231:A:LEU:HD13	1:234:A:ASN:H	12	0.51
(4,360)	1:231:A:LEU:HD21	1:234:A:ASN:H	12	0.51
(4,360)	1:231:A:LEU:HD22	1:234:A:ASN:H	12	0.51
(4,360)	1:231:A:LEU:HD23	1:234:A:ASN:H	12	0.51
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD11	11	0.51
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD12	11	0.51
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD13	11	0.51
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD21	11	0.51
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD22	11	0.51
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD23	11	0.51
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD11	13	0.51
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD12	13	0.51
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD13	13	0.51
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD21	13	0.51
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD22	13	0.51
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD23	13	0.51
(4,150)	1:39:A:LEU:HA	1:44:A:LEU:HG	12	0.51
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD11	20	0.51
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD12	20	0.51
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD13	20	0.51
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD21	20	0.51
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD22	20	0.51
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD23	20	0.51
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD11	20	0.51
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD12	20	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD13	20	0.51
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD21	20	0.51
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD22	20	0.51
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD23	20	0.51
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD11	20	0.51
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD12	20	0.51
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD13	20	0.51
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD21	20	0.51
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD22	20	0.51
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD23	20	0.51
(4,100)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:HB2	13	0.51
(4,100)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:HB3	13	0.51
(4,100)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:HB2	13	0.51
(4,100)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:HB3	13	0.51
(4,100)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:HB2	13	0.51
(4,100)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:HB3	13	0.51
(4,100)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:HB2	13	0.51
(4,100)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:HB3	13	0.51
(4,100)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:HB2	13	0.51
(4,100)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:HB3	13	0.51
(4,100)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:HB2	13	0.51
(4,100)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:HB3	13	0.51
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD1	16	0.51
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD2	16	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD11	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD12	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD13	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD21	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD22	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD23	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD11	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD12	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD13	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD21	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD22	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD23	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD11	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD12	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD13	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD21	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD22	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD23	11	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,11)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD11	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD12	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD13	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD21	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD22	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD23	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD11	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD12	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD13	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD21	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD22	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD23	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD11	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD12	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD13	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD21	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD22	11	0.51
(4,11)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD23	11	0.51
(4,6)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HA	11	0.51
(4,1)	1:30:A:GLU:C	1:234:A:ASN:N	11	0.51
(3,24)	1:54:A:ALA:H	1:231:A:LEU:O	20	0.51
(3,21)	1:169:A:THR:H	1:180:A:LEU:O	14	0.51
(3,14)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:O	8	0.51
(2,590)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	13	0.51
(2,120)	1:100:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	19	0.51
(1,493)	1:5:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	13	0.51
(1,263)	1:5:A:ASN:ND2	1:11:A:ILE:H	16	0.51
(1,197)	1:85:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	12	0.51
(1,112)	1:211:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	12	0.51
(5,735)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	1	0.5
(5,630)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	1	0.5
(5,627)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	9	0.5
(5,624)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	5	0.5
(5,476)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	10	0.5
(5,463)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	15	0.5
(5,430)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	6	0.5
(5,332)	1:177:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	7	0.5
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD11	16	0.5
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD12	16	0.5
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD13	16	0.5
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD21	1:89:A:ALA:H	5	0.5
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD22	1:89:A:ALA:H	5	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4136)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG2	14	0.5
(4,4060)	1:93:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:H	10	0.5
(4,4060)	1:93:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:H	10	0.5
(4,4047)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:H	18	0.5
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:H	2	0.5
(4,4010)	1:10:A:PRO:HD3	1:158:A:GLU:H	2	0.5
(4,4008)	1:115:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HG2	8	0.5
(4,4008)	1:115:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HG2	8	0.5
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD11	1	0.5
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD12	1	0.5
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD13	1	0.5
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD21	1	0.5
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD22	1	0.5
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD23	1	0.5
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD11	1	0.5
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD12	1	0.5
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD13	1	0.5
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD21	1	0.5
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD22	1	0.5
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD23	1	0.5
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE1	7	0.5
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE2	7	0.5
(4,3957)	1:102:A:ASN:H	1:105:A:LEU:H	6	0.5
(4,3933)	1:19:A:THR:HG1	1:22:A:ALA:H	18	0.5
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:HA	1	0.5
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:HA	1	0.5
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:HA	1	0.5
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:HA	1	0.5
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:HA	1	0.5
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:HA	1	0.5
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:H	12	0.5
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:H	12	0.5
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:H	12	0.5
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB2	1:220:A:GLU:HG2	9	0.5
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB2	1:220:A:GLU:HG3	9	0.5
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB3	1:220:A:GLU:HG2	9	0.5
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB3	1:220:A:GLU:HG3	9	0.5
(4,3829)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HD1	3	0.5
(4,3829)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HD2	3	0.5
(4,3829)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HD1	4	0.5
(4,3829)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HD2	4	0.5
(4,3795)	1:84:A:GLN:H	1:185:A:LEU:HD11	12	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3795)	1:84:A:GLN:H	1:185:A:LEU:HD12	12	0.5
(4,3795)	1:84:A:GLN:H	1:185:A:LEU:HD13	12	0.5
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD11	7	0.5
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD12	7	0.5
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD13	7	0.5
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD11	7	0.5
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD12	7	0.5
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD13	7	0.5
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD11	1:117:A:LYS:HG2	10	0.5
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD11	1:117:A:LYS:HG3	10	0.5
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD12	1:117:A:LYS:HG2	10	0.5
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD12	1:117:A:LYS:HG3	10	0.5
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD13	1:117:A:LYS:HG2	10	0.5
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD13	1:117:A:LYS:HG3	10	0.5
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD21	1:117:A:LYS:HG2	10	0.5
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD21	1:117:A:LYS:HG3	10	0.5
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD22	1:117:A:LYS:HG2	10	0.5
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD22	1:117:A:LYS:HG3	10	0.5
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD23	1:117:A:LYS:HG2	10	0.5
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD23	1:117:A:LYS:HG3	10	0.5
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB2	1:172:A:GLU:H	16	0.5
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB3	1:172:A:GLU:H	16	0.5
(4,3651)	1:51:A:PRO:HB3	1:201:A:LEU:H	7	0.5
(4,3651)	1:51:A:PRO:HB3	1:201:A:LEU:H	11	0.5
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HB2	17	0.5
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HB3	17	0.5
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HB2	17	0.5
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HB3	17	0.5
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HB2	17	0.5
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HB3	17	0.5
(4,3587)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:H	16	0.5
(4,3587)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:H	19	0.5
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD21	11	0.5
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD22	11	0.5
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD23	11	0.5
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG2	1:147:A:GLN:H	6	0.5
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG3	1:147:A:GLN:H	6	0.5
(4,3528)	1:164:A:ASN:H	1:164:A:ASN:HD22	12	0.5
(4,3398)	1:35:A:ASP:HB2	1:37:A:TYR:HE1	9	0.5
(4,3398)	1:35:A:ASP:HB2	1:37:A:TYR:HE2	9	0.5
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	15	0.5
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	15	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	15	0.5
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	15	0.5
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	15	0.5
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	15	0.5
(4,3326)	1:138:A:VAL:HB	1:139:A:LEU:HG	5	0.5
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB1	1:94:A:ALA:H	18	0.5
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB2	1:94:A:ALA:H	18	0.5
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB3	1:94:A:ALA:H	18	0.5
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB2	1:218:A:ALA:HB1	4	0.5
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB2	1:218:A:ALA:HB2	4	0.5
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB2	1:218:A:ALA:HB3	4	0.5
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB3	1:218:A:ALA:HB1	4	0.5
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB3	1:218:A:ALA:HB2	4	0.5
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB3	1:218:A:ALA:HB3	4	0.5
(4,3264)	1:79:A:VAL:HB	1:173:A:GLU:H	20	0.5
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	11	0.5
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	11	0.5
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	11	0.5
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	11	0.5
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	11	0.5
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	11	0.5
(4,3242)	1:92:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD21	13	0.5
(4,3242)	1:92:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD22	13	0.5
(4,3242)	1:92:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD21	13	0.5
(4,3242)	1:92:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD22	13	0.5
(4,3242)	1:92:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD21	13	0.5
(4,3242)	1:92:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD22	13	0.5
(4,3242)	1:92:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD21	13	0.5
(4,3242)	1:92:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD22	13	0.5
(4,3242)	1:92:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD21	13	0.5
(4,3242)	1:92:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD22	13	0.5
(4,3242)	1:92:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD21	13	0.5
(4,3242)	1:92:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD22	13	0.5
(4,3206)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:H	6	0.5
(4,3206)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:H	15	0.5
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE1	12	0.5
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE2	12	0.5
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB2	11	0.5
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB3	11	0.5
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB2	11	0.5
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB3	11	0.5
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB2	11	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB3	11	0.5
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD21	1:160:A:THR:H	9	0.5
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD22	1:160:A:THR:H	9	0.5
(4,3062)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HB3	16	0.5
(4,3062)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HB3	18	0.5
(4,3032)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE22	14	0.5
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	3	0.5
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	3	0.5
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	3	0.5
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	3	0.5
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	3	0.5
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	3	0.5
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	6	0.5
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	6	0.5
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	6	0.5
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	6	0.5
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	6	0.5
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	6	0.5
(4,2885)	1:119:A:GLN:HE22	1:133:A:THR:H	13	0.5
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB2	1:206:A:LEU:HD11	19	0.5
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB2	1:206:A:LEU:HD12	19	0.5
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB2	1:206:A:LEU:HD13	19	0.5
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB2	1:206:A:LEU:HD21	19	0.5
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB2	1:206:A:LEU:HD22	19	0.5
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB2	1:206:A:LEU:HD23	19	0.5
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB3	1:206:A:LEU:HD11	19	0.5
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB3	1:206:A:LEU:HD12	19	0.5
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB3	1:206:A:LEU:HD13	19	0.5
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB3	1:206:A:LEU:HD21	19	0.5
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB3	1:206:A:LEU:HD22	19	0.5
(4,2882)	1:193:A:LYS:HB3	1:206:A:LEU:HD23	19	0.5
(4,2853)	1:84:A:GLN:H	1:183:A:ARG:H	5	0.5
(4,2849)	1:55:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:CG1	20	0.5
(4,2849)	1:55:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:CG1	20	0.5
(4,2849)	1:55:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:CG1	20	0.5
(4,2796)	1:41:A:GLU:HB3	1:43:A:GLU:HA	12	0.5
(4,2704)	1:146:A:VAL:HB	1:148:A:THR:H	15	0.5
(4,2631)	1:68:A:SER:HA	1:70:A:SER:H	14	0.5
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB1	1:215:A:MET:HB2	10	0.5
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB2	1:215:A:MET:HB2	10	0.5
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB3	1:215:A:MET:HB2	10	0.5
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB2	1:140:A:ASN:HD21	14	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB2	1:140:A:ASN:HD22	14	0.5
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB3	1:140:A:ASN:HD21	14	0.5
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB3	1:140:A:ASN:HD22	14	0.5
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:H	17	0.5
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:H	17	0.5
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB2	8	0.5
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB3	8	0.5
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD1	19	0.5
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD2	19	0.5
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:H	5	0.5
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:H	5	0.5
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:H	5	0.5
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB1	5	0.5
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB2	5	0.5
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB3	5	0.5
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB1	5	0.5
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB2	5	0.5
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB3	5	0.5
(4,2377)	1:95:A:ILE:HB	1:97:A:HIS:H	10	0.5
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE21	12	0.5
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE22	12	0.5
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG21	8	0.5
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG22	8	0.5
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG23	8	0.5
(4,2296)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD11	15	0.5
(4,2296)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD12	15	0.5
(4,2296)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD13	15	0.5
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB2	19	0.5
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB3	19	0.5
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	3	0.5
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	3	0.5
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	3	0.5
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	3	0.5
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	3	0.5
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	3	0.5
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD21	11	0.5
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD22	11	0.5
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD23	11	0.5
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB1	1:216:A:GLU:HB2	6	0.5
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB1	1:216:A:GLU:HB3	6	0.5
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB2	1:216:A:GLU:HB2	6	0.5
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB2	1:216:A:GLU:HB3	6	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB3	1:216:A:GLU:HB2	6	0.5
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB3	1:216:A:GLU:HB3	6	0.5
(4,2203)	1:172:A:GLU:H	1:201:A:LEU:HD11	4	0.5
(4,2203)	1:172:A:GLU:H	1:201:A:LEU:HD12	4	0.5
(4,2203)	1:172:A:GLU:H	1:201:A:LEU:HD13	4	0.5
(4,2168)	1:38:A:SER:H	1:41:A:GLU:H	18	0.5
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD11	9	0.5
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD12	9	0.5
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD13	9	0.5
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD11	9	0.5
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD12	9	0.5
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD13	9	0.5
(4,2155)	1:141:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	1	0.5
(4,2155)	1:141:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	1	0.5
(4,2155)	1:141:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	1	0.5
(4,2144)	1:81:A:TRP:HH2	1:84:A:GLN:H	19	0.5
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG21	8	0.5
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG22	8	0.5
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG23	8	0.5
(4,2110)	1:57:A:LEU:HD21	1:214:A:TYR:HD1	9	0.5
(4,2110)	1:57:A:LEU:HD21	1:214:A:TYR:HD2	9	0.5
(4,2110)	1:57:A:LEU:HD22	1:214:A:TYR:HD1	9	0.5
(4,2110)	1:57:A:LEU:HD22	1:214:A:TYR:HD2	9	0.5
(4,2110)	1:57:A:LEU:HD23	1:214:A:TYR:HD1	9	0.5
(4,2110)	1:57:A:LEU:HD23	1:214:A:TYR:HD2	9	0.5
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD21	1:147:A:GLN:H	10	0.5
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD22	1:147:A:GLN:H	10	0.5
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD21	17	0.5
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD22	17	0.5
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD23	17	0.5
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:HA	10	0.5
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:HA	10	0.5
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:HA	10	0.5
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:HA	10	0.5
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:HA	10	0.5
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:HA	10	0.5
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HE22	1	0.5
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HE22	1	0.5
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HE22	1	0.5
(4,1957)	1:198:A:ALA:H	1:203:A:GLU:HB2	15	0.5
(4,1957)	1:198:A:ALA:H	1:203:A:GLU:HB3	15	0.5
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG21	2	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG22	2	0.5
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG23	2	0.5
(4,1948)	1:211:A:VAL:HG21	1:214:A:TYR:H	8	0.5
(4,1948)	1:211:A:VAL:HG22	1:214:A:TYR:H	8	0.5
(4,1948)	1:211:A:VAL:HG23	1:214:A:TYR:H	8	0.5
(4,1905)	1:213:A:SER:H	1:214:A:TYR:HE1	2	0.5
(4,1905)	1:213:A:SER:H	1:214:A:TYR:HE2	2	0.5
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD2	1:84:A:GLN:HB2	5	0.5
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD2	1:84:A:GLN:HB3	5	0.5
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD3	1:84:A:GLN:HB2	5	0.5
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD3	1:84:A:GLN:HB3	5	0.5
(4,1841)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:H	13	0.5
(4,1832)	1:78:A:ASP:H	1:178:A:PHE:HE1	12	0.5
(4,1832)	1:78:A:ASP:H	1:178:A:PHE:HE2	12	0.5
(4,1767)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HB2	19	0.5
(4,1767)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HB3	19	0.5
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG11	1:173:A:GLU:H	9	0.5
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG12	1:173:A:GLU:H	9	0.5
(4,1691)	1:79:A:VAL:HG13	1:173:A:GLU:H	9	0.5
(4,1687)	1:177:A:ILE:HB	1:192:A:GLY:H	20	0.5
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB1	9	0.5
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB2	9	0.5
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB3	9	0.5
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB1	9	0.5
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB2	9	0.5
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB3	9	0.5
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB1	9	0.5
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB2	9	0.5
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB3	9	0.5
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	17	0.5
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	17	0.5
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	17	0.5
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB2	7	0.5
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB3	7	0.5
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE22	5	0.5
(4,1511)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE22	5	0.5
(4,1480)	1:177:A:ILE:HD11	1:206:A:LEU:HB3	1	0.5
(4,1480)	1:177:A:ILE:HD12	1:206:A:LEU:HB3	1	0.5
(4,1480)	1:177:A:ILE:HD13	1:206:A:LEU:HB3	1	0.5
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD11	10	0.5
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD12	10	0.5
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD13	10	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB2	1	0.5
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB2	1	0.5
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB2	1	0.5
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD1	1:227:A:ALA:H	1	0.5
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD2	1:227:A:ALA:H	1	0.5
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD1	1:227:A:ALA:H	10	0.5
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD2	1:227:A:ALA:H	10	0.5
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG11	10	0.5
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG12	10	0.5
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG13	10	0.5
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG21	6	0.5
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG22	6	0.5
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG23	6	0.5
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG11	3	0.5
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG12	3	0.5
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG13	3	0.5
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG21	3	0.5
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG22	3	0.5
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG23	3	0.5
(4,1289)	1:191:A:LEU:HD11	1:210:A:ARG:H	15	0.5
(4,1289)	1:191:A:LEU:HD12	1:210:A:ARG:H	15	0.5
(4,1289)	1:191:A:LEU:HD13	1:210:A:ARG:H	15	0.5
(4,1261)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:H	1	0.5
(4,1261)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:H	1	0.5
(4,1214)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG21	11	0.5
(4,1214)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG22	11	0.5
(4,1214)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG23	11	0.5
(4,1183)	1:77:A:TYR:H	1:188:A:PRO:HG3	7	0.5
(4,1131)	1:47:A:PHE:H	1:48:A:LEU:HB3	19	0.5
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG21	16	0.5
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG22	16	0.5
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG23	16	0.5
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG21	1:93:A:TYR:HD1	8	0.5
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG21	1:93:A:TYR:HD2	8	0.5
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG22	1:93:A:TYR:HD1	8	0.5
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG22	1:93:A:TYR:HD2	8	0.5
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG23	1:93:A:TYR:HD1	8	0.5
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG23	1:93:A:TYR:HD2	8	0.5
(4,1053)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:H	10	0.5
(4,1050)	1:15:A:PRO:HB2	1:34:A:PHE:H	6	0.5
(4,1050)	1:15:A:PRO:HB3	1:34:A:PHE:H	6	0.5
(4,1037)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:HA	20	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD11	5	0.5
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD12	5	0.5
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD13	5	0.5
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD21	5	0.5
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD22	5	0.5
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HD23	5	0.5
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD11	5	0.5
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD12	5	0.5
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD13	5	0.5
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD21	5	0.5
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD22	5	0.5
(4,1034)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HD23	5	0.5
(4,1019)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:H	3	0.5
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD11	20	0.5
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD12	20	0.5
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD13	20	0.5
(4,940)	1:153:A:GLN:HE21	1:154:A:SER:HA	9	0.5
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB1	8	0.5
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB2	8	0.5
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB3	8	0.5
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB1	8	0.5
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB2	8	0.5
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB3	8	0.5
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG2	14	0.5
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG3	14	0.5
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD21	2	0.5
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD22	2	0.5
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD23	2	0.5
(4,758)	1:19:A:THR:HG21	1:21:A:PHE:H	1	0.5
(4,758)	1:19:A:THR:HG22	1:21:A:PHE:H	1	0.5
(4,758)	1:19:A:THR:HG23	1:21:A:PHE:H	1	0.5
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG21	11	0.5
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG22	11	0.5
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG23	11	0.5
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG21	8	0.5
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG22	8	0.5
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG23	8	0.5
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG21	8	0.5
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG22	8	0.5
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG23	8	0.5
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG21	8	0.5
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG22	8	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG23	8	0.5
(4,673)	1:172:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:H	6	0.5
(4,645)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD21	3	0.5
(4,645)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD22	3	0.5
(4,645)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HD23	3	0.5
(4,608)	1:77:A:TYR:H	1:77:A:TYR:HE1	13	0.5
(4,608)	1:77:A:TYR:H	1:77:A:TYR:HE2	13	0.5
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG11	15	0.5
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG12	15	0.5
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG13	15	0.5
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG21	15	0.5
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG22	15	0.5
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG23	15	0.5
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG11	15	0.5
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG12	15	0.5
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG13	15	0.5
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG21	15	0.5
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG22	15	0.5
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG23	15	0.5
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG11	15	0.5
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG12	15	0.5
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG13	15	0.5
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG21	15	0.5
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG22	15	0.5
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG23	15	0.5
(4,514)	1:109:A:GLY:HA2	1:113:A:ASP:H	3	0.5
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD11	8	0.5
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD12	8	0.5
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD13	8	0.5
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD21	8	0.5
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD22	8	0.5
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD23	8	0.5
(4,356)	1:106:A:LEU:HD21	1:110:A:SER:H	18	0.5
(4,356)	1:106:A:LEU:HD22	1:110:A:SER:H	18	0.5
(4,356)	1:106:A:LEU:HD23	1:110:A:SER:H	18	0.5
(4,319)	1:21:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD11	10	0.5
(4,319)	1:21:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD12	10	0.5
(4,319)	1:21:A:PHE:H	1:95:A:ILE:HD13	10	0.5
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB2	4	0.5
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB3	4	0.5
(4,211)	1:83:A:LYS:HD2	1:86:A:VAL:H	13	0.5
(4,211)	1:83:A:LYS:HD3	1:86:A:VAL:H	13	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,185)	1:177:A:ILE:HG21	1:192:A:GLY:HA3	17	0.5
(4,185)	1:177:A:ILE:HG22	1:192:A:GLY:HA3	17	0.5
(4,185)	1:177:A:ILE:HG23	1:192:A:GLY:HA3	17	0.5
(4,180)	1:153:A:GLN:H	1:156:A:ALA:HA	15	0.5
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD21	4	0.5
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD22	4	0.5
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD23	4	0.5
(4,124)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG11	9	0.5
(4,124)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG12	9	0.5
(4,124)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG13	9	0.5
(4,124)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG11	9	0.5
(4,124)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG12	9	0.5
(4,124)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG13	9	0.5
(4,118)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HG	2	0.5
(4,118)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HG	2	0.5
(4,118)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HG	18	0.5
(4,118)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HG	18	0.5
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB1	18	0.5
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB2	18	0.5
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB3	18	0.5
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB1	18	0.5
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB2	18	0.5
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB3	18	0.5
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB1	18	0.5
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB2	18	0.5
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB3	18	0.5
(4,1)	1:30:A:GLU:C	1:234:A:ASN:N	10	0.5
(3,22)	1:171:A:VAL:H	1:178:A:PHE:O	14	0.5
(3,3)	1:179:A:GLU:O	1:189:A:LEU:H	3	0.5
(1,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	11	0.5
(1,547)	1:5:A:ASN:ND2	1:166:A:HIS:H	3	0.5
(1,339)	1:5:A:ASN:ND2	1:43:A:GLU:H	17	0.5
(1,158)	1:153:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	10	0.5
(1,154)	1:172:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	15	0.5
(1,123)	1:97:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	2	0.5
(1,122)	1:154:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	7	0.5
(1,85)	1:206:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	14	0.5
(1,61)	1:85:A:SER:H	1:140:A:ASN:ND2	2	0.5
(5,636)	1:5:A:ASN:ND2	1:162:A:ASP:H	17	0.49
(5,599)	1:5:A:ASN:ND2	1:189:A:LEU:H	18	0.49
(5,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	19	0.49
(5,332)	1:177:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	17	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4274)	1:171:A:VAL:H	1:179:A:GLU:H	3	0.49
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:H	13	0.49
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:H	13	0.49
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:H	13	0.49
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	5	0.49
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	5	0.49
(4,4161)	1:11:A:ILE:HA	1:153:A:GLN:HA	15	0.49
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD11	8	0.49
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD12	8	0.49
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD13	8	0.49
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD21	8	0.49
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD22	8	0.49
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD23	8	0.49
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD11	8	0.49
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD12	8	0.49
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD13	8	0.49
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD21	8	0.49
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD22	8	0.49
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD23	8	0.49
(4,4090)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:H	6	0.49
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB1	1:169:A:THR:HG21	11	0.49
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB1	1:169:A:THR:HG22	11	0.49
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB1	1:169:A:THR:HG23	11	0.49
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB2	1:169:A:THR:HG21	11	0.49
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB2	1:169:A:THR:HG22	11	0.49
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB2	1:169:A:THR:HG23	11	0.49
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB3	1:169:A:THR:HG21	11	0.49
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB3	1:169:A:THR:HG22	11	0.49
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB3	1:169:A:THR:HG23	11	0.49
(4,4060)	1:93:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:H	6	0.49
(4,4060)	1:93:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:H	6	0.49
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG12	6	0.49
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG13	6	0.49
(4,4051)	1:177:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB3	20	0.49
(4,4051)	1:177:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB3	20	0.49
(4,4051)	1:177:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB3	20	0.49
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB3	8	0.49
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB3	8	0.49
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG12	11	0.49
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG13	11	0.49
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG12	11	0.49
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG13	11	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD11	18	0.49
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD12	18	0.49
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD13	18	0.49
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD21	18	0.49
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD22	18	0.49
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD23	18	0.49
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD11	18	0.49
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD12	18	0.49
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD13	18	0.49
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD21	18	0.49
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD22	18	0.49
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD23	18	0.49
(4,3923)	1:59:A:PHE:HB2	1:226:A:PHE:HD1	10	0.49
(4,3923)	1:59:A:PHE:HB2	1:226:A:PHE:HD2	10	0.49
(4,3923)	1:59:A:PHE:HB3	1:226:A:PHE:HD1	10	0.49
(4,3923)	1:59:A:PHE:HB3	1:226:A:PHE:HD2	10	0.49
(4,3912)	1:137:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HA	16	0.49
(4,3912)	1:137:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HA	16	0.49
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:H	20	0.49
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:H	20	0.49
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD21	20	0.49
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD22	20	0.49
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD23	20	0.49
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD11	7	0.49
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD12	7	0.49
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD13	7	0.49
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD21	7	0.49
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD22	7	0.49
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD23	7	0.49
(4,3832)	1:64:A:ASP:H	1:217:A:ASN:HB2	13	0.49
(4,3832)	1:64:A:ASP:H	1:217:A:ASN:HB3	13	0.49
(4,3812)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HD1	15	0.49
(4,3812)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HD2	15	0.49
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:H	4	0.49
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:H	4	0.49
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:H	4	0.49
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:H	12	0.49
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:H	12	0.49
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:H	12	0.49
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE1	1:230:A:GLY:H	4	0.49
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE2	1:230:A:GLY:H	4	0.49
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG11	14	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG12	14	0.49
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG13	14	0.49
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD21	11	0.49
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD22	11	0.49
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:H	6	0.49
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:H	6	0.49
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG21	1:56:A:VAL:HB	16	0.49
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG22	1:56:A:VAL:HB	16	0.49
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG23	1:56:A:VAL:HB	16	0.49
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE1	6	0.49
(4,3553)	1:168:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HE2	6	0.49
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	9	0.49
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	9	0.49
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	9	0.49
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	9	0.49
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	9	0.49
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	9	0.49
(4,3518)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:H	19	0.49
(4,3518)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:H	19	0.49
(4,3508)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:ASP:HB2	9	0.49
(4,3508)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:ASP:HB3	9	0.49
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE21	13	0.49
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE22	13	0.49
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE21	13	0.49
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE22	13	0.49
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE21	13	0.49
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE22	13	0.49
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE21	13	0.49
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE22	13	0.49
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE21	13	0.49
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE22	13	0.49
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE21	13	0.49
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE22	13	0.49
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HD11	10	0.49
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HD12	10	0.49
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HD13	10	0.49
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HD11	10	0.49
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HD12	10	0.49
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HD13	10	0.49
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HD11	10	0.49
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HD12	10	0.49
(4,3409)	1:17:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HD13	10	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3286)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HA	9	0.49
(4,3216)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD11	1	0.49
(4,3216)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD12	1	0.49
(4,3216)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD13	1	0.49
(4,3213)	1:29:A:ASN:H	1:31:A:TRP:HE1	18	0.49
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:CG2	15	0.49
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:CG2	15	0.49
(4,3210)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:CG2	15	0.49
(4,3154)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:H	7	0.49
(4,3127)	1:31:A:TRP:HE1	1:106:A:LEU:H	18	0.49
(4,3116)	1:22:A:ALA:HA	1:25:A:LEU:HA	19	0.49
(4,3073)	1:34:A:PHE:HB2	1:230:A:GLY:H	5	0.49
(4,3073)	1:34:A:PHE:HB3	1:230:A:GLY:H	5	0.49
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG21	10	0.49
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG22	10	0.49
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG23	10	0.49
(4,3032)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE22	17	0.49
(4,2966)	1:82:A:PHE:H	1:97:A:HIS:HA	3	0.49
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD21	19	0.49
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD22	19	0.49
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD11	1:92:A:LEU:HD23	19	0.49
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD21	19	0.49
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD22	19	0.49
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD12	1:92:A:LEU:HD23	19	0.49
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD21	19	0.49
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD22	19	0.49
(4,2964)	1:11:A:ILE:HD13	1:92:A:LEU:HD23	19	0.49
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG11	11	0.49
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG12	11	0.49
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG13	11	0.49
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD21	12	0.49
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	12	0.49
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB2	4	0.49
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB3	4	0.49
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	13	0.49
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	13	0.49
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	13	0.49
(4,2853)	1:84:A:GLN:H	1:183:A:ARG:H	2	0.49
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD11	4	0.49
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD12	4	0.49
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD13	4	0.49
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD11	18	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD12	18	0.49
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD13	18	0.49
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE1	1:96:A:LEU:HD21	8	0.49
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE1	1:96:A:LEU:HD22	8	0.49
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE1	1:96:A:LEU:HD23	8	0.49
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE2	1:96:A:LEU:HD21	8	0.49
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE2	1:96:A:LEU:HD22	8	0.49
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE2	1:96:A:LEU:HD23	8	0.49
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB1	5	0.49
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB2	5	0.49
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB3	5	0.49
(4,2781)	1:65:A:ARG:HD2	1:66:A:LYS:H	18	0.49
(4,2781)	1:65:A:ARG:HD3	1:66:A:LYS:H	18	0.49
(4,2732)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:H	20	0.49
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD11	1:39:A:LEU:HB2	20	0.49
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD11	1:39:A:LEU:HB3	20	0.49
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD12	1:39:A:LEU:HB2	20	0.49
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD12	1:39:A:LEU:HB3	20	0.49
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD13	1:39:A:LEU:HB2	20	0.49
(4,2593)	1:36:A:ILE:HD13	1:39:A:LEU:HB3	20	0.49
(4,2590)	1:64:A:ASP:HA	1:66:A:LYS:H	4	0.49
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB1	1:215:A:MET:HB2	20	0.49
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB2	1:215:A:MET:HB2	20	0.49
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB3	1:215:A:MET:HB2	20	0.49
(4,2582)	1:163:A:THR:HB	1:165:A:LEU:HB3	19	0.49
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD11	1:201:A:LEU:H	20	0.49
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD12	1:201:A:LEU:H	20	0.49
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD13	1:201:A:LEU:H	20	0.49
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG2	1:177:A:ILE:H	12	0.49
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG3	1:177:A:ILE:H	12	0.49
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HD1	20	0.49
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HD2	20	0.49
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HD1	20	0.49
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HD2	20	0.49
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HD1	20	0.49
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HD2	20	0.49
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	13	0.49
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	13	0.49
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	13	0.49
(4,2317)	1:177:A:ILE:H	1:194:A:SER:H	7	0.49
(4,2317)	1:177:A:ILE:H	1:194:A:SER:H	18	0.49
(4,2288)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	20	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB2	10	0.49
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB3	10	0.49
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG12	4	0.49
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG13	4	0.49
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG12	4	0.49
(4,2254)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG13	4	0.49
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE1	13	0.49
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE2	13	0.49
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE1	13	0.49
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE2	13	0.49
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE1	13	0.49
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE2	13	0.49
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD1	15	0.49
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD2	15	0.49
(4,2098)	1:25:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	16	0.49
(4,2098)	1:25:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	16	0.49
(4,2098)	1:25:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	16	0.49
(4,2079)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HG	19	0.49
(4,2041)	1:95:A:ILE:HA	1:98:A:SER:HA	15	0.49
(4,2035)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:H	3	0.49
(4,2035)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:H	3	0.49
(4,2035)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:H	3	0.49
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD11	3	0.49
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD12	3	0.49
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD13	3	0.49
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD21	3	0.49
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD22	3	0.49
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD23	3	0.49
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD11	13	0.49
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD12	13	0.49
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD13	13	0.49
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD21	13	0.49
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD22	13	0.49
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD23	13	0.49
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD11	16	0.49
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD12	16	0.49
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD13	16	0.49
(4,1975)	1:44:A:LEU:HA	1:48:A:LEU:H	14	0.49
(4,1967)	1:83:A:LYS:HG2	1:85:A:SER:HA	15	0.49
(4,1907)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:H	5	0.49
(4,1907)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:H	5	0.49
(4,1907)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:H	7	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1907)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:H	7	0.49
(4,1881)	1:42:A:PRO:HB2	1:46:A:ALA:HA	6	0.49
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD11	16	0.49
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD12	16	0.49
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD13	16	0.49
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD2	6	0.49
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD3	6	0.49
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD2	6	0.49
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD3	6	0.49
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	15	0.49
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	15	0.49
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	15	0.49
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	15	0.49
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	15	0.49
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	15	0.49
(4,1676)	1:172:A:GLU:HB3	1:176:A:GLY:H	17	0.49
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG11	1:208:A:ARG:HD2	5	0.49
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG11	1:208:A:ARG:HD3	5	0.49
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG12	1:208:A:ARG:HD2	5	0.49
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG12	1:208:A:ARG:HD3	5	0.49
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG13	1:208:A:ARG:HD2	5	0.49
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG13	1:208:A:ARG:HD3	5	0.49
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG21	1:208:A:ARG:HD2	5	0.49
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG21	1:208:A:ARG:HD3	5	0.49
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG22	1:208:A:ARG:HD2	5	0.49
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG22	1:208:A:ARG:HD3	5	0.49
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG23	1:208:A:ARG:HD2	5	0.49
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG23	1:208:A:ARG:HD3	5	0.49
(4,1506)	1:103:A:GLN:HE21	1:104:A:SER:H	3	0.49
(4,1506)	1:103:A:GLN:HE22	1:104:A:SER:H	3	0.49
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB1	7	0.49
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB2	7	0.49
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB3	7	0.49
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD11	11	0.49
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD12	11	0.49
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD13	11	0.49
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD21	11	0.49
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD22	11	0.49
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD23	11	0.49
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD21	15	0.49
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD22	15	0.49
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD23	15	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG11	17	0.49
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG12	17	0.49
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG13	17	0.49
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD11	14	0.49
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD12	14	0.49
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD13	14	0.49
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HA	17	0.49
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HA	17	0.49
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HA	17	0.49
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	15	0.49
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	15	0.49
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:H	6	0.49
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:H	6	0.49
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:H	19	0.49
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:H	19	0.49
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD21	8	0.49
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD22	8	0.49
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD23	8	0.49
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE1	1:180:A:LEU:H	20	0.49
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE2	1:180:A:LEU:H	20	0.49
(4,1143)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:H	3	0.49
(4,1143)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:H	11	0.49
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG21	4	0.49
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG22	4	0.49
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG23	4	0.49
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG21	13	0.49
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG22	13	0.49
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG23	13	0.49
(4,1052)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:H	11	0.49
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG12	7	0.49
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG13	7	0.49
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG12	7	0.49
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG13	7	0.49
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG12	7	0.49
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG13	7	0.49
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG12	7	0.49
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG13	7	0.49
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG12	7	0.49
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG13	7	0.49
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG12	7	0.49
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG13	7	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD11	4	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD12	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD13	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD21	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD22	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD23	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD11	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD12	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD13	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD21	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD22	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD23	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD11	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD12	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD13	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD21	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD22	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD23	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD11	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD12	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD13	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD21	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD22	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD23	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD11	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD12	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD13	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD21	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD22	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD23	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD11	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD12	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD13	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD21	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD22	4	0.49
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD23	4	0.49
(4,983)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:H	8	0.49
(4,983)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:H	19	0.49
(4,950)	1:58:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:H	14	0.49
(4,950)	1:58:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:H	14	0.49
(4,950)	1:58:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:H	14	0.49
(4,950)	1:58:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:H	14	0.49
(4,950)	1:58:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:H	14	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,950)	1:58:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:H	14	0.49
(4,887)	1:100:A:SER:HB2	1:127:A:ASN:HA	3	0.49
(4,887)	1:100:A:SER:HB3	1:127:A:ASN:HA	3	0.49
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB1	20	0.49
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB2	20	0.49
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB3	20	0.49
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB1	20	0.49
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB2	20	0.49
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB3	20	0.49
(4,866)	1:36:A:ILE:HB	1:38:A:SER:HA	19	0.49
(4,851)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE21	15	0.49
(4,851)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE21	15	0.49
(4,851)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE21	15	0.49
(4,851)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE21	15	0.49
(4,851)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE21	15	0.49
(4,851)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE21	15	0.49
(4,843)	1:29:A:ASN:HD21	1:31:A:TRP:H	19	0.49
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD21	1	0.49
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD22	1	0.49
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD23	1	0.49
(4,770)	1:39:A:LEU:HA	1:41:A:GLU:HB2	14	0.49
(4,755)	1:16:A:GLU:H	1:34:A:PHE:HA	18	0.49
(4,751)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:H	14	0.49
(4,751)	1:2:A:SER:HB3	1:4:A:GLU:H	14	0.49
(4,732)	1:39:A:LEU:HB2	1:208:A:ARG:HD2	14	0.49
(4,732)	1:39:A:LEU:HB2	1:208:A:ARG:HD3	14	0.49
(4,732)	1:39:A:LEU:HB3	1:208:A:ARG:HD2	14	0.49
(4,732)	1:39:A:LEU:HB3	1:208:A:ARG:HD3	14	0.49
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB2	11	0.49
(4,731)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HB3	11	0.49
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB2	11	0.49
(4,731)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HB3	11	0.49
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	10	0.49
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	10	0.49
(4,693)	1:96:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	10	0.49
(4,679)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:H	16	0.49
(4,679)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:H	16	0.49
(4,679)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:H	16	0.49
(4,679)	1:57:A:LEU:HD21	1:214:A:TYR:H	16	0.49
(4,679)	1:57:A:LEU:HD22	1:214:A:TYR:H	16	0.49
(4,679)	1:57:A:LEU:HD23	1:214:A:TYR:H	16	0.49
(4,677)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD11	5	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,677)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD12	5	0.49
(4,677)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD13	5	0.49
(4,677)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD11	5	0.49
(4,677)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD12	5	0.49
(4,677)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD13	5	0.49
(4,677)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD11	5	0.49
(4,677)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD12	5	0.49
(4,677)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD13	5	0.49
(4,675)	1:3:A:GLY:H	1:5:A:ASN:H	14	0.49
(4,673)	1:172:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:H	1	0.49
(4,647)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:H	1	0.49
(4,627)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HG	1	0.49
(4,627)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HG	18	0.49
(4,623)	1:235:A:TRP:HE3	1:236:A:GLU:H	16	0.49
(4,548)	1:127:A:ASN:HD21	1:128:A:ARG:H	17	0.49
(4,540)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:H	18	0.49
(4,533)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HD22	8	0.49
(4,509)	1:73:A:ILE:HD11	1:77:A:TYR:HD1	13	0.49
(4,509)	1:73:A:ILE:HD11	1:77:A:TYR:HD2	13	0.49
(4,509)	1:73:A:ILE:HD12	1:77:A:TYR:HD1	13	0.49
(4,509)	1:73:A:ILE:HD12	1:77:A:TYR:HD2	13	0.49
(4,509)	1:73:A:ILE:HD13	1:77:A:TYR:HD1	13	0.49
(4,509)	1:73:A:ILE:HD13	1:77:A:TYR:HD2	13	0.49
(4,440)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:LEU:HB3	4	0.49
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD1	8	0.49
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD2	8	0.49
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG21	16	0.49
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG22	16	0.49
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG23	16	0.49
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG21	16	0.49
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG22	16	0.49
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG23	16	0.49
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG21	16	0.49
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG22	16	0.49
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG23	16	0.49
(4,353)	1:56:A:VAL:HB	1:229:A:LEU:H	11	0.49
(4,321)	1:134:A:THR:HG21	1:137:A:PHE:H	6	0.49
(4,321)	1:134:A:THR:HG22	1:137:A:PHE:H	6	0.49
(4,321)	1:134:A:THR:HG23	1:137:A:PHE:H	6	0.49
(4,287)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:H	8	0.49
(4,287)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:H	8	0.49
(4,241)	1:59:A:PHE:HD1	1:226:A:PHE:HB2	8	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,241)	1:59:A:PHE:HD2	1:226:A:PHE:HB2	8	0.49
(4,194)	1:146:A:VAL:HA	1:150:A:SER:H	13	0.49
(4,165)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	19	0.49
(4,165)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	19	0.49
(4,165)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	19	0.49
(4,164)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG12	6	0.49
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG11	10	0.49
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG12	10	0.49
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG13	10	0.49
(4,104)	1:206:A:LEU:HD11	1:210:A:ARG:H	17	0.49
(4,104)	1:206:A:LEU:HD12	1:210:A:ARG:H	17	0.49
(4,104)	1:206:A:LEU:HD13	1:210:A:ARG:H	17	0.49
(4,104)	1:206:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:H	17	0.49
(4,104)	1:206:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:H	17	0.49
(4,104)	1:206:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:H	17	0.49
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD21	3	0.49
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD22	3	0.49
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD21	3	0.49
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD22	3	0.49
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD21	5	0.49
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD22	5	0.49
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD21	5	0.49
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD22	5	0.49
(4,64)	1:81:A:TRP:HZ2	1:183:A:ARG:H	16	0.49
(3,24)	1:54:A:ALA:H	1:231:A:LEU:O	12	0.49
(3,22)	1:171:A:VAL:H	1:178:A:PHE:O	16	0.49
(3,12)	1:34:A:PHE:O	1:230:A:GLY:H	14	0.49
(2,77)	1:101:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	19	0.49
(1,279)	1:5:A:ASN:ND2	1:206:A:LEU:H	13	0.49
(1,210)	1:219:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	4	0.49
(1,160)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	17	0.49
(1,159)	1:191:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	18	0.49
(1,135)	1:213:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	17	0.49
(1,112)	1:211:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	4	0.49
(1,61)	1:85:A:SER:H	1:140:A:ASN:ND2	5	0.49
(1,59)	1:93:A:TYR:H	1:140:A:ASN:ND2	8	0.49
(5,751)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	9	0.48
(5,728)	1:5:A:ASN:ND2	1:220:A:GLU:H	3	0.48
(5,582)	1:5:A:ASN:ND2	1:197:A:THR:H	4	0.48
(5,557)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	12	0.48
(5,549)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	15	0.48
(5,415)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	6	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD11	16	0.48
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD12	16	0.48
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD13	16	0.48
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD21	16	0.48
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD22	16	0.48
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD23	16	0.48
(4,4094)	1:86:A:VAL:H	1:93:A:TYR:HD1	6	0.48
(4,4094)	1:86:A:VAL:H	1:93:A:TYR:HD2	6	0.48
(4,4090)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:H	14	0.48
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB3	7	0.48
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB3	7	0.48
(4,3957)	1:102:A:ASN:H	1:105:A:LEU:H	15	0.48
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD21	8	0.48
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD22	8	0.48
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD23	8	0.48
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD21	2	0.48
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD22	2	0.48
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD21	5	0.48
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD22	5	0.48
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD11	1	0.48
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD12	1	0.48
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD13	1	0.48
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD21	1	0.48
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD22	1	0.48
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD23	1	0.48
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG11	7	0.48
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG12	7	0.48
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG13	7	0.48
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB2	1:232:A:GLY:H	15	0.48
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB3	1:232:A:GLY:H	15	0.48
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE1	6	0.48
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE2	6	0.48
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE1	1:98:A:SER:H	11	0.48
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE2	1:98:A:SER:H	11	0.48
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG21	1:56:A:VAL:HB	11	0.48
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG22	1:56:A:VAL:HB	11	0.48
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG23	1:56:A:VAL:HB	11	0.48
(4,3587)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:H	13	0.48
(4,3571)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	14	0.48
(4,3571)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	14	0.48
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	9	0.48
(4,3543)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	9	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD11	4	0.48
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD12	4	0.48
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD13	4	0.48
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD21	4	0.48
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD22	4	0.48
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD23	4	0.48
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD11	4	0.48
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD12	4	0.48
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD13	4	0.48
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD21	4	0.48
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD22	4	0.48
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD23	4	0.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE21	9	0.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE22	9	0.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE21	9	0.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE22	9	0.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE21	9	0.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE22	9	0.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE21	9	0.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE22	9	0.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE21	9	0.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE22	9	0.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE21	9	0.48
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE22	9	0.48
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD11	20	0.48
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD12	20	0.48
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD13	20	0.48
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD11	20	0.48
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD12	20	0.48
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD13	20	0.48
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD11	20	0.48
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD12	20	0.48
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD13	20	0.48
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG11	3	0.48
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG12	3	0.48
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG13	3	0.48
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG21	3	0.48
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG22	3	0.48
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG23	3	0.48
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD1	1:179:A:GLU:H	7	0.48
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD2	1:179:A:GLU:H	7	0.48
(4,3332)	1:55:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HD1	18	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3332)	1:55:A:ILE:H	1:170:A:TYR:HD2	18	0.48
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB1	16	0.48
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB2	16	0.48
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB3	16	0.48
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB1	16	0.48
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB2	16	0.48
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB3	16	0.48
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB1	16	0.48
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB2	16	0.48
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB3	16	0.48
(4,3300)	1:163:A:THR:HG21	1:166:A:HIS:HA	9	0.48
(4,3300)	1:163:A:THR:HG22	1:166:A:HIS:HA	9	0.48
(4,3300)	1:163:A:THR:HG23	1:166:A:HIS:HA	9	0.48
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD21	19	0.48
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD22	19	0.48
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD23	19	0.48
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD21	19	0.48
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD22	19	0.48
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD23	19	0.48
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD21	19	0.48
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD22	19	0.48
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD23	19	0.48
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD1	15	0.48
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD2	15	0.48
(4,3246)	1:79:A:VAL:HG11	1:188:A:PRO:HB3	1	0.48
(4,3246)	1:79:A:VAL:HG12	1:188:A:PRO:HB3	1	0.48
(4,3246)	1:79:A:VAL:HG13	1:188:A:PRO:HB3	1	0.48
(4,3206)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:H	4	0.48
(4,3202)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA2	14	0.48
(4,3202)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA2	14	0.48
(4,3154)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:H	17	0.48
(4,3116)	1:22:A:ALA:HA	1:25:A:LEU:HA	12	0.48
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:H	8	0.48
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:H	8	0.48
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:H	8	0.48
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:H	16	0.48
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:H	16	0.48
(4,3109)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:H	16	0.48
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD11	14	0.48
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD12	14	0.48
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD13	14	0.48
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD21	14	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD22	14	0.48
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD23	14	0.48
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG21	9	0.48
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG22	9	0.48
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG23	9	0.48
(4,3051)	1:163:A:THR:HA	1:165:A:LEU:HB3	8	0.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD11	16	0.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD12	16	0.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD13	16	0.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD21	16	0.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD22	16	0.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD23	16	0.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD11	16	0.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD12	16	0.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD13	16	0.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD21	16	0.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD22	16	0.48
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD23	16	0.48
(4,3032)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE22	11	0.48
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	16	0.48
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	16	0.48
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	16	0.48
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	16	0.48
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	16	0.48
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	16	0.48
(4,2979)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:HB2	19	0.48
(4,2979)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:HB3	19	0.48
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD21	1	0.48
(4,2952)	1:5:A:ASN:HD21	1:88:A:ASN:HD22	1	0.48
(4,2951)	1:106:A:LEU:HG	1:110:A:SER:HB2	19	0.48
(4,2951)	1:106:A:LEU:HG	1:110:A:SER:HB3	19	0.48
(4,2929)	1:87:A:LYS:H	1:89:A:ALA:HB1	9	0.48
(4,2929)	1:87:A:LYS:H	1:89:A:ALA:HB2	9	0.48
(4,2929)	1:87:A:LYS:H	1:89:A:ALA:HB3	9	0.48
(4,2920)	1:80:A:ILE:HG12	1:127:A:ASN:HD21	6	0.48
(4,2920)	1:80:A:ILE:HG13	1:127:A:ASN:HD21	6	0.48
(4,2910)	1:138:A:VAL:HB	1:141:A:VAL:HB	18	0.48
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB1	10	0.48
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB2	10	0.48
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB3	10	0.48
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD11	12	0.48
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD12	12	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD13	12	0.48
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD21	12	0.48
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD22	12	0.48
(4,2803)	1:13:A:SER:H	1:229:A:LEU:HD23	12	0.48
(4,2795)	1:119:A:GLN:HE21	1:127:A:ASN:H	16	0.48
(4,2716)	1:55:A:ILE:HG21	1:201:A:LEU:HB3	13	0.48
(4,2716)	1:55:A:ILE:HG22	1:201:A:LEU:HB3	13	0.48
(4,2716)	1:55:A:ILE:HG23	1:201:A:LEU:HB3	13	0.48
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG11	4	0.48
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG12	4	0.48
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG13	4	0.48
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG11	7	0.48
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG12	7	0.48
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG13	7	0.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD11	9	0.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD12	9	0.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD13	9	0.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD21	9	0.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD22	9	0.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD23	9	0.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD11	9	0.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD12	9	0.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD13	9	0.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD21	9	0.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD22	9	0.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD23	9	0.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD11	9	0.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD12	9	0.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD13	9	0.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD21	9	0.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD22	9	0.48
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD23	9	0.48
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:H	20	0.48
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:H	20	0.48
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:H	20	0.48
(4,2640)	1:204:A:GLN:H	1:206:A:LEU:H	16	0.48
(4,2563)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HD1	12	0.48
(4,2563)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HD2	12	0.48
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG2	1:110:A:SER:H	15	0.48
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG3	1:110:A:SER:H	15	0.48
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD21	1:102:A:ASN:HD21	14	0.48
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD21	1:102:A:ASN:HD22	14	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD22	1:102:A:ASN:HD21	14	0.48
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD22	1:102:A:ASN:HD22	14	0.48
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE1	1:78:A:ASP:H	9	0.48
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE2	1:78:A:ASP:H	9	0.48
(4,2279)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HB2	20	0.48
(4,2279)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HB3	20	0.48
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG11	1:189:A:LEU:H	13	0.48
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG12	1:189:A:LEU:H	13	0.48
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG13	1:189:A:LEU:H	13	0.48
(4,2267)	1:29:A:ASN:H	1:30:A:GLU:HG3	14	0.48
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	6	0.48
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	6	0.48
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	6	0.48
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	6	0.48
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	6	0.48
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	6	0.48
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD21	10	0.48
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD22	10	0.48
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD23	10	0.48
(4,2041)	1:95:A:ILE:HA	1:98:A:SER:HA	10	0.48
(4,1998)	1:109:A:GLY:HA2	1:114:A:ASN:HD21	17	0.48
(4,1978)	1:142:A:ILE:HG12	1:143:A:LYS:HA	12	0.48
(4,1978)	1:142:A:ILE:HG13	1:143:A:LYS:HA	12	0.48
(4,1975)	1:44:A:LEU:HA	1:48:A:LEU:H	7	0.48
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG21	17	0.48
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG22	17	0.48
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG23	17	0.48
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG11	15	0.48
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG12	15	0.48
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG13	15	0.48
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	18	0.48
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	18	0.48
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	18	0.48
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	18	0.48
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	18	0.48
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	18	0.48
(4,1884)	1:38:A:SER:HB2	1:44:A:LEU:H	12	0.48
(4,1884)	1:38:A:SER:HB3	1:44:A:LEU:H	12	0.48
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD11	6	0.48
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD12	6	0.48
(4,1875)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HD13	6	0.48
(4,1810)	1:143:A:LYS:H	1:143:A:LYS:HE2	3	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1810)	1:143:A:LYS:H	1:143:A:LYS:HE3	3	0.48
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD11	8	0.48
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD12	8	0.48
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD13	8	0.48
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD11	8	0.48
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD12	8	0.48
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD13	8	0.48
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD11	1:115:A:PHE:H	19	0.48
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD12	1:115:A:PHE:H	19	0.48
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD13	1:115:A:PHE:H	19	0.48
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD21	1:115:A:PHE:H	19	0.48
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD22	1:115:A:PHE:H	19	0.48
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD23	1:115:A:PHE:H	19	0.48
(4,1720)	1:5:A:ASN:H	1:7:A:ALA:H	4	0.48
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB1	12	0.48
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB2	12	0.48
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB3	12	0.48
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB1	12	0.48
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB2	12	0.48
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB3	12	0.48
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB1	12	0.48
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB2	12	0.48
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB3	12	0.48
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD21	8	0.48
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD22	8	0.48
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD23	8	0.48
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD21	8	0.48
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD22	8	0.48
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD23	8	0.48
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD21	8	0.48
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD22	8	0.48
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD11	6	0.48
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD12	6	0.48
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD13	6	0.48
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD21	6	0.48
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD22	6	0.48
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD23	6	0.48
(4,1522)	1:218:A:ALA:HB1	1:223:A:VAL:HB	20	0.48
(4,1522)	1:218:A:ALA:HB2	1:223:A:VAL:HB	20	0.48
(4,1522)	1:218:A:ALA:HB3	1:223:A:VAL:HB	20	0.48
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HA	19	0.48
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HA	19	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HA	19	0.48
(4,1489)	1:116:A:LEU:H	1:118:A:SER:HB2	14	0.48
(4,1489)	1:116:A:LEU:H	1:118:A:SER:HB3	14	0.48
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:H	7	0.48
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:H	7	0.48
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:H	7	0.48
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG11	2	0.48
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG12	2	0.48
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG13	2	0.48
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG21	2	0.48
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG22	2	0.48
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG23	2	0.48
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG12	9	0.48
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG12	9	0.48
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD11	14	0.48
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD12	14	0.48
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD13	14	0.48
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD21	14	0.48
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD22	14	0.48
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD23	14	0.48
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:H	8	0.48
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:H	8	0.48
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD21	12	0.48
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD22	12	0.48
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD23	12	0.48
(4,1164)	1:119:A:GLN:HG2	1:126:A:LYS:H	10	0.48
(4,1164)	1:119:A:GLN:HG3	1:126:A:LYS:H	10	0.48
(4,1120)	1:27:A:LEU:H	1:107:A:GLU:H	10	0.48
(4,1112)	1:81:A:TRP:HZ2	1:181:A:ASP:H	11	0.48
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD11	1:38:A:SER:H	3	0.48
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD12	1:38:A:SER:H	3	0.48
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD13	1:38:A:SER:H	3	0.48
(4,1041)	1:23:A:HIS:HD2	1:31:A:TRP:H	5	0.48
(4,1037)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:HA	4	0.48
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG11	1:167:A:TYR:HE1	12	0.48
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG11	1:167:A:TYR:HE2	12	0.48
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG12	1:167:A:TYR:HE1	12	0.48
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG12	1:167:A:TYR:HE2	12	0.48
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG13	1:167:A:TYR:HE1	12	0.48
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG13	1:167:A:TYR:HE2	12	0.48
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE2	15	0.48
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE3	15	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE2	15	0.48
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE3	15	0.48
(4,1002)	1:118:A:SER:H	1:119:A:GLN:HE22	14	0.48
(4,995)	1:34:A:PHE:HB2	1:36:A:ILE:H	3	0.48
(4,995)	1:34:A:PHE:HB3	1:36:A:ILE:H	3	0.48
(4,983)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:H	4	0.48
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG2	17	0.48
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG3	17	0.48
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG2	17	0.48
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG3	17	0.48
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG2	3	0.48
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG3	3	0.48
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB2	14	0.48
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB3	14	0.48
(4,780)	1:73:A:ILE:HG12	1:76:A:SER:H	15	0.48
(4,780)	1:73:A:ILE:HG13	1:76:A:SER:H	15	0.48
(4,759)	1:177:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:H	19	0.48
(4,759)	1:177:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:H	19	0.48
(4,759)	1:177:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:H	19	0.48
(4,667)	1:136:A:GLN:HB2	1:139:A:LEU:HB2	10	0.48
(4,667)	1:136:A:GLN:HB2	1:139:A:LEU:HB3	10	0.48
(4,667)	1:136:A:GLN:HB3	1:139:A:LEU:HB2	10	0.48
(4,667)	1:136:A:GLN:HB3	1:139:A:LEU:HB3	10	0.48
(4,623)	1:235:A:TRP:HE3	1:236:A:GLU:H	8	0.48
(4,576)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HG	19	0.48
(4,576)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HG	19	0.48
(4,576)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HG	19	0.48
(4,568)	1:191:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:HB	19	0.48
(4,568)	1:191:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:HB	19	0.48
(4,568)	1:191:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:HB	19	0.48
(4,568)	1:191:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:HB	19	0.48
(4,568)	1:191:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:HB	19	0.48
(4,568)	1:191:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:HB	19	0.48
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB2	4	0.48
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB3	4	0.48
(4,500)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HB	3	0.48
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG21	8	0.48
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG22	8	0.48
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG23	8	0.48
(4,421)	1:91:A:GLY:H	1:92:A:LEU:HB3	12	0.48
(4,416)	1:204:A:GLN:HG2	1:205:A:GLU:HA	16	0.48
(4,416)	1:204:A:GLN:HG3	1:205:A:GLU:HA	16	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,387)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:HG2	7	0.48
(4,387)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:HG3	7	0.48
(4,387)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:HG2	7	0.48
(4,387)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:HG3	7	0.48
(4,387)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:HG2	7	0.48
(4,387)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:HG3	7	0.48
(4,349)	1:27:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD11	10	0.48
(4,349)	1:27:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD12	10	0.48
(4,349)	1:27:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD13	10	0.48
(4,349)	1:27:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD11	10	0.48
(4,349)	1:27:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD12	10	0.48
(4,349)	1:27:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD13	10	0.48
(4,349)	1:27:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD11	10	0.48
(4,349)	1:27:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD12	10	0.48
(4,349)	1:27:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD13	10	0.48
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE1	3	0.48
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE2	3	0.48
(4,278)	1:32:A:ALA:HB1	1:34:A:PHE:HD1	16	0.48
(4,278)	1:32:A:ALA:HB1	1:34:A:PHE:HD2	16	0.48
(4,278)	1:32:A:ALA:HB2	1:34:A:PHE:HD1	16	0.48
(4,278)	1:32:A:ALA:HB2	1:34:A:PHE:HD2	16	0.48
(4,278)	1:32:A:ALA:HB3	1:34:A:PHE:HD1	16	0.48
(4,278)	1:32:A:ALA:HB3	1:34:A:PHE:HD2	16	0.48
(4,251)	1:28:A:LYS:HB3	1:29:A:ASN:HD21	6	0.48
(4,194)	1:146:A:VAL:HA	1:150:A:SER:H	19	0.48
(4,173)	1:17:A:VAL:H	1:18:A:PHE:HD1	19	0.48
(4,173)	1:17:A:VAL:H	1:18:A:PHE:HD2	19	0.48
(4,165)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	13	0.48
(4,165)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	13	0.48
(4,165)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	13	0.48
(4,158)	1:100:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	11	0.48
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG21	3	0.48
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG22	3	0.48
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG23	3	0.48
(4,43)	1:101:A:ASN:HB2	1:180:A:LEU:HD11	11	0.48
(4,43)	1:101:A:ASN:HB2	1:180:A:LEU:HD12	11	0.48
(4,43)	1:101:A:ASN:HB2	1:180:A:LEU:HD13	11	0.48
(4,43)	1:101:A:ASN:HB2	1:180:A:LEU:HD21	11	0.48
(4,43)	1:101:A:ASN:HB2	1:180:A:LEU:HD22	11	0.48
(4,43)	1:101:A:ASN:HB2	1:180:A:LEU:HD23	11	0.48
(4,43)	1:101:A:ASN:HB3	1:180:A:LEU:HD11	11	0.48
(4,43)	1:101:A:ASN:HB3	1:180:A:LEU:HD12	11	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,43)	1:101:A:ASN:HB3	1:180:A:LEU:HD13	11	0.48
(4,43)	1:101:A:ASN:HB3	1:180:A:LEU:HD21	11	0.48
(4,43)	1:101:A:ASN:HB3	1:180:A:LEU:HD22	11	0.48
(4,43)	1:101:A:ASN:HB3	1:180:A:LEU:HD23	11	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG11	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG12	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG13	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG21	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG22	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG23	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG11	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG12	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG13	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG21	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG22	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG23	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG11	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG12	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG13	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG21	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG22	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG23	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG11	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG12	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG13	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG21	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG22	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG23	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG11	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG12	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG13	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG21	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG22	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG23	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG11	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG12	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG13	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG21	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG22	12	0.48
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG23	12	0.48
(4,1)	1:30:A:GLU:C	1:234:A:ASN:N	9	0.48
(3,8)	1:179:A:GLU:H	1:189:A:LEU:O	1	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,507)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	11	0.48
(1,170)	1:86:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	6	0.48
(1,165)	1:180:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	16	0.48
(1,159)	1:191:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	17	0.48
(5,706)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	2	0.47
(5,633)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	16	0.47
(5,613)	1:5:A:ASN:ND2	1:153:A:GLN:H	17	0.47
(5,473)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	20	0.47
(5,418)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	10	0.47
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:H	17	0.47
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:H	17	0.47
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:H	17	0.47
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG11	17	0.47
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG12	17	0.47
(4,4307)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG13	17	0.47
(4,4209)	1:101:A:ASN:H	1:102:A:ASN:HD21	9	0.47
(4,4209)	1:101:A:ASN:H	1:102:A:ASN:HD22	9	0.47
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG2	9	0.47
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG3	9	0.47
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG2	9	0.47
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG3	9	0.47
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG2	9	0.47
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG3	9	0.47
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD11	20	0.47
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD12	20	0.47
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD13	20	0.47
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD21	20	0.47
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD22	20	0.47
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD23	20	0.47
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD11	20	0.47
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD12	20	0.47
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD13	20	0.47
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD21	20	0.47
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD22	20	0.47
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD23	20	0.47
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD11	19	0.47
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD12	19	0.47
(4,4120)	1:52:A:VAL:H	1:55:A:ILE:HD13	19	0.47
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:HG2	10	0.47
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:HG3	10	0.47
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:HG2	10	0.47
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:HG3	10	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:HG2	10	0.47
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:HG3	10	0.47
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:HG2	10	0.47
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD21	1:143:A:LYS:HG3	10	0.47
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:HG2	10	0.47
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD22	1:143:A:LYS:HG3	10	0.47
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:HG2	10	0.47
(4,4068)	1:139:A:LEU:HD23	1:143:A:LYS:HG3	10	0.47
(4,4054)	1:23:A:HIS:HD2	1:24:A:LYS:H	10	0.47
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD1	2	0.47
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD2	2	0.47
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD1	6	0.47
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD2	6	0.47
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD1	15	0.47
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD2	15	0.47
(4,3933)	1:19:A:THR:HG1	1:22:A:ALA:H	12	0.47
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:HA	13	0.47
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:HA	13	0.47
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:HA	13	0.47
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:HA	13	0.47
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:HA	13	0.47
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:HA	13	0.47
(4,3893)	1:119:A:GLN:HE21	1:125:A:SER:H	16	0.47
(4,3890)	1:184:A:ASN:HD21	1:185:A:LEU:H	19	0.47
(4,3890)	1:184:A:ASN:HD22	1:185:A:LEU:H	19	0.47
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD1	3	0.47
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD2	3	0.47
(4,3864)	1:73:A:ILE:H	1:187:A:GLY:H	13	0.47
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD21	2	0.47
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD22	2	0.47
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD23	2	0.47
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD1	1:228:A:MET:HG2	7	0.47
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD1	1:228:A:MET:HG3	7	0.47
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD2	1:228:A:MET:HG2	7	0.47
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD2	1:228:A:MET:HG3	7	0.47
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB2	1:220:A:GLU:HG2	2	0.47
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB2	1:220:A:GLU:HG3	2	0.47
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB3	1:220:A:GLU:HG2	2	0.47
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB3	1:220:A:GLU:HG3	2	0.47
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD11	8	0.47
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD12	8	0.47
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD13	8	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB2	20	0.47
(4,3742)	1:2:A:SER:HB2	1:6:A:ARG:HB3	20	0.47
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB2	20	0.47
(4,3742)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HB3	20	0.47
(4,3682)	1:50:A:ARG:H	1:233:A:PRO:HB2	17	0.47
(4,3652)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD11	16	0.47
(4,3652)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD12	16	0.47
(4,3652)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD13	16	0.47
(4,3650)	1:222:A:ASP:HA	1:225:A:ASN:HD21	18	0.47
(4,3650)	1:222:A:ASP:HA	1:225:A:ASN:HD22	18	0.47
(4,3592)	1:36:A:ILE:H	1:37:A:TYR:HD1	2	0.47
(4,3592)	1:36:A:ILE:H	1:37:A:TYR:HD2	2	0.47
(4,3576)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:HD21	5	0.47
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:H	13	0.47
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:H	13	0.47
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:H	13	0.47
(4,3485)	1:126:A:LYS:HG2	1:127:A:ASN:HD21	20	0.47
(4,3485)	1:126:A:LYS:HG3	1:127:A:ASN:HD21	20	0.47
(4,3437)	1:81:A:TRP:HZ2	1:187:A:GLY:H	20	0.47
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD11	18	0.47
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD12	18	0.47
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD13	18	0.47
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD21	18	0.47
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD22	18	0.47
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD23	18	0.47
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD11	9	0.47
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD12	9	0.47
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD13	9	0.47
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD21	9	0.47
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD22	9	0.47
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD23	9	0.47
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG11	17	0.47
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG12	17	0.47
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG13	17	0.47
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG21	17	0.47
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG22	17	0.47
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG23	17	0.47
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	16	0.47
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	16	0.47
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG21	2	0.47
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG22	2	0.47
(4,3208)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG23	2	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3207)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:H	13	0.47
(4,3194)	1:45:A:LEU:HD11	1:202:A:ILE:H	13	0.47
(4,3194)	1:45:A:LEU:HD12	1:202:A:ILE:H	13	0.47
(4,3194)	1:45:A:LEU:HD13	1:202:A:ILE:H	13	0.47
(4,3187)	1:148:A:THR:HG21	1:150:A:SER:H	14	0.47
(4,3187)	1:148:A:THR:HG22	1:150:A:SER:H	14	0.47
(4,3187)	1:148:A:THR:HG23	1:150:A:SER:H	14	0.47
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB2	10	0.47
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB3	10	0.47
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD11	1:110:A:SER:H	11	0.47
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD12	1:110:A:SER:H	11	0.47
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD13	1:110:A:SER:H	11	0.47
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD11	15	0.47
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD12	15	0.47
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD13	15	0.47
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD21	15	0.47
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD22	15	0.47
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD23	15	0.47
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD11	15	0.47
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD12	15	0.47
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD13	15	0.47
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD21	15	0.47
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD22	15	0.47
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD23	15	0.47
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD11	15	0.47
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD12	15	0.47
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD13	15	0.47
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD21	15	0.47
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD22	15	0.47
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD23	15	0.47
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG21	19	0.47
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG22	19	0.47
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG23	19	0.47
(4,3051)	1:163:A:THR:HA	1:165:A:LEU:HB3	20	0.47
(4,3008)	1:125:A:SER:H	1:128:A:ARG:H	18	0.47
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB2	1:168:A:ILE:H	19	0.47
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB3	1:168:A:ILE:H	19	0.47
(4,2951)	1:106:A:LEU:HG	1:110:A:SER:HB2	11	0.47
(4,2951)	1:106:A:LEU:HG	1:110:A:SER:HB3	11	0.47
(4,2923)	1:36:A:ILE:H	1:38:A:SER:H	14	0.47
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB2	12	0.47
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB3	12	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2847)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:H	11	0.47
(4,2813)	1:198:A:ALA:HB1	1:205:A:GLU:H	17	0.47
(4,2813)	1:198:A:ALA:HB2	1:205:A:GLU:H	17	0.47
(4,2813)	1:198:A:ALA:HB3	1:205:A:GLU:H	17	0.47
(4,2802)	1:57:A:LEU:HD21	1:59:A:PHE:HD1	18	0.47
(4,2802)	1:57:A:LEU:HD21	1:59:A:PHE:HD2	18	0.47
(4,2802)	1:57:A:LEU:HD22	1:59:A:PHE:HD1	18	0.47
(4,2802)	1:57:A:LEU:HD22	1:59:A:PHE:HD2	18	0.47
(4,2802)	1:57:A:LEU:HD23	1:59:A:PHE:HD1	18	0.47
(4,2802)	1:57:A:LEU:HD23	1:59:A:PHE:HD2	18	0.47
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD11	1	0.47
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD12	1	0.47
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD13	1	0.47
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD21	1	0.47
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD22	1	0.47
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD23	1	0.47
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD11	13	0.47
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD12	13	0.47
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD13	13	0.47
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD21	13	0.47
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD22	13	0.47
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD23	13	0.47
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG12	1:206:A:LEU:H	10	0.47
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG13	1:206:A:LEU:H	10	0.47
(4,2590)	1:64:A:ASP:HA	1:66:A:LYS:H	12	0.47
(4,2494)	1:59:A:PHE:HA	1:226:A:PHE:H	10	0.47
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD1	1	0.47
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD2	1	0.47
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG2	18	0.47
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG3	18	0.47
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE1	1:78:A:ASP:H	14	0.47
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE2	1:78:A:ASP:H	14	0.47
(4,2288)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	8	0.47
(4,2280)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:H	4	0.47
(4,2266)	1:214:A:TYR:HA	1:217:A:ASN:HD21	11	0.47
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB2	2	0.47
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB3	2	0.47
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD21	8	0.47
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD22	8	0.47
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD23	8	0.47
(4,2251)	1:3:A:GLY:H	1:4:A:GLU:HB2	8	0.47
(4,2251)	1:3:A:GLY:H	1:4:A:GLU:HB3	8	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB1	1:216:A:GLU:HB2	10	0.47
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB1	1:216:A:GLU:HB3	10	0.47
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB2	1:216:A:GLU:HB2	10	0.47
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB2	1:216:A:GLU:HB3	10	0.47
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB3	1:216:A:GLU:HB2	10	0.47
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB3	1:216:A:GLU:HB3	10	0.47
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG12	2	0.47
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG13	2	0.47
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG12	2	0.47
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG13	2	0.47
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG12	2	0.47
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG13	2	0.47
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG12	2	0.47
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG13	2	0.47
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG12	2	0.47
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG13	2	0.47
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG12	2	0.47
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG13	2	0.47
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD11	12	0.47
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD12	12	0.47
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD13	12	0.47
(4,2107)	1:58:A:LEU:HB2	1:59:A:PHE:HA	19	0.47
(4,2007)	1:68:A:SER:H	1:70:A:SER:H	8	0.47
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG21	4	0.47
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG22	4	0.47
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG23	4	0.47
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:HA	10	0.47
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:HA	10	0.47
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:HA	10	0.47
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:HA	10	0.47
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:HA	10	0.47
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:HA	10	0.47
(4,1882)	1:98:A:SER:HG	1:100:A:SER:H	9	0.47
(4,1881)	1:42:A:PRO:HB2	1:46:A:ALA:HA	1	0.47
(4,1837)	1:7:A:ALA:HA	1:88:A:ASN:H	8	0.47
(4,1676)	1:172:A:GLU:HB3	1:176:A:GLY:H	11	0.47
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:H	13	0.47
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:H	13	0.47
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:H	13	0.47
(4,1672)	1:21:A:PHE:HD1	1:22:A:ALA:HA	3	0.47
(4,1672)	1:21:A:PHE:HD2	1:22:A:ALA:HA	3	0.47
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB1	20	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB2	20	0.47
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB3	20	0.47
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB1	20	0.47
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB2	20	0.47
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB3	20	0.47
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB1	20	0.47
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB2	20	0.47
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB3	20	0.47
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG21	18	0.47
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG22	18	0.47
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG23	18	0.47
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG11	16	0.47
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG12	16	0.47
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG13	16	0.47
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG21	16	0.47
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG22	16	0.47
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG23	16	0.47
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	18	0.47
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	18	0.47
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD21	7	0.47
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD22	7	0.47
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD23	7	0.47
(4,1189)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:GLU:H	1	0.47
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:HE22	16	0.47
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:HE22	16	0.47
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:HE22	16	0.47
(4,1058)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD21	10	0.47
(4,1058)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD22	10	0.47
(4,1058)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD23	10	0.47
(4,1051)	1:167:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HE1	14	0.47
(4,1051)	1:167:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HE2	14	0.47
(4,1050)	1:15:A:PRO:HB2	1:34:A:PHE:H	15	0.47
(4,1050)	1:15:A:PRO:HB3	1:34:A:PHE:H	15	0.47
(4,1029)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	19	0.47
(4,992)	1:81:A:TRP:HE1	1:84:A:GLN:H	13	0.47
(4,966)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:H	5	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD11	7	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD12	7	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD13	7	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD21	7	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD22	7	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD23	7	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD11	7	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD12	7	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD13	7	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD21	7	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD22	7	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD23	7	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD11	7	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD12	7	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD13	7	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD21	7	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD22	7	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD23	7	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD11	10	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD12	10	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD13	10	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD21	10	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD22	10	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD23	10	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD11	10	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD12	10	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD13	10	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD21	10	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD22	10	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD23	10	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD11	10	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD12	10	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD13	10	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD21	10	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD22	10	0.47
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD23	10	0.47
(4,956)	1:100:A:SER:HB2	1:103:A:GLN:HE21	6	0.47
(4,956)	1:100:A:SER:HB2	1:103:A:GLN:HE22	6	0.47
(4,956)	1:100:A:SER:HB3	1:103:A:GLN:HE21	6	0.47
(4,956)	1:100:A:SER:HB3	1:103:A:GLN:HE22	6	0.47
(4,938)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	19	0.47
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB2	17	0.47
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB3	17	0.47
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD2	8	0.47
(4,889)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HD3	8	0.47
(4,829)	1:73:A:ILE:HD11	1:187:A:GLY:H	4	0.47
(4,829)	1:73:A:ILE:HD12	1:187:A:GLY:H	4	0.47
(4,829)	1:73:A:ILE:HD13	1:187:A:GLY:H	4	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,756)	1:80:A:ILE:HG21	1:127:A:ASN:HD21	17	0.47
(4,756)	1:80:A:ILE:HG22	1:127:A:ASN:HD21	17	0.47
(4,756)	1:80:A:ILE:HG23	1:127:A:ASN:HD21	17	0.47
(4,722)	1:27:A:LEU:HA	1:106:A:LEU:HD11	4	0.47
(4,722)	1:27:A:LEU:HA	1:106:A:LEU:HD12	4	0.47
(4,722)	1:27:A:LEU:HA	1:106:A:LEU:HD13	4	0.47
(4,722)	1:27:A:LEU:HA	1:106:A:LEU:HD21	4	0.47
(4,722)	1:27:A:LEU:HA	1:106:A:LEU:HD22	4	0.47
(4,722)	1:27:A:LEU:HA	1:106:A:LEU:HD23	4	0.47
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD11	12	0.47
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD12	12	0.47
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD13	12	0.47
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD21	12	0.47
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD22	12	0.47
(4,671)	1:86:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD23	12	0.47
(4,665)	1:168:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	4	0.47
(4,665)	1:168:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	4	0.47
(4,665)	1:168:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	4	0.47
(4,576)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HG	15	0.47
(4,576)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HG	15	0.47
(4,576)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HG	15	0.47
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG11	13	0.47
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG12	13	0.47
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG13	13	0.47
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG21	13	0.47
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG22	13	0.47
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG23	13	0.47
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG11	13	0.47
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG12	13	0.47
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG13	13	0.47
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG21	13	0.47
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG22	13	0.47
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG23	13	0.47
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG11	13	0.47
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG12	13	0.47
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG13	13	0.47
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG21	13	0.47
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG22	13	0.47
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG23	13	0.47
(4,528)	1:117:A:LYS:H	1:119:A:GLN:HE21	4	0.47
(4,448)	1:86:A:VAL:HG11	1:93:A:TYR:HD1	3	0.47
(4,448)	1:86:A:VAL:HG11	1:93:A:TYR:HD2	3	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,448)	1:86:A:VAL:HG12	1:93:A:TYR:HD1	3	0.47
(4,448)	1:86:A:VAL:HG12	1:93:A:TYR:HD2	3	0.47
(4,448)	1:86:A:VAL:HG13	1:93:A:TYR:HD1	3	0.47
(4,448)	1:86:A:VAL:HG13	1:93:A:TYR:HD2	3	0.47
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD11	20	0.47
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD12	20	0.47
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD13	20	0.47
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD21	20	0.47
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD22	20	0.47
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD23	20	0.47
(4,435)	1:58:A:LEU:H	1:59:A:PHE:HD1	19	0.47
(4,435)	1:58:A:LEU:H	1:59:A:PHE:HD2	19	0.47
(4,409)	1:143:A:LYS:HG2	1:145:A:ASN:H	15	0.47
(4,409)	1:143:A:LYS:HG3	1:145:A:ASN:H	15	0.47
(4,376)	1:170:A:TYR:H	1:170:A:TYR:HD1	15	0.47
(4,376)	1:170:A:TYR:H	1:170:A:TYR:HD2	15	0.47
(4,368)	1:154:A:SER:HA	1:156:A:ALA:HA	15	0.47
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD21	18	0.47
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD22	18	0.47
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD23	18	0.47
(4,313)	1:79:A:VAL:HG11	1:179:A:GLU:H	7	0.47
(4,313)	1:79:A:VAL:HG12	1:179:A:GLU:H	7	0.47
(4,313)	1:79:A:VAL:HG13	1:179:A:GLU:H	7	0.47
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG11	7	0.47
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG12	7	0.47
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG13	7	0.47
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG21	7	0.47
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG22	7	0.47
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG23	7	0.47
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE1	15	0.47
(4,283)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HE2	15	0.47
(4,251)	1:28:A:LYS:HB3	1:29:A:ASN:HD21	16	0.47
(4,180)	1:153:A:GLN:H	1:156:A:ALA:HA	1	0.47
(4,142)	1:190:A:TYR:HA	1:191:A:LEU:HG	6	0.47
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD1	14	0.47
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD2	14	0.47
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD1	14	0.47
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD2	14	0.47
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD21	4	0.47
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD22	4	0.47
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD21	4	0.47
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD22	4	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB2	7	0.47
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB3	7	0.47
(4,67)	1:21:A:PHE:HD1	1:91:A:GLY:HA2	16	0.47
(4,67)	1:21:A:PHE:HD1	1:91:A:GLY:HA3	16	0.47
(4,67)	1:21:A:PHE:HD2	1:91:A:GLY:HA2	16	0.47
(4,67)	1:21:A:PHE:HD2	1:91:A:GLY:HA3	16	0.47
(4,50)	1:25:A:LEU:HA	1:111:A:ASP:HA	14	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG11	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG12	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG13	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG21	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG22	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG23	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG11	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG12	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG13	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG21	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG22	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG23	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG11	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG12	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG13	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG21	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG22	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG23	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG11	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG12	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG13	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG21	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG22	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG23	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG11	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG12	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG13	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG21	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG22	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG23	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG11	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG12	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG13	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG21	13	0.47
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG22	13	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG23	13	0.47
(4,1)	1:30:A:GLU:C	1:234:A:ASN:N	8	0.47
(4,1)	1:30:A:GLU:C	1:234:A:ASN:N	18	0.47
(3,24)	1:54:A:ALA:H	1:231:A:LEU:O	2	0.47
(3,14)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:O	10	0.47
(3,12)	1:34:A:PHE:O	1:230:A:GLY:H	5	0.47
(2,638)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	11	0.47
(2,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	15	0.47
(1,176)	1:84:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	3	0.47
(1,112)	1:211:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	14	0.47
(1,112)	1:211:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	18	0.47
(5,339)	1:5:A:ASN:ND2	1:146:A:VAL:H	10	0.46
(5,139)	1:48:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	20	0.46
(4,4311)	1:177:A:ILE:H	1:195:A:ASP:H	20	0.46
(4,4299)	1:169:A:THR:H	1:181:A:ASP:H	12	0.46
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD1	1:193:A:LYS:H	6	0.46
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD2	1:193:A:LYS:H	6	0.46
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD1	12	0.46
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD2	12	0.46
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HG12	5	0.46
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HG13	5	0.46
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HG12	5	0.46
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HG13	5	0.46
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HG12	5	0.46
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HG13	5	0.46
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	18	0.46
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	18	0.46
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	18	0.46
(4,4090)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:H	12	0.46
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG11	12	0.46
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG12	12	0.46
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG13	12	0.46
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG11	12	0.46
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG12	12	0.46
(4,4058)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG13	12	0.46
(4,4054)	1:23:A:HIS:HD2	1:24:A:LYS:H	16	0.46
(4,4008)	1:115:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HG2	2	0.46
(4,4008)	1:115:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HG2	2	0.46
(4,3929)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:H	2	0.46
(4,3872)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HE1	7	0.46
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB1	3	0.46
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB2	3	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB3	3	0.46
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB1	3	0.46
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB2	3	0.46
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB3	3	0.46
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB1	3	0.46
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB2	3	0.46
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB3	3	0.46
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD11	1:138:A:VAL:H	16	0.46
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD12	1:138:A:VAL:H	16	0.46
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD13	1:138:A:VAL:H	16	0.46
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD21	1:138:A:VAL:H	16	0.46
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD22	1:138:A:VAL:H	16	0.46
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD23	1:138:A:VAL:H	16	0.46
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:H	12	0.46
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:H	12	0.46
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:H	12	0.46
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE1	1:230:A:GLY:H	7	0.46
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE2	1:230:A:GLY:H	7	0.46
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	13	0.46
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	13	0.46
(4,3682)	1:50:A:ARG:H	1:233:A:PRO:HB2	20	0.46
(4,3676)	1:32:A:ALA:H	1:232:A:GLY:H	20	0.46
(4,3651)	1:51:A:PRO:HB3	1:201:A:LEU:H	9	0.46
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	16	0.46
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	16	0.46
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	16	0.46
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	16	0.46
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	16	0.46
(4,3638)	1:9:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	16	0.46
(4,3611)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:H	19	0.46
(4,3611)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:H	19	0.46
(4,3611)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:H	19	0.46
(4,3590)	1:40:A:THR:H	1:41:A:GLU:HB3	2	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD11	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD12	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD13	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD21	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD22	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD23	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD11	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD12	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD13	11	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD21	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD22	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD23	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD11	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD12	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD13	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD21	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD22	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD23	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD11	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD12	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD13	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD21	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD22	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD23	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD11	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD12	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD13	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD21	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD22	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD23	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD11	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD12	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD13	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD21	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD22	11	0.46
(4,3583)	1:25:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD23	11	0.46
(4,3518)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:H	2	0.46
(4,3518)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:H	2	0.46
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:H	1	0.46
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:H	1	0.46
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:H	1	0.46
(4,3471)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD21	11	0.46
(4,3471)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD22	11	0.46
(4,3471)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD23	11	0.46
(4,3437)	1:81:A:TRP:HZ2	1:187:A:GLY:H	12	0.46
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD11	1:51:A:PRO:HB3	9	0.46
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD12	1:51:A:PRO:HB3	9	0.46
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD13	1:51:A:PRO:HB3	9	0.46
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD21	1:51:A:PRO:HB3	9	0.46
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD22	1:51:A:PRO:HB3	9	0.46
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD23	1:51:A:PRO:HB3	9	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD21	17	0.46
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD22	17	0.46
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD23	17	0.46
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD21	17	0.46
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD22	17	0.46
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD23	17	0.46
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD1	1:179:A:GLU:H	2	0.46
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD2	1:179:A:GLU:H	2	0.46
(4,3355)	1:54:A:ALA:HA	1:170:A:TYR:H	15	0.46
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB2	8	0.46
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB3	8	0.46
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB2	8	0.46
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB3	8	0.46
(4,3112)	1:119:A:GLN:HE21	1:130:A:ASP:H	3	0.46
(4,3018)	1:83:A:LYS:HD2	1:85:A:SER:H	2	0.46
(4,3018)	1:83:A:LYS:HD3	1:85:A:SER:H	2	0.46
(4,3013)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:H	6	0.46
(4,2951)	1:106:A:LEU:HG	1:110:A:SER:HB2	8	0.46
(4,2951)	1:106:A:LEU:HG	1:110:A:SER:HB3	8	0.46
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG11	14	0.46
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG12	14	0.46
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG13	14	0.46
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG21	14	0.46
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG22	14	0.46
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG23	14	0.46
(4,2938)	1:27:A:LEU:HA	1:105:A:LEU:HB2	5	0.46
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:H	16	0.46
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:H	16	0.46
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:H	17	0.46
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:H	17	0.46
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG21	10	0.46
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG22	10	0.46
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:HG23	10	0.46
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG21	10	0.46
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG22	10	0.46
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:HG23	10	0.46
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG21	10	0.46
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG22	10	0.46
(4,2862)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:HG23	10	0.46
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD11	4	0.46
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD12	4	0.46
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD13	4	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD21	4	0.46
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD22	4	0.46
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD23	4	0.46
(4,2836)	1:98:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	3	0.46
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:H	18	0.46
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:H	18	0.46
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:H	18	0.46
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE1	14	0.46
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE2	14	0.46
(4,2745)	1:81:A:TRP:H	1:128:A:ARG:H	17	0.46
(4,2736)	1:160:A:THR:H	1:162:A:ASP:H	5	0.46
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD1	1:190:A:TYR:H	20	0.46
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD2	1:190:A:TYR:H	20	0.46
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:H	1	0.46
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:H	1	0.46
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:H	1	0.46
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD11	4	0.46
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD12	4	0.46
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD13	4	0.46
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD21	4	0.46
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD22	4	0.46
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD23	4	0.46
(4,2514)	1:58:A:LEU:HD21	1:227:A:ALA:H	5	0.46
(4,2514)	1:58:A:LEU:HD22	1:227:A:ALA:H	5	0.46
(4,2514)	1:58:A:LEU:HD23	1:227:A:ALA:H	5	0.46
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD11	2	0.46
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD12	2	0.46
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD13	2	0.46
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD11	2	0.46
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD12	2	0.46
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD13	2	0.46
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:H	13	0.46
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:H	13	0.46
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:H	13	0.46
(4,2372)	1:146:A:VAL:HA	1:148:A:THR:HA	2	0.46
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB2	1:168:A:ILE:H	11	0.46
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB3	1:168:A:ILE:H	11	0.46
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG2	9	0.46
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG3	9	0.46
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG2	9	0.46
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG3	9	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD11	12	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD12	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD13	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD21	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD22	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD23	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD11	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD12	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD13	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD21	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD22	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD23	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD11	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD12	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD13	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD21	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD22	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD23	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD11	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD12	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD13	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD21	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD22	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD23	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD11	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD12	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD13	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD21	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD22	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD23	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD11	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD12	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD13	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD21	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD22	12	0.46
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD23	12	0.46
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD21	1:104:A:SER:H	15	0.46
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD22	1:104:A:SER:H	15	0.46
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD11	18	0.46
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD12	18	0.46
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD13	18	0.46
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD11	18	0.46
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD12	18	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD13	18	0.46
(4,2196)	1:18:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	11	0.46
(4,2196)	1:18:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	11	0.46
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD1	10	0.46
(4,2164)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HD2	10	0.46
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:H	12	0.46
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:H	12	0.46
(4,2084)	1:97:A:HIS:H	1:169:A:THR:HB	20	0.46
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	5	0.46
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	5	0.46
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	5	0.46
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD11	7	0.46
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD12	7	0.46
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD13	7	0.46
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD21	7	0.46
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD22	7	0.46
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD23	7	0.46
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD11	7	0.46
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD12	7	0.46
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD13	7	0.46
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD21	7	0.46
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD22	7	0.46
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD23	7	0.46
(4,2041)	1:95:A:ILE:HA	1:98:A:SER:HA	14	0.46
(4,1998)	1:109:A:GLY:HA2	1:114:A:ASN:HD21	10	0.46
(4,1978)	1:142:A:ILE:HG12	1:143:A:LYS:HA	6	0.46
(4,1978)	1:142:A:ILE:HG13	1:143:A:LYS:HA	6	0.46
(4,1888)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:HB2	4	0.46
(4,1888)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:HB3	4	0.46
(4,1888)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:HB2	5	0.46
(4,1888)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:HB3	5	0.46
(4,1856)	1:29:A:ASN:HD22	1:30:A:GLU:H	10	0.46
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:H	19	0.46
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:H	19	0.46
(4,1854)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:H	19	0.46
(4,1810)	1:143:A:LYS:H	1:143:A:LYS:HE2	13	0.46
(4,1810)	1:143:A:LYS:H	1:143:A:LYS:HE3	13	0.46
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD11	5	0.46
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD12	5	0.46
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD13	5	0.46
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD11	5	0.46
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD12	5	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD13	5	0.46
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD11	5	0.46
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD12	5	0.46
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD13	5	0.46
(4,1676)	1:172:A:GLU:HB3	1:176:A:GLY:H	7	0.46
(4,1602)	1:199:A:THR:H	1:202:A:ILE:H	12	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD11	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD12	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD13	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD21	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD22	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD23	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD11	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD12	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD13	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD21	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD22	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD23	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD11	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD12	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD13	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD21	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD22	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD23	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD11	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD12	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD13	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD21	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD22	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD23	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD11	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD12	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD13	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD21	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD22	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD23	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD11	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD12	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD13	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD21	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD22	11	0.46
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD23	11	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD11	17	0.46
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD12	17	0.46
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD13	17	0.46
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD1	1:56:A:VAL:HG21	8	0.46
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD1	1:56:A:VAL:HG22	8	0.46
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD1	1:56:A:VAL:HG23	8	0.46
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD2	1:56:A:VAL:HG21	8	0.46
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD2	1:56:A:VAL:HG22	8	0.46
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD2	1:56:A:VAL:HG23	8	0.46
(4,1501)	1:163:A:THR:HB	1:164:A:ASN:HA	17	0.46
(4,1490)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HD2	12	0.46
(4,1490)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HD3	12	0.46
(4,1490)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HD2	12	0.46
(4,1490)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HD3	12	0.46
(4,1490)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HD2	12	0.46
(4,1490)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HD3	12	0.46
(4,1488)	1:10:A:PRO:HA	1:11:A:ILE:HB	19	0.46
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD1	1:227:A:ALA:H	6	0.46
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD2	1:227:A:ALA:H	6	0.46
(4,1414)	1:169:A:THR:H	1:169:A:THR:HG1	11	0.46
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:H	17	0.46
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:H	17	0.46
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG21	9	0.46
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG22	9	0.46
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG23	9	0.46
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG21	18	0.46
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG22	18	0.46
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD11	1:134:A:THR:HG23	18	0.46
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG21	18	0.46
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG22	18	0.46
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD12	1:134:A:THR:HG23	18	0.46
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG21	18	0.46
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG22	18	0.46
(4,1194)	1:80:A:ILE:HD13	1:134:A:THR:HG23	18	0.46
(4,1113)	1:233:A:PRO:HA	1:235:A:TRP:H	6	0.46
(4,1112)	1:81:A:TRP:HZ2	1:181:A:ASP:H	6	0.46
(4,1099)	1:45:A:LEU:HG	1:202:A:ILE:HB	9	0.46
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG21	19	0.46
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG22	19	0.46
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG23	19	0.46
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG21	1:194:A:SER:H	15	0.46
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG22	1:194:A:SER:H	15	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG23	1:194:A:SER:H	15	0.46
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE1	13	0.46
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE2	13	0.46
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD11	13	0.46
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD12	13	0.46
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD13	13	0.46
(4,1037)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:HA	6	0.46
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD11	1:49:A:PRO:HB2	8	0.46
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD11	1:49:A:PRO:HB3	8	0.46
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD12	1:49:A:PRO:HB2	8	0.46
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD12	1:49:A:PRO:HB3	8	0.46
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD13	1:49:A:PRO:HB2	8	0.46
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD13	1:49:A:PRO:HB3	8	0.46
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD21	1:49:A:PRO:HB2	8	0.46
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD21	1:49:A:PRO:HB3	8	0.46
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD22	1:49:A:PRO:HB2	8	0.46
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD22	1:49:A:PRO:HB3	8	0.46
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD23	1:49:A:PRO:HB2	8	0.46
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD23	1:49:A:PRO:HB3	8	0.46
(4,1022)	1:30:A:GLU:H	1:31:A:TRP:HE1	12	0.46
(4,995)	1:34:A:PHE:HB2	1:36:A:ILE:H	18	0.46
(4,995)	1:34:A:PHE:HB3	1:36:A:ILE:H	18	0.46
(4,991)	1:137:A:PHE:HB2	1:139:A:LEU:H	10	0.46
(4,983)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:H	9	0.46
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE2	9	0.46
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE3	9	0.46
(4,957)	1:62:A:ASN:HD21	1:65:A:ARG:H	18	0.46
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG11	7	0.46
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG12	7	0.46
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG13	7	0.46
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG21	7	0.46
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG22	7	0.46
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG23	7	0.46
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG11	7	0.46
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG12	7	0.46
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG13	7	0.46
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG21	7	0.46
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG22	7	0.46
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG23	7	0.46
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG11	7	0.46
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG12	7	0.46
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG13	7	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG21	7	0.46
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG22	7	0.46
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG23	7	0.46
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE21	4	0.46
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE22	4	0.46
(4,687)	1:25:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG21	20	0.46
(4,687)	1:25:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG22	20	0.46
(4,687)	1:25:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG23	20	0.46
(4,682)	1:15:A:PRO:HG3	1:35:A:ASP:H	6	0.46
(4,651)	1:145:A:ASN:HB2	1:149:A:PHE:H	6	0.46
(4,651)	1:145:A:ASN:HB3	1:149:A:PHE:H	6	0.46
(4,629)	1:57:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:H	9	0.46
(4,629)	1:57:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:H	9	0.46
(4,629)	1:57:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:H	9	0.46
(4,577)	1:168:A:ILE:HG12	1:181:A:ASP:HB2	4	0.46
(4,577)	1:168:A:ILE:HG12	1:181:A:ASP:HB3	4	0.46
(4,577)	1:168:A:ILE:HG13	1:181:A:ASP:HB2	4	0.46
(4,577)	1:168:A:ILE:HG13	1:181:A:ASP:HB3	4	0.46
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB2	15	0.46
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB3	15	0.46
(4,533)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HD22	18	0.46
(4,448)	1:86:A:VAL:HG11	1:93:A:TYR:HD1	4	0.46
(4,448)	1:86:A:VAL:HG11	1:93:A:TYR:HD2	4	0.46
(4,448)	1:86:A:VAL:HG12	1:93:A:TYR:HD1	4	0.46
(4,448)	1:86:A:VAL:HG12	1:93:A:TYR:HD2	4	0.46
(4,448)	1:86:A:VAL:HG13	1:93:A:TYR:HD1	4	0.46
(4,448)	1:86:A:VAL:HG13	1:93:A:TYR:HD2	4	0.46
(4,443)	1:20:A:ASN:HB2	1:23:A:HIS:H	12	0.46
(4,443)	1:20:A:ASN:HB3	1:23:A:HIS:H	12	0.46
(4,422)	1:43:A:GLU:HG2	1:45:A:LEU:H	1	0.46
(4,422)	1:43:A:GLU:HG3	1:45:A:LEU:H	1	0.46
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD1	7	0.46
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD2	7	0.46
(4,409)	1:143:A:LYS:HG2	1:145:A:ASN:H	2	0.46
(4,409)	1:143:A:LYS:HG3	1:145:A:ASN:H	2	0.46
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB1	15	0.46
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB2	15	0.46
(4,367)	1:8:A:VAL:HG11	1:89:A:ALA:HB3	15	0.46
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB1	15	0.46
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB2	15	0.46
(4,367)	1:8:A:VAL:HG12	1:89:A:ALA:HB3	15	0.46
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB1	15	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB2	15	0.46
(4,367)	1:8:A:VAL:HG13	1:89:A:ALA:HB3	15	0.46
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB1	15	0.46
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB2	15	0.46
(4,367)	1:8:A:VAL:HG21	1:89:A:ALA:HB3	15	0.46
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB1	15	0.46
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB2	15	0.46
(4,367)	1:8:A:VAL:HG22	1:89:A:ALA:HB3	15	0.46
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB1	15	0.46
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB2	15	0.46
(4,367)	1:8:A:VAL:HG23	1:89:A:ALA:HB3	15	0.46
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD11	10	0.46
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD12	10	0.46
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD13	10	0.46
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD21	10	0.46
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD22	10	0.46
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD23	10	0.46
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD11	10	0.46
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD12	10	0.46
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD13	10	0.46
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD21	10	0.46
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD22	10	0.46
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD23	10	0.46
(4,141)	1:170:A:TYR:HE1	1:211:A:VAL:H	9	0.46
(4,141)	1:170:A:TYR:HE2	1:211:A:VAL:H	9	0.46
(4,79)	1:52:A:VAL:HG21	1:232:A:GLY:H	4	0.46
(4,79)	1:52:A:VAL:HG22	1:232:A:GLY:H	4	0.46
(4,79)	1:52:A:VAL:HG23	1:232:A:GLY:H	4	0.46
(4,59)	1:20:A:ASN:HD21	1:24:A:LYS:H	13	0.46
(4,50)	1:25:A:LEU:HA	1:111:A:ASP:HA	1	0.46
(4,38)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HG3	9	0.46
(4,38)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HG3	9	0.46
(4,38)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HG3	9	0.46
(3,21)	1:169:A:THR:H	1:180:A:LEU:O	11	0.46
(1,320)	1:5:A:ASN:ND2	1:144:A:GLU:H	16	0.46
(1,123)	1:97:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	3	0.46
(1,88)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	13	0.46
(5,446)	1:5:A:ASN:ND2	1:208:A:ARG:H	14	0.45
(5,354)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	3	0.45
(4,4182)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG11	10	0.45
(4,4182)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG12	10	0.45
(4,4182)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG13	10	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4069)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:H	4	0.45
(4,4046)	1:38:A:SER:H	1:39:A:LEU:HG	10	0.45
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG12	13	0.45
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG13	13	0.45
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG12	13	0.45
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG13	13	0.45
(4,4012)	1:136:A:GLN:HE21	1:137:A:PHE:H	10	0.45
(4,4012)	1:136:A:GLN:HE22	1:137:A:PHE:H	10	0.45
(4,4008)	1:115:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HG2	19	0.45
(4,4008)	1:115:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HG2	19	0.45
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD11	5	0.45
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD12	5	0.45
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD13	5	0.45
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD21	9	0.45
(4,3980)	1:224:A:LEU:HG	1:225:A:ASN:HD22	9	0.45
(4,3966)	1:147:A:GLN:HE21	1:148:A:THR:H	11	0.45
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD11	13	0.45
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD12	13	0.45
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD13	13	0.45
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD11	13	0.45
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD12	13	0.45
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD13	13	0.45
(4,3919)	1:82:A:PHE:HZ	1:100:A:SER:H	17	0.45
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:H	1	0.45
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:H	1	0.45
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:H	1	0.45
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG11	16	0.45
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG12	16	0.45
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG13	16	0.45
(4,3843)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD1	14	0.45
(4,3843)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD2	14	0.45
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD11	16	0.45
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD12	16	0.45
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD13	16	0.45
(4,3762)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:H	6	0.45
(4,3686)	1:178:A:PHE:HD1	1:188:A:PRO:HB2	13	0.45
(4,3686)	1:178:A:PHE:HD1	1:188:A:PRO:HB3	13	0.45
(4,3686)	1:178:A:PHE:HD2	1:188:A:PRO:HB2	13	0.45
(4,3686)	1:178:A:PHE:HD2	1:188:A:PRO:HB3	13	0.45
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD11	1	0.45
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD12	1	0.45
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD13	1	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD11	1	0.45
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD12	1	0.45
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD13	1	0.45
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD11	19	0.45
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD12	19	0.45
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD13	19	0.45
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD11	19	0.45
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD12	19	0.45
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD13	19	0.45
(4,3661)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:HB2	14	0.45
(4,3661)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:HB3	14	0.45
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD21	1	0.45
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD22	1	0.45
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD23	1	0.45
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE21	14	0.45
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE22	14	0.45
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE21	14	0.45
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE22	14	0.45
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE21	14	0.45
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE22	14	0.45
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE21	14	0.45
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE22	14	0.45
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE21	14	0.45
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE22	14	0.45
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE21	14	0.45
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE22	14	0.45
(4,3482)	1:80:A:ILE:HD11	1:127:A:ASN:HB3	15	0.45
(4,3482)	1:80:A:ILE:HD12	1:127:A:ASN:HB3	15	0.45
(4,3482)	1:80:A:ILE:HD13	1:127:A:ASN:HB3	15	0.45
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE1	17	0.45
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE2	17	0.45
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE1	17	0.45
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE2	17	0.45
(4,3454)	1:89:A:ALA:H	1:91:A:GLY:H	19	0.45
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG11	1:139:A:LEU:CD1	9	0.45
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG12	1:139:A:LEU:CD1	9	0.45
(4,3439)	1:86:A:VAL:HG13	1:139:A:LEU:CD1	9	0.45
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG2	1:178:A:PHE:HD1	6	0.45
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG2	1:178:A:PHE:HD2	6	0.45
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG3	1:178:A:PHE:HD1	6	0.45
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG3	1:178:A:PHE:HD2	6	0.45
(4,3344)	1:106:A:LEU:HB2	1:110:A:SER:HG	6	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3344)	1:106:A:LEU:HB3	1:110:A:SER:HG	6	0.45
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	11	0.45
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	11	0.45
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	11	0.45
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	11	0.45
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	11	0.45
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	11	0.45
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB1	1:94:A:ALA:H	4	0.45
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB2	1:94:A:ALA:H	4	0.45
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB3	1:94:A:ALA:H	4	0.45
(4,3312)	1:36:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HG2	20	0.45
(4,3312)	1:36:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HG3	20	0.45
(4,3312)	1:36:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HG2	20	0.45
(4,3312)	1:36:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HG3	20	0.45
(4,3312)	1:36:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HG2	20	0.45
(4,3312)	1:36:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HG3	20	0.45
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB1	17	0.45
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB2	17	0.45
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB3	17	0.45
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB1	17	0.45
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB2	17	0.45
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB3	17	0.45
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB1	17	0.45
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB2	17	0.45
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB3	17	0.45
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD11	9	0.45
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD12	9	0.45
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD13	9	0.45
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD11	9	0.45
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD12	9	0.45
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD13	9	0.45
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	17	0.45
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	17	0.45
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	17	0.45
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	17	0.45
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	17	0.45
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	17	0.45
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG21	1:64:A:ASP:H	13	0.45
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG22	1:64:A:ASP:H	13	0.45
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG23	1:64:A:ASP:H	13	0.45
(4,3154)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:H	15	0.45
(4,3075)	1:74:A:THR:H	1:77:A:TYR:H	20	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD11	14	0.45
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD12	14	0.45
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD13	14	0.45
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD1	11	0.45
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD2	11	0.45
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD11	18	0.45
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD12	18	0.45
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD13	18	0.45
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD21	18	0.45
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD22	18	0.45
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD23	18	0.45
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD11	18	0.45
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD12	18	0.45
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD13	18	0.45
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD21	18	0.45
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD22	18	0.45
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD23	18	0.45
(4,2958)	1:52:A:VAL:H	1:54:A:ALA:H	13	0.45
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG11	3	0.45
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG12	3	0.45
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG13	3	0.45
(4,2910)	1:138:A:VAL:HB	1:141:A:VAL:HB	17	0.45
(4,2839)	1:31:A:TRP:HZ3	1:53:A:LYS:H	18	0.45
(4,2837)	1:84:A:GLN:H	1:182:A:GLY:H	4	0.45
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB1	14	0.45
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB2	14	0.45
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB3	14	0.45
(4,2814)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE21	5	0.45
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG11	5	0.45
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG12	5	0.45
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG13	5	0.45
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG21	5	0.45
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG22	5	0.45
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG23	5	0.45
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG11	5	0.45
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG12	5	0.45
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG13	5	0.45
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG21	5	0.45
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG22	5	0.45
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG23	5	0.45
(4,2764)	1:119:A:GLN:HE22	1:134:A:THR:H	18	0.45
(4,2732)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:H	5	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2673)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	1	0.45
(4,2673)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	1	0.45
(4,2673)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	1	0.45
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	9	0.45
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	9	0.45
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	9	0.45
(4,2634)	1:214:A:TYR:H	1:217:A:ASN:H	18	0.45
(4,2604)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:H	2	0.45
(4,2601)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HD11	18	0.45
(4,2601)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HD12	18	0.45
(4,2601)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HD13	18	0.45
(4,2601)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HD21	18	0.45
(4,2601)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HD22	18	0.45
(4,2601)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HD23	18	0.45
(4,2601)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HD11	18	0.45
(4,2601)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HD12	18	0.45
(4,2601)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HD13	18	0.45
(4,2601)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HD21	18	0.45
(4,2601)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HD22	18	0.45
(4,2601)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HD23	18	0.45
(4,2571)	1:12:A:GLU:H	1:13:A:SER:H	16	0.45
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HB	15	0.45
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HB	15	0.45
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HB	15	0.45
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD11	1:200:A:ASP:H	3	0.45
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD12	1:200:A:ASP:H	3	0.45
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD13	1:200:A:ASP:H	3	0.45
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD21	1:200:A:ASP:H	3	0.45
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD22	1:200:A:ASP:H	3	0.45
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD23	1:200:A:ASP:H	3	0.45
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG2	6	0.45
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG3	6	0.45
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG2	6	0.45
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG3	6	0.45
(4,2417)	1:15:A:PRO:HA	1:229:A:LEU:HD21	11	0.45
(4,2417)	1:15:A:PRO:HA	1:229:A:LEU:HD22	11	0.45
(4,2417)	1:15:A:PRO:HA	1:229:A:LEU:HD23	11	0.45
(4,2385)	1:148:A:THR:H	1:150:A:SER:H	1	0.45
(4,2385)	1:148:A:THR:H	1:150:A:SER:H	7	0.45
(4,2377)	1:95:A:ILE:HB	1:97:A:HIS:H	13	0.45
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG21	1:13:A:SER:HA	6	0.45
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG22	1:13:A:SER:HA	6	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2375)	1:11:A:ILE:HG23	1:13:A:SER:HA	6	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD11	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD12	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD13	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD21	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD22	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD23	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD11	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD12	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD13	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD21	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD22	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD23	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD11	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD12	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD13	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD21	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD22	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD23	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD11	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD12	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD13	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD21	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD22	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD23	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD11	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD12	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD13	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD21	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD22	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD23	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD11	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD12	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD13	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD21	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD22	16	0.45
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD23	16	0.45
(4,2288)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	16	0.45
(4,2280)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:H	3	0.45
(4,2280)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:H	20	0.45
(4,2265)	1:77:A:TYR:H	1:188:A:PRO:HG2	3	0.45
(4,2251)	1:3:A:GLY:H	1:4:A:GLU:HB2	11	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2251)	1:3:A:GLY:H	1:4:A:GLU:HB3	11	0.45
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD11	1:114:A:ASN:H	16	0.45
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD12	1:114:A:ASN:H	16	0.45
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD13	1:114:A:ASN:H	16	0.45
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD11	11	0.45
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD12	11	0.45
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD13	11	0.45
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD21	11	0.45
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD22	11	0.45
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD23	11	0.45
(4,2200)	1:59:A:PHE:HD1	1:215:A:MET:HA	6	0.45
(4,2200)	1:59:A:PHE:HD2	1:215:A:MET:HA	6	0.45
(4,2168)	1:38:A:SER:H	1:41:A:GLU:H	9	0.45
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:H	20	0.45
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:H	20	0.45
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG21	15	0.45
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG22	15	0.45
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG23	15	0.45
(4,2107)	1:58:A:LEU:HB2	1:59:A:PHE:HA	10	0.45
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD21	1:147:A:GLN:H	20	0.45
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD22	1:147:A:GLN:H	20	0.45
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG21	1:98:A:SER:H	18	0.45
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG22	1:98:A:SER:H	18	0.45
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG23	1:98:A:SER:H	18	0.45
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD11	4	0.45
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD12	4	0.45
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD13	4	0.45
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD21	4	0.45
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD22	4	0.45
(4,2060)	1:22:A:ALA:H	1:99:A:LEU:HD23	4	0.45
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD21	7	0.45
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD22	7	0.45
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD23	7	0.45
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:HA	11	0.45
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:HA	11	0.45
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:HA	11	0.45
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:HA	11	0.45
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:HA	11	0.45
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:HA	11	0.45
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HA	7	0.45
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HA	7	0.45
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HA	7	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HA	7	0.45
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HA	7	0.45
(4,2030)	1:27:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HA	7	0.45
(4,1975)	1:44:A:LEU:HA	1:48:A:LEU:H	5	0.45
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG21	13	0.45
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG22	13	0.45
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG23	13	0.45
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	17	0.45
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	17	0.45
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	17	0.45
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	17	0.45
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	17	0.45
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	17	0.45
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD2	1:84:A:GLN:HB2	12	0.45
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD2	1:84:A:GLN:HB3	12	0.45
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD3	1:84:A:GLN:HB2	12	0.45
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD3	1:84:A:GLN:HB3	12	0.45
(4,1769)	1:5:A:ASN:HD22	1:6:A:ARG:H	9	0.45
(4,1757)	1:48:A:LEU:CD1	1:202:A:ILE:HD11	6	0.45
(4,1757)	1:48:A:LEU:CD1	1:202:A:ILE:HD12	6	0.45
(4,1757)	1:48:A:LEU:CD1	1:202:A:ILE:HD13	6	0.45
(4,1723)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE1	12	0.45
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD11	20	0.45
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD12	20	0.45
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD13	20	0.45
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD11	20	0.45
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD12	20	0.45
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD13	20	0.45
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD11	20	0.45
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD12	20	0.45
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD13	20	0.45
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD21	17	0.45
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD22	17	0.45
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD23	17	0.45
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD21	17	0.45
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD22	17	0.45
(4,1593)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD23	17	0.45
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB1	12	0.45
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB2	12	0.45
(4,1497)	1:14:A:ASN:H	1:227:A:ALA:HB3	12	0.45
(4,1392)	1:178:A:PHE:HA	1:189:A:LEU:H	2	0.45
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:HB2	1	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:HB3	1	0.45
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:HB2	1	0.45
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:HB3	1	0.45
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD11	13	0.45
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD12	13	0.45
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD13	13	0.45
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD11	7	0.45
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD12	7	0.45
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD13	7	0.45
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:H	19	0.45
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:H	19	0.45
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG12	15	0.45
(4,1327)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG12	15	0.45
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD2	13	0.45
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD3	13	0.45
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD2	13	0.45
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD3	13	0.45
(4,1275)	1:64:A:ASP:HA	1:217:A:ASN:HB2	17	0.45
(4,1275)	1:64:A:ASP:HA	1:217:A:ASN:HB3	17	0.45
(4,1232)	1:8:A:VAL:HB	1:159:A:ALA:HA	19	0.45
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD21	15	0.45
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD22	15	0.45
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD23	15	0.45
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD21	19	0.45
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD22	19	0.45
(4,1210)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD23	19	0.45
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG21	5	0.45
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG22	5	0.45
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG23	5	0.45
(4,1131)	1:47:A:PHE:H	1:48:A:LEU:HB3	10	0.45
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:H	3	0.45
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:H	3	0.45
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:H	3	0.45
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG12	5	0.45
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG13	5	0.45
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG12	5	0.45
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG13	5	0.45
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG12	5	0.45
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG13	5	0.45
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG12	5	0.45
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG13	5	0.45
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG12	5	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG13	5	0.45
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG12	5	0.45
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG13	5	0.45
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG11	11	0.45
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG12	11	0.45
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG13	11	0.45
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG11	11	0.45
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG12	11	0.45
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG13	11	0.45
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG11	11	0.45
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG12	11	0.45
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG13	11	0.45
(4,891)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:HB	20	0.45
(4,891)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:HB	20	0.45
(4,891)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:HB	20	0.45
(4,891)	1:206:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:HB	20	0.45
(4,891)	1:206:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:HB	20	0.45
(4,891)	1:206:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:HB	20	0.45
(4,871)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HD1	8	0.45
(4,871)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HD2	8	0.45
(4,871)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HD1	8	0.45
(4,871)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HD2	8	0.45
(4,871)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HD1	8	0.45
(4,871)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HD2	8	0.45
(4,866)	1:36:A:ILE:HB	1:38:A:SER:HA	10	0.45
(4,866)	1:36:A:ILE:HB	1:38:A:SER:HA	11	0.45
(4,767)	1:58:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:H	19	0.45
(4,767)	1:58:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:H	19	0.45
(4,767)	1:58:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:H	19	0.45
(4,767)	1:58:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:H	19	0.45
(4,767)	1:58:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:H	19	0.45
(4,767)	1:58:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:H	19	0.45
(4,762)	1:195:A:ASP:HB2	1:204:A:GLN:H	11	0.45
(4,762)	1:195:A:ASP:HB3	1:204:A:GLN:H	11	0.45
(4,737)	1:81:A:TRP:HZ3	1:84:A:GLN:H	8	0.45
(4,737)	1:81:A:TRP:HZ3	1:84:A:GLN:H	17	0.45
(4,674)	1:139:A:LEU:HA	1:142:A:ILE:HD11	2	0.45
(4,674)	1:139:A:LEU:HA	1:142:A:ILE:HD12	2	0.45
(4,674)	1:139:A:LEU:HA	1:142:A:ILE:HD13	2	0.45
(4,673)	1:172:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:H	11	0.45
(4,673)	1:172:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:H	13	0.45
(4,601)	1:189:A:LEU:HD11	1:190:A:TYR:HB2	7	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,601)	1:189:A:LEU:HD11	1:190:A:TYR:HB3	7	0.45
(4,601)	1:189:A:LEU:HD12	1:190:A:TYR:HB2	7	0.45
(4,601)	1:189:A:LEU:HD12	1:190:A:TYR:HB3	7	0.45
(4,601)	1:189:A:LEU:HD13	1:190:A:TYR:HB2	7	0.45
(4,601)	1:189:A:LEU:HD13	1:190:A:TYR:HB3	7	0.45
(4,601)	1:189:A:LEU:HD21	1:190:A:TYR:HB2	7	0.45
(4,601)	1:189:A:LEU:HD21	1:190:A:TYR:HB3	7	0.45
(4,601)	1:189:A:LEU:HD22	1:190:A:TYR:HB2	7	0.45
(4,601)	1:189:A:LEU:HD22	1:190:A:TYR:HB3	7	0.45
(4,601)	1:189:A:LEU:HD23	1:190:A:TYR:HB2	7	0.45
(4,601)	1:189:A:LEU:HD23	1:190:A:TYR:HB3	7	0.45
(4,598)	1:79:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:H	4	0.45
(4,598)	1:79:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:H	4	0.45
(4,598)	1:79:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:H	4	0.45
(4,598)	1:79:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:H	4	0.45
(4,598)	1:79:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:H	4	0.45
(4,598)	1:79:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:H	4	0.45
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD11	14	0.45
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD12	14	0.45
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD13	14	0.45
(4,514)	1:109:A:GLY:HA2	1:113:A:ASP:H	15	0.45
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD11	9	0.45
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD12	9	0.45
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD13	9	0.45
(4,409)	1:143:A:LYS:HG2	1:145:A:ASN:H	20	0.45
(4,409)	1:143:A:LYS:HG3	1:145:A:ASN:H	20	0.45
(4,360)	1:231:A:LEU:HD11	1:234:A:ASN:H	17	0.45
(4,360)	1:231:A:LEU:HD12	1:234:A:ASN:H	17	0.45
(4,360)	1:231:A:LEU:HD13	1:234:A:ASN:H	17	0.45
(4,360)	1:231:A:LEU:HD21	1:234:A:ASN:H	17	0.45
(4,360)	1:231:A:LEU:HD22	1:234:A:ASN:H	17	0.45
(4,360)	1:231:A:LEU:HD23	1:234:A:ASN:H	17	0.45
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG21	17	0.45
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG22	17	0.45
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG23	17	0.45
(4,305)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG21	10	0.45
(4,305)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG22	10	0.45
(4,305)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG23	10	0.45
(4,305)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG21	10	0.45
(4,305)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG22	10	0.45
(4,305)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG23	10	0.45
(4,203)	1:110:A:SER:HG	1:114:A:ASN:H	5	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,158)	1:100:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	4	0.45
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD21	19	0.45
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD22	19	0.45
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD23	19	0.45
(4,141)	1:170:A:TYR:HE1	1:211:A:VAL:H	17	0.45
(4,141)	1:170:A:TYR:HE2	1:211:A:VAL:H	17	0.45
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD21	2	0.45
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD22	2	0.45
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD23	2	0.45
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD11	4	0.45
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD12	4	0.45
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD13	4	0.45
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD21	4	0.45
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD22	4	0.45
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD23	4	0.45
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD11	4	0.45
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD12	4	0.45
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD13	4	0.45
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD21	4	0.45
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD22	4	0.45
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD23	4	0.45
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD11	4	0.45
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD12	4	0.45
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD13	4	0.45
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD21	4	0.45
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD22	4	0.45
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD23	4	0.45
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB2	1	0.45
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB3	1	0.45
(4,66)	1:198:A:ALA:H	1:200:A:ASP:H	16	0.45
(4,1)	1:30:A:GLU:C	1:234:A:ASN:N	5	0.45
(3,12)	1:34:A:PHE:O	1:230:A:GLY:H	1	0.45
(3,12)	1:34:A:PHE:O	1:230:A:GLY:H	8	0.45
(2,638)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	17	0.45
(1,566)	1:5:A:ASN:ND2	1:226:A:PHE:H	11	0.45
(1,61)	1:85:A:SER:H	1:140:A:ASN:ND2	9	0.45
(1,48)	1:26:A:GLY:H	1:104:A:SER:OG	2	0.45
(1,13)	1:79:A:VAL:H	1:104:A:SER:OG	6	0.45
(5,714)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	14	0.44
(5,565)	1:5:A:ASN:ND2	1:26:A:GLY:H	15	0.44
(5,493)	1:5:A:ASN:ND2	1:59:A:PHE:H	14	0.44
(5,443)	1:5:A:ASN:ND2	1:88:A:ASN:H	2	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,435)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	6	0.44
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD1	9	0.44
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD2	9	0.44
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD1	9	0.44
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD2	9	0.44
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD1	9	0.44
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD2	9	0.44
(4,4299)	1:169:A:THR:H	1:181:A:ASP:H	1	0.44
(4,4182)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG11	11	0.44
(4,4182)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG12	11	0.44
(4,4182)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG13	11	0.44
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:HE1	5	0.44
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:HE2	5	0.44
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:HE1	5	0.44
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:HE2	5	0.44
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:HE1	5	0.44
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:HE2	5	0.44
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HE1	5	0.44
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HE2	5	0.44
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HE1	5	0.44
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HE2	5	0.44
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HE1	5	0.44
(4,4102)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HE2	5	0.44
(4,4094)	1:86:A:VAL:H	1:93:A:TYR:HD1	3	0.44
(4,4094)	1:86:A:VAL:H	1:93:A:TYR:HD2	3	0.44
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD1	1:151:A:THR:H	16	0.44
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD2	1:151:A:THR:H	16	0.44
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:HA	6	0.44
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:HA	6	0.44
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:HA	6	0.44
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:HA	6	0.44
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:HA	6	0.44
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:HA	6	0.44
(4,3901)	1:112:A:LEU:HD11	1:116:A:LEU:H	14	0.44
(4,3901)	1:112:A:LEU:HD12	1:116:A:LEU:H	14	0.44
(4,3901)	1:112:A:LEU:HD13	1:116:A:LEU:H	14	0.44
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD11	11	0.44
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD12	11	0.44
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD13	11	0.44
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD21	11	0.44
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD22	11	0.44
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD23	11	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3843)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD1	13	0.44
(4,3843)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD2	13	0.44
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:HA	6	0.44
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:HA	6	0.44
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:HA	6	0.44
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HA	6	0.44
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HA	6	0.44
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HA	6	0.44
(4,3805)	1:219:A:ASN:HD21	1:221:A:GLU:HB2	11	0.44
(4,3805)	1:219:A:ASN:HD21	1:221:A:GLU:HB3	11	0.44
(4,3805)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:HB2	11	0.44
(4,3805)	1:219:A:ASN:HD22	1:221:A:GLU:HB3	11	0.44
(4,3748)	1:18:A:PHE:HE1	1:95:A:ILE:H	9	0.44
(4,3748)	1:18:A:PHE:HE2	1:95:A:ILE:H	9	0.44
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG11	19	0.44
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG12	19	0.44
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG13	19	0.44
(4,3717)	1:169:A:THR:HG1	1:180:A:LEU:H	6	0.44
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	9	0.44
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	9	0.44
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD11	10	0.44
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD12	10	0.44
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD13	10	0.44
(4,3661)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:HB2	20	0.44
(4,3661)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:HB3	20	0.44
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD1	3	0.44
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD2	3	0.44
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD1	3	0.44
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD2	3	0.44
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD1	3	0.44
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD2	3	0.44
(4,3528)	1:164:A:ASN:H	1:164:A:ASN:HD22	6	0.44
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	3	0.44
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	3	0.44
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	3	0.44
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	3	0.44
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	3	0.44
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	3	0.44
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	1	0.44
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	1	0.44
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	1	0.44
(4,3437)	1:81:A:TRP:HZ2	1:187:A:GLY:H	7	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD11	11	0.44
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD12	11	0.44
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD13	11	0.44
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD11	11	0.44
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD12	11	0.44
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD13	11	0.44
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD11	11	0.44
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD12	11	0.44
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD13	11	0.44
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD11	12	0.44
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD12	12	0.44
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD13	12	0.44
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD11	12	0.44
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD12	12	0.44
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD13	12	0.44
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD11	12	0.44
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD12	12	0.44
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD13	12	0.44
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG11	13	0.44
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG12	13	0.44
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG13	13	0.44
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG21	13	0.44
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG22	13	0.44
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG23	13	0.44
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD11	19	0.44
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD12	19	0.44
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD13	19	0.44
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD21	19	0.44
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD22	19	0.44
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE1	1:58:A:LEU:HD23	19	0.44
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD11	19	0.44
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD12	19	0.44
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD13	19	0.44
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD21	19	0.44
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD22	19	0.44
(4,3356)	1:18:A:PHE:HE2	1:58:A:LEU:HD23	19	0.44
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HE1	16	0.44
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HE1	16	0.44
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HE1	16	0.44
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD21	8	0.44
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD22	8	0.44
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD23	8	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3227)	1:216:A:GLU:HB2	1:217:A:ASN:HD22	7	0.44
(4,3227)	1:216:A:GLU:HB3	1:217:A:ASN:HD22	7	0.44
(4,3222)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:H	4	0.44
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD2	1:128:A:ARG:H	18	0.44
(4,3167)	1:126:A:LYS:HD3	1:128:A:ARG:H	18	0.44
(4,3154)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:H	20	0.44
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG21	1:210:A:ARG:HG2	19	0.44
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG21	1:210:A:ARG:HG3	19	0.44
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG22	1:210:A:ARG:HG2	19	0.44
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG22	1:210:A:ARG:HG3	19	0.44
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG23	1:210:A:ARG:HG2	19	0.44
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG23	1:210:A:ARG:HG3	19	0.44
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG21	1:139:A:LEU:CD1	7	0.44
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG22	1:139:A:LEU:CD1	7	0.44
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG23	1:139:A:LEU:CD1	7	0.44
(4,3035)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:ILE:HA	6	0.44
(4,3035)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:ILE:HA	6	0.44
(4,3035)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:ILE:HA	6	0.44
(4,3035)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:ILE:HA	6	0.44
(4,3035)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:ILE:HA	6	0.44
(4,3035)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:ILE:HA	6	0.44
(4,2923)	1:36:A:ILE:H	1:38:A:SER:H	9	0.44
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HB3	9	0.44
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HB3	9	0.44
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HB3	9	0.44
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD11	14	0.44
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD12	14	0.44
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD13	14	0.44
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD21	14	0.44
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD22	14	0.44
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD23	14	0.44
(4,2853)	1:84:A:GLN:H	1:183:A:ARG:H	3	0.44
(4,2838)	1:73:A:ILE:H	1:75:A:SER:H	5	0.44
(4,2836)	1:98:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	10	0.44
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB1	7	0.44
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB2	7	0.44
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB3	7	0.44
(4,2814)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE21	14	0.44
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:H	16	0.44
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:H	16	0.44
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:H	16	0.44
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE1	6	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE2	6	0.44
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG11	18	0.44
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG12	18	0.44
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG13	18	0.44
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD11	12	0.44
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD12	12	0.44
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD13	12	0.44
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	12	0.44
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	12	0.44
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	12	0.44
(4,2574)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HD22	20	0.44
(4,2564)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:H	10	0.44
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:H	8	0.44
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:H	8	0.44
(4,2556)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:H	8	0.44
(4,2543)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:HB	9	0.44
(4,2520)	1:73:A:ILE:HB	1:75:A:SER:H	4	0.44
(4,2489)	1:152:A:GLY:H	1:154:A:SER:H	6	0.44
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD11	1	0.44
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD12	1	0.44
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD13	1	0.44
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD21	1	0.44
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD22	1	0.44
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD23	1	0.44
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD11	1	0.44
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD12	1	0.44
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD13	1	0.44
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD21	1	0.44
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD22	1	0.44
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD23	1	0.44
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	18	0.44
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	18	0.44
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	18	0.44
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:HB2	11	0.44
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:HB2	11	0.44
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:HB2	11	0.44
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:HB2	11	0.44
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:HB2	11	0.44
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:HB2	11	0.44
(4,2389)	1:208:A:ARG:HD2	1:210:A:ARG:H	17	0.44
(4,2389)	1:208:A:ARG:HD3	1:210:A:ARG:H	17	0.44
(4,2365)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG1	19	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB2	1:168:A:ILE:H	7	0.44
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB3	1:168:A:ILE:H	7	0.44
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE21	5	0.44
(4,2348)	1:133:A:THR:H	1:136:A:GLN:HE22	5	0.44
(4,2337)	1:147:A:GLN:H	1:147:A:GLN:HE22	10	0.44
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HG	14	0.44
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HG	14	0.44
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HG	14	0.44
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HG	14	0.44
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HG	14	0.44
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HG	14	0.44
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	15	0.44
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	15	0.44
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	15	0.44
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	15	0.44
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	15	0.44
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	15	0.44
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD21	7	0.44
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD22	7	0.44
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD23	7	0.44
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD21	19	0.44
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD22	19	0.44
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD23	19	0.44
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD11	1:114:A:ASN:H	17	0.44
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD12	1:114:A:ASN:H	17	0.44
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD13	1:114:A:ASN:H	17	0.44
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD11	1:164:A:ASN:HD21	19	0.44
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD12	1:164:A:ASN:HD21	19	0.44
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD13	1:164:A:ASN:HD21	19	0.44
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:H	6	0.44
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:H	6	0.44
(4,2206)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:H	6	0.44
(4,2142)	1:72:A:GLN:HA	1:73:A:ILE:HG21	7	0.44
(4,2142)	1:72:A:GLN:HA	1:73:A:ILE:HG22	7	0.44
(4,2142)	1:72:A:GLN:HA	1:73:A:ILE:HG23	7	0.44
(4,2079)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HG	1	0.44
(4,2071)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD11	2	0.44
(4,2071)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD12	2	0.44
(4,2071)	1:31:A:TRP:HZ2	1:105:A:LEU:HD13	2	0.44
(4,2031)	1:153:A:GLN:HE21	1:154:A:SER:H	2	0.44
(4,2007)	1:68:A:SER:H	1:70:A:SER:H	9	0.44
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG21	9	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG22	9	0.44
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG23	9	0.44
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG21	9	0.44
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG22	9	0.44
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG23	9	0.44
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG11	1	0.44
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG12	1	0.44
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG13	1	0.44
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD11	17	0.44
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD12	17	0.44
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD13	17	0.44
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD21	17	0.44
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD22	17	0.44
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD23	17	0.44
(4,1907)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:H	16	0.44
(4,1907)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:H	16	0.44
(4,1905)	1:213:A:SER:H	1:214:A:TYR:HE1	11	0.44
(4,1905)	1:213:A:SER:H	1:214:A:TYR:HE2	11	0.44
(4,1905)	1:213:A:SER:H	1:214:A:TYR:HE1	16	0.44
(4,1905)	1:213:A:SER:H	1:214:A:TYR:HE2	16	0.44
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:H	13	0.44
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:H	13	0.44
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:H	13	0.44
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD21	1:139:A:LEU:H	13	0.44
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD22	1:139:A:LEU:H	13	0.44
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD23	1:139:A:LEU:H	13	0.44
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	1	0.44
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	1	0.44
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	1	0.44
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	1	0.44
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	1	0.44
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	1	0.44
(4,1888)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:HB2	6	0.44
(4,1888)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:HB3	6	0.44
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD11	18	0.44
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD12	18	0.44
(4,1869)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD13	18	0.44
(4,1850)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD21	9	0.44
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:CG1	7	0.44
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:CG1	7	0.44
(4,1749)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:CG1	7	0.44
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG21	1:55:A:ILE:HA	19	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG22	1:55:A:ILE:HA	19	0.44
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG23	1:55:A:ILE:HA	19	0.44
(4,1723)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE1	14	0.44
(4,1716)	1:219:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:H	11	0.44
(4,1716)	1:219:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:H	11	0.44
(4,1672)	1:21:A:PHE:HD1	1:22:A:ALA:HA	17	0.44
(4,1672)	1:21:A:PHE:HD2	1:22:A:ALA:HA	17	0.44
(4,1565)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:HD21	5	0.44
(4,1565)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:HD21	5	0.44
(4,1385)	1:173:A:GLU:H	1:178:A:PHE:HE1	15	0.44
(4,1385)	1:173:A:GLU:H	1:178:A:PHE:HE2	15	0.44
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD11	12	0.44
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD12	12	0.44
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD13	12	0.44
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG21	7	0.44
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG22	7	0.44
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG23	7	0.44
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG21	18	0.44
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG22	18	0.44
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG23	18	0.44
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG21	18	0.44
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG22	18	0.44
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG23	18	0.44
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD11	18	0.44
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD12	18	0.44
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD13	18	0.44
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD21	18	0.44
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD22	18	0.44
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD23	18	0.44
(4,1271)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HA	1	0.44
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE1	1:180:A:LEU:H	6	0.44
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE2	1:180:A:LEU:H	6	0.44
(4,1164)	1:119:A:GLN:HG2	1:126:A:LYS:H	17	0.44
(4,1164)	1:119:A:GLN:HG3	1:126:A:LYS:H	17	0.44
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:H	20	0.44
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:H	20	0.44
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG11	1:12:A:GLU:H	14	0.44
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG12	1:12:A:GLU:H	14	0.44
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG13	1:12:A:GLU:H	14	0.44
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:GLU:H	14	0.44
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:GLU:H	14	0.44
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:GLU:H	14	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1107)	1:57:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HD1	20	0.44
(4,1107)	1:57:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HD2	20	0.44
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG21	1:194:A:SER:H	17	0.44
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG22	1:194:A:SER:H	17	0.44
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG23	1:194:A:SER:H	17	0.44
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG11	1:167:A:TYR:HE1	20	0.44
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG11	1:167:A:TYR:HE2	20	0.44
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG12	1:167:A:TYR:HE1	20	0.44
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG12	1:167:A:TYR:HE2	20	0.44
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG13	1:167:A:TYR:HE1	20	0.44
(4,1021)	1:56:A:VAL:HG13	1:167:A:TYR:HE2	20	0.44
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD1	6	0.44
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD2	6	0.44
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD11	17	0.44
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD12	17	0.44
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD13	17	0.44
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD21	17	0.44
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD22	17	0.44
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD23	17	0.44
(4,887)	1:100:A:SER:HB2	1:127:A:ASN:HA	14	0.44
(4,887)	1:100:A:SER:HB3	1:127:A:ASN:HA	14	0.44
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB1	9	0.44
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB2	9	0.44
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB3	9	0.44
(4,790)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:H	16	0.44
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD11	11	0.44
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD12	11	0.44
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD13	11	0.44
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD11	11	0.44
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD12	11	0.44
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD13	11	0.44
(4,770)	1:39:A:LEU:HA	1:41:A:GLU:HB2	6	0.44
(4,767)	1:58:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:H	7	0.44
(4,767)	1:58:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:H	7	0.44
(4,767)	1:58:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:H	7	0.44
(4,767)	1:58:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:H	7	0.44
(4,767)	1:58:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:H	7	0.44
(4,767)	1:58:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:H	7	0.44
(4,764)	1:201:A:LEU:HB2	1:204:A:GLN:H	17	0.44
(4,764)	1:201:A:LEU:HB3	1:204:A:GLN:H	17	0.44
(4,751)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:H	6	0.44
(4,751)	1:2:A:SER:HB3	1:4:A:GLU:H	6	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG11	12	0.44
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG12	12	0.44
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG13	12	0.44
(4,732)	1:39:A:LEU:HB2	1:208:A:ARG:HD2	5	0.44
(4,732)	1:39:A:LEU:HB2	1:208:A:ARG:HD3	5	0.44
(4,732)	1:39:A:LEU:HB3	1:208:A:ARG:HD2	5	0.44
(4,732)	1:39:A:LEU:HB3	1:208:A:ARG:HD3	5	0.44
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG21	3	0.44
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG22	3	0.44
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG23	3	0.44
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG21	3	0.44
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG22	3	0.44
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG23	3	0.44
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG21	3	0.44
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG22	3	0.44
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG23	3	0.44
(4,632)	1:82:A:PHE:HD1	1:100:A:SER:H	13	0.44
(4,632)	1:82:A:PHE:HD2	1:100:A:SER:H	13	0.44
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD21	17	0.44
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD22	17	0.44
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD23	17	0.44
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB2	1	0.44
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB3	1	0.44
(4,543)	1:26:A:GLY:HA2	1:107:A:GLU:HB2	18	0.44
(4,543)	1:26:A:GLY:HA2	1:107:A:GLU:HB3	18	0.44
(4,543)	1:26:A:GLY:HA3	1:107:A:GLU:HB2	18	0.44
(4,543)	1:26:A:GLY:HA3	1:107:A:GLU:HB3	18	0.44
(4,500)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HB	17	0.44
(4,498)	1:73:A:ILE:HB	1:188:A:PRO:HG2	12	0.44
(4,498)	1:73:A:ILE:HB	1:188:A:PRO:HG3	12	0.44
(4,437)	1:126:A:LYS:HG2	1:127:A:ASN:HD22	17	0.44
(4,437)	1:126:A:LYS:HG3	1:127:A:ASN:HD22	17	0.44
(4,365)	1:177:A:ILE:HD11	1:191:A:LEU:CD2	20	0.44
(4,365)	1:177:A:ILE:HD12	1:191:A:LEU:CD2	20	0.44
(4,365)	1:177:A:ILE:HD13	1:191:A:LEU:CD2	20	0.44
(4,360)	1:231:A:LEU:HD11	1:234:A:ASN:H	16	0.44
(4,360)	1:231:A:LEU:HD12	1:234:A:ASN:H	16	0.44
(4,360)	1:231:A:LEU:HD13	1:234:A:ASN:H	16	0.44
(4,360)	1:231:A:LEU:HD21	1:234:A:ASN:H	16	0.44
(4,360)	1:231:A:LEU:HD22	1:234:A:ASN:H	16	0.44
(4,360)	1:231:A:LEU:HD23	1:234:A:ASN:H	16	0.44
(4,353)	1:56:A:VAL:HB	1:229:A:LEU:H	8	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,346)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HD1	11	0.44
(4,341)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HB	6	0.44
(4,325)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HE1	1	0.44
(4,321)	1:134:A:THR:HG21	1:137:A:PHE:H	3	0.44
(4,321)	1:134:A:THR:HG22	1:137:A:PHE:H	3	0.44
(4,321)	1:134:A:THR:HG23	1:137:A:PHE:H	3	0.44
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD21	1	0.44
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD22	1	0.44
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD23	1	0.44
(4,166)	1:181:A:ASP:H	1:184:A:ASN:HD21	7	0.44
(4,166)	1:181:A:ASP:H	1:184:A:ASN:HD22	7	0.44
(4,161)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:H	14	0.44
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD11	2	0.44
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD12	2	0.44
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD13	2	0.44
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD21	2	0.44
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD22	2	0.44
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD23	2	0.44
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD11	16	0.44
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD12	16	0.44
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD13	16	0.44
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD21	16	0.44
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD22	16	0.44
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD23	16	0.44
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD11	16	0.44
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD12	16	0.44
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD13	16	0.44
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD21	16	0.44
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD22	16	0.44
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD23	16	0.44
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD11	16	0.44
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD12	16	0.44
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD13	16	0.44
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD21	16	0.44
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD22	16	0.44
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD23	16	0.44
(4,141)	1:170:A:TYR:HE1	1:211:A:VAL:H	5	0.44
(4,141)	1:170:A:TYR:HE2	1:211:A:VAL:H	5	0.44
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD21	1	0.44
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD22	1	0.44
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG11	18	0.44
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG12	18	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG13	18	0.44
(4,84)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:H	14	0.44
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD21	7	0.44
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD22	7	0.44
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD21	7	0.44
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD22	7	0.44
(4,50)	1:25:A:LEU:HA	1:111:A:ASP:HA	18	0.44
(4,49)	1:106:A:LEU:HD11	1:109:A:GLY:H	17	0.44
(4,49)	1:106:A:LEU:HD12	1:109:A:GLY:H	17	0.44
(4,49)	1:106:A:LEU:HD13	1:109:A:GLY:H	17	0.44
(4,49)	1:106:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:H	17	0.44
(4,49)	1:106:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:H	17	0.44
(4,49)	1:106:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:H	17	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG11	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG12	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG13	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG21	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG22	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG23	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG11	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG12	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG13	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG21	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG22	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG23	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG11	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG12	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG13	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG21	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG22	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG23	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG11	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG12	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG13	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG21	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG22	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG23	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG11	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG12	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG13	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG21	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG22	11	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG23	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG11	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG12	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG13	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG21	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG22	11	0.44
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG23	11	0.44
(4,2)	1:59:A:PHE:C	1:166:A:HIS:N	1	0.44
(3,8)	1:179:A:GLU:H	1:189:A:LEU:O	19	0.44
(1,324)	1:5:A:ASN:ND2	1:218:A:ALA:H	17	0.44
(1,234)	1:100:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	8	0.44
(1,197)	1:85:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	3	0.44
(1,123)	1:97:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	15	0.44
(5,748)	1:5:A:ASN:ND2	1:117:A:LYS:H	14	0.43
(5,430)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	1	0.43
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG21	1:192:A:GLY:HA2	15	0.43
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG22	1:192:A:GLY:HA2	15	0.43
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG23	1:192:A:GLY:HA2	15	0.43
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD1	13	0.43
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD2	13	0.43
(4,4183)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HB2	20	0.43
(4,4183)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HB3	20	0.43
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG12	1:214:A:TYR:HD1	14	0.43
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG12	1:214:A:TYR:HD2	14	0.43
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG13	1:214:A:TYR:HD1	14	0.43
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG13	1:214:A:TYR:HD2	14	0.43
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD11	15	0.43
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD12	15	0.43
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD13	15	0.43
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD21	15	0.43
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD22	15	0.43
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD23	15	0.43
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD11	15	0.43
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD12	15	0.43
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD13	15	0.43
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD21	15	0.43
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD22	15	0.43
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD23	15	0.43
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:H	16	0.43
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:H	16	0.43
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG12	16	0.43
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG13	16	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB2	15	0.43
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB3	15	0.43
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB2	15	0.43
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB3	15	0.43
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB2	15	0.43
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB3	15	0.43
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	7	0.43
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	7	0.43
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	7	0.43
(4,3927)	1:31:A:TRP:H	1:31:A:TRP:HE3	13	0.43
(4,3884)	1:155:A:GLU:H	1:157:A:PRO:HB3	15	0.43
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD21	19	0.43
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD22	19	0.43
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD23	19	0.43
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD11	1:96:A:LEU:H	15	0.43
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD12	1:96:A:LEU:H	15	0.43
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD13	1:96:A:LEU:H	15	0.43
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HD22	19	0.43
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HD22	19	0.43
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HD22	19	0.43
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HD22	19	0.43
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HD22	19	0.43
(4,3824)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HD22	19	0.43
(4,3799)	1:154:A:SER:HB2	1:157:A:PRO:HD3	18	0.43
(4,3799)	1:154:A:SER:HB3	1:157:A:PRO:HD3	18	0.43
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:H	7	0.43
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:H	7	0.43
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:H	7	0.43
(4,3743)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB2	4	0.43
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB2	1:232:A:GLY:H	13	0.43
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB3	1:232:A:GLY:H	13	0.43
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	14	0.43
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	14	0.43
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	14	0.43
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	14	0.43
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	14	0.43
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	14	0.43
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	14	0.43
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	14	0.43
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	14	0.43
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	14	0.43
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	14	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	14	0.43
(4,3676)	1:32:A:ALA:H	1:232:A:GLY:H	5	0.43
(4,3661)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:HB2	13	0.43
(4,3661)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:HB3	13	0.43
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD11	8	0.43
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD12	8	0.43
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD13	8	0.43
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD11	1:206:A:LEU:H	19	0.43
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD12	1:206:A:LEU:H	19	0.43
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD13	1:206:A:LEU:H	19	0.43
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	16	0.43
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	16	0.43
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	16	0.43
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	16	0.43
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	16	0.43
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	16	0.43
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD21	15	0.43
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD21	15	0.43
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD21	15	0.43
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HB2	15	0.43
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HB3	15	0.43
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HB2	15	0.43
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HB3	15	0.43
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE21	14	0.43
(4,3452)	1:70:A:SER:HB2	1:72:A:GLN:HE22	14	0.43
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE21	14	0.43
(4,3452)	1:70:A:SER:HB3	1:72:A:GLN:HE22	14	0.43
(4,3433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:234:A:ASN:H	16	0.43
(4,3427)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HB3	8	0.43
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD11	7	0.43
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD12	7	0.43
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD13	7	0.43
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD21	7	0.43
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD22	7	0.43
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD23	7	0.43
(4,3398)	1:35:A:ASP:HB2	1:37:A:TYR:HE1	17	0.43
(4,3398)	1:35:A:ASP:HB2	1:37:A:TYR:HE2	17	0.43
(4,3391)	1:11:A:ILE:HA	1:151:A:THR:HA	8	0.43
(4,3371)	1:34:A:PHE:H	1:34:A:PHE:HE1	10	0.43
(4,3371)	1:34:A:PHE:H	1:34:A:PHE:HE2	10	0.43
(4,3261)	1:80:A:ILE:HG12	1:127:A:ASN:HB2	16	0.43
(4,3261)	1:80:A:ILE:HG12	1:127:A:ASN:HB3	16	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3261)	1:80:A:ILE:HG13	1:127:A:ASN:HB2	16	0.43
(4,3261)	1:80:A:ILE:HG13	1:127:A:ASN:HB3	16	0.43
(4,3206)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:H	5	0.43
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB2	9	0.43
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB3	9	0.43
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB2	9	0.43
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB3	9	0.43
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB2	9	0.43
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB3	9	0.43
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG21	1:210:A:ARG:HG2	2	0.43
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG21	1:210:A:ARG:HG3	2	0.43
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG22	1:210:A:ARG:HG2	2	0.43
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG22	1:210:A:ARG:HG3	2	0.43
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG23	1:210:A:ARG:HG2	2	0.43
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG23	1:210:A:ARG:HG3	2	0.43
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD11	1:119:A:GLN:HE21	20	0.43
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD12	1:119:A:GLN:HE21	20	0.43
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD13	1:119:A:GLN:HE21	20	0.43
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:HE21	20	0.43
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:HE21	20	0.43
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:HE21	20	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD11	6	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD12	6	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD13	6	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD21	6	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD22	6	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD23	6	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD11	6	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD12	6	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD13	6	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD21	6	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD22	6	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD23	6	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD11	6	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD12	6	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD13	6	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD21	6	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD22	6	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD23	6	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD11	16	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD12	16	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD13	16	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD21	16	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD22	16	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD23	16	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD11	16	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD12	16	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD13	16	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD21	16	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD22	16	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD23	16	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD11	16	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD12	16	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD13	16	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD21	16	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD22	16	0.43
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD23	16	0.43
(4,3021)	1:15:A:PRO:HG2	1:35:A:ASP:HB3	13	0.43
(4,3021)	1:15:A:PRO:HG3	1:35:A:ASP:HB3	13	0.43
(4,2998)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HA	1	0.43
(4,2998)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HA	6	0.43
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD11	10	0.43
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD12	10	0.43
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD13	10	0.43
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD21	10	0.43
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD22	10	0.43
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD23	10	0.43
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD11	10	0.43
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD12	10	0.43
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD13	10	0.43
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD21	10	0.43
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD22	10	0.43
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD23	10	0.43
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD11	10	0.43
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD12	10	0.43
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD13	10	0.43
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD21	10	0.43
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD22	10	0.43
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD23	10	0.43
(4,2985)	1:171:A:VAL:HB	1:172:A:GLU:HG2	7	0.43
(4,2985)	1:171:A:VAL:HB	1:172:A:GLU:HG3	7	0.43
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE1	1	0.43
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE2	1	0.43
(4,2967)	1:209:A:VAL:HA	1:213:A:SER:HB2	3	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2967)	1:209:A:VAL:HA	1:213:A:SER:HB3	3	0.43
(4,2966)	1:82:A:PHE:H	1:97:A:HIS:HA	9	0.43
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD11	14	0.43
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD12	14	0.43
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD13	14	0.43
(4,2726)	1:208:A:ARG:H	1:208:A:ARG:HD3	14	0.43
(4,2658)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HB2	10	0.43
(4,2658)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HB3	10	0.43
(4,2640)	1:204:A:GLN:H	1:206:A:LEU:H	7	0.43
(4,2634)	1:214:A:TYR:H	1:217:A:ASN:H	8	0.43
(4,2634)	1:214:A:TYR:H	1:217:A:ASN:H	13	0.43
(4,2626)	1:145:A:ASN:H	1:148:A:THR:H	11	0.43
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HG21	6	0.43
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HG22	6	0.43
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HG23	6	0.43
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HG21	6	0.43
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HG22	6	0.43
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HG23	6	0.43
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HG21	6	0.43
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HG22	6	0.43
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HG23	6	0.43
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD1	1:95:A:ILE:H	11	0.43
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD2	1:95:A:ILE:H	11	0.43
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD11	13	0.43
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD12	13	0.43
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD13	13	0.43
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD21	13	0.43
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD22	13	0.43
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD23	13	0.43
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD21	1:102:A:ASN:HD21	10	0.43
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD21	1:102:A:ASN:HD22	10	0.43
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD22	1:102:A:ASN:HD21	10	0.43
(4,2513)	1:101:A:ASN:HD22	1:102:A:ASN:HD22	10	0.43
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE1	1:78:A:ASP:H	15	0.43
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE2	1:78:A:ASP:H	15	0.43
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB2	1:168:A:ILE:H	5	0.43
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB3	1:168:A:ILE:H	5	0.43
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:H	13	0.43
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:H	13	0.43
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:H	13	0.43
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:H	13	0.43
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:H	13	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:H	13	0.43
(4,2300)	1:134:A:THR:HG21	1:138:A:VAL:H	14	0.43
(4,2300)	1:134:A:THR:HG22	1:138:A:VAL:H	14	0.43
(4,2300)	1:134:A:THR:HG23	1:138:A:VAL:H	14	0.43
(4,2280)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:H	19	0.43
(4,2271)	1:54:A:ALA:HB1	1:102:A:ASN:HD21	12	0.43
(4,2271)	1:54:A:ALA:HB2	1:102:A:ASN:HD21	12	0.43
(4,2271)	1:54:A:ALA:HB3	1:102:A:ASN:HD21	12	0.43
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	1	0.43
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	1	0.43
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	1	0.43
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	1	0.43
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	1	0.43
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	1	0.43
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD11	1:114:A:ASN:H	11	0.43
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD12	1:114:A:ASN:H	11	0.43
(4,2249)	1:106:A:LEU:HD13	1:114:A:ASN:H	11	0.43
(4,2209)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HD1	18	0.43
(4,2209)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HD2	18	0.43
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD11	15	0.43
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD12	15	0.43
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD13	15	0.43
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD21	15	0.43
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD22	15	0.43
(4,2179)	1:105:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD23	15	0.43
(4,2168)	1:38:A:SER:H	1:41:A:GLU:H	19	0.43
(4,1993)	1:55:A:ILE:HB	1:170:A:TYR:HD1	2	0.43
(4,1993)	1:55:A:ILE:HB	1:170:A:TYR:HD2	2	0.43
(4,1973)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	5	0.43
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD1	1:190:A:TYR:H	14	0.43
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD2	1:190:A:TYR:H	14	0.43
(4,1955)	1:72:A:GLN:HB2	1:74:A:THR:H	12	0.43
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG21	6	0.43
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG22	6	0.43
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG23	6	0.43
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD11	1	0.43
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD12	1	0.43
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD13	1	0.43
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	18	0.43
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	18	0.43
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	18	0.43
(4,1823)	1:181:A:ASP:HB2	1:189:A:LEU:HB2	11	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1823)	1:181:A:ASP:HB2	1:189:A:LEU:HB3	11	0.43
(4,1823)	1:181:A:ASP:HB3	1:189:A:LEU:HB2	11	0.43
(4,1823)	1:181:A:ASP:HB3	1:189:A:LEU:HB3	11	0.43
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG21	1:55:A:ILE:HA	1	0.43
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG22	1:55:A:ILE:HA	1	0.43
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG23	1:55:A:ILE:HA	1	0.43
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG21	1:55:A:ILE:HA	5	0.43
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG22	1:55:A:ILE:HA	5	0.43
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG23	1:55:A:ILE:HA	5	0.43
(4,1733)	1:39:A:LEU:HG	1:41:A:GLU:H	1	0.43
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB2	8	0.43
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB3	8	0.43
(4,1603)	1:97:A:HIS:HD1	1:182:A:GLY:H	16	0.43
(4,1559)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:H	3	0.43
(4,1557)	1:213:A:SER:HA	1:217:A:ASN:HD21	18	0.43
(4,1557)	1:213:A:SER:HA	1:217:A:ASN:HD22	18	0.43
(4,1514)	1:102:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	8	0.43
(4,1514)	1:102:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	8	0.43
(4,1492)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG3	10	0.43
(4,1455)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:H	1	0.43
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG11	11	0.43
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG12	11	0.43
(4,1425)	1:6:A:ARG:H	1:8:A:VAL:HG13	11	0.43
(4,1403)	1:115:A:PHE:HB2	1:137:A:PHE:HD1	10	0.43
(4,1403)	1:115:A:PHE:HB2	1:137:A:PHE:HD2	10	0.43
(4,1403)	1:115:A:PHE:HB3	1:137:A:PHE:HD1	10	0.43
(4,1403)	1:115:A:PHE:HB3	1:137:A:PHE:HD2	10	0.43
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD11	11	0.43
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD12	11	0.43
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD13	11	0.43
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB2	19	0.43
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB3	19	0.43
(4,1334)	1:221:A:GLU:HA	1:224:A:LEU:HD11	10	0.43
(4,1334)	1:221:A:GLU:HA	1:224:A:LEU:HD12	10	0.43
(4,1334)	1:221:A:GLU:HA	1:224:A:LEU:HD13	10	0.43
(4,1266)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:TYR:HD1	4	0.43
(4,1266)	1:92:A:LEU:H	1:93:A:TYR:HD2	4	0.43
(4,1229)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:CD1	8	0.43
(4,1229)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:CD1	8	0.43
(4,1229)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:CD1	8	0.43
(4,1192)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB3	4	0.43
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:H	14	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:H	14	0.43
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG11	1:12:A:GLU:H	6	0.43
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG12	1:12:A:GLU:H	6	0.43
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG13	1:12:A:GLU:H	6	0.43
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:GLU:H	6	0.43
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:GLU:H	6	0.43
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:GLU:H	6	0.43
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB1	11	0.43
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB2	11	0.43
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB3	11	0.43
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB1	11	0.43
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB2	11	0.43
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB3	11	0.43
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB1	11	0.43
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB2	11	0.43
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB3	11	0.43
(4,1094)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:H	7	0.43
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD11	1:38:A:SER:H	12	0.43
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD12	1:38:A:SER:H	12	0.43
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD13	1:38:A:SER:H	12	0.43
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG21	14	0.43
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG22	14	0.43
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG23	14	0.43
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG21	18	0.43
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG22	18	0.43
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG23	18	0.43
(4,1082)	1:152:A:GLY:H	1:153:A:GLN:HB2	8	0.43
(4,1082)	1:152:A:GLY:H	1:153:A:GLN:HB3	8	0.43
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD11	3	0.43
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD12	3	0.43
(4,997)	1:34:A:PHE:HD1	1:48:A:LEU:HD13	3	0.43
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD11	3	0.43
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD12	3	0.43
(4,997)	1:34:A:PHE:HD2	1:48:A:LEU:HD13	3	0.43
(4,991)	1:137:A:PHE:HB2	1:139:A:LEU:H	8	0.43
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD11	12	0.43
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD12	12	0.43
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD13	12	0.43
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB2	13	0.43
(4,960)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HB3	13	0.43
(4,950)	1:58:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:H	3	0.43
(4,950)	1:58:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:H	3	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,950)	1:58:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:H	3	0.43
(4,950)	1:58:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:H	3	0.43
(4,950)	1:58:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:H	3	0.43
(4,950)	1:58:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:H	3	0.43
(4,947)	1:177:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	4	0.43
(4,947)	1:177:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	4	0.43
(4,947)	1:177:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	4	0.43
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD11	5	0.43
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD12	5	0.43
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD13	5	0.43
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD21	5	0.43
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD22	5	0.43
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD23	5	0.43
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG2	5	0.43
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG3	5	0.43
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG2	5	0.43
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG3	5	0.43
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB1	16	0.43
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB2	16	0.43
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB3	16	0.43
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB1	16	0.43
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB2	16	0.43
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB3	16	0.43
(4,866)	1:36:A:ILE:HB	1:38:A:SER:HA	6	0.43
(4,843)	1:29:A:ASN:HD21	1:31:A:TRP:H	17	0.43
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB1	14	0.43
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB2	14	0.43
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB3	14	0.43
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB1	14	0.43
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB2	14	0.43
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB3	14	0.43
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB1	14	0.43
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB2	14	0.43
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB3	14	0.43
(4,736)	1:80:A:ILE:HD11	1:100:A:SER:HB2	16	0.43
(4,736)	1:80:A:ILE:HD12	1:100:A:SER:HB2	16	0.43
(4,736)	1:80:A:ILE:HD13	1:100:A:SER:HB2	16	0.43
(4,687)	1:25:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG21	15	0.43
(4,687)	1:25:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG22	15	0.43
(4,687)	1:25:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG23	15	0.43
(4,653)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HE1	2	0.43
(4,653)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HE2	2	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,653)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HE1	8	0.43
(4,653)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HE2	8	0.43
(4,652)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HB2	14	0.43
(4,652)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HB3	14	0.43
(4,652)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HB2	14	0.43
(4,652)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HB3	14	0.43
(4,631)	1:30:A:GLU:HG3	1:31:A:TRP:HE1	12	0.43
(4,608)	1:77:A:TYR:H	1:77:A:TYR:HE1	19	0.43
(4,608)	1:77:A:TYR:H	1:77:A:TYR:HE2	19	0.43
(4,528)	1:117:A:LYS:H	1:119:A:GLN:HE21	5	0.43
(4,528)	1:117:A:LYS:H	1:119:A:GLN:HE21	14	0.43
(4,514)	1:109:A:GLY:HA2	1:113:A:ASP:H	16	0.43
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD11	7	0.43
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD12	7	0.43
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD13	7	0.43
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD21	7	0.43
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD22	7	0.43
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD23	7	0.43
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB2	17	0.43
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB3	17	0.43
(4,437)	1:126:A:LYS:HG2	1:127:A:ASN:HD22	20	0.43
(4,437)	1:126:A:LYS:HG3	1:127:A:ASN:HD22	20	0.43
(4,375)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	17	0.43
(4,375)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	17	0.43
(4,375)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	17	0.43
(4,297)	1:142:A:ILE:HG21	1:146:A:VAL:HB	20	0.43
(4,297)	1:142:A:ILE:HG22	1:146:A:VAL:HB	20	0.43
(4,297)	1:142:A:ILE:HG23	1:146:A:VAL:HB	20	0.43
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD11	4	0.43
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD12	4	0.43
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD13	4	0.43
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD21	4	0.43
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD22	4	0.43
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD23	4	0.43
(4,270)	1:33:A:TYR:HD1	1:232:A:GLY:H	8	0.43
(4,270)	1:33:A:TYR:HD2	1:232:A:GLY:H	8	0.43
(4,161)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:H	16	0.43
(4,102)	1:150:A:SER:H	1:157:A:PRO:HD2	12	0.43
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD11	9	0.43
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD12	9	0.43
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD13	9	0.43
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD21	9	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD22	9	0.43
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD23	9	0.43
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD11	9	0.43
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD12	9	0.43
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD13	9	0.43
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD21	9	0.43
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD22	9	0.43
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD23	9	0.43
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD11	9	0.43
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD12	9	0.43
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD13	9	0.43
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD21	9	0.43
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD22	9	0.43
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD23	9	0.43
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB1	12	0.43
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB2	12	0.43
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB3	12	0.43
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB1	12	0.43
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB2	12	0.43
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB3	12	0.43
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB1	12	0.43
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB2	12	0.43
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB3	12	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD11	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD12	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD13	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD21	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD22	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HD23	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD11	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD12	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD13	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD21	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD22	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HD23	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD11	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD12	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD13	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD21	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD22	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HD23	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD11	16	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,26)	1:27:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD12	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD13	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD21	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD22	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HD23	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD11	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD12	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD13	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD21	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD22	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HD23	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD11	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD12	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD13	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD21	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD22	16	0.43
(4,26)	1:27:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HD23	16	0.43
(4,8)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA3	2	0.43
(4,8)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA3	2	0.43
(4,2)	1:59:A:PHE:C	1:166:A:HIS:N	5	0.43
(4,2)	1:59:A:PHE:C	1:166:A:HIS:N	14	0.43
(3,22)	1:171:A:VAL:H	1:178:A:PHE:O	10	0.43
(3,22)	1:171:A:VAL:H	1:178:A:PHE:O	12	0.43
(3,18)	1:32:A:ALA:O	1:232:A:GLY:H	4	0.43
(3,8)	1:179:A:GLU:H	1:189:A:LEU:O	15	0.43
(2,446)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	18	0.43
(2,342)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	13	0.43
(1,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	4	0.43
(1,441)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	18	0.43
(5,759)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	7	0.42
(5,577)	1:5:A:ASN:ND2	1:93:A:TYR:H	2	0.42
(5,510)	1:5:A:ASN:ND2	1:74:A:THR:H	19	0.42
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG21	7	0.42
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG22	7	0.42
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG23	7	0.42
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG21	1:183:A:ARG:H	3	0.42
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG22	1:183:A:ARG:H	3	0.42
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG23	1:183:A:ARG:H	3	0.42
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD1	1:193:A:LYS:H	9	0.42
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD2	1:193:A:LYS:H	9	0.42
(4,4262)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HB	7	0.42
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE1	1	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE2	1	0.42
(4,4205)	1:155:A:GLU:HB2	1:157:A:PRO:HB3	13	0.42
(4,4205)	1:155:A:GLU:HB3	1:157:A:PRO:HB3	13	0.42
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:H	1	0.42
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:H	1	0.42
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:H	1	0.42
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:H	1	0.42
(4,4078)	1:57:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:HA	12	0.42
(4,4078)	1:57:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:HA	12	0.42
(4,4078)	1:57:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:HA	12	0.42
(4,4063)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:HB2	9	0.42
(4,4063)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:HB3	9	0.42
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:H	16	0.42
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:H	16	0.42
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:H	16	0.42
(4,4060)	1:93:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:H	2	0.42
(4,4060)	1:93:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:H	2	0.42
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE21	10	0.42
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE22	10	0.42
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB3	3	0.42
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB3	3	0.42
(4,4008)	1:115:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HG2	18	0.42
(4,4008)	1:115:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HG2	18	0.42
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD1	6	0.42
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD2	6	0.42
(4,3957)	1:102:A:ASN:H	1:105:A:LEU:H	3	0.42
(4,3927)	1:31:A:TRP:H	1:31:A:TRP:HE3	7	0.42
(4,3919)	1:82:A:PHE:HZ	1:100:A:SER:H	8	0.42
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD21	11	0.42
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD22	11	0.42
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD23	11	0.42
(4,3860)	1:38:A:SER:H	1:202:A:ILE:HG21	12	0.42
(4,3860)	1:38:A:SER:H	1:202:A:ILE:HG22	12	0.42
(4,3860)	1:38:A:SER:H	1:202:A:ILE:HG23	12	0.42
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB2	19	0.42
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB2	19	0.42
(4,3802)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:THR:HG21	17	0.42
(4,3802)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:THR:HG22	17	0.42
(4,3802)	1:16:A:GLU:HA	1:19:A:THR:HG23	17	0.42
(4,3795)	1:84:A:GLN:H	1:185:A:LEU:HD11	6	0.42
(4,3795)	1:84:A:GLN:H	1:185:A:LEU:HD12	6	0.42
(4,3795)	1:84:A:GLN:H	1:185:A:LEU:HD13	6	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG21	15	0.42
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG22	15	0.42
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG23	15	0.42
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG21	15	0.42
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG22	15	0.42
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG23	15	0.42
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG21	15	0.42
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG22	15	0.42
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG23	15	0.42
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:H	11	0.42
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:H	11	0.42
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:H	11	0.42
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD21	3	0.42
(4,3756)	1:78:A:ASP:HA	1:174:A:ASN:HD22	3	0.42
(4,3712)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD11	3	0.42
(4,3712)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD12	3	0.42
(4,3712)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD13	3	0.42
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	2	0.42
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	2	0.42
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD11	6	0.42
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD12	6	0.42
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD13	6	0.42
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD11	17	0.42
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD12	17	0.42
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD13	17	0.42
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD11	15	0.42
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD12	15	0.42
(4,3669)	1:35:A:ASP:HB3	1:36:A:ILE:HD13	15	0.42
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG2	5	0.42
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG3	5	0.42
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG2	5	0.42
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG3	5	0.42
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG2	5	0.42
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG3	5	0.42
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG2	19	0.42
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG3	19	0.42
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG2	19	0.42
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG3	19	0.42
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG2	19	0.42
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG3	19	0.42
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD11	8	0.42
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD12	8	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD13	8	0.42
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD21	8	0.42
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD22	8	0.42
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD23	8	0.42
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD11	8	0.42
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD12	8	0.42
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD13	8	0.42
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD21	8	0.42
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD22	8	0.42
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD23	8	0.42
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG12	6	0.42
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG13	6	0.42
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG12	6	0.42
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG13	6	0.42
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG12	6	0.42
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG13	6	0.42
(4,3466)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HE21	14	0.42
(4,3466)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HE22	14	0.42
(4,3413)	1:149:A:PHE:H	1:151:A:THR:H	13	0.42
(4,3394)	1:90:A:CYS:HB2	1:167:A:TYR:H	10	0.42
(4,3394)	1:90:A:CYS:HB3	1:167:A:TYR:H	10	0.42
(4,3303)	1:22:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HB2	11	0.42
(4,3303)	1:22:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HB3	11	0.42
(4,3280)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB2	2	0.42
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD11	8	0.42
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD12	8	0.42
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD13	8	0.42
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD21	8	0.42
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD22	8	0.42
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD23	8	0.42
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD1	16	0.42
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD2	16	0.42
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG21	1:139:A:LEU:CD1	2	0.42
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG22	1:139:A:LEU:CD1	2	0.42
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG23	1:139:A:LEU:CD1	2	0.42
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD11	10	0.42
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD12	10	0.42
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD13	10	0.42
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD21	10	0.42
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD22	10	0.42
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD23	10	0.42
(4,3013)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:H	4	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	4	0.42
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	4	0.42
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	4	0.42
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD21	1:144:A:GLU:H	3	0.42
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD22	1:144:A:GLU:H	3	0.42
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD23	1:144:A:GLU:H	3	0.42
(4,2958)	1:52:A:VAL:H	1:54:A:ALA:H	19	0.42
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD1	12	0.42
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD2	12	0.42
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG21	6	0.42
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG22	6	0.42
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG23	6	0.42
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD22	20	0.42
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD22	20	0.42
(4,2749)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD22	20	0.42
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:H	13	0.42
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:H	13	0.42
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:H	13	0.42
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:HB2	10	0.42
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:HB2	10	0.42
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:HB2	10	0.42
(4,2612)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HA	8	0.42
(4,2575)	1:19:A:THR:HG21	1:235:A:TRP:H	4	0.42
(4,2575)	1:19:A:THR:HG22	1:235:A:TRP:H	4	0.42
(4,2575)	1:19:A:THR:HG23	1:235:A:TRP:H	4	0.42
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD11	1:200:A:ASP:H	8	0.42
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD12	1:200:A:ASP:H	8	0.42
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD13	1:200:A:ASP:H	8	0.42
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD21	1:200:A:ASP:H	8	0.42
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD22	1:200:A:ASP:H	8	0.42
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD23	1:200:A:ASP:H	8	0.42
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG2	1:157:A:PRO:HB3	18	0.42
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG3	1:157:A:PRO:HB3	18	0.42
(4,2428)	1:136:A:GLN:HA	1:139:A:LEU:HD21	4	0.42
(4,2428)	1:136:A:GLN:HA	1:139:A:LEU:HD22	4	0.42
(4,2428)	1:136:A:GLN:HA	1:139:A:LEU:HD23	4	0.42
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD21	1:226:A:PHE:H	2	0.42
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD22	1:226:A:PHE:H	2	0.42
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD21	1:226:A:PHE:H	8	0.42
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD22	1:226:A:PHE:H	8	0.42
(4,2343)	1:73:A:ILE:H	1:186:A:SER:H	6	0.42
(4,2261)	1:54:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:H	1	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2261)	1:54:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:H	1	0.42
(4,2261)	1:54:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:H	1	0.42
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB2	8	0.42
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB3	8	0.42
(4,2242)	1:52:A:VAL:HB	1:55:A:ILE:HD11	10	0.42
(4,2242)	1:52:A:VAL:HB	1:55:A:ILE:HD12	10	0.42
(4,2242)	1:52:A:VAL:HB	1:55:A:ILE:HD13	10	0.42
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD21	3	0.42
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD22	3	0.42
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD23	3	0.42
(4,2107)	1:58:A:LEU:HB2	1:59:A:PHE:HA	14	0.42
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD21	1:147:A:GLN:H	13	0.42
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD22	1:147:A:GLN:H	13	0.42
(4,2084)	1:97:A:HIS:H	1:169:A:THR:HB	11	0.42
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD21	5	0.42
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD22	5	0.42
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD23	5	0.42
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG21	9	0.42
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG22	9	0.42
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG23	9	0.42
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG21	15	0.42
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG22	15	0.42
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG23	15	0.42
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD21	9	0.42
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD22	9	0.42
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD23	9	0.42
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD21	9	0.42
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD22	9	0.42
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD23	9	0.42
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD21	9	0.42
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD22	9	0.42
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD23	9	0.42
(4,1894)	1:177:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HE21	16	0.42
(4,1894)	1:177:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HE22	16	0.42
(4,1881)	1:42:A:PRO:HB2	1:46:A:ALA:HA	11	0.42
(4,1845)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:HD21	19	0.42
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD11	2	0.42
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD12	2	0.42
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD13	2	0.42
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD21	2	0.42
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD22	2	0.42
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD23	2	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	4	0.42
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	4	0.42
(4,1706)	1:220:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	4	0.42
(4,1676)	1:172:A:GLU:HB3	1:176:A:GLY:H	19	0.42
(4,1626)	1:95:A:ILE:H	1:98:A:SER:HG	14	0.42
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB2	1:210:A:ARG:HB2	16	0.42
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB2	1:210:A:ARG:HB3	16	0.42
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB3	1:210:A:ARG:HB2	16	0.42
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB3	1:210:A:ARG:HB3	16	0.42
(4,1587)	1:190:A:TYR:HE1	1:192:A:GLY:H	18	0.42
(4,1587)	1:190:A:TYR:HE2	1:192:A:GLY:H	18	0.42
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD11	10	0.42
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD12	10	0.42
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD13	10	0.42
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD21	10	0.42
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD22	10	0.42
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD23	10	0.42
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB2	14	0.42
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB3	14	0.42
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB1	2	0.42
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB2	2	0.42
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB3	2	0.42
(4,1448)	1:54:A:ALA:H	1:102:A:ASN:HD21	16	0.42
(4,1448)	1:54:A:ALA:H	1:102:A:ASN:HD22	16	0.42
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG11	1	0.42
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG12	1	0.42
(4,1394)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG13	1	0.42
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD21	1:96:A:LEU:H	7	0.42
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD22	1:96:A:LEU:H	7	0.42
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD23	1:96:A:LEU:H	7	0.42
(4,1333)	1:153:A:GLN:HG2	1:157:A:PRO:HD3	19	0.42
(4,1333)	1:153:A:GLN:HG3	1:157:A:PRO:HD3	19	0.42
(4,1275)	1:64:A:ASP:HA	1:217:A:ASN:HB2	10	0.42
(4,1275)	1:64:A:ASP:HA	1:217:A:ASN:HB3	10	0.42
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD21	9	0.42
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD22	9	0.42
(4,1212)	1:37:A:TYR:H	1:48:A:LEU:HD23	9	0.42
(4,1197)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG11	13	0.42
(4,1197)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG12	13	0.42
(4,1197)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG13	13	0.42
(4,1197)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG11	13	0.42
(4,1197)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG12	13	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1197)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG13	13	0.42
(4,1164)	1:119:A:GLN:HG2	1:126:A:LYS:H	1	0.42
(4,1164)	1:119:A:GLN:HG3	1:126:A:LYS:H	1	0.42
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG11	1:200:A:ASP:HB2	17	0.42
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG11	1:200:A:ASP:HB3	17	0.42
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG12	1:200:A:ASP:HB2	17	0.42
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG12	1:200:A:ASP:HB3	17	0.42
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG13	1:200:A:ASP:HB2	17	0.42
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG13	1:200:A:ASP:HB3	17	0.42
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG21	2	0.42
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG22	2	0.42
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG23	2	0.42
(4,1082)	1:152:A:GLY:H	1:153:A:GLN:HB2	20	0.42
(4,1082)	1:152:A:GLY:H	1:153:A:GLN:HB3	20	0.42
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD2	1:146:A:VAL:HB	7	0.42
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD3	1:146:A:VAL:HB	7	0.42
(4,995)	1:34:A:PHE:HB2	1:36:A:ILE:H	6	0.42
(4,995)	1:34:A:PHE:HB3	1:36:A:ILE:H	6	0.42
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD11	5	0.42
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD12	5	0.42
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD13	5	0.42
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD21	5	0.42
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD22	5	0.42
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD23	5	0.42
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG2	4	0.42
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG3	4	0.42
(4,819)	1:149:A:PHE:HA	1:151:A:THR:HA	2	0.42
(4,819)	1:149:A:PHE:HA	1:151:A:THR:HA	20	0.42
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB1	2	0.42
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB2	2	0.42
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB3	2	0.42
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB1	2	0.42
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB2	2	0.42
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB3	2	0.42
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB2	3	0.42
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB3	3	0.42
(4,733)	1:110:A:SER:H	1:111:A:ASP:HA	14	0.42
(4,725)	1:80:A:ILE:H	1:101:A:ASN:HB2	8	0.42
(4,725)	1:80:A:ILE:H	1:101:A:ASN:HB3	8	0.42
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG11	8	0.42
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG12	8	0.42
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG13	8	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG11	8	0.42
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG12	8	0.42
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG13	8	0.42
(4,661)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:HE22	10	0.42
(4,661)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:HE22	10	0.42
(4,647)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:H	8	0.42
(4,629)	1:57:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:H	14	0.42
(4,629)	1:57:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:H	14	0.42
(4,629)	1:57:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:H	14	0.42
(4,627)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HG	6	0.42
(4,583)	1:57:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:HG2	18	0.42
(4,583)	1:57:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:HG3	18	0.42
(4,583)	1:57:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:HG2	18	0.42
(4,583)	1:57:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:HG3	18	0.42
(4,583)	1:57:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:HG2	18	0.42
(4,583)	1:57:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:HG3	18	0.42
(4,554)	1:221:A:GLU:HA	1:224:A:LEU:HA	10	0.42
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD11	3	0.42
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD12	3	0.42
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD13	3	0.42
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD21	3	0.42
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD22	3	0.42
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD23	3	0.42
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD11	3	0.42
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD12	3	0.42
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD13	3	0.42
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD21	3	0.42
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD22	3	0.42
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD23	3	0.42
(4,510)	1:99:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:H	19	0.42
(4,510)	1:99:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:H	19	0.42
(4,510)	1:99:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:H	19	0.42
(4,510)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	19	0.42
(4,510)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	19	0.42
(4,510)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	19	0.42
(4,500)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HB	9	0.42
(4,476)	1:206:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:H	20	0.42
(4,476)	1:206:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:H	20	0.42
(4,476)	1:206:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:H	20	0.42
(4,382)	1:32:A:ALA:HB1	1:233:A:PRO:HB2	12	0.42
(4,382)	1:32:A:ALA:HB2	1:233:A:PRO:HB2	12	0.42
(4,382)	1:32:A:ALA:HB3	1:233:A:PRO:HB2	12	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,376)	1:170:A:TYR:H	1:170:A:TYR:HD1	19	0.42
(4,376)	1:170:A:TYR:H	1:170:A:TYR:HD2	19	0.42
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB2	10	0.42
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB3	10	0.42
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG21	13	0.42
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG22	13	0.42
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG23	13	0.42
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB2	2	0.42
(4,312)	1:4:A:GLU:HB2	1:6:A:ARG:HB3	2	0.42
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB2	2	0.42
(4,312)	1:4:A:GLU:HB3	1:6:A:ARG:HB3	2	0.42
(4,297)	1:142:A:ILE:HG21	1:146:A:VAL:HB	16	0.42
(4,297)	1:142:A:ILE:HG22	1:146:A:VAL:HB	16	0.42
(4,297)	1:142:A:ILE:HG23	1:146:A:VAL:HB	16	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD11	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD12	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD13	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD21	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD22	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD23	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD11	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD12	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD13	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD21	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD22	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD23	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD11	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD12	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD13	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD21	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD22	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD23	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD11	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD12	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD13	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD21	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD22	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD23	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD11	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD12	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD13	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD21	14	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD22	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD23	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD11	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD12	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD13	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD21	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD22	14	0.42
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD23	14	0.42
(4,175)	1:177:A:ILE:HD11	1:191:A:LEU:HD11	13	0.42
(4,175)	1:177:A:ILE:HD11	1:191:A:LEU:HD12	13	0.42
(4,175)	1:177:A:ILE:HD11	1:191:A:LEU:HD13	13	0.42
(4,175)	1:177:A:ILE:HD11	1:191:A:LEU:HD21	13	0.42
(4,175)	1:177:A:ILE:HD11	1:191:A:LEU:HD22	13	0.42
(4,175)	1:177:A:ILE:HD11	1:191:A:LEU:HD23	13	0.42
(4,175)	1:177:A:ILE:HD12	1:191:A:LEU:HD11	13	0.42
(4,175)	1:177:A:ILE:HD12	1:191:A:LEU:HD12	13	0.42
(4,175)	1:177:A:ILE:HD12	1:191:A:LEU:HD13	13	0.42
(4,175)	1:177:A:ILE:HD12	1:191:A:LEU:HD21	13	0.42
(4,175)	1:177:A:ILE:HD12	1:191:A:LEU:HD22	13	0.42
(4,175)	1:177:A:ILE:HD12	1:191:A:LEU:HD23	13	0.42
(4,175)	1:177:A:ILE:HD13	1:191:A:LEU:HD11	13	0.42
(4,175)	1:177:A:ILE:HD13	1:191:A:LEU:HD12	13	0.42
(4,175)	1:177:A:ILE:HD13	1:191:A:LEU:HD13	13	0.42
(4,175)	1:177:A:ILE:HD13	1:191:A:LEU:HD21	13	0.42
(4,175)	1:177:A:ILE:HD13	1:191:A:LEU:HD22	13	0.42
(4,175)	1:177:A:ILE:HD13	1:191:A:LEU:HD23	13	0.42
(4,150)	1:39:A:LEU:HA	1:44:A:LEU:HG	18	0.42
(4,141)	1:170:A:TYR:HE1	1:211:A:VAL:H	12	0.42
(4,141)	1:170:A:TYR:HE2	1:211:A:VAL:H	12	0.42
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD1	15	0.42
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD2	15	0.42
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD1	15	0.42
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD2	15	0.42
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD1	17	0.42
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD2	17	0.42
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD1	17	0.42
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD2	17	0.42
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB2	10	0.42
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB3	10	0.42
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD11	7	0.42
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD12	7	0.42
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD13	7	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD21	7	0.42
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD22	7	0.42
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD23	7	0.42
(2,590)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	2	0.42
(2,514)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	1	0.42
(2,456)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	7	0.42
(1,604)	1:5:A:ASN:ND2	1:102:A:ASN:H	3	0.42
(1,570)	1:5:A:ASN:ND2	1:135:A:ASP:H	1	0.42
(1,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	14	0.42
(1,213)	1:160:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	9	0.42
(1,212)	1:179:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	18	0.42
(1,153)	1:212:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	20	0.42
(1,111)	1:82:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	4	0.42
(1,57)	1:22:A:ALA:H	1:140:A:ASN:ND2	4	0.42
(1,16)	1:104:A:SER:OG	1:170:A:TYR:H	13	0.42
(5,643)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	9	0.41
(5,622)	1:5:A:ASN:ND2	1:72:A:GLN:H	12	0.41
(5,553)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	10	0.41
(5,475)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	10	0.41
(5,441)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	20	0.41
(5,328)	1:148:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	2	0.41
(5,299)	1:156:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	12	0.41
(5,275)	1:40:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	20	0.41
(5,90)	1:140:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	15	0.41
(4,4319)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG11	1	0.41
(4,4319)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG12	1	0.41
(4,4319)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG13	1	0.41
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG21	1:183:A:ARG:H	1	0.41
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG22	1:183:A:ARG:H	1	0.41
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG23	1:183:A:ARG:H	1	0.41
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD21	1:89:A:ALA:H	19	0.41
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD22	1:89:A:ALA:H	19	0.41
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG11	9	0.41
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG12	9	0.41
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG13	9	0.41
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG21	9	0.41
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG22	9	0.41
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG23	9	0.41
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE21	19	0.41
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE22	19	0.41
(4,4205)	1:155:A:GLU:HB2	1:157:A:PRO:HB3	14	0.41
(4,4205)	1:155:A:GLU:HB3	1:157:A:PRO:HB3	14	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB3	20	0.41
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB3	20	0.41
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB3	20	0.41
(4,4090)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:H	18	0.41
(4,4070)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:H	13	0.41
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	15	0.41
(4,4055)	1:21:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	15	0.41
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD1	7	0.41
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD2	7	0.41
(4,3968)	1:55:A:ILE:H	1:170:A:TYR:H	7	0.41
(4,3949)	1:140:A:ASN:H	1:143:A:LYS:HB2	19	0.41
(4,3949)	1:140:A:ASN:H	1:143:A:LYS:HB3	19	0.41
(4,3937)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE21	5	0.41
(4,3933)	1:19:A:THR:HG1	1:22:A:ALA:H	3	0.41
(4,3929)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:H	17	0.41
(4,3927)	1:31:A:TRP:H	1:31:A:TRP:HE3	3	0.41
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB2	1:5:A:ASN:HD21	9	0.41
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB3	1:5:A:ASN:HD21	9	0.41
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD1	7	0.41
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD2	7	0.41
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD1	11	0.41
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD2	11	0.41
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB2	1:220:A:GLU:HG2	16	0.41
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB2	1:220:A:GLU:HG3	16	0.41
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB3	1:220:A:GLU:HG2	16	0.41
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB3	1:220:A:GLU:HG3	16	0.41
(4,3829)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HD1	7	0.41
(4,3829)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HD2	7	0.41
(4,3799)	1:154:A:SER:HB2	1:157:A:PRO:HD3	14	0.41
(4,3799)	1:154:A:SER:HB3	1:157:A:PRO:HD3	14	0.41
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD11	1:94:A:ALA:HB1	12	0.41
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD11	1:94:A:ALA:HB2	12	0.41
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD11	1:94:A:ALA:HB3	12	0.41
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD12	1:94:A:ALA:HB1	12	0.41
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD12	1:94:A:ALA:HB2	12	0.41
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD12	1:94:A:ALA:HB3	12	0.41
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD13	1:94:A:ALA:HB1	12	0.41
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD13	1:94:A:ALA:HB2	12	0.41
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD13	1:94:A:ALA:HB3	12	0.41
(4,3676)	1:32:A:ALA:H	1:232:A:GLY:H	12	0.41
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD11	14	0.41
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD12	14	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD13	14	0.41
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	20	0.41
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	20	0.41
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	20	0.41
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB2	8	0.41
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB3	8	0.41
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD11	5	0.41
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD12	5	0.41
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD13	5	0.41
(4,3518)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:H	7	0.41
(4,3518)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:H	7	0.41
(4,3518)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:H	9	0.41
(4,3518)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:H	9	0.41
(4,3518)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:H	16	0.41
(4,3518)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:H	16	0.41
(4,3453)	1:62:A:ASN:HB2	1:63:A:GLU:HA	19	0.41
(4,3446)	1:222:A:ASP:H	1:223:A:VAL:HG21	17	0.41
(4,3446)	1:222:A:ASP:H	1:223:A:VAL:HG22	17	0.41
(4,3446)	1:222:A:ASP:H	1:223:A:VAL:HG23	17	0.41
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD11	14	0.41
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD12	14	0.41
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD13	14	0.41
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD11	14	0.41
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD12	14	0.41
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD13	14	0.41
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD11	14	0.41
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD12	14	0.41
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD13	14	0.41
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB1	1:94:A:ALA:H	7	0.41
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB2	1:94:A:ALA:H	7	0.41
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB3	1:94:A:ALA:H	7	0.41
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD21	17	0.41
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD22	17	0.41
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD23	17	0.41
(4,3287)	1:194:A:SER:HB2	1:204:A:GLN:HE21	3	0.41
(4,3287)	1:194:A:SER:HB3	1:204:A:GLN:HE21	3	0.41
(4,3286)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HA	12	0.41
(4,3206)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:H	9	0.41
(4,3182)	1:184:A:ASN:HD21	1:186:A:SER:H	19	0.41
(4,3182)	1:184:A:ASN:HD22	1:186:A:SER:H	19	0.41
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HD1	5	0.41
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HD2	5	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HD1	5	0.41
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HD2	5	0.41
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HD1	5	0.41
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HD2	5	0.41
(4,2956)	1:11:A:ILE:HG12	1:153:A:GLN:H	20	0.41
(4,2951)	1:106:A:LEU:HG	1:110:A:SER:HB2	14	0.41
(4,2951)	1:106:A:LEU:HG	1:110:A:SER:HB3	14	0.41
(4,2923)	1:36:A:ILE:H	1:38:A:SER:H	20	0.41
(4,2920)	1:80:A:ILE:HG12	1:127:A:ASN:HD21	13	0.41
(4,2920)	1:80:A:ILE:HG13	1:127:A:ASN:HD21	13	0.41
(4,2917)	1:178:A:PHE:HB2	1:191:A:LEU:HD11	14	0.41
(4,2917)	1:178:A:PHE:HB2	1:191:A:LEU:HD12	14	0.41
(4,2917)	1:178:A:PHE:HB2	1:191:A:LEU:HD13	14	0.41
(4,2917)	1:178:A:PHE:HB2	1:191:A:LEU:HD21	14	0.41
(4,2917)	1:178:A:PHE:HB2	1:191:A:LEU:HD22	14	0.41
(4,2917)	1:178:A:PHE:HB2	1:191:A:LEU:HD23	14	0.41
(4,2917)	1:178:A:PHE:HB3	1:191:A:LEU:HD11	14	0.41
(4,2917)	1:178:A:PHE:HB3	1:191:A:LEU:HD12	14	0.41
(4,2917)	1:178:A:PHE:HB3	1:191:A:LEU:HD13	14	0.41
(4,2917)	1:178:A:PHE:HB3	1:191:A:LEU:HD21	14	0.41
(4,2917)	1:178:A:PHE:HB3	1:191:A:LEU:HD22	14	0.41
(4,2917)	1:178:A:PHE:HB3	1:191:A:LEU:HD23	14	0.41
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:H	13	0.41
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:H	13	0.41
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	6	0.41
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	6	0.41
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	6	0.41
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB2	1:8:A:VAL:H	8	0.41
(4,2788)	1:4:A:GLU:HB3	1:8:A:VAL:H	8	0.41
(4,2736)	1:160:A:THR:H	1:162:A:ASP:H	8	0.41
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD11	4	0.41
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD12	4	0.41
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD13	4	0.41
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD21	4	0.41
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD22	4	0.41
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD23	4	0.41
(4,2640)	1:204:A:GLN:H	1:206:A:LEU:H	18	0.41
(4,2604)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:H	5	0.41
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG11	7	0.41
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG12	7	0.41
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG13	7	0.41
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG11	7	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG12	7	0.41
(4,2586)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG13	7	0.41
(4,2585)	1:111:A:ASP:HA	1:114:A:ASN:HD22	2	0.41
(4,2585)	1:111:A:ASP:HA	1:114:A:ASN:HD22	20	0.41
(4,2573)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD11	5	0.41
(4,2573)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD12	5	0.41
(4,2573)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD13	5	0.41
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD11	1:41:A:GLU:H	2	0.41
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD12	1:41:A:GLU:H	2	0.41
(4,2356)	1:39:A:LEU:HD13	1:41:A:GLU:H	2	0.41
(4,2324)	1:65:A:ARG:H	1:67:A:SER:H	6	0.41
(4,2324)	1:65:A:ARG:H	1:67:A:SER:H	15	0.41
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:HG	6	0.41
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:HG	6	0.41
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:HG	6	0.41
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:HG	6	0.41
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:HG	6	0.41
(4,2287)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:HG	6	0.41
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG12	5	0.41
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG13	5	0.41
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG12	5	0.41
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG13	5	0.41
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG12	5	0.41
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG13	5	0.41
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG12	5	0.41
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG13	5	0.41
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG12	5	0.41
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG13	5	0.41
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG12	5	0.41
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG13	5	0.41
(4,2091)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HB2	17	0.41
(4,2091)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HB3	17	0.41
(4,2091)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HB2	17	0.41
(4,2091)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HB3	17	0.41
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG21	9	0.41
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG22	9	0.41
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG23	9	0.41
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:HA	20	0.41
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:HA	20	0.41
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:HA	20	0.41
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:HA	20	0.41
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:HA	20	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:HA	20	0.41
(4,2031)	1:153:A:GLN:HE21	1:154:A:SER:H	11	0.41
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD11	6	0.41
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD12	6	0.41
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD13	6	0.41
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD21	6	0.41
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD22	6	0.41
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD23	6	0.41
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG11	6	0.41
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG12	6	0.41
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG13	6	0.41
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG11	6	0.41
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG12	6	0.41
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG13	6	0.41
(4,2018)	1:98:A:SER:H	1:169:A:THR:HG1	19	0.41
(4,2005)	1:147:A:GLN:HE22	1:148:A:THR:H	14	0.41
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD11	19	0.41
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD12	19	0.41
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD13	19	0.41
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD11	19	0.41
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD12	19	0.41
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD13	19	0.41
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB2	4	0.41
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB3	4	0.41
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB2	4	0.41
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB3	4	0.41
(4,1976)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD21	19	0.41
(4,1976)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD22	19	0.41
(4,1976)	1:106:A:LEU:HG	1:112:A:LEU:HD23	19	0.41
(4,1973)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	12	0.41
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD11	11	0.41
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD12	11	0.41
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD13	11	0.41
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD11	10	0.41
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD12	10	0.41
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD13	10	0.41
(4,1832)	1:78:A:ASP:H	1:178:A:PHE:HE1	16	0.41
(4,1832)	1:78:A:ASP:H	1:178:A:PHE:HE2	16	0.41
(4,1723)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE1	15	0.41
(4,1672)	1:21:A:PHE:HD1	1:22:A:ALA:HA	19	0.41
(4,1672)	1:21:A:PHE:HD2	1:22:A:ALA:HA	19	0.41
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB2	1:210:A:ARG:HB2	8	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB2	1:210:A:ARG:HB3	8	0.41
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB3	1:210:A:ARG:HB2	8	0.41
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB3	1:210:A:ARG:HB3	8	0.41
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB3	2	0.41
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB3	2	0.41
(4,1534)	1:38:A:SER:HB2	1:44:A:LEU:HA	18	0.41
(4,1534)	1:38:A:SER:HB3	1:44:A:LEU:HA	18	0.41
(4,1514)	1:102:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	15	0.41
(4,1514)	1:102:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	15	0.41
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HA	13	0.41
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HA	13	0.41
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HA	13	0.41
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD11	20	0.41
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD12	20	0.41
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD13	20	0.41
(4,1400)	1:67:A:SER:H	1:68:A:SER:HA	3	0.41
(4,1400)	1:67:A:SER:H	1:68:A:SER:HA	8	0.41
(4,1382)	1:101:A:ASN:H	1:103:A:GLN:H	16	0.41
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	10	0.41
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	10	0.41
(4,1319)	1:98:A:SER:H	1:98:A:SER:HG	3	0.41
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:H	2	0.41
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:H	2	0.41
(4,1261)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:H	2	0.41
(4,1261)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:H	2	0.41
(4,1240)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:H	1	0.41
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG21	9	0.41
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG22	9	0.41
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG23	9	0.41
(4,1192)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB3	19	0.41
(4,1188)	1:6:A:ARG:H	1:7:A:ALA:HB1	12	0.41
(4,1188)	1:6:A:ARG:H	1:7:A:ALA:HB2	12	0.41
(4,1188)	1:6:A:ARG:H	1:7:A:ALA:HB3	12	0.41
(4,1079)	1:211:A:VAL:HG11	1:214:A:TYR:HD1	2	0.41
(4,1079)	1:211:A:VAL:HG11	1:214:A:TYR:HD2	2	0.41
(4,1079)	1:211:A:VAL:HG12	1:214:A:TYR:HD1	2	0.41
(4,1079)	1:211:A:VAL:HG12	1:214:A:TYR:HD2	2	0.41
(4,1079)	1:211:A:VAL:HG13	1:214:A:TYR:HD1	2	0.41
(4,1079)	1:211:A:VAL:HG13	1:214:A:TYR:HD2	2	0.41
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	4	0.41
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	4	0.41
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	4	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	4	0.41
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	4	0.41
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	4	0.41
(4,991)	1:137:A:PHE:HB2	1:139:A:LEU:H	6	0.41
(4,978)	1:118:A:SER:H	1:121:A:ASP:H	4	0.41
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD11	1	0.41
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD12	1	0.41
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD13	1	0.41
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD11	1	0.41
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD12	1	0.41
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD13	1	0.41
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD11	1	0.41
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD12	1	0.41
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD13	1	0.41
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD11	5	0.41
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD12	5	0.41
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD13	5	0.41
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD21	5	0.41
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD22	5	0.41
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD23	5	0.41
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG11	6	0.41
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG12	6	0.41
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG13	6	0.41
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG21	6	0.41
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG22	6	0.41
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG23	6	0.41
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG11	6	0.41
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG12	6	0.41
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG13	6	0.41
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG21	6	0.41
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG22	6	0.41
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG23	6	0.41
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG11	6	0.41
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG12	6	0.41
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG13	6	0.41
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG21	6	0.41
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG22	6	0.41
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG23	6	0.41
(4,924)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HG21	5	0.41
(4,924)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HG22	5	0.41
(4,924)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HG23	5	0.41
(4,924)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HG21	5	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,924)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HG22	5	0.41
(4,924)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HG23	5	0.41
(4,868)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HB2	19	0.41
(4,868)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HB3	19	0.41
(4,868)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HB2	19	0.41
(4,868)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HB3	19	0.41
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD11	4	0.41
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD12	4	0.41
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD13	4	0.41
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD21	4	0.41
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD22	4	0.41
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD23	4	0.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD11	3	0.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD12	3	0.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD13	3	0.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD21	3	0.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD22	3	0.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD23	3	0.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD11	3	0.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD12	3	0.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD13	3	0.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD21	3	0.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD22	3	0.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD23	3	0.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD11	3	0.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD12	3	0.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD13	3	0.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD21	3	0.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD22	3	0.41
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD23	3	0.41
(4,720)	1:56:A:VAL:HG11	1:169:A:THR:H	8	0.41
(4,720)	1:56:A:VAL:HG12	1:169:A:THR:H	8	0.41
(4,720)	1:56:A:VAL:HG13	1:169:A:THR:H	8	0.41
(4,647)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:H	2	0.41
(4,647)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:H	15	0.41
(4,646)	1:90:A:CYS:H	1:93:A:TYR:HD1	4	0.41
(4,646)	1:90:A:CYS:H	1:93:A:TYR:HD2	4	0.41
(4,632)	1:82:A:PHE:HD1	1:100:A:SER:H	20	0.41
(4,632)	1:82:A:PHE:HD2	1:100:A:SER:H	20	0.41
(4,619)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:H	14	0.41
(4,619)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:H	14	0.41
(4,554)	1:221:A:GLU:HA	1:224:A:LEU:HA	5	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD11	18	0.41
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD12	18	0.41
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD13	18	0.41
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB2	13	0.41
(4,546)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:HB3	13	0.41
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD21	19	0.41
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD22	19	0.41
(4,422)	1:43:A:GLU:HG2	1:45:A:LEU:H	10	0.41
(4,422)	1:43:A:GLU:HG3	1:45:A:LEU:H	10	0.41
(4,375)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	14	0.41
(4,375)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	14	0.41
(4,375)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	14	0.41
(4,352)	1:202:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HB2	17	0.41
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB2	9	0.41
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB3	9	0.41
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB2	9	0.41
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB3	9	0.41
(4,150)	1:39:A:LEU:HA	1:44:A:LEU:HG	20	0.41
(4,91)	1:35:A:ASP:H	1:230:A:GLY:H	12	0.41
(4,66)	1:198:A:ALA:H	1:200:A:ASP:H	3	0.41
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB2	1	0.41
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB3	1	0.41
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD11	18	0.41
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD12	18	0.41
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD13	18	0.41
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD21	18	0.41
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD22	18	0.41
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD23	18	0.41
(4,6)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HA	5	0.41
(4,1)	1:30:A:GLU:C	1:234:A:ASN:N	4	0.41
(3,21)	1:169:A:THR:H	1:180:A:LEU:O	10	0.41
(2,565)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	17	0.41
(2,514)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	13	0.41
(1,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	14	0.41
(1,395)	1:5:A:ASN:ND2	1:46:A:ALA:H	4	0.41
(1,162)	1:98:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	9	0.41
(1,131)	1:225:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	3	0.41
(1,116)	1:169:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	15	0.41
(1,83)	1:36:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	12	0.41
(1,33)	1:34:A:PHE:H	1:104:A:SER:OG	3	0.41
(5,689)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	16	0.4
(5,680)	1:5:A:ASN:ND2	1:87:A:LYS:H	12	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,441)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	10	0.4
(5,418)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	13	0.4
(5,402)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	9	0.4
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG21	1:192:A:GLY:HA2	14	0.4
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG22	1:192:A:GLY:HA2	14	0.4
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG23	1:192:A:GLY:HA2	14	0.4
(4,4274)	1:171:A:VAL:H	1:179:A:GLU:H	5	0.4
(4,4214)	1:55:A:ILE:H	1:56:A:VAL:HB	20	0.4
(4,4205)	1:155:A:GLU:HB2	1:157:A:PRO:HB3	12	0.4
(4,4205)	1:155:A:GLU:HB3	1:157:A:PRO:HB3	12	0.4
(4,4203)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD22	15	0.4
(4,4131)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG21	17	0.4
(4,4131)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG22	17	0.4
(4,4131)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG23	17	0.4
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD11	13	0.4
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD12	13	0.4
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD13	13	0.4
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD21	13	0.4
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD22	13	0.4
(4,4098)	1:37:A:TYR:H	1:45:A:LEU:HD23	13	0.4
(4,4090)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:H	7	0.4
(4,4060)	1:93:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:H	19	0.4
(4,4060)	1:93:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:H	19	0.4
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB3	10	0.4
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB3	10	0.4
(4,4036)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD21	18	0.4
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB2	6	0.4
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB3	6	0.4
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB2	6	0.4
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB3	6	0.4
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB2	6	0.4
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB3	6	0.4
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB2	6	0.4
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB3	6	0.4
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB2	6	0.4
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB3	6	0.4
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB2	6	0.4
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB3	6	0.4
(4,3975)	1:109:A:GLY:H	1:114:A:ASN:H	9	0.4
(4,3957)	1:102:A:ASN:H	1:105:A:LEU:H	2	0.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG11	13	0.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG12	13	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG13	13	0.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG21	13	0.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG22	13	0.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG23	13	0.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG11	13	0.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG12	13	0.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG13	13	0.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG21	13	0.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG22	13	0.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG23	13	0.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG11	13	0.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG12	13	0.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG13	13	0.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG21	13	0.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG22	13	0.4
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG23	13	0.4
(4,3890)	1:184:A:ASN:HD21	1:185:A:LEU:H	12	0.4
(4,3890)	1:184:A:ASN:HD22	1:185:A:LEU:H	12	0.4
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG21	4	0.4
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG22	4	0.4
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG23	4	0.4
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG21	4	0.4
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG22	4	0.4
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG23	4	0.4
(4,3864)	1:73:A:ILE:H	1:187:A:GLY:H	11	0.4
(4,3864)	1:73:A:ILE:H	1:187:A:GLY:H	16	0.4
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB2	1:220:A:GLU:HG2	13	0.4
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB2	1:220:A:GLU:HG3	13	0.4
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB3	1:220:A:GLU:HG2	13	0.4
(4,3830)	1:219:A:ASN:HB3	1:220:A:GLU:HG3	13	0.4
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD11	17	0.4
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD12	17	0.4
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD13	17	0.4
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD11	1:138:A:VAL:H	9	0.4
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD12	1:138:A:VAL:H	9	0.4
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD13	1:138:A:VAL:H	9	0.4
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD21	1:138:A:VAL:H	9	0.4
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD22	1:138:A:VAL:H	9	0.4
(4,3793)	1:92:A:LEU:HD23	1:138:A:VAL:H	9	0.4
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:H	11	0.4
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:H	11	0.4
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:H	11	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD11	7	0.4
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD12	7	0.4
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD13	7	0.4
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:H	20	0.4
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:H	20	0.4
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:H	20	0.4
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE1	1:230:A:GLY:H	11	0.4
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE2	1:230:A:GLY:H	11	0.4
(4,3743)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB2	19	0.4
(4,3717)	1:169:A:THR:HG1	1:180:A:LEU:H	17	0.4
(4,3709)	1:81:A:TRP:HE1	1:181:A:ASP:HA	11	0.4
(4,3682)	1:50:A:ARG:H	1:233:A:PRO:HB2	12	0.4
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG21	1:56:A:VAL:HB	18	0.4
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG22	1:56:A:VAL:HB	18	0.4
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG23	1:56:A:VAL:HB	18	0.4
(4,3589)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:HB2	12	0.4
(4,3510)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB2	8	0.4
(4,3510)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	8	0.4
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE21	11	0.4
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE22	11	0.4
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE21	11	0.4
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE22	11	0.4
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE21	11	0.4
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE22	11	0.4
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE21	11	0.4
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE22	11	0.4
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE21	11	0.4
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE22	11	0.4
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE21	11	0.4
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE22	11	0.4
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE1	2	0.4
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE2	2	0.4
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE1	2	0.4
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE2	2	0.4
(4,3437)	1:81:A:TRP:HZ2	1:187:A:GLY:H	19	0.4
(4,3427)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HB3	20	0.4
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD11	16	0.4
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD12	16	0.4
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD13	16	0.4
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD21	16	0.4
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD22	16	0.4
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD23	16	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3286)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HA	6	0.4
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD11	4	0.4
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD12	4	0.4
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD13	4	0.4
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD21	4	0.4
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD22	4	0.4
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD23	4	0.4
(4,3222)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:H	5	0.4
(4,3199)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:H	16	0.4
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD2	14	0.4
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD3	14	0.4
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD2	14	0.4
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD3	14	0.4
(4,3154)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:H	3	0.4
(4,3075)	1:74:A:THR:H	1:77:A:TYR:H	4	0.4
(4,3024)	1:204:A:GLN:HE21	1:205:A:GLU:H	3	0.4
(4,3024)	1:204:A:GLN:HE22	1:205:A:GLU:H	3	0.4
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	6	0.4
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	6	0.4
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	6	0.4
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD11	5	0.4
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD12	5	0.4
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD13	5	0.4
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD21	5	0.4
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD22	5	0.4
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD23	5	0.4
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD11	5	0.4
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD12	5	0.4
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD13	5	0.4
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD21	5	0.4
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD22	5	0.4
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD23	5	0.4
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD11	5	0.4
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD12	5	0.4
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD13	5	0.4
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD21	5	0.4
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD22	5	0.4
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD23	5	0.4
(4,2958)	1:52:A:VAL:H	1:54:A:ALA:H	14	0.4
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD21	10	0.4
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	10	0.4
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD11	12	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD12	12	0.4
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD13	12	0.4
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD21	12	0.4
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD22	12	0.4
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD23	12	0.4
(4,2853)	1:84:A:GLN:H	1:183:A:ARG:H	1	0.4
(4,2841)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:H	8	0.4
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB1	9	0.4
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB2	9	0.4
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB3	9	0.4
(4,2814)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE21	17	0.4
(4,2809)	1:55:A:ILE:HB	1:201:A:LEU:HB2	10	0.4
(4,2781)	1:65:A:ARG:HD2	1:66:A:LYS:H	1	0.4
(4,2781)	1:65:A:ARG:HD3	1:66:A:LYS:H	1	0.4
(4,2771)	1:201:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	5	0.4
(4,2771)	1:201:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	5	0.4
(4,2771)	1:201:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	5	0.4
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD11	1:145:A:ASN:H	7	0.4
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD12	1:145:A:ASN:H	7	0.4
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD13	1:145:A:ASN:H	7	0.4
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG11	19	0.4
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG12	19	0.4
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG13	19	0.4
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD11	3	0.4
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD12	3	0.4
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD13	3	0.4
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD21	3	0.4
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD22	3	0.4
(4,2678)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HD23	3	0.4
(4,2621)	1:40:A:THR:HA	1:203:A:GLU:HA	16	0.4
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB1	1:215:A:MET:HB2	17	0.4
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB2	1:215:A:MET:HB2	17	0.4
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB3	1:215:A:MET:HB2	17	0.4
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:CD2	13	0.4
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:CD2	13	0.4
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:CD2	13	0.4
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:HG11	14	0.4
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:HG12	14	0.4
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:HG13	14	0.4
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:HG11	14	0.4
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:HG12	14	0.4
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:HG13	14	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:HG11	14	0.4
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:HG12	14	0.4
(4,2569)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:HG13	14	0.4
(4,2560)	1:142:A:ILE:HB	1:143:A:LYS:HA	2	0.4
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:H	3	0.4
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:H	3	0.4
(4,2545)	1:83:A:LYS:HD2	1:85:A:SER:HA	12	0.4
(4,2545)	1:83:A:LYS:HD3	1:85:A:SER:HA	12	0.4
(4,2528)	1:36:A:ILE:CD1	1:52:A:VAL:HG21	3	0.4
(4,2528)	1:36:A:ILE:CD1	1:52:A:VAL:HG22	3	0.4
(4,2528)	1:36:A:ILE:CD1	1:52:A:VAL:HG23	3	0.4
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:H	3	0.4
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:H	3	0.4
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD11	8	0.4
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD12	8	0.4
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE1	1:112:A:LEU:HD13	8	0.4
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD11	8	0.4
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD12	8	0.4
(4,2472)	1:82:A:PHE:HE2	1:112:A:LEU:HD13	8	0.4
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD11	10	0.4
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD12	10	0.4
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD13	10	0.4
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD11	10	0.4
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD12	10	0.4
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD13	10	0.4
(4,2397)	1:210:A:ARG:HG2	1:212:A:ALA:H	8	0.4
(4,2397)	1:210:A:ARG:HG3	1:212:A:ALA:H	8	0.4
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD21	1:226:A:PHE:H	6	0.4
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD22	1:226:A:PHE:H	6	0.4
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD21	1:226:A:PHE:H	10	0.4
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD22	1:226:A:PHE:H	10	0.4
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG2	10	0.4
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG3	10	0.4
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG2	10	0.4
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG3	10	0.4
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:H	7	0.4
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:H	7	0.4
(4,2325)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:H	7	0.4
(4,2292)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	12	0.4
(4,2292)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	12	0.4
(4,2292)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	12	0.4
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB2	5	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB3	5	0.4
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB2	9	0.4
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB3	9	0.4
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HB2	19	0.4
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HB2	19	0.4
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD11	10	0.4
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD12	10	0.4
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD13	10	0.4
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD11	10	0.4
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD12	10	0.4
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD13	10	0.4
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD21	5	0.4
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD22	5	0.4
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD23	5	0.4
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD11	20	0.4
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD12	20	0.4
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD13	20	0.4
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD11	20	0.4
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD12	20	0.4
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD13	20	0.4
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:H	6	0.4
(4,2118)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:H	6	0.4
(4,2107)	1:58:A:LEU:HB2	1:59:A:PHE:HA	7	0.4
(4,2041)	1:95:A:ILE:HA	1:98:A:SER:HA	13	0.4
(4,2005)	1:147:A:GLN:HE22	1:148:A:THR:H	7	0.4
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD2	1:217:A:ASN:HD22	13	0.4
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD3	1:217:A:ASN:HD22	13	0.4
(4,1973)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	2	0.4
(4,1944)	1:11:A:ILE:H	1:13:A:SER:H	14	0.4
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	3	0.4
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	3	0.4
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	3	0.4
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	3	0.4
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	3	0.4
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	3	0.4
(4,1881)	1:42:A:PRO:HB2	1:46:A:ALA:HA	13	0.4
(4,1858)	1:19:A:THR:HG21	1:23:A:HIS:H	7	0.4
(4,1858)	1:19:A:THR:HG22	1:23:A:HIS:H	7	0.4
(4,1858)	1:19:A:THR:HG23	1:23:A:HIS:H	7	0.4
(4,1841)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:H	8	0.4
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD21	1	0.4
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD22	1	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD23	1	0.4
(4,1794)	1:80:A:ILE:HG12	1:128:A:ARG:H	20	0.4
(4,1794)	1:80:A:ILE:HG13	1:128:A:ARG:H	20	0.4
(4,1771)	1:72:A:GLN:HB3	1:74:A:THR:H	11	0.4
(4,1733)	1:39:A:LEU:HG	1:41:A:GLU:H	18	0.4
(4,1723)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE1	17	0.4
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG11	1:202:A:ILE:HB	4	0.4
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG12	1:202:A:ILE:HB	4	0.4
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG13	1:202:A:ILE:HB	4	0.4
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB1	5	0.4
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB2	5	0.4
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB3	5	0.4
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB1	5	0.4
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB2	5	0.4
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB3	5	0.4
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB1	5	0.4
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB2	5	0.4
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB3	5	0.4
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD11	1:111:A:ASP:H	3	0.4
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD12	1:111:A:ASP:H	3	0.4
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD13	1:111:A:ASP:H	3	0.4
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD21	1:111:A:ASP:H	3	0.4
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD22	1:111:A:ASP:H	3	0.4
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD23	1:111:A:ASP:H	3	0.4
(4,1605)	1:25:A:LEU:CD2	1:96:A:LEU:HD11	10	0.4
(4,1605)	1:25:A:LEU:CD2	1:96:A:LEU:HD12	10	0.4
(4,1605)	1:25:A:LEU:CD2	1:96:A:LEU:HD13	10	0.4
(4,1605)	1:25:A:LEU:CD2	1:96:A:LEU:HD21	10	0.4
(4,1605)	1:25:A:LEU:CD2	1:96:A:LEU:HD22	10	0.4
(4,1605)	1:25:A:LEU:CD2	1:96:A:LEU:HD23	10	0.4
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG11	1:208:A:ARG:HD2	8	0.4
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG11	1:208:A:ARG:HD3	8	0.4
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG12	1:208:A:ARG:HD2	8	0.4
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG12	1:208:A:ARG:HD3	8	0.4
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG13	1:208:A:ARG:HD2	8	0.4
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG13	1:208:A:ARG:HD3	8	0.4
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG21	1:208:A:ARG:HD2	8	0.4
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG21	1:208:A:ARG:HD3	8	0.4
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG22	1:208:A:ARG:HD2	8	0.4
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG22	1:208:A:ARG:HD3	8	0.4
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG23	1:208:A:ARG:HD2	8	0.4
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG23	1:208:A:ARG:HD3	8	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1573)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB3	4	0.4
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG11	1:214:A:TYR:H	8	0.4
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG12	1:214:A:TYR:H	8	0.4
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG13	1:214:A:TYR:H	8	0.4
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG21	1:214:A:TYR:H	8	0.4
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG22	1:214:A:TYR:H	8	0.4
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG23	1:214:A:TYR:H	8	0.4
(4,1559)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:H	10	0.4
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:CG2	8	0.4
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:CG2	8	0.4
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:CG2	8	0.4
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:CG2	8	0.4
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:CG2	8	0.4
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:CG2	8	0.4
(4,1544)	1:172:A:GLU:HB2	1:177:A:ILE:H	11	0.4
(4,1506)	1:103:A:GLN:HE21	1:104:A:SER:H	5	0.4
(4,1506)	1:103:A:GLN:HE22	1:104:A:SER:H	5	0.4
(4,1494)	1:147:A:GLN:HA	1:148:A:THR:HB	14	0.4
(4,1455)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:H	14	0.4
(4,1441)	1:235:A:TRP:HA	1:235:A:TRP:HE1	6	0.4
(4,1407)	1:25:A:LEU:HD11	1:96:A:LEU:H	7	0.4
(4,1407)	1:25:A:LEU:HD12	1:96:A:LEU:H	7	0.4
(4,1407)	1:25:A:LEU:HD13	1:96:A:LEU:H	7	0.4
(4,1407)	1:25:A:LEU:HD21	1:96:A:LEU:H	7	0.4
(4,1407)	1:25:A:LEU:HD22	1:96:A:LEU:H	7	0.4
(4,1407)	1:25:A:LEU:HD23	1:96:A:LEU:H	7	0.4
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD11	16	0.4
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD12	16	0.4
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD13	16	0.4
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG21	13	0.4
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG22	13	0.4
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG23	13	0.4
(4,1354)	1:170:A:TYR:H	1:170:A:TYR:HE1	18	0.4
(4,1354)	1:170:A:TYR:H	1:170:A:TYR:HE2	18	0.4
(4,1289)	1:191:A:LEU:HD11	1:210:A:ARG:H	10	0.4
(4,1289)	1:191:A:LEU:HD12	1:210:A:ARG:H	10	0.4
(4,1289)	1:191:A:LEU:HD13	1:210:A:ARG:H	10	0.4
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:H	1	0.4
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:H	1	0.4
(4,1261)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:H	3	0.4
(4,1261)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:H	3	0.4
(4,1261)	1:34:A:PHE:HD1	1:230:A:GLY:H	14	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1261)	1:34:A:PHE:HD2	1:230:A:GLY:H	14	0.4
(4,1184)	1:97:A:HIS:HD1	1:169:A:THR:H	7	0.4
(4,1164)	1:119:A:GLN:HG2	1:126:A:LYS:H	16	0.4
(4,1164)	1:119:A:GLN:HG3	1:126:A:LYS:H	16	0.4
(4,1155)	1:112:A:LEU:HD11	1:114:A:ASN:H	20	0.4
(4,1155)	1:112:A:LEU:HD12	1:114:A:ASN:H	20	0.4
(4,1155)	1:112:A:LEU:HD13	1:114:A:ASN:H	20	0.4
(4,1153)	1:81:A:TRP:HZ3	1:82:A:PHE:H	1	0.4
(4,1131)	1:47:A:PHE:H	1:48:A:LEU:HB3	15	0.4
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD1	4	0.4
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD2	4	0.4
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB1	18	0.4
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB2	18	0.4
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB3	18	0.4
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB1	18	0.4
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB2	18	0.4
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB3	18	0.4
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB1	18	0.4
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB2	18	0.4
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB3	18	0.4
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD11	1:38:A:SER:H	13	0.4
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD12	1:38:A:SER:H	13	0.4
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD13	1:38:A:SER:H	13	0.4
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE1	6	0.4
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE2	6	0.4
(4,1041)	1:23:A:HIS:HD2	1:31:A:TRP:H	12	0.4
(4,992)	1:81:A:TRP:HE1	1:84:A:GLN:H	8	0.4
(4,991)	1:137:A:PHE:HB2	1:139:A:LEU:H	15	0.4
(4,983)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:H	1	0.4
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE2	8	0.4
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE3	8	0.4
(4,929)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:H	13	0.4
(4,929)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:H	13	0.4
(4,929)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:H	13	0.4
(4,762)	1:195:A:ASP:HB2	1:204:A:GLN:H	5	0.4
(4,762)	1:195:A:ASP:HB3	1:204:A:GLN:H	5	0.4
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD11	9	0.4
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD12	9	0.4
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD13	9	0.4
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD21	9	0.4
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD22	9	0.4
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD23	9	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD11	9	0.4
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD12	9	0.4
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD13	9	0.4
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD21	9	0.4
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD22	9	0.4
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD23	9	0.4
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD11	9	0.4
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD12	9	0.4
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD13	9	0.4
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD21	9	0.4
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD22	9	0.4
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD23	9	0.4
(4,589)	1:83:A:LYS:HA	1:183:A:ARG:H	20	0.4
(4,576)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HG	14	0.4
(4,576)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HG	14	0.4
(4,576)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HG	14	0.4
(4,533)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HD22	7	0.4
(4,510)	1:99:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:H	5	0.4
(4,510)	1:99:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:H	5	0.4
(4,510)	1:99:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:H	5	0.4
(4,510)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	5	0.4
(4,510)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	5	0.4
(4,510)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	5	0.4
(4,409)	1:143:A:LYS:HG2	1:145:A:ASN:H	18	0.4
(4,409)	1:143:A:LYS:HG3	1:145:A:ASN:H	18	0.4
(4,391)	1:44:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	7	0.4
(4,391)	1:44:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	7	0.4
(4,391)	1:44:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	7	0.4
(4,391)	1:44:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	15	0.4
(4,391)	1:44:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	15	0.4
(4,391)	1:44:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	15	0.4
(4,369)	1:172:A:GLU:HG2	1:176:A:GLY:H	19	0.4
(4,369)	1:172:A:GLU:HG3	1:176:A:GLY:H	19	0.4
(4,360)	1:231:A:LEU:HD11	1:234:A:ASN:H	9	0.4
(4,360)	1:231:A:LEU:HD12	1:234:A:ASN:H	9	0.4
(4,360)	1:231:A:LEU:HD13	1:234:A:ASN:H	9	0.4
(4,360)	1:231:A:LEU:HD21	1:234:A:ASN:H	9	0.4
(4,360)	1:231:A:LEU:HD22	1:234:A:ASN:H	9	0.4
(4,360)	1:231:A:LEU:HD23	1:234:A:ASN:H	9	0.4
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD11	20	0.4
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD12	20	0.4
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD13	20	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD21	20	0.4
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD22	20	0.4
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD23	20	0.4
(4,193)	1:10:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	19	0.4
(4,193)	1:10:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	19	0.4
(4,163)	1:52:A:VAL:HG11	1:202:A:ILE:H	1	0.4
(4,163)	1:52:A:VAL:HG12	1:202:A:ILE:H	1	0.4
(4,163)	1:52:A:VAL:HG13	1:202:A:ILE:H	1	0.4
(4,46)	1:142:A:ILE:HG12	1:144:A:GLU:H	4	0.4
(4,46)	1:142:A:ILE:HG13	1:144:A:GLU:H	4	0.4
(4,8)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA3	1	0.4
(4,8)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA3	1	0.4
(3,18)	1:32:A:ALA:O	1:232:A:GLY:H	11	0.4
(3,13)	1:177:A:ILE:O	1:191:A:LEU:H	20	0.4
(3,5)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:O	15	0.4
(3,3)	1:179:A:GLU:O	1:189:A:LEU:H	8	0.4
(2,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	12	0.4
(2,88)	1:104:A:SER:OG	1:106:A:LEU:H	14	0.4
(1,128)	1:215:A:MET:H	1:225:A:ASN:ND2	7	0.4
(1,116)	1:169:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	2	0.4
(1,111)	1:82:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	15	0.4
(5,824)	1:5:A:ASN:ND2	1:170:A:TYR:H	20	0.39
(5,775)	1:5:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	7	0.39
(5,242)	1:4:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	8	0.39
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:H	2	0.39
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:H	2	0.39
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:H	2	0.39
(4,4278)	1:66:A:LYS:HB2	1:217:A:ASN:HB2	13	0.39
(4,4278)	1:66:A:LYS:HB2	1:217:A:ASN:HB3	13	0.39
(4,4278)	1:66:A:LYS:HB3	1:217:A:ASN:HB2	13	0.39
(4,4278)	1:66:A:LYS:HB3	1:217:A:ASN:HB3	13	0.39
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG11	2	0.39
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG12	2	0.39
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG13	2	0.39
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD21	1:89:A:ALA:H	8	0.39
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD22	1:89:A:ALA:H	8	0.39
(4,4214)	1:55:A:ILE:H	1:56:A:VAL:HB	9	0.39
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:HG2	17	0.39
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:HG3	17	0.39
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:HG2	17	0.39
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:HG3	17	0.39
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:HG2	17	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:HG3	17	0.39
(4,4183)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HB2	5	0.39
(4,4183)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HB3	5	0.39
(4,4131)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG21	20	0.39
(4,4131)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG22	20	0.39
(4,4131)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG23	20	0.39
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD21	4	0.39
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD22	4	0.39
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD23	4	0.39
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB1	1:169:A:THR:HG21	15	0.39
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB1	1:169:A:THR:HG22	15	0.39
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB1	1:169:A:THR:HG23	15	0.39
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB2	1:169:A:THR:HG21	15	0.39
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB2	1:169:A:THR:HG22	15	0.39
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB2	1:169:A:THR:HG23	15	0.39
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB3	1:169:A:THR:HG21	15	0.39
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB3	1:169:A:THR:HG22	15	0.39
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB3	1:169:A:THR:HG23	15	0.39
(4,4063)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:HB2	17	0.39
(4,4063)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:HB3	17	0.39
(4,4051)	1:177:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB3	10	0.39
(4,4051)	1:177:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB3	10	0.39
(4,4051)	1:177:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB3	10	0.39
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB3	11	0.39
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB3	11	0.39
(4,4035)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HA	16	0.39
(4,4035)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HA	16	0.39
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG11	13	0.39
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG12	13	0.39
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG13	13	0.39
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG21	13	0.39
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG22	13	0.39
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG23	13	0.39
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD21	10	0.39
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD22	10	0.39
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD23	10	0.39
(4,3929)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:H	7	0.39
(4,3929)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:H	13	0.39
(4,3929)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:H	18	0.39
(4,3927)	1:31:A:TRP:H	1:31:A:TRP:HE3	11	0.39
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	11	0.39
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	11	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	11	0.39
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD1	1	0.39
(4,3870)	1:112:A:LEU:H	1:137:A:PHE:HD2	1	0.39
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD11	18	0.39
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD12	18	0.39
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD13	18	0.39
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD21	18	0.39
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD22	18	0.39
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD23	18	0.39
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG11	20	0.39
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG12	20	0.39
(4,3858)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG13	20	0.39
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB2	20	0.39
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB2	20	0.39
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HG3	2	0.39
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HG3	2	0.39
(4,3833)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HG3	2	0.39
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD11	1:96:A:LEU:H	20	0.39
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD12	1:96:A:LEU:H	20	0.39
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD13	1:96:A:LEU:H	20	0.39
(4,3820)	1:119:A:GLN:HE22	1:128:A:ARG:H	13	0.39
(4,3812)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HD1	20	0.39
(4,3812)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HD2	20	0.39
(4,3799)	1:154:A:SER:HB2	1:157:A:PRO:HD3	17	0.39
(4,3799)	1:154:A:SER:HB3	1:157:A:PRO:HD3	17	0.39
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB1	8	0.39
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB2	8	0.39
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG21	1:94:A:ALA:HB3	8	0.39
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB1	8	0.39
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB2	8	0.39
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG22	1:94:A:ALA:HB3	8	0.39
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB1	8	0.39
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB2	8	0.39
(4,3798)	1:11:A:ILE:HG23	1:94:A:ALA:HB3	8	0.39
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD21	9	0.39
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD22	9	0.39
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD11	5	0.39
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD12	5	0.39
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD13	5	0.39
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD21	5	0.39
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD22	5	0.39
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD23	5	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD11	11	0.39
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD12	11	0.39
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD13	11	0.39
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD11	11	0.39
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD12	11	0.39
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD13	11	0.39
(4,3667)	1:53:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD11	14	0.39
(4,3667)	1:53:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD12	14	0.39
(4,3667)	1:53:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD13	14	0.39
(4,3667)	1:53:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD21	14	0.39
(4,3667)	1:53:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD22	14	0.39
(4,3667)	1:53:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD23	14	0.39
(4,3667)	1:53:A:LYS:HB3	1:105:A:LEU:HD11	14	0.39
(4,3667)	1:53:A:LYS:HB3	1:105:A:LEU:HD12	14	0.39
(4,3667)	1:53:A:LYS:HB3	1:105:A:LEU:HD13	14	0.39
(4,3667)	1:53:A:LYS:HB3	1:105:A:LEU:HD21	14	0.39
(4,3667)	1:53:A:LYS:HB3	1:105:A:LEU:HD22	14	0.39
(4,3667)	1:53:A:LYS:HB3	1:105:A:LEU:HD23	14	0.39
(4,3592)	1:36:A:ILE:H	1:37:A:TYR:HD1	18	0.39
(4,3592)	1:36:A:ILE:H	1:37:A:TYR:HD2	18	0.39
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG21	9	0.39
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG22	9	0.39
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG23	9	0.39
(4,3518)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:H	1	0.39
(4,3518)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:H	1	0.39
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HB2	1	0.39
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HB3	1	0.39
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HB2	1	0.39
(4,3462)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HB3	1	0.39
(4,3453)	1:62:A:ASN:HB2	1:63:A:GLU:HA	18	0.39
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD11	19	0.39
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD12	19	0.39
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD13	19	0.39
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD21	19	0.39
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD22	19	0.39
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD23	19	0.39
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG21	1:203:A:GLU:H	4	0.39
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG22	1:203:A:GLU:H	4	0.39
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG23	1:203:A:GLU:H	4	0.39
(4,3365)	1:82:A:PHE:HD1	1:97:A:HIS:H	1	0.39
(4,3365)	1:82:A:PHE:HD2	1:97:A:HIS:H	1	0.39
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB1	1:94:A:ALA:H	6	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB2	1:94:A:ALA:H	6	0.39
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB3	1:94:A:ALA:H	6	0.39
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:HA	3	0.39
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:HA	3	0.39
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:HA	3	0.39
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD11	5	0.39
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD12	5	0.39
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD13	5	0.39
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD21	5	0.39
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD22	5	0.39
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD23	5	0.39
(4,3217)	1:204:A:GLN:HE21	1:207:A:VAL:H	11	0.39
(4,3217)	1:204:A:GLN:HE22	1:207:A:VAL:H	11	0.39
(4,3206)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:H	2	0.39
(4,3200)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:H	14	0.39
(4,3200)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:H	14	0.39
(4,3200)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:H	14	0.39
(4,3116)	1:22:A:ALA:HA	1:25:A:LEU:HA	2	0.39
(4,3111)	1:89:A:ALA:H	1:93:A:TYR:HD1	16	0.39
(4,3111)	1:89:A:ALA:H	1:93:A:TYR:HD2	16	0.39
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG21	14	0.39
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG22	14	0.39
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG23	14	0.39
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD11	1:115:A:PHE:HA	2	0.39
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD12	1:115:A:PHE:HA	2	0.39
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD13	1:115:A:PHE:HA	2	0.39
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD21	1:115:A:PHE:HA	2	0.39
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD22	1:115:A:PHE:HA	2	0.39
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD23	1:115:A:PHE:HA	2	0.39
(4,3010)	1:81:A:TRP:H	1:127:A:ASN:HD22	5	0.39
(4,2998)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HA	16	0.39
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD21	20	0.39
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD22	20	0.39
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD23	20	0.39
(4,2967)	1:209:A:VAL:HA	1:213:A:SER:HB2	6	0.39
(4,2967)	1:209:A:VAL:HA	1:213:A:SER:HB3	6	0.39
(4,2958)	1:52:A:VAL:H	1:54:A:ALA:H	12	0.39
(4,2938)	1:27:A:LEU:HA	1:105:A:LEU:HB2	11	0.39
(4,2856)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE3	6	0.39
(4,2853)	1:84:A:GLN:H	1:183:A:ARG:H	17	0.39
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB1	15	0.39
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB2	15	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB3	15	0.39
(4,2813)	1:198:A:ALA:HB1	1:205:A:GLU:H	19	0.39
(4,2813)	1:198:A:ALA:HB2	1:205:A:GLU:H	19	0.39
(4,2813)	1:198:A:ALA:HB3	1:205:A:GLU:H	19	0.39
(4,2744)	1:61:A:ILE:HG13	1:62:A:ASN:H	1	0.39
(4,2730)	1:126:A:LYS:H	1:127:A:ASN:HB2	15	0.39
(4,2730)	1:126:A:LYS:H	1:127:A:ASN:HB3	15	0.39
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	7	0.39
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	7	0.39
(4,2634)	1:214:A:TYR:H	1:217:A:ASN:H	10	0.39
(4,2626)	1:145:A:ASN:H	1:148:A:THR:H	13	0.39
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG12	1:206:A:LEU:H	20	0.39
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG13	1:206:A:LEU:H	20	0.39
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD1	10	0.39
(4,2599)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HD2	10	0.39
(4,2582)	1:163:A:THR:HB	1:165:A:LEU:HB3	3	0.39
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:H	12	0.39
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:H	12	0.39
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:H	12	0.39
(4,2545)	1:83:A:LYS:HD2	1:85:A:SER:HA	17	0.39
(4,2545)	1:83:A:LYS:HD3	1:85:A:SER:HA	17	0.39
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD11	9	0.39
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD12	9	0.39
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD13	9	0.39
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD11	9	0.39
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD12	9	0.39
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD13	9	0.39
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB1	2	0.39
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB2	2	0.39
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB3	2	0.39
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB1	2	0.39
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB2	2	0.39
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB3	2	0.39
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB1	2	0.39
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB2	2	0.39
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB3	2	0.39
(4,2288)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	10	0.39
(4,2280)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:H	9	0.39
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:H	10	0.39
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:H	10	0.39
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:H	10	0.39
(4,2175)	1:97:A:HIS:HA	1:100:A:SER:HG	9	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HB	18	0.39
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HB	18	0.39
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HB	18	0.39
(4,2151)	1:45:A:LEU:HB2	1:48:A:LEU:H	1	0.39
(4,2151)	1:45:A:LEU:HB3	1:48:A:LEU:H	1	0.39
(4,2107)	1:58:A:LEU:HB2	1:59:A:PHE:HA	3	0.39
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	4	0.39
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	4	0.39
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	4	0.39
(4,2074)	1:45:A:LEU:HD21	1:202:A:ILE:H	14	0.39
(4,2074)	1:45:A:LEU:HD22	1:202:A:ILE:H	14	0.39
(4,2074)	1:45:A:LEU:HD23	1:202:A:ILE:H	14	0.39
(4,2055)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HB2	14	0.39
(4,2055)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HB3	14	0.39
(4,1993)	1:55:A:ILE:HB	1:170:A:TYR:HD1	20	0.39
(4,1993)	1:55:A:ILE:HB	1:170:A:TYR:HD2	20	0.39
(4,1973)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	9	0.39
(4,1881)	1:42:A:PRO:HB2	1:46:A:ALA:HA	19	0.39
(4,1880)	1:207:A:VAL:HB	1:211:A:VAL:H	15	0.39
(4,1856)	1:29:A:ASN:HD22	1:30:A:GLU:H	18	0.39
(4,1835)	1:56:A:VAL:HB	1:228:A:MET:HA	9	0.39
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG2	18	0.39
(4,1825)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HG3	18	0.39
(4,1820)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA3	13	0.39
(4,1810)	1:143:A:LYS:H	1:143:A:LYS:HE2	14	0.39
(4,1810)	1:143:A:LYS:H	1:143:A:LYS:HE3	14	0.39
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB2	1:142:A:ILE:HG21	10	0.39
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB2	1:142:A:ILE:HG22	10	0.39
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB2	1:142:A:ILE:HG23	10	0.39
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:ILE:HG21	10	0.39
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:ILE:HG22	10	0.39
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:ILE:HG23	10	0.39
(4,1673)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HB	2	0.39
(4,1623)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HE1	13	0.39
(4,1623)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HE2	13	0.39
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:CG2	5	0.39
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:CG2	5	0.39
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:CG2	5	0.39
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:CG2	5	0.39
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:CG2	5	0.39
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:CG2	5	0.39
(4,1544)	1:172:A:GLU:HB2	1:177:A:ILE:H	2	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB3	7	0.39
(4,1542)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HB3	7	0.39
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD11	9	0.39
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD12	9	0.39
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD13	9	0.39
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD21	9	0.39
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD22	9	0.39
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HD23	9	0.39
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD11	9	0.39
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD12	9	0.39
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD13	9	0.39
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD21	9	0.39
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD22	9	0.39
(4,1538)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HD23	9	0.39
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HA	1	0.39
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HA	1	0.39
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HA	1	0.39
(4,1447)	1:106:A:LEU:HB2	1:112:A:LEU:HD11	14	0.39
(4,1447)	1:106:A:LEU:HB2	1:112:A:LEU:HD12	14	0.39
(4,1447)	1:106:A:LEU:HB2	1:112:A:LEU:HD13	14	0.39
(4,1447)	1:106:A:LEU:HB2	1:112:A:LEU:HD21	14	0.39
(4,1447)	1:106:A:LEU:HB2	1:112:A:LEU:HD22	14	0.39
(4,1447)	1:106:A:LEU:HB2	1:112:A:LEU:HD23	14	0.39
(4,1447)	1:106:A:LEU:HB3	1:112:A:LEU:HD11	14	0.39
(4,1447)	1:106:A:LEU:HB3	1:112:A:LEU:HD12	14	0.39
(4,1447)	1:106:A:LEU:HB3	1:112:A:LEU:HD13	14	0.39
(4,1447)	1:106:A:LEU:HB3	1:112:A:LEU:HD21	14	0.39
(4,1447)	1:106:A:LEU:HB3	1:112:A:LEU:HD22	14	0.39
(4,1447)	1:106:A:LEU:HB3	1:112:A:LEU:HD23	14	0.39
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG11	13	0.39
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG12	13	0.39
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG13	13	0.39
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG21	13	0.39
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG22	13	0.39
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG23	13	0.39
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG11	6	0.39
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG12	6	0.39
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG13	6	0.39
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG21	6	0.39
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG22	6	0.39
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG23	6	0.39
(4,1334)	1:221:A:GLU:HA	1:224:A:LEU:HD11	17	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1334)	1:221:A:GLU:HA	1:224:A:LEU:HD12	17	0.39
(4,1334)	1:221:A:GLU:HA	1:224:A:LEU:HD13	17	0.39
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD1	4	0.39
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD2	4	0.39
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD11	17	0.39
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD12	17	0.39
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD13	17	0.39
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD21	17	0.39
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD22	17	0.39
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD23	17	0.39
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:H	13	0.39
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:H	13	0.39
(4,1229)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:CD1	9	0.39
(4,1229)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:CD1	9	0.39
(4,1229)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:CD1	9	0.39
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG21	1:168:A:ILE:HB	13	0.39
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG22	1:168:A:ILE:HB	13	0.39
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG23	1:168:A:ILE:HB	13	0.39
(4,1163)	1:234:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD22	4	0.39
(4,1136)	1:177:A:ILE:H	1:193:A:LYS:HB2	19	0.39
(4,1136)	1:177:A:ILE:H	1:193:A:LYS:HB3	19	0.39
(4,1103)	1:54:A:ALA:HA	1:201:A:LEU:HD21	6	0.39
(4,1103)	1:54:A:ALA:HA	1:201:A:LEU:HD22	6	0.39
(4,1103)	1:54:A:ALA:HA	1:201:A:LEU:HD23	6	0.39
(4,1094)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:H	8	0.39
(4,1094)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:H	15	0.39
(4,1074)	1:79:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:H	1	0.39
(4,1074)	1:79:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:H	1	0.39
(4,1074)	1:79:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:H	1	0.39
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG21	1:194:A:SER:H	12	0.39
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG22	1:194:A:SER:H	12	0.39
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG23	1:194:A:SER:H	12	0.39
(4,1052)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:H	5	0.39
(4,1022)	1:30:A:GLU:H	1:31:A:TRP:HE1	20	0.39
(4,991)	1:137:A:PHE:HB2	1:139:A:LEU:H	18	0.39
(4,947)	1:177:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	16	0.39
(4,947)	1:177:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	16	0.39
(4,947)	1:177:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	16	0.39
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD11	4	0.39
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD12	4	0.39
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD13	4	0.39
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD21	4	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD22	4	0.39
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD23	4	0.39
(4,874)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:H	19	0.39
(4,874)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:H	19	0.39
(4,874)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:H	19	0.39
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD11	6	0.39
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD12	6	0.39
(4,822)	1:172:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD13	6	0.39
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB1	13	0.39
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB2	13	0.39
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB3	13	0.39
(4,767)	1:58:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:H	10	0.39
(4,767)	1:58:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:H	10	0.39
(4,767)	1:58:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:H	10	0.39
(4,767)	1:58:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:H	10	0.39
(4,767)	1:58:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:H	10	0.39
(4,767)	1:58:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:H	10	0.39
(4,737)	1:81:A:TRP:HZ3	1:84:A:GLN:H	20	0.39
(4,716)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD11	10	0.39
(4,716)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD12	10	0.39
(4,716)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD13	10	0.39
(4,635)	1:211:A:VAL:HG11	1:215:A:MET:H	15	0.39
(4,635)	1:211:A:VAL:HG12	1:215:A:MET:H	15	0.39
(4,635)	1:211:A:VAL:HG13	1:215:A:MET:H	15	0.39
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD11	18	0.39
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD12	18	0.39
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD13	18	0.39
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD21	18	0.39
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD22	18	0.39
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD23	18	0.39
(4,579)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HB	5	0.39
(4,579)	1:143:A:LYS:HG3	1:146:A:VAL:HB	5	0.39
(4,570)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:HG2	1	0.39
(4,570)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:HG3	1	0.39
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD21	7	0.39
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD22	7	0.39
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG11	20	0.39
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG12	20	0.39
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG13	20	0.39
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG21	20	0.39
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG22	20	0.39
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG23	20	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG11	20	0.39
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG12	20	0.39
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG13	20	0.39
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG21	20	0.39
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG22	20	0.39
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG23	20	0.39
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG11	20	0.39
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG12	20	0.39
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG13	20	0.39
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG21	20	0.39
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG22	20	0.39
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG23	20	0.39
(4,528)	1:117:A:LYS:H	1:119:A:GLN:HE21	9	0.39
(4,509)	1:73:A:ILE:HD11	1:77:A:TYR:HD1	1	0.39
(4,509)	1:73:A:ILE:HD11	1:77:A:TYR:HD2	1	0.39
(4,509)	1:73:A:ILE:HD12	1:77:A:TYR:HD1	1	0.39
(4,509)	1:73:A:ILE:HD12	1:77:A:TYR:HD2	1	0.39
(4,509)	1:73:A:ILE:HD13	1:77:A:TYR:HD1	1	0.39
(4,509)	1:73:A:ILE:HD13	1:77:A:TYR:HD2	1	0.39
(4,496)	1:79:A:VAL:HG21	1:189:A:LEU:H	13	0.39
(4,496)	1:79:A:VAL:HG22	1:189:A:LEU:H	13	0.39
(4,496)	1:79:A:VAL:HG23	1:189:A:LEU:H	13	0.39
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB2	3	0.39
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB3	3	0.39
(4,479)	1:80:A:ILE:HG21	1:101:A:ASN:H	12	0.39
(4,479)	1:80:A:ILE:HG22	1:101:A:ASN:H	12	0.39
(4,479)	1:80:A:ILE:HG23	1:101:A:ASN:H	12	0.39
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG21	2	0.39
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG22	2	0.39
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG23	2	0.39
(4,435)	1:58:A:LEU:H	1:59:A:PHE:HD1	2	0.39
(4,435)	1:58:A:LEU:H	1:59:A:PHE:HD2	2	0.39
(4,353)	1:56:A:VAL:HB	1:229:A:LEU:H	12	0.39
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB2	4	0.39
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB3	4	0.39
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB2	16	0.39
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB3	16	0.39
(4,342)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:H	16	0.39
(4,342)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:H	16	0.39
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG21	4	0.39
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG22	4	0.39
(4,340)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG23	4	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG21	4	0.39
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG22	4	0.39
(4,340)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG23	4	0.39
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG11	6	0.39
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG12	6	0.39
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG13	6	0.39
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG21	6	0.39
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG22	6	0.39
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG23	6	0.39
(4,209)	1:99:A:LEU:H	1:231:A:LEU:HD11	13	0.39
(4,209)	1:99:A:LEU:H	1:231:A:LEU:HD12	13	0.39
(4,209)	1:99:A:LEU:H	1:231:A:LEU:HD13	13	0.39
(4,209)	1:99:A:LEU:H	1:231:A:LEU:HD21	13	0.39
(4,209)	1:99:A:LEU:H	1:231:A:LEU:HD22	13	0.39
(4,209)	1:99:A:LEU:H	1:231:A:LEU:HD23	13	0.39
(4,179)	1:223:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:HD1	13	0.39
(4,179)	1:223:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:HD2	13	0.39
(4,179)	1:223:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:HD1	13	0.39
(4,179)	1:223:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:HD2	13	0.39
(4,179)	1:223:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:HD1	13	0.39
(4,179)	1:223:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:HD2	13	0.39
(4,177)	1:223:A:VAL:HA	1:226:A:PHE:H	10	0.39
(4,165)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	6	0.39
(4,165)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	6	0.39
(4,165)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	6	0.39
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD1	12	0.39
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD2	12	0.39
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD1	12	0.39
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD2	12	0.39
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD11	10	0.39
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD12	10	0.39
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD13	10	0.39
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD21	10	0.39
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD22	10	0.39
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD23	10	0.39
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD11	10	0.39
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD12	10	0.39
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD13	10	0.39
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD21	10	0.39
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD22	10	0.39
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD23	10	0.39
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD11	10	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD12	10	0.39
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD13	10	0.39
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD21	10	0.39
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD22	10	0.39
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD23	10	0.39
(4,66)	1:198:A:ALA:H	1:200:A:ASP:H	6	0.39
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB1	4	0.39
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB2	4	0.39
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB3	4	0.39
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB1	4	0.39
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB2	4	0.39
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB3	4	0.39
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB1	4	0.39
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB2	4	0.39
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB3	4	0.39
(3,24)	1:54:A:ALA:H	1:231:A:LEU:O	15	0.39
(3,21)	1:169:A:THR:H	1:180:A:LEU:O	8	0.39
(3,5)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:O	13	0.39
(2,456)	1:162:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	6	0.39
(1,555)	1:5:A:ASN:ND2	1:80:A:ILE:H	15	0.39
(1,514)	1:5:A:ASN:ND2	1:96:A:LEU:H	15	0.39
(1,490)	1:5:A:ASN:ND2	1:67:A:SER:H	17	0.39
(1,480)	1:5:A:ASN:ND2	1:183:A:ARG:H	5	0.39
(1,459)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	1	0.39
(1,128)	1:215:A:MET:H	1:225:A:ASN:ND2	10	0.39
(5,734)	1:5:A:ASN:ND2	1:209:A:VAL:H	19	0.38
(5,633)	1:5:A:ASN:ND2	1:34:A:PHE:H	3	0.38
(5,506)	1:5:A:ASN:ND2	1:20:A:ASN:H	18	0.38
(5,407)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	15	0.38
(5,58)	1:104:A:SER:OG	1:123:A:SER:H	16	0.38
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD1	13	0.38
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB1	1:226:A:PHE:HD2	13	0.38
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD1	13	0.38
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB2	1:226:A:PHE:HD2	13	0.38
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD1	13	0.38
(4,4309)	1:218:A:ALA:HB3	1:226:A:PHE:HD2	13	0.38
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD1	1:193:A:LYS:H	20	0.38
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD2	1:193:A:LYS:H	20	0.38
(4,4278)	1:66:A:LYS:HB2	1:217:A:ASN:HB2	8	0.38
(4,4278)	1:66:A:LYS:HB2	1:217:A:ASN:HB3	8	0.38
(4,4278)	1:66:A:LYS:HB3	1:217:A:ASN:HB2	8	0.38
(4,4278)	1:66:A:LYS:HB3	1:217:A:ASN:HB3	8	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG21	1:192:A:GLY:HA2	19	0.38
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG22	1:192:A:GLY:HA2	19	0.38
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG23	1:192:A:GLY:HA2	19	0.38
(4,4203)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD22	4	0.38
(4,4183)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HB2	15	0.38
(4,4183)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HB3	15	0.38
(4,4158)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:HE22	11	0.38
(4,4154)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HG2	7	0.38
(4,4154)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HG2	7	0.38
(4,4154)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HG2	7	0.38
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD11	20	0.38
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD12	20	0.38
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD13	20	0.38
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD21	20	0.38
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD22	20	0.38
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD23	20	0.38
(4,4136)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:HG2	17	0.38
(4,4070)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:H	14	0.38
(4,4063)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:HB2	15	0.38
(4,4063)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:HB3	15	0.38
(4,4047)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:H	9	0.38
(4,4047)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:H	11	0.38
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB2	20	0.38
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB3	20	0.38
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB2	20	0.38
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB3	20	0.38
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB2	20	0.38
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB3	20	0.38
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB2	20	0.38
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB3	20	0.38
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB2	20	0.38
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB3	20	0.38
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB2	20	0.38
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB3	20	0.38
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD1	17	0.38
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD2	17	0.38
(4,4018)	1:164:A:ASN:H	1:165:A:LEU:HB3	18	0.38
(4,4014)	1:92:A:LEU:HB2	1:93:A:TYR:HD1	4	0.38
(4,4014)	1:92:A:LEU:HB2	1:93:A:TYR:HD2	4	0.38
(4,4014)	1:92:A:LEU:HB3	1:93:A:TYR:HD1	4	0.38
(4,4014)	1:92:A:LEU:HB3	1:93:A:TYR:HD2	4	0.38
(4,3979)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:HA	14	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3957)	1:102:A:ASN:H	1:105:A:LEU:H	19	0.38
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG11	5	0.38
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG12	5	0.38
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG13	5	0.38
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG21	5	0.38
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG22	5	0.38
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:HG23	5	0.38
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG11	5	0.38
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG12	5	0.38
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG13	5	0.38
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG21	5	0.38
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG22	5	0.38
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:HG23	5	0.38
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG11	5	0.38
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG12	5	0.38
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG13	5	0.38
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG21	5	0.38
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG22	5	0.38
(4,3936)	1:168:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:HG23	5	0.38
(4,3929)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:H	11	0.38
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD11	5	0.38
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD12	5	0.38
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD13	5	0.38
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD21	5	0.38
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD22	5	0.38
(4,3859)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HD23	5	0.38
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB2	18	0.38
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB2	18	0.38
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG21	18	0.38
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG22	18	0.38
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG23	18	0.38
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG21	18	0.38
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG22	18	0.38
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG23	18	0.38
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG21	18	0.38
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG22	18	0.38
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG23	18	0.38
(4,3748)	1:18:A:PHE:HE1	1:95:A:ILE:H	6	0.38
(4,3748)	1:18:A:PHE:HE2	1:95:A:ILE:H	6	0.38
(4,3720)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:H	7	0.38
(4,3720)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:H	7	0.38
(4,3720)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:H	7	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3676)	1:32:A:ALA:H	1:232:A:GLY:H	16	0.38
(4,3651)	1:51:A:PRO:HB3	1:201:A:LEU:H	1	0.38
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD11	16	0.38
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD12	16	0.38
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD13	16	0.38
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG11	15	0.38
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG12	15	0.38
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG13	15	0.38
(4,3519)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	6	0.38
(4,3446)	1:222:A:ASP:H	1:223:A:VAL:HG21	12	0.38
(4,3446)	1:222:A:ASP:H	1:223:A:VAL:HG22	12	0.38
(4,3446)	1:222:A:ASP:H	1:223:A:VAL:HG23	12	0.38
(4,3300)	1:163:A:THR:HG21	1:166:A:HIS:HA	3	0.38
(4,3300)	1:163:A:THR:HG22	1:166:A:HIS:HA	3	0.38
(4,3300)	1:163:A:THR:HG23	1:166:A:HIS:HA	3	0.38
(4,3217)	1:204:A:GLN:HE21	1:207:A:VAL:H	1	0.38
(4,3217)	1:204:A:GLN:HE22	1:207:A:VAL:H	1	0.38
(4,3215)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:H	11	0.38
(4,3215)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:H	11	0.38
(4,3207)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:H	11	0.38
(4,3206)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:H	13	0.38
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD11	4	0.38
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD12	4	0.38
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD13	4	0.38
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD21	4	0.38
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD22	4	0.38
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD23	4	0.38
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB1	14	0.38
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB2	14	0.38
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB3	14	0.38
(4,3116)	1:22:A:ALA:HA	1:25:A:LEU:HA	20	0.38
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD11	1:126:A:LYS:H	10	0.38
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD12	1:126:A:LYS:H	10	0.38
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD13	1:126:A:LYS:H	10	0.38
(4,3024)	1:204:A:GLN:HE21	1:205:A:GLU:H	10	0.38
(4,3024)	1:204:A:GLN:HE22	1:205:A:GLU:H	10	0.38
(4,3008)	1:125:A:SER:H	1:128:A:ARG:H	14	0.38
(4,2998)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HA	20	0.38
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	15	0.38
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	15	0.38
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	15	0.38
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	15	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	15	0.38
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	15	0.38
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD11	11	0.38
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD12	11	0.38
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD13	11	0.38
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD21	11	0.38
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD22	11	0.38
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD23	11	0.38
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD11	11	0.38
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD12	11	0.38
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD13	11	0.38
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD21	11	0.38
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD22	11	0.38
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD23	11	0.38
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD11	11	0.38
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD12	11	0.38
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD13	11	0.38
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD21	11	0.38
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD22	11	0.38
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD23	11	0.38
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE1	3	0.38
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE2	3	0.38
(4,2931)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HG	2	0.38
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:H	2	0.38
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:H	2	0.38
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	19	0.38
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	19	0.38
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	19	0.38
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG21	1:101:A:ASN:HD21	16	0.38
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG21	1:101:A:ASN:HD22	16	0.38
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG22	1:101:A:ASN:HD21	16	0.38
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG22	1:101:A:ASN:HD22	16	0.38
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG23	1:101:A:ASN:HD21	16	0.38
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG23	1:101:A:ASN:HD22	16	0.38
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB1	15	0.38
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB2	15	0.38
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB3	15	0.38
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB1	15	0.38
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB2	15	0.38
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB3	15	0.38
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB1	15	0.38
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB2	15	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB3	15	0.38
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD11	1:145:A:ASN:H	18	0.38
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD12	1:145:A:ASN:H	18	0.38
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD13	1:145:A:ASN:H	18	0.38
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG11	6	0.38
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG12	6	0.38
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG13	6	0.38
(4,2691)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG11	17	0.38
(4,2691)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG12	17	0.38
(4,2691)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG13	17	0.38
(4,2634)	1:214:A:TYR:H	1:217:A:ASN:H	11	0.38
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	2	0.38
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	2	0.38
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	2	0.38
(4,2559)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD21	18	0.38
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:H	14	0.38
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:H	14	0.38
(4,2543)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:HB	5	0.38
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD11	1:200:A:ASP:H	15	0.38
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD12	1:200:A:ASP:H	15	0.38
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD13	1:200:A:ASP:H	15	0.38
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD21	1:200:A:ASP:H	15	0.38
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD22	1:200:A:ASP:H	15	0.38
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD23	1:200:A:ASP:H	15	0.38
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:H	16	0.38
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:H	16	0.38
(4,2494)	1:59:A:PHE:HA	1:226:A:PHE:H	4	0.38
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:HA	8	0.38
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:HA	8	0.38
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:HA	8	0.38
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:HA	8	0.38
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:HA	8	0.38
(4,2454)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:HA	8	0.38
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD21	13	0.38
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD22	13	0.38
(4,2424)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD23	13	0.38
(4,2415)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:HD11	8	0.38
(4,2415)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:HD12	8	0.38
(4,2415)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:HD13	8	0.38
(4,2399)	1:118:A:SER:HA	1:119:A:GLN:HE21	4	0.38
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE1	1:78:A:ASP:H	3	0.38
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE2	1:78:A:ASP:H	3	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE1	1:78:A:ASP:H	4	0.38
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE2	1:78:A:ASP:H	4	0.38
(4,2378)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:HA2	14	0.38
(4,2378)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:HA3	14	0.38
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE1	1:231:A:LEU:H	4	0.38
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE2	1:231:A:LEU:H	4	0.38
(4,2343)	1:73:A:ILE:H	1:186:A:SER:H	5	0.38
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG2	12	0.38
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG3	12	0.38
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG2	12	0.38
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG3	12	0.38
(4,2288)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	1	0.38
(4,2279)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HB2	10	0.38
(4,2279)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HB3	10	0.38
(4,2241)	1:150:A:SER:HA	1:152:A:GLY:H	20	0.38
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	17	0.38
(4,2217)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE22	17	0.38
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE21	15	0.38
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE22	15	0.38
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	6	0.38
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	6	0.38
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	6	0.38
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	6	0.38
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	6	0.38
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	6	0.38
(4,2152)	1:63:A:GLU:H	1:65:A:ARG:H	2	0.38
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG11	1:18:A:PHE:HE1	12	0.38
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG11	1:18:A:PHE:HE2	12	0.38
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG12	1:18:A:PHE:HE1	12	0.38
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG12	1:18:A:PHE:HE2	12	0.38
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG13	1:18:A:PHE:HE1	12	0.38
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG13	1:18:A:PHE:HE2	12	0.38
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG21	1:18:A:PHE:HE1	12	0.38
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG21	1:18:A:PHE:HE2	12	0.38
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG22	1:18:A:PHE:HE1	12	0.38
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG22	1:18:A:PHE:HE2	12	0.38
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG23	1:18:A:PHE:HE1	12	0.38
(4,2099)	1:17:A:VAL:HG23	1:18:A:PHE:HE2	12	0.38
(4,2084)	1:97:A:HIS:H	1:169:A:THR:HB	4	0.38
(4,2079)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HG	14	0.38
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG21	1:58:A:LEU:HG	9	0.38
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG22	1:58:A:LEU:HG	9	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2075)	1:56:A:VAL:HG23	1:58:A:LEU:HG	9	0.38
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG21	1:98:A:SER:H	12	0.38
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG22	1:98:A:SER:H	12	0.38
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG23	1:98:A:SER:H	12	0.38
(4,2061)	1:33:A:TYR:H	1:234:A:ASN:HA	11	0.38
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:HA	7	0.38
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:HA	7	0.38
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:HA	7	0.38
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:HA	7	0.38
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:HA	7	0.38
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:HA	7	0.38
(4,2028)	1:41:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HG	10	0.38
(4,1986)	1:114:A:ASN:HA	1:117:A:LYS:HA	13	0.38
(4,1964)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:H	2	0.38
(4,1888)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:HB2	10	0.38
(4,1888)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:HB3	10	0.38
(4,1810)	1:143:A:LYS:H	1:143:A:LYS:HE2	7	0.38
(4,1810)	1:143:A:LYS:H	1:143:A:LYS:HE3	7	0.38
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG2	7	0.38
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG3	7	0.38
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG2	7	0.38
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG3	7	0.38
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG2	7	0.38
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG3	7	0.38
(4,1739)	1:222:A:ASP:H	1:224:A:LEU:H	15	0.38
(4,1733)	1:39:A:LEU:HG	1:41:A:GLU:H	4	0.38
(4,1723)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE1	7	0.38
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG11	11	0.38
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG12	11	0.38
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG13	11	0.38
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG21	11	0.38
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG22	11	0.38
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB2	1:17:A:VAL:HG23	11	0.38
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG11	11	0.38
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG12	11	0.38
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG13	11	0.38
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG21	11	0.38
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG22	11	0.38
(4,1713)	1:12:A:GLU:HB3	1:17:A:VAL:HG23	11	0.38
(4,1657)	1:82:A:PHE:HD1	1:96:A:LEU:HD21	8	0.38
(4,1657)	1:82:A:PHE:HD1	1:96:A:LEU:HD22	8	0.38
(4,1657)	1:82:A:PHE:HD1	1:96:A:LEU:HD23	8	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1657)	1:82:A:PHE:HD2	1:96:A:LEU:HD21	8	0.38
(4,1657)	1:82:A:PHE:HD2	1:96:A:LEU:HD22	8	0.38
(4,1657)	1:82:A:PHE:HD2	1:96:A:LEU:HD23	8	0.38
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	19	0.38
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	19	0.38
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	19	0.38
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE1	1:49:A:PRO:HG2	11	0.38
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE1	1:49:A:PRO:HG3	11	0.38
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE2	1:49:A:PRO:HG2	11	0.38
(4,1615)	1:34:A:PHE:HE2	1:49:A:PRO:HG3	11	0.38
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG11	4	0.38
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG12	4	0.38
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG13	4	0.38
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG21	4	0.38
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG22	4	0.38
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG23	4	0.38
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG11	4	0.38
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG12	4	0.38
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG13	4	0.38
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG21	4	0.38
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG22	4	0.38
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG23	4	0.38
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG21	1:53:A:LYS:HB2	11	0.38
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG21	1:53:A:LYS:HB3	11	0.38
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG22	1:53:A:LYS:HB2	11	0.38
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG22	1:53:A:LYS:HB3	11	0.38
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG23	1:53:A:LYS:HB2	11	0.38
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG23	1:53:A:LYS:HB3	11	0.38
(4,1493)	1:83:A:LYS:HG2	1:85:A:SER:H	16	0.38
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:HB2	11	0.38
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:HB3	11	0.38
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:HB2	11	0.38
(4,1372)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:HB3	11	0.38
(4,1332)	1:171:A:VAL:H	1:178:A:PHE:HB2	13	0.38
(4,1332)	1:171:A:VAL:H	1:178:A:PHE:HB3	13	0.38
(4,1271)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HA	14	0.38
(4,1192)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB3	10	0.38
(4,1187)	1:82:A:PHE:HE1	1:100:A:SER:H	5	0.38
(4,1187)	1:82:A:PHE:HE2	1:100:A:SER:H	5	0.38
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG21	9	0.38
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG22	9	0.38
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG23	9	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD11	17	0.38
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD12	17	0.38
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD13	17	0.38
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD21	17	0.38
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD22	17	0.38
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD23	17	0.38
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD11	17	0.38
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD12	17	0.38
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD13	17	0.38
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD21	17	0.38
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD22	17	0.38
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD23	17	0.38
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD11	17	0.38
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD12	17	0.38
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD13	17	0.38
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD21	17	0.38
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD22	17	0.38
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD23	17	0.38
(4,1164)	1:119:A:GLN:HG2	1:126:A:LYS:H	18	0.38
(4,1164)	1:119:A:GLN:HG3	1:126:A:LYS:H	18	0.38
(4,1113)	1:233:A:PRO:HA	1:235:A:TRP:H	18	0.38
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG21	8	0.38
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG22	8	0.38
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG23	8	0.38
(4,1081)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA2	13	0.38
(4,1019)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:H	15	0.38
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB1	19	0.38
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB2	19	0.38
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB3	19	0.38
(4,1016)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:HD22	14	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD11	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD12	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD13	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD21	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD22	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD23	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD11	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD12	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD13	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD21	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD22	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD23	17	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD11	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD12	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD13	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD21	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD22	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD23	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD11	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD12	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD13	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD21	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD22	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD23	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD11	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD12	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD13	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD21	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD22	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD23	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD11	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD12	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD13	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD21	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD22	17	0.38
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD23	17	0.38
(4,983)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:H	20	0.38
(4,947)	1:177:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	7	0.38
(4,947)	1:177:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	7	0.38
(4,947)	1:177:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	7	0.38
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD2	1	0.38
(4,945)	1:4:A:GLU:H	1:143:A:LYS:HD3	1	0.38
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB1	4	0.38
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB2	4	0.38
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB3	4	0.38
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB1	4	0.38
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB2	4	0.38
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB3	4	0.38
(4,868)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HB2	17	0.38
(4,868)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HB3	17	0.38
(4,868)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HB2	17	0.38
(4,868)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HB3	17	0.38
(4,866)	1:36:A:ILE:HB	1:38:A:SER:HA	14	0.38
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD11	2	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD12	2	0.38
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD13	2	0.38
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD21	2	0.38
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD22	2	0.38
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD23	2	0.38
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD21	15	0.38
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD22	15	0.38
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD23	15	0.38
(4,762)	1:195:A:ASP:HB2	1:204:A:GLN:H	14	0.38
(4,762)	1:195:A:ASP:HB3	1:204:A:GLN:H	14	0.38
(4,733)	1:110:A:SER:H	1:111:A:ASP:HA	17	0.38
(4,732)	1:39:A:LEU:HB2	1:208:A:ARG:HD2	2	0.38
(4,732)	1:39:A:LEU:HB2	1:208:A:ARG:HD3	2	0.38
(4,732)	1:39:A:LEU:HB3	1:208:A:ARG:HD2	2	0.38
(4,732)	1:39:A:LEU:HB3	1:208:A:ARG:HD3	2	0.38
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG21	16	0.38
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG22	16	0.38
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG23	16	0.38
(4,655)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HB2	11	0.38
(4,655)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HB3	11	0.38
(4,627)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HG	14	0.38
(4,623)	1:235:A:TRP:HE3	1:236:A:GLU:H	9	0.38
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD11	15	0.38
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD12	15	0.38
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD13	15	0.38
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD21	15	0.38
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD22	15	0.38
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD23	15	0.38
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD11	15	0.38
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD12	15	0.38
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD13	15	0.38
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD21	15	0.38
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD22	15	0.38
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD23	15	0.38
(4,483)	1:205:A:GLU:HG2	1:209:A:VAL:H	5	0.38
(4,483)	1:205:A:GLU:HG3	1:209:A:VAL:H	5	0.38
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB2	2	0.38
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB3	2	0.38
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG21	6	0.38
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG22	6	0.38
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG23	6	0.38
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD11	9	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD12	9	0.38
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD13	9	0.38
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD21	9	0.38
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD22	9	0.38
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD23	9	0.38
(4,421)	1:91:A:GLY:H	1:92:A:LEU:HB3	8	0.38
(4,382)	1:32:A:ALA:HB1	1:233:A:PRO:HB2	18	0.38
(4,382)	1:32:A:ALA:HB2	1:233:A:PRO:HB2	18	0.38
(4,382)	1:32:A:ALA:HB3	1:233:A:PRO:HB2	18	0.38
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB2	5	0.38
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB3	5	0.38
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB2	13	0.38
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB3	13	0.38
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB2	13	0.38
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB3	13	0.38
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD21	11	0.38
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD22	11	0.38
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD1	16	0.38
(4,115)	1:224:A:LEU:HB2	1:226:A:PHE:HD2	16	0.38
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD1	16	0.38
(4,115)	1:224:A:LEU:HB3	1:226:A:PHE:HD2	16	0.38
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD11	18	0.38
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD12	18	0.38
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD13	18	0.38
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD21	18	0.38
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD22	18	0.38
(4,95)	1:198:A:ALA:HB1	1:206:A:LEU:HD23	18	0.38
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD11	18	0.38
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD12	18	0.38
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD13	18	0.38
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD21	18	0.38
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD22	18	0.38
(4,95)	1:198:A:ALA:HB2	1:206:A:LEU:HD23	18	0.38
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD11	18	0.38
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD12	18	0.38
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD13	18	0.38
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD21	18	0.38
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD22	18	0.38
(4,95)	1:198:A:ALA:HB3	1:206:A:LEU:HD23	18	0.38
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD11	1	0.38
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD12	1	0.38
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD13	1	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD21	1	0.38
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD22	1	0.38
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD23	1	0.38
(2,513)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	19	0.38
(1,462)	1:5:A:ASN:ND2	1:153:A:GLN:H	3	0.38
(1,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	3	0.38
(1,281)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	15	0.38
(1,176)	1:84:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	8	0.38
(1,159)	1:191:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	15	0.38
(1,131)	1:225:A:ASN:ND2	1:232:A:GLY:H	10	0.38
(1,112)	1:211:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	16	0.38
(1,94)	1:205:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	17	0.38
(1,32)	1:104:A:SER:OG	1:116:A:LEU:H	10	0.38
(5,741)	1:5:A:ASN:ND2	1:175:A:GLY:H	3	0.37
(5,276)	1:150:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	8	0.37
(4,4311)	1:177:A:ILE:H	1:195:A:ASP:H	2	0.37
(4,4262)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HB	14	0.37
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD21	1:89:A:ALA:H	3	0.37
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD22	1:89:A:ALA:H	3	0.37
(4,4246)	1:62:A:ASN:H	1:65:A:ARG:H	11	0.37
(4,4194)	1:112:A:LEU:HA	1:137:A:PHE:HD1	10	0.37
(4,4194)	1:112:A:LEU:HA	1:137:A:PHE:HD2	10	0.37
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD1	9	0.37
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD2	9	0.37
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD21	11	0.37
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD22	11	0.37
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD11	8	0.37
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD12	8	0.37
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD13	8	0.37
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD21	8	0.37
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD22	8	0.37
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE21	1:139:A:LEU:HD23	8	0.37
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD11	8	0.37
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD12	8	0.37
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD13	8	0.37
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD21	8	0.37
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD22	8	0.37
(4,4143)	1:136:A:GLN:HE22	1:139:A:LEU:HD23	8	0.37
(4,4054)	1:23:A:HIS:HD2	1:24:A:LYS:H	20	0.37
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG12	2	0.37
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG13	2	0.37
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG12	2	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG13	2	0.37
(4,4012)	1:136:A:GLN:HE21	1:137:A:PHE:H	9	0.37
(4,4012)	1:136:A:GLN:HE22	1:137:A:PHE:H	9	0.37
(4,3966)	1:147:A:GLN:HE21	1:148:A:THR:H	6	0.37
(4,3966)	1:147:A:GLN:HE21	1:148:A:THR:H	13	0.37
(4,3946)	1:55:A:ILE:H	1:171:A:VAL:H	2	0.37
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD2	11	0.37
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD3	11	0.37
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD2	11	0.37
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD3	11	0.37
(4,3929)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:H	3	0.37
(4,3917)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:H	5	0.37
(4,3890)	1:184:A:ASN:HD21	1:185:A:LEU:H	3	0.37
(4,3890)	1:184:A:ASN:HD22	1:185:A:LEU:H	3	0.37
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD11	4	0.37
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD12	4	0.37
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD13	4	0.37
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD21	4	0.37
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD22	4	0.37
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD23	4	0.37
(4,3835)	1:153:A:GLN:HB2	1:157:A:PRO:HD2	19	0.37
(4,3835)	1:153:A:GLN:HB3	1:157:A:PRO:HD2	19	0.37
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:H	17	0.37
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:H	17	0.37
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:H	17	0.37
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:H	4	0.37
(4,3694)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:H	4	0.37
(4,3651)	1:51:A:PRO:HB3	1:201:A:LEU:H	13	0.37
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG21	1:56:A:VAL:HB	1	0.37
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG22	1:56:A:VAL:HB	1	0.37
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG23	1:56:A:VAL:HB	1	0.37
(4,3617)	1:39:A:LEU:H	1:41:A:GLU:HB2	13	0.37
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG2	1:50:A:ARG:HD2	11	0.37
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG2	1:50:A:ARG:HD3	11	0.37
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG3	1:50:A:ARG:HD2	11	0.37
(4,3585)	1:49:A:PRO:HG3	1:50:A:ARG:HD3	11	0.37
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG21	11	0.37
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG22	11	0.37
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG23	11	0.37
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD11	12	0.37
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD12	12	0.37
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD13	12	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	11	0.37
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	11	0.37
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	11	0.37
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	11	0.37
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	11	0.37
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	11	0.37
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HB2	17	0.37
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HB3	17	0.37
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HB2	17	0.37
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HB3	17	0.37
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HB2	17	0.37
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HB3	17	0.37
(4,3436)	1:94:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HG12	6	0.37
(4,3436)	1:94:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HG13	6	0.37
(4,3436)	1:94:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HG12	12	0.37
(4,3436)	1:94:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HG13	12	0.37
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD11	3	0.37
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD12	3	0.37
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD13	3	0.37
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD21	3	0.37
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD22	3	0.37
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD23	3	0.37
(4,3355)	1:54:A:ALA:HA	1:170:A:TYR:H	16	0.37
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB1	18	0.37
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB2	18	0.37
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB3	18	0.37
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB1	18	0.37
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB2	18	0.37
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB3	18	0.37
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB1	18	0.37
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB2	18	0.37
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB3	18	0.37
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD11	6	0.37
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD12	6	0.37
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HD13	6	0.37
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD11	6	0.37
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD12	6	0.37
(4,3306)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HD13	6	0.37
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB2	1:123:A:SER:H	3	0.37
(4,3301)	1:121:A:ASP:HB3	1:123:A:SER:H	3	0.37
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD11	19	0.37
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD12	19	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD13	19	0.37
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD21	19	0.37
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD22	19	0.37
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD23	19	0.37
(4,3206)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:H	10	0.37
(4,3190)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HB	11	0.37
(4,3154)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:H	4	0.37
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD11	10	0.37
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD12	10	0.37
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD13	10	0.37
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD11	7	0.37
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD12	7	0.37
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD13	7	0.37
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD21	7	0.37
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD22	7	0.37
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD23	7	0.37
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD11	3	0.37
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD12	3	0.37
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD13	3	0.37
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD21	3	0.37
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD22	3	0.37
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD23	3	0.37
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD11	14	0.37
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD12	14	0.37
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD13	14	0.37
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD21	14	0.37
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD22	14	0.37
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD23	14	0.37
(4,3127)	1:31:A:TRP:HE1	1:106:A:LEU:H	12	0.37
(4,3017)	1:81:A:TRP:HE3	1:82:A:PHE:H	2	0.37
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	8	0.37
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	8	0.37
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	8	0.37
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB2	1:168:A:ILE:H	12	0.37
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB3	1:168:A:ILE:H	12	0.37
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB2	1:168:A:ILE:H	17	0.37
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB3	1:168:A:ILE:H	17	0.37
(4,2950)	1:33:A:TYR:HD1	1:230:A:GLY:H	10	0.37
(4,2950)	1:33:A:TYR:HD2	1:230:A:GLY:H	10	0.37
(4,2949)	1:123:A:SER:H	1:124:A:SER:H	3	0.37
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HD11	14	0.37
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HD12	14	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HD13	14	0.37
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HD11	14	0.37
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HD12	14	0.37
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HD13	14	0.37
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HD11	14	0.37
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HD12	14	0.37
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HD13	14	0.37
(4,2858)	1:79:A:VAL:HB	1:127:A:ASN:HD21	16	0.37
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE1	11	0.37
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE2	11	0.37
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB2	18	0.37
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:HB3	18	0.37
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB2	18	0.37
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:HB3	18	0.37
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB2	18	0.37
(4,2720)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:HB3	18	0.37
(4,2696)	1:31:A:TRP:H	1:31:A:TRP:HE1	20	0.37
(4,2654)	1:97:A:HIS:H	1:169:A:THR:HG1	3	0.37
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD11	3	0.37
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD12	3	0.37
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD13	3	0.37
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD21	3	0.37
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD22	3	0.37
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD23	3	0.37
(4,2640)	1:204:A:GLN:H	1:206:A:LEU:H	5	0.37
(4,2640)	1:204:A:GLN:H	1:206:A:LEU:H	11	0.37
(4,2634)	1:214:A:TYR:H	1:217:A:ASN:H	19	0.37
(4,2622)	1:5:A:ASN:HD21	1:7:A:ALA:H	19	0.37
(4,2614)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HD1	19	0.37
(4,2614)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:HD2	19	0.37
(4,2598)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:HD22	3	0.37
(4,2580)	1:31:A:TRP:HA	1:232:A:GLY:H	12	0.37
(4,2543)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:HB	12	0.37
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:H	10	0.37
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:H	10	0.37
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:H	10	0.37
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD21	1:167:A:TYR:H	10	0.37
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD22	1:167:A:TYR:H	10	0.37
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD23	1:167:A:TYR:H	10	0.37
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HD1	18	0.37
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HD2	18	0.37
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HD1	18	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HD2	18	0.37
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HD1	18	0.37
(4,2485)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HD2	18	0.37
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB1	19	0.37
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB2	19	0.37
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB3	19	0.37
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB1	19	0.37
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB2	19	0.37
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB3	19	0.37
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:H	6	0.37
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:H	6	0.37
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:H	6	0.37
(4,2385)	1:148:A:THR:H	1:150:A:SER:H	19	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD11	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD12	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD13	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD21	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD22	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD23	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD11	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD12	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD13	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD21	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD22	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD23	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD11	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD12	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD13	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD21	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD22	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD23	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD11	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD12	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD13	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD21	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD22	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD23	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD11	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD12	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD13	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD21	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD22	10	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD23	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD11	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD12	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD13	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD21	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD22	10	0.37
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD23	10	0.37
(4,2337)	1:147:A:GLN:H	1:147:A:GLN:HE22	9	0.37
(4,2326)	1:30:A:GLU:HG2	1:31:A:TRP:H	18	0.37
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HE1	7	0.37
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HE2	7	0.37
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HE1	7	0.37
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HE2	7	0.37
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HE1	7	0.37
(4,2320)	1:168:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HE2	7	0.37
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG21	9	0.37
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG22	9	0.37
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG23	9	0.37
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG21	19	0.37
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG22	19	0.37
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG23	19	0.37
(4,2292)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	5	0.37
(4,2292)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	5	0.37
(4,2292)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	5	0.37
(4,2280)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:H	10	0.37
(4,2265)	1:77:A:TYR:H	1:188:A:PRO:HG2	10	0.37
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB2	18	0.37
(4,2260)	1:28:A:LYS:H	1:106:A:LEU:HB3	18	0.37
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD21	19	0.37
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD22	19	0.37
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD23	19	0.37
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD11	1:164:A:ASN:HD21	18	0.37
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD12	1:164:A:ASN:HD21	18	0.37
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD13	1:164:A:ASN:HD21	18	0.37
(4,2144)	1:81:A:TRP:HH2	1:84:A:GLN:H	10	0.37
(4,2084)	1:97:A:HIS:H	1:169:A:THR:HB	13	0.37
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG11	8	0.37
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG12	8	0.37
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG13	8	0.37
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG21	1:98:A:SER:H	1	0.37
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG22	1:98:A:SER:H	1	0.37
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG23	1:98:A:SER:H	1	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	6	0.37
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	6	0.37
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	6	0.37
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	6	0.37
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	6	0.37
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	6	0.37
(4,1806)	1:68:A:SER:HB2	1:70:A:SER:HA	8	0.37
(4,1806)	1:68:A:SER:HB3	1:70:A:SER:HA	8	0.37
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD11	1:115:A:PHE:H	12	0.37
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD12	1:115:A:PHE:H	12	0.37
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD13	1:115:A:PHE:H	12	0.37
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD21	1:115:A:PHE:H	12	0.37
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD22	1:115:A:PHE:H	12	0.37
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD23	1:115:A:PHE:H	12	0.37
(4,1769)	1:5:A:ASN:HD22	1:6:A:ARG:H	18	0.37
(4,1739)	1:222:A:ASP:H	1:224:A:LEU:H	17	0.37
(4,1672)	1:21:A:PHE:HD1	1:22:A:ALA:HA	2	0.37
(4,1672)	1:21:A:PHE:HD2	1:22:A:ALA:HA	2	0.37
(4,1602)	1:199:A:THR:H	1:202:A:ILE:H	14	0.37
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD1	1:117:A:LYS:H	10	0.37
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD2	1:117:A:LYS:H	10	0.37
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD1	1:117:A:LYS:H	15	0.37
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD2	1:117:A:LYS:H	15	0.37
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG21	1:53:A:LYS:HB2	17	0.37
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG21	1:53:A:LYS:HB3	17	0.37
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG22	1:53:A:LYS:HB2	17	0.37
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG22	1:53:A:LYS:HB3	17	0.37
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG23	1:53:A:LYS:HB2	17	0.37
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG23	1:53:A:LYS:HB3	17	0.37
(4,1528)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HD11	18	0.37
(4,1528)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HD12	18	0.37
(4,1528)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HD13	18	0.37
(4,1528)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HD21	18	0.37
(4,1528)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HD22	18	0.37
(4,1528)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HD23	18	0.37
(4,1528)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HD11	18	0.37
(4,1528)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HD12	18	0.37
(4,1528)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HD13	18	0.37
(4,1528)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HD21	18	0.37
(4,1528)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HD22	18	0.37
(4,1528)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HD23	18	0.37
(4,1501)	1:163:A:THR:HB	1:164:A:ASN:HA	2	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1501)	1:163:A:THR:HB	1:164:A:ASN:HA	3	0.37
(4,1400)	1:67:A:SER:H	1:68:A:SER:HA	4	0.37
(4,1400)	1:67:A:SER:H	1:68:A:SER:HA	19	0.37
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD11	19	0.37
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD12	19	0.37
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD13	19	0.37
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE2	14	0.37
(4,1312)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:HE3	14	0.37
(4,1240)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:H	12	0.37
(4,1192)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB3	3	0.37
(4,1189)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:GLU:H	2	0.37
(4,1188)	1:6:A:ARG:H	1:7:A:ALA:HB1	5	0.37
(4,1188)	1:6:A:ARG:H	1:7:A:ALA:HB2	5	0.37
(4,1188)	1:6:A:ARG:H	1:7:A:ALA:HB3	5	0.37
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD21	18	0.37
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD22	18	0.37
(4,1171)	1:184:A:ASN:H	1:185:A:LEU:HD23	18	0.37
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD11	9	0.37
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD12	9	0.37
(4,1165)	1:13:A:SER:HB2	1:58:A:LEU:HD13	9	0.37
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD1	7	0.37
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD2	7	0.37
(4,1100)	1:47:A:PHE:H	1:48:A:LEU:HB2	17	0.37
(4,1098)	1:203:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HG2	20	0.37
(4,1098)	1:203:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HG3	20	0.37
(4,947)	1:177:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	6	0.37
(4,947)	1:177:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	6	0.37
(4,947)	1:177:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	6	0.37
(4,801)	1:48:A:LEU:HD21	1:201:A:LEU:H	4	0.37
(4,801)	1:48:A:LEU:HD22	1:201:A:LEU:H	4	0.37
(4,801)	1:48:A:LEU:HD23	1:201:A:LEU:H	4	0.37
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB1	3	0.37
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB2	3	0.37
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB3	3	0.37
(4,786)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:H	10	0.37
(4,786)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:H	10	0.37
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE21	18	0.37
(4,746)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE22	18	0.37
(4,733)	1:110:A:SER:H	1:111:A:ASP:HA	5	0.37
(4,733)	1:110:A:SER:H	1:111:A:ASP:HA	12	0.37
(4,733)	1:110:A:SER:H	1:111:A:ASP:HA	13	0.37
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD11	7	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD12	7	0.37
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD13	7	0.37
(4,676)	1:81:A:TRP:HE1	1:182:A:GLY:HA3	11	0.37
(4,652)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HB2	17	0.37
(4,652)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HB3	17	0.37
(4,652)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HB2	17	0.37
(4,652)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HB3	17	0.37
(4,629)	1:57:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:H	11	0.37
(4,629)	1:57:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:H	11	0.37
(4,629)	1:57:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:H	11	0.37
(4,580)	1:106:A:LEU:HB2	1:113:A:ASP:H	3	0.37
(4,580)	1:106:A:LEU:HB3	1:113:A:ASP:H	3	0.37
(4,528)	1:117:A:LYS:H	1:119:A:GLN:HE21	18	0.37
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD11	4	0.37
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD12	4	0.37
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD13	4	0.37
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD21	4	0.37
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD22	4	0.37
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD23	4	0.37
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD11	9	0.37
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD12	9	0.37
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD13	9	0.37
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD21	9	0.37
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD22	9	0.37
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD23	9	0.37
(4,483)	1:205:A:GLU:HG2	1:209:A:VAL:H	13	0.37
(4,483)	1:205:A:GLU:HG3	1:209:A:VAL:H	13	0.37
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB2	16	0.37
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB3	16	0.37
(4,375)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	5	0.37
(4,375)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	5	0.37
(4,375)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	5	0.37
(4,352)	1:202:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HB2	15	0.37
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB2	9	0.37
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB3	9	0.37
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG11	4	0.37
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG12	4	0.37
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG13	4	0.37
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG21	4	0.37
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG22	4	0.37
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG23	4	0.37
(4,222)	1:93:A:TYR:HD1	1:97:A:HIS:H	10	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,222)	1:93:A:TYR:HD2	1:97:A:HIS:H	10	0.37
(4,222)	1:93:A:TYR:HD1	1:97:A:HIS:H	15	0.37
(4,222)	1:93:A:TYR:HD2	1:97:A:HIS:H	15	0.37
(4,194)	1:146:A:VAL:HA	1:150:A:SER:H	7	0.37
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD21	13	0.37
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD22	13	0.37
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD23	13	0.37
(4,131)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HG12	1	0.37
(4,131)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HG13	1	0.37
(4,131)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HG12	1	0.37
(4,131)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HG13	1	0.37
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG11	15	0.37
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG12	15	0.37
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG13	15	0.37
(4,100)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:HB2	17	0.37
(4,100)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:HB3	17	0.37
(4,100)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:HB2	17	0.37
(4,100)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:HB3	17	0.37
(4,100)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:HB2	17	0.37
(4,100)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:HB3	17	0.37
(4,100)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:HB2	17	0.37
(4,100)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:HB3	17	0.37
(4,100)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:HB2	17	0.37
(4,100)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:HB3	17	0.37
(4,100)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:HB2	17	0.37
(4,100)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:HB3	17	0.37
(4,76)	1:31:A:TRP:HB2	1:234:A:ASN:H	6	0.37
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB2	10	0.37
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB3	10	0.37
(4,1)	1:30:A:GLU:C	1:234:A:ASN:N	1	0.37
(3,17)	1:59:A:PHE:H	1:166:A:HIS:O	13	0.37
(1,573)	1:5:A:ASN:ND2	1:16:A:GLU:H	17	0.37
(1,227)	1:158:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	4	0.37
(1,219)	1:183:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	15	0.37
(1,154)	1:172:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	3	0.37
(1,153)	1:212:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	12	0.37
(1,87)	1:220:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	8	0.37
(5,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	8	0.36
(5,400)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	8	0.36
(5,392)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	5	0.36
(5,370)	1:5:A:ASN:ND2	1:120:A:SER:H	19	0.36
(5,340)	1:5:A:ASN:ND2	1:13:A:SER:H	12	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,116)	1:55:A:ILE:H	1:140:A:ASN:ND2	17	0.36
(5,73)	1:89:A:ALA:H	1:104:A:SER:OG	4	0.36
(4,4305)	1:45:A:LEU:HB3	1:46:A:ALA:HB1	2	0.36
(4,4305)	1:45:A:LEU:HB3	1:46:A:ALA:HB2	2	0.36
(4,4305)	1:45:A:LEU:HB3	1:46:A:ALA:HB3	2	0.36
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB2	1:173:A:GLU:H	13	0.36
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB3	1:173:A:GLU:H	13	0.36
(4,4070)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:H	6	0.36
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:H	6	0.36
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:H	6	0.36
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:H	6	0.36
(4,4054)	1:23:A:HIS:HD2	1:24:A:LYS:H	12	0.36
(4,4035)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HA	5	0.36
(4,4035)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HA	5	0.36
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD11	16	0.36
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD12	16	0.36
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD13	16	0.36
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD11	16	0.36
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD12	16	0.36
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD13	16	0.36
(4,3966)	1:147:A:GLN:HE21	1:148:A:THR:H	2	0.36
(4,3957)	1:102:A:ASN:H	1:105:A:LEU:H	11	0.36
(4,3935)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD1	4	0.36
(4,3935)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD2	4	0.36
(4,3935)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD1	4	0.36
(4,3935)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD2	4	0.36
(4,3929)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:H	10	0.36
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE1	1:152:A:GLY:H	9	0.36
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE2	1:152:A:GLY:H	9	0.36
(4,3899)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:H	19	0.36
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD11	20	0.36
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD12	20	0.36
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD13	20	0.36
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD11	19	0.36
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD12	19	0.36
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD13	19	0.36
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD21	19	0.36
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD22	19	0.36
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD23	19	0.36
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD1	1:228:A:MET:HG2	10	0.36
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD1	1:228:A:MET:HG3	10	0.36
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD2	1:228:A:MET:HG2	10	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD2	1:228:A:MET:HG3	10	0.36
(4,3803)	1:158:A:GLU:H	1:161:A:ALA:H	4	0.36
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:H	11	0.36
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:H	11	0.36
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:H	11	0.36
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD11	1:94:A:ALA:HB1	9	0.36
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD11	1:94:A:ALA:HB2	9	0.36
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD11	1:94:A:ALA:HB3	9	0.36
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD12	1:94:A:ALA:HB1	9	0.36
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD12	1:94:A:ALA:HB2	9	0.36
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD12	1:94:A:ALA:HB3	9	0.36
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD13	1:94:A:ALA:HB1	9	0.36
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD13	1:94:A:ALA:HB2	9	0.36
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD13	1:94:A:ALA:HB3	9	0.36
(4,3743)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB2	1	0.36
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG11	17	0.36
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG12	17	0.36
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG13	17	0.36
(4,3717)	1:169:A:THR:HG1	1:180:A:LEU:H	12	0.36
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB2	1:232:A:GLY:H	11	0.36
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB3	1:232:A:GLY:H	11	0.36
(4,3676)	1:32:A:ALA:H	1:232:A:GLY:H	17	0.36
(4,3674)	1:94:A:ALA:HA	1:97:A:HIS:HD1	19	0.36
(4,3661)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:HB2	1	0.36
(4,3661)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:HB3	1	0.36
(4,3576)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:HD21	1	0.36
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE21	5	0.36
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE22	5	0.36
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE21	5	0.36
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE22	5	0.36
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE21	5	0.36
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE22	5	0.36
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE21	5	0.36
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE22	5	0.36
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE21	5	0.36
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE22	5	0.36
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE21	5	0.36
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE22	5	0.36
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB1	20	0.36
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB2	20	0.36
(4,3447)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:HB3	20	0.36
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD11	3	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD12	3	0.36
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD13	3	0.36
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD11	3	0.36
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD12	3	0.36
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD13	3	0.36
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD11	3	0.36
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD12	3	0.36
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD13	3	0.36
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG11	2	0.36
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG12	2	0.36
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG13	2	0.36
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG21	2	0.36
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG22	2	0.36
(4,3376)	1:168:A:ILE:HB	1:211:A:VAL:HG23	2	0.36
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD1	1:179:A:GLU:H	4	0.36
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD2	1:179:A:GLU:H	4	0.36
(4,3333)	1:177:A:ILE:HG12	1:194:A:SER:HB2	3	0.36
(4,3333)	1:177:A:ILE:HG12	1:194:A:SER:HB3	3	0.36
(4,3333)	1:177:A:ILE:HG13	1:194:A:SER:HB2	3	0.36
(4,3333)	1:177:A:ILE:HG13	1:194:A:SER:HB3	3	0.36
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD21	17	0.36
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD22	17	0.36
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD23	17	0.36
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD21	17	0.36
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD22	17	0.36
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD23	17	0.36
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD21	17	0.36
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD22	17	0.36
(4,3297)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD23	17	0.36
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD1	18	0.36
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD2	18	0.36
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD11	5	0.36
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD12	5	0.36
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD13	5	0.36
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD21	5	0.36
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD22	5	0.36
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD23	5	0.36
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD11	4	0.36
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD12	4	0.36
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD13	4	0.36
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD21	4	0.36
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD22	4	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD23	4	0.36
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB2	16	0.36
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB3	16	0.36
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD2	12	0.36
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD3	12	0.36
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD2	12	0.36
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD3	12	0.36
(4,3111)	1:89:A:ALA:H	1:93:A:TYR:HD1	1	0.36
(4,3111)	1:89:A:ALA:H	1:93:A:TYR:HD2	1	0.36
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD11	1:115:A:PHE:HA	17	0.36
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD12	1:115:A:PHE:HA	17	0.36
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD13	1:115:A:PHE:HA	17	0.36
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD21	1:115:A:PHE:HA	17	0.36
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD22	1:115:A:PHE:HA	17	0.36
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD23	1:115:A:PHE:HA	17	0.36
(4,3037)	1:80:A:ILE:HD11	1:127:A:ASN:H	1	0.36
(4,3037)	1:80:A:ILE:HD12	1:127:A:ASN:H	1	0.36
(4,3037)	1:80:A:ILE:HD13	1:127:A:ASN:H	1	0.36
(4,3032)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE22	5	0.36
(4,3018)	1:83:A:LYS:HD2	1:85:A:SER:H	3	0.36
(4,3018)	1:83:A:LYS:HD3	1:85:A:SER:H	3	0.36
(4,2998)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HA	11	0.36
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:HB2	10	0.36
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:HB3	10	0.36
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:HB2	10	0.36
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:HB3	10	0.36
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:HB2	10	0.36
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:HB3	10	0.36
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:HB2	10	0.36
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:HB3	10	0.36
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:HB2	10	0.36
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:HB3	10	0.36
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:HB2	10	0.36
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:HB3	10	0.36
(4,2980)	1:202:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:H	16	0.36
(4,2980)	1:202:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:H	16	0.36
(4,2980)	1:202:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:H	16	0.36
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD21	1:144:A:GLU:H	17	0.36
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD22	1:144:A:GLU:H	17	0.36
(4,2969)	1:92:A:LEU:HD23	1:144:A:GLU:H	17	0.36
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD11	1:107:A:GLU:H	17	0.36
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD12	1:107:A:GLU:H	17	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD13	1:107:A:GLU:H	17	0.36
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD21	1:107:A:GLU:H	17	0.36
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD22	1:107:A:GLU:H	17	0.36
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD23	1:107:A:GLU:H	17	0.36
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB2	1:168:A:ILE:H	7	0.36
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB3	1:168:A:ILE:H	7	0.36
(4,2949)	1:123:A:SER:H	1:124:A:SER:H	18	0.36
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	14	0.36
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	14	0.36
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	14	0.36
(4,2859)	1:52:A:VAL:H	1:201:A:LEU:H	2	0.36
(4,2809)	1:55:A:ILE:HB	1:201:A:LEU:HB2	18	0.36
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD1	6	0.36
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD2	6	0.36
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD11	15	0.36
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD12	15	0.36
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD13	15	0.36
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD11	13	0.36
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD12	13	0.36
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD13	13	0.36
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD21	13	0.36
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD22	13	0.36
(4,2757)	1:171:A:VAL:CG1	1:180:A:LEU:HD23	13	0.36
(4,2748)	1:48:A:LEU:HD11	1:202:A:ILE:CD1	18	0.36
(4,2748)	1:48:A:LEU:HD12	1:202:A:ILE:CD1	18	0.36
(4,2748)	1:48:A:LEU:HD13	1:202:A:ILE:CD1	18	0.36
(4,2717)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HB2	9	0.36
(4,2717)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HB3	9	0.36
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG11	8	0.36
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG12	8	0.36
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG13	8	0.36
(4,2640)	1:204:A:GLN:H	1:206:A:LEU:H	19	0.36
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG12	1:206:A:LEU:H	16	0.36
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG13	1:206:A:LEU:H	16	0.36
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD11	1:201:A:LEU:H	9	0.36
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD12	1:201:A:LEU:H	9	0.36
(4,2572)	1:48:A:LEU:HD13	1:201:A:LEU:H	9	0.36
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:H	17	0.36
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:H	17	0.36
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD11	2	0.36
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD12	2	0.36
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD13	2	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD21	2	0.36
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD22	2	0.36
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD23	2	0.36
(4,2521)	1:81:A:TRP:H	1:82:A:PHE:HZ	1	0.36
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:H	10	0.36
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:H	10	0.36
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:H	10	0.36
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:H	10	0.36
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:H	10	0.36
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:H	10	0.36
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD11	14	0.36
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD12	14	0.36
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD13	14	0.36
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD11	14	0.36
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD12	14	0.36
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD13	14	0.36
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG2	1:157:A:PRO:HB3	11	0.36
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG3	1:157:A:PRO:HB3	11	0.36
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB1	4	0.36
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB2	4	0.36
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB3	4	0.36
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB1	4	0.36
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB2	4	0.36
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB3	4	0.36
(4,2378)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:HA2	10	0.36
(4,2378)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:HA3	10	0.36
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE1	1:231:A:LEU:H	15	0.36
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE2	1:231:A:LEU:H	15	0.36
(4,2368)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HB3	8	0.36
(4,2365)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG1	2	0.36
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB2	3	0.36
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB3	3	0.36
(4,2293)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD21	9	0.36
(4,2293)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD22	9	0.36
(4,2293)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD23	9	0.36
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD11	11	0.36
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD12	11	0.36
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD13	11	0.36
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD11	11	0.36
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD12	11	0.36
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD13	11	0.36
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD11	11	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD12	11	0.36
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD13	11	0.36
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD21	9	0.36
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD22	9	0.36
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD23	9	0.36
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB1	13	0.36
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB2	13	0.36
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB3	13	0.36
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB1	13	0.36
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB2	13	0.36
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB3	13	0.36
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB1	13	0.36
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB2	13	0.36
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB3	13	0.36
(4,2182)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HB2	16	0.36
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HB	14	0.36
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HB	14	0.36
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HB	14	0.36
(4,2148)	1:68:A:SER:H	1:69:A:THR:H	6	0.36
(4,2107)	1:58:A:LEU:HB2	1:59:A:PHE:HA	15	0.36
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG11	14	0.36
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG12	14	0.36
(4,2072)	1:215:A:MET:H	1:223:A:VAL:HG13	14	0.36
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB2	13	0.36
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB3	13	0.36
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB2	13	0.36
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB3	13	0.36
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG21	18	0.36
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG22	18	0.36
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG23	18	0.36
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG21	18	0.36
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG22	18	0.36
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG23	18	0.36
(4,1905)	1:213:A:SER:H	1:214:A:TYR:HE1	12	0.36
(4,1905)	1:213:A:SER:H	1:214:A:TYR:HE2	12	0.36
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	13	0.36
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	13	0.36
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	13	0.36
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	13	0.36
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	13	0.36
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	13	0.36
(4,1881)	1:42:A:PRO:HB2	1:46:A:ALA:HA	20	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1880)	1:207:A:VAL:HB	1:211:A:VAL:H	7	0.36
(4,1676)	1:172:A:GLU:HB3	1:176:A:GLY:H	14	0.36
(4,1672)	1:21:A:PHE:HD1	1:22:A:ALA:HA	13	0.36
(4,1672)	1:21:A:PHE:HD2	1:22:A:ALA:HA	13	0.36
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB2	18	0.36
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB3	18	0.36
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD11	1:111:A:ASP:H	11	0.36
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD12	1:111:A:ASP:H	11	0.36
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD13	1:111:A:ASP:H	11	0.36
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD21	1:111:A:ASP:H	11	0.36
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD22	1:111:A:ASP:H	11	0.36
(4,1629)	1:25:A:LEU:HD23	1:111:A:ASP:H	11	0.36
(4,1611)	1:136:A:GLN:H	1:136:A:GLN:HE21	2	0.36
(4,1611)	1:136:A:GLN:H	1:136:A:GLN:HE22	2	0.36
(4,1514)	1:102:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	1	0.36
(4,1514)	1:102:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	1	0.36
(4,1514)	1:102:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	6	0.36
(4,1514)	1:102:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	6	0.36
(4,1502)	1:38:A:SER:HA	1:41:A:GLU:HB2	18	0.36
(4,1501)	1:163:A:THR:HB	1:164:A:ASN:HA	20	0.36
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HB2	9	0.36
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HB3	9	0.36
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HB2	9	0.36
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HB3	9	0.36
(4,1455)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:H	9	0.36
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	18	0.36
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	18	0.36
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	18	0.36
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	18	0.36
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	18	0.36
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	18	0.36
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD11	14	0.36
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD12	14	0.36
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD13	14	0.36
(4,1331)	1:102:A:ASN:H	1:102:A:ASN:HD22	12	0.36
(4,1300)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD11	13	0.36
(4,1300)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD12	13	0.36
(4,1300)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD13	13	0.36
(4,1240)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:H	13	0.36
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HE21	9	0.36
(4,1215)	1:82:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HE21	9	0.36
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG21	18	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG22	18	0.36
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG23	18	0.36
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD21	1:114:A:ASN:H	19	0.36
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD22	1:114:A:ASN:H	19	0.36
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD23	1:114:A:ASN:H	19	0.36
(4,1082)	1:152:A:GLY:H	1:153:A:GLN:HB2	12	0.36
(4,1082)	1:152:A:GLY:H	1:153:A:GLN:HB3	12	0.36
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG12	18	0.36
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG13	18	0.36
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG12	18	0.36
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG13	18	0.36
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG12	18	0.36
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG13	18	0.36
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG12	18	0.36
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG13	18	0.36
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG12	18	0.36
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG13	18	0.36
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG12	18	0.36
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG13	18	0.36
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	15	0.36
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	15	0.36
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	15	0.36
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	15	0.36
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	15	0.36
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	15	0.36
(4,1041)	1:23:A:HIS:HD2	1:31:A:TRP:H	14	0.36
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG21	1:145:A:ASN:HD22	17	0.36
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG22	1:145:A:ASN:HD22	17	0.36
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG23	1:145:A:ASN:HD22	17	0.36
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB2	14	0.36
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB3	14	0.36
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB2	14	0.36
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB3	14	0.36
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB2	14	0.36
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB3	14	0.36
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB2	14	0.36
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB3	14	0.36
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB2	14	0.36
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB3	14	0.36
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB2	14	0.36
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB3	14	0.36
(4,1006)	1:17:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:H	13	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1006)	1:17:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:H	13	0.36
(4,1006)	1:17:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:H	13	0.36
(4,1006)	1:17:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:H	13	0.36
(4,1006)	1:17:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:H	13	0.36
(4,1006)	1:17:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:H	13	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD11	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD12	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD13	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD21	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD22	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD23	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD11	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD12	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD13	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD21	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD22	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD23	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD11	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD12	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD13	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD21	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD22	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD23	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD11	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD12	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD13	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD21	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD22	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD23	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD11	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD12	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD13	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD21	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD22	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD23	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD11	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD12	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD13	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD21	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD22	9	0.36
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD23	9	0.36
(4,991)	1:137:A:PHE:HB2	1:139:A:LEU:H	9	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,991)	1:137:A:PHE:HB2	1:139:A:LEU:H	12	0.36
(4,940)	1:153:A:GLN:HE21	1:154:A:SER:HA	13	0.36
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG21	9	0.36
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG22	9	0.36
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG23	9	0.36
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD11	7	0.36
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD12	7	0.36
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD13	7	0.36
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD21	7	0.36
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD22	7	0.36
(4,879)	1:98:A:SER:HA	1:231:A:LEU:HD23	7	0.36
(4,866)	1:36:A:ILE:HB	1:38:A:SER:HA	15	0.36
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD11	19	0.36
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD12	19	0.36
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD13	19	0.36
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD21	19	0.36
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD22	19	0.36
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD23	19	0.36
(4,831)	1:203:A:GLU:HB2	1:204:A:GLN:HG2	18	0.36
(4,831)	1:203:A:GLU:HB2	1:204:A:GLN:HG3	18	0.36
(4,831)	1:203:A:GLU:HB3	1:204:A:GLN:HG2	18	0.36
(4,831)	1:203:A:GLU:HB3	1:204:A:GLN:HG3	18	0.36
(4,770)	1:39:A:LEU:HA	1:41:A:GLU:HB2	19	0.36
(4,762)	1:195:A:ASP:HB2	1:204:A:GLN:H	15	0.36
(4,762)	1:195:A:ASP:HB3	1:204:A:GLN:H	15	0.36
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG11	10	0.36
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG12	10	0.36
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG13	10	0.36
(4,737)	1:81:A:TRP:HZ3	1:84:A:GLN:H	6	0.36
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD11	9	0.36
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD12	9	0.36
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD13	9	0.36
(4,717)	1:31:A:TRP:HE3	1:32:A:ALA:H	5	0.36
(4,631)	1:30:A:GLU:HG3	1:31:A:TRP:HE1	10	0.36
(4,629)	1:57:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:H	3	0.36
(4,629)	1:57:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:H	3	0.36
(4,629)	1:57:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:H	3	0.36
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB2	12	0.36
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB3	12	0.36
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB2	12	0.36
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB3	12	0.36
(4,564)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HG21	4	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,564)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HG22	4	0.36
(4,564)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HG23	4	0.36
(4,564)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HG21	4	0.36
(4,564)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HG22	4	0.36
(4,564)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HG23	4	0.36
(4,564)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HG21	4	0.36
(4,564)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HG22	4	0.36
(4,564)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HG23	4	0.36
(4,554)	1:221:A:GLU:HA	1:224:A:LEU:HA	9	0.36
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD11	4	0.36
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD12	4	0.36
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD13	4	0.36
(4,483)	1:205:A:GLU:HG2	1:209:A:VAL:H	17	0.36
(4,483)	1:205:A:GLU:HG3	1:209:A:VAL:H	17	0.36
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD11	18	0.36
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD12	18	0.36
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD13	18	0.36
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE1	4	0.36
(4,362)	1:174:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HE2	4	0.36
(4,360)	1:231:A:LEU:HD11	1:234:A:ASN:H	4	0.36
(4,360)	1:231:A:LEU:HD12	1:234:A:ASN:H	4	0.36
(4,360)	1:231:A:LEU:HD13	1:234:A:ASN:H	4	0.36
(4,360)	1:231:A:LEU:HD21	1:234:A:ASN:H	4	0.36
(4,360)	1:231:A:LEU:HD22	1:234:A:ASN:H	4	0.36
(4,360)	1:231:A:LEU:HD23	1:234:A:ASN:H	4	0.36
(4,356)	1:106:A:LEU:HD21	1:110:A:SER:H	10	0.36
(4,356)	1:106:A:LEU:HD22	1:110:A:SER:H	10	0.36
(4,356)	1:106:A:LEU:HD23	1:110:A:SER:H	10	0.36
(4,356)	1:106:A:LEU:HD21	1:110:A:SER:H	12	0.36
(4,356)	1:106:A:LEU:HD22	1:110:A:SER:H	12	0.36
(4,356)	1:106:A:LEU:HD23	1:110:A:SER:H	12	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG11	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG12	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG13	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG21	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG22	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG23	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG11	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG12	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG13	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG21	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG22	19	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,343)	1:92:A:LEU:HD12	1:146:A:VAL:HG23	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG11	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG12	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG13	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG21	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG22	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG23	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG11	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG12	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG13	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG21	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG22	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD21	1:146:A:VAL:HG23	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG11	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG12	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG13	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG21	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG22	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD22	1:146:A:VAL:HG23	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG11	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG12	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG13	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG21	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG22	19	0.36
(4,343)	1:92:A:LEU:HD23	1:146:A:VAL:HG23	19	0.36
(4,221)	1:21:A:PHE:HB3	1:95:A:ILE:HD11	10	0.36
(4,221)	1:21:A:PHE:HB3	1:95:A:ILE:HD12	10	0.36
(4,221)	1:21:A:PHE:HB3	1:95:A:ILE:HD13	10	0.36
(4,142)	1:190:A:TYR:HA	1:191:A:LEU:HG	20	0.36
(4,124)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG11	10	0.36
(4,124)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG12	10	0.36
(4,124)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG13	10	0.36
(4,124)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG11	10	0.36
(4,124)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG12	10	0.36
(4,124)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG13	10	0.36
(4,76)	1:31:A:TRP:HB2	1:234:A:ASN:H	16	0.36
(4,60)	1:79:A:VAL:HG11	1:190:A:TYR:H	10	0.36
(4,60)	1:79:A:VAL:HG12	1:190:A:TYR:H	10	0.36
(4,60)	1:79:A:VAL:HG13	1:190:A:TYR:H	10	0.36
(4,59)	1:20:A:ASN:HD21	1:24:A:LYS:H	17	0.36
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD21	6	0.36
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD22	6	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD23	6	0.36
(4,2)	1:59:A:PHE:C	1:166:A:HIS:N	11	0.36
(4,1)	1:30:A:GLU:C	1:234:A:ASN:N	13	0.36
(3,19)	1:55:A:ILE:H	1:170:A:TYR:O	4	0.36
(1,589)	1:5:A:ASN:ND2	1:38:A:SER:H	4	0.36
(1,517)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	9	0.36
(1,466)	1:5:A:ASN:ND2	1:195:A:ASP:H	14	0.36
(1,212)	1:179:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	17	0.36
(1,154)	1:172:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	17	0.36
(5,782)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	7	0.35
(5,702)	1:5:A:ASN:ND2	1:219:A:ASN:H	8	0.35
(5,541)	1:5:A:ASN:ND2	1:178:A:PHE:H	9	0.35
(5,473)	1:5:A:ASN:ND2	1:150:A:SER:H	6	0.35
(5,455)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	18	0.35
(5,427)	1:5:A:ASN:ND2	1:61:A:ILE:H	17	0.35
(5,275)	1:40:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	3	0.35
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD21	10	0.35
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD22	10	0.35
(4,4256)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD23	10	0.35
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG2	1	0.35
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG3	1	0.35
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG12	1:214:A:TYR:HD1	7	0.35
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG12	1:214:A:TYR:HD2	7	0.35
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG13	1:214:A:TYR:HD1	7	0.35
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG13	1:214:A:TYR:HD2	7	0.35
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:H	2	0.35
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:H	2	0.35
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD21	1:187:A:GLY:H	1	0.35
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD22	1:187:A:GLY:H	1	0.35
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD23	1:187:A:GLY:H	1	0.35
(4,4049)	1:214:A:TYR:HA	1:217:A:ASN:HD22	18	0.35
(4,4047)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:H	7	0.35
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD2	1:214:A:TYR:HA	1	0.35
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD3	1:214:A:TYR:HA	1	0.35
(4,3966)	1:147:A:GLN:HE21	1:148:A:THR:H	9	0.35
(4,3912)	1:137:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HA	2	0.35
(4,3912)	1:137:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HA	2	0.35
(4,3829)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HD1	2	0.35
(4,3829)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HD2	2	0.35
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:H	13	0.35
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:H	13	0.35
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:H	13	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG11	16	0.35
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG12	16	0.35
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG13	16	0.35
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG21	16	0.35
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG22	16	0.35
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG23	16	0.35
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG11	16	0.35
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG12	16	0.35
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG13	16	0.35
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG21	16	0.35
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG22	16	0.35
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG23	16	0.35
(4,3750)	1:200:A:ASP:H	1:203:A:GLU:HG2	15	0.35
(4,3750)	1:200:A:ASP:H	1:203:A:GLU:HG3	15	0.35
(4,3712)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD11	15	0.35
(4,3712)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD12	15	0.35
(4,3712)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD13	15	0.35
(4,3678)	1:45:A:LEU:HD11	1:200:A:ASP:H	20	0.35
(4,3678)	1:45:A:LEU:HD12	1:200:A:ASP:H	20	0.35
(4,3678)	1:45:A:LEU:HD13	1:200:A:ASP:H	20	0.35
(4,3678)	1:45:A:LEU:HD21	1:200:A:ASP:H	20	0.35
(4,3678)	1:45:A:LEU:HD22	1:200:A:ASP:H	20	0.35
(4,3678)	1:45:A:LEU:HD23	1:200:A:ASP:H	20	0.35
(4,3676)	1:32:A:ALA:H	1:232:A:GLY:H	9	0.35
(4,3673)	1:98:A:SER:H	1:99:A:LEU:HB3	13	0.35
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD11	4	0.35
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD12	4	0.35
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD13	4	0.35
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD11	20	0.35
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD12	20	0.35
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD13	20	0.35
(4,3651)	1:51:A:PRO:HB3	1:201:A:LEU:H	4	0.35
(4,3651)	1:51:A:PRO:HB3	1:201:A:LEU:H	12	0.35
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG2	14	0.35
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG3	14	0.35
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG2	14	0.35
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG3	14	0.35
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG2	14	0.35
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG3	14	0.35
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HE1	12	0.35
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HE2	12	0.35
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HE1	12	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HE2	12	0.35
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HE1	12	0.35
(4,3579)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HE2	12	0.35
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB2	4	0.35
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB3	4	0.35
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD11	1:206:A:LEU:H	2	0.35
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD12	1:206:A:LEU:H	2	0.35
(4,3539)	1:177:A:ILE:HD13	1:206:A:LEU:H	2	0.35
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD21	1:170:A:TYR:HE1	15	0.35
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD21	1:170:A:TYR:HE2	15	0.35
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD22	1:170:A:TYR:HE1	15	0.35
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD22	1:170:A:TYR:HE2	15	0.35
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD23	1:170:A:TYR:HE1	15	0.35
(4,3494)	1:57:A:LEU:HD23	1:170:A:TYR:HE2	15	0.35
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:H	3	0.35
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:H	3	0.35
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:H	3	0.35
(4,3461)	1:11:A:ILE:HG13	1:153:A:GLN:H	20	0.35
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD21	12	0.35
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD22	12	0.35
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:HD23	12	0.35
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD21	12	0.35
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD22	12	0.35
(4,3390)	1:170:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:HD23	12	0.35
(4,3373)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:H	14	0.35
(4,3319)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:H	8	0.35
(4,3319)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:H	9	0.35
(4,3319)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:H	11	0.35
(4,3319)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:H	20	0.35
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HG11	18	0.35
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HG12	18	0.35
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HG13	18	0.35
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HG21	18	0.35
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HG22	18	0.35
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HG23	18	0.35
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HG11	18	0.35
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HG12	18	0.35
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HG13	18	0.35
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HG21	18	0.35
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HG22	18	0.35
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HG23	18	0.35
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG21	1:201:A:LEU:HB2	2	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG22	1:201:A:LEU:HB2	2	0.35
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG23	1:201:A:LEU:HB2	2	0.35
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:HA	19	0.35
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:HA	19	0.35
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:HA	19	0.35
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD11	20	0.35
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD12	20	0.35
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD13	20	0.35
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD21	20	0.35
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD22	20	0.35
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD23	20	0.35
(4,3220)	1:31:A:TRP:HE3	1:53:A:LYS:H	8	0.35
(4,3207)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:H	3	0.35
(4,3207)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:H	4	0.35
(4,3116)	1:22:A:ALA:HA	1:25:A:LEU:HA	13	0.35
(4,3064)	1:48:A:LEU:CD2	1:52:A:VAL:HG21	5	0.35
(4,3064)	1:48:A:LEU:CD2	1:52:A:VAL:HG22	5	0.35
(4,3064)	1:48:A:LEU:CD2	1:52:A:VAL:HG23	5	0.35
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD11	5	0.35
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD12	5	0.35
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD13	5	0.35
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HE1	1	0.35
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HE1	1	0.35
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HE1	1	0.35
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	4	0.35
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	4	0.35
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	4	0.35
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	4	0.35
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	4	0.35
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	4	0.35
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD11	12	0.35
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD12	12	0.35
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD13	12	0.35
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD21	12	0.35
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD22	12	0.35
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD23	12	0.35
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD11	12	0.35
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD12	12	0.35
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD13	12	0.35
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD21	12	0.35
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD22	12	0.35
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD23	12	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD11	12	0.35
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD12	12	0.35
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD13	12	0.35
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD21	12	0.35
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD22	12	0.35
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD23	12	0.35
(4,2958)	1:52:A:VAL:H	1:54:A:ALA:H	15	0.35
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB2	1:168:A:ILE:H	6	0.35
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB3	1:168:A:ILE:H	6	0.35
(4,2936)	1:72:A:GLN:H	1:72:A:GLN:HE21	9	0.35
(4,2936)	1:72:A:GLN:H	1:72:A:GLN:HE22	9	0.35
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	19	0.35
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	19	0.35
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	19	0.35
(4,2781)	1:65:A:ARG:HD2	1:66:A:LYS:H	11	0.35
(4,2781)	1:65:A:ARG:HD3	1:66:A:LYS:H	11	0.35
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD11	1	0.35
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD12	1	0.35
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD13	1	0.35
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:H	2	0.35
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:H	2	0.35
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:H	2	0.35
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG11	13	0.35
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG12	13	0.35
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG13	13	0.35
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB1	19	0.35
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB2	19	0.35
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB3	19	0.35
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB1	19	0.35
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB2	19	0.35
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB3	19	0.35
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD21	5	0.35
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD22	5	0.35
(4,2640)	1:204:A:GLN:H	1:206:A:LEU:H	4	0.35
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD21	6	0.35
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD22	6	0.35
(4,2639)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD23	6	0.35
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD1	8	0.35
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD2	8	0.35
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HB	11	0.35
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HB	11	0.35
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HB	11	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HB	19	0.35
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HB	19	0.35
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HB	19	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD11	2	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD12	2	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD13	2	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD21	2	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD22	2	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD23	2	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD11	2	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD12	2	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD13	2	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD21	2	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD22	2	0.35
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD23	2	0.35
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD1	11	0.35
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD2	11	0.35
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:H	5	0.35
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:H	5	0.35
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:H	5	0.35
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:H	5	0.35
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:H	5	0.35
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:H	5	0.35
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:H	6	0.35
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:H	6	0.35
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:H	6	0.35
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:H	6	0.35
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:H	6	0.35
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:H	6	0.35
(4,2384)	1:23:A:HIS:H	1:24:A:LYS:HG2	18	0.35
(4,2384)	1:23:A:HIS:H	1:24:A:LYS:HG3	18	0.35
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE1	1:78:A:ASP:H	7	0.35
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE2	1:78:A:ASP:H	7	0.35
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG2	3	0.35
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG3	3	0.35
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG2	3	0.35
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG3	3	0.35
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG2	6	0.35
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG3	6	0.35
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG2	6	0.35
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG3	6	0.35
(4,2266)	1:214:A:TYR:HA	1:217:A:ASN:HD21	10	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:HD21	1	0.35
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:HD22	1	0.35
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:HD23	1	0.35
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:HD21	1	0.35
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:HD22	1	0.35
(4,2224)	1:170:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:HD23	1	0.35
(4,2200)	1:59:A:PHE:HD1	1:215:A:MET:HA	4	0.35
(4,2200)	1:59:A:PHE:HD2	1:215:A:MET:HA	4	0.35
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG11	5	0.35
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG12	5	0.35
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG13	5	0.35
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG21	5	0.35
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG22	5	0.35
(4,2154)	1:5:A:ASN:HD21	1:8:A:VAL:HG23	5	0.35
(4,2148)	1:68:A:SER:H	1:69:A:THR:H	1	0.35
(4,1998)	1:109:A:GLY:HA2	1:114:A:ASN:HD21	6	0.35
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB3	3	0.35
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB3	3	0.35
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB3	3	0.35
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD11	14	0.35
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD12	14	0.35
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD13	14	0.35
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD11	14	0.35
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD12	14	0.35
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD13	14	0.35
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	16	0.35
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	16	0.35
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	16	0.35
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	16	0.35
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	16	0.35
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	16	0.35
(4,1880)	1:207:A:VAL:HB	1:211:A:VAL:H	6	0.35
(4,1856)	1:29:A:ASN:HD22	1:30:A:GLU:H	20	0.35
(4,1841)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:H	11	0.35
(4,1835)	1:56:A:VAL:HB	1:228:A:MET:HA	5	0.35
(4,1830)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD22	4	0.35
(4,1820)	1:12:A:GLU:HA	1:152:A:GLY:HA3	6	0.35
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD21	8	0.35
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD22	8	0.35
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD23	8	0.35
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG2	4	0.35
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG3	4	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG2	4	0.35
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG3	4	0.35
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG2	4	0.35
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG3	4	0.35
(4,1577)	1:55:A:ILE:H	1:172:A:GLU:H	16	0.35
(4,1546)	1:34:A:PHE:HD1	1:232:A:GLY:H	14	0.35
(4,1546)	1:34:A:PHE:HD2	1:232:A:GLY:H	14	0.35
(4,1540)	1:33:A:TYR:HD1	1:231:A:LEU:H	12	0.35
(4,1540)	1:33:A:TYR:HD2	1:231:A:LEU:H	12	0.35
(4,1537)	1:95:A:ILE:H	1:97:A:HIS:H	7	0.35
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD1	16	0.35
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD2	16	0.35
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD11	18	0.35
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD12	18	0.35
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD13	18	0.35
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG21	14	0.35
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG22	14	0.35
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG23	14	0.35
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG21	14	0.35
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG22	14	0.35
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG23	14	0.35
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG11	5	0.35
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG12	5	0.35
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG13	5	0.35
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG21	5	0.35
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG22	5	0.35
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG23	5	0.35
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG21	8	0.35
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG22	8	0.35
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG23	8	0.35
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG21	8	0.35
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG22	8	0.35
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG23	8	0.35
(4,1319)	1:98:A:SER:H	1:98:A:SER:HG	8	0.35
(4,1319)	1:98:A:SER:H	1:98:A:SER:HG	12	0.35
(4,1319)	1:98:A:SER:H	1:98:A:SER:HG	15	0.35
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE1	1:180:A:LEU:H	8	0.35
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE2	1:180:A:LEU:H	8	0.35
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD21	1:114:A:ASN:H	18	0.35
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD22	1:114:A:ASN:H	18	0.35
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD23	1:114:A:ASN:H	18	0.35
(4,1156)	1:62:A:ASN:H	1:63:A:GLU:HA	5	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1143)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:H	15	0.35
(4,1115)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:HD11	2	0.35
(4,1115)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:HD12	2	0.35
(4,1115)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:HD13	2	0.35
(4,1114)	1:214:A:TYR:HB2	1:215:A:MET:HB2	8	0.35
(4,1114)	1:214:A:TYR:HB2	1:215:A:MET:HB3	8	0.35
(4,1114)	1:214:A:TYR:HB3	1:215:A:MET:HB2	8	0.35
(4,1114)	1:214:A:TYR:HB3	1:215:A:MET:HB3	8	0.35
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB1	1	0.35
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB2	1	0.35
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB3	1	0.35
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB1	1	0.35
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB2	1	0.35
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB3	1	0.35
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB1	1	0.35
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB2	1	0.35
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB3	1	0.35
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG11	1:22:A:ALA:H	1	0.35
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG12	1:22:A:ALA:H	1	0.35
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG13	1:22:A:ALA:H	1	0.35
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG21	1:22:A:ALA:H	1	0.35
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG22	1:22:A:ALA:H	1	0.35
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG23	1:22:A:ALA:H	1	0.35
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD2	1:146:A:VAL:HB	6	0.35
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD3	1:146:A:VAL:HB	6	0.35
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	18	0.35
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	18	0.35
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	18	0.35
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	18	0.35
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	18	0.35
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	18	0.35
(4,999)	1:81:A:TRP:HZ3	1:129:A:PHE:H	7	0.35
(4,978)	1:118:A:SER:H	1:121:A:ASP:H	3	0.35
(4,978)	1:118:A:SER:H	1:121:A:ASP:H	8	0.35
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG11	9	0.35
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG12	9	0.35
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG13	9	0.35
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG11	9	0.35
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG12	9	0.35
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG13	9	0.35
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG11	9	0.35
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG12	9	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG13	9	0.35
(4,903)	1:55:A:ILE:H	1:169:A:THR:HA	15	0.35
(4,896)	1:82:A:PHE:HE1	1:127:A:ASN:H	7	0.35
(4,896)	1:82:A:PHE:HE2	1:127:A:ASN:H	7	0.35
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD11	8	0.35
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD12	8	0.35
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD13	8	0.35
(4,870)	1:34:A:PHE:H	1:232:A:GLY:H	18	0.35
(4,868)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HB2	14	0.35
(4,868)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HB3	14	0.35
(4,868)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HB2	14	0.35
(4,868)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HB3	14	0.35
(4,866)	1:36:A:ILE:HB	1:38:A:SER:HA	12	0.35
(4,843)	1:29:A:ASN:HD21	1:31:A:TRP:H	5	0.35
(4,767)	1:58:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:H	11	0.35
(4,767)	1:58:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:H	11	0.35
(4,767)	1:58:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:H	11	0.35
(4,767)	1:58:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:H	11	0.35
(4,767)	1:58:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:H	11	0.35
(4,767)	1:58:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:H	11	0.35
(4,679)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:H	1	0.35
(4,679)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:H	1	0.35
(4,679)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:H	1	0.35
(4,679)	1:57:A:LEU:HD21	1:214:A:TYR:H	1	0.35
(4,679)	1:57:A:LEU:HD22	1:214:A:TYR:H	1	0.35
(4,679)	1:57:A:LEU:HD23	1:214:A:TYR:H	1	0.35
(4,626)	1:120:A:SER:HA	1:126:A:LYS:HA	5	0.35
(4,619)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:H	12	0.35
(4,619)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:H	12	0.35
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD2	16	0.35
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD3	16	0.35
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD2	16	0.35
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD3	16	0.35
(4,479)	1:80:A:ILE:HG21	1:101:A:ASN:H	14	0.35
(4,479)	1:80:A:ILE:HG22	1:101:A:ASN:H	14	0.35
(4,479)	1:80:A:ILE:HG23	1:101:A:ASN:H	14	0.35
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD21	20	0.35
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD22	20	0.35
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD21	20	0.35
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD22	20	0.35
(4,448)	1:86:A:VAL:HG11	1:93:A:TYR:HD1	1	0.35
(4,448)	1:86:A:VAL:HG11	1:93:A:TYR:HD2	1	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,448)	1:86:A:VAL:HG12	1:93:A:TYR:HD1	1	0.35
(4,448)	1:86:A:VAL:HG12	1:93:A:TYR:HD2	1	0.35
(4,448)	1:86:A:VAL:HG13	1:93:A:TYR:HD1	1	0.35
(4,448)	1:86:A:VAL:HG13	1:93:A:TYR:HD2	1	0.35
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG11	6	0.35
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG12	6	0.35
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG13	6	0.35
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG21	6	0.35
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG22	6	0.35
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG23	6	0.35
(4,392)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:H	4	0.35
(4,392)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:H	4	0.35
(4,392)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:H	4	0.35
(4,379)	1:79:A:VAL:HG21	1:179:A:GLU:H	3	0.35
(4,379)	1:79:A:VAL:HG22	1:179:A:GLU:H	3	0.35
(4,379)	1:79:A:VAL:HG23	1:179:A:GLU:H	3	0.35
(4,342)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:H	6	0.35
(4,342)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:H	6	0.35
(4,321)	1:134:A:THR:HG21	1:137:A:PHE:H	12	0.35
(4,321)	1:134:A:THR:HG22	1:137:A:PHE:H	12	0.35
(4,321)	1:134:A:THR:HG23	1:137:A:PHE:H	12	0.35
(4,266)	1:189:A:LEU:HB2	1:191:A:LEU:H	13	0.35
(4,266)	1:189:A:LEU:HB3	1:191:A:LEU:H	13	0.35
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD21	12	0.35
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD22	12	0.35
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD23	12	0.35
(4,163)	1:52:A:VAL:HG11	1:202:A:ILE:H	11	0.35
(4,163)	1:52:A:VAL:HG12	1:202:A:ILE:H	11	0.35
(4,163)	1:52:A:VAL:HG13	1:202:A:ILE:H	11	0.35
(4,116)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	17	0.35
(4,116)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	17	0.35
(4,116)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	17	0.35
(4,116)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	17	0.35
(4,116)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	17	0.35
(4,116)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	17	0.35
(4,116)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	17	0.35
(4,116)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	17	0.35
(4,116)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	17	0.35
(4,116)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	17	0.35
(4,116)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	17	0.35
(4,116)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	17	0.35
(4,104)	1:206:A:LEU:HD11	1:210:A:ARG:H	2	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,104)	1:206:A:LEU:HD12	1:210:A:ARG:H	2	0.35
(4,104)	1:206:A:LEU:HD13	1:210:A:ARG:H	2	0.35
(4,104)	1:206:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:H	2	0.35
(4,104)	1:206:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:H	2	0.35
(4,104)	1:206:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:H	2	0.35
(4,79)	1:52:A:VAL:HG21	1:232:A:GLY:H	16	0.35
(4,79)	1:52:A:VAL:HG22	1:232:A:GLY:H	16	0.35
(4,79)	1:52:A:VAL:HG23	1:232:A:GLY:H	16	0.35
(4,66)	1:198:A:ALA:H	1:200:A:ASP:H	5	0.35
(4,66)	1:198:A:ALA:H	1:200:A:ASP:H	7	0.35
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD21	9	0.35
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD22	9	0.35
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD23	9	0.35
(4,1)	1:30:A:GLU:C	1:234:A:ASN:N	19	0.35
(3,18)	1:32:A:ALA:O	1:232:A:GLY:H	3	0.35
(3,17)	1:59:A:PHE:H	1:166:A:HIS:O	5	0.35
(3,17)	1:59:A:PHE:H	1:166:A:HIS:O	15	0.35
(3,5)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:O	17	0.35
(2,362)	1:225:A:ASN:ND2	1:227:A:ALA:H	6	0.35
(2,79)	1:80:A:ILE:H	1:104:A:SER:OG	10	0.35
(1,461)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	11	0.35
(1,188)	1:161:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	14	0.35
(1,142)	1:32:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	13	0.35
(1,30)	1:33:A:TYR:H	1:104:A:SER:OG	2	0.35
(5,786)	1:5:A:ASN:ND2	1:134:A:THR:H	5	0.34
(5,553)	1:5:A:ASN:ND2	1:32:A:ALA:H	13	0.34
(5,299)	1:156:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	13	0.34
(5,116)	1:55:A:ILE:H	1:140:A:ASN:ND2	5	0.34
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:H	8	0.34
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:H	8	0.34
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:H	8	0.34
(4,4254)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HE1	3	0.34
(4,4254)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HE2	3	0.34
(4,4218)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD22	5	0.34
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG2	8	0.34
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG3	8	0.34
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HG12	10	0.34
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HG13	10	0.34
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HG12	10	0.34
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HG13	10	0.34
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HG12	10	0.34
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HG13	10	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4157)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:H	17	0.34
(4,4128)	1:51:A:PRO:HA	1:52:A:VAL:HB	2	0.34
(4,4109)	1:7:A:ALA:HB1	1:9:A:VAL:H	6	0.34
(4,4109)	1:7:A:ALA:HB2	1:9:A:VAL:H	6	0.34
(4,4109)	1:7:A:ALA:HB3	1:9:A:VAL:H	6	0.34
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD11	3	0.34
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD12	3	0.34
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD13	3	0.34
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD21	3	0.34
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD22	3	0.34
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD23	3	0.34
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD11	3	0.34
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD12	3	0.34
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD13	3	0.34
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD21	3	0.34
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD22	3	0.34
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD23	3	0.34
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:H	17	0.34
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:H	17	0.34
(4,4069)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:H	3	0.34
(4,4060)	1:93:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:H	5	0.34
(4,4060)	1:93:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:H	5	0.34
(4,4060)	1:93:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:H	14	0.34
(4,4060)	1:93:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:H	14	0.34
(4,4054)	1:23:A:HIS:HD2	1:24:A:LYS:H	3	0.34
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	19	0.34
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	19	0.34
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	19	0.34
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	19	0.34
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	19	0.34
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	19	0.34
(4,3946)	1:55:A:ILE:H	1:171:A:VAL:H	7	0.34
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	8	0.34
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	8	0.34
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	8	0.34
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE1	1:152:A:GLY:H	13	0.34
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE2	1:152:A:GLY:H	13	0.34
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD11	20	0.34
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD12	20	0.34
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD13	20	0.34
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD21	20	0.34
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD22	20	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD23	20	0.34
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD1	1:228:A:MET:HG2	3	0.34
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD1	1:228:A:MET:HG3	3	0.34
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD2	1:228:A:MET:HG2	3	0.34
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD2	1:228:A:MET:HG3	3	0.34
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD11	1	0.34
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD12	1	0.34
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD13	1	0.34
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD21	1	0.34
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD22	1	0.34
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD23	1	0.34
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:H	18	0.34
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:H	18	0.34
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:H	18	0.34
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD21	13	0.34
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD22	13	0.34
(4,3709)	1:81:A:TRP:HE1	1:181:A:ASP:HA	1	0.34
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG11	5	0.34
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG12	5	0.34
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG13	5	0.34
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG11	5	0.34
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG12	5	0.34
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG13	5	0.34
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG21	19	0.34
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG22	19	0.34
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG23	19	0.34
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG21	19	0.34
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG22	19	0.34
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG23	19	0.34
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	12	0.34
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	12	0.34
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	12	0.34
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG2	1:147:A:GLN:H	10	0.34
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG3	1:147:A:GLN:H	10	0.34
(4,3528)	1:164:A:ASN:H	1:164:A:ASN:HD22	2	0.34
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE21	12	0.34
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:HE22	12	0.34
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE21	12	0.34
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:HE22	12	0.34
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE21	12	0.34
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:HE22	12	0.34
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE21	12	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HE22	12	0.34
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE21	12	0.34
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HE22	12	0.34
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE21	12	0.34
(4,3493)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HE22	12	0.34
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD11	16	0.34
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD12	16	0.34
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD13	16	0.34
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD11	16	0.34
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD12	16	0.34
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD13	16	0.34
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD11	16	0.34
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD12	16	0.34
(4,3432)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD13	16	0.34
(4,3352)	1:95:A:ILE:HA	1:97:A:HIS:HB2	5	0.34
(4,3352)	1:95:A:ILE:HA	1:97:A:HIS:HB3	5	0.34
(4,3319)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:H	4	0.34
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG2	1:206:A:LEU:HD11	12	0.34
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG2	1:206:A:LEU:HD12	12	0.34
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG2	1:206:A:LEU:HD13	12	0.34
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG2	1:206:A:LEU:HD21	12	0.34
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG2	1:206:A:LEU:HD22	12	0.34
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG2	1:206:A:LEU:HD23	12	0.34
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG3	1:206:A:LEU:HD11	12	0.34
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG3	1:206:A:LEU:HD12	12	0.34
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG3	1:206:A:LEU:HD13	12	0.34
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG3	1:206:A:LEU:HD21	12	0.34
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG3	1:206:A:LEU:HD22	12	0.34
(4,3232)	1:193:A:LYS:HG3	1:206:A:LEU:HD23	12	0.34
(4,3227)	1:216:A:GLU:HB2	1:217:A:ASN:HD22	6	0.34
(4,3227)	1:216:A:GLU:HB3	1:217:A:ASN:HD22	6	0.34
(4,3220)	1:31:A:TRP:HE3	1:53:A:LYS:H	11	0.34
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD11	13	0.34
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD12	13	0.34
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD13	13	0.34
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD21	13	0.34
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD22	13	0.34
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD23	13	0.34
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD11	16	0.34
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD12	16	0.34
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD13	16	0.34
(4,3051)	1:163:A:THR:HA	1:165:A:LEU:HB3	17	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD11	12	0.34
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD12	12	0.34
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD13	12	0.34
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD21	12	0.34
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD22	12	0.34
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD23	12	0.34
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD11	12	0.34
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD12	12	0.34
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD13	12	0.34
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD21	12	0.34
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD22	12	0.34
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD23	12	0.34
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HE1	5	0.34
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HE1	5	0.34
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HE1	5	0.34
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	1	0.34
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	1	0.34
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	1	0.34
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	1	0.34
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	1	0.34
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	1	0.34
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE1	7	0.34
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE2	7	0.34
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE1	15	0.34
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE2	15	0.34
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD11	1	0.34
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD12	1	0.34
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD13	1	0.34
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG11	18	0.34
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG12	18	0.34
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG13	18	0.34
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG21	18	0.34
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG22	18	0.34
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG23	18	0.34
(4,2876)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:H	19	0.34
(4,2834)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:H	1	0.34
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE1	1:96:A:LEU:HD21	5	0.34
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE1	1:96:A:LEU:HD22	5	0.34
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE1	1:96:A:LEU:HD23	5	0.34
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE2	1:96:A:LEU:HD21	5	0.34
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE2	1:96:A:LEU:HD22	5	0.34
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE2	1:96:A:LEU:HD23	5	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2764)	1:119:A:GLN:HE22	1:134:A:THR:H	20	0.34
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	8	0.34
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	8	0.34
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	8	0.34
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	8	0.34
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	8	0.34
(4,2742)	1:25:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	8	0.34
(4,2732)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:H	7	0.34
(4,2732)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:H	12	0.34
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB1	2	0.34
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB2	2	0.34
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB3	2	0.34
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB1	2	0.34
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB2	2	0.34
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB3	2	0.34
(4,2664)	1:167:A:TYR:H	1:168:A:ILE:HD11	13	0.34
(4,2664)	1:167:A:TYR:H	1:168:A:ILE:HD12	13	0.34
(4,2664)	1:167:A:TYR:H	1:168:A:ILE:HD13	13	0.34
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD1	6	0.34
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD2	6	0.34
(4,2598)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:HD22	6	0.34
(4,2574)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HD22	17	0.34
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD11	9	0.34
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD12	9	0.34
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD13	9	0.34
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD21	9	0.34
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD22	9	0.34
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD23	9	0.34
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD11	15	0.34
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD12	15	0.34
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD13	15	0.34
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD21	15	0.34
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD22	15	0.34
(4,2562)	1:36:A:ILE:HB	1:48:A:LEU:HD23	15	0.34
(4,2520)	1:73:A:ILE:HB	1:75:A:SER:H	10	0.34
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:H	18	0.34
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:H	18	0.34
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:H	18	0.34
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:H	18	0.34
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:H	18	0.34
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:H	18	0.34
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB1	13	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB2	13	0.34
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG12	1:198:A:ALA:HB3	13	0.34
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB1	13	0.34
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB2	13	0.34
(4,2418)	1:177:A:ILE:HG13	1:198:A:ALA:HB3	13	0.34
(4,2415)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:HD11	16	0.34
(4,2415)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:HD12	16	0.34
(4,2415)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:HD13	16	0.34
(4,2372)	1:146:A:VAL:HA	1:148:A:THR:HA	19	0.34
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB2	1:168:A:ILE:H	10	0.34
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB3	1:168:A:ILE:H	10	0.34
(4,2326)	1:30:A:GLU:HG2	1:31:A:TRP:H	17	0.34
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG21	2	0.34
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG22	2	0.34
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG23	2	0.34
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD21	5	0.34
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD22	5	0.34
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD23	5	0.34
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD21	5	0.34
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD22	5	0.34
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD23	5	0.34
(4,2285)	1:177:A:ILE:HG12	1:195:A:ASP:H	20	0.34
(4,2285)	1:177:A:ILE:HG13	1:195:A:ASP:H	20	0.34
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	17	0.34
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	17	0.34
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	17	0.34
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	17	0.34
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	17	0.34
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	17	0.34
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD11	16	0.34
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD12	16	0.34
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD13	16	0.34
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD21	16	0.34
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD22	16	0.34
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD23	16	0.34
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD11	17	0.34
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD12	17	0.34
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD13	17	0.34
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD21	17	0.34
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD22	17	0.34
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD23	17	0.34
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD21	1	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD22	1	0.34
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD23	1	0.34
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB1	1:171:A:VAL:HG21	2	0.34
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB1	1:171:A:VAL:HG22	2	0.34
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB1	1:171:A:VAL:HG23	2	0.34
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB2	1:171:A:VAL:HG21	2	0.34
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB2	1:171:A:VAL:HG22	2	0.34
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB2	1:171:A:VAL:HG23	2	0.34
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB3	1:171:A:VAL:HG21	2	0.34
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB3	1:171:A:VAL:HG22	2	0.34
(4,2174)	1:54:A:ALA:HB3	1:171:A:VAL:HG23	2	0.34
(4,2107)	1:58:A:LEU:HB2	1:59:A:PHE:HA	6	0.34
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB2	3	0.34
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB3	3	0.34
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB2	3	0.34
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB3	3	0.34
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB2	3	0.34
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB3	3	0.34
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD21	15	0.34
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD22	15	0.34
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD23	15	0.34
(4,2005)	1:147:A:GLN:HE22	1:148:A:THR:H	12	0.34
(4,1986)	1:114:A:ASN:HA	1:117:A:LYS:HA	6	0.34
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HE22	16	0.34
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HE22	16	0.34
(4,1966)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HE22	16	0.34
(4,1942)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HB2	3	0.34
(4,1942)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HB3	3	0.34
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	6	0.34
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	6	0.34
(4,1914)	1:19:A:THR:HG21	1:32:A:ALA:H	9	0.34
(4,1914)	1:19:A:THR:HG22	1:32:A:ALA:H	9	0.34
(4,1914)	1:19:A:THR:HG23	1:32:A:ALA:H	9	0.34
(4,1905)	1:213:A:SER:H	1:214:A:TYR:HE1	13	0.34
(4,1905)	1:213:A:SER:H	1:214:A:TYR:HE2	13	0.34
(4,1880)	1:207:A:VAL:HB	1:211:A:VAL:H	13	0.34
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG12	1:166:A:HIS:H	3	0.34
(4,1857)	1:61:A:ILE:HG13	1:166:A:HIS:H	3	0.34
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	4	0.34
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	4	0.34
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	4	0.34
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD11	12	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD12	12	0.34
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD13	12	0.34
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD21	12	0.34
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD22	12	0.34
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD23	12	0.34
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD11	12	0.34
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD12	12	0.34
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD13	12	0.34
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD21	12	0.34
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD22	12	0.34
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD23	12	0.34
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG2	12	0.34
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG3	12	0.34
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG2	12	0.34
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG3	12	0.34
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG2	12	0.34
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG3	12	0.34
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:H	20	0.34
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:H	20	0.34
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:H	20	0.34
(4,1619)	1:219:A:ASN:HD22	1:220:A:GLU:H	19	0.34
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD1	1:117:A:LYS:H	11	0.34
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD2	1:117:A:LYS:H	11	0.34
(4,1557)	1:213:A:SER:HA	1:217:A:ASN:HD21	11	0.34
(4,1557)	1:213:A:SER:HA	1:217:A:ASN:HD22	11	0.34
(4,1557)	1:213:A:SER:HA	1:217:A:ASN:HD21	12	0.34
(4,1557)	1:213:A:SER:HA	1:217:A:ASN:HD22	12	0.34
(4,1412)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HA	2	0.34
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	11	0.34
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	11	0.34
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	11	0.34
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	11	0.34
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	11	0.34
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	11	0.34
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG11	7	0.34
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG12	7	0.34
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG13	7	0.34
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG21	7	0.34
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG22	7	0.34
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG23	7	0.34
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	11	0.34
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	11	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG11	3	0.34
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG12	3	0.34
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG13	3	0.34
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG21	3	0.34
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG22	3	0.34
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG23	3	0.34
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:H	10	0.34
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:H	10	0.34
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	1	0.34
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	1	0.34
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	1	0.34
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	1	0.34
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	1	0.34
(4,1252)	1:5:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	1	0.34
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG21	1:168:A:ILE:HB	7	0.34
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG22	1:168:A:ILE:HB	7	0.34
(4,1205)	1:56:A:VAL:HG23	1:168:A:ILE:HB	7	0.34
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG21	16	0.34
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG22	16	0.34
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG23	16	0.34
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG21	16	0.34
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG22	16	0.34
(4,1196)	1:44:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG23	16	0.34
(4,1192)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB3	1	0.34
(4,1161)	1:19:A:THR:HG1	1:32:A:ALA:HB1	6	0.34
(4,1161)	1:19:A:THR:HG1	1:32:A:ALA:HB2	6	0.34
(4,1161)	1:19:A:THR:HG1	1:32:A:ALA:HB3	6	0.34
(4,1161)	1:19:A:THR:HG1	1:32:A:ALA:HB1	7	0.34
(4,1161)	1:19:A:THR:HG1	1:32:A:ALA:HB2	7	0.34
(4,1161)	1:19:A:THR:HG1	1:32:A:ALA:HB3	7	0.34
(4,1131)	1:47:A:PHE:H	1:48:A:LEU:HB3	12	0.34
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD1	10	0.34
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD2	10	0.34
(4,1120)	1:27:A:LEU:H	1:107:A:GLU:H	15	0.34
(4,1112)	1:81:A:TRP:HZ2	1:181:A:ASP:H	16	0.34
(4,1099)	1:45:A:LEU:HG	1:202:A:ILE:HB	19	0.34
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE1	3	0.34
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE2	3	0.34
(4,1053)	1:172:A:GLU:HB2	1:175:A:GLY:H	14	0.34
(4,995)	1:34:A:PHE:HB2	1:36:A:ILE:H	16	0.34
(4,995)	1:34:A:PHE:HB3	1:36:A:ILE:H	16	0.34
(4,983)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:H	12	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD1	9	0.34
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD2	9	0.34
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB1	19	0.34
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB2	19	0.34
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB3	19	0.34
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB1	19	0.34
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB2	19	0.34
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB3	19	0.34
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD11	15	0.34
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD12	15	0.34
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD13	15	0.34
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD21	15	0.34
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD22	15	0.34
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD23	15	0.34
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD11	15	0.34
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD12	15	0.34
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD13	15	0.34
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD21	15	0.34
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD22	15	0.34
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD23	15	0.34
(4,834)	1:99:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	13	0.34
(4,834)	1:99:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	13	0.34
(4,834)	1:99:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	13	0.34
(4,834)	1:99:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	13	0.34
(4,834)	1:99:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	13	0.34
(4,834)	1:99:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	13	0.34
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB2	13	0.34
(4,614)	1:55:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB3	13	0.34
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB2	13	0.34
(4,614)	1:55:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB3	13	0.34
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB2	13	0.34
(4,614)	1:55:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB3	13	0.34
(4,554)	1:221:A:GLU:HA	1:224:A:LEU:HA	16	0.34
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD21	5	0.34
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD22	5	0.34
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD21	5	0.34
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD22	5	0.34
(4,418)	1:14:A:ASN:H	1:16:A:GLU:H	16	0.34
(4,409)	1:143:A:LYS:HG2	1:145:A:ASN:H	6	0.34
(4,409)	1:143:A:LYS:HG3	1:145:A:ASN:H	6	0.34
(4,391)	1:44:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	2	0.34
(4,391)	1:44:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	2	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,391)	1:44:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	2	0.34
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD11	8	0.34
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD12	8	0.34
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD13	8	0.34
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD21	8	0.34
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD22	8	0.34
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD23	8	0.34
(4,230)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HB2	4	0.34
(4,164)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG12	12	0.34
(4,149)	1:234:A:ASN:HD21	1:236:A:GLU:H	2	0.34
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD21	12	0.34
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD22	12	0.34
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD23	12	0.34
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD21	14	0.34
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD22	14	0.34
(4,110)	1:194:A:SER:H	1:206:A:LEU:HD23	14	0.34
(4,71)	1:177:A:ILE:HD11	1:194:A:SER:H	20	0.34
(4,71)	1:177:A:ILE:HD12	1:194:A:SER:H	20	0.34
(4,71)	1:177:A:ILE:HD13	1:194:A:SER:H	20	0.34
(4,66)	1:198:A:ALA:H	1:200:A:ASP:H	14	0.34
(4,60)	1:79:A:VAL:HG11	1:190:A:TYR:H	3	0.34
(4,60)	1:79:A:VAL:HG12	1:190:A:TYR:H	3	0.34
(4,60)	1:79:A:VAL:HG13	1:190:A:TYR:H	3	0.34
(4,49)	1:106:A:LEU:HD11	1:109:A:GLY:H	1	0.34
(4,49)	1:106:A:LEU:HD12	1:109:A:GLY:H	1	0.34
(4,49)	1:106:A:LEU:HD13	1:109:A:GLY:H	1	0.34
(4,49)	1:106:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:H	1	0.34
(4,49)	1:106:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:H	1	0.34
(4,49)	1:106:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:H	1	0.34
(3,19)	1:55:A:ILE:H	1:170:A:TYR:O	16	0.34
(3,17)	1:59:A:PHE:H	1:166:A:HIS:O	3	0.34
(3,12)	1:34:A:PHE:O	1:230:A:GLY:H	6	0.34
(2,534)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	17	0.34
(1,465)	1:5:A:ASN:ND2	1:22:A:ALA:H	14	0.34
(1,281)	1:5:A:ASN:ND2	1:91:A:GLY:H	1	0.34
(1,227)	1:158:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	18	0.34
(1,220)	1:225:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	1	0.34
(1,176)	1:84:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	5	0.34
(5,738)	1:5:A:ASN:ND2	1:234:A:ASN:H	19	0.33
(5,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	19	0.33
(5,501)	1:5:A:ASN:ND2	1:171:A:VAL:H	3	0.33
(5,493)	1:5:A:ASN:ND2	1:59:A:PHE:H	8	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,276)	1:150:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	7	0.33
(5,275)	1:40:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	1	0.33
(5,73)	1:89:A:ALA:H	1:104:A:SER:OG	3	0.33
(4,4290)	1:198:A:ALA:HB1	1:200:A:ASP:HA	17	0.33
(4,4290)	1:198:A:ALA:HB2	1:200:A:ASP:HA	17	0.33
(4,4290)	1:198:A:ALA:HB3	1:200:A:ASP:HA	17	0.33
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD1	1:193:A:LYS:H	3	0.33
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD2	1:193:A:LYS:H	3	0.33
(4,4274)	1:171:A:VAL:H	1:179:A:GLU:H	4	0.33
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:H	18	0.33
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:H	18	0.33
(4,4252)	1:45:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:H	18	0.33
(4,4251)	1:81:A:TRP:HH2	1:184:A:ASN:H	7	0.33
(4,4251)	1:81:A:TRP:HH2	1:184:A:ASN:H	9	0.33
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG11	1:230:A:GLY:H	5	0.33
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG12	1:230:A:GLY:H	5	0.33
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG13	1:230:A:GLY:H	5	0.33
(4,4157)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:H	9	0.33
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD11	9	0.33
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD12	9	0.33
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD13	9	0.33
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD21	9	0.33
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD22	9	0.33
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD23	9	0.33
(4,4126)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG11	11	0.33
(4,4126)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG12	11	0.33
(4,4126)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG13	11	0.33
(4,4122)	1:81:A:TRP:HH2	1:187:A:GLY:H	15	0.33
(4,4070)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:H	2	0.33
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB1	1:169:A:THR:HG21	6	0.33
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB1	1:169:A:THR:HG22	6	0.33
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB1	1:169:A:THR:HG23	6	0.33
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB2	1:169:A:THR:HG21	6	0.33
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB2	1:169:A:THR:HG22	6	0.33
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB2	1:169:A:THR:HG23	6	0.33
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB3	1:169:A:THR:HG21	6	0.33
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB3	1:169:A:THR:HG22	6	0.33
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB3	1:169:A:THR:HG23	6	0.33
(4,4060)	1:93:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:H	17	0.33
(4,4060)	1:93:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:H	17	0.33
(4,4054)	1:23:A:HIS:HD2	1:24:A:LYS:H	7	0.33
(4,4047)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:H	8	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3912)	1:137:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HA	11	0.33
(4,3912)	1:137:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HA	11	0.33
(4,3890)	1:184:A:ASN:HD21	1:185:A:LEU:H	1	0.33
(4,3890)	1:184:A:ASN:HD22	1:185:A:LEU:H	1	0.33
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:HA	16	0.33
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:HA	16	0.33
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:HA	16	0.33
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HA	16	0.33
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HA	16	0.33
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HA	16	0.33
(4,3743)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB2	13	0.33
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG21	1:56:A:VAL:HB	10	0.33
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG22	1:56:A:VAL:HB	10	0.33
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG23	1:56:A:VAL:HB	10	0.33
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG2	1:147:A:GLN:H	3	0.33
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG3	1:147:A:GLN:H	3	0.33
(4,3547)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HD11	1	0.33
(4,3547)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HD12	1	0.33
(4,3547)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HD13	1	0.33
(4,3489)	1:132:A:VAL:HB	1:135:A:ASP:H	4	0.33
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD11	15	0.33
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD12	15	0.33
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD13	15	0.33
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD21	15	0.33
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD22	15	0.33
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD23	15	0.33
(4,3394)	1:90:A:CYS:HB2	1:167:A:TYR:H	12	0.33
(4,3394)	1:90:A:CYS:HB3	1:167:A:TYR:H	12	0.33
(4,3364)	1:65:A:ARG:HA	1:67:A:SER:HB2	3	0.33
(4,3364)	1:65:A:ARG:HA	1:67:A:SER:HB3	3	0.33
(4,3355)	1:54:A:ALA:HA	1:170:A:TYR:H	12	0.33
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB1	1:94:A:ALA:H	19	0.33
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB2	1:94:A:ALA:H	19	0.33
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB3	1:94:A:ALA:H	19	0.33
(4,3319)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:H	19	0.33
(4,3298)	1:190:A:TYR:H	1:191:A:LEU:H	4	0.33
(4,3298)	1:190:A:TYR:H	1:191:A:LEU:H	5	0.33
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG21	1:64:A:ASP:H	8	0.33
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG22	1:64:A:ASP:H	8	0.33
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG23	1:64:A:ASP:H	8	0.33
(4,3222)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:H	10	0.33
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD11	11	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD12	11	0.33
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD13	11	0.33
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD21	11	0.33
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD22	11	0.33
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD23	11	0.33
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD11	11	0.33
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD12	11	0.33
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD13	11	0.33
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD21	11	0.33
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD22	11	0.33
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD23	11	0.33
(4,3182)	1:184:A:ASN:HD21	1:186:A:SER:H	8	0.33
(4,3182)	1:184:A:ASN:HD22	1:186:A:SER:H	8	0.33
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HD1	2	0.33
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HD2	2	0.33
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HD1	2	0.33
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HD2	2	0.33
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HD1	2	0.33
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HD2	2	0.33
(4,3154)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:H	5	0.33
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD11	12	0.33
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD12	12	0.33
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD13	12	0.33
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD21	12	0.33
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD22	12	0.33
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD23	12	0.33
(4,3015)	1:17:A:VAL:HG21	1:152:A:GLY:H	10	0.33
(4,3015)	1:17:A:VAL:HG22	1:152:A:GLY:H	10	0.33
(4,3015)	1:17:A:VAL:HG23	1:152:A:GLY:H	10	0.33
(4,2938)	1:27:A:LEU:HA	1:105:A:LEU:HB2	13	0.33
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD21	1	0.33
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	1	0.33
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	12	0.33
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	12	0.33
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	12	0.33
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	6	0.33
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	6	0.33
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	6	0.33
(4,2874)	1:92:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:CG2	8	0.33
(4,2874)	1:92:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:CG2	8	0.33
(4,2874)	1:92:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:CG2	8	0.33
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB1	4	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB2	4	0.33
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB3	4	0.33
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB1	4	0.33
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB2	4	0.33
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB3	4	0.33
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB1	4	0.33
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB2	4	0.33
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB3	4	0.33
(4,2836)	1:98:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	14	0.33
(4,2732)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:H	13	0.33
(4,2732)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:H	19	0.33
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG11	5	0.33
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG12	5	0.33
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG13	5	0.33
(4,2688)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HD21	11	0.33
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG21	1:229:A:LEU:H	18	0.33
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG22	1:229:A:LEU:H	18	0.33
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG23	1:229:A:LEU:H	18	0.33
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:HB2	18	0.33
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:HB2	18	0.33
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:HB2	18	0.33
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD11	15	0.33
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD12	15	0.33
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD13	15	0.33
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD21	15	0.33
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD22	15	0.33
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD23	15	0.33
(4,2585)	1:111:A:ASP:HA	1:114:A:ASN:HD22	3	0.33
(4,2543)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:HB	18	0.33
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD1	7	0.33
(4,2463)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HD2	7	0.33
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:H	19	0.33
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:H	19	0.33
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:H	19	0.33
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:H	19	0.33
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:H	19	0.33
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:H	19	0.33
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD11	8	0.33
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD12	8	0.33
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD13	8	0.33
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG2	12	0.33
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG3	12	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:H	11	0.33
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:H	11	0.33
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:H	11	0.33
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:H	11	0.33
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:H	11	0.33
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:H	11	0.33
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:H	19	0.33
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:H	19	0.33
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:H	19	0.33
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:H	19	0.33
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:H	19	0.33
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:H	19	0.33
(4,2405)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HA	6	0.33
(4,2405)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HA	6	0.33
(4,2368)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HB3	11	0.33
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG21	7	0.33
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG22	7	0.33
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG23	7	0.33
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:H	8	0.33
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:H	8	0.33
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:H	8	0.33
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:H	8	0.33
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:H	8	0.33
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:H	8	0.33
(4,2263)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:H	16	0.33
(4,2241)	1:150:A:SER:HA	1:152:A:GLY:H	14	0.33
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD11	18	0.33
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD12	18	0.33
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD11	1:61:A:ILE:HD13	18	0.33
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD11	18	0.33
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD12	18	0.33
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD12	1:61:A:ILE:HD13	18	0.33
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD11	18	0.33
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD12	18	0.33
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD13	1:61:A:ILE:HD13	18	0.33
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD11	18	0.33
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD12	18	0.33
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD21	1:61:A:ILE:HD13	18	0.33
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD11	18	0.33
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD12	18	0.33
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD22	1:61:A:ILE:HD13	18	0.33
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD11	18	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD12	18	0.33
(4,2238)	1:57:A:LEU:HD23	1:61:A:ILE:HD13	18	0.33
(4,2234)	1:4:A:GLU:H	1:146:A:VAL:H	8	0.33
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG21	5	0.33
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG22	5	0.33
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG23	5	0.33
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	7	0.33
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	7	0.33
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	7	0.33
(4,2196)	1:18:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	12	0.33
(4,2196)	1:18:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	12	0.33
(4,2168)	1:38:A:SER:H	1:41:A:GLU:H	1	0.33
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD21	1:147:A:GLN:H	1	0.33
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD22	1:147:A:GLN:H	1	0.33
(4,2100)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HE3	12	0.33
(4,2007)	1:68:A:SER:H	1:70:A:SER:H	6	0.33
(4,1975)	1:44:A:LEU:HA	1:48:A:LEU:H	15	0.33
(4,1973)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	1	0.33
(4,1823)	1:181:A:ASP:HB2	1:189:A:LEU:HB2	15	0.33
(4,1823)	1:181:A:ASP:HB2	1:189:A:LEU:HB3	15	0.33
(4,1823)	1:181:A:ASP:HB3	1:189:A:LEU:HB2	15	0.33
(4,1823)	1:181:A:ASP:HB3	1:189:A:LEU:HB3	15	0.33
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:CG1	11	0.33
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:CG1	11	0.33
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:CG1	11	0.33
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG11	1:202:A:ILE:HB	14	0.33
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG12	1:202:A:ILE:HB	14	0.33
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG13	1:202:A:ILE:HB	14	0.33
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD11	19	0.33
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD12	19	0.33
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD13	19	0.33
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD21	19	0.33
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD22	19	0.33
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD23	19	0.33
(4,1522)	1:218:A:ALA:HB1	1:223:A:VAL:HB	15	0.33
(4,1522)	1:218:A:ALA:HB2	1:223:A:VAL:HB	15	0.33
(4,1522)	1:218:A:ALA:HB3	1:223:A:VAL:HB	15	0.33
(4,1448)	1:54:A:ALA:H	1:102:A:ASN:HD21	11	0.33
(4,1448)	1:54:A:ALA:H	1:102:A:ASN:HD22	11	0.33
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD1	1:227:A:ALA:H	7	0.33
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD2	1:227:A:ALA:H	7	0.33
(4,1412)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HA	6	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD11	19	0.33
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD12	19	0.33
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD13	19	0.33
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD21	1:96:A:LEU:H	3	0.33
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD22	1:96:A:LEU:H	3	0.33
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD23	1:96:A:LEU:H	3	0.33
(4,1353)	1:29:A:ASN:H	1:29:A:ASN:HD22	4	0.33
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG11	11	0.33
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG12	11	0.33
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG13	11	0.33
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG21	11	0.33
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG22	11	0.33
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG23	11	0.33
(4,1248)	1:31:A:TRP:HB3	1:231:A:LEU:HD11	10	0.33
(4,1248)	1:31:A:TRP:HB3	1:231:A:LEU:HD12	10	0.33
(4,1248)	1:31:A:TRP:HB3	1:231:A:LEU:HD13	10	0.33
(4,1248)	1:31:A:TRP:HB3	1:231:A:LEU:HD21	10	0.33
(4,1248)	1:31:A:TRP:HB3	1:231:A:LEU:HD22	10	0.33
(4,1248)	1:31:A:TRP:HB3	1:231:A:LEU:HD23	10	0.33
(4,1184)	1:97:A:HIS:HD1	1:169:A:THR:H	6	0.33
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	18	0.33
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:H	18	0.33
(4,1136)	1:177:A:ILE:H	1:193:A:LYS:HB2	2	0.33
(4,1136)	1:177:A:ILE:H	1:193:A:LYS:HB3	2	0.33
(4,1113)	1:233:A:PRO:HA	1:235:A:TRP:H	7	0.33
(4,1092)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:H	8	0.33
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD11	1:38:A:SER:H	17	0.33
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD12	1:38:A:SER:H	17	0.33
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD13	1:38:A:SER:H	17	0.33
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD11	1:38:A:SER:H	18	0.33
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD12	1:38:A:SER:H	18	0.33
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD13	1:38:A:SER:H	18	0.33
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG21	1	0.33
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG22	1	0.33
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG23	1	0.33
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG21	9	0.33
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG22	9	0.33
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG23	9	0.33
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG21	12	0.33
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG22	12	0.33
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG23	12	0.33
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG21	1:93:A:TYR:HD1	17	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG21	1:93:A:TYR:HD2	17	0.33
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG22	1:93:A:TYR:HD1	17	0.33
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG22	1:93:A:TYR:HD2	17	0.33
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG23	1:93:A:TYR:HD1	17	0.33
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG23	1:93:A:TYR:HD2	17	0.33
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG12	3	0.33
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG13	3	0.33
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG12	3	0.33
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG13	3	0.33
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG12	3	0.33
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG13	3	0.33
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG12	3	0.33
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG13	3	0.33
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG12	3	0.33
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG13	3	0.33
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG12	3	0.33
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG13	3	0.33
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB1	2	0.33
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB2	2	0.33
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB3	2	0.33
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD21	6	0.33
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD22	6	0.33
(4,1012)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD23	6	0.33
(4,992)	1:81:A:TRP:HE1	1:84:A:GLN:H	6	0.33
(4,983)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:H	5	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD11	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD12	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD13	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD21	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD22	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD23	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD11	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD12	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD13	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD21	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD22	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD23	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD11	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD12	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD13	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD21	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD22	6	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD23	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD11	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD12	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD13	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD21	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD22	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD23	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD11	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD12	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD13	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD21	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD22	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD23	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD11	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD12	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD13	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD21	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD22	6	0.33
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD23	6	0.33
(4,887)	1:100:A:SER:HB2	1:127:A:ASN:HA	4	0.33
(4,887)	1:100:A:SER:HB3	1:127:A:ASN:HA	4	0.33
(4,853)	1:76:A:SER:HA	1:79:A:VAL:H	13	0.33
(4,829)	1:73:A:ILE:HD11	1:187:A:GLY:H	11	0.33
(4,829)	1:73:A:ILE:HD12	1:187:A:GLY:H	11	0.33
(4,829)	1:73:A:ILE:HD13	1:187:A:GLY:H	11	0.33
(4,786)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:H	1	0.33
(4,786)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:H	1	0.33
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB2	1	0.33
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB3	1	0.33
(4,770)	1:39:A:LEU:HA	1:41:A:GLU:HB2	5	0.33
(4,751)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:H	1	0.33
(4,751)	1:2:A:SER:HB3	1:4:A:GLU:H	1	0.33
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG21	12	0.33
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG22	12	0.33
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG23	12	0.33
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG21	14	0.33
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG22	14	0.33
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG23	14	0.33
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD11	6	0.33
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD12	6	0.33
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD13	6	0.33
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD21	6	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD22	6	0.33
(4,723)	1:55:A:ILE:HB	1:57:A:LEU:HD23	6	0.33
(4,636)	1:33:A:TYR:HD1	1:229:A:LEU:HD11	4	0.33
(4,636)	1:33:A:TYR:HD1	1:229:A:LEU:HD12	4	0.33
(4,636)	1:33:A:TYR:HD1	1:229:A:LEU:HD13	4	0.33
(4,636)	1:33:A:TYR:HD2	1:229:A:LEU:HD11	4	0.33
(4,636)	1:33:A:TYR:HD2	1:229:A:LEU:HD12	4	0.33
(4,636)	1:33:A:TYR:HD2	1:229:A:LEU:HD13	4	0.33
(4,608)	1:77:A:TYR:H	1:77:A:TYR:HE1	15	0.33
(4,608)	1:77:A:TYR:H	1:77:A:TYR:HE2	15	0.33
(4,607)	1:92:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:CG2	20	0.33
(4,607)	1:92:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:CG2	20	0.33
(4,607)	1:92:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:CG2	20	0.33
(4,593)	1:17:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:CG2	4	0.33
(4,593)	1:17:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:CG2	4	0.33
(4,593)	1:17:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:CG2	4	0.33
(4,593)	1:17:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:CG2	4	0.33
(4,593)	1:17:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:CG2	4	0.33
(4,593)	1:17:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:CG2	4	0.33
(4,570)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:HG2	17	0.33
(4,570)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:HG3	17	0.33
(4,570)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:HG2	19	0.33
(4,570)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:HG3	19	0.33
(4,540)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:H	16	0.33
(4,514)	1:109:A:GLY:HA2	1:113:A:ASP:H	2	0.33
(4,514)	1:109:A:GLY:HA2	1:113:A:ASP:H	19	0.33
(4,496)	1:79:A:VAL:HG21	1:189:A:LEU:H	8	0.33
(4,496)	1:79:A:VAL:HG22	1:189:A:LEU:H	8	0.33
(4,496)	1:79:A:VAL:HG23	1:189:A:LEU:H	8	0.33
(4,482)	1:87:A:LYS:HG2	1:90:A:CYS:H	19	0.33
(4,482)	1:87:A:LYS:HG3	1:90:A:CYS:H	19	0.33
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG21	19	0.33
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG22	19	0.33
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG23	19	0.33
(4,443)	1:20:A:ASN:HB2	1:23:A:HIS:H	10	0.33
(4,443)	1:20:A:ASN:HB3	1:23:A:HIS:H	10	0.33
(4,422)	1:43:A:GLU:HG2	1:45:A:LEU:H	7	0.33
(4,422)	1:43:A:GLU:HG3	1:45:A:LEU:H	7	0.33
(4,422)	1:43:A:GLU:HG2	1:45:A:LEU:H	19	0.33
(4,422)	1:43:A:GLU:HG3	1:45:A:LEU:H	19	0.33
(4,391)	1:44:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	19	0.33
(4,391)	1:44:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	19	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,391)	1:44:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	19	0.33
(4,341)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HB	9	0.33
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	5	0.33
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	5	0.33
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	5	0.33
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	5	0.33
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	5	0.33
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	5	0.33
(4,199)	1:66:A:LYS:H	1:68:A:SER:H	6	0.33
(4,194)	1:146:A:VAL:HA	1:150:A:SER:H	16	0.33
(4,185)	1:177:A:ILE:HG21	1:192:A:GLY:HA3	19	0.33
(4,185)	1:177:A:ILE:HG22	1:192:A:GLY:HA3	19	0.33
(4,185)	1:177:A:ILE:HG23	1:192:A:GLY:HA3	19	0.33
(4,171)	1:50:A:ARG:H	1:50:A:ARG:HD3	11	0.33
(4,167)	1:210:A:ARG:H	1:213:A:SER:HB2	6	0.33
(4,167)	1:210:A:ARG:H	1:213:A:SER:HB3	6	0.33
(4,165)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	15	0.33
(4,165)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	15	0.33
(4,165)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	15	0.33
(4,66)	1:198:A:ALA:H	1:200:A:ASP:H	4	0.33
(4,66)	1:198:A:ALA:H	1:200:A:ASP:H	10	0.33
(4,61)	1:29:A:ASN:H	1:30:A:GLU:HG2	17	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG11	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG12	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG13	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG21	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG22	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG23	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG11	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG12	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG13	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG21	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG22	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG23	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG11	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG12	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG13	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG21	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG22	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG23	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG11	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG12	10	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG13	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG21	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG22	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG23	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG11	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG12	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG13	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG21	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG22	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG23	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG11	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG12	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG13	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG21	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG22	10	0.33
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG23	10	0.33
(3,17)	1:59:A:PHE:H	1:166:A:HIS:O	6	0.33
(2,547)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	5	0.33
(2,529)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	8	0.33
(2,29)	1:102:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	16	0.33
(1,230)	1:23:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	6	0.33
(1,195)	1:16:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	8	0.33
(1,154)	1:172:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	16	0.33
(1,135)	1:213:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	10	0.33
(5,813)	1:5:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	7	0.32
(5,531)	1:5:A:ASN:ND2	1:190:A:TYR:H	13	0.32
(5,428)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	14	0.32
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB2	1:207:A:VAL:HG21	17	0.32
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB2	1:207:A:VAL:HG22	17	0.32
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB2	1:207:A:VAL:HG23	17	0.32
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB3	1:207:A:VAL:HG21	17	0.32
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB3	1:207:A:VAL:HG22	17	0.32
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB3	1:207:A:VAL:HG23	17	0.32
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG11	10	0.32
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG12	10	0.32
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG13	10	0.32
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG21	10	0.32
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG22	10	0.32
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG23	10	0.32
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG11	10	0.32
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG12	10	0.32
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG13	10	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG21	10	0.32
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG22	10	0.32
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG23	10	0.32
(4,4278)	1:66:A:LYS:HB2	1:217:A:ASN:HB2	17	0.32
(4,4278)	1:66:A:LYS:HB2	1:217:A:ASN:HB3	17	0.32
(4,4278)	1:66:A:LYS:HB3	1:217:A:ASN:HB2	17	0.32
(4,4278)	1:66:A:LYS:HB3	1:217:A:ASN:HB3	17	0.32
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB3	5	0.32
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB3	5	0.32
(4,4178)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB3	5	0.32
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD11	3	0.32
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD12	3	0.32
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD13	3	0.32
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD21	3	0.32
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD22	3	0.32
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD23	3	0.32
(4,4128)	1:51:A:PRO:HA	1:52:A:VAL:HB	18	0.32
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:H	4	0.32
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:H	4	0.32
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE21	2	0.32
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE22	2	0.32
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG12	1	0.32
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG13	1	0.32
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG12	4	0.32
(4,4052)	1:166:A:HIS:H	1:168:A:ILE:HG13	4	0.32
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD1	3	0.32
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD2	3	0.32
(4,4013)	1:11:A:ILE:HG12	1:14:A:ASN:H	12	0.32
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD11	17	0.32
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD12	17	0.32
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD13	17	0.32
(4,3923)	1:59:A:PHE:HB2	1:226:A:PHE:HD1	6	0.32
(4,3923)	1:59:A:PHE:HB2	1:226:A:PHE:HD2	6	0.32
(4,3923)	1:59:A:PHE:HB3	1:226:A:PHE:HD1	6	0.32
(4,3923)	1:59:A:PHE:HB3	1:226:A:PHE:HD2	6	0.32
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:HA	10	0.32
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:HA	10	0.32
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:HA	10	0.32
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:HA	10	0.32
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:HA	10	0.32
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:HA	10	0.32
(4,3912)	1:137:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HA	5	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3912)	1:137:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HA	5	0.32
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE1	1:152:A:GLY:H	20	0.32
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE2	1:152:A:GLY:H	20	0.32
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD11	1:100:A:SER:H	17	0.32
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD12	1:100:A:SER:H	17	0.32
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD13	1:100:A:SER:H	17	0.32
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD11	1	0.32
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD12	1	0.32
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD13	1	0.32
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD21	1	0.32
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD22	1	0.32
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG2	1:229:A:LEU:HD23	1	0.32
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD11	1	0.32
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD12	1	0.32
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD13	1	0.32
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD21	1	0.32
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD22	1	0.32
(4,3883)	1:15:A:PRO:HG3	1:229:A:LEU:HD23	1	0.32
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD21	6	0.32
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD22	6	0.32
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD23	6	0.32
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD21	12	0.32
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD22	12	0.32
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD23	12	0.32
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB2	15	0.32
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB2	15	0.32
(4,3817)	1:195:A:ASP:HB2	1:204:A:GLN:HE21	17	0.32
(4,3817)	1:195:A:ASP:HB2	1:204:A:GLN:HE22	17	0.32
(4,3817)	1:195:A:ASP:HB3	1:204:A:GLN:HE21	17	0.32
(4,3817)	1:195:A:ASP:HB3	1:204:A:GLN:HE22	17	0.32
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:H	7	0.32
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:H	7	0.32
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:H	7	0.32
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:H	15	0.32
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:H	15	0.32
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:H	15	0.32
(4,3743)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB2	3	0.32
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD11	8	0.32
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD12	8	0.32
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD13	8	0.32
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD21	8	0.32
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD22	8	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD23	8	0.32
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB2	1:172:A:GLU:H	2	0.32
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB3	1:172:A:GLU:H	2	0.32
(4,3719)	1:102:A:ASN:H	1:103:A:GLN:HB2	15	0.32
(4,3719)	1:102:A:ASN:H	1:103:A:GLN:HB3	15	0.32
(4,3680)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	8	0.32
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG21	1:75:A:SER:HB2	14	0.32
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG21	1:75:A:SER:HB3	14	0.32
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG22	1:75:A:SER:HB2	14	0.32
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG22	1:75:A:SER:HB3	14	0.32
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG23	1:75:A:SER:HB2	14	0.32
(4,3666)	1:73:A:ILE:HG23	1:75:A:SER:HB3	14	0.32
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB1	20	0.32
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB2	20	0.32
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB3	20	0.32
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD21	12	0.32
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD22	12	0.32
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD23	12	0.32
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD11	13	0.32
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD12	13	0.32
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD13	13	0.32
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD21	13	0.32
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD22	13	0.32
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD23	13	0.32
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD11	13	0.32
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD12	13	0.32
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD13	13	0.32
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD21	13	0.32
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD22	13	0.32
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD23	13	0.32
(4,3489)	1:132:A:VAL:HB	1:135:A:ASP:H	1	0.32
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE1	9	0.32
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE2	9	0.32
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE1	9	0.32
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE2	9	0.32
(4,3434)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:H	1	0.32
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD11	1	0.32
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD12	1	0.32
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD13	1	0.32
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD21	1	0.32
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD22	1	0.32
(4,3420)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:HD23	1	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3364)	1:65:A:ARG:HA	1:67:A:SER:HB2	6	0.32
(4,3364)	1:65:A:ARG:HA	1:67:A:SER:HB3	6	0.32
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	13	0.32
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	13	0.32
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	13	0.32
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	13	0.32
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	13	0.32
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	13	0.32
(4,3333)	1:177:A:ILE:HG12	1:194:A:SER:HB2	18	0.32
(4,3333)	1:177:A:ILE:HG12	1:194:A:SER:HB3	18	0.32
(4,3333)	1:177:A:ILE:HG13	1:194:A:SER:HB2	18	0.32
(4,3333)	1:177:A:ILE:HG13	1:194:A:SER:HB3	18	0.32
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HG11	11	0.32
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HG12	11	0.32
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HG13	11	0.32
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HG21	11	0.32
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HG22	11	0.32
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HG23	11	0.32
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HG11	11	0.32
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HG12	11	0.32
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HG13	11	0.32
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HG21	11	0.32
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HG22	11	0.32
(4,3316)	1:82:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HG23	11	0.32
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB1	15	0.32
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB2	15	0.32
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:HB3	15	0.32
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB1	15	0.32
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB2	15	0.32
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:HB3	15	0.32
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB1	15	0.32
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB2	15	0.32
(4,3311)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:HB3	15	0.32
(4,3298)	1:190:A:TYR:H	1:191:A:LEU:H	1	0.32
(4,3298)	1:190:A:TYR:H	1:191:A:LEU:H	9	0.32
(4,3298)	1:190:A:TYR:H	1:191:A:LEU:H	17	0.32
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD1	1	0.32
(4,3291)	1:23:A:HIS:H	1:33:A:TYR:HD2	1	0.32
(4,3286)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HA	14	0.32
(4,3264)	1:79:A:VAL:HB	1:173:A:GLU:H	6	0.32
(4,3229)	1:41:A:GLU:HB3	1:44:A:LEU:HD11	4	0.32
(4,3229)	1:41:A:GLU:HB3	1:44:A:LEU:HD12	4	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3229)	1:41:A:GLU:HB3	1:44:A:LEU:HD13	4	0.32
(4,3222)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:H	7	0.32
(4,3206)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:H	16	0.32
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HD1	12	0.32
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HD2	12	0.32
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HD1	12	0.32
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HD2	12	0.32
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HD1	12	0.32
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HD2	12	0.32
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD11	8	0.32
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD12	8	0.32
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD13	8	0.32
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD11	8	0.32
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD12	8	0.32
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD13	8	0.32
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD11	8	0.32
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD12	8	0.32
(4,3174)	1:27:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD13	8	0.32
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB2	1	0.32
(4,3161)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HB3	1	0.32
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD11	7	0.32
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD12	7	0.32
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD13	7	0.32
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD21	7	0.32
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD22	7	0.32
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD23	7	0.32
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD11	7	0.32
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD12	7	0.32
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD13	7	0.32
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD21	7	0.32
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD22	7	0.32
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD23	7	0.32
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD11	7	0.32
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD12	7	0.32
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD13	7	0.32
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD21	7	0.32
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD22	7	0.32
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD23	7	0.32
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD11	1:126:A:LYS:H	3	0.32
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD12	1:126:A:LYS:H	3	0.32
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD13	1:126:A:LYS:H	3	0.32
(4,3022)	1:201:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:H	18	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3022)	1:201:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:H	18	0.32
(4,3022)	1:201:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:H	18	0.32
(4,3022)	1:201:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:H	18	0.32
(4,3022)	1:201:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:H	18	0.32
(4,3022)	1:201:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:H	18	0.32
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD11	17	0.32
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD12	17	0.32
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD13	17	0.32
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD21	17	0.32
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD22	17	0.32
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD23	17	0.32
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD11	17	0.32
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD12	17	0.32
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD13	17	0.32
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD21	17	0.32
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD22	17	0.32
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD23	17	0.32
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD11	17	0.32
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD12	17	0.32
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD13	17	0.32
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD21	17	0.32
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD22	17	0.32
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD23	17	0.32
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE1	18	0.32
(4,2973)	1:33:A:TYR:H	1:33:A:TYR:HE2	18	0.32
(4,2958)	1:52:A:VAL:H	1:54:A:ALA:H	1	0.32
(4,2958)	1:52:A:VAL:H	1:54:A:ALA:H	10	0.32
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB2	20	0.32
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB3	20	0.32
(4,2902)	1:79:A:VAL:H	1:188:A:PRO:HG2	1	0.32
(4,2902)	1:79:A:VAL:H	1:188:A:PRO:HG3	1	0.32
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB1	8	0.32
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB2	8	0.32
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB3	8	0.32
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB1	8	0.32
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB2	8	0.32
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB3	8	0.32
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB1	8	0.32
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB2	8	0.32
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB3	8	0.32
(4,2826)	1:53:A:LYS:HB2	1:231:A:LEU:H	11	0.32
(4,2826)	1:53:A:LYS:HB3	1:231:A:LEU:H	11	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB1	8	0.32
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB2	8	0.32
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB3	8	0.32
(4,2796)	1:41:A:GLU:HB3	1:43:A:GLU:HA	6	0.32
(4,2732)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:H	11	0.32
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD11	1:145:A:ASN:H	1	0.32
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD12	1:145:A:ASN:H	1	0.32
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD13	1:145:A:ASN:H	1	0.32
(4,2640)	1:204:A:GLN:H	1:206:A:LEU:H	13	0.32
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD11	17	0.32
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD12	17	0.32
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD13	17	0.32
(4,2598)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:HD22	1	0.32
(4,2585)	1:111:A:ASP:HA	1:114:A:ASN:HD22	15	0.32
(4,2560)	1:142:A:ILE:HB	1:143:A:LYS:HA	7	0.32
(4,2559)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD21	4	0.32
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:H	9	0.32
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:H	9	0.32
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD11	18	0.32
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD12	18	0.32
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD13	18	0.32
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD21	18	0.32
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD22	18	0.32
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD23	18	0.32
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HB	3	0.32
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HB	3	0.32
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HB	3	0.32
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:H	15	0.32
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:H	15	0.32
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:H	15	0.32
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD21	1:167:A:TYR:H	15	0.32
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD22	1:167:A:TYR:H	15	0.32
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD23	1:167:A:TYR:H	15	0.32
(4,2482)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:SER:HG	6	0.32
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:H	9	0.32
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:H	9	0.32
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:H	9	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD11	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD12	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD13	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD21	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD22	7	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD23	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD11	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD12	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD13	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD21	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD22	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD23	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD11	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD12	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD13	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD21	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD22	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD23	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD11	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD12	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD13	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD21	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD22	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD23	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD11	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD12	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD13	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD21	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD22	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD23	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD11	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD12	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD13	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD21	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD22	7	0.32
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD23	7	0.32
(4,2314)	1:107:A:GLU:H	1:110:A:SER:HG	7	0.32
(4,2308)	1:189:A:LEU:HD11	1:190:A:TYR:HD1	20	0.32
(4,2308)	1:189:A:LEU:HD11	1:190:A:TYR:HD2	20	0.32
(4,2308)	1:189:A:LEU:HD12	1:190:A:TYR:HD1	20	0.32
(4,2308)	1:189:A:LEU:HD12	1:190:A:TYR:HD2	20	0.32
(4,2308)	1:189:A:LEU:HD13	1:190:A:TYR:HD1	20	0.32
(4,2308)	1:189:A:LEU:HD13	1:190:A:TYR:HD2	20	0.32
(4,2308)	1:189:A:LEU:HD21	1:190:A:TYR:HD1	20	0.32
(4,2308)	1:189:A:LEU:HD21	1:190:A:TYR:HD2	20	0.32
(4,2308)	1:189:A:LEU:HD22	1:190:A:TYR:HD1	20	0.32
(4,2308)	1:189:A:LEU:HD22	1:190:A:TYR:HD2	20	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2308)	1:189:A:LEU:HD23	1:190:A:TYR:HD1	20	0.32
(4,2308)	1:189:A:LEU:HD23	1:190:A:TYR:HD2	20	0.32
(4,2280)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:H	14	0.32
(4,2280)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:H	18	0.32
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:H	13	0.32
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:H	13	0.32
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:H	13	0.32
(4,2261)	1:54:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:H	4	0.32
(4,2261)	1:54:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:H	4	0.32
(4,2261)	1:54:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:H	4	0.32
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD11	10	0.32
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD12	10	0.32
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD13	10	0.32
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD21	10	0.32
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD22	10	0.32
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD23	10	0.32
(4,2231)	1:163:A:THR:H	1:165:A:LEU:H	11	0.32
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	5	0.32
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	5	0.32
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	5	0.32
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE21	12	0.32
(4,2197)	1:79:A:VAL:HA	1:103:A:GLN:HE22	12	0.32
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	4	0.32
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	4	0.32
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	4	0.32
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	4	0.32
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	4	0.32
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	4	0.32
(4,2162)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	11	0.32
(4,2155)	1:141:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	6	0.32
(4,2155)	1:141:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	6	0.32
(4,2155)	1:141:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	6	0.32
(4,2137)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:H	17	0.32
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG21	3	0.32
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG22	3	0.32
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG23	3	0.32
(4,1964)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:H	8	0.32
(4,1964)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:H	15	0.32
(4,1914)	1:19:A:THR:HG21	1:32:A:ALA:H	16	0.32
(4,1914)	1:19:A:THR:HG22	1:32:A:ALA:H	16	0.32
(4,1914)	1:19:A:THR:HG23	1:32:A:ALA:H	16	0.32
(4,1882)	1:98:A:SER:HG	1:100:A:SER:H	20	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1823)	1:181:A:ASP:HB2	1:189:A:LEU:HB2	6	0.32
(4,1823)	1:181:A:ASP:HB2	1:189:A:LEU:HB3	6	0.32
(4,1823)	1:181:A:ASP:HB3	1:189:A:LEU:HB2	6	0.32
(4,1823)	1:181:A:ASP:HB3	1:189:A:LEU:HB3	6	0.32
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG11	2	0.32
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG12	2	0.32
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG13	2	0.32
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG21	2	0.32
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG22	2	0.32
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG23	2	0.32
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG11	2	0.32
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG12	2	0.32
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG13	2	0.32
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG21	2	0.32
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG22	2	0.32
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG23	2	0.32
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD11	1:100:A:SER:H	2	0.32
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD12	1:100:A:SER:H	2	0.32
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD13	1:100:A:SER:H	2	0.32
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	2	0.32
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	2	0.32
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	2	0.32
(4,1739)	1:222:A:ASP:H	1:224:A:LEU:H	16	0.32
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD11	17	0.32
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD12	17	0.32
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD13	17	0.32
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD11	17	0.32
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD12	17	0.32
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD13	17	0.32
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD11	17	0.32
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD12	17	0.32
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD13	17	0.32
(4,1602)	1:199:A:THR:H	1:202:A:ILE:H	8	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD11	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD12	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD13	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD21	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD22	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD23	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD11	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD12	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD13	1	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD21	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD22	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD23	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD11	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD12	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD13	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD21	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD22	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD23	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD11	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD12	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD13	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD21	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD22	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD23	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD11	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD12	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD13	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD21	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD22	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD23	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD11	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD12	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD13	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD21	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD22	1	0.32
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD23	1	0.32
(4,1573)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB3	9	0.32
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG21	1:53:A:LYS:HB2	10	0.32
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG21	1:53:A:LYS:HB3	10	0.32
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG22	1:53:A:LYS:HB2	10	0.32
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG22	1:53:A:LYS:HB3	10	0.32
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG23	1:53:A:LYS:HB2	10	0.32
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG23	1:53:A:LYS:HB3	10	0.32
(4,1506)	1:103:A:GLN:HE21	1:104:A:SER:H	18	0.32
(4,1506)	1:103:A:GLN:HE22	1:104:A:SER:H	18	0.32
(4,1494)	1:147:A:GLN:HA	1:148:A:THR:HB	19	0.32
(4,1493)	1:83:A:LYS:HG2	1:85:A:SER:H	9	0.32
(4,1319)	1:98:A:SER:H	1:98:A:SER:HG	19	0.32
(4,1290)	1:54:A:ALA:HB1	1:102:A:ASN:HD22	12	0.32
(4,1290)	1:54:A:ALA:HB2	1:102:A:ASN:HD22	12	0.32
(4,1290)	1:54:A:ALA:HB3	1:102:A:ASN:HD22	12	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1240)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:H	8	0.32
(4,1189)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:GLU:H	7	0.32
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD11	20	0.32
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD12	20	0.32
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD13	20	0.32
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD21	20	0.32
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD22	20	0.32
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD23	20	0.32
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD11	20	0.32
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD12	20	0.32
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD13	20	0.32
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD21	20	0.32
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD22	20	0.32
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD23	20	0.32
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD11	20	0.32
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD12	20	0.32
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD13	20	0.32
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD21	20	0.32
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD22	20	0.32
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD23	20	0.32
(4,1163)	1:234:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD22	6	0.32
(4,1163)	1:234:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD22	12	0.32
(4,1163)	1:234:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD22	18	0.32
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG11	1:12:A:GLU:H	7	0.32
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG12	1:12:A:GLU:H	7	0.32
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG13	1:12:A:GLU:H	7	0.32
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:GLU:H	7	0.32
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:GLU:H	7	0.32
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:GLU:H	7	0.32
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG21	2	0.32
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG22	2	0.32
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG23	2	0.32
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD11	11	0.32
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD12	11	0.32
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD13	11	0.32
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD21	11	0.32
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD22	11	0.32
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD23	11	0.32
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD11	11	0.32
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD12	11	0.32
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD13	11	0.32
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD21	11	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD22	11	0.32
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD23	11	0.32
(4,1092)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:H	18	0.32
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD11	1:38:A:SER:H	2	0.32
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD12	1:38:A:SER:H	2	0.32
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD13	1:38:A:SER:H	2	0.32
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG21	17	0.32
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG22	17	0.32
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG23	17	0.32
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE1	19	0.32
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE2	19	0.32
(4,1038)	1:174:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HE1	5	0.32
(4,1038)	1:174:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HE2	5	0.32
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB2	4	0.32
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB3	4	0.32
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB2	4	0.32
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB3	4	0.32
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB2	4	0.32
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB3	4	0.32
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB1	8	0.32
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB2	8	0.32
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB3	8	0.32
(4,1016)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:HD22	12	0.32
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD11	7	0.32
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD12	7	0.32
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD13	7	0.32
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD21	7	0.32
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD22	7	0.32
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD23	7	0.32
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD11	7	0.32
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD12	7	0.32
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD13	7	0.32
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD21	7	0.32
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD22	7	0.32
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD23	7	0.32
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD11	7	0.32
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD12	7	0.32
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD13	7	0.32
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD21	7	0.32
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD22	7	0.32
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD23	7	0.32
(4,991)	1:137:A:PHE:HB2	1:139:A:LEU:H	14	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,983)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:H	16	0.32
(4,983)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:H	18	0.32
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD11	4	0.32
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD12	4	0.32
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD13	4	0.32
(4,866)	1:36:A:ILE:HB	1:38:A:SER:HA	20	0.32
(4,851)	1:146:A:VAL:HG11	1:147:A:GLN:HE21	10	0.32
(4,851)	1:146:A:VAL:HG12	1:147:A:GLN:HE21	10	0.32
(4,851)	1:146:A:VAL:HG13	1:147:A:GLN:HE21	10	0.32
(4,851)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:GLN:HE21	10	0.32
(4,851)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:GLN:HE21	10	0.32
(4,851)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:GLN:HE21	10	0.32
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD21	17	0.32
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD22	17	0.32
(4,797)	1:38:A:SER:H	1:41:A:GLU:HB2	14	0.32
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB2	11	0.32
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB3	11	0.32
(4,770)	1:39:A:LEU:HA	1:41:A:GLU:HB2	20	0.32
(4,733)	1:110:A:SER:H	1:111:A:ASP:HA	4	0.32
(4,733)	1:110:A:SER:H	1:111:A:ASP:HA	15	0.32
(4,733)	1:110:A:SER:H	1:111:A:ASP:HA	20	0.32
(4,658)	1:76:A:SER:H	1:188:A:PRO:HG3	20	0.32
(4,598)	1:79:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:H	15	0.32
(4,598)	1:79:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:H	15	0.32
(4,598)	1:79:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:H	15	0.32
(4,598)	1:79:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:H	15	0.32
(4,598)	1:79:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:H	15	0.32
(4,598)	1:79:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:H	15	0.32
(4,589)	1:83:A:LYS:HA	1:183:A:ARG:H	14	0.32
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD11	19	0.32
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD12	19	0.32
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD13	19	0.32
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD21	19	0.32
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD22	19	0.32
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD23	19	0.32
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB2	6	0.32
(4,578)	1:103:A:GLN:HE21	1:116:A:LEU:HB3	6	0.32
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB2	6	0.32
(4,578)	1:103:A:GLN:HE22	1:116:A:LEU:HB3	6	0.32
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD21	6	0.32
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD22	6	0.32
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB2	10	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB3	10	0.32
(4,529)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HG2	8	0.32
(4,529)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HG3	8	0.32
(4,529)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HG2	8	0.32
(4,529)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HG3	8	0.32
(4,529)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HG2	8	0.32
(4,529)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HG3	8	0.32
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB2	12	0.32
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB3	12	0.32
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD21	14	0.32
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD22	14	0.32
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD21	14	0.32
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD22	14	0.32
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB2	2	0.32
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB3	2	0.32
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB2	2	0.32
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB3	2	0.32
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB2	2	0.32
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB3	2	0.32
(4,438)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HB2	17	0.32
(4,438)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HB3	17	0.32
(4,437)	1:126:A:LYS:HG2	1:127:A:ASN:HD22	4	0.32
(4,437)	1:126:A:LYS:HG3	1:127:A:ASN:HD22	4	0.32
(4,391)	1:44:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	20	0.32
(4,391)	1:44:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	20	0.32
(4,391)	1:44:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	20	0.32
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB2	1	0.32
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB3	1	0.32
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB2	9	0.32
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB3	9	0.32
(4,251)	1:28:A:LYS:HB3	1:29:A:ASN:HD21	13	0.32
(4,188)	1:36:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB2	4	0.32
(4,188)	1:36:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HB3	4	0.32
(4,188)	1:36:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB2	4	0.32
(4,188)	1:36:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HB3	4	0.32
(4,188)	1:36:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB2	4	0.32
(4,188)	1:36:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HB3	4	0.32
(4,182)	1:55:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HG2	19	0.32
(4,182)	1:55:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HG3	19	0.32
(4,182)	1:55:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HG2	19	0.32
(4,182)	1:55:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HG3	19	0.32
(4,182)	1:55:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HG2	19	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,182)	1:55:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HG3	19	0.32
(4,133)	1:206:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HB2	8	0.32
(4,133)	1:206:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HB3	8	0.32
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD21	6	0.32
(4,75)	1:214:A:TYR:HE1	1:217:A:ASN:HD22	6	0.32
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD21	6	0.32
(4,75)	1:214:A:TYR:HE2	1:217:A:ASN:HD22	6	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD11	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD12	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD13	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD21	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD22	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD23	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD11	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD12	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD13	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD21	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD22	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD23	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD11	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD12	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD13	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD21	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD22	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD23	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD11	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD12	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD13	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD21	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD22	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD23	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD11	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD12	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD13	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD21	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD22	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD23	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD11	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD12	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD13	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD21	4	0.32
(4,16)	1:171:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD22	4	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,16)	1:171:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD23	4	0.32
(3,20)	1:57:A:LEU:O	1:168:A:ILE:H	7	0.32
(3,18)	1:32:A:ALA:O	1:232:A:GLY:H	18	0.32
(3,16)	1:59:A:PHE:O	1:166:A:HIS:H	19	0.32
(3,13)	1:177:A:ILE:O	1:191:A:LEU:H	18	0.32
(3,10)	1:32:A:ALA:H	1:232:A:GLY:O	5	0.32
(3,3)	1:179:A:GLU:O	1:189:A:LEU:H	10	0.32
(2,637)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	18	0.32
(2,570)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	12	0.32
(1,165)	1:180:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	14	0.32
(1,132)	1:152:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	6	0.32
(1,28)	1:104:A:SER:OG	1:171:A:VAL:H	6	0.32
(5,694)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	14	0.31
(5,611)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	17	0.31
(4,4299)	1:169:A:THR:H	1:181:A:ASP:H	10	0.31
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG21	1:183:A:ARG:H	5	0.31
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG22	1:183:A:ARG:H	5	0.31
(4,4286)	1:168:A:ILE:HG23	1:183:A:ARG:H	5	0.31
(4,4182)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG11	1	0.31
(4,4182)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG12	1	0.31
(4,4182)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG13	1	0.31
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG12	1:214:A:TYR:HD1	6	0.31
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG12	1:214:A:TYR:HD2	6	0.31
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG13	1:214:A:TYR:HD1	6	0.31
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG13	1:214:A:TYR:HD2	6	0.31
(4,4128)	1:51:A:PRO:HA	1:52:A:VAL:HB	16	0.31
(4,4128)	1:51:A:PRO:HA	1:52:A:VAL:HB	20	0.31
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD11	6	0.31
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD12	6	0.31
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD13	6	0.31
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD21	6	0.31
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD22	6	0.31
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD23	6	0.31
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD11	19	0.31
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD12	19	0.31
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD13	19	0.31
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD21	19	0.31
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD22	19	0.31
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD23	19	0.31
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD11	19	0.31
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD12	19	0.31
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD13	19	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD21	19	0.31
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD22	19	0.31
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD23	19	0.31
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:HG11	12	0.31
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:HG12	12	0.31
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:HG13	12	0.31
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:HG11	12	0.31
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:HG12	12	0.31
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:HG13	12	0.31
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:HG11	12	0.31
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:HG12	12	0.31
(4,4075)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:HG13	12	0.31
(4,4063)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:HB2	8	0.31
(4,4063)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:HB3	8	0.31
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD21	7	0.31
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HD22	7	0.31
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD21	7	0.31
(4,3971)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HD22	7	0.31
(4,3965)	1:202:A:ILE:HG21	1:207:A:VAL:HG11	3	0.31
(4,3965)	1:202:A:ILE:HG21	1:207:A:VAL:HG12	3	0.31
(4,3965)	1:202:A:ILE:HG21	1:207:A:VAL:HG13	3	0.31
(4,3965)	1:202:A:ILE:HG21	1:207:A:VAL:HG21	3	0.31
(4,3965)	1:202:A:ILE:HG21	1:207:A:VAL:HG22	3	0.31
(4,3965)	1:202:A:ILE:HG21	1:207:A:VAL:HG23	3	0.31
(4,3965)	1:202:A:ILE:HG22	1:207:A:VAL:HG11	3	0.31
(4,3965)	1:202:A:ILE:HG22	1:207:A:VAL:HG12	3	0.31
(4,3965)	1:202:A:ILE:HG22	1:207:A:VAL:HG13	3	0.31
(4,3965)	1:202:A:ILE:HG22	1:207:A:VAL:HG21	3	0.31
(4,3965)	1:202:A:ILE:HG22	1:207:A:VAL:HG22	3	0.31
(4,3965)	1:202:A:ILE:HG22	1:207:A:VAL:HG23	3	0.31
(4,3965)	1:202:A:ILE:HG23	1:207:A:VAL:HG11	3	0.31
(4,3965)	1:202:A:ILE:HG23	1:207:A:VAL:HG12	3	0.31
(4,3965)	1:202:A:ILE:HG23	1:207:A:VAL:HG13	3	0.31
(4,3965)	1:202:A:ILE:HG23	1:207:A:VAL:HG21	3	0.31
(4,3965)	1:202:A:ILE:HG23	1:207:A:VAL:HG22	3	0.31
(4,3965)	1:202:A:ILE:HG23	1:207:A:VAL:HG23	3	0.31
(4,3957)	1:102:A:ASN:H	1:105:A:LEU:H	13	0.31
(4,3871)	1:146:A:VAL:HG11	1:148:A:THR:H	14	0.31
(4,3871)	1:146:A:VAL:HG12	1:148:A:THR:H	14	0.31
(4,3871)	1:146:A:VAL:HG13	1:148:A:THR:H	14	0.31
(4,3871)	1:146:A:VAL:HG21	1:148:A:THR:H	14	0.31
(4,3871)	1:146:A:VAL:HG22	1:148:A:THR:H	14	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3871)	1:146:A:VAL:HG23	1:148:A:THR:H	14	0.31
(4,3852)	1:58:A:LEU:HB3	1:59:A:PHE:HA	8	0.31
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD11	14	0.31
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD12	14	0.31
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD13	14	0.31
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD21	14	0.31
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD22	14	0.31
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD23	14	0.31
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD11	1:96:A:LEU:H	5	0.31
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD12	1:96:A:LEU:H	5	0.31
(4,3831)	1:92:A:LEU:HD13	1:96:A:LEU:H	5	0.31
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG11	3	0.31
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG12	3	0.31
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG13	3	0.31
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD21	1:120:A:SER:H	9	0.31
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD22	1:120:A:SER:H	9	0.31
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD23	1:120:A:SER:H	9	0.31
(4,3679)	1:22:A:ALA:H	1:24:A:LYS:HG2	16	0.31
(4,3679)	1:22:A:ALA:H	1:24:A:LYS:HG3	16	0.31
(4,3661)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:HB2	17	0.31
(4,3661)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:HB3	17	0.31
(4,3655)	1:169:A:THR:HB	1:180:A:LEU:HB2	11	0.31
(4,3655)	1:169:A:THR:HB	1:180:A:LEU:HB3	11	0.31
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG21	1:56:A:VAL:HB	17	0.31
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG22	1:56:A:VAL:HB	17	0.31
(4,3618)	1:55:A:ILE:HG23	1:56:A:VAL:HB	17	0.31
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD21	5	0.31
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD22	5	0.31
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD23	5	0.31
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD21	16	0.31
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD22	16	0.31
(4,3584)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD23	16	0.31
(4,3570)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD21	6	0.31
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD21	7	0.31
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD22	7	0.31
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD23	7	0.31
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	17	0.31
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	17	0.31
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	17	0.31
(4,3506)	1:61:A:ILE:CD1	1:168:A:ILE:HD11	9	0.31
(4,3506)	1:61:A:ILE:CD1	1:168:A:ILE:HD12	9	0.31
(4,3506)	1:61:A:ILE:CD1	1:168:A:ILE:HD13	9	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3500)	1:163:A:THR:H	1:164:A:ASN:HD22	16	0.31
(4,3489)	1:132:A:VAL:HB	1:135:A:ASP:H	18	0.31
(4,3443)	1:76:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD1	8	0.31
(4,3443)	1:76:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD2	8	0.31
(4,3443)	1:76:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD1	8	0.31
(4,3443)	1:76:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD2	8	0.31
(4,3428)	1:41:A:GLU:HB2	1:45:A:LEU:H	18	0.31
(4,3413)	1:149:A:PHE:H	1:151:A:THR:H	20	0.31
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD11	6	0.31
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD12	6	0.31
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD13	6	0.31
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD21	6	0.31
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD22	6	0.31
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD23	6	0.31
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD11	6	0.31
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD12	6	0.31
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD13	6	0.31
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD21	6	0.31
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD22	6	0.31
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD23	6	0.31
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB1	1:94:A:ALA:H	9	0.31
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB2	1:94:A:ALA:H	9	0.31
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB3	1:94:A:ALA:H	9	0.31
(4,3299)	1:61:A:ILE:HB	1:166:A:HIS:H	17	0.31
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:HA	1	0.31
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:HA	1	0.31
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:HA	1	0.31
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD11	12	0.31
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD12	12	0.31
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD13	12	0.31
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD21	12	0.31
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD22	12	0.31
(4,3254)	1:171:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD23	12	0.31
(4,3202)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA2	8	0.31
(4,3202)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA2	8	0.31
(4,3202)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA2	10	0.31
(4,3202)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA2	10	0.31
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB1	1	0.31
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB2	1	0.31
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB3	1	0.31
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG21	2	0.31
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG22	2	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3059)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:HG23	2	0.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD11	5	0.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD12	5	0.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD13	5	0.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD21	5	0.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD22	5	0.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD23	5	0.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD11	5	0.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD12	5	0.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD13	5	0.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD21	5	0.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD22	5	0.31
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD23	5	0.31
(4,2998)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HA	4	0.31
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	17	0.31
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	17	0.31
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	17	0.31
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	17	0.31
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	17	0.31
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	17	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD11	9	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD12	9	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD13	9	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD21	9	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD22	9	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD23	9	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD11	9	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD12	9	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD13	9	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD21	9	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD22	9	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD23	9	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD11	9	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD12	9	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD13	9	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD21	9	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD22	9	0.31
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD23	9	0.31
(4,2923)	1:36:A:ILE:H	1:38:A:SER:H	7	0.31
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD11	11	0.31
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD12	11	0.31
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG21	1:95:A:ILE:HD13	11	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD11	11	0.31
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD12	11	0.31
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG22	1:95:A:ILE:HD13	11	0.31
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD11	11	0.31
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD12	11	0.31
(4,2863)	1:17:A:VAL:HG23	1:95:A:ILE:HD13	11	0.31
(4,2841)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:H	10	0.31
(4,2817)	1:92:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HB	1	0.31
(4,2817)	1:92:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HB	1	0.31
(4,2817)	1:92:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HB	1	0.31
(4,2809)	1:55:A:ILE:HB	1:201:A:LEU:HB2	2	0.31
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG11	15	0.31
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG12	15	0.31
(4,2695)	1:206:A:LEU:H	1:207:A:VAL:HG13	15	0.31
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD21	11	0.31
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD22	11	0.31
(4,2673)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	14	0.31
(4,2673)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	14	0.31
(4,2673)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	14	0.31
(4,2651)	1:174:A:ASN:HD21	1:175:A:GLY:H	2	0.31
(4,2651)	1:174:A:ASN:HD22	1:175:A:GLY:H	2	0.31
(4,2560)	1:142:A:ILE:HB	1:143:A:LYS:HA	13	0.31
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG11	18	0.31
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG12	18	0.31
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG13	18	0.31
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG21	18	0.31
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG22	18	0.31
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG23	18	0.31
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG11	18	0.31
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG12	18	0.31
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG13	18	0.31
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG21	18	0.31
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG22	18	0.31
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG23	18	0.31
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB2	1:140:A:ASN:HD21	20	0.31
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB2	1:140:A:ASN:HD22	20	0.31
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB3	1:140:A:ASN:HD21	20	0.31
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB3	1:140:A:ASN:HD22	20	0.31
(4,2482)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:SER:HG	13	0.31
(4,2461)	1:3:A:GLY:H	1:7:A:ALA:H	2	0.31
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:H	7	0.31
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:H	7	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:H	7	0.31
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:H	7	0.31
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:H	7	0.31
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:H	7	0.31
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:H	18	0.31
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:H	18	0.31
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:H	18	0.31
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:H	18	0.31
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:H	18	0.31
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:H	18	0.31
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:H	17	0.31
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:H	17	0.31
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:H	17	0.31
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD21	1:226:A:PHE:H	12	0.31
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD22	1:226:A:PHE:H	12	0.31
(4,2317)	1:177:A:ILE:H	1:194:A:SER:H	12	0.31
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD21	11	0.31
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD22	11	0.31
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD23	11	0.31
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD21	11	0.31
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD22	11	0.31
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD23	11	0.31
(4,2263)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:H	13	0.31
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD21	6	0.31
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD22	6	0.31
(4,2258)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD23	6	0.31
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD11	20	0.31
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD12	20	0.31
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD13	20	0.31
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD21	20	0.31
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD22	20	0.31
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD23	20	0.31
(4,2241)	1:150:A:SER:HA	1:152:A:GLY:H	13	0.31
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB1	1:216:A:GLU:HB2	15	0.31
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB1	1:216:A:GLU:HB3	15	0.31
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB2	1:216:A:GLU:HB2	15	0.31
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB2	1:216:A:GLU:HB3	15	0.31
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB3	1:216:A:GLU:HB2	15	0.31
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB3	1:216:A:GLU:HB3	15	0.31
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB1	7	0.31
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB2	7	0.31
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB3	7	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB1	7	0.31
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB2	7	0.31
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB3	7	0.31
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB1	7	0.31
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB2	7	0.31
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB3	7	0.31
(4,2182)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HB2	18	0.31
(4,2168)	1:38:A:SER:H	1:41:A:GLU:H	8	0.31
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG21	6	0.31
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG22	6	0.31
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG23	6	0.31
(4,2084)	1:97:A:HIS:H	1:169:A:THR:HB	18	0.31
(4,2079)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HG	17	0.31
(4,2055)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HB2	10	0.31
(4,2055)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HB3	10	0.31
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG21	5	0.31
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG22	5	0.31
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG23	5	0.31
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG21	7	0.31
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG22	7	0.31
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG23	7	0.31
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB3	19	0.31
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB3	19	0.31
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB3	19	0.31
(4,1975)	1:44:A:LEU:HA	1:48:A:LEU:H	9	0.31
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD11	8	0.31
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD12	8	0.31
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD13	8	0.31
(4,1928)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HD11	8	0.31
(4,1928)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HD12	8	0.31
(4,1928)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HD13	8	0.31
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD11	5	0.31
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD12	5	0.31
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD13	5	0.31
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD21	5	0.31
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD22	5	0.31
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD23	5	0.31
(4,1881)	1:42:A:PRO:HB2	1:46:A:ALA:HA	15	0.31
(4,1880)	1:207:A:VAL:HB	1:211:A:VAL:H	4	0.31
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:HA2	14	0.31
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:HA3	14	0.31
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:HA2	14	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:HA3	14	0.31
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD11	1:116:A:LEU:HA	16	0.31
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD12	1:116:A:LEU:HA	16	0.31
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD13	1:116:A:LEU:HA	16	0.31
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:HA	16	0.31
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:HA	16	0.31
(4,1729)	1:112:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:HA	16	0.31
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:H	10	0.31
(4,1705)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:H	10	0.31
(4,1676)	1:172:A:GLU:HB3	1:176:A:GLY:H	16	0.31
(4,1672)	1:21:A:PHE:HD1	1:22:A:ALA:HA	12	0.31
(4,1672)	1:21:A:PHE:HD2	1:22:A:ALA:HA	12	0.31
(4,1653)	1:17:A:VAL:H	1:152:A:GLY:HA2	3	0.31
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB2	1:210:A:ARG:HB2	5	0.31
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB2	1:210:A:ARG:HB3	5	0.31
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB3	1:210:A:ARG:HB2	5	0.31
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB3	1:210:A:ARG:HB3	5	0.31
(4,1577)	1:55:A:ILE:H	1:172:A:GLU:H	5	0.31
(4,1502)	1:38:A:SER:HA	1:41:A:GLU:HB2	2	0.31
(4,1494)	1:147:A:GLN:HA	1:148:A:THR:HB	12	0.31
(4,1488)	1:10:A:PRO:HA	1:11:A:ILE:HB	16	0.31
(4,1441)	1:235:A:TRP:HA	1:235:A:TRP:HE1	7	0.31
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG2	11	0.31
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG3	11	0.31
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD11	11	0.31
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD12	11	0.31
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD13	11	0.31
(4,1382)	1:101:A:ASN:H	1:103:A:GLN:H	20	0.31
(4,1373)	1:62:A:ASN:HD21	1:64:A:ASP:H	16	0.31
(4,1192)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB3	11	0.31
(4,1184)	1:97:A:HIS:HD1	1:169:A:THR:H	18	0.31
(4,1163)	1:234:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD22	1	0.31
(4,1163)	1:234:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD22	8	0.31
(4,1163)	1:234:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD22	9	0.31
(4,1163)	1:234:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD22	13	0.31
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:H	15	0.31
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:H	15	0.31
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:HE22	10	0.31
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:HE22	10	0.31
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:HE22	10	0.31
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG12	12	0.31
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG13	12	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG12	12	0.31
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG13	12	0.31
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG12	12	0.31
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG13	12	0.31
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG12	12	0.31
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG13	12	0.31
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG12	12	0.31
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG13	12	0.31
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG12	12	0.31
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG13	12	0.31
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	12	0.31
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	12	0.31
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	12	0.31
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	12	0.31
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	12	0.31
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	12	0.31
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD11	20	0.31
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD12	20	0.31
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD13	20	0.31
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD21	20	0.31
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD22	20	0.31
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD23	20	0.31
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD11	20	0.31
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD12	20	0.31
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD13	20	0.31
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD21	20	0.31
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD22	20	0.31
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD23	20	0.31
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD11	20	0.31
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD12	20	0.31
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD13	20	0.31
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD21	20	0.31
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD22	20	0.31
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD23	20	0.31
(4,992)	1:81:A:TRP:HE1	1:84:A:GLN:H	9	0.31
(4,966)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:H	14	0.31
(4,956)	1:100:A:SER:HB2	1:103:A:GLN:HE21	19	0.31
(4,956)	1:100:A:SER:HB2	1:103:A:GLN:HE22	19	0.31
(4,956)	1:100:A:SER:HB3	1:103:A:GLN:HE21	19	0.31
(4,956)	1:100:A:SER:HB3	1:103:A:GLN:HE22	19	0.31
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD11	11	0.31
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD12	11	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD13	11	0.31
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD21	11	0.31
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD22	11	0.31
(4,904)	1:11:A:ILE:CD1	1:165:A:LEU:HD23	11	0.31
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB1	6	0.31
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB2	6	0.31
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB3	6	0.31
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB1	6	0.31
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB2	6	0.31
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB3	6	0.31
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB1	9	0.31
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB2	9	0.31
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB3	9	0.31
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB1	9	0.31
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB2	9	0.31
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB3	9	0.31
(4,868)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HB2	6	0.31
(4,868)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HB3	6	0.31
(4,868)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HB2	6	0.31
(4,868)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HB3	6	0.31
(4,866)	1:36:A:ILE:HB	1:38:A:SER:HA	17	0.31
(4,853)	1:76:A:SER:HA	1:79:A:VAL:H	6	0.31
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG2	9	0.31
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG3	9	0.31
(4,834)	1:99:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	3	0.31
(4,834)	1:99:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	3	0.31
(4,834)	1:99:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	3	0.31
(4,834)	1:99:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	3	0.31
(4,834)	1:99:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	3	0.31
(4,834)	1:99:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	3	0.31
(4,801)	1:48:A:LEU:HD21	1:201:A:LEU:H	2	0.31
(4,801)	1:48:A:LEU:HD22	1:201:A:LEU:H	2	0.31
(4,801)	1:48:A:LEU:HD23	1:201:A:LEU:H	2	0.31
(4,801)	1:48:A:LEU:HD21	1:201:A:LEU:H	14	0.31
(4,801)	1:48:A:LEU:HD22	1:201:A:LEU:H	14	0.31
(4,801)	1:48:A:LEU:HD23	1:201:A:LEU:H	14	0.31
(4,786)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:H	14	0.31
(4,786)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:H	14	0.31
(4,770)	1:39:A:LEU:HA	1:41:A:GLU:HB2	12	0.31
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG21	7	0.31
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG22	7	0.31
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG23	7	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,679)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:H	5	0.31
(4,679)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:H	5	0.31
(4,679)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:H	5	0.31
(4,679)	1:57:A:LEU:HD21	1:214:A:TYR:H	5	0.31
(4,679)	1:57:A:LEU:HD22	1:214:A:TYR:H	5	0.31
(4,679)	1:57:A:LEU:HD23	1:214:A:TYR:H	5	0.31
(4,623)	1:235:A:TRP:HE3	1:236:A:GLU:H	13	0.31
(4,600)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB2	16	0.31
(4,600)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB2	16	0.31
(4,600)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB2	16	0.31
(4,598)	1:79:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:H	8	0.31
(4,598)	1:79:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:H	8	0.31
(4,598)	1:79:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:H	8	0.31
(4,598)	1:79:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:H	8	0.31
(4,598)	1:79:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:H	8	0.31
(4,598)	1:79:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:H	8	0.31
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD21	14	0.31
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD22	14	0.31
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD23	14	0.31
(4,569)	1:91:A:GLY:H	1:167:A:TYR:HD1	18	0.31
(4,569)	1:91:A:GLY:H	1:167:A:TYR:HD2	18	0.31
(4,554)	1:221:A:GLU:HA	1:224:A:LEU:HA	7	0.31
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD11	17	0.31
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD12	17	0.31
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD13	17	0.31
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD21	17	0.31
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD22	17	0.31
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD23	17	0.31
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB2	5	0.31
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB3	5	0.31
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD21	19	0.31
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD22	19	0.31
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD21	19	0.31
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD22	19	0.31
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD11	4	0.31
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD12	4	0.31
(4,410)	1:92:A:LEU:CD2	1:142:A:ILE:HD13	4	0.31
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB1	17	0.31
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB2	17	0.31
(4,395)	1:61:A:ILE:HD11	1:218:A:ALA:HB3	17	0.31
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB1	17	0.31
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB2	17	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,395)	1:61:A:ILE:HD12	1:218:A:ALA:HB3	17	0.31
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB1	17	0.31
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB2	17	0.31
(4,395)	1:61:A:ILE:HD13	1:218:A:ALA:HB3	17	0.31
(4,370)	1:216:A:GLU:HG2	1:217:A:ASN:HD21	17	0.31
(4,370)	1:216:A:GLU:HG2	1:217:A:ASN:HD22	17	0.31
(4,370)	1:216:A:GLU:HG3	1:217:A:ASN:HD21	17	0.31
(4,370)	1:216:A:GLU:HG3	1:217:A:ASN:HD22	17	0.31
(4,347)	1:39:A:LEU:HD11	1:55:A:ILE:CD1	8	0.31
(4,347)	1:39:A:LEU:HD12	1:55:A:ILE:CD1	8	0.31
(4,347)	1:39:A:LEU:HD13	1:55:A:ILE:CD1	8	0.31
(4,347)	1:39:A:LEU:HD21	1:55:A:ILE:CD1	8	0.31
(4,347)	1:39:A:LEU:HD22	1:55:A:ILE:CD1	8	0.31
(4,347)	1:39:A:LEU:HD23	1:55:A:ILE:CD1	8	0.31
(4,327)	1:120:A:SER:HA	1:122:A:THR:HB	1	0.31
(4,327)	1:120:A:SER:HA	1:122:A:THR:HB	10	0.31
(4,321)	1:134:A:THR:HG21	1:137:A:PHE:H	5	0.31
(4,321)	1:134:A:THR:HG22	1:137:A:PHE:H	5	0.31
(4,321)	1:134:A:THR:HG23	1:137:A:PHE:H	5	0.31
(4,316)	1:198:A:ALA:HB1	1:201:A:LEU:HB2	11	0.31
(4,316)	1:198:A:ALA:HB1	1:201:A:LEU:HB3	11	0.31
(4,316)	1:198:A:ALA:HB2	1:201:A:LEU:HB2	11	0.31
(4,316)	1:198:A:ALA:HB2	1:201:A:LEU:HB3	11	0.31
(4,316)	1:198:A:ALA:HB3	1:201:A:LEU:HB2	11	0.31
(4,316)	1:198:A:ALA:HB3	1:201:A:LEU:HB3	11	0.31
(4,194)	1:146:A:VAL:HA	1:150:A:SER:H	18	0.31
(4,182)	1:55:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HG2	14	0.31
(4,182)	1:55:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HG3	14	0.31
(4,182)	1:55:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HG2	14	0.31
(4,182)	1:55:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HG3	14	0.31
(4,182)	1:55:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HG2	14	0.31
(4,182)	1:55:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HG3	14	0.31
(4,179)	1:223:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:HD1	7	0.31
(4,179)	1:223:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:HD2	7	0.31
(4,179)	1:223:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:HD1	7	0.31
(4,179)	1:223:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:HD2	7	0.31
(4,179)	1:223:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:HD1	7	0.31
(4,179)	1:223:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:HD2	7	0.31
(4,158)	1:100:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	10	0.31
(4,118)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HG	17	0.31
(4,118)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HG	17	0.31
(4,113)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:HA	17	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,113)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:HA	17	0.31
(4,108)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HE1	17	0.31
(4,108)	1:61:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HE2	17	0.31
(4,108)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HE1	17	0.31
(4,108)	1:61:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HE2	17	0.31
(4,108)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HE1	17	0.31
(4,108)	1:61:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HE2	17	0.31
(4,82)	1:34:A:PHE:HE1	1:235:A:TRP:H	15	0.31
(4,82)	1:34:A:PHE:HE2	1:235:A:TRP:H	15	0.31
(4,50)	1:25:A:LEU:HA	1:111:A:ASP:HA	4	0.31
(4,49)	1:106:A:LEU:HD11	1:109:A:GLY:H	13	0.31
(4,49)	1:106:A:LEU:HD12	1:109:A:GLY:H	13	0.31
(4,49)	1:106:A:LEU:HD13	1:109:A:GLY:H	13	0.31
(4,49)	1:106:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:H	13	0.31
(4,49)	1:106:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:H	13	0.31
(4,49)	1:106:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:H	13	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD11	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD12	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD13	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD21	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD22	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:HD23	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD11	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD12	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD13	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD21	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD22	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:HD23	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD11	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD12	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD13	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD21	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD22	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:HD23	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD11	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD12	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD13	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD21	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD22	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD23	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD11	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD12	6	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,16)	1:171:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD13	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD21	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD22	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD23	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD11	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD12	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD13	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD21	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD22	6	0.31
(4,16)	1:171:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD23	6	0.31
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD21	1	0.31
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD22	1	0.31
(4,1)	1:30:A:GLU:C	1:234:A:ASN:N	17	0.31
(3,21)	1:169:A:THR:H	1:180:A:LEU:O	17	0.31
(3,17)	1:59:A:PHE:H	1:166:A:HIS:O	4	0.31
(3,17)	1:59:A:PHE:H	1:166:A:HIS:O	16	0.31
(3,6)	1:56:A:VAL:O	1:229:A:LEU:H	2	0.31
(3,5)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:O	14	0.31
(2,495)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	7	0.31
(2,120)	1:100:A:SER:H	1:104:A:SER:OG	16	0.31
(1,571)	1:5:A:ASN:ND2	1:70:A:SER:H	19	0.31
(1,220)	1:225:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	11	0.31
(5,489)	1:5:A:ASN:ND2	1:152:A:GLY:H	8	0.3
(5,437)	1:5:A:ASN:ND2	1:115:A:PHE:H	19	0.3
(5,342)	1:5:A:ASN:ND2	1:79:A:VAL:H	12	0.3
(5,276)	1:150:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	15	0.3
(5,202)	1:53:A:LYS:H	1:225:A:ASN:ND2	13	0.3
(5,8)	1:104:A:SER:OG	1:212:A:ALA:H	17	0.3
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:H	12	0.3
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:H	12	0.3
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:H	12	0.3
(4,4299)	1:169:A:THR:H	1:181:A:ASP:H	11	0.3
(4,4299)	1:169:A:THR:H	1:181:A:ASP:H	14	0.3
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD11	20	0.3
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD12	20	0.3
(4,4282)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD13	20	0.3
(4,4279)	1:206:A:LEU:HA	1:209:A:VAL:HB	3	0.3
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG11	11	0.3
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG12	11	0.3
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG13	11	0.3
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG21	11	0.3
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG22	11	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG23	11	0.3
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	16	0.3
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	16	0.3
(4,4191)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:H	9	0.3
(4,4191)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:H	9	0.3
(4,4182)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG11	13	0.3
(4,4182)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG12	13	0.3
(4,4182)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG13	13	0.3
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	16	0.3
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	16	0.3
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	16	0.3
(4,4109)	1:7:A:ALA:HB1	1:9:A:VAL:H	17	0.3
(4,4109)	1:7:A:ALA:HB2	1:9:A:VAL:H	17	0.3
(4,4109)	1:7:A:ALA:HB3	1:9:A:VAL:H	17	0.3
(4,4090)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:H	8	0.3
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:H	5	0.3
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:H	5	0.3
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:H	13	0.3
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:H	13	0.3
(4,4070)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:H	4	0.3
(4,4049)	1:214:A:TYR:HA	1:217:A:ASN:HD22	11	0.3
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD1	5	0.3
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD2	5	0.3
(4,4020)	1:100:A:SER:HB2	1:112:A:LEU:HD11	8	0.3
(4,4020)	1:100:A:SER:HB2	1:112:A:LEU:HD12	8	0.3
(4,4020)	1:100:A:SER:HB2	1:112:A:LEU:HD13	8	0.3
(4,4020)	1:100:A:SER:HB2	1:112:A:LEU:HD21	8	0.3
(4,4020)	1:100:A:SER:HB2	1:112:A:LEU:HD22	8	0.3
(4,4020)	1:100:A:SER:HB2	1:112:A:LEU:HD23	8	0.3
(4,4020)	1:100:A:SER:HB3	1:112:A:LEU:HD11	8	0.3
(4,4020)	1:100:A:SER:HB3	1:112:A:LEU:HD12	8	0.3
(4,4020)	1:100:A:SER:HB3	1:112:A:LEU:HD13	8	0.3
(4,4020)	1:100:A:SER:HB3	1:112:A:LEU:HD21	8	0.3
(4,4020)	1:100:A:SER:HB3	1:112:A:LEU:HD22	8	0.3
(4,4020)	1:100:A:SER:HB3	1:112:A:LEU:HD23	8	0.3
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD11	8	0.3
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD12	8	0.3
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD13	8	0.3
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD11	8	0.3
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD12	8	0.3
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD13	8	0.3
(4,3957)	1:102:A:ASN:H	1:105:A:LEU:H	7	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD2	16	0.3
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD3	16	0.3
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD2	16	0.3
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD3	16	0.3
(4,3927)	1:31:A:TRP:H	1:31:A:TRP:HE3	1	0.3
(4,3829)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HD1	12	0.3
(4,3829)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HD2	12	0.3
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD11	11	0.3
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD12	11	0.3
(4,3815)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD13	11	0.3
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD11	1:94:A:ALA:HB1	15	0.3
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD11	1:94:A:ALA:HB2	15	0.3
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD11	1:94:A:ALA:HB3	15	0.3
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD12	1:94:A:ALA:HB1	15	0.3
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD12	1:94:A:ALA:HB2	15	0.3
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD12	1:94:A:ALA:HB3	15	0.3
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD13	1:94:A:ALA:HB1	15	0.3
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD13	1:94:A:ALA:HB2	15	0.3
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD13	1:94:A:ALA:HB3	15	0.3
(4,3743)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB2	10	0.3
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG21	3	0.3
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG22	3	0.3
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG23	3	0.3
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG21	3	0.3
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG22	3	0.3
(4,3663)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG23	3	0.3
(4,3652)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD11	6	0.3
(4,3652)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD12	6	0.3
(4,3652)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD13	6	0.3
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HE1	13	0.3
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HE2	13	0.3
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HE1	13	0.3
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HE2	13	0.3
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HE1	13	0.3
(4,3646)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HE2	13	0.3
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE1	1:98:A:SER:H	1	0.3
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE2	1:98:A:SER:H	1	0.3
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG2	1:147:A:GLN:H	2	0.3
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG3	1:147:A:GLN:H	2	0.3
(4,3528)	1:164:A:ASN:H	1:164:A:ASN:HD22	14	0.3
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE1	13	0.3
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE2	13	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE1	13	0.3
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE2	13	0.3
(4,3434)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:H	20	0.3
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD11	14	0.3
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD12	14	0.3
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD13	14	0.3
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD21	14	0.3
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD22	14	0.3
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD23	14	0.3
(4,3389)	1:81:A:TRP:HZ2	1:186:A:SER:H	8	0.3
(4,3344)	1:106:A:LEU:HB2	1:110:A:SER:HG	3	0.3
(4,3344)	1:106:A:LEU:HB3	1:110:A:SER:HG	3	0.3
(4,3299)	1:61:A:ILE:HB	1:166:A:HIS:H	13	0.3
(4,3298)	1:190:A:TYR:H	1:191:A:LEU:H	10	0.3
(4,3298)	1:190:A:TYR:H	1:191:A:LEU:H	19	0.3
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB1	1:157:A:PRO:HB3	10	0.3
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB2	1:157:A:PRO:HB3	10	0.3
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB3	1:157:A:PRO:HB3	10	0.3
(4,3222)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:H	3	0.3
(4,3199)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:H	7	0.3
(4,3112)	1:119:A:GLN:HE21	1:130:A:ASP:H	12	0.3
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD11	20	0.3
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD12	20	0.3
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD13	20	0.3
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD21	20	0.3
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD22	20	0.3
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD23	20	0.3
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD11	20	0.3
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD12	20	0.3
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD13	20	0.3
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD21	20	0.3
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD22	20	0.3
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD23	20	0.3
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD11	20	0.3
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD12	20	0.3
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD13	20	0.3
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD21	20	0.3
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD22	20	0.3
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD23	20	0.3
(4,3048)	1:179:A:GLU:HB2	1:189:A:LEU:H	5	0.3
(4,3048)	1:179:A:GLU:HB3	1:189:A:LEU:H	5	0.3
(4,3013)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:H	18	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:HB2	20	0.3
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:HB3	20	0.3
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:HB2	20	0.3
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:HB3	20	0.3
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:HB2	20	0.3
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:HB3	20	0.3
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:HB2	20	0.3
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:HB3	20	0.3
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:HB2	20	0.3
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:HB3	20	0.3
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:HB2	20	0.3
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:HB3	20	0.3
(4,2966)	1:82:A:PHE:H	1:97:A:HIS:HA	4	0.3
(4,2931)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HG	11	0.3
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB2	1:214:A:TYR:HD1	7	0.3
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB2	1:214:A:TYR:HD2	7	0.3
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB3	1:214:A:TYR:HD1	7	0.3
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB3	1:214:A:TYR:HD2	7	0.3
(4,2847)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:H	15	0.3
(4,2726)	1:208:A:ARG:H	1:208:A:ARG:HD3	12	0.3
(4,2692)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HB3	4	0.3
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD11	17	0.3
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD12	17	0.3
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD13	17	0.3
(4,2582)	1:163:A:THR:HB	1:165:A:LEU:HB3	4	0.3
(4,2560)	1:142:A:ILE:HB	1:143:A:LYS:HA	20	0.3
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:H	20	0.3
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:H	20	0.3
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD11	9	0.3
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD12	9	0.3
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD13	9	0.3
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG2	4	0.3
(4,2437)	1:80:A:ILE:H	1:173:A:GLU:HG3	4	0.3
(4,2402)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:H	18	0.3
(4,2402)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:H	18	0.3
(4,2402)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:H	18	0.3
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE1	1:78:A:ASP:H	13	0.3
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE2	1:78:A:ASP:H	13	0.3
(4,2326)	1:30:A:GLU:HG2	1:31:A:TRP:H	14	0.3
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD1	1:177:A:ILE:HG21	11	0.3
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD1	1:177:A:ILE:HG22	11	0.3
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD1	1:177:A:ILE:HG23	11	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD2	1:177:A:ILE:HG21	11	0.3
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD2	1:177:A:ILE:HG22	11	0.3
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD2	1:177:A:ILE:HG23	11	0.3
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG21	19	0.3
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG22	19	0.3
(4,2218)	1:8:A:VAL:H	1:160:A:THR:HG23	19	0.3
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD11	7	0.3
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD12	7	0.3
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD13	7	0.3
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD21	7	0.3
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD22	7	0.3
(4,2210)	1:164:A:ASN:HA	1:165:A:LEU:HD23	7	0.3
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HB	12	0.3
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HB	12	0.3
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HB	12	0.3
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HB2	1	0.3
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HB3	1	0.3
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HB2	1	0.3
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HB3	1	0.3
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HB2	1	0.3
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HB3	1	0.3
(4,2055)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HB2	12	0.3
(4,2055)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HB3	12	0.3
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG21	17	0.3
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG22	17	0.3
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG23	17	0.3
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG21	5	0.3
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG22	5	0.3
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG23	5	0.3
(4,1964)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:H	20	0.3
(4,1959)	1:73:A:ILE:HA	1:75:A:SER:H	4	0.3
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG21	7	0.3
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG22	7	0.3
(4,1954)	1:210:A:ARG:H	1:211:A:VAL:HG23	7	0.3
(4,1893)	1:180:A:LEU:HD11	1:189:A:LEU:H	2	0.3
(4,1893)	1:180:A:LEU:HD12	1:189:A:LEU:H	2	0.3
(4,1893)	1:180:A:LEU:HD13	1:189:A:LEU:H	2	0.3
(4,1893)	1:180:A:LEU:HD21	1:189:A:LEU:H	2	0.3
(4,1893)	1:180:A:LEU:HD22	1:189:A:LEU:H	2	0.3
(4,1893)	1:180:A:LEU:HD23	1:189:A:LEU:H	2	0.3
(4,1882)	1:98:A:SER:HG	1:100:A:SER:H	4	0.3
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG11	8	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG12	8	0.3
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG13	8	0.3
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG21	8	0.3
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG22	8	0.3
(4,1877)	1:178:A:PHE:H	1:207:A:VAL:HG23	8	0.3
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD11	5	0.3
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD12	5	0.3
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD13	5	0.3
(4,1856)	1:29:A:ASN:HD22	1:30:A:GLU:H	14	0.3
(4,1800)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD21	5	0.3
(4,1733)	1:39:A:LEU:HG	1:41:A:GLU:H	15	0.3
(4,1698)	1:135:A:ASP:HB2	1:139:A:LEU:H	13	0.3
(4,1698)	1:135:A:ASP:HB3	1:139:A:LEU:H	13	0.3
(4,1623)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HE1	11	0.3
(4,1623)	1:19:A:THR:H	1:33:A:TYR:HE2	11	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG11	5	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG12	5	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG13	5	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG21	5	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG22	5	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG23	5	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG11	5	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG12	5	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG13	5	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG21	5	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG22	5	0.3
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG23	5	0.3
(4,1577)	1:55:A:ILE:H	1:172:A:GLU:H	14	0.3
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD11	11	0.3
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD12	11	0.3
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD13	11	0.3
(4,1537)	1:95:A:ILE:H	1:97:A:HIS:H	9	0.3
(4,1531)	1:156:A:ALA:H	1:157:A:PRO:HB3	10	0.3
(4,1514)	1:102:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	4	0.3
(4,1514)	1:102:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	4	0.3
(4,1488)	1:10:A:PRO:HA	1:11:A:ILE:HB	7	0.3
(4,1488)	1:10:A:PRO:HA	1:11:A:ILE:HB	15	0.3
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG11	17	0.3
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG12	17	0.3
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG13	17	0.3
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG21	17	0.3
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG22	17	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG23	17	0.3
(4,1455)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:H	18	0.3
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD11	6	0.3
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD12	6	0.3
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD13	6	0.3
(4,1319)	1:98:A:SER:H	1:98:A:SER:HG	20	0.3
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD1	20	0.3
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD2	20	0.3
(4,1275)	1:64:A:ASP:HA	1:217:A:ASN:HB2	18	0.3
(4,1275)	1:64:A:ASP:HA	1:217:A:ASN:HB3	18	0.3
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG21	16	0.3
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG22	16	0.3
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG23	16	0.3
(4,1163)	1:234:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD22	2	0.3
(4,1163)	1:234:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD22	3	0.3
(4,1163)	1:234:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD22	20	0.3
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	7	0.3
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:H	7	0.3
(4,1142)	1:56:A:VAL:HG21	1:229:A:LEU:H	6	0.3
(4,1142)	1:56:A:VAL:HG22	1:229:A:LEU:H	6	0.3
(4,1142)	1:56:A:VAL:HG23	1:229:A:LEU:H	6	0.3
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD21	13	0.3
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD21	13	0.3
(4,1139)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD21	13	0.3
(4,1120)	1:27:A:LEU:H	1:107:A:GLU:H	17	0.3
(4,1090)	1:192:A:GLY:HA3	1:206:A:LEU:HD21	13	0.3
(4,1090)	1:192:A:GLY:HA3	1:206:A:LEU:HD22	13	0.3
(4,1090)	1:192:A:GLY:HA3	1:206:A:LEU:HD23	13	0.3
(4,1073)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HB	16	0.3
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:HE22	11	0.3
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:HE22	11	0.3
(4,1066)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:HE22	11	0.3
(4,946)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:H	14	0.3
(4,896)	1:82:A:PHE:HE1	1:127:A:ASN:H	9	0.3
(4,896)	1:82:A:PHE:HE2	1:127:A:ASN:H	9	0.3
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB1	5	0.3
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB2	5	0.3
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB3	5	0.3
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB1	5	0.3
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB2	5	0.3
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB3	5	0.3
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB1	15	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB2	15	0.3
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB3	15	0.3
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB1	15	0.3
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB2	15	0.3
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB3	15	0.3
(4,843)	1:29:A:ASN:HD21	1:31:A:TRP:H	1	0.3
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG2	11	0.3
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG3	11	0.3
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG2	13	0.3
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG3	13	0.3
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD11	3	0.3
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD12	3	0.3
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD13	3	0.3
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD21	3	0.3
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD22	3	0.3
(4,838)	1:223:A:VAL:HB	1:224:A:LEU:HD23	3	0.3
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB1	3	0.3
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB2	3	0.3
(4,814)	1:10:A:PRO:HD2	1:156:A:ALA:HB3	3	0.3
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB1	3	0.3
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB2	3	0.3
(4,814)	1:10:A:PRO:HD3	1:156:A:ALA:HB3	3	0.3
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG11	7	0.3
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG12	7	0.3
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG13	7	0.3
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG21	7	0.3
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG22	7	0.3
(4,799)	1:122:A:THR:HG21	1:132:A:VAL:HG23	7	0.3
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG11	7	0.3
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG12	7	0.3
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG13	7	0.3
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG21	7	0.3
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG22	7	0.3
(4,799)	1:122:A:THR:HG22	1:132:A:VAL:HG23	7	0.3
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG11	7	0.3
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG12	7	0.3
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG13	7	0.3
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG21	7	0.3
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG22	7	0.3
(4,799)	1:122:A:THR:HG23	1:132:A:VAL:HG23	7	0.3
(4,751)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:H	19	0.3
(4,751)	1:2:A:SER:HB3	1:4:A:GLU:H	19	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,745)	1:95:A:ILE:HD11	1:97:A:HIS:H	4	0.3
(4,745)	1:95:A:ILE:HD12	1:97:A:HIS:H	4	0.3
(4,745)	1:95:A:ILE:HD13	1:97:A:HIS:H	4	0.3
(4,733)	1:110:A:SER:H	1:111:A:ASP:HA	6	0.3
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG21	19	0.3
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG22	19	0.3
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG23	19	0.3
(4,655)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HB2	18	0.3
(4,655)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HB3	18	0.3
(4,651)	1:145:A:ASN:HB2	1:149:A:PHE:H	11	0.3
(4,651)	1:145:A:ASN:HB3	1:149:A:PHE:H	11	0.3
(4,598)	1:79:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:H	12	0.3
(4,598)	1:79:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:H	12	0.3
(4,598)	1:79:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:H	12	0.3
(4,598)	1:79:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:H	12	0.3
(4,598)	1:79:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:H	12	0.3
(4,598)	1:79:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:H	12	0.3
(4,579)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HB	10	0.3
(4,579)	1:143:A:LYS:HG3	1:146:A:VAL:HB	10	0.3
(4,515)	1:81:A:TRP:HE3	1:83:A:LYS:H	4	0.3
(4,500)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HB	1	0.3
(4,492)	1:92:A:LEU:HD21	1:93:A:TYR:HD1	3	0.3
(4,492)	1:92:A:LEU:HD21	1:93:A:TYR:HD2	3	0.3
(4,492)	1:92:A:LEU:HD22	1:93:A:TYR:HD1	3	0.3
(4,492)	1:92:A:LEU:HD22	1:93:A:TYR:HD2	3	0.3
(4,492)	1:92:A:LEU:HD23	1:93:A:TYR:HD1	3	0.3
(4,492)	1:92:A:LEU:HD23	1:93:A:TYR:HD2	3	0.3
(4,482)	1:87:A:LYS:HG2	1:90:A:CYS:H	4	0.3
(4,482)	1:87:A:LYS:HG3	1:90:A:CYS:H	4	0.3
(4,453)	1:17:A:VAL:HB	1:19:A:THR:H	20	0.3
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG11	10	0.3
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG12	10	0.3
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG13	10	0.3
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG21	10	0.3
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG22	10	0.3
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG23	10	0.3
(4,388)	1:57:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:HA	7	0.3
(4,388)	1:57:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:HA	7	0.3
(4,388)	1:57:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:HA	7	0.3
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD11	8	0.3
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD12	8	0.3
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD13	8	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,353)	1:56:A:VAL:HB	1:229:A:LEU:H	3	0.3
(4,352)	1:202:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HB2	19	0.3
(4,313)	1:79:A:VAL:HG11	1:179:A:GLU:H	4	0.3
(4,313)	1:79:A:VAL:HG12	1:179:A:GLU:H	4	0.3
(4,313)	1:79:A:VAL:HG13	1:179:A:GLU:H	4	0.3
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG11	2	0.3
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG12	2	0.3
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG13	2	0.3
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG21	2	0.3
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG22	2	0.3
(4,311)	1:202:A:ILE:H	1:207:A:VAL:HG23	2	0.3
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB2	3	0.3
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB3	3	0.3
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB2	3	0.3
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB3	3	0.3
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB2	14	0.3
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB3	14	0.3
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB2	14	0.3
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB3	14	0.3
(4,270)	1:33:A:TYR:HD1	1:232:A:GLY:H	2	0.3
(4,270)	1:33:A:TYR:HD2	1:232:A:GLY:H	2	0.3
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE1	8	0.3
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE2	8	0.3
(4,203)	1:110:A:SER:HG	1:114:A:ASN:H	12	0.3
(4,159)	1:12:A:GLU:H	1:13:A:SER:HA	13	0.3
(4,158)	1:100:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	6	0.3
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD11	16	0.3
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD12	16	0.3
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD13	16	0.3
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD21	16	0.3
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD22	16	0.3
(4,152)	1:16:A:GLU:H	1:229:A:LEU:HD23	16	0.3
(4,91)	1:35:A:ASP:H	1:230:A:GLY:H	14	0.3
(4,52)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:H	1	0.3
(4,18)	1:139:A:LEU:HD21	1:140:A:ASN:HD22	19	0.3
(4,18)	1:139:A:LEU:HD22	1:140:A:ASN:HD22	19	0.3
(4,18)	1:139:A:LEU:HD23	1:140:A:ASN:HD22	19	0.3
(3,25)	1:58:A:LEU:H	1:227:A:ALA:O	7	0.3
(3,21)	1:169:A:THR:H	1:180:A:LEU:O	18	0.3
(3,19)	1:55:A:ILE:H	1:170:A:TYR:O	6	0.3
(3,16)	1:59:A:PHE:O	1:166:A:HIS:H	7	0.3
(3,10)	1:32:A:ALA:H	1:232:A:GLY:O	12	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(3,10)	1:32:A:ALA:H	1:232:A:GLY:O	20	0.3
(3,6)	1:56:A:VAL:O	1:229:A:LEU:H	17	0.3
(2,514)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	16	0.3
(1,597)	1:5:A:ASN:ND2	1:68:A:SER:H	17	0.3
(1,205)	1:62:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	4	0.3
(1,61)	1:85:A:SER:H	1:140:A:ASN:ND2	19	0.3
(5,691)	1:5:A:ASN:ND2	1:129:A:PHE:H	10	0.29
(5,571)	1:5:A:ASN:ND2	1:114:A:ASN:H	20	0.29
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD11	12	0.29
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD12	12	0.29
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD13	12	0.29
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD21	12	0.29
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD22	12	0.29
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD23	12	0.29
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD1	1:193:A:LYS:H	10	0.29
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD2	1:193:A:LYS:H	10	0.29
(4,4194)	1:112:A:LEU:HA	1:137:A:PHE:HD1	18	0.29
(4,4194)	1:112:A:LEU:HA	1:137:A:PHE:HD2	18	0.29
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:HG2	3	0.29
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:HG3	3	0.29
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:HG2	3	0.29
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:HG3	3	0.29
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:HG2	3	0.29
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:HG3	3	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD11	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD12	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD13	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD21	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD22	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD23	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD11	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD12	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD13	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD21	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD22	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD23	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD11	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD12	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD13	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD21	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD22	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD23	20	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD11	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD12	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD13	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD21	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD22	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD23	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD11	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD12	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD13	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD21	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD22	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD23	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD11	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD12	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD13	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD21	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD22	20	0.29
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD23	20	0.29
(4,4128)	1:51:A:PRO:HA	1:52:A:VAL:HB	4	0.29
(4,4122)	1:81:A:TRP:HH2	1:187:A:GLY:H	20	0.29
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD21	8	0.29
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD22	8	0.29
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD23	8	0.29
(4,4063)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:HB2	19	0.29
(4,4063)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:HB3	19	0.29
(4,4054)	1:23:A:HIS:HD2	1:24:A:LYS:H	14	0.29
(4,4034)	1:76:A:SER:H	1:78:A:ASP:H	16	0.29
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD2	1:214:A:TYR:HA	19	0.29
(4,3969)	1:65:A:ARG:HD3	1:214:A:TYR:HA	19	0.29
(4,3946)	1:55:A:ILE:H	1:171:A:VAL:H	17	0.29
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:H	5	0.29
(4,3902)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:H	5	0.29
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:H	15	0.29
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:H	15	0.29
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:H	15	0.29
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG21	8	0.29
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG22	8	0.29
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HG23	8	0.29
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG21	8	0.29
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG22	8	0.29
(4,3865)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HG23	8	0.29
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:H	8	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:H	8	0.29
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:H	8	0.29
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD11	1:117:A:LYS:HG2	7	0.29
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD11	1:117:A:LYS:HG3	7	0.29
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD12	1:117:A:LYS:HG2	7	0.29
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD12	1:117:A:LYS:HG3	7	0.29
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD13	1:117:A:LYS:HG2	7	0.29
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD13	1:117:A:LYS:HG3	7	0.29
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD21	1:117:A:LYS:HG2	7	0.29
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD21	1:117:A:LYS:HG3	7	0.29
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD22	1:117:A:LYS:HG2	7	0.29
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD22	1:117:A:LYS:HG3	7	0.29
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD23	1:117:A:LYS:HG2	7	0.29
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD23	1:117:A:LYS:HG3	7	0.29
(4,3719)	1:102:A:ASN:H	1:103:A:GLN:HB2	16	0.29
(4,3719)	1:102:A:ASN:H	1:103:A:GLN:HB3	16	0.29
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD11	3	0.29
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD12	3	0.29
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD13	3	0.29
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD11	3	0.29
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD12	3	0.29
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD13	3	0.29
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD11	3	0.29
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD12	3	0.29
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD13	3	0.29
(4,3680)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	20	0.29
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD11	8	0.29
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD12	8	0.29
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD13	8	0.29
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG11	6	0.29
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG12	6	0.29
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG13	6	0.29
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG21	6	0.29
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG22	6	0.29
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG23	6	0.29
(4,3611)	1:56:A:VAL:HG11	1:168:A:ILE:H	3	0.29
(4,3611)	1:56:A:VAL:HG12	1:168:A:ILE:H	3	0.29
(4,3611)	1:56:A:VAL:HG13	1:168:A:ILE:H	3	0.29
(4,3560)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HA	15	0.29
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG11	18	0.29
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG12	18	0.29
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG13	18	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD21	2	0.29
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD22	2	0.29
(4,3548)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD23	2	0.29
(4,3519)	1:197:A:THR:H	1:204:A:GLN:HE21	13	0.29
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG2	1:116:A:LEU:HD11	17	0.29
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG2	1:116:A:LEU:HD12	17	0.29
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG2	1:116:A:LEU:HD13	17	0.29
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG2	1:116:A:LEU:HD21	17	0.29
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG2	1:116:A:LEU:HD22	17	0.29
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG2	1:116:A:LEU:HD23	17	0.29
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG3	1:116:A:LEU:HD11	17	0.29
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG3	1:116:A:LEU:HD12	17	0.29
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG3	1:116:A:LEU:HD13	17	0.29
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG3	1:116:A:LEU:HD21	17	0.29
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG3	1:116:A:LEU:HD22	17	0.29
(4,3449)	1:103:A:GLN:HG3	1:116:A:LEU:HD23	17	0.29
(4,3434)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:H	16	0.29
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD11	11	0.29
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD12	11	0.29
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD13	11	0.29
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD21	11	0.29
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD22	11	0.29
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD23	11	0.29
(4,3367)	1:169:A:THR:HA	1:170:A:TYR:HD1	15	0.29
(4,3367)	1:169:A:THR:HA	1:170:A:TYR:HD2	15	0.29
(4,3352)	1:95:A:ILE:HA	1:97:A:HIS:HB2	20	0.29
(4,3352)	1:95:A:ILE:HA	1:97:A:HIS:HB3	20	0.29
(4,3298)	1:190:A:TYR:H	1:191:A:LEU:H	8	0.29
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD11	10	0.29
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD12	10	0.29
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD13	10	0.29
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD21	10	0.29
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD22	10	0.29
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD23	10	0.29
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD11	10	0.29
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD12	10	0.29
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD13	10	0.29
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD21	10	0.29
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD22	10	0.29
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD23	10	0.29
(4,3222)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:H	6	0.29
(4,3222)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:H	18	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3201)	1:169:A:THR:H	1:179:A:GLU:HG2	13	0.29
(4,3201)	1:169:A:THR:H	1:179:A:GLU:HG3	13	0.29
(4,3200)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:H	11	0.29
(4,3200)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:H	11	0.29
(4,3200)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:H	11	0.29
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD11	5	0.29
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD12	5	0.29
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD13	5	0.29
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD21	5	0.29
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD22	5	0.29
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD23	5	0.29
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD11	12	0.29
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD12	12	0.29
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD13	12	0.29
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD21	12	0.29
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD22	12	0.29
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD23	12	0.29
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG21	1:210:A:ARG:HG2	14	0.29
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG21	1:210:A:ARG:HG3	14	0.29
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG22	1:210:A:ARG:HG2	14	0.29
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG22	1:210:A:ARG:HG3	14	0.29
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG23	1:210:A:ARG:HG2	14	0.29
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG23	1:210:A:ARG:HG3	14	0.29
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG21	1:139:A:LEU:CD1	9	0.29
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG22	1:139:A:LEU:CD1	9	0.29
(4,3125)	1:86:A:VAL:HG23	1:139:A:LEU:CD1	9	0.29
(4,3116)	1:22:A:ALA:HA	1:25:A:LEU:HA	16	0.29
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD11	2	0.29
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD12	2	0.29
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD13	2	0.29
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD21	2	0.29
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD22	2	0.29
(4,3106)	1:98:A:SER:HA	1:99:A:LEU:HD23	2	0.29
(4,3039)	1:77:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD21	8	0.29
(4,3032)	1:153:A:GLN:H	1:153:A:GLN:HE22	4	0.29
(4,3008)	1:125:A:SER:H	1:128:A:ARG:H	3	0.29
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD21	18	0.29
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD22	18	0.29
(4,2990)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD23	18	0.29
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD11	20	0.29
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD12	20	0.29
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD13	20	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD21	20	0.29
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD22	20	0.29
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD23	20	0.29
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD11	20	0.29
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD12	20	0.29
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD13	20	0.29
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD21	20	0.29
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD22	20	0.29
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD23	20	0.29
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD11	20	0.29
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD12	20	0.29
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD13	20	0.29
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD21	20	0.29
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD22	20	0.29
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD23	20	0.29
(4,2958)	1:52:A:VAL:H	1:54:A:ALA:H	16	0.29
(4,2938)	1:27:A:LEU:HA	1:105:A:LEU:HB2	15	0.29
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	7	0.29
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	7	0.29
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	7	0.29
(4,2864)	1:224:A:LEU:H	1:226:A:PHE:H	4	0.29
(4,2853)	1:84:A:GLN:H	1:183:A:ARG:H	4	0.29
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HB2	6	0.29
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HB3	6	0.29
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HB2	6	0.29
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HB3	6	0.29
(4,2838)	1:73:A:ILE:H	1:75:A:SER:H	19	0.29
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG21	1:229:A:LEU:H	20	0.29
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG22	1:229:A:LEU:H	20	0.29
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG23	1:229:A:LEU:H	20	0.29
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:H	18	0.29
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:H	18	0.29
(4,2655)	1:92:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:H	18	0.29
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HG21	13	0.29
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HG22	13	0.29
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HG23	13	0.29
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HG21	13	0.29
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HG22	13	0.29
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HG23	13	0.29
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HG21	13	0.29
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HG22	13	0.29
(4,2624)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HG23	13	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2622)	1:5:A:ASN:HD21	1:7:A:ALA:H	8	0.29
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD1	17	0.29
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD2	17	0.29
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD1	17	0.29
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD2	17	0.29
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD1	17	0.29
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD2	17	0.29
(4,2494)	1:59:A:PHE:HA	1:226:A:PHE:H	2	0.29
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB2	1	0.29
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB3	1	0.29
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD11	8	0.29
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD12	8	0.29
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD13	8	0.29
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD21	8	0.29
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD22	8	0.29
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD23	8	0.29
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:H	4	0.29
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:H	4	0.29
(4,2392)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:H	4	0.29
(4,2324)	1:65:A:ARG:H	1:67:A:SER:H	8	0.29
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB1	7	0.29
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB2	7	0.29
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG21	1:218:A:ALA:HB3	7	0.29
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB1	7	0.29
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB2	7	0.29
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG22	1:218:A:ALA:HB3	7	0.29
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB1	7	0.29
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB2	7	0.29
(4,2321)	1:61:A:ILE:HG23	1:218:A:ALA:HB3	7	0.29
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:H	17	0.29
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:H	17	0.29
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:H	17	0.29
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:H	17	0.29
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:H	17	0.29
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:H	17	0.29
(4,2280)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:H	13	0.29
(4,2200)	1:59:A:PHE:HD1	1:215:A:MET:HA	8	0.29
(4,2200)	1:59:A:PHE:HD2	1:215:A:MET:HA	8	0.29
(4,2162)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	12	0.29
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD11	16	0.29
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD12	16	0.29
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD13	16	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD11	16	0.29
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD12	16	0.29
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD13	16	0.29
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD11	1:179:A:GLU:H	20	0.29
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD12	1:179:A:GLU:H	20	0.29
(4,2013)	1:177:A:ILE:HD13	1:179:A:GLU:H	20	0.29
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD21	20	0.29
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD22	20	0.29
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD21	20	0.29
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD22	20	0.29
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD21	20	0.29
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD22	20	0.29
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD21	20	0.29
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD22	20	0.29
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD21	20	0.29
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD22	20	0.29
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD21	20	0.29
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD22	20	0.29
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	16	0.29
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	16	0.29
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD21	12	0.29
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD22	12	0.29
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD23	12	0.29
(4,1800)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD21	10	0.29
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG11	13	0.29
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG12	13	0.29
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG13	13	0.29
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG21	13	0.29
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG22	13	0.29
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG23	13	0.29
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG11	13	0.29
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG12	13	0.29
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG13	13	0.29
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG21	13	0.29
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG22	13	0.29
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG23	13	0.29
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:H	17	0.29
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:H	17	0.29
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:H	17	0.29
(4,1733)	1:39:A:LEU:HG	1:41:A:GLU:H	5	0.29
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:H	1	0.29
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:H	1	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:H	1	0.29
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB2	16	0.29
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB3	16	0.29
(4,1595)	1:193:A:LYS:H	1:194:A:SER:HA	19	0.29
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD11	4	0.29
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD12	4	0.29
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD13	4	0.29
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD21	4	0.29
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD22	4	0.29
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD23	4	0.29
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD11	12	0.29
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD12	12	0.29
(4,1572)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HD13	12	0.29
(4,1540)	1:33:A:TYR:HD1	1:231:A:LEU:H	2	0.29
(4,1540)	1:33:A:TYR:HD2	1:231:A:LEU:H	2	0.29
(4,1510)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HG2	11	0.29
(4,1510)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HG3	11	0.29
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HA	4	0.29
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HA	4	0.29
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HA	4	0.29
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD21	5	0.29
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD22	5	0.29
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD23	5	0.29
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD11	10	0.29
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD12	10	0.29
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD13	10	0.29
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD21	10	0.29
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD22	10	0.29
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD23	10	0.29
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD1	1	0.29
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD2	1	0.29
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD1	1	0.29
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD2	1	0.29
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	7	0.29
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	7	0.29
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	7	0.29
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	7	0.29
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	7	0.29
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	7	0.29
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB2	12	0.29
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB2	12	0.29
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB2	12	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD11	17	0.29
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD12	17	0.29
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD13	17	0.29
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:H	18	0.29
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:H	18	0.29
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:H	18	0.29
(4,1353)	1:29:A:ASN:H	1:29:A:ASN:HD22	12	0.29
(4,1353)	1:29:A:ASN:H	1:29:A:ASN:HD22	20	0.29
(4,1244)	1:172:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:H	3	0.29
(4,1244)	1:172:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:H	3	0.29
(4,1208)	1:59:A:PHE:HD1	1:166:A:HIS:H	3	0.29
(4,1208)	1:59:A:PHE:HD2	1:166:A:HIS:H	3	0.29
(4,1192)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB3	16	0.29
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE21	12	0.29
(4,1173)	1:172:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HE22	12	0.29
(4,1163)	1:234:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD22	5	0.29
(4,1163)	1:234:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD22	11	0.29
(4,1155)	1:112:A:LEU:HD11	1:114:A:ASN:H	16	0.29
(4,1155)	1:112:A:LEU:HD12	1:114:A:ASN:H	16	0.29
(4,1155)	1:112:A:LEU:HD13	1:114:A:ASN:H	16	0.29
(4,1146)	1:106:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	1	0.29
(4,1146)	1:106:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	1	0.29
(4,1146)	1:106:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	1	0.29
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD21	13	0.29
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD22	13	0.29
(4,1113)	1:233:A:PRO:HA	1:235:A:TRP:H	16	0.29
(4,1107)	1:57:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HD1	12	0.29
(4,1107)	1:57:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HD2	12	0.29
(4,1104)	1:195:A:ASP:H	1:207:A:VAL:H	8	0.29
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD11	8	0.29
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD12	8	0.29
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD13	8	0.29
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD21	8	0.29
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD22	8	0.29
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE21	1:206:A:LEU:HD23	8	0.29
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD11	8	0.29
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD12	8	0.29
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD13	8	0.29
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD21	8	0.29
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD22	8	0.29
(4,1097)	1:204:A:GLN:HE22	1:206:A:LEU:HD23	8	0.29
(4,1050)	1:15:A:PRO:HB2	1:34:A:PHE:H	19	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1050)	1:15:A:PRO:HB3	1:34:A:PHE:H	19	0.29
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB2	12	0.29
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD11	1:205:A:GLU:HB3	12	0.29
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB2	12	0.29
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD12	1:205:A:GLU:HB3	12	0.29
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB2	12	0.29
(4,1024)	1:177:A:ILE:HD13	1:205:A:GLU:HB3	12	0.29
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD11	3	0.29
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD12	3	0.29
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD13	3	0.29
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD21	3	0.29
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD22	3	0.29
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB1	1:48:A:LEU:HD23	3	0.29
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD11	3	0.29
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD12	3	0.29
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD13	3	0.29
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD21	3	0.29
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD22	3	0.29
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB2	1:48:A:LEU:HD23	3	0.29
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD11	3	0.29
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD12	3	0.29
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD13	3	0.29
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD21	3	0.29
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD22	3	0.29
(4,1000)	1:46:A:ALA:HB3	1:48:A:LEU:HD23	3	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD11	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD12	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD13	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD21	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD22	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD23	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD11	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD12	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD13	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD21	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD22	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD23	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD11	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD12	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD13	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD21	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD22	18	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD23	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD11	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD12	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD13	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD21	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD22	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD23	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD11	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD12	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD13	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD21	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD22	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD23	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD11	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD12	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD13	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD21	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD22	18	0.29
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD23	18	0.29
(4,978)	1:118:A:SER:H	1:121:A:ASP:H	12	0.29
(4,950)	1:58:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:H	15	0.29
(4,950)	1:58:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:H	15	0.29
(4,950)	1:58:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:H	15	0.29
(4,950)	1:58:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:H	15	0.29
(4,950)	1:58:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:H	15	0.29
(4,950)	1:58:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:H	15	0.29
(4,929)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:H	15	0.29
(4,929)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:H	15	0.29
(4,929)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:H	15	0.29
(4,922)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:HB2	19	0.29
(4,922)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:HB3	19	0.29
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG2	13	0.29
(4,901)	1:145:A:ASN:HB2	1:147:A:GLN:HG3	13	0.29
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG2	13	0.29
(4,901)	1:145:A:ASN:HB3	1:147:A:GLN:HG3	13	0.29
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB1	17	0.29
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB2	17	0.29
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB3	17	0.29
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB1	17	0.29
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB2	17	0.29
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB3	17	0.29
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG21	3	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG22	3	0.29
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG23	3	0.29
(4,813)	1:36:A:ILE:HD11	1:48:A:LEU:CD2	8	0.29
(4,813)	1:36:A:ILE:HD12	1:48:A:LEU:CD2	8	0.29
(4,813)	1:36:A:ILE:HD13	1:48:A:LEU:CD2	8	0.29
(4,761)	1:18:A:PHE:HE1	1:56:A:VAL:HG21	5	0.29
(4,761)	1:18:A:PHE:HE1	1:56:A:VAL:HG22	5	0.29
(4,761)	1:18:A:PHE:HE1	1:56:A:VAL:HG23	5	0.29
(4,761)	1:18:A:PHE:HE2	1:56:A:VAL:HG21	5	0.29
(4,761)	1:18:A:PHE:HE2	1:56:A:VAL:HG22	5	0.29
(4,761)	1:18:A:PHE:HE2	1:56:A:VAL:HG23	5	0.29
(4,755)	1:16:A:GLU:H	1:34:A:PHE:HA	4	0.29
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD11	18	0.29
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD12	18	0.29
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD13	18	0.29
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD21	18	0.29
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD22	18	0.29
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD23	18	0.29
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD11	18	0.29
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD12	18	0.29
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD13	18	0.29
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD21	18	0.29
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD22	18	0.29
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD23	18	0.29
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD11	18	0.29
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD12	18	0.29
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD13	18	0.29
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD21	18	0.29
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD22	18	0.29
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD23	18	0.29
(4,743)	1:217:A:ASN:HB3	1:218:A:ALA:HB1	9	0.29
(4,743)	1:217:A:ASN:HB3	1:218:A:ALA:HB2	9	0.29
(4,743)	1:217:A:ASN:HB3	1:218:A:ALA:HB3	9	0.29
(4,675)	1:3:A:GLY:H	1:5:A:ASN:H	12	0.29
(4,647)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:H	9	0.29
(4,647)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:H	17	0.29
(4,616)	1:61:A:ILE:HA	1:214:A:TYR:HD1	19	0.29
(4,616)	1:61:A:ILE:HA	1:214:A:TYR:HD2	19	0.29
(4,584)	1:219:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB2	11	0.29
(4,584)	1:219:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB3	11	0.29
(4,584)	1:219:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB2	11	0.29
(4,584)	1:219:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB3	11	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,570)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:HG2	6	0.29
(4,570)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:HG3	6	0.29
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB2	18	0.29
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB3	18	0.29
(4,520)	1:137:A:PHE:HB3	1:139:A:LEU:H	1	0.29
(4,496)	1:79:A:VAL:HG21	1:189:A:LEU:H	10	0.29
(4,496)	1:79:A:VAL:HG22	1:189:A:LEU:H	10	0.29
(4,496)	1:79:A:VAL:HG23	1:189:A:LEU:H	10	0.29
(4,452)	1:115:A:PHE:H	1:118:A:SER:H	14	0.29
(4,443)	1:20:A:ASN:HB2	1:23:A:HIS:H	18	0.29
(4,443)	1:20:A:ASN:HB3	1:23:A:HIS:H	18	0.29
(4,422)	1:43:A:GLU:HG2	1:45:A:LEU:H	16	0.29
(4,422)	1:43:A:GLU:HG3	1:45:A:LEU:H	16	0.29
(4,391)	1:44:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	1	0.29
(4,391)	1:44:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	1	0.29
(4,391)	1:44:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	1	0.29
(4,388)	1:57:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:HA	18	0.29
(4,388)	1:57:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:HA	18	0.29
(4,388)	1:57:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:HA	18	0.29
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD11	8	0.29
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD12	8	0.29
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD13	8	0.29
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD21	8	0.29
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD22	8	0.29
(4,386)	1:18:A:PHE:HA	1:229:A:LEU:HD23	8	0.29
(4,375)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD21	3	0.29
(4,375)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD21	3	0.29
(4,375)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD21	3	0.29
(4,334)	1:191:A:LEU:HD11	1:206:A:LEU:HG	9	0.29
(4,334)	1:191:A:LEU:HD12	1:206:A:LEU:HG	9	0.29
(4,334)	1:191:A:LEU:HD13	1:206:A:LEU:HG	9	0.29
(4,334)	1:191:A:LEU:HD21	1:206:A:LEU:HG	9	0.29
(4,334)	1:191:A:LEU:HD22	1:206:A:LEU:HG	9	0.29
(4,334)	1:191:A:LEU:HD23	1:206:A:LEU:HG	9	0.29
(4,287)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:H	13	0.29
(4,287)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:H	13	0.29
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD11	17	0.29
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD12	17	0.29
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD13	17	0.29
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD21	17	0.29
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD22	17	0.29
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD23	17	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD21	17	0.29
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD22	17	0.29
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD23	17	0.29
(4,166)	1:181:A:ASP:H	1:184:A:ASN:HD21	11	0.29
(4,166)	1:181:A:ASP:H	1:184:A:ASN:HD22	11	0.29
(4,165)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	8	0.29
(4,165)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	8	0.29
(4,165)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	8	0.29
(4,159)	1:12:A:GLU:H	1:13:A:SER:HA	10	0.29
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD11	10	0.29
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD12	10	0.29
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD13	10	0.29
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD21	10	0.29
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD22	10	0.29
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD23	10	0.29
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD11	10	0.29
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD12	10	0.29
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD13	10	0.29
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD21	10	0.29
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD22	10	0.29
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD23	10	0.29
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD11	10	0.29
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD12	10	0.29
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD13	10	0.29
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD21	10	0.29
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD22	10	0.29
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD23	10	0.29
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD11	8	0.29
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD12	8	0.29
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD13	8	0.29
(4,93)	1:144:A:GLU:HB2	1:149:A:PHE:HD1	5	0.29
(4,93)	1:144:A:GLU:HB2	1:149:A:PHE:HD2	5	0.29
(4,93)	1:144:A:GLU:HB3	1:149:A:PHE:HD1	5	0.29
(4,93)	1:144:A:GLU:HB3	1:149:A:PHE:HD2	5	0.29
(4,79)	1:52:A:VAL:HG21	1:232:A:GLY:H	18	0.29
(4,79)	1:52:A:VAL:HG22	1:232:A:GLY:H	18	0.29
(4,79)	1:52:A:VAL:HG23	1:232:A:GLY:H	18	0.29
(4,1)	1:30:A:GLU:C	1:234:A:ASN:N	3	0.29
(3,20)	1:57:A:LEU:O	1:168:A:ILE:H	9	0.29
(3,5)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:O	20	0.29
(2,399)	1:11:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	1	0.29
(1,234)	1:100:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	17	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(5,583)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	8	0.28
(5,461)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	6	0.28
(4,4311)	1:177:A:ILE:H	1:195:A:ASP:H	5	0.28
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB2	1:207:A:VAL:HG21	1	0.28
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB2	1:207:A:VAL:HG22	1	0.28
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB2	1:207:A:VAL:HG23	1	0.28
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB3	1:207:A:VAL:HG21	1	0.28
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB3	1:207:A:VAL:HG22	1	0.28
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB3	1:207:A:VAL:HG23	1	0.28
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG11	19	0.28
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG12	19	0.28
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG13	19	0.28
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG21	19	0.28
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG22	19	0.28
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG23	19	0.28
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG11	19	0.28
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG12	19	0.28
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG13	19	0.28
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG21	19	0.28
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG22	19	0.28
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG23	19	0.28
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG11	4	0.28
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG12	4	0.28
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG13	4	0.28
(4,4246)	1:62:A:ASN:H	1:65:A:ARG:H	13	0.28
(4,4243)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG11	13	0.28
(4,4243)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG12	13	0.28
(4,4243)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG13	13	0.28
(4,4234)	1:2:A:SER:HA	1:8:A:VAL:HA	19	0.28
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD11	17	0.28
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD12	17	0.28
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD13	17	0.28
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD21	17	0.28
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD22	17	0.28
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD23	17	0.28
(4,4086)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:H	6	0.28
(4,4081)	1:168:A:ILE:H	1:169:A:THR:HG1	7	0.28
(4,4018)	1:164:A:ASN:H	1:165:A:LEU:HB3	2	0.28
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG11	17	0.28
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG12	17	0.28
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG13	17	0.28
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG21	17	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG22	17	0.28
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG23	17	0.28
(4,4012)	1:136:A:GLN:HE21	1:137:A:PHE:H	19	0.28
(4,4012)	1:136:A:GLN:HE22	1:137:A:PHE:H	19	0.28
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG11	1:141:A:VAL:HB	6	0.28
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG12	1:141:A:VAL:HB	6	0.28
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG13	1:141:A:VAL:HB	6	0.28
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG21	1:141:A:VAL:HB	6	0.28
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG22	1:141:A:VAL:HB	6	0.28
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG23	1:141:A:VAL:HB	6	0.28
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD1	1:151:A:THR:H	8	0.28
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD2	1:151:A:THR:H	8	0.28
(4,3935)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD1	13	0.28
(4,3935)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD2	13	0.28
(4,3935)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD1	13	0.28
(4,3935)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD2	13	0.28
(4,3929)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:H	6	0.28
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:HA	7	0.28
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:HA	7	0.28
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:HA	7	0.28
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:HA	7	0.28
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:HA	7	0.28
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:HA	7	0.28
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD1	1:228:A:MET:HG2	15	0.28
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD1	1:228:A:MET:HG3	15	0.28
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD2	1:228:A:MET:HG2	15	0.28
(4,3842)	1:226:A:PHE:HD2	1:228:A:MET:HG3	15	0.28
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB2	9	0.28
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD11	1:210:A:ARG:HB3	9	0.28
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB2	9	0.28
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD12	1:210:A:ARG:HB3	9	0.28
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB2	9	0.28
(4,3836)	1:168:A:ILE:HD13	1:210:A:ARG:HB3	9	0.28
(4,3732)	1:178:A:PHE:H	1:178:A:PHE:HD1	13	0.28
(4,3732)	1:178:A:PHE:H	1:178:A:PHE:HD2	13	0.28
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:H	6	0.28
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:H	6	0.28
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:H	6	0.28
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:H	6	0.28
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:H	6	0.28
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:H	6	0.28
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG21	7	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG22	7	0.28
(4,3721)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG23	7	0.28
(4,3709)	1:81:A:TRP:HE1	1:181:A:ASP:HA	4	0.28
(4,3652)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD11	17	0.28
(4,3652)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD12	17	0.28
(4,3652)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD13	17	0.28
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	13	0.28
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	13	0.28
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	13	0.28
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG21	14	0.28
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG22	14	0.28
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG23	14	0.28
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD11	20	0.28
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD12	20	0.28
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD13	20	0.28
(4,3535)	1:89:A:ALA:HB1	1:93:A:TYR:HD1	4	0.28
(4,3535)	1:89:A:ALA:HB1	1:93:A:TYR:HD2	4	0.28
(4,3535)	1:89:A:ALA:HB2	1:93:A:TYR:HD1	4	0.28
(4,3535)	1:89:A:ALA:HB2	1:93:A:TYR:HD2	4	0.28
(4,3535)	1:89:A:ALA:HB3	1:93:A:TYR:HD1	4	0.28
(4,3535)	1:89:A:ALA:HB3	1:93:A:TYR:HD2	4	0.28
(4,3517)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG21	1	0.28
(4,3517)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG22	1	0.28
(4,3517)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG23	1	0.28
(4,3517)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG21	17	0.28
(4,3517)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG22	17	0.28
(4,3517)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG23	17	0.28
(4,3496)	1:164:A:ASN:HB2	1:165:A:LEU:HD11	18	0.28
(4,3496)	1:164:A:ASN:HB2	1:165:A:LEU:HD12	18	0.28
(4,3496)	1:164:A:ASN:HB2	1:165:A:LEU:HD13	18	0.28
(4,3496)	1:164:A:ASN:HB2	1:165:A:LEU:HD21	18	0.28
(4,3496)	1:164:A:ASN:HB2	1:165:A:LEU:HD22	18	0.28
(4,3496)	1:164:A:ASN:HB2	1:165:A:LEU:HD23	18	0.28
(4,3496)	1:164:A:ASN:HB3	1:165:A:LEU:HD11	18	0.28
(4,3496)	1:164:A:ASN:HB3	1:165:A:LEU:HD12	18	0.28
(4,3496)	1:164:A:ASN:HB3	1:165:A:LEU:HD13	18	0.28
(4,3496)	1:164:A:ASN:HB3	1:165:A:LEU:HD21	18	0.28
(4,3496)	1:164:A:ASN:HB3	1:165:A:LEU:HD22	18	0.28
(4,3496)	1:164:A:ASN:HB3	1:165:A:LEU:HD23	18	0.28
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG21	3	0.28
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG22	3	0.28
(4,3388)	1:170:A:TYR:H	1:207:A:VAL:HG23	3	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB1	1:94:A:ALA:H	5	0.28
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB2	1:94:A:ALA:H	5	0.28
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB3	1:94:A:ALA:H	5	0.28
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE1	4	0.28
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG21	1:214:A:TYR:HE2	4	0.28
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE1	4	0.28
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG22	1:214:A:TYR:HE2	4	0.28
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE1	4	0.28
(4,3251)	1:61:A:ILE:HG23	1:214:A:TYR:HE2	4	0.28
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD11	9	0.28
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD12	9	0.28
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD13	9	0.28
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD21	9	0.28
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD22	9	0.28
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD23	9	0.28
(4,3207)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:H	7	0.28
(4,3207)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:H	8	0.28
(4,3051)	1:163:A:THR:HA	1:165:A:LEU:HB3	11	0.28
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD11	10	0.28
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD12	10	0.28
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD13	10	0.28
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD21	10	0.28
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD22	10	0.28
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD23	10	0.28
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD11	10	0.28
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD12	10	0.28
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD13	10	0.28
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD21	10	0.28
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD22	10	0.28
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD23	10	0.28
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HE1	20	0.28
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HE1	20	0.28
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HE1	20	0.28
(4,2986)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:HD11	7	0.28
(4,2986)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:HD12	7	0.28
(4,2986)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:HD13	7	0.28
(4,2958)	1:52:A:VAL:H	1:54:A:ALA:H	8	0.28
(4,2923)	1:36:A:ILE:H	1:38:A:SER:H	6	0.28
(4,2905)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:HD22	14	0.28
(4,2905)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:HD22	14	0.28
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:H	11	0.28
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:H	11	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2864)	1:224:A:LEU:H	1:226:A:PHE:H	10	0.28
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD11	6	0.28
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD12	6	0.28
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD13	6	0.28
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD21	6	0.28
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD22	6	0.28
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD23	6	0.28
(4,2835)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HG12	3	0.28
(4,2835)	1:35:A:ASP:H	1:36:A:ILE:HG13	3	0.28
(4,2792)	1:88:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HD11	8	0.28
(4,2792)	1:88:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HD12	8	0.28
(4,2792)	1:88:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HD13	8	0.28
(4,2784)	1:74:A:THR:HG21	1:76:A:SER:H	5	0.28
(4,2784)	1:74:A:THR:HG22	1:76:A:SER:H	5	0.28
(4,2784)	1:74:A:THR:HG23	1:76:A:SER:H	5	0.28
(4,2726)	1:208:A:ARG:H	1:208:A:ARG:HD3	15	0.28
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	18	0.28
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	18	0.28
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	18	0.28
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	18	0.28
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	18	0.28
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	18	0.28
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	18	0.28
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	18	0.28
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	18	0.28
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	18	0.28
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	18	0.28
(4,2710)	1:58:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	18	0.28
(4,2704)	1:146:A:VAL:HB	1:148:A:THR:H	4	0.28
(4,2692)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HB3	16	0.28
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB1	13	0.28
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB2	13	0.28
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB3	13	0.28
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB1	13	0.28
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB2	13	0.28
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB3	13	0.28
(4,2651)	1:174:A:ASN:HD21	1:175:A:GLY:H	12	0.28
(4,2651)	1:174:A:ASN:HD22	1:175:A:GLY:H	12	0.28
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:HB2	19	0.28
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:HB2	19	0.28
(4,2650)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:HB2	19	0.28
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE1	1:95:A:ILE:H	9	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2633)	1:21:A:PHE:HE2	1:95:A:ILE:H	9	0.28
(4,2621)	1:40:A:THR:HA	1:203:A:GLU:HA	17	0.28
(4,2598)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:HD22	4	0.28
(4,2598)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:HD22	10	0.28
(4,2575)	1:19:A:THR:HG21	1:235:A:TRP:H	11	0.28
(4,2575)	1:19:A:THR:HG22	1:235:A:TRP:H	11	0.28
(4,2575)	1:19:A:THR:HG23	1:235:A:TRP:H	11	0.28
(4,2560)	1:142:A:ILE:HB	1:143:A:LYS:HA	1	0.28
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:H	15	0.28
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:H	15	0.28
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD11	10	0.28
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD12	10	0.28
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD13	10	0.28
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD21	10	0.28
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD22	10	0.28
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD23	10	0.28
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG2	1:110:A:SER:H	13	0.28
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG3	1:110:A:SER:H	13	0.28
(4,2521)	1:81:A:TRP:H	1:82:A:PHE:HZ	17	0.28
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG11	1:228:A:MET:HB2	6	0.28
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG11	1:228:A:MET:HB3	6	0.28
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG12	1:228:A:MET:HB2	6	0.28
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG12	1:228:A:MET:HB3	6	0.28
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG13	1:228:A:MET:HB2	6	0.28
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG13	1:228:A:MET:HB3	6	0.28
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HB2	6	0.28
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HB3	6	0.28
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HB2	6	0.28
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HB3	6	0.28
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HB2	6	0.28
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HB3	6	0.28
(4,2397)	1:210:A:ARG:HG2	1:212:A:ALA:H	9	0.28
(4,2397)	1:210:A:ARG:HG3	1:212:A:ALA:H	9	0.28
(4,2285)	1:177:A:ILE:HG12	1:195:A:ASP:H	5	0.28
(4,2285)	1:177:A:ILE:HG13	1:195:A:ASP:H	5	0.28
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD21	14	0.28
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD22	14	0.28
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD23	14	0.28
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG11	12	0.28
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG12	12	0.28
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG13	12	0.28
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG11	12	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG12	12	0.28
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG13	12	0.28
(4,2203)	1:172:A:GLU:H	1:201:A:LEU:HD11	6	0.28
(4,2203)	1:172:A:GLU:H	1:201:A:LEU:HD12	6	0.28
(4,2203)	1:172:A:GLU:H	1:201:A:LEU:HD13	6	0.28
(4,2200)	1:59:A:PHE:HD1	1:215:A:MET:HA	16	0.28
(4,2200)	1:59:A:PHE:HD2	1:215:A:MET:HA	16	0.28
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB1	4	0.28
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB2	4	0.28
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB3	4	0.28
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB1	4	0.28
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB2	4	0.28
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB3	4	0.28
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB1	4	0.28
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB2	4	0.28
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB3	4	0.28
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB1	16	0.28
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB2	16	0.28
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB3	16	0.28
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB1	16	0.28
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB2	16	0.28
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB3	16	0.28
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB1	16	0.28
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB2	16	0.28
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB3	16	0.28
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:H	9	0.28
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:H	9	0.28
(4,2147)	1:191:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:H	9	0.28
(4,2084)	1:97:A:HIS:H	1:169:A:THR:HB	16	0.28
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG21	1:98:A:SER:H	19	0.28
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG22	1:98:A:SER:H	19	0.28
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG23	1:98:A:SER:H	19	0.28
(4,2028)	1:41:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HG	5	0.28
(4,2005)	1:147:A:GLN:HE22	1:148:A:THR:H	19	0.28
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD1	1:190:A:TYR:H	19	0.28
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD2	1:190:A:TYR:H	19	0.28
(4,1948)	1:211:A:VAL:HG21	1:214:A:TYR:H	3	0.28
(4,1948)	1:211:A:VAL:HG22	1:214:A:TYR:H	3	0.28
(4,1948)	1:211:A:VAL:HG23	1:214:A:TYR:H	3	0.28
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD11	16	0.28
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD12	16	0.28
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD13	16	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD21	16	0.28
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD22	16	0.28
(4,1917)	1:178:A:PHE:H	1:206:A:LEU:HD23	16	0.28
(4,1888)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:HB2	11	0.28
(4,1888)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:HB3	11	0.28
(4,1881)	1:42:A:PRO:HB2	1:46:A:ALA:HA	2	0.28
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	20	0.28
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	20	0.28
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	20	0.28
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD2	1:84:A:GLN:HB2	1	0.28
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD2	1:84:A:GLN:HB3	1	0.28
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD3	1:84:A:GLN:HB2	1	0.28
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD3	1:84:A:GLN:HB3	1	0.28
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD11	11	0.28
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD12	11	0.28
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD13	11	0.28
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD21	11	0.28
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD22	11	0.28
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD23	11	0.28
(4,1810)	1:143:A:LYS:H	1:143:A:LYS:HE2	18	0.28
(4,1810)	1:143:A:LYS:H	1:143:A:LYS:HE3	18	0.28
(4,1739)	1:222:A:ASP:H	1:224:A:LEU:H	12	0.28
(4,1720)	1:5:A:ASN:H	1:7:A:ALA:H	16	0.28
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:H	3	0.28
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:H	3	0.28
(4,1710)	1:106:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:H	3	0.28
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	4	0.28
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	4	0.28
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	4	0.28
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	4	0.28
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	4	0.28
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	4	0.28
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:H	10	0.28
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:H	10	0.28
(4,1674)	1:45:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:H	10	0.28
(4,1673)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HB	4	0.28
(4,1672)	1:21:A:PHE:HD1	1:22:A:ALA:HA	6	0.28
(4,1672)	1:21:A:PHE:HD2	1:22:A:ALA:HA	6	0.28
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD1	1:56:A:VAL:HG21	5	0.28
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD1	1:56:A:VAL:HG22	5	0.28
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD1	1:56:A:VAL:HG23	5	0.28
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD2	1:56:A:VAL:HG21	5	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD2	1:56:A:VAL:HG22	5	0.28
(4,1509)	1:18:A:PHE:HD2	1:56:A:VAL:HG23	5	0.28
(4,1480)	1:177:A:ILE:HD11	1:206:A:LEU:HB3	9	0.28
(4,1480)	1:177:A:ILE:HD12	1:206:A:LEU:HB3	9	0.28
(4,1480)	1:177:A:ILE:HD13	1:206:A:LEU:HB3	9	0.28
(4,1473)	1:195:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE22	16	0.28
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD21	18	0.28
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD22	18	0.28
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD23	18	0.28
(4,1353)	1:29:A:ASN:H	1:29:A:ASN:HD22	10	0.28
(4,1353)	1:29:A:ASN:H	1:29:A:ASN:HD22	17	0.28
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG11	11	0.28
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG12	11	0.28
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG13	11	0.28
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG21	11	0.28
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG22	11	0.28
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG23	11	0.28
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD11	1:21:A:PHE:H	15	0.28
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD12	1:21:A:PHE:H	15	0.28
(4,1298)	1:11:A:ILE:HD13	1:21:A:PHE:H	15	0.28
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE1	1:180:A:LEU:H	4	0.28
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE2	1:180:A:LEU:H	4	0.28
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE1	1:180:A:LEU:H	13	0.28
(4,1237)	1:170:A:TYR:HE2	1:180:A:LEU:H	13	0.28
(4,1192)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB3	15	0.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD11	1	0.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD12	1	0.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD13	1	0.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD21	1	0.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD22	1	0.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD23	1	0.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD11	1	0.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD12	1	0.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD13	1	0.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD21	1	0.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD22	1	0.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD23	1	0.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD11	1	0.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD12	1	0.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD13	1	0.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD21	1	0.28
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD22	1	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD23	1	0.28
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD21	1:114:A:ASN:H	3	0.28
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD22	1:114:A:ASN:H	3	0.28
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD23	1:114:A:ASN:H	3	0.28
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD21	1:114:A:ASN:H	9	0.28
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD22	1:114:A:ASN:H	9	0.28
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD23	1:114:A:ASN:H	9	0.28
(4,1163)	1:234:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD22	10	0.28
(4,1163)	1:234:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD22	16	0.28
(4,1146)	1:106:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	11	0.28
(4,1146)	1:106:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	11	0.28
(4,1146)	1:106:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	11	0.28
(4,1143)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:H	9	0.28
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD21	14	0.28
(4,1132)	1:55:A:ILE:H	1:102:A:ASN:HD22	14	0.28
(4,1120)	1:27:A:LEU:H	1:107:A:GLU:H	11	0.28
(4,1113)	1:233:A:PRO:HA	1:235:A:TRP:H	2	0.28
(4,1098)	1:203:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HG2	10	0.28
(4,1098)	1:203:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HG3	10	0.28
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD11	1:38:A:SER:H	1	0.28
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD12	1:38:A:SER:H	1	0.28
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD13	1:38:A:SER:H	1	0.28
(4,1082)	1:152:A:GLY:H	1:153:A:GLN:HB2	1	0.28
(4,1082)	1:152:A:GLY:H	1:153:A:GLN:HB3	1	0.28
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD2	1:146:A:VAL:HB	15	0.28
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD3	1:146:A:VAL:HB	15	0.28
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD11	1:93:A:TYR:HD1	4	0.28
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD11	1:93:A:TYR:HD2	4	0.28
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD12	1:93:A:TYR:HD1	4	0.28
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD12	1:93:A:TYR:HD2	4	0.28
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD13	1:93:A:TYR:HD1	4	0.28
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD13	1:93:A:TYR:HD2	4	0.28
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB1	11	0.28
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB2	11	0.28
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB3	11	0.28
(4,1016)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:HD22	6	0.28
(4,1016)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:HD22	17	0.28
(4,991)	1:137:A:PHE:HB2	1:139:A:LEU:H	17	0.28
(4,982)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HD1	13	0.28
(4,982)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HD2	13	0.28
(4,982)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HD1	13	0.28
(4,982)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HD2	13	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,982)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HD1	13	0.28
(4,982)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HD2	13	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD11	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD12	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD13	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD21	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD22	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD23	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD11	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD12	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD13	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD21	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD22	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD23	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD11	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD12	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD13	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD21	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD22	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD23	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD11	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD12	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD13	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD21	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD22	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD23	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD11	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD12	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD13	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD21	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD22	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD23	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD11	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD12	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD13	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD21	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD22	4	0.28
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD23	4	0.28
(4,946)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:H	19	0.28
(4,874)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:H	13	0.28
(4,874)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:H	13	0.28
(4,874)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:H	13	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB1	11	0.28
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB2	11	0.28
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB3	11	0.28
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB1	11	0.28
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB2	11	0.28
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB3	11	0.28
(4,843)	1:29:A:ASN:HD21	1:31:A:TRP:H	6	0.28
(4,797)	1:38:A:SER:H	1:41:A:GLU:HB2	12	0.28
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD11	3	0.28
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD12	3	0.28
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD13	3	0.28
(4,755)	1:16:A:GLU:H	1:34:A:PHE:HA	17	0.28
(4,733)	1:110:A:SER:H	1:111:A:ASP:HA	8	0.28
(4,733)	1:110:A:SER:H	1:111:A:ASP:HA	9	0.28
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG21	17	0.28
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG22	17	0.28
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG23	17	0.28
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG21	18	0.28
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG22	18	0.28
(4,702)	1:72:A:GLN:HE21	1:74:A:THR:HG23	18	0.28
(4,691)	1:52:A:VAL:HG21	1:55:A:ILE:CD1	8	0.28
(4,691)	1:52:A:VAL:HG22	1:55:A:ILE:CD1	8	0.28
(4,691)	1:52:A:VAL:HG23	1:55:A:ILE:CD1	8	0.28
(4,689)	1:44:A:LEU:HD11	1:45:A:LEU:HB2	16	0.28
(4,689)	1:44:A:LEU:HD11	1:45:A:LEU:HB3	16	0.28
(4,689)	1:44:A:LEU:HD12	1:45:A:LEU:HB2	16	0.28
(4,689)	1:44:A:LEU:HD12	1:45:A:LEU:HB3	16	0.28
(4,689)	1:44:A:LEU:HD13	1:45:A:LEU:HB2	16	0.28
(4,689)	1:44:A:LEU:HD13	1:45:A:LEU:HB3	16	0.28
(4,689)	1:44:A:LEU:HD21	1:45:A:LEU:HB2	16	0.28
(4,689)	1:44:A:LEU:HD21	1:45:A:LEU:HB3	16	0.28
(4,689)	1:44:A:LEU:HD22	1:45:A:LEU:HB2	16	0.28
(4,689)	1:44:A:LEU:HD22	1:45:A:LEU:HB3	16	0.28
(4,689)	1:44:A:LEU:HD23	1:45:A:LEU:HB2	16	0.28
(4,689)	1:44:A:LEU:HD23	1:45:A:LEU:HB3	16	0.28
(4,661)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:HE22	19	0.28
(4,661)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:HE22	19	0.28
(4,659)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HG	8	0.28
(4,655)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HB2	16	0.28
(4,655)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HB3	16	0.28
(4,598)	1:79:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:H	17	0.28
(4,598)	1:79:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:H	17	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,598)	1:79:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:H	17	0.28
(4,598)	1:79:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:H	17	0.28
(4,598)	1:79:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:H	17	0.28
(4,598)	1:79:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:H	17	0.28
(4,584)	1:219:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB2	15	0.28
(4,584)	1:219:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB3	15	0.28
(4,584)	1:219:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB2	15	0.28
(4,584)	1:219:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB3	15	0.28
(4,580)	1:106:A:LEU:HB2	1:113:A:ASP:H	14	0.28
(4,580)	1:106:A:LEU:HB3	1:113:A:ASP:H	14	0.28
(4,533)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HD22	19	0.28
(4,498)	1:73:A:ILE:HB	1:188:A:PRO:HG2	9	0.28
(4,498)	1:73:A:ILE:HB	1:188:A:PRO:HG3	9	0.28
(4,496)	1:79:A:VAL:HG21	1:189:A:LEU:H	5	0.28
(4,496)	1:79:A:VAL:HG22	1:189:A:LEU:H	5	0.28
(4,496)	1:79:A:VAL:HG23	1:189:A:LEU:H	5	0.28
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD21	13	0.28
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD22	13	0.28
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD21	13	0.28
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD22	13	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:HD11	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:HD12	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:HD13	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:HD21	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:HD22	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD11	1:229:A:LEU:HD23	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:HD11	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:HD12	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:HD13	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:HD21	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:HD22	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD12	1:229:A:LEU:HD23	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:HD11	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:HD12	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:HD13	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:HD21	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:HD22	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD13	1:229:A:LEU:HD23	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:HD11	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:HD12	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:HD13	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:HD21	7	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,446)	1:58:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:HD22	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD21	1:229:A:LEU:HD23	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:HD11	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:HD12	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:HD13	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:HD21	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:HD22	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD22	1:229:A:LEU:HD23	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:HD11	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:HD12	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:HD13	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:HD21	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:HD22	7	0.28
(4,446)	1:58:A:LEU:HD23	1:229:A:LEU:HD23	7	0.28
(4,440)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:LEU:HB3	12	0.28
(4,354)	1:88:A:ASN:H	1:90:A:CYS:H	19	0.28
(4,347)	1:39:A:LEU:HD11	1:55:A:ILE:CD1	9	0.28
(4,347)	1:39:A:LEU:HD12	1:55:A:ILE:CD1	9	0.28
(4,347)	1:39:A:LEU:HD13	1:55:A:ILE:CD1	9	0.28
(4,347)	1:39:A:LEU:HD21	1:55:A:ILE:CD1	9	0.28
(4,347)	1:39:A:LEU:HD22	1:55:A:ILE:CD1	9	0.28
(4,347)	1:39:A:LEU:HD23	1:55:A:ILE:CD1	9	0.28
(4,325)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HE1	3	0.28
(4,303)	1:59:A:PHE:HD1	1:62:A:ASN:H	19	0.28
(4,303)	1:59:A:PHE:HD2	1:62:A:ASN:H	19	0.28
(4,275)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HA	11	0.28
(4,206)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD1	12	0.28
(4,206)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD2	12	0.28
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD11	2	0.28
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD12	2	0.28
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD13	2	0.28
(4,104)	1:206:A:LEU:HD11	1:210:A:ARG:H	20	0.28
(4,104)	1:206:A:LEU:HD12	1:210:A:ARG:H	20	0.28
(4,104)	1:206:A:LEU:HD13	1:210:A:ARG:H	20	0.28
(4,104)	1:206:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:H	20	0.28
(4,104)	1:206:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:H	20	0.28
(4,104)	1:206:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:H	20	0.28
(4,91)	1:35:A:ASP:H	1:230:A:GLY:H	6	0.28
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD11	14	0.28
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD12	14	0.28
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD13	14	0.28
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD21	14	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD22	14	0.28
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD23	14	0.28
(3,25)	1:58:A:LEU:H	1:227:A:ALA:O	2	0.28
(3,20)	1:57:A:LEU:O	1:168:A:ILE:H	10	0.28
(3,20)	1:57:A:LEU:O	1:168:A:ILE:H	15	0.28
(3,20)	1:57:A:LEU:O	1:168:A:ILE:H	16	0.28
(3,18)	1:32:A:ALA:O	1:232:A:GLY:H	16	0.28
(3,10)	1:32:A:ALA:H	1:232:A:GLY:O	9	0.28
(3,5)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:O	12	0.28
(3,3)	1:179:A:GLU:O	1:189:A:LEU:H	5	0.28
(3,2)	1:58:A:LEU:O	1:227:A:ALA:H	6	0.28
(3,2)	1:58:A:LEU:O	1:227:A:ALA:H	8	0.28
(2,366)	1:9:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	13	0.28
(1,485)	1:5:A:ASN:ND2	1:221:A:GLU:H	13	0.28
(1,423)	1:5:A:ASN:ND2	1:94:A:ALA:H	11	0.28
(1,225)	1:64:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	13	0.28
(1,219)	1:183:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	8	0.28
(1,165)	1:180:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	7	0.28
(1,84)	1:33:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	4	0.28
(1,83)	1:36:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	2	0.28
(5,795)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	20	0.27
(5,703)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	2	0.27
(5,535)	1:5:A:ASN:ND2	1:127:A:ASN:H	3	0.27
(5,534)	1:5:A:ASN:ND2	1:111:A:ASP:H	19	0.27
(5,530)	1:5:A:ASN:ND2	1:58:A:LEU:H	9	0.27
(5,426)	1:5:A:ASN:ND2	1:141:A:VAL:H	15	0.27
(5,411)	1:5:A:ASN:ND2	1:98:A:SER:H	19	0.27
(5,372)	1:5:A:ASN:ND2	1:229:A:LEU:H	5	0.27
(5,131)	1:140:A:ASN:ND2	1:169:A:THR:H	15	0.27
(4,4305)	1:45:A:LEU:HB3	1:46:A:ALA:HB1	1	0.27
(4,4305)	1:45:A:LEU:HB3	1:46:A:ALA:HB2	1	0.27
(4,4305)	1:45:A:LEU:HB3	1:46:A:ALA:HB3	1	0.27
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD1	1:193:A:LYS:H	7	0.27
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD2	1:193:A:LYS:H	7	0.27
(4,4274)	1:171:A:VAL:H	1:179:A:GLU:H	6	0.27
(4,4175)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:HB2	18	0.27
(4,4175)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:HB3	18	0.27
(4,4161)	1:11:A:ILE:HA	1:153:A:GLN:HA	20	0.27
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD11	16	0.27
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD12	16	0.27
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD13	16	0.27
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD21	16	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD22	16	0.27
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD23	16	0.27
(4,4109)	1:7:A:ALA:HB1	1:9:A:VAL:H	4	0.27
(4,4109)	1:7:A:ALA:HB2	1:9:A:VAL:H	4	0.27
(4,4109)	1:7:A:ALA:HB3	1:9:A:VAL:H	4	0.27
(4,4047)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:H	20	0.27
(4,4030)	1:125:A:SER:HA	1:127:A:ASN:H	1	0.27
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD11	5	0.27
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD12	5	0.27
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD13	5	0.27
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD21	5	0.27
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD22	5	0.27
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD23	5	0.27
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD11	5	0.27
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD12	5	0.27
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD13	5	0.27
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD21	5	0.27
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD22	5	0.27
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD23	5	0.27
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB2	6	0.27
(4,3982)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HB3	6	0.27
(4,3955)	1:106:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	17	0.27
(4,3955)	1:106:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	17	0.27
(4,3955)	1:106:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	17	0.27
(4,3929)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:H	9	0.27
(4,3839)	1:97:A:HIS:HD1	1:169:A:THR:HG1	20	0.27
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD11	10	0.27
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD12	10	0.27
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD13	10	0.27
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD11	10	0.27
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD12	10	0.27
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD13	10	0.27
(4,3753)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:H	7	0.27
(4,3753)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:H	16	0.27
(4,3745)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD22	11	0.27
(4,3730)	1:29:A:ASN:HB3	1:30:A:GLU:HG2	14	0.27
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD11	8	0.27
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD12	8	0.27
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HD13	8	0.27
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD11	8	0.27
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD12	8	0.27
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HD13	8	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD11	8	0.27
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD12	8	0.27
(4,3688)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HD13	8	0.27
(4,3673)	1:98:A:SER:H	1:99:A:LEU:HB3	9	0.27
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG11	1	0.27
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG12	1	0.27
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG13	1	0.27
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG21	1	0.27
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG22	1	0.27
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG23	1	0.27
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG12	14	0.27
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD11	1:177:A:ILE:HG13	14	0.27
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG12	14	0.27
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD12	1:177:A:ILE:HG13	14	0.27
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG12	14	0.27
(4,3505)	1:55:A:ILE:HD13	1:177:A:ILE:HG13	14	0.27
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:H	10	0.27
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:H	10	0.27
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:H	10	0.27
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG2	1:125:A:SER:H	11	0.27
(4,3484)	1:119:A:GLN:HG3	1:125:A:SER:H	11	0.27
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG2	1:178:A:PHE:HD1	17	0.27
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG2	1:178:A:PHE:HD2	17	0.27
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG3	1:178:A:PHE:HD1	17	0.27
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG3	1:178:A:PHE:HD2	17	0.27
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	16	0.27
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	16	0.27
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	16	0.27
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	16	0.27
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	16	0.27
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	16	0.27
(4,3319)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:H	10	0.27
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE1	4	0.27
(4,3307)	1:32:A:ALA:H	1:34:A:PHE:HE2	4	0.27
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	3	0.27
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	3	0.27
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	3	0.27
(4,3296)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	3	0.27
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:HA	14	0.27
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:HA	14	0.27
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:HA	14	0.27
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB2	1:218:A:ALA:HB1	12	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB2	1:218:A:ALA:HB2	12	0.27
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB2	1:218:A:ALA:HB3	12	0.27
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB3	1:218:A:ALA:HB1	12	0.27
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB3	1:218:A:ALA:HB2	12	0.27
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB3	1:218:A:ALA:HB3	12	0.27
(4,3275)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:LEU:H	2	0.27
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	10	0.27
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	10	0.27
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	10	0.27
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	10	0.27
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	10	0.27
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	10	0.27
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG21	1:179:A:GLU:H	20	0.27
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG22	1:179:A:GLU:H	20	0.27
(4,3196)	1:177:A:ILE:HG23	1:179:A:GLU:H	20	0.27
(4,3188)	1:118:A:SER:HB2	1:119:A:GLN:HG2	19	0.27
(4,3188)	1:118:A:SER:HB2	1:119:A:GLN:HG3	19	0.27
(4,3188)	1:118:A:SER:HB3	1:119:A:GLN:HG2	19	0.27
(4,3188)	1:118:A:SER:HB3	1:119:A:GLN:HG3	19	0.27
(4,3183)	1:223:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:HD1	2	0.27
(4,3183)	1:223:A:VAL:HG11	1:226:A:PHE:HD2	2	0.27
(4,3183)	1:223:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:HD1	2	0.27
(4,3183)	1:223:A:VAL:HG12	1:226:A:PHE:HD2	2	0.27
(4,3183)	1:223:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:HD1	2	0.27
(4,3183)	1:223:A:VAL:HG13	1:226:A:PHE:HD2	2	0.27
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB1	10	0.27
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB2	10	0.27
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB3	10	0.27
(4,3154)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:H	9	0.27
(4,3116)	1:22:A:ALA:HA	1:25:A:LEU:HA	9	0.27
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD11	16	0.27
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD12	16	0.27
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD13	16	0.27
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD11	16	0.27
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD12	16	0.27
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD13	16	0.27
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD11	16	0.27
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD12	16	0.27
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD13	16	0.27
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD11	1	0.27
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD12	1	0.27
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD13	1	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD21	1	0.27
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD22	1	0.27
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD23	1	0.27
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD11	1	0.27
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD12	1	0.27
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD13	1	0.27
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD21	1	0.27
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD22	1	0.27
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD23	1	0.27
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD11	1	0.27
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD12	1	0.27
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD13	1	0.27
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD21	1	0.27
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD22	1	0.27
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD23	1	0.27
(4,2977)	1:40:A:THR:H	1:41:A:GLU:HG2	13	0.27
(4,2977)	1:40:A:THR:H	1:41:A:GLU:HG3	13	0.27
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD11	1:107:A:GLU:H	2	0.27
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD12	1:107:A:GLU:H	2	0.27
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD13	1:107:A:GLU:H	2	0.27
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD21	1:107:A:GLU:H	2	0.27
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD22	1:107:A:GLU:H	2	0.27
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD23	1:107:A:GLU:H	2	0.27
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB2	1:214:A:TYR:HD1	10	0.27
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB2	1:214:A:TYR:HD2	10	0.27
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB3	1:214:A:TYR:HD1	10	0.27
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB3	1:214:A:TYR:HD2	10	0.27
(4,2864)	1:224:A:LEU:H	1:226:A:PHE:H	13	0.27
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD11	3	0.27
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD12	3	0.27
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD13	3	0.27
(4,2837)	1:84:A:GLN:H	1:182:A:GLY:H	19	0.27
(4,2822)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:HB1	17	0.27
(4,2822)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:HB2	17	0.27
(4,2822)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:HB3	17	0.27
(4,2745)	1:81:A:TRP:H	1:128:A:ARG:H	1	0.27
(4,2732)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:H	2	0.27
(4,2732)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:H	17	0.27
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD11	17	0.27
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD12	17	0.27
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD13	17	0.27
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD21	17	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD22	17	0.27
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD23	17	0.27
(4,2707)	1:20:A:ASN:HB2	1:21:A:PHE:HD1	14	0.27
(4,2707)	1:20:A:ASN:HB2	1:21:A:PHE:HD2	14	0.27
(4,2707)	1:20:A:ASN:HB3	1:21:A:PHE:HD1	14	0.27
(4,2707)	1:20:A:ASN:HB3	1:21:A:PHE:HD2	14	0.27
(4,2688)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HD21	8	0.27
(4,2667)	1:57:A:LEU:HA	1:228:A:MET:HG2	5	0.27
(4,2667)	1:57:A:LEU:HA	1:228:A:MET:HG3	5	0.27
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	19	0.27
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	19	0.27
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	19	0.27
(4,2651)	1:174:A:ASN:HD21	1:175:A:GLY:H	11	0.27
(4,2651)	1:174:A:ASN:HD22	1:175:A:GLY:H	11	0.27
(4,2626)	1:145:A:ASN:H	1:148:A:THR:H	17	0.27
(4,2603)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HD1	5	0.27
(4,2603)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HD2	5	0.27
(4,2603)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HD1	8	0.27
(4,2603)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HD2	8	0.27
(4,2560)	1:142:A:ILE:HB	1:143:A:LYS:HA	17	0.27
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG11	17	0.27
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG12	17	0.27
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG13	17	0.27
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG21	17	0.27
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG22	17	0.27
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG23	17	0.27
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG11	17	0.27
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG12	17	0.27
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG13	17	0.27
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG21	17	0.27
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG22	17	0.27
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG23	17	0.27
(4,2514)	1:58:A:LEU:HD21	1:227:A:ALA:H	18	0.27
(4,2514)	1:58:A:LEU:HD22	1:227:A:ALA:H	18	0.27
(4,2514)	1:58:A:LEU:HD23	1:227:A:ALA:H	18	0.27
(4,2385)	1:148:A:THR:H	1:150:A:SER:H	17	0.27
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB2	1:168:A:ILE:H	9	0.27
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB3	1:168:A:ILE:H	9	0.27
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:H	8	0.27
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:H	8	0.27
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:H	8	0.27
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:H	8	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:H	8	0.27
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:H	8	0.27
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:HB2	14	0.27
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:HB2	14	0.27
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:HB2	14	0.27
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HB2	14	0.27
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HB2	14	0.27
(4,2331)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HB2	14	0.27
(4,2317)	1:177:A:ILE:H	1:194:A:SER:H	11	0.27
(4,2280)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:H	5	0.27
(4,2280)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:H	12	0.27
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	11	0.27
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	11	0.27
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	11	0.27
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	11	0.27
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	11	0.27
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	11	0.27
(4,2231)	1:163:A:THR:H	1:165:A:LEU:H	15	0.27
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	11	0.27
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	11	0.27
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	11	0.27
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	1	0.27
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	1	0.27
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	1	0.27
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD1	1:222:A:ASP:HB2	1	0.27
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD1	1:222:A:ASP:HB3	1	0.27
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD2	1:222:A:ASP:HB2	1	0.27
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD2	1:222:A:ASP:HB3	1	0.27
(4,2104)	1:79:A:VAL:HG11	1:188:A:PRO:HB2	2	0.27
(4,2104)	1:79:A:VAL:HG12	1:188:A:PRO:HB2	2	0.27
(4,2104)	1:79:A:VAL:HG13	1:188:A:PRO:HB2	2	0.27
(4,2098)	1:25:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	17	0.27
(4,2098)	1:25:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	17	0.27
(4,2098)	1:25:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	17	0.27
(4,2086)	1:61:A:ILE:HB	1:164:A:ASN:HD21	3	0.27
(4,1955)	1:72:A:GLN:HB2	1:74:A:THR:H	4	0.27
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG11	12	0.27
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG12	12	0.27
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG13	12	0.27
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD11	1	0.27
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD12	1	0.27
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD13	1	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD21	1	0.27
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD22	1	0.27
(4,1831)	1:46:A:ALA:H	1:48:A:LEU:HD23	1	0.27
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD11	6	0.27
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD12	6	0.27
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:HD13	6	0.27
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD11	6	0.27
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD12	6	0.27
(4,1792)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:HD13	6	0.27
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB2	1:142:A:ILE:HG21	11	0.27
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB2	1:142:A:ILE:HG22	11	0.27
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB2	1:142:A:ILE:HG23	11	0.27
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:ILE:HG21	11	0.27
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:ILE:HG22	11	0.27
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:ILE:HG23	11	0.27
(4,1723)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE1	13	0.27
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD11	17	0.27
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD12	17	0.27
(4,1718)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HD13	17	0.27
(4,1712)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HB2	5	0.27
(4,1712)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HB2	5	0.27
(4,1712)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HB2	5	0.27
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB1	3	0.27
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB2	3	0.27
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB3	3	0.27
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB1	3	0.27
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB2	3	0.27
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB3	3	0.27
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB1	3	0.27
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB2	3	0.27
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB3	3	0.27
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB2	3	0.27
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB3	3	0.27
(4,1595)	1:193:A:LYS:H	1:194:A:SER:HA	13	0.27
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG11	15	0.27
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG12	15	0.27
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG13	15	0.27
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG21	15	0.27
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG22	15	0.27
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG23	15	0.27
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG11	15	0.27
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG12	15	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG13	15	0.27
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG21	15	0.27
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG22	15	0.27
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG23	15	0.27
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG21	1:53:A:LYS:HB2	19	0.27
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG21	1:53:A:LYS:HB3	19	0.27
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG22	1:53:A:LYS:HB2	19	0.27
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG22	1:53:A:LYS:HB3	19	0.27
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG23	1:53:A:LYS:HB2	19	0.27
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG23	1:53:A:LYS:HB3	19	0.27
(4,1494)	1:147:A:GLN:HA	1:148:A:THR:HB	17	0.27
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG2	3	0.27
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG3	3	0.27
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD21	1:96:A:LEU:H	2	0.27
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD22	1:96:A:LEU:H	2	0.27
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD23	1:96:A:LEU:H	2	0.27
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG21	11	0.27
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG22	11	0.27
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG23	11	0.27
(4,1353)	1:29:A:ASN:H	1:29:A:ASN:HD22	14	0.27
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HA	2	0.27
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HA	2	0.27
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HA	2	0.27
(4,1260)	1:142:A:ILE:HG21	1:145:A:ASN:HD21	7	0.27
(4,1260)	1:142:A:ILE:HG22	1:145:A:ASN:HD21	7	0.27
(4,1260)	1:142:A:ILE:HG23	1:145:A:ASN:HD21	7	0.27
(4,1244)	1:172:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:H	15	0.27
(4,1244)	1:172:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:H	15	0.27
(4,1208)	1:59:A:PHE:HD1	1:166:A:HIS:H	2	0.27
(4,1208)	1:59:A:PHE:HD2	1:166:A:HIS:H	2	0.27
(4,1189)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:GLU:H	16	0.27
(4,1183)	1:77:A:TYR:H	1:188:A:PRO:HG3	15	0.27
(4,1163)	1:234:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD22	7	0.27
(4,1163)	1:234:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD22	17	0.27
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	2	0.27
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:H	2	0.27
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:H	20	0.27
(4,1145)	1:219:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:H	20	0.27
(4,1131)	1:47:A:PHE:H	1:48:A:LEU:HB3	16	0.27
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD11	1:38:A:SER:H	8	0.27
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD12	1:38:A:SER:H	8	0.27
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD13	1:38:A:SER:H	8	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD2	1:146:A:VAL:HB	16	0.27
(4,1065)	1:143:A:LYS:HD3	1:146:A:VAL:HB	16	0.27
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG12	13	0.27
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG13	13	0.27
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG12	13	0.27
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG13	13	0.27
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG12	13	0.27
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG13	13	0.27
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG12	13	0.27
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG13	13	0.27
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG12	13	0.27
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG13	13	0.27
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG12	13	0.27
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG13	13	0.27
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG11	1:88:A:ASN:HA	6	0.27
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG12	1:88:A:ASN:HA	6	0.27
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG13	1:88:A:ASN:HA	6	0.27
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG21	1:88:A:ASN:HA	6	0.27
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG22	1:88:A:ASN:HA	6	0.27
(4,1044)	1:86:A:VAL:HG23	1:88:A:ASN:HA	6	0.27
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG21	1:145:A:ASN:HD22	2	0.27
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG22	1:145:A:ASN:HD22	2	0.27
(4,1026)	1:142:A:ILE:HG23	1:145:A:ASN:HD22	2	0.27
(4,1016)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:HD22	4	0.27
(4,1016)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:HD22	8	0.27
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB2	20	0.27
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD11	1:127:A:ASN:HB3	20	0.27
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB2	20	0.27
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD12	1:127:A:ASN:HB3	20	0.27
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB2	20	0.27
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD13	1:127:A:ASN:HB3	20	0.27
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB2	20	0.27
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD21	1:127:A:ASN:HB3	20	0.27
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB2	20	0.27
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD22	1:127:A:ASN:HB3	20	0.27
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB2	20	0.27
(4,1009)	1:116:A:LEU:HD23	1:127:A:ASN:HB3	20	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD11	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD12	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD13	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD21	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD22	3	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD23	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD11	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD12	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD13	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD21	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD22	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD23	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD11	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD12	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD13	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD21	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD22	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD23	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD11	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD12	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD13	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD21	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD22	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD23	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD11	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD12	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD13	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD21	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD22	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD23	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD11	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD12	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD13	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD21	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD22	3	0.27
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD23	3	0.27
(4,983)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:H	2	0.27
(4,961)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HG2	18	0.27
(4,961)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HG3	18	0.27
(4,961)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HG2	18	0.27
(4,961)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HG3	18	0.27
(4,961)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HG2	18	0.27
(4,961)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HG3	18	0.27
(4,941)	1:147:A:GLN:HE21	1:149:A:PHE:H	10	0.27
(4,941)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:H	10	0.27
(4,906)	1:22:A:ALA:HB1	1:26:A:GLY:H	9	0.27
(4,906)	1:22:A:ALA:HB2	1:26:A:GLY:H	9	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,906)	1:22:A:ALA:HB3	1:26:A:GLY:H	9	0.27
(4,843)	1:29:A:ASN:HD21	1:31:A:TRP:H	7	0.27
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG2	6	0.27
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG3	6	0.27
(4,770)	1:39:A:LEU:HA	1:41:A:GLU:HB2	8	0.27
(4,758)	1:19:A:THR:HG21	1:21:A:PHE:H	15	0.27
(4,758)	1:19:A:THR:HG22	1:21:A:PHE:H	15	0.27
(4,758)	1:19:A:THR:HG23	1:21:A:PHE:H	15	0.27
(4,733)	1:110:A:SER:H	1:111:A:ASP:HA	10	0.27
(4,733)	1:110:A:SER:H	1:111:A:ASP:HA	18	0.27
(4,733)	1:110:A:SER:H	1:111:A:ASP:HA	19	0.27
(4,730)	1:119:A:GLN:H	1:119:A:GLN:HE22	3	0.27
(4,679)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:H	8	0.27
(4,679)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:H	8	0.27
(4,679)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:H	8	0.27
(4,679)	1:57:A:LEU:HD21	1:214:A:TYR:H	8	0.27
(4,679)	1:57:A:LEU:HD22	1:214:A:TYR:H	8	0.27
(4,679)	1:57:A:LEU:HD23	1:214:A:TYR:H	8	0.27
(4,679)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:H	13	0.27
(4,679)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:H	13	0.27
(4,679)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:H	13	0.27
(4,679)	1:57:A:LEU:HD21	1:214:A:TYR:H	13	0.27
(4,679)	1:57:A:LEU:HD22	1:214:A:TYR:H	13	0.27
(4,679)	1:57:A:LEU:HD23	1:214:A:TYR:H	13	0.27
(4,652)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HB2	15	0.27
(4,652)	1:62:A:ASN:HD21	1:217:A:ASN:HB3	15	0.27
(4,652)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HB2	15	0.27
(4,652)	1:62:A:ASN:HD22	1:217:A:ASN:HB3	15	0.27
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD11	10	0.27
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD12	10	0.27
(4,550)	1:138:A:VAL:CG1	1:142:A:ILE:HD13	10	0.27
(4,452)	1:115:A:PHE:H	1:118:A:SER:H	7	0.27
(4,399)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG21	4	0.27
(4,399)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG22	4	0.27
(4,399)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG23	4	0.27
(4,388)	1:57:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:HA	2	0.27
(4,388)	1:57:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:HA	2	0.27
(4,388)	1:57:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:HA	2	0.27
(4,353)	1:56:A:VAL:HB	1:229:A:LEU:H	2	0.27
(4,352)	1:202:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HB2	8	0.27
(4,323)	1:7:A:ALA:HA	1:8:A:VAL:HB	20	0.27
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD11	16	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD12	16	0.27
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD13	16	0.27
(4,303)	1:59:A:PHE:HD1	1:62:A:ASN:H	8	0.27
(4,303)	1:59:A:PHE:HD2	1:62:A:ASN:H	8	0.27
(4,291)	1:234:A:ASN:HD22	1:235:A:TRP:H	4	0.27
(4,256)	1:33:A:TYR:HE1	1:34:A:PHE:H	15	0.27
(4,256)	1:33:A:TYR:HE2	1:34:A:PHE:H	15	0.27
(4,206)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD1	20	0.27
(4,206)	1:75:A:SER:H	1:77:A:TYR:HD2	20	0.27
(4,194)	1:146:A:VAL:HA	1:150:A:SER:H	4	0.27
(4,158)	1:100:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	12	0.27
(4,114)	1:141:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG12	20	0.27
(4,114)	1:141:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:HG13	20	0.27
(4,114)	1:141:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG12	20	0.27
(4,114)	1:141:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:HG13	20	0.27
(4,114)	1:141:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG12	20	0.27
(4,114)	1:141:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:HG13	20	0.27
(4,114)	1:141:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG12	20	0.27
(4,114)	1:141:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:HG13	20	0.27
(4,114)	1:141:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG12	20	0.27
(4,114)	1:141:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:HG13	20	0.27
(4,114)	1:141:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG12	20	0.27
(4,114)	1:141:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:HG13	20	0.27
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD21	12	0.27
(4,87)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:HD22	12	0.27
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD21	12	0.27
(4,87)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:HD22	12	0.27
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB1	17	0.27
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB2	17	0.27
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB3	17	0.27
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB1	17	0.27
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB2	17	0.27
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB3	17	0.27
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB1	17	0.27
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB2	17	0.27
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB3	17	0.27
(4,56)	1:129:A:PHE:HD1	1:130:A:ASP:H	14	0.27
(4,56)	1:129:A:PHE:HD2	1:130:A:ASP:H	14	0.27
(3,16)	1:59:A:PHE:O	1:166:A:HIS:H	6	0.27
(3,9)	1:55:A:ILE:O	1:170:A:TYR:H	17	0.27
(2,446)	1:164:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	17	0.27
(2,396)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	13	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,565)	1:5:A:ASN:ND2	1:136:A:GLN:H	15	0.27
(1,483)	1:5:A:ASN:ND2	1:145:A:ASN:H	15	0.27
(1,220)	1:225:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	16	0.27
(1,214)	1:155:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	18	0.27
(1,179)	1:57:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	9	0.27
(1,132)	1:152:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	1	0.27
(1,87)	1:220:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	10	0.27
(1,85)	1:206:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	20	0.27
(5,746)	1:5:A:ASN:ND2	1:112:A:LEU:H	13	0.26
(5,73)	1:89:A:ALA:H	1:104:A:SER:OG	14	0.26
(4,4299)	1:169:A:THR:H	1:181:A:ASP:H	8	0.26
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD1	1:193:A:LYS:H	12	0.26
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD2	1:193:A:LYS:H	12	0.26
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG11	1:230:A:GLY:H	20	0.26
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG12	1:230:A:GLY:H	20	0.26
(4,4242)	1:56:A:VAL:HG13	1:230:A:GLY:H	20	0.26
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB2	1:173:A:GLU:H	17	0.26
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB3	1:173:A:GLU:H	17	0.26
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE2	1:217:A:ASN:HA	17	0.26
(4,4199)	1:66:A:LYS:HE3	1:217:A:ASN:HA	17	0.26
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:HG2	9	0.26
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:HG3	9	0.26
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:HG2	9	0.26
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:HG3	9	0.26
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:HG2	9	0.26
(4,4193)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:HG3	9	0.26
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD1	16	0.26
(4,4192)	1:84:A:GLN:H	1:129:A:PHE:HD2	16	0.26
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD21	8	0.26
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD22	8	0.26
(4,4180)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HD23	8	0.26
(4,4159)	1:157:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	3	0.26
(4,4159)	1:157:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	3	0.26
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD21	6	0.26
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD22	6	0.26
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD23	6	0.26
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD21	10	0.26
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD22	10	0.26
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD23	10	0.26
(4,4094)	1:86:A:VAL:H	1:93:A:TYR:HD1	7	0.26
(4,4094)	1:86:A:VAL:H	1:93:A:TYR:HD2	7	0.26
(4,4060)	1:93:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:H	20	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4060)	1:93:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:H	20	0.26
(4,3943)	1:157:A:PRO:HB3	1:161:A:ALA:H	9	0.26
(4,3929)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:H	8	0.26
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE1	1:152:A:GLY:H	2	0.26
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE2	1:152:A:GLY:H	2	0.26
(4,3908)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD11	7	0.26
(4,3908)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD12	7	0.26
(4,3908)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD13	7	0.26
(4,3908)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD21	7	0.26
(4,3908)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD22	7	0.26
(4,3908)	1:43:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD23	7	0.26
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD21	3	0.26
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD22	3	0.26
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD23	3	0.26
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD21	7	0.26
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD22	7	0.26
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD23	7	0.26
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB2	14	0.26
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB2	14	0.26
(4,3797)	1:140:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HG21	11	0.26
(4,3797)	1:140:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HG22	11	0.26
(4,3797)	1:140:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HG23	11	0.26
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD11	3	0.26
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD12	3	0.26
(4,3780)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD13	3	0.26
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG11	9	0.26
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG12	9	0.26
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG13	9	0.26
(4,3621)	1:115:A:PHE:HD1	1:118:A:SER:H	17	0.26
(4,3621)	1:115:A:PHE:HD2	1:118:A:SER:H	17	0.26
(4,3551)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:H	9	0.26
(4,3537)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HB	10	0.26
(4,3537)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HB	10	0.26
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:H	7	0.26
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:H	7	0.26
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:H	7	0.26
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD11	16	0.26
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD12	16	0.26
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD13	16	0.26
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD11	16	0.26
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD12	16	0.26
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD13	16	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3402)	1:30:A:GLU:HG2	1:31:A:TRP:HE1	3	0.26
(4,3398)	1:35:A:ASP:HB2	1:37:A:TYR:HE1	20	0.26
(4,3398)	1:35:A:ASP:HB2	1:37:A:TYR:HE2	20	0.26
(4,3365)	1:82:A:PHE:HD1	1:97:A:HIS:H	5	0.26
(4,3365)	1:82:A:PHE:HD2	1:97:A:HIS:H	5	0.26
(4,3352)	1:95:A:ILE:HA	1:97:A:HIS:HB2	14	0.26
(4,3352)	1:95:A:ILE:HA	1:97:A:HIS:HB3	14	0.26
(4,3349)	1:27:A:LEU:HD21	1:32:A:ALA:H	10	0.26
(4,3349)	1:27:A:LEU:HD22	1:32:A:ALA:H	10	0.26
(4,3349)	1:27:A:LEU:HD23	1:32:A:ALA:H	10	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:HG2	10	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:HG3	10	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:HG2	10	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:HG3	10	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:HG2	10	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:HG3	10	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:HG2	10	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:HG3	10	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:HG2	10	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:HG3	10	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:HG2	10	0.26
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:HG3	10	0.26
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB1	1:94:A:ALA:H	8	0.26
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB2	1:94:A:ALA:H	8	0.26
(4,3320)	1:89:A:ALA:HB3	1:94:A:ALA:H	8	0.26
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB2	1:218:A:ALA:HB1	3	0.26
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB2	1:218:A:ALA:HB2	3	0.26
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB2	1:218:A:ALA:HB3	3	0.26
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB3	1:218:A:ALA:HB1	3	0.26
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB3	1:218:A:ALA:HB2	3	0.26
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB3	1:218:A:ALA:HB3	3	0.26
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB1	1:157:A:PRO:HB3	14	0.26
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB2	1:157:A:PRO:HB3	14	0.26
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB3	1:157:A:PRO:HB3	14	0.26
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB1	1:157:A:PRO:HB3	17	0.26
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB2	1:157:A:PRO:HB3	17	0.26
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB3	1:157:A:PRO:HB3	17	0.26
(4,3215)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:H	7	0.26
(4,3215)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:H	7	0.26
(4,3205)	1:201:A:LEU:H	1:204:A:GLN:HG2	10	0.26
(4,3205)	1:201:A:LEU:H	1:204:A:GLN:HG3	10	0.26
(4,3173)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:HD11	17	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3173)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:HD12	17	0.26
(4,3173)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:HD13	17	0.26
(4,3173)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:HD21	17	0.26
(4,3173)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:HD22	17	0.26
(4,3173)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:HD23	17	0.26
(4,3173)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:HD11	17	0.26
(4,3173)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:HD12	17	0.26
(4,3173)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:HD13	17	0.26
(4,3173)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:HD21	17	0.26
(4,3173)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:HD22	17	0.26
(4,3173)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:HD23	17	0.26
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG21	1:210:A:ARG:HG2	12	0.26
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG21	1:210:A:ARG:HG3	12	0.26
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG22	1:210:A:ARG:HG2	12	0.26
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG22	1:210:A:ARG:HG3	12	0.26
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG23	1:210:A:ARG:HG2	12	0.26
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG23	1:210:A:ARG:HG3	12	0.26
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG21	5	0.26
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG22	5	0.26
(4,3130)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG23	5	0.26
(4,3089)	1:154:A:SER:HB2	1:156:A:ALA:H	15	0.26
(4,3089)	1:154:A:SER:HB3	1:156:A:ALA:H	15	0.26
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG21	15	0.26
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG22	15	0.26
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG23	15	0.26
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG21	15	0.26
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG22	15	0.26
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG23	15	0.26
(4,3051)	1:163:A:THR:HA	1:165:A:LEU:HB3	9	0.26
(4,2958)	1:52:A:VAL:H	1:54:A:ALA:H	7	0.26
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:H	19	0.26
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:H	19	0.26
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB1	6	0.26
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB2	6	0.26
(4,2815)	1:214:A:TYR:H	1:218:A:ALA:HB3	6	0.26
(4,2813)	1:198:A:ALA:HB1	1:205:A:GLU:H	11	0.26
(4,2813)	1:198:A:ALA:HB2	1:205:A:GLU:H	11	0.26
(4,2813)	1:198:A:ALA:HB3	1:205:A:GLU:H	11	0.26
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG11	1:210:A:ARG:HG2	3	0.26
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG11	1:210:A:ARG:HG3	3	0.26
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG12	1:210:A:ARG:HG2	3	0.26
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG12	1:210:A:ARG:HG3	3	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG13	1:210:A:ARG:HG2	3	0.26
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG13	1:210:A:ARG:HG3	3	0.26
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD21	10	0.26
(4,2783)	1:97:A:HIS:HA	1:101:A:ASN:HD22	10	0.26
(4,2744)	1:61:A:ILE:HG13	1:62:A:ASN:H	10	0.26
(4,2744)	1:61:A:ILE:HG13	1:62:A:ASN:H	13	0.26
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD11	15	0.26
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD12	15	0.26
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD13	15	0.26
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD21	15	0.26
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD22	15	0.26
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD23	15	0.26
(4,2692)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HB3	3	0.26
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB1	5	0.26
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB2	5	0.26
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB2	1:161:A:ALA:HB3	5	0.26
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB1	5	0.26
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB2	5	0.26
(4,2687)	1:158:A:GLU:HB3	1:161:A:ALA:HB3	5	0.26
(4,2640)	1:204:A:GLN:H	1:206:A:LEU:H	12	0.26
(4,2598)	1:225:A:ASN:H	1:225:A:ASN:HD22	13	0.26
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	4	0.26
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	4	0.26
(4,2584)	1:27:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	4	0.26
(4,2574)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HD22	14	0.26
(4,2528)	1:36:A:ILE:CD1	1:52:A:VAL:HG21	18	0.26
(4,2528)	1:36:A:ILE:CD1	1:52:A:VAL:HG22	18	0.26
(4,2528)	1:36:A:ILE:CD1	1:52:A:VAL:HG23	18	0.26
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HB	7	0.26
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HB	7	0.26
(4,2509)	1:92:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HB	7	0.26
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD1	16	0.26
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD2	16	0.26
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD1	16	0.26
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD2	16	0.26
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD1	16	0.26
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD2	16	0.26
(4,2482)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:SER:HG	10	0.26
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG11	1:228:A:MET:HB2	2	0.26
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG11	1:228:A:MET:HB3	2	0.26
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG12	1:228:A:MET:HB2	2	0.26
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG12	1:228:A:MET:HB3	2	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG13	1:228:A:MET:HB2	2	0.26
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG13	1:228:A:MET:HB3	2	0.26
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HB2	2	0.26
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HB3	2	0.26
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HB2	2	0.26
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HB3	2	0.26
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HB2	2	0.26
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HB3	2	0.26
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	12	0.26
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	12	0.26
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	12	0.26
(4,2426)	1:198:A:ALA:HB1	1:202:A:ILE:H	19	0.26
(4,2426)	1:198:A:ALA:HB2	1:202:A:ILE:H	19	0.26
(4,2426)	1:198:A:ALA:HB3	1:202:A:ILE:H	19	0.26
(4,2399)	1:118:A:SER:HA	1:119:A:GLN:HE21	14	0.26
(4,2391)	1:133:A:THR:H	1:135:A:ASP:HB2	14	0.26
(4,2391)	1:133:A:THR:H	1:135:A:ASP:HB3	14	0.26
(4,2341)	1:32:A:ALA:H	1:231:A:LEU:HD21	12	0.26
(4,2341)	1:32:A:ALA:H	1:231:A:LEU:HD22	12	0.26
(4,2341)	1:32:A:ALA:H	1:231:A:LEU:HD23	12	0.26
(4,2337)	1:147:A:GLN:H	1:147:A:GLN:HE22	20	0.26
(4,2300)	1:134:A:THR:HG21	1:138:A:VAL:H	5	0.26
(4,2300)	1:134:A:THR:HG22	1:138:A:VAL:H	5	0.26
(4,2300)	1:134:A:THR:HG23	1:138:A:VAL:H	5	0.26
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG11	1:189:A:LEU:H	7	0.26
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG12	1:189:A:LEU:H	7	0.26
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG13	1:189:A:LEU:H	7	0.26
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:HB2	9	0.26
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD11	1:183:A:ARG:HB3	9	0.26
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:HB2	9	0.26
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD12	1:183:A:ARG:HB3	9	0.26
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:HB2	9	0.26
(4,2250)	1:168:A:ILE:HD13	1:183:A:ARG:HB3	9	0.26
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB1	1:216:A:GLU:HB2	9	0.26
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB1	1:216:A:GLU:HB3	9	0.26
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB2	1:216:A:GLU:HB2	9	0.26
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB2	1:216:A:GLU:HB3	9	0.26
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB3	1:216:A:GLU:HB2	9	0.26
(4,2228)	1:212:A:ALA:HB3	1:216:A:GLU:HB3	9	0.26
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG21	16	0.26
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG22	16	0.26
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE1	1:141:A:VAL:HG23	16	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG21	16	0.26
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG22	16	0.26
(4,2226)	1:21:A:PHE:HE2	1:141:A:VAL:HG23	16	0.26
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HB2	5	0.26
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HB3	5	0.26
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HB2	5	0.26
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HB3	5	0.26
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HB2	5	0.26
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HB3	5	0.26
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HB2	5	0.26
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HB3	5	0.26
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HB2	5	0.26
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HB3	5	0.26
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HB2	5	0.26
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HB3	5	0.26
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	2	0.26
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	2	0.26
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	2	0.26
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG2	1:235:A:TRP:HD1	6	0.26
(4,2188)	1:233:A:PRO:HG3	1:235:A:TRP:HD1	6	0.26
(4,2175)	1:97:A:HIS:HA	1:100:A:SER:HG	2	0.26
(4,2129)	1:209:A:VAL:HA	1:212:A:ALA:HA	20	0.26
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD11	3	0.26
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD12	3	0.26
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD13	3	0.26
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD11	3	0.26
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD12	3	0.26
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD13	3	0.26
(4,2061)	1:33:A:TYR:H	1:234:A:ASN:HA	19	0.26
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG21	19	0.26
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG22	19	0.26
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG23	19	0.26
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB1	9	0.26
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB2	9	0.26
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG2	1:94:A:ALA:HB3	9	0.26
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB1	9	0.26
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB2	9	0.26
(4,2026)	1:84:A:GLN:HG3	1:94:A:ALA:HB3	9	0.26
(4,1946)	1:69:A:THR:HG21	1:71:A:GLN:H	5	0.26
(4,1946)	1:69:A:THR:HG22	1:71:A:GLN:H	5	0.26
(4,1946)	1:69:A:THR:HG23	1:71:A:GLN:H	5	0.26
(4,1942)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HB2	17	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1942)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HB3	17	0.26
(4,1881)	1:42:A:PRO:HB2	1:46:A:ALA:HA	5	0.26
(4,1879)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HB3	9	0.26
(4,1879)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HB3	14	0.26
(4,1871)	1:55:A:ILE:HA	1:56:A:VAL:HB	14	0.26
(4,1851)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:HG	13	0.26
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD2	1:84:A:GLN:HB2	11	0.26
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD2	1:84:A:GLN:HB3	11	0.26
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD3	1:84:A:GLN:HB2	11	0.26
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD3	1:84:A:GLN:HB3	11	0.26
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD11	9	0.26
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD12	9	0.26
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD13	9	0.26
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD21	9	0.26
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD22	9	0.26
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD23	9	0.26
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD11	11	0.26
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD12	11	0.26
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD13	11	0.26
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG21	1:55:A:ILE:HA	10	0.26
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG22	1:55:A:ILE:HA	10	0.26
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG23	1:55:A:ILE:HA	10	0.26
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD11	15	0.26
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD12	15	0.26
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD13	15	0.26
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD11	15	0.26
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD12	15	0.26
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD13	15	0.26
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD11	15	0.26
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD12	15	0.26
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD13	15	0.26
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD1	3	0.26
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD11	1:137:A:PHE:HD2	3	0.26
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD1	3	0.26
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD12	1:137:A:PHE:HD2	3	0.26
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD1	3	0.26
(4,1700)	1:112:A:LEU:HD13	1:137:A:PHE:HD2	3	0.26
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	3	0.26
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	3	0.26
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	3	0.26
(4,1611)	1:136:A:GLN:H	1:136:A:GLN:HE21	18	0.26
(4,1611)	1:136:A:GLN:H	1:136:A:GLN:HE22	18	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1595)	1:193:A:LYS:H	1:194:A:SER:HA	8	0.26
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG11	3	0.26
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG12	3	0.26
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG13	3	0.26
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG21	3	0.26
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG22	3	0.26
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG23	3	0.26
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG11	3	0.26
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG12	3	0.26
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG13	3	0.26
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG21	3	0.26
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG22	3	0.26
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG23	3	0.26
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD1	5	0.26
(4,1529)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HD2	5	0.26
(4,1496)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HB2	8	0.26
(4,1496)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HB3	8	0.26
(4,1467)	1:123:A:SER:H	1:124:A:SER:HB2	5	0.26
(4,1467)	1:123:A:SER:H	1:124:A:SER:HB3	5	0.26
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB2	20	0.26
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB2	20	0.26
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB2	20	0.26
(4,1353)	1:29:A:ASN:H	1:29:A:ASN:HD22	1	0.26
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG11	8	0.26
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG12	8	0.26
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG13	8	0.26
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG21	8	0.26
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG22	8	0.26
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG23	8	0.26
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD11	12	0.26
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD12	12	0.26
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD13	12	0.26
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD1	19	0.26
(4,1305)	1:74:A:THR:HA	1:77:A:TYR:HD2	19	0.26
(4,1244)	1:172:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:H	6	0.26
(4,1244)	1:172:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:H	6	0.26
(4,1208)	1:59:A:PHE:HD1	1:166:A:HIS:H	13	0.26
(4,1208)	1:59:A:PHE:HD2	1:166:A:HIS:H	13	0.26
(4,1164)	1:119:A:GLN:HG2	1:126:A:LYS:H	11	0.26
(4,1164)	1:119:A:GLN:HG3	1:126:A:LYS:H	11	0.26
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:H	5	0.26
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:H	5	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:H	5	0.26
(4,1107)	1:57:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HD1	5	0.26
(4,1107)	1:57:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HD2	5	0.26
(4,1103)	1:54:A:ALA:HA	1:201:A:LEU:HD21	3	0.26
(4,1103)	1:54:A:ALA:HA	1:201:A:LEU:HD22	3	0.26
(4,1103)	1:54:A:ALA:HA	1:201:A:LEU:HD23	3	0.26
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG11	1:200:A:ASP:HB2	18	0.26
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG11	1:200:A:ASP:HB3	18	0.26
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG12	1:200:A:ASP:HB2	18	0.26
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG12	1:200:A:ASP:HB3	18	0.26
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG13	1:200:A:ASP:HB2	18	0.26
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG13	1:200:A:ASP:HB3	18	0.26
(4,1092)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:H	9	0.26
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG21	10	0.26
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG22	10	0.26
(4,1088)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG23	10	0.26
(4,1016)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:HD22	3	0.26
(4,1016)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:HD22	10	0.26
(4,983)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:H	11	0.26
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE2	15	0.26
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE3	15	0.26
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG11	14	0.26
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG12	14	0.26
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG13	14	0.26
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG21	14	0.26
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG22	14	0.26
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG23	14	0.26
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG11	14	0.26
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG12	14	0.26
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG13	14	0.26
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG21	14	0.26
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG22	14	0.26
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG23	14	0.26
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG11	14	0.26
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG12	14	0.26
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG13	14	0.26
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG21	14	0.26
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG22	14	0.26
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG23	14	0.26
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG21	5	0.26
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG22	5	0.26
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG23	5	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB1	3	0.26
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB2	3	0.26
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB3	3	0.26
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB1	3	0.26
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB2	3	0.26
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB3	3	0.26
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB1	7	0.26
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB2	7	0.26
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB3	7	0.26
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB1	7	0.26
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB2	7	0.26
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB3	7	0.26
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD21	20	0.26
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD22	20	0.26
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD23	20	0.26
(4,834)	1:99:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	11	0.26
(4,834)	1:99:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	11	0.26
(4,834)	1:99:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	11	0.26
(4,834)	1:99:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	11	0.26
(4,834)	1:99:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	11	0.26
(4,834)	1:99:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	11	0.26
(4,834)	1:99:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	20	0.26
(4,834)	1:99:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	20	0.26
(4,834)	1:99:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	20	0.26
(4,834)	1:99:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	20	0.26
(4,834)	1:99:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	20	0.26
(4,834)	1:99:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	20	0.26
(4,786)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:H	3	0.26
(4,786)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:H	3	0.26
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB1	7	0.26
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB2	7	0.26
(4,744)	1:58:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:HB3	7	0.26
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB1	7	0.26
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB2	7	0.26
(4,744)	1:58:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:HB3	7	0.26
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB1	7	0.26
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB2	7	0.26
(4,744)	1:58:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:HB3	7	0.26
(4,733)	1:110:A:SER:H	1:111:A:ASP:HA	1	0.26
(4,733)	1:110:A:SER:H	1:111:A:ASP:HA	2	0.26
(4,733)	1:110:A:SER:H	1:111:A:ASP:HA	3	0.26
(4,733)	1:110:A:SER:H	1:111:A:ASP:HA	7	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,733)	1:110:A:SER:H	1:111:A:ASP:HA	16	0.26
(4,679)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:H	11	0.26
(4,679)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:H	11	0.26
(4,679)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:H	11	0.26
(4,679)	1:57:A:LEU:HD21	1:214:A:TYR:H	11	0.26
(4,679)	1:57:A:LEU:HD22	1:214:A:TYR:H	11	0.26
(4,679)	1:57:A:LEU:HD23	1:214:A:TYR:H	11	0.26
(4,667)	1:136:A:GLN:HB2	1:139:A:LEU:HB2	6	0.26
(4,667)	1:136:A:GLN:HB2	1:139:A:LEU:HB3	6	0.26
(4,667)	1:136:A:GLN:HB3	1:139:A:LEU:HB2	6	0.26
(4,667)	1:136:A:GLN:HB3	1:139:A:LEU:HB3	6	0.26
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG11	2	0.26
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG12	2	0.26
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG13	2	0.26
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG11	2	0.26
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG12	2	0.26
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG13	2	0.26
(4,638)	1:73:A:ILE:HG21	1:186:A:SER:H	17	0.26
(4,638)	1:73:A:ILE:HG22	1:186:A:SER:H	17	0.26
(4,638)	1:73:A:ILE:HG23	1:186:A:SER:H	17	0.26
(4,627)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HG	12	0.26
(4,595)	1:173:A:GLU:H	1:174:A:ASN:HB2	19	0.26
(4,583)	1:57:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:HG2	12	0.26
(4,583)	1:57:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:HG3	12	0.26
(4,583)	1:57:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:HG2	12	0.26
(4,583)	1:57:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:HG3	12	0.26
(4,583)	1:57:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:HG2	12	0.26
(4,583)	1:57:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:HG3	12	0.26
(4,536)	1:168:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HD1	4	0.26
(4,536)	1:168:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HD2	4	0.26
(4,536)	1:168:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HD1	4	0.26
(4,536)	1:168:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HD2	4	0.26
(4,536)	1:168:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HD1	4	0.26
(4,536)	1:168:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HD2	4	0.26
(4,448)	1:86:A:VAL:HG11	1:93:A:TYR:HD1	6	0.26
(4,448)	1:86:A:VAL:HG11	1:93:A:TYR:HD2	6	0.26
(4,448)	1:86:A:VAL:HG12	1:93:A:TYR:HD1	6	0.26
(4,448)	1:86:A:VAL:HG12	1:93:A:TYR:HD2	6	0.26
(4,448)	1:86:A:VAL:HG13	1:93:A:TYR:HD1	6	0.26
(4,448)	1:86:A:VAL:HG13	1:93:A:TYR:HD2	6	0.26
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD11	17	0.26
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD12	17	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD13	17	0.26
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD21	17	0.26
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD22	17	0.26
(4,445)	1:31:A:TRP:H	1:231:A:LEU:HD23	17	0.26
(4,435)	1:58:A:LEU:H	1:59:A:PHE:HD1	9	0.26
(4,435)	1:58:A:LEU:H	1:59:A:PHE:HD2	9	0.26
(4,399)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG21	10	0.26
(4,399)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG22	10	0.26
(4,399)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG23	10	0.26
(4,382)	1:32:A:ALA:HB1	1:233:A:PRO:HB2	6	0.26
(4,382)	1:32:A:ALA:HB2	1:233:A:PRO:HB2	6	0.26
(4,382)	1:32:A:ALA:HB3	1:233:A:PRO:HB2	6	0.26
(4,369)	1:172:A:GLU:HG2	1:176:A:GLY:H	2	0.26
(4,369)	1:172:A:GLU:HG3	1:176:A:GLY:H	2	0.26
(4,360)	1:231:A:LEU:HD11	1:234:A:ASN:H	15	0.26
(4,360)	1:231:A:LEU:HD12	1:234:A:ASN:H	15	0.26
(4,360)	1:231:A:LEU:HD13	1:234:A:ASN:H	15	0.26
(4,360)	1:231:A:LEU:HD21	1:234:A:ASN:H	15	0.26
(4,360)	1:231:A:LEU:HD22	1:234:A:ASN:H	15	0.26
(4,360)	1:231:A:LEU:HD23	1:234:A:ASN:H	15	0.26
(4,354)	1:88:A:ASN:H	1:90:A:CYS:H	9	0.26
(4,342)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:H	4	0.26
(4,342)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:H	4	0.26
(4,297)	1:142:A:ILE:HG21	1:146:A:VAL:HB	14	0.26
(4,297)	1:142:A:ILE:HG22	1:146:A:VAL:HB	14	0.26
(4,297)	1:142:A:ILE:HG23	1:146:A:VAL:HB	14	0.26
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD11	7	0.26
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD12	7	0.26
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD13	7	0.26
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD21	7	0.26
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD22	7	0.26
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD23	7	0.26
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB2	3	0.26
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB3	3	0.26
(4,194)	1:146:A:VAL:HA	1:150:A:SER:H	11	0.26
(4,164)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG12	9	0.26
(4,158)	1:100:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	8	0.26
(4,131)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HG12	5	0.26
(4,131)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HG13	5	0.26
(4,131)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HG12	5	0.26
(4,131)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HG13	5	0.26
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD11	19	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD12	19	0.26
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD13	19	0.26
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD21	19	0.26
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD22	19	0.26
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD23	19	0.26
(4,50)	1:25:A:LEU:HA	1:111:A:ASP:HA	3	0.26
(4,50)	1:25:A:LEU:HA	1:111:A:ASP:HA	16	0.26
(4,38)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HG3	3	0.26
(4,38)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HG3	3	0.26
(4,38)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HG3	3	0.26
(4,37)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:CD2	12	0.26
(4,37)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:CD2	12	0.26
(4,37)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:CD2	12	0.26
(4,6)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HA	13	0.26
(3,20)	1:57:A:LEU:O	1:168:A:ILE:H	1	0.26
(3,18)	1:32:A:ALA:O	1:232:A:GLY:H	1	0.26
(3,17)	1:59:A:PHE:H	1:166:A:HIS:O	17	0.26
(3,16)	1:59:A:PHE:O	1:166:A:HIS:H	2	0.26
(3,12)	1:34:A:PHE:O	1:230:A:GLY:H	10	0.26
(3,10)	1:32:A:ALA:H	1:232:A:GLY:O	16	0.26
(1,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	18	0.26
(1,148)	1:70:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	10	0.26
(1,97)	1:218:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	5	0.26
(5,643)	1:5:A:ASN:ND2	1:210:A:ARG:H	15	0.25
(5,402)	1:5:A:ASN:ND2	1:101:A:ASN:H	1	0.25
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG21	1:92:A:LEU:H	8	0.25
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG22	1:92:A:LEU:H	8	0.25
(4,4289)	1:11:A:ILE:HG23	1:92:A:LEU:H	8	0.25
(4,4254)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HE1	5	0.25
(4,4254)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HE2	5	0.25
(4,4202)	1:56:A:VAL:HB	1:230:A:GLY:H	15	0.25
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD21	3	0.25
(4,4173)	1:113:A:ASP:H	1:114:A:ASN:HD22	3	0.25
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	19	0.25
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	19	0.25
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	19	0.25
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	19	0.25
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	19	0.25
(4,4096)	1:58:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	19	0.25
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:H	3	0.25
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:H	3	0.25
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG11	1:55:A:ILE:HG21	20	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG11	1:55:A:ILE:HG22	20	0.25
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG11	1:55:A:ILE:HG23	20	0.25
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG12	1:55:A:ILE:HG21	20	0.25
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG12	1:55:A:ILE:HG22	20	0.25
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG12	1:55:A:ILE:HG23	20	0.25
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG13	1:55:A:ILE:HG21	20	0.25
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG13	1:55:A:ILE:HG22	20	0.25
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG13	1:55:A:ILE:HG23	20	0.25
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	4	0.25
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	4	0.25
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	4	0.25
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	4	0.25
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	4	0.25
(4,4048)	1:25:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	4	0.25
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG12	5	0.25
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG13	5	0.25
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG12	5	0.25
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG13	5	0.25
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD11	19	0.25
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD12	19	0.25
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD13	19	0.25
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD21	19	0.25
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD22	19	0.25
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD23	19	0.25
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD11	19	0.25
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD12	19	0.25
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD13	19	0.25
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD21	19	0.25
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD22	19	0.25
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD23	19	0.25
(4,3979)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:HA	11	0.25
(4,3918)	1:184:A:ASN:H	1:187:A:GLY:H	5	0.25
(4,3912)	1:137:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HA	3	0.25
(4,3912)	1:137:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HA	3	0.25
(4,3864)	1:73:A:ILE:H	1:187:A:GLY:H	5	0.25
(4,3864)	1:73:A:ILE:H	1:187:A:GLY:H	6	0.25
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE1	16	0.25
(4,3853)	1:13:A:SER:H	1:18:A:PHE:HE2	16	0.25
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD11	2	0.25
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD12	2	0.25
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD13	2	0.25
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD21	2	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD22	2	0.25
(4,3840)	1:45:A:LEU:HG	1:48:A:LEU:HD23	2	0.25
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:HA	1	0.25
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:HA	1	0.25
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:HA	1	0.25
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HA	1	0.25
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HA	1	0.25
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HA	1	0.25
(4,3799)	1:154:A:SER:HB2	1:157:A:PRO:HD3	6	0.25
(4,3799)	1:154:A:SER:HB3	1:157:A:PRO:HD3	6	0.25
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD21	16	0.25
(4,3782)	1:136:A:GLN:H	1:140:A:ASN:HD22	16	0.25
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:HE21	10	0.25
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:HE22	10	0.25
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:HE21	10	0.25
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:HE22	10	0.25
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:HE21	10	0.25
(4,3769)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:HE22	10	0.25
(4,3730)	1:29:A:ASN:HB3	1:30:A:GLU:HG2	8	0.25
(4,3719)	1:102:A:ASN:H	1:103:A:GLN:HB2	20	0.25
(4,3719)	1:102:A:ASN:H	1:103:A:GLN:HB3	20	0.25
(4,3475)	1:192:A:GLY:H	1:206:A:LEU:HD11	19	0.25
(4,3475)	1:192:A:GLY:H	1:206:A:LEU:HD12	19	0.25
(4,3475)	1:192:A:GLY:H	1:206:A:LEU:HD13	19	0.25
(4,3475)	1:192:A:GLY:H	1:206:A:LEU:HD21	19	0.25
(4,3475)	1:192:A:GLY:H	1:206:A:LEU:HD22	19	0.25
(4,3475)	1:192:A:GLY:H	1:206:A:LEU:HD23	19	0.25
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:H	20	0.25
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:H	20	0.25
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:H	20	0.25
(4,3434)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:H	14	0.25
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD11	12	0.25
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD12	12	0.25
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD13	12	0.25
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD21	12	0.25
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD22	12	0.25
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD23	12	0.25
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD11	17	0.25
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD12	17	0.25
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD13	17	0.25
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD21	17	0.25
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD22	17	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD23	17	0.25
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG21	1:203:A:GLU:H	18	0.25
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG22	1:203:A:GLU:H	18	0.25
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG23	1:203:A:GLU:H	18	0.25
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD11	14	0.25
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD12	14	0.25
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD13	14	0.25
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD21	14	0.25
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD22	14	0.25
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD23	14	0.25
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD11	14	0.25
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD12	14	0.25
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD13	14	0.25
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD21	14	0.25
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD22	14	0.25
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD23	14	0.25
(4,3275)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:LEU:H	19	0.25
(4,3262)	1:190:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:H	1	0.25
(4,3262)	1:190:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:H	1	0.25
(4,3261)	1:80:A:ILE:HG12	1:127:A:ASN:HB2	8	0.25
(4,3261)	1:80:A:ILE:HG12	1:127:A:ASN:HB3	8	0.25
(4,3261)	1:80:A:ILE:HG13	1:127:A:ASN:HB2	8	0.25
(4,3261)	1:80:A:ILE:HG13	1:127:A:ASN:HB3	8	0.25
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	9	0.25
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	9	0.25
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	9	0.25
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	9	0.25
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	9	0.25
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	9	0.25
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD11	17	0.25
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD12	17	0.25
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD13	17	0.25
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD21	17	0.25
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD22	17	0.25
(4,3235)	1:31:A:TRP:H	1:105:A:LEU:HD23	17	0.25
(4,3217)	1:204:A:GLN:HE21	1:207:A:VAL:H	14	0.25
(4,3217)	1:204:A:GLN:HE22	1:207:A:VAL:H	14	0.25
(4,3187)	1:148:A:THR:HG21	1:150:A:SER:H	6	0.25
(4,3187)	1:148:A:THR:HG22	1:150:A:SER:H	6	0.25
(4,3187)	1:148:A:THR:HG23	1:150:A:SER:H	6	0.25
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG21	1:210:A:ARG:HG2	9	0.25
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG21	1:210:A:ARG:HG3	9	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG22	1:210:A:ARG:HG2	9	0.25
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG22	1:210:A:ARG:HG3	9	0.25
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG23	1:210:A:ARG:HG2	9	0.25
(4,3134)	1:207:A:VAL:HG23	1:210:A:ARG:HG3	9	0.25
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD11	1:110:A:SER:H	3	0.25
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD12	1:110:A:SER:H	3	0.25
(4,3108)	1:106:A:LEU:HD13	1:110:A:SER:H	3	0.25
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG2	12	0.25
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG3	12	0.25
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG2	12	0.25
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG3	12	0.25
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG2	12	0.25
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG3	12	0.25
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG21	5	0.25
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG22	5	0.25
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG23	5	0.25
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG21	5	0.25
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG22	5	0.25
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG23	5	0.25
(4,3074)	1:173:A:GLU:H	1:178:A:PHE:HD1	6	0.25
(4,3074)	1:173:A:GLU:H	1:178:A:PHE:HD2	6	0.25
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD11	18	0.25
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD12	18	0.25
(4,3060)	1:38:A:SER:H	1:45:A:LEU:HD13	18	0.25
(4,3039)	1:77:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD21	20	0.25
(4,3024)	1:204:A:GLN:HE21	1:205:A:GLU:H	12	0.25
(4,3024)	1:204:A:GLN:HE22	1:205:A:GLU:H	12	0.25
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG11	8	0.25
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG12	8	0.25
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG13	8	0.25
(4,2792)	1:88:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HD11	20	0.25
(4,2792)	1:88:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HD12	20	0.25
(4,2792)	1:88:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HD13	20	0.25
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD21	16	0.25
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD22	16	0.25
(4,2790)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD23	16	0.25
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG11	10	0.25
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG12	10	0.25
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE1	1:52:A:VAL:HG13	10	0.25
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG11	10	0.25
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG12	10	0.25
(4,2713)	1:34:A:PHE:HE2	1:52:A:VAL:HG13	10	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG21	1:229:A:LEU:H	10	0.25
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG22	1:229:A:LEU:H	10	0.25
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG23	1:229:A:LEU:H	10	0.25
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB1	1:215:A:MET:HB2	19	0.25
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB2	1:215:A:MET:HB2	19	0.25
(4,2583)	1:212:A:ALA:HB3	1:215:A:MET:HB2	19	0.25
(4,2574)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HD22	16	0.25
(4,2543)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:HB	14	0.25
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB2	1:140:A:ASN:HD21	16	0.25
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB2	1:140:A:ASN:HD22	16	0.25
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB3	1:140:A:ASN:HD21	16	0.25
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB3	1:140:A:ASN:HD22	16	0.25
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:H	14	0.25
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:H	14	0.25
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:H	14	0.25
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:H	14	0.25
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:H	14	0.25
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:H	14	0.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD11	7	0.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD12	7	0.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD13	7	0.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD21	7	0.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD22	7	0.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:HD23	7	0.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD11	7	0.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD12	7	0.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD13	7	0.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD21	7	0.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD22	7	0.25
(4,2452)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:HD23	7	0.25
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG2	19	0.25
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG3	19	0.25
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG2	19	0.25
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG3	19	0.25
(4,2368)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HB3	12	0.25
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB2	1:168:A:ILE:H	20	0.25
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB3	1:168:A:ILE:H	20	0.25
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG21	12	0.25
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG22	12	0.25
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG23	12	0.25
(4,2267)	1:29:A:ASN:H	1:30:A:GLU:HG3	16	0.25
(4,2231)	1:163:A:THR:H	1:165:A:LEU:H	4	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HA	12	0.25
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HA	12	0.25
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HA	12	0.25
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HA	12	0.25
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HA	12	0.25
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HA	12	0.25
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG11	20	0.25
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG12	20	0.25
(4,2190)	1:218:A:ALA:HA	1:223:A:VAL:HG13	20	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB1	5	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB2	5	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB3	5	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB1	5	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB2	5	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB3	5	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB1	5	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB2	5	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB3	5	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB1	8	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB2	8	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB3	8	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB1	8	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB2	8	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB3	8	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB1	8	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB2	8	0.25
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB3	8	0.25
(4,2182)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HB2	9	0.25
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD2	14	0.25
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD3	14	0.25
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD2	14	0.25
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD3	14	0.25
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD2	18	0.25
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD3	18	0.25
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD2	18	0.25
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD3	18	0.25
(4,2152)	1:63:A:GLU:H	1:65:A:ARG:H	18	0.25
(4,2130)	1:92:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG11	4	0.25
(4,2130)	1:92:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG12	4	0.25
(4,2130)	1:92:A:LEU:CD1	1:141:A:VAL:HG13	4	0.25
(4,2061)	1:33:A:TYR:H	1:234:A:ASN:HA	7	0.25
(4,2053)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD21	14	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD21	19	0.25
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD22	19	0.25
(4,2043)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD23	19	0.25
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:HA	8	0.25
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:HA	8	0.25
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:HA	8	0.25
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:HA	8	0.25
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:HA	8	0.25
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:HA	8	0.25
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG11	19	0.25
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG12	19	0.25
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG13	19	0.25
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG11	19	0.25
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG12	19	0.25
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG13	19	0.25
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB3	6	0.25
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB3	6	0.25
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB3	6	0.25
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD11	1:152:A:GLY:H	15	0.25
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD12	1:152:A:GLY:H	15	0.25
(4,1971)	1:11:A:ILE:HD13	1:152:A:GLY:H	15	0.25
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD11	15	0.25
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD12	15	0.25
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD13	15	0.25
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG11	10	0.25
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG12	10	0.25
(4,1931)	1:77:A:TYR:H	1:79:A:VAL:HG13	10	0.25
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD21	8	0.25
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD22	8	0.25
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD23	8	0.25
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD21	8	0.25
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD22	8	0.25
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD23	8	0.25
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD21	8	0.25
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD22	8	0.25
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD23	8	0.25
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:HA	1	0.25
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:HA	1	0.25
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:HA	1	0.25
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:HA	1	0.25
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:HA	1	0.25
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:HA	1	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1881)	1:42:A:PRO:HB2	1:46:A:ALA:HA	16	0.25
(4,1851)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:HG	1	0.25
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:HA2	13	0.25
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE1	1:232:A:GLY:HA3	13	0.25
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:HA2	13	0.25
(4,1812)	1:34:A:PHE:HE2	1:232:A:GLY:HA3	13	0.25
(4,1806)	1:68:A:SER:HB2	1:70:A:SER:HA	17	0.25
(4,1806)	1:68:A:SER:HB3	1:70:A:SER:HA	17	0.25
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD11	1:100:A:SER:H	6	0.25
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD12	1:100:A:SER:H	6	0.25
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD13	1:100:A:SER:H	6	0.25
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	6	0.25
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	6	0.25
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	6	0.25
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG2	14	0.25
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG3	14	0.25
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG2	14	0.25
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG3	14	0.25
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG2	14	0.25
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG3	14	0.25
(4,1698)	1:135:A:ASP:HB2	1:139:A:LEU:H	5	0.25
(4,1698)	1:135:A:ASP:HB3	1:139:A:LEU:H	5	0.25
(4,1676)	1:172:A:GLU:HB3	1:176:A:GLY:H	5	0.25
(4,1676)	1:172:A:GLU:HB3	1:176:A:GLY:H	18	0.25
(4,1673)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HB	10	0.25
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:H	4	0.25
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:H	4	0.25
(4,1656)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:H	4	0.25
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB2	1:204:A:GLN:HG2	6	0.25
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB2	1:204:A:GLN:HG3	6	0.25
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB3	1:204:A:GLN:HG2	6	0.25
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB3	1:204:A:GLN:HG3	6	0.25
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB2	1:210:A:ARG:HB2	2	0.25
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB2	1:210:A:ARG:HB3	2	0.25
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB3	1:210:A:ARG:HB2	2	0.25
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB3	1:210:A:ARG:HB3	2	0.25
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD1	1:117:A:LYS:H	1	0.25
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD2	1:117:A:LYS:H	1	0.25
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:CG2	19	0.25
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:CG2	19	0.25
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:CG2	19	0.25
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:CG2	19	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:CG2	19	0.25
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:CG2	19	0.25
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG21	1:53:A:LYS:HB2	12	0.25
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG21	1:53:A:LYS:HB3	12	0.25
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG22	1:53:A:LYS:HB2	12	0.25
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG22	1:53:A:LYS:HB3	12	0.25
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG23	1:53:A:LYS:HB2	12	0.25
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG23	1:53:A:LYS:HB3	12	0.25
(4,1502)	1:38:A:SER:HA	1:41:A:GLU:HB2	7	0.25
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD11	18	0.25
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD12	18	0.25
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD13	18	0.25
(4,1412)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HA	18	0.25
(4,1400)	1:67:A:SER:H	1:68:A:SER:HA	16	0.25
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD11	15	0.25
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD12	15	0.25
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD13	15	0.25
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG21	10	0.25
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG22	10	0.25
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG23	10	0.25
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG21	10	0.25
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG22	10	0.25
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG23	10	0.25
(4,1353)	1:29:A:ASN:H	1:29:A:ASN:HD22	5	0.25
(4,1353)	1:29:A:ASN:H	1:29:A:ASN:HD22	6	0.25
(4,1353)	1:29:A:ASN:H	1:29:A:ASN:HD22	15	0.25
(4,1350)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD11	8	0.25
(4,1350)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD12	8	0.25
(4,1350)	1:79:A:VAL:HB	1:180:A:LEU:HD13	8	0.25
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG11	9	0.25
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG12	9	0.25
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG13	9	0.25
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG21	9	0.25
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG22	9	0.25
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG23	9	0.25
(4,1289)	1:191:A:LEU:HD11	1:210:A:ARG:H	18	0.25
(4,1289)	1:191:A:LEU:HD12	1:210:A:ARG:H	18	0.25
(4,1289)	1:191:A:LEU:HD13	1:210:A:ARG:H	18	0.25
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD21	18	0.25
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD22	18	0.25
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD23	18	0.25
(4,1195)	1:197:A:THR:HG21	1:198:A:ALA:HA	10	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1195)	1:197:A:THR:HG22	1:198:A:ALA:HA	10	0.25
(4,1195)	1:197:A:THR:HG23	1:198:A:ALA:HA	10	0.25
(4,1192)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB3	13	0.25
(4,1189)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:GLU:H	4	0.25
(4,1156)	1:62:A:ASN:H	1:63:A:GLU:HA	3	0.25
(4,1156)	1:62:A:ASN:H	1:63:A:GLU:HA	14	0.25
(4,1156)	1:62:A:ASN:H	1:63:A:GLU:HA	17	0.25
(4,1154)	1:157:A:PRO:HA	1:158:A:GLU:HB2	17	0.25
(4,1113)	1:233:A:PRO:HA	1:235:A:TRP:H	4	0.25
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD11	1	0.25
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD12	1	0.25
(4,1039)	1:59:A:PHE:H	1:61:A:ILE:HD13	1	0.25
(4,966)	1:199:A:THR:H	1:204:A:GLN:H	15	0.25
(4,947)	1:177:A:ILE:HD11	1:208:A:ARG:H	12	0.25
(4,947)	1:177:A:ILE:HD12	1:208:A:ARG:H	12	0.25
(4,947)	1:177:A:ILE:HD13	1:208:A:ARG:H	12	0.25
(4,922)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:HB2	9	0.25
(4,922)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:HB3	9	0.25
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG21	7	0.25
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG22	7	0.25
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG23	7	0.25
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB2	1	0.25
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB3	1	0.25
(4,861)	1:86:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:H	7	0.25
(4,861)	1:86:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:H	7	0.25
(4,861)	1:86:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:H	7	0.25
(4,861)	1:86:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:H	7	0.25
(4,861)	1:86:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:H	7	0.25
(4,861)	1:86:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:H	7	0.25
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB2	7	0.25
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB3	7	0.25
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB2	12	0.25
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB3	12	0.25
(4,755)	1:16:A:GLU:H	1:34:A:PHE:HA	9	0.25
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD11	16	0.25
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD12	16	0.25
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD13	16	0.25
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD21	16	0.25
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD22	16	0.25
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD23	16	0.25
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD11	16	0.25
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD12	16	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD13	16	0.25
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD21	16	0.25
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD22	16	0.25
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD23	16	0.25
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD11	16	0.25
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD12	16	0.25
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD13	16	0.25
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD21	16	0.25
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD22	16	0.25
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD23	16	0.25
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD11	11	0.25
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD12	11	0.25
(4,708)	1:22:A:ALA:H	1:27:A:LEU:HD13	11	0.25
(4,683)	1:58:A:LEU:H	1:228:A:MET:HG2	5	0.25
(4,683)	1:58:A:LEU:H	1:228:A:MET:HG3	5	0.25
(4,675)	1:3:A:GLY:H	1:5:A:ASN:H	20	0.25
(4,631)	1:30:A:GLU:HG3	1:31:A:TRP:HE1	11	0.25
(4,618)	1:78:A:ASP:HB2	1:173:A:GLU:HG2	1	0.25
(4,618)	1:78:A:ASP:HB2	1:173:A:GLU:HG3	1	0.25
(4,618)	1:78:A:ASP:HB3	1:173:A:GLU:HG2	1	0.25
(4,618)	1:78:A:ASP:HB3	1:173:A:GLU:HG3	1	0.25
(4,595)	1:173:A:GLU:H	1:174:A:ASN:HB2	14	0.25
(4,519)	1:17:A:VAL:HG21	1:19:A:THR:H	5	0.25
(4,519)	1:17:A:VAL:HG22	1:19:A:THR:H	5	0.25
(4,519)	1:17:A:VAL:HG23	1:19:A:THR:H	5	0.25
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD11	3	0.25
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD12	3	0.25
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD13	3	0.25
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD21	3	0.25
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD22	3	0.25
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD23	3	0.25
(4,500)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HB	5	0.25
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB2	11	0.25
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB3	11	0.25
(4,476)	1:206:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:H	3	0.25
(4,476)	1:206:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:H	3	0.25
(4,476)	1:206:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:H	3	0.25
(4,435)	1:58:A:LEU:H	1:59:A:PHE:HD1	7	0.25
(4,435)	1:58:A:LEU:H	1:59:A:PHE:HD2	7	0.25
(4,385)	1:106:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	6	0.25
(4,385)	1:106:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	6	0.25
(4,385)	1:106:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	6	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,337)	1:98:A:SER:HA	1:102:A:ASN:HD21	16	0.25
(4,337)	1:98:A:SER:HA	1:102:A:ASN:HD22	16	0.25
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	11	0.25
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	11	0.25
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	11	0.25
(4,291)	1:234:A:ASN:HD22	1:235:A:TRP:H	3	0.25
(4,256)	1:33:A:TYR:HE1	1:34:A:PHE:H	1	0.25
(4,256)	1:33:A:TYR:HE2	1:34:A:PHE:H	1	0.25
(4,238)	1:79:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:H	13	0.25
(4,238)	1:79:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:H	13	0.25
(4,238)	1:79:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:H	13	0.25
(4,230)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HB2	3	0.25
(4,179)	1:223:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:HD1	20	0.25
(4,179)	1:223:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:HD2	20	0.25
(4,179)	1:223:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:HD1	20	0.25
(4,179)	1:223:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:HD2	20	0.25
(4,179)	1:223:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:HD1	20	0.25
(4,179)	1:223:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:HD2	20	0.25
(4,166)	1:181:A:ASP:H	1:184:A:ASN:HD21	14	0.25
(4,166)	1:181:A:ASP:H	1:184:A:ASN:HD22	14	0.25
(4,142)	1:190:A:TYR:HA	1:191:A:LEU:HG	1	0.25
(4,141)	1:170:A:TYR:HE1	1:211:A:VAL:H	2	0.25
(4,141)	1:170:A:TYR:HE2	1:211:A:VAL:H	2	0.25
(4,102)	1:150:A:SER:H	1:157:A:PRO:HD2	18	0.25
(4,100)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:HB2	14	0.25
(4,100)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:HB3	14	0.25
(4,100)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:HB2	14	0.25
(4,100)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:HB3	14	0.25
(4,100)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:HB2	14	0.25
(4,100)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:HB3	14	0.25
(4,100)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:HB2	14	0.25
(4,100)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:HB3	14	0.25
(4,100)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:HB2	14	0.25
(4,100)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:HB3	14	0.25
(4,100)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:HB2	14	0.25
(4,100)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:HB3	14	0.25
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB2	20	0.25
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB3	20	0.25
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD1	17	0.25
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD2	17	0.25
(4,59)	1:20:A:ASN:HD21	1:24:A:LYS:H	1	0.25
(4,50)	1:25:A:LEU:HA	1:111:A:ASP:HA	20	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD21	2	0.25
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD22	2	0.25
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD11	12	0.25
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD12	12	0.25
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD13	12	0.25
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD21	12	0.25
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD22	12	0.25
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD23	12	0.25
(4,1)	1:30:A:GLU:C	1:234:A:ASN:N	15	0.25
(3,25)	1:58:A:LEU:H	1:227:A:ALA:O	16	0.25
(3,20)	1:57:A:LEU:O	1:168:A:ILE:H	8	0.25
(3,20)	1:57:A:LEU:O	1:168:A:ILE:H	12	0.25
(3,20)	1:57:A:LEU:O	1:168:A:ILE:H	13	0.25
(3,18)	1:32:A:ALA:O	1:232:A:GLY:H	19	0.25
(3,17)	1:59:A:PHE:H	1:166:A:HIS:O	1	0.25
(3,13)	1:177:A:ILE:O	1:191:A:LEU:H	5	0.25
(3,10)	1:32:A:ALA:H	1:232:A:GLY:O	17	0.25
(1,469)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	16	0.25
(1,230)	1:23:A:HIS:H	1:225:A:ASN:ND2	4	0.25
(1,181)	1:208:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	17	0.25
(1,112)	1:211:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	7	0.25
(1,58)	1:122:A:THR:H	1:140:A:ASN:ND2	13	0.25
(5,653)	1:5:A:ASN:ND2	1:25:A:LEU:H	4	0.24
(5,607)	1:5:A:ASN:ND2	1:173:A:GLU:H	13	0.24
(5,551)	1:5:A:ASN:ND2	1:107:A:GLU:H	9	0.24
(5,515)	1:5:A:ASN:ND2	1:177:A:ILE:H	9	0.24
(5,327)	1:151:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	2	0.24
(5,290)	1:39:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	17	0.24
(5,275)	1:40:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	11	0.24
(4,4277)	1:108:A:PRO:HB2	1:110:A:SER:H	15	0.24
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG21	1:192:A:GLY:HA2	12	0.24
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG22	1:192:A:GLY:HA2	12	0.24
(4,4275)	1:177:A:ILE:HG23	1:192:A:GLY:HA2	12	0.24
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD2	10	0.24
(4,4257)	1:62:A:ASN:HB2	1:66:A:LYS:HD3	10	0.24
(4,4251)	1:81:A:TRP:HH2	1:184:A:ASN:H	13	0.24
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG2	6	0.24
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG21	1:193:A:LYS:HG3	6	0.24
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG2	6	0.24
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG22	1:193:A:LYS:HG3	6	0.24
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG2	6	0.24
(4,4166)	1:177:A:ILE:HG23	1:193:A:LYS:HG3	6	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD11	13	0.24
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD12	13	0.24
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD13	13	0.24
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD21	13	0.24
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD22	13	0.24
(4,4130)	1:71:A:GLN:H	1:189:A:LEU:HD23	13	0.24
(4,4128)	1:51:A:PRO:HA	1:52:A:VAL:HB	3	0.24
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD11	5	0.24
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD12	5	0.24
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD13	5	0.24
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD21	5	0.24
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD22	5	0.24
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD23	5	0.24
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:H	11	0.24
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:H	11	0.24
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:H	11	0.24
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:H	11	0.24
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:H	11	0.24
(4,4117)	1:9:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:H	11	0.24
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG21	2	0.24
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG22	2	0.24
(4,4116)	1:12:A:GLU:H	1:17:A:VAL:HG23	2	0.24
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB2	18	0.24
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB2	18	0.24
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB2	18	0.24
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD11	16	0.24
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD12	16	0.24
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD13	16	0.24
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD21	16	0.24
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD22	16	0.24
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD23	16	0.24
(4,4012)	1:136:A:GLN:HE21	1:137:A:PHE:H	4	0.24
(4,4012)	1:136:A:GLN:HE22	1:137:A:PHE:H	4	0.24
(4,3957)	1:102:A:ASN:H	1:105:A:LEU:H	1	0.24
(4,3918)	1:184:A:ASN:H	1:187:A:GLY:H	18	0.24
(4,3912)	1:137:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HA	7	0.24
(4,3912)	1:137:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HA	7	0.24
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD11	8	0.24
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD12	8	0.24
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD13	8	0.24
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD21	8	0.24
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD22	8	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD23	8	0.24
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD11	1:202:A:ILE:HA	4	0.24
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD12	1:202:A:ILE:HA	4	0.24
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD13	1:202:A:ILE:HA	4	0.24
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB2	1	0.24
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB2	1	0.24
(4,3812)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HD1	11	0.24
(4,3812)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HD2	11	0.24
(4,3810)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD21	17	0.24
(4,3796)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE22	7	0.24
(4,3762)	1:66:A:LYS:H	1:217:A:ASN:H	5	0.24
(4,3753)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:H	4	0.24
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB2	1:172:A:GLU:H	19	0.24
(4,3723)	1:101:A:ASN:HB3	1:172:A:GLU:H	19	0.24
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG11	20	0.24
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG12	20	0.24
(4,3718)	1:205:A:GLU:H	1:209:A:VAL:HG13	20	0.24
(4,3714)	1:19:A:THR:HG1	1:33:A:TYR:H	18	0.24
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	11	0.24
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	11	0.24
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	11	0.24
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	11	0.24
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	11	0.24
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	11	0.24
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	11	0.24
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	11	0.24
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	11	0.24
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	11	0.24
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	11	0.24
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	11	0.24
(4,3673)	1:98:A:SER:H	1:99:A:LEU:HB3	1	0.24
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	1	0.24
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	1	0.24
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	1	0.24
(4,3573)	1:105:A:LEU:HG	1:106:A:LEU:H	5	0.24
(4,3445)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HB2	15	0.24
(4,3445)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HB3	15	0.24
(4,3443)	1:76:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD1	5	0.24
(4,3443)	1:76:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD2	5	0.24
(4,3443)	1:76:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD1	5	0.24
(4,3443)	1:76:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD2	5	0.24
(4,3375)	1:11:A:ILE:H	1:227:A:ALA:H	7	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	9	0.24
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	9	0.24
(4,3262)	1:190:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:H	4	0.24
(4,3262)	1:190:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:H	4	0.24
(4,3262)	1:190:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:H	5	0.24
(4,3262)	1:190:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:H	5	0.24
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB1	1:157:A:PRO:HB3	13	0.24
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB2	1:157:A:PRO:HB3	13	0.24
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB3	1:157:A:PRO:HB3	13	0.24
(4,3222)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:H	12	0.24
(4,3214)	1:80:A:ILE:HD11	1:103:A:GLN:HE21	9	0.24
(4,3214)	1:80:A:ILE:HD12	1:103:A:GLN:HE21	9	0.24
(4,3214)	1:80:A:ILE:HD13	1:103:A:GLN:HE21	9	0.24
(4,3055)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:H	7	0.24
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD11	1:115:A:PHE:HA	8	0.24
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD12	1:115:A:PHE:HA	8	0.24
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD13	1:115:A:PHE:HA	8	0.24
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD21	1:115:A:PHE:HA	8	0.24
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD22	1:115:A:PHE:HA	8	0.24
(4,3043)	1:112:A:LEU:HD23	1:115:A:PHE:HA	8	0.24
(4,2966)	1:82:A:PHE:H	1:97:A:HIS:HA	14	0.24
(4,2927)	1:67:A:SER:H	1:217:A:ASN:HB2	10	0.24
(4,2927)	1:67:A:SER:H	1:217:A:ASN:HB3	10	0.24
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD21	6	0.24
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	6	0.24
(4,2920)	1:80:A:ILE:HG12	1:127:A:ASN:HD21	20	0.24
(4,2920)	1:80:A:ILE:HG13	1:127:A:ASN:HD21	20	0.24
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB2	7	0.24
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB3	7	0.24
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HB3	16	0.24
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HB3	16	0.24
(4,2903)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HB3	16	0.24
(4,2893)	1:153:A:GLN:HA	1:157:A:PRO:HD3	13	0.24
(4,2865)	1:221:A:GLU:HB2	1:222:A:ASP:HB3	14	0.24
(4,2865)	1:221:A:GLU:HB3	1:222:A:ASP:HB3	14	0.24
(4,2865)	1:221:A:GLU:HB2	1:222:A:ASP:HB3	15	0.24
(4,2865)	1:221:A:GLU:HB3	1:222:A:ASP:HB3	15	0.24
(4,2864)	1:224:A:LEU:H	1:226:A:PHE:H	6	0.24
(4,2847)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:H	3	0.24
(4,2838)	1:73:A:ILE:H	1:75:A:SER:H	13	0.24
(4,2826)	1:53:A:LYS:HB2	1:231:A:LEU:H	14	0.24
(4,2826)	1:53:A:LYS:HB3	1:231:A:LEU:H	14	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG11	17	0.24
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG12	17	0.24
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG13	17	0.24
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG21	17	0.24
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG22	17	0.24
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG23	17	0.24
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG11	17	0.24
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG12	17	0.24
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG13	17	0.24
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG21	17	0.24
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG22	17	0.24
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG23	17	0.24
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE1	20	0.24
(4,2769)	1:35:A:ASP:H	1:37:A:TYR:HE2	20	0.24
(4,2744)	1:61:A:ILE:HG13	1:62:A:ASN:H	17	0.24
(4,2732)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:H	3	0.24
(4,2673)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	17	0.24
(4,2673)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	17	0.24
(4,2673)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	17	0.24
(4,2670)	1:168:A:ILE:HG21	1:180:A:LEU:H	20	0.24
(4,2670)	1:168:A:ILE:HG22	1:180:A:LEU:H	20	0.24
(4,2670)	1:168:A:ILE:HG23	1:180:A:LEU:H	20	0.24
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD11	8	0.24
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD12	8	0.24
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD13	8	0.24
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD11	1:143:A:LYS:H	20	0.24
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD12	1:143:A:LYS:H	20	0.24
(4,2581)	1:92:A:LEU:HD13	1:143:A:LYS:H	20	0.24
(4,2580)	1:31:A:TRP:HA	1:232:A:GLY:H	20	0.24
(4,2560)	1:142:A:ILE:HB	1:143:A:LYS:HA	9	0.24
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB2	1:140:A:ASN:HD21	1	0.24
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB2	1:140:A:ASN:HD22	1	0.24
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB3	1:140:A:ASN:HD21	1	0.24
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB3	1:140:A:ASN:HD22	1	0.24
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:H	12	0.24
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:H	12	0.24
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:H	12	0.24
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD21	1:167:A:TYR:H	12	0.24
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD22	1:167:A:TYR:H	12	0.24
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD23	1:167:A:TYR:H	12	0.24
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD1	18	0.24
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD2	18	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2457)	1:56:A:VAL:HB	1:94:A:ALA:HB1	5	0.24
(4,2457)	1:56:A:VAL:HB	1:94:A:ALA:HB2	5	0.24
(4,2457)	1:56:A:VAL:HB	1:94:A:ALA:HB3	5	0.24
(4,2397)	1:210:A:ARG:HG2	1:212:A:ALA:H	16	0.24
(4,2397)	1:210:A:ARG:HG3	1:212:A:ALA:H	16	0.24
(4,2390)	1:56:A:VAL:HA	1:168:A:ILE:HG21	10	0.24
(4,2390)	1:56:A:VAL:HA	1:168:A:ILE:HG22	10	0.24
(4,2390)	1:56:A:VAL:HA	1:168:A:ILE:HG23	10	0.24
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD21	1:226:A:PHE:H	17	0.24
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD22	1:226:A:PHE:H	17	0.24
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD11	10	0.24
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD12	10	0.24
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD13	10	0.24
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD11	10	0.24
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD12	10	0.24
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD13	10	0.24
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD11	10	0.24
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD12	10	0.24
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD13	10	0.24
(4,2293)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD21	18	0.24
(4,2293)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD22	18	0.24
(4,2293)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD23	18	0.24
(4,2270)	1:66:A:LYS:H	1:67:A:SER:HB2	20	0.24
(4,2270)	1:66:A:LYS:H	1:67:A:SER:HB3	20	0.24
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD11	4	0.24
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD12	4	0.24
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD13	4	0.24
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD21	4	0.24
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD22	4	0.24
(4,2245)	1:61:A:ILE:H	1:165:A:LEU:HD23	4	0.24
(4,2074)	1:45:A:LEU:HD21	1:202:A:ILE:H	11	0.24
(4,2074)	1:45:A:LEU:HD22	1:202:A:ILE:H	11	0.24
(4,2074)	1:45:A:LEU:HD23	1:202:A:ILE:H	11	0.24
(4,2041)	1:95:A:ILE:HA	1:98:A:SER:HA	3	0.24
(4,2033)	1:141:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	10	0.24
(4,2033)	1:141:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	10	0.24
(4,2033)	1:141:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	10	0.24
(4,1948)	1:211:A:VAL:HG21	1:214:A:TYR:H	5	0.24
(4,1948)	1:211:A:VAL:HG22	1:214:A:TYR:H	5	0.24
(4,1948)	1:211:A:VAL:HG23	1:214:A:TYR:H	5	0.24
(4,1937)	1:55:A:ILE:HD11	1:202:A:ILE:HG21	14	0.24
(4,1937)	1:55:A:ILE:HD11	1:202:A:ILE:HG22	14	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1937)	1:55:A:ILE:HD11	1:202:A:ILE:HG23	14	0.24
(4,1937)	1:55:A:ILE:HD12	1:202:A:ILE:HG21	14	0.24
(4,1937)	1:55:A:ILE:HD12	1:202:A:ILE:HG22	14	0.24
(4,1937)	1:55:A:ILE:HD12	1:202:A:ILE:HG23	14	0.24
(4,1937)	1:55:A:ILE:HD13	1:202:A:ILE:HG21	14	0.24
(4,1937)	1:55:A:ILE:HD13	1:202:A:ILE:HG22	14	0.24
(4,1937)	1:55:A:ILE:HD13	1:202:A:ILE:HG23	14	0.24
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD11	7	0.24
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD12	7	0.24
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD13	7	0.24
(4,1926)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD21	2	0.24
(4,1926)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD22	2	0.24
(4,1926)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD23	2	0.24
(4,1858)	1:19:A:THR:HG21	1:23:A:HIS:H	1	0.24
(4,1858)	1:19:A:THR:HG22	1:23:A:HIS:H	1	0.24
(4,1858)	1:19:A:THR:HG23	1:23:A:HIS:H	1	0.24
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	3	0.24
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	3	0.24
(4,1848)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	3	0.24
(4,1832)	1:78:A:ASP:H	1:178:A:PHE:HE1	18	0.24
(4,1832)	1:78:A:ASP:H	1:178:A:PHE:HE2	18	0.24
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD11	13	0.24
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD12	13	0.24
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD13	13	0.24
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD21	13	0.24
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD22	13	0.24
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB2	1:185:A:LEU:HD23	13	0.24
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD11	13	0.24
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD12	13	0.24
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD13	13	0.24
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD21	13	0.24
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD22	13	0.24
(4,1802)	1:84:A:GLN:HB3	1:185:A:LEU:HD23	13	0.24
(4,1666)	1:55:A:ILE:HD11	1:202:A:ILE:HB	16	0.24
(4,1666)	1:55:A:ILE:HD12	1:202:A:ILE:HB	16	0.24
(4,1666)	1:55:A:ILE:HD13	1:202:A:ILE:HB	16	0.24
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB2	12	0.24
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB3	12	0.24
(4,1645)	1:109:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	10	0.24
(4,1644)	1:31:A:TRP:HE3	1:232:A:GLY:H	16	0.24
(4,1587)	1:190:A:TYR:HE1	1:192:A:GLY:H	11	0.24
(4,1587)	1:190:A:TYR:HE2	1:192:A:GLY:H	11	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1537)	1:95:A:ILE:H	1:97:A:HIS:H	1	0.24
(4,1537)	1:95:A:ILE:H	1:97:A:HIS:H	5	0.24
(4,1537)	1:95:A:ILE:H	1:97:A:HIS:H	13	0.24
(4,1534)	1:38:A:SER:HB2	1:44:A:LEU:HA	1	0.24
(4,1534)	1:38:A:SER:HB3	1:44:A:LEU:HA	1	0.24
(4,1522)	1:218:A:ALA:HB1	1:223:A:VAL:HB	19	0.24
(4,1522)	1:218:A:ALA:HB2	1:223:A:VAL:HB	19	0.24
(4,1522)	1:218:A:ALA:HB3	1:223:A:VAL:HB	19	0.24
(4,1506)	1:103:A:GLN:HE21	1:104:A:SER:H	14	0.24
(4,1506)	1:103:A:GLN:HE22	1:104:A:SER:H	14	0.24
(4,1490)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HD2	8	0.24
(4,1490)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HD3	8	0.24
(4,1490)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HD2	8	0.24
(4,1490)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HD3	8	0.24
(4,1490)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HD2	8	0.24
(4,1490)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HD3	8	0.24
(4,1480)	1:177:A:ILE:HD11	1:206:A:LEU:HB3	20	0.24
(4,1480)	1:177:A:ILE:HD12	1:206:A:LEU:HB3	20	0.24
(4,1480)	1:177:A:ILE:HD13	1:206:A:LEU:HB3	20	0.24
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD21	8	0.24
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD22	8	0.24
(4,1475)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD23	8	0.24
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD1	7	0.24
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HD2	7	0.24
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD1	7	0.24
(4,1470)	1:101:A:ASN:HD22	1:178:A:PHE:HD2	7	0.24
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	9	0.24
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	9	0.24
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	9	0.24
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	9	0.24
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	9	0.24
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	9	0.24
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	12	0.24
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	12	0.24
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	12	0.24
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	12	0.24
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	12	0.24
(4,1459)	1:25:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	12	0.24
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB2	5	0.24
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB2	5	0.24
(4,1438)	1:55:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB2	5	0.24
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG21	1	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG22	1	0.24
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG23	1	0.24
(4,1353)	1:29:A:ASN:H	1:29:A:ASN:HD22	2	0.24
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:H	20	0.24
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:H	20	0.24
(4,1240)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:H	4	0.24
(4,1240)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:H	16	0.24
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG21	11	0.24
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG22	11	0.24
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG23	11	0.24
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG21	6	0.24
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG22	6	0.24
(4,1202)	1:102:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:HG23	6	0.24
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:H	19	0.24
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:H	19	0.24
(4,1131)	1:47:A:PHE:H	1:48:A:LEU:HB3	5	0.24
(4,1094)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:H	4	0.24
(4,1093)	1:114:A:ASN:HD21	1:115:A:PHE:H	5	0.24
(4,1093)	1:114:A:ASN:HD22	1:115:A:PHE:H	5	0.24
(4,1093)	1:114:A:ASN:HD21	1:115:A:PHE:H	17	0.24
(4,1093)	1:114:A:ASN:HD22	1:115:A:PHE:H	17	0.24
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG12	2	0.24
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG13	2	0.24
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG12	2	0.24
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG13	2	0.24
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG12	2	0.24
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG13	2	0.24
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG12	2	0.24
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG13	2	0.24
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG12	2	0.24
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG13	2	0.24
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG12	2	0.24
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG13	2	0.24
(4,1004)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:H	20	0.24
(4,996)	1:115:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:H	4	0.24
(4,996)	1:115:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:H	4	0.24
(4,995)	1:34:A:PHE:HB2	1:36:A:ILE:H	2	0.24
(4,995)	1:34:A:PHE:HB3	1:36:A:ILE:H	2	0.24
(4,982)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HD1	19	0.24
(4,982)	1:22:A:ALA:HB1	1:33:A:TYR:HD2	19	0.24
(4,982)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HD1	19	0.24
(4,982)	1:22:A:ALA:HB2	1:33:A:TYR:HD2	19	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,982)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HD1	19	0.24
(4,982)	1:22:A:ALA:HB3	1:33:A:TYR:HD2	19	0.24
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD11	11	0.24
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD12	11	0.24
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD13	11	0.24
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD21	11	0.24
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD22	11	0.24
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD23	11	0.24
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD11	11	0.24
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD12	11	0.24
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD13	11	0.24
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD21	11	0.24
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD22	11	0.24
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD23	11	0.24
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD11	11	0.24
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD12	11	0.24
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD13	11	0.24
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD21	11	0.24
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD22	11	0.24
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD23	11	0.24
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG21	11	0.24
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG22	11	0.24
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG23	11	0.24
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG21	14	0.24
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG22	14	0.24
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG23	14	0.24
(4,903)	1:55:A:ILE:H	1:169:A:THR:HA	2	0.24
(4,877)	1:196:A:PRO:HD2	1:197:A:THR:HA	10	0.24
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB1	14	0.24
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB2	14	0.24
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB3	14	0.24
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB1	14	0.24
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB2	14	0.24
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB3	14	0.24
(4,861)	1:86:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:H	1	0.24
(4,861)	1:86:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:H	1	0.24
(4,861)	1:86:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:H	1	0.24
(4,861)	1:86:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:H	1	0.24
(4,861)	1:86:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:H	1	0.24
(4,861)	1:86:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:H	1	0.24
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD21	13	0.24
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD22	13	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD23	13	0.24
(4,843)	1:29:A:ASN:HD21	1:31:A:TRP:H	2	0.24
(4,772)	1:11:A:ILE:HG21	1:12:A:GLU:HA	17	0.24
(4,772)	1:11:A:ILE:HG22	1:12:A:GLU:HA	17	0.24
(4,772)	1:11:A:ILE:HG23	1:12:A:GLU:HA	17	0.24
(4,770)	1:39:A:LEU:HA	1:41:A:GLU:HB2	4	0.24
(4,758)	1:19:A:THR:HG21	1:21:A:PHE:H	9	0.24
(4,758)	1:19:A:THR:HG22	1:21:A:PHE:H	9	0.24
(4,758)	1:19:A:THR:HG23	1:21:A:PHE:H	9	0.24
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG11	20	0.24
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG12	20	0.24
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG13	20	0.24
(4,673)	1:172:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:H	2	0.24
(4,659)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HG	6	0.24
(4,638)	1:73:A:ILE:HG21	1:186:A:SER:H	7	0.24
(4,638)	1:73:A:ILE:HG22	1:186:A:SER:H	7	0.24
(4,638)	1:73:A:ILE:HG23	1:186:A:SER:H	7	0.24
(4,632)	1:82:A:PHE:HD1	1:100:A:SER:H	12	0.24
(4,632)	1:82:A:PHE:HD2	1:100:A:SER:H	12	0.24
(4,616)	1:61:A:ILE:HA	1:214:A:TYR:HD1	7	0.24
(4,616)	1:61:A:ILE:HA	1:214:A:TYR:HD2	7	0.24
(4,597)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:H	4	0.24
(4,597)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:H	4	0.24
(4,597)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:H	4	0.24
(4,595)	1:173:A:GLU:H	1:174:A:ASN:HB2	12	0.24
(4,595)	1:173:A:GLU:H	1:174:A:ASN:HB2	20	0.24
(4,570)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:HG2	16	0.24
(4,570)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:HG3	16	0.24
(4,509)	1:73:A:ILE:HD11	1:77:A:TYR:HD1	19	0.24
(4,509)	1:73:A:ILE:HD11	1:77:A:TYR:HD2	19	0.24
(4,509)	1:73:A:ILE:HD12	1:77:A:TYR:HD1	19	0.24
(4,509)	1:73:A:ILE:HD12	1:77:A:TYR:HD2	19	0.24
(4,509)	1:73:A:ILE:HD13	1:77:A:TYR:HD1	19	0.24
(4,509)	1:73:A:ILE:HD13	1:77:A:TYR:HD2	19	0.24
(4,496)	1:79:A:VAL:HG21	1:189:A:LEU:H	2	0.24
(4,496)	1:79:A:VAL:HG22	1:189:A:LEU:H	2	0.24
(4,496)	1:79:A:VAL:HG23	1:189:A:LEU:H	2	0.24
(4,409)	1:143:A:LYS:HG2	1:145:A:ASN:H	12	0.24
(4,409)	1:143:A:LYS:HG3	1:145:A:ASN:H	12	0.24
(4,369)	1:172:A:GLU:HG2	1:176:A:GLY:H	6	0.24
(4,369)	1:172:A:GLU:HG3	1:176:A:GLY:H	6	0.24
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB2	18	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB3	18	0.24
(4,342)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:H	20	0.24
(4,342)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:H	20	0.24
(4,334)	1:191:A:LEU:HD11	1:206:A:LEU:HG	20	0.24
(4,334)	1:191:A:LEU:HD12	1:206:A:LEU:HG	20	0.24
(4,334)	1:191:A:LEU:HD13	1:206:A:LEU:HG	20	0.24
(4,334)	1:191:A:LEU:HD21	1:206:A:LEU:HG	20	0.24
(4,334)	1:191:A:LEU:HD22	1:206:A:LEU:HG	20	0.24
(4,334)	1:191:A:LEU:HD23	1:206:A:LEU:HG	20	0.24
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD11	6	0.24
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD12	6	0.24
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD13	6	0.24
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD21	6	0.24
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD22	6	0.24
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD23	6	0.24
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD11	20	0.24
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD12	20	0.24
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD13	20	0.24
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD21	20	0.24
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD22	20	0.24
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD23	20	0.24
(4,266)	1:189:A:LEU:HB2	1:191:A:LEU:H	6	0.24
(4,266)	1:189:A:LEU:HB3	1:191:A:LEU:H	6	0.24
(4,256)	1:33:A:TYR:HE1	1:34:A:PHE:H	3	0.24
(4,256)	1:33:A:TYR:HE2	1:34:A:PHE:H	3	0.24
(4,256)	1:33:A:TYR:HE1	1:34:A:PHE:H	11	0.24
(4,256)	1:33:A:TYR:HE2	1:34:A:PHE:H	11	0.24
(4,170)	1:61:A:ILE:HD11	1:166:A:HIS:H	7	0.24
(4,170)	1:61:A:ILE:HD12	1:166:A:HIS:H	7	0.24
(4,170)	1:61:A:ILE:HD13	1:166:A:HIS:H	7	0.24
(4,166)	1:181:A:ASP:H	1:184:A:ASN:HD21	20	0.24
(4,166)	1:181:A:ASP:H	1:184:A:ASN:HD22	20	0.24
(4,165)	1:55:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	9	0.24
(4,165)	1:55:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	9	0.24
(4,165)	1:55:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	9	0.24
(4,76)	1:31:A:TRP:HB2	1:234:A:ASN:H	18	0.24
(4,66)	1:198:A:ALA:H	1:200:A:ASP:H	9	0.24
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB2	14	0.24
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB3	14	0.24
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB1	3	0.24
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB2	3	0.24
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB3	3	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB1	3	0.24
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB2	3	0.24
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB3	3	0.24
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB1	3	0.24
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB2	3	0.24
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB3	3	0.24
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB1	13	0.24
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB2	13	0.24
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB3	13	0.24
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB1	13	0.24
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB2	13	0.24
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB3	13	0.24
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB1	13	0.24
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB2	13	0.24
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB3	13	0.24
(4,48)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD11	1	0.24
(4,48)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD12	1	0.24
(4,48)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD13	1	0.24
(4,23)	1:58:A:LEU:HB2	1:228:A:MET:HA	8	0.24
(4,23)	1:58:A:LEU:HB3	1:228:A:MET:HA	8	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG11	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG12	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG13	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG21	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG22	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:HG23	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG11	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG12	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG13	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG21	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG22	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:HG23	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG11	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG12	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG13	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG21	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG22	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:HG23	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG11	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG12	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG13	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG21	5	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG22	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD21	1:141:A:VAL:HG23	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG11	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG12	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG13	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG21	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG22	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD22	1:141:A:VAL:HG23	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG11	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG12	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG13	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG21	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG22	5	0.24
(4,22)	1:112:A:LEU:HD23	1:141:A:VAL:HG23	5	0.24
(3,25)	1:58:A:LEU:H	1:227:A:ALA:O	9	0.24
(3,19)	1:55:A:ILE:H	1:170:A:TYR:O	1	0.24
(3,17)	1:59:A:PHE:H	1:166:A:HIS:O	2	0.24
(3,17)	1:59:A:PHE:H	1:166:A:HIS:O	14	0.24
(3,16)	1:59:A:PHE:O	1:166:A:HIS:H	9	0.24
(3,3)	1:179:A:GLU:O	1:189:A:LEU:H	7	0.24
(3,1)	1:173:A:GLU:H	1:176:A:GLY:O	15	0.24
(1,437)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	6	0.24
(1,356)	1:5:A:ASN:ND2	1:36:A:ILE:H	13	0.24
(1,122)	1:154:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	8	0.24
(1,116)	1:169:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	3	0.24
(1,116)	1:169:A:THR:H	1:225:A:ASN:ND2	16	0.24
(1,87)	1:220:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	11	0.24
(5,692)	1:5:A:ASN:ND2	1:184:A:ASN:H	2	0.23
(5,661)	1:5:A:ASN:ND2	1:140:A:ASN:H	20	0.23
(5,290)	1:39:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	14	0.23
(5,116)	1:55:A:ILE:H	1:140:A:ASN:ND2	3	0.23
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG21	1	0.23
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG22	1	0.23
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG23	1	0.23
(4,4205)	1:155:A:GLU:HB2	1:157:A:PRO:HB3	11	0.23
(4,4205)	1:155:A:GLU:HB3	1:157:A:PRO:HB3	11	0.23
(4,4191)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:H	3	0.23
(4,4191)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:H	3	0.23
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD11	20	0.23
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD12	20	0.23
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD13	20	0.23
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD21	20	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD22	20	0.23
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD23	20	0.23
(4,4122)	1:81:A:TRP:HH2	1:187:A:GLY:H	8	0.23
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD11	7	0.23
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD12	7	0.23
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD13	7	0.23
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD21	7	0.23
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD22	7	0.23
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD1	1:58:A:LEU:HD23	7	0.23
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD11	7	0.23
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD12	7	0.23
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD13	7	0.23
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD21	7	0.23
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD22	7	0.23
(4,4091)	1:18:A:PHE:HD2	1:58:A:LEU:HD23	7	0.23
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB2	1	0.23
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB2	1	0.23
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB2	1	0.23
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB3	2	0.23
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB3	2	0.23
(4,4039)	1:135:A:ASP:HB2	1:139:A:LEU:HD11	2	0.23
(4,4039)	1:135:A:ASP:HB2	1:139:A:LEU:HD12	2	0.23
(4,4039)	1:135:A:ASP:HB2	1:139:A:LEU:HD13	2	0.23
(4,4039)	1:135:A:ASP:HB2	1:139:A:LEU:HD21	2	0.23
(4,4039)	1:135:A:ASP:HB2	1:139:A:LEU:HD22	2	0.23
(4,4039)	1:135:A:ASP:HB2	1:139:A:LEU:HD23	2	0.23
(4,4039)	1:135:A:ASP:HB3	1:139:A:LEU:HD11	2	0.23
(4,4039)	1:135:A:ASP:HB3	1:139:A:LEU:HD12	2	0.23
(4,4039)	1:135:A:ASP:HB3	1:139:A:LEU:HD13	2	0.23
(4,4039)	1:135:A:ASP:HB3	1:139:A:LEU:HD21	2	0.23
(4,4039)	1:135:A:ASP:HB3	1:139:A:LEU:HD22	2	0.23
(4,4039)	1:135:A:ASP:HB3	1:139:A:LEU:HD23	2	0.23
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD1	14	0.23
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD2	14	0.23
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD11	20	0.23
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD12	20	0.23
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD13	20	0.23
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD21	20	0.23
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD22	20	0.23
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD23	20	0.23
(4,4008)	1:115:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HG2	10	0.23
(4,4008)	1:115:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HG2	10	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3946)	1:55:A:ILE:H	1:171:A:VAL:H	16	0.23
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD21	19	0.23
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD22	19	0.23
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD23	19	0.23
(4,3918)	1:184:A:ASN:H	1:187:A:GLY:H	17	0.23
(4,3890)	1:184:A:ASN:HD21	1:185:A:LEU:H	10	0.23
(4,3890)	1:184:A:ASN:HD22	1:185:A:LEU:H	10	0.23
(4,3855)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:THR:HG1	6	0.23
(4,3829)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HD1	17	0.23
(4,3829)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HD2	17	0.23
(4,3796)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE22	15	0.23
(4,3743)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB2	8	0.23
(4,3743)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB2	15	0.23
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB2	1:232:A:GLY:H	14	0.23
(4,3701)	1:53:A:LYS:HB3	1:232:A:GLY:H	14	0.23
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:HA	11	0.23
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:HA	11	0.23
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:HA	11	0.23
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:HA	11	0.23
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:HA	11	0.23
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:HA	11	0.23
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HB2	14	0.23
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HB3	14	0.23
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HB2	14	0.23
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HB3	14	0.23
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HB2	14	0.23
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HB3	14	0.23
(4,3592)	1:36:A:ILE:H	1:37:A:TYR:HD1	19	0.23
(4,3592)	1:36:A:ILE:H	1:37:A:TYR:HD2	19	0.23
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:H	9	0.23
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:H	9	0.23
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:H	9	0.23
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:H	9	0.23
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:H	9	0.23
(4,3538)	1:39:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:H	9	0.23
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HB2	18	0.23
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HB3	18	0.23
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HB2	18	0.23
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HB3	18	0.23
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HB2	18	0.23
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HB3	18	0.23
(4,3482)	1:80:A:ILE:HD11	1:127:A:ASN:HB3	9	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3482)	1:80:A:ILE:HD12	1:127:A:ASN:HB3	9	0.23
(4,3482)	1:80:A:ILE:HD13	1:127:A:ASN:HB3	9	0.23
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG21	16	0.23
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG22	16	0.23
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG23	16	0.23
(4,3463)	1:49:A:PRO:HG2	1:233:A:PRO:HD2	5	0.23
(4,3463)	1:49:A:PRO:HG2	1:233:A:PRO:HD3	5	0.23
(4,3463)	1:49:A:PRO:HG3	1:233:A:PRO:HD2	5	0.23
(4,3463)	1:49:A:PRO:HG3	1:233:A:PRO:HD3	5	0.23
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG21	18	0.23
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG22	18	0.23
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG23	18	0.23
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG21	18	0.23
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG22	18	0.23
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG23	18	0.23
(4,3454)	1:89:A:ALA:H	1:91:A:GLY:H	15	0.23
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG2	1:178:A:PHE:HD1	10	0.23
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG2	1:178:A:PHE:HD2	10	0.23
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG3	1:178:A:PHE:HD1	10	0.23
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG3	1:178:A:PHE:HD2	10	0.23
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD11	13	0.23
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD12	13	0.23
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD13	13	0.23
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD21	13	0.23
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD22	13	0.23
(4,3416)	1:56:A:VAL:CG2	1:58:A:LEU:HD23	13	0.23
(4,3413)	1:149:A:PHE:H	1:151:A:THR:H	8	0.23
(4,3373)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:H	8	0.23
(4,3367)	1:169:A:THR:HA	1:170:A:TYR:HD1	19	0.23
(4,3367)	1:169:A:THR:HA	1:170:A:TYR:HD2	19	0.23
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD11	8	0.23
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD12	8	0.23
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD13	8	0.23
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD21	8	0.23
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD22	8	0.23
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD23	8	0.23
(4,3220)	1:31:A:TRP:HE3	1:53:A:LYS:H	18	0.23
(4,3218)	1:57:A:LEU:HD11	1:59:A:PHE:H	15	0.23
(4,3218)	1:57:A:LEU:HD12	1:59:A:PHE:H	15	0.23
(4,3218)	1:57:A:LEU:HD13	1:59:A:PHE:H	15	0.23
(4,3218)	1:57:A:LEU:HD21	1:59:A:PHE:H	15	0.23
(4,3218)	1:57:A:LEU:HD22	1:59:A:PHE:H	15	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3218)	1:57:A:LEU:HD23	1:59:A:PHE:H	15	0.23
(4,3206)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:H	11	0.23
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB1	13	0.23
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB2	13	0.23
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB3	13	0.23
(4,3168)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:CG2	3	0.23
(4,3168)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:CG2	3	0.23
(4,3168)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:CG2	3	0.23
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD11	19	0.23
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD12	19	0.23
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD13	19	0.23
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD21	19	0.23
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD22	19	0.23
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD23	19	0.23
(4,3138)	1:5:A:ASN:H	1:8:A:VAL:H	8	0.23
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD21	20	0.23
(4,3088)	1:81:A:TRP:HE1	1:184:A:ASN:HD22	20	0.23
(4,3010)	1:81:A:TRP:H	1:127:A:ASN:HD22	7	0.23
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD11	2	0.23
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD12	2	0.23
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD13	2	0.23
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD21	2	0.23
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD22	2	0.23
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD23	2	0.23
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD11	2	0.23
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD12	2	0.23
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD13	2	0.23
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD21	2	0.23
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD22	2	0.23
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD23	2	0.23
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD11	2	0.23
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD12	2	0.23
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD13	2	0.23
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD21	2	0.23
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD22	2	0.23
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD23	2	0.23
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG11	4	0.23
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG12	4	0.23
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG13	4	0.23
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG21	4	0.23
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG22	4	0.23
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG23	4	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2936)	1:72:A:GLN:H	1:72:A:GLN:HE21	18	0.23
(4,2936)	1:72:A:GLN:H	1:72:A:GLN:HE22	18	0.23
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD21	16	0.23
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	16	0.23
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG21	1:101:A:ASN:HD21	20	0.23
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG21	1:101:A:ASN:HD22	20	0.23
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG22	1:101:A:ASN:HD21	20	0.23
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG22	1:101:A:ASN:HD22	20	0.23
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG23	1:101:A:ASN:HD21	20	0.23
(4,2866)	1:80:A:ILE:HG23	1:101:A:ASN:HD22	20	0.23
(4,2865)	1:221:A:GLU:HB2	1:222:A:ASP:HB3	20	0.23
(4,2865)	1:221:A:GLU:HB3	1:222:A:ASP:HB3	20	0.23
(4,2841)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:H	11	0.23
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD11	1:99:A:LEU:HG	2	0.23
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD12	1:99:A:LEU:HG	2	0.23
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD13	1:99:A:LEU:HG	2	0.23
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD21	1:99:A:LEU:HG	2	0.23
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD22	1:99:A:LEU:HG	2	0.23
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD23	1:99:A:LEU:HG	2	0.23
(4,2732)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:H	1	0.23
(4,2692)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HB3	2	0.23
(4,2688)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HD21	18	0.23
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD21	16	0.23
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD22	16	0.23
(4,2654)	1:97:A:HIS:H	1:169:A:THR:HG1	16	0.23
(4,2640)	1:204:A:GLN:H	1:206:A:LEU:H	6	0.23
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD1	1:95:A:ILE:H	2	0.23
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD2	1:95:A:ILE:H	2	0.23
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD11	1:120:A:SER:H	8	0.23
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD12	1:120:A:SER:H	8	0.23
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD13	1:120:A:SER:H	8	0.23
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD1	19	0.23
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD2	19	0.23
(4,2372)	1:146:A:VAL:HA	1:148:A:THR:HA	20	0.23
(4,2371)	1:28:A:LYS:HA	1:29:A:ASN:HB3	8	0.23
(4,2365)	1:16:A:GLU:H	1:19:A:THR:HG1	8	0.23
(4,2360)	1:107:A:GLU:H	1:110:A:SER:H	16	0.23
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD21	1:226:A:PHE:H	20	0.23
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD22	1:226:A:PHE:H	20	0.23
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB2	2	0.23
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB3	2	0.23
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	20	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	20	0.23
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	20	0.23
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	20	0.23
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	20	0.23
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	20	0.23
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB1	17	0.23
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB2	17	0.23
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB3	17	0.23
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB1	17	0.23
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB2	17	0.23
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB3	17	0.23
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB1	17	0.23
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB2	17	0.23
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB3	17	0.23
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD2	13	0.23
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB2	1:65:A:ARG:HD3	13	0.23
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD2	13	0.23
(4,2165)	1:64:A:ASP:HB3	1:65:A:ARG:HD3	13	0.23
(4,2155)	1:141:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD21	10	0.23
(4,2155)	1:141:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD21	10	0.23
(4,2155)	1:141:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD21	10	0.23
(4,2079)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HG	12	0.23
(4,2020)	1:104:A:SER:HB2	1:105:A:LEU:HG	13	0.23
(4,2020)	1:104:A:SER:HB3	1:105:A:LEU:HG	13	0.23
(4,2005)	1:147:A:GLN:HE22	1:148:A:THR:H	1	0.23
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD2	1:217:A:ASN:HD22	9	0.23
(4,1985)	1:65:A:ARG:HD3	1:217:A:ASN:HD22	9	0.23
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB2	18	0.23
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB3	18	0.23
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB2	18	0.23
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB3	18	0.23
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:CD1	12	0.23
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:CD1	12	0.23
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:CD1	12	0.23
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:CD1	12	0.23
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:CD1	12	0.23
(4,1883)	1:139:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:CD1	12	0.23
(4,1881)	1:42:A:PRO:HB2	1:46:A:ALA:HA	14	0.23
(4,1858)	1:19:A:THR:HG21	1:23:A:HIS:H	15	0.23
(4,1858)	1:19:A:THR:HG22	1:23:A:HIS:H	15	0.23
(4,1858)	1:19:A:THR:HG23	1:23:A:HIS:H	15	0.23
(4,1856)	1:29:A:ASN:HD22	1:30:A:GLU:H	6	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD21	15	0.23
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD22	15	0.23
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD23	15	0.23
(4,1672)	1:21:A:PHE:HD1	1:22:A:ALA:HA	7	0.23
(4,1672)	1:21:A:PHE:HD2	1:22:A:ALA:HA	7	0.23
(4,1644)	1:31:A:TRP:HE3	1:232:A:GLY:H	11	0.23
(4,1611)	1:136:A:GLN:H	1:136:A:GLN:HE21	17	0.23
(4,1611)	1:136:A:GLN:H	1:136:A:GLN:HE22	17	0.23
(4,1595)	1:193:A:LYS:H	1:194:A:SER:HA	4	0.23
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD1	1:117:A:LYS:H	3	0.23
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD2	1:117:A:LYS:H	3	0.23
(4,1544)	1:172:A:GLU:HB2	1:177:A:ILE:H	16	0.23
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG21	1:53:A:LYS:HB2	5	0.23
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG21	1:53:A:LYS:HB3	5	0.23
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG22	1:53:A:LYS:HB2	5	0.23
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG22	1:53:A:LYS:HB3	5	0.23
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG23	1:53:A:LYS:HB2	5	0.23
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG23	1:53:A:LYS:HB3	5	0.23
(4,1531)	1:156:A:ALA:H	1:157:A:PRO:HB3	8	0.23
(4,1510)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HG2	9	0.23
(4,1510)	1:28:A:LYS:H	1:107:A:GLU:HG3	9	0.23
(4,1502)	1:38:A:SER:HA	1:41:A:GLU:HB2	4	0.23
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HG3	17	0.23
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HG3	17	0.23
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HG3	17	0.23
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB2	1:206:A:LEU:HD21	12	0.23
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB2	1:206:A:LEU:HD22	12	0.23
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB2	1:206:A:LEU:HD23	12	0.23
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB3	1:206:A:LEU:HD21	12	0.23
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB3	1:206:A:LEU:HD22	12	0.23
(4,1404)	1:191:A:LEU:HB3	1:206:A:LEU:HD23	12	0.23
(4,1400)	1:67:A:SER:H	1:68:A:SER:HA	12	0.23
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD11	7	0.23
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD12	7	0.23
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD13	7	0.23
(4,1383)	1:19:A:THR:HG1	1:20:A:ASN:H	10	0.23
(4,1382)	1:101:A:ASN:H	1:103:A:GLN:H	15	0.23
(4,1378)	1:234:A:ASN:HA	1:236:A:GLU:H	20	0.23
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG11	10	0.23
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG12	10	0.23
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG13	10	0.23
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG21	10	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG22	10	0.23
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG23	10	0.23
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG21	1	0.23
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG22	1	0.23
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG23	1	0.23
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG21	1	0.23
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG22	1	0.23
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG23	1	0.23
(4,1239)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD21	12	0.23
(4,1239)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD22	12	0.23
(4,1239)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD23	12	0.23
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG21	14	0.23
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG22	14	0.23
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG23	14	0.23
(4,1197)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG11	11	0.23
(4,1197)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG12	11	0.23
(4,1197)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:HG13	11	0.23
(4,1197)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG11	11	0.23
(4,1197)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG12	11	0.23
(4,1197)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:HG13	11	0.23
(4,1163)	1:234:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD22	19	0.23
(4,1136)	1:177:A:ILE:H	1:193:A:LYS:HB2	13	0.23
(4,1136)	1:177:A:ILE:H	1:193:A:LYS:HB3	13	0.23
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD1	17	0.23
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD2	17	0.23
(4,1098)	1:203:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HG2	3	0.23
(4,1098)	1:203:A:GLU:H	1:204:A:GLN:HG3	3	0.23
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD11	1:38:A:SER:H	11	0.23
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD12	1:38:A:SER:H	11	0.23
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD13	1:38:A:SER:H	11	0.23
(4,1058)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD21	11	0.23
(4,1058)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD22	11	0.23
(4,1058)	1:79:A:VAL:CG2	1:180:A:LEU:HD23	11	0.23
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG12	1	0.23
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG13	1	0.23
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG12	1	0.23
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG13	1	0.23
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG12	1	0.23
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG13	1	0.23
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG12	1	0.23
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG13	1	0.23
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG12	1	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG13	1	0.23
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG12	1	0.23
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG13	1	0.23
(4,987)	1:19:A:THR:HG1	1:21:A:PHE:H	1	0.23
(4,942)	1:207:A:VAL:HG11	1:209:A:VAL:H	10	0.23
(4,942)	1:207:A:VAL:HG12	1:209:A:VAL:H	10	0.23
(4,942)	1:207:A:VAL:HG13	1:209:A:VAL:H	10	0.23
(4,942)	1:207:A:VAL:HG11	1:209:A:VAL:H	14	0.23
(4,942)	1:207:A:VAL:HG12	1:209:A:VAL:H	14	0.23
(4,942)	1:207:A:VAL:HG13	1:209:A:VAL:H	14	0.23
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD1	5	0.23
(4,931)	1:93:A:TYR:H	1:167:A:TYR:HD2	5	0.23
(4,929)	1:27:A:LEU:HD11	1:32:A:ALA:H	17	0.23
(4,929)	1:27:A:LEU:HD12	1:32:A:ALA:H	17	0.23
(4,929)	1:27:A:LEU:HD13	1:32:A:ALA:H	17	0.23
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG11	5	0.23
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG12	5	0.23
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG13	5	0.23
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG21	5	0.23
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG22	5	0.23
(4,928)	1:168:A:ILE:HD11	1:211:A:VAL:HG23	5	0.23
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG11	5	0.23
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG12	5	0.23
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG13	5	0.23
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG21	5	0.23
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG22	5	0.23
(4,928)	1:168:A:ILE:HD12	1:211:A:VAL:HG23	5	0.23
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG11	5	0.23
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG12	5	0.23
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG13	5	0.23
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG21	5	0.23
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG22	5	0.23
(4,928)	1:168:A:ILE:HD13	1:211:A:VAL:HG23	5	0.23
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG21	8	0.23
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG22	8	0.23
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG23	8	0.23
(4,874)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:H	10	0.23
(4,874)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:H	10	0.23
(4,874)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:H	10	0.23
(4,871)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HD1	14	0.23
(4,871)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HD2	14	0.23
(4,871)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HD1	14	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,871)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HD2	14	0.23
(4,871)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HD1	14	0.23
(4,871)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HD2	14	0.23
(4,853)	1:76:A:SER:HA	1:79:A:VAL:H	15	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD11	9	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD12	9	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD13	9	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD21	9	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD22	9	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD23	9	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD11	9	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD12	9	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD13	9	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD21	9	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD22	9	0.23
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD23	9	0.23
(4,827)	1:11:A:ILE:HA	1:152:A:GLY:HA3	5	0.23
(4,819)	1:149:A:PHE:HA	1:151:A:THR:HA	13	0.23
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD21	2	0.23
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD22	2	0.23
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD23	2	0.23
(4,767)	1:58:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:H	16	0.23
(4,767)	1:58:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:H	16	0.23
(4,767)	1:58:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:H	16	0.23
(4,767)	1:58:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:H	16	0.23
(4,767)	1:58:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:H	16	0.23
(4,767)	1:58:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:H	16	0.23
(4,706)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HA	18	0.23
(4,595)	1:173:A:GLU:H	1:174:A:ASN:HB2	5	0.23
(4,595)	1:173:A:GLU:H	1:174:A:ASN:HB2	16	0.23
(4,576)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HG	11	0.23
(4,576)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HG	11	0.23
(4,576)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HG	11	0.23
(4,554)	1:221:A:GLU:HA	1:224:A:LEU:HA	18	0.23
(4,514)	1:109:A:GLY:HA2	1:113:A:ASP:H	7	0.23
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD2	10	0.23
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD3	10	0.23
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD2	10	0.23
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD3	10	0.23
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD11	1	0.23
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD12	1	0.23
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD13	1	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD21	1	0.23
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD22	1	0.23
(4,504)	1:54:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD23	1	0.23
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB2	13	0.23
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB3	13	0.23
(4,435)	1:58:A:LEU:H	1:59:A:PHE:HD1	4	0.23
(4,435)	1:58:A:LEU:H	1:59:A:PHE:HD2	4	0.23
(4,422)	1:43:A:GLU:HG2	1:45:A:LEU:H	9	0.23
(4,422)	1:43:A:GLU:HG3	1:45:A:LEU:H	9	0.23
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB2	11	0.23
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB3	11	0.23
(4,347)	1:39:A:LEU:HD11	1:55:A:ILE:CD1	2	0.23
(4,347)	1:39:A:LEU:HD12	1:55:A:ILE:CD1	2	0.23
(4,347)	1:39:A:LEU:HD13	1:55:A:ILE:CD1	2	0.23
(4,347)	1:39:A:LEU:HD21	1:55:A:ILE:CD1	2	0.23
(4,347)	1:39:A:LEU:HD22	1:55:A:ILE:CD1	2	0.23
(4,347)	1:39:A:LEU:HD23	1:55:A:ILE:CD1	2	0.23
(4,342)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:H	10	0.23
(4,342)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:H	10	0.23
(4,321)	1:134:A:THR:HG21	1:137:A:PHE:H	4	0.23
(4,321)	1:134:A:THR:HG22	1:137:A:PHE:H	4	0.23
(4,321)	1:134:A:THR:HG23	1:137:A:PHE:H	4	0.23
(4,299)	1:206:A:LEU:HA	1:210:A:ARG:HB2	16	0.23
(4,299)	1:206:A:LEU:HA	1:210:A:ARG:HB3	16	0.23
(4,297)	1:142:A:ILE:HG21	1:146:A:VAL:HB	1	0.23
(4,297)	1:142:A:ILE:HG22	1:146:A:VAL:HB	1	0.23
(4,297)	1:142:A:ILE:HG23	1:146:A:VAL:HB	1	0.23
(4,228)	1:112:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:HA	17	0.23
(4,228)	1:112:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:HA	17	0.23
(4,228)	1:112:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:HA	17	0.23
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE1	2	0.23
(4,210)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HE2	2	0.23
(4,171)	1:50:A:ARG:H	1:50:A:ARG:HD3	19	0.23
(4,98)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HB2	20	0.23
(4,98)	1:18:A:PHE:HB2	1:21:A:PHE:HB3	20	0.23
(4,98)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HB2	20	0.23
(4,98)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HB3	20	0.23
(4,93)	1:144:A:GLU:HB2	1:149:A:PHE:HD1	13	0.23
(4,93)	1:144:A:GLU:HB2	1:149:A:PHE:HD2	13	0.23
(4,93)	1:144:A:GLU:HB3	1:149:A:PHE:HD1	13	0.23
(4,93)	1:144:A:GLU:HB3	1:149:A:PHE:HD2	13	0.23
(4,68)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HB	10	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,68)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HB	10	0.23
(4,68)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HB	10	0.23
(4,36)	1:11:A:ILE:HD11	1:12:A:GLU:H	11	0.23
(4,36)	1:11:A:ILE:HD12	1:12:A:GLU:H	11	0.23
(4,36)	1:11:A:ILE:HD13	1:12:A:GLU:H	11	0.23
(4,6)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HA	15	0.23
(3,14)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:O	4	0.23
(3,13)	1:177:A:ILE:O	1:191:A:LEU:H	14	0.23
(3,7)	1:56:A:VAL:H	1:229:A:LEU:O	7	0.23
(3,3)	1:179:A:GLU:O	1:189:A:LEU:H	4	0.23
(2,487)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	14	0.23
(2,396)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	10	0.23
(1,112)	1:211:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	5	0.23
(1,98)	1:50:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	4	0.23
(5,557)	1:5:A:ASN:ND2	1:86:A:VAL:H	17	0.22
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:H	3	0.22
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:H	3	0.22
(4,4317)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:H	3	0.22
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD1	1:193:A:LYS:H	14	0.22
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD2	1:193:A:LYS:H	14	0.22
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD11	11	0.22
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD12	11	0.22
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD13	11	0.22
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD21	11	0.22
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD22	11	0.22
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG12	1:45:A:LEU:HD23	11	0.22
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD11	11	0.22
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD12	11	0.22
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD13	11	0.22
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD21	11	0.22
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD22	11	0.22
(4,4260)	1:36:A:ILE:HG13	1:45:A:LEU:HD23	11	0.22
(4,4240)	1:55:A:ILE:H	1:171:A:VAL:HG11	7	0.22
(4,4240)	1:55:A:ILE:H	1:171:A:VAL:HG12	7	0.22
(4,4240)	1:55:A:ILE:H	1:171:A:VAL:HG13	7	0.22
(4,4240)	1:55:A:ILE:H	1:171:A:VAL:HG21	7	0.22
(4,4240)	1:55:A:ILE:H	1:171:A:VAL:HG22	7	0.22
(4,4240)	1:55:A:ILE:H	1:171:A:VAL:HG23	7	0.22
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB2	1:173:A:GLU:H	19	0.22
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB3	1:173:A:GLU:H	19	0.22
(4,4218)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HD22	13	0.22
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE21	3	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4217)	1:80:A:ILE:H	1:103:A:GLN:HE22	3	0.22
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	3	0.22
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	3	0.22
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE1	1:99:A:LEU:H	18	0.22
(4,4200)	1:33:A:TYR:HE2	1:99:A:LEU:H	18	0.22
(4,4128)	1:51:A:PRO:HA	1:52:A:VAL:HB	7	0.22
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD11	4	0.22
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD12	4	0.22
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD13	4	0.22
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD21	4	0.22
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD22	4	0.22
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD23	4	0.22
(4,4108)	1:111:A:ASP:H	1:114:A:ASN:H	4	0.22
(4,4072)	1:11:A:ILE:HG21	1:13:A:SER:H	6	0.22
(4,4072)	1:11:A:ILE:HG22	1:13:A:SER:H	6	0.22
(4,4072)	1:11:A:ILE:HG23	1:13:A:SER:H	6	0.22
(4,4070)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:H	9	0.22
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:H	12	0.22
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:H	12	0.22
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:H	12	0.22
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB2	5	0.22
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG21	1:65:A:ARG:HB3	5	0.22
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB2	5	0.22
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG22	1:65:A:ARG:HB3	5	0.22
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB2	5	0.22
(4,3958)	1:61:A:ILE:HG23	1:65:A:ARG:HB3	5	0.22
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	10	0.22
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	10	0.22
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	10	0.22
(4,3928)	1:56:A:VAL:HG11	1:170:A:TYR:H	2	0.22
(4,3928)	1:56:A:VAL:HG12	1:170:A:TYR:H	2	0.22
(4,3928)	1:56:A:VAL:HG13	1:170:A:TYR:H	2	0.22
(4,3907)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB2	18	0.22
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD11	1:100:A:SER:H	20	0.22
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD12	1:100:A:SER:H	20	0.22
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD13	1:100:A:SER:H	20	0.22
(4,3885)	1:74:A:THR:H	1:76:A:SER:H	2	0.22
(4,3864)	1:73:A:ILE:H	1:187:A:GLY:H	4	0.22
(4,3813)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD11	11	0.22
(4,3813)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD12	11	0.22
(4,3813)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD13	11	0.22
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:H	9	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:H	9	0.22
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:H	9	0.22
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE1	1:230:A:GLY:H	7	0.22
(4,3774)	1:34:A:PHE:HE2	1:230:A:GLY:H	7	0.22
(4,3773)	1:80:A:ILE:H	1:101:A:ASN:HD21	1	0.22
(4,3773)	1:80:A:ILE:H	1:101:A:ASN:HD22	1	0.22
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:H	19	0.22
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:H	19	0.22
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:H	19	0.22
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:H	19	0.22
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:H	19	0.22
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:H	19	0.22
(4,3705)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HE1	7	0.22
(4,3705)	1:176:A:GLY:H	1:178:A:PHE:HE2	7	0.22
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD21	19	0.22
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD22	19	0.22
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD11	5	0.22
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD12	5	0.22
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD13	5	0.22
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD11	5	0.22
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD12	5	0.22
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD13	5	0.22
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD11	7	0.22
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD12	7	0.22
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD13	7	0.22
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG21	1:146:A:VAL:H	2	0.22
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG22	1:146:A:VAL:H	2	0.22
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG23	1:146:A:VAL:H	2	0.22
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:H	6	0.22
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:H	6	0.22
(4,3609)	1:57:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:H	6	0.22
(4,3576)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:HD21	13	0.22
(4,3570)	1:29:A:ASN:HD21	1:234:A:ASN:HD21	9	0.22
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG21	18	0.22
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG22	18	0.22
(4,3531)	1:82:A:PHE:HZ	1:134:A:THR:HG23	18	0.22
(4,3482)	1:80:A:ILE:HD11	1:127:A:ASN:HB3	10	0.22
(4,3482)	1:80:A:ILE:HD12	1:127:A:ASN:HB3	10	0.22
(4,3482)	1:80:A:ILE:HD13	1:127:A:ASN:HB3	10	0.22
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:H	10	0.22
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:H	10	0.22
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:H	10	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD11	12	0.22
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD12	12	0.22
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD13	12	0.22
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD11	12	0.22
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD12	12	0.22
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD13	12	0.22
(4,3385)	1:52:A:VAL:HB	1:202:A:ILE:HG12	6	0.22
(4,3385)	1:52:A:VAL:HB	1:202:A:ILE:HG13	6	0.22
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD1	1:179:A:GLU:H	16	0.22
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD2	1:179:A:GLU:H	16	0.22
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HE1	9	0.22
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HE1	9	0.22
(4,3309)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HE1	9	0.22
(4,3299)	1:61:A:ILE:HB	1:166:A:HIS:H	14	0.22
(4,3298)	1:190:A:TYR:H	1:191:A:LEU:H	7	0.22
(4,3298)	1:190:A:TYR:H	1:191:A:LEU:H	15	0.22
(4,3207)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:H	6	0.22
(4,3207)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:H	17	0.22
(4,3206)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:H	14	0.22
(4,3206)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:H	19	0.22
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG11	8	0.22
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG12	8	0.22
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG13	8	0.22
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG21	8	0.22
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG22	8	0.22
(4,3198)	1:98:A:SER:HB2	1:171:A:VAL:HG23	8	0.22
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG11	8	0.22
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG12	8	0.22
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG13	8	0.22
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG21	8	0.22
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG22	8	0.22
(4,3198)	1:98:A:SER:HB3	1:171:A:VAL:HG23	8	0.22
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG12	11	0.22
(4,3171)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HG13	11	0.22
(4,3073)	1:34:A:PHE:HB2	1:230:A:GLY:H	8	0.22
(4,3073)	1:34:A:PHE:HB3	1:230:A:GLY:H	8	0.22
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD11	1:126:A:LYS:H	2	0.22
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD12	1:126:A:LYS:H	2	0.22
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD13	1:126:A:LYS:H	2	0.22
(4,3052)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD21	9	0.22
(4,3052)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD22	9	0.22
(4,3052)	1:195:A:ASP:H	1:206:A:LEU:HD23	9	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD11	19	0.22
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD12	19	0.22
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD13	19	0.22
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD21	19	0.22
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD22	19	0.22
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB1	1:229:A:LEU:HD23	19	0.22
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD11	19	0.22
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD12	19	0.22
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD13	19	0.22
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD21	19	0.22
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD22	19	0.22
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB2	1:229:A:LEU:HD23	19	0.22
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD11	19	0.22
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD12	19	0.22
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD13	19	0.22
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD21	19	0.22
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD22	19	0.22
(4,2996)	1:94:A:ALA:HB3	1:229:A:LEU:HD23	19	0.22
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	4	0.22
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	4	0.22
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	4	0.22
(4,2970)	1:28:A:LYS:HB2	1:107:A:GLU:H	8	0.22
(4,2928)	1:138:A:VAL:HA	1:141:A:VAL:HB	1	0.22
(4,2902)	1:79:A:VAL:H	1:188:A:PRO:HG2	15	0.22
(4,2902)	1:79:A:VAL:H	1:188:A:PRO:HG3	15	0.22
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	11	0.22
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	11	0.22
(4,2877)	1:96:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	11	0.22
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD11	6	0.22
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD12	6	0.22
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD13	6	0.22
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD21	6	0.22
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD22	6	0.22
(4,2819)	1:54:A:ALA:H	1:201:A:LEU:HD23	6	0.22
(4,2809)	1:55:A:ILE:HB	1:201:A:LEU:HB2	11	0.22
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD11	8	0.22
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD12	8	0.22
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD13	8	0.22
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD21	8	0.22
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD22	8	0.22
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD23	8	0.22
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD11	1:99:A:LEU:HG	17	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD12	1:99:A:LEU:HG	17	0.22
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD13	1:99:A:LEU:HG	17	0.22
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD21	1:99:A:LEU:HG	17	0.22
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD22	1:99:A:LEU:HG	17	0.22
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD23	1:99:A:LEU:HG	17	0.22
(4,2737)	1:177:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HG2	12	0.22
(4,2737)	1:177:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HG3	12	0.22
(4,2737)	1:177:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HG2	12	0.22
(4,2737)	1:177:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HG3	12	0.22
(4,2737)	1:177:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HG2	12	0.22
(4,2737)	1:177:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HG3	12	0.22
(4,2692)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HB3	9	0.22
(4,2688)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HD21	7	0.22
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD11	15	0.22
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD12	15	0.22
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD13	15	0.22
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD21	15	0.22
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD22	15	0.22
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD23	15	0.22
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD11	15	0.22
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD12	15	0.22
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD13	15	0.22
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD21	15	0.22
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD22	15	0.22
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD23	15	0.22
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD11	15	0.22
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD12	15	0.22
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD13	15	0.22
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD21	15	0.22
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD22	15	0.22
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD23	15	0.22
(4,2640)	1:204:A:GLN:H	1:206:A:LEU:H	20	0.22
(4,2634)	1:214:A:TYR:H	1:217:A:ASN:H	2	0.22
(4,2634)	1:214:A:TYR:H	1:217:A:ASN:H	12	0.22
(4,2625)	1:99:A:LEU:H	1:100:A:SER:HG	2	0.22
(4,2548)	1:94:A:ALA:HB1	1:169:A:THR:HG1	7	0.22
(4,2548)	1:94:A:ALA:HB2	1:169:A:THR:HG1	7	0.22
(4,2548)	1:94:A:ALA:HB3	1:169:A:THR:HG1	7	0.22
(4,2529)	1:89:A:ALA:HB1	1:138:A:VAL:HG11	19	0.22
(4,2529)	1:89:A:ALA:HB1	1:138:A:VAL:HG12	19	0.22
(4,2529)	1:89:A:ALA:HB1	1:138:A:VAL:HG13	19	0.22
(4,2529)	1:89:A:ALA:HB1	1:138:A:VAL:HG21	19	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2529)	1:89:A:ALA:HB1	1:138:A:VAL:HG22	19	0.22
(4,2529)	1:89:A:ALA:HB1	1:138:A:VAL:HG23	19	0.22
(4,2529)	1:89:A:ALA:HB2	1:138:A:VAL:HG11	19	0.22
(4,2529)	1:89:A:ALA:HB2	1:138:A:VAL:HG12	19	0.22
(4,2529)	1:89:A:ALA:HB2	1:138:A:VAL:HG13	19	0.22
(4,2529)	1:89:A:ALA:HB2	1:138:A:VAL:HG21	19	0.22
(4,2529)	1:89:A:ALA:HB2	1:138:A:VAL:HG22	19	0.22
(4,2529)	1:89:A:ALA:HB2	1:138:A:VAL:HG23	19	0.22
(4,2529)	1:89:A:ALA:HB3	1:138:A:VAL:HG11	19	0.22
(4,2529)	1:89:A:ALA:HB3	1:138:A:VAL:HG12	19	0.22
(4,2529)	1:89:A:ALA:HB3	1:138:A:VAL:HG13	19	0.22
(4,2529)	1:89:A:ALA:HB3	1:138:A:VAL:HG21	19	0.22
(4,2529)	1:89:A:ALA:HB3	1:138:A:VAL:HG22	19	0.22
(4,2529)	1:89:A:ALA:HB3	1:138:A:VAL:HG23	19	0.22
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD11	14	0.22
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD12	14	0.22
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE1	1:202:A:ILE:HD13	14	0.22
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD11	14	0.22
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD12	14	0.22
(4,2505)	1:34:A:PHE:HE2	1:202:A:ILE:HD13	14	0.22
(4,2494)	1:59:A:PHE:HA	1:226:A:PHE:H	8	0.22
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD1	16	0.22
(4,2492)	1:149:A:PHE:H	1:149:A:PHE:HD2	16	0.22
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD21	5	0.22
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD22	5	0.22
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD23	5	0.22
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD21	5	0.22
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD22	5	0.22
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD23	5	0.22
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD21	5	0.22
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD22	5	0.22
(4,2394)	1:105:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD23	5	0.22
(4,2329)	1:39:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	6	0.22
(4,2329)	1:39:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	6	0.22
(4,2329)	1:39:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	6	0.22
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	8	0.22
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	8	0.22
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	8	0.22
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	8	0.22
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	8	0.22
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	8	0.22
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD21	13	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD22	13	0.22
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD23	13	0.22
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG11	2	0.22
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG12	2	0.22
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE1	1:56:A:VAL:HG13	2	0.22
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG11	2	0.22
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG12	2	0.22
(4,2211)	1:33:A:TYR:HE2	1:56:A:VAL:HG13	2	0.22
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	13	0.22
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	13	0.22
(4,2205)	1:48:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	13	0.22
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD1	1:222:A:ASP:HB2	16	0.22
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD1	1:222:A:ASP:HB3	16	0.22
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD2	1:222:A:ASP:HB2	16	0.22
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD2	1:222:A:ASP:HB3	16	0.22
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB1	12	0.22
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB2	12	0.22
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB3	12	0.22
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB1	12	0.22
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB2	12	0.22
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB3	12	0.22
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB1	12	0.22
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB2	12	0.22
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB3	12	0.22
(4,2183)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HD1	15	0.22
(4,2183)	1:177:A:ILE:H	1:190:A:TYR:HD2	15	0.22
(4,2168)	1:38:A:SER:H	1:41:A:GLU:H	7	0.22
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG12	11	0.22
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG13	11	0.22
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG12	11	0.22
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG13	11	0.22
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG12	11	0.22
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG13	11	0.22
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG12	11	0.22
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG13	11	0.22
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG12	11	0.22
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG13	11	0.22
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG12	11	0.22
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG13	11	0.22
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD11	2	0.22
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD12	2	0.22
(4,2112)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD13	2	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD11	4	0.22
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD12	4	0.22
(4,2089)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HD13	4	0.22
(4,2079)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HG	5	0.22
(4,2048)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HD11	9	0.22
(4,2048)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HD12	9	0.22
(4,2048)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HD13	9	0.22
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD11	7	0.22
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD12	7	0.22
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD13	7	0.22
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD21	7	0.22
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD22	7	0.22
(4,2029)	1:31:A:TRP:HE1	1:231:A:LEU:HD23	7	0.22
(4,2028)	1:41:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HG	15	0.22
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB2	2	0.22
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB3	2	0.22
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB2	2	0.22
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB3	2	0.22
(4,1871)	1:55:A:ILE:HA	1:56:A:VAL:HB	4	0.22
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD11	6	0.22
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD12	6	0.22
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD13	6	0.22
(4,1796)	1:221:A:GLU:HG2	1:223:A:VAL:H	14	0.22
(4,1796)	1:221:A:GLU:HG3	1:223:A:VAL:H	14	0.22
(4,1767)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HB2	15	0.22
(4,1767)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HB3	15	0.22
(4,1723)	1:235:A:TRP:H	1:235:A:TRP:HE1	19	0.22
(4,1716)	1:219:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:H	15	0.22
(4,1716)	1:219:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:H	15	0.22
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB2	11	0.22
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB3	11	0.22
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD21	10	0.22
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD22	10	0.22
(4,1534)	1:38:A:SER:HB2	1:44:A:LEU:HA	5	0.22
(4,1534)	1:38:A:SER:HB3	1:44:A:LEU:HA	5	0.22
(4,1494)	1:147:A:GLN:HA	1:148:A:THR:HB	13	0.22
(4,1481)	1:9:A:VAL:H	1:151:A:THR:H	16	0.22
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD21	10	0.22
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD22	10	0.22
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD23	10	0.22
(4,1353)	1:29:A:ASN:H	1:29:A:ASN:HD22	16	0.22
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG11	19	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG12	19	0.22
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG13	19	0.22
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG21	19	0.22
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG22	19	0.22
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG23	19	0.22
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD2	20	0.22
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB2	1:233:A:PRO:HD3	20	0.22
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD2	20	0.22
(4,1306)	1:53:A:LYS:HB3	1:233:A:PRO:HD3	20	0.22
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD11	4	0.22
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD12	4	0.22
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD13	4	0.22
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD21	4	0.22
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD22	4	0.22
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD23	4	0.22
(4,1271)	1:11:A:ILE:HB	1:12:A:GLU:HA	10	0.22
(4,1260)	1:142:A:ILE:HG21	1:145:A:ASN:HD21	13	0.22
(4,1260)	1:142:A:ILE:HG22	1:145:A:ASN:HD21	13	0.22
(4,1260)	1:142:A:ILE:HG23	1:145:A:ASN:HD21	13	0.22
(4,1208)	1:59:A:PHE:HD1	1:166:A:HIS:H	7	0.22
(4,1208)	1:59:A:PHE:HD2	1:166:A:HIS:H	7	0.22
(4,1195)	1:197:A:THR:HG21	1:198:A:ALA:HA	1	0.22
(4,1195)	1:197:A:THR:HG22	1:198:A:ALA:HA	1	0.22
(4,1195)	1:197:A:THR:HG23	1:198:A:ALA:HA	1	0.22
(4,1195)	1:197:A:THR:HG21	1:198:A:ALA:HA	17	0.22
(4,1195)	1:197:A:THR:HG22	1:198:A:ALA:HA	17	0.22
(4,1195)	1:197:A:THR:HG23	1:198:A:ALA:HA	17	0.22
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:HD21	15	0.22
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:HD22	15	0.22
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:HD21	15	0.22
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:HD22	15	0.22
(4,1154)	1:157:A:PRO:HA	1:158:A:GLU:HB2	4	0.22
(4,1149)	1:56:A:VAL:CG1	1:229:A:LEU:HD11	4	0.22
(4,1149)	1:56:A:VAL:CG1	1:229:A:LEU:HD12	4	0.22
(4,1149)	1:56:A:VAL:CG1	1:229:A:LEU:HD13	4	0.22
(4,1149)	1:56:A:VAL:CG1	1:229:A:LEU:HD21	4	0.22
(4,1149)	1:56:A:VAL:CG1	1:229:A:LEU:HD22	4	0.22
(4,1149)	1:56:A:VAL:CG1	1:229:A:LEU:HD23	4	0.22
(4,1143)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:H	7	0.22
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG11	1:12:A:GLU:H	20	0.22
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG12	1:12:A:GLU:H	20	0.22
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG13	1:12:A:GLU:H	20	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG21	1:12:A:GLU:H	20	0.22
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG22	1:12:A:GLU:H	20	0.22
(4,1133)	1:9:A:VAL:HG23	1:12:A:GLU:H	20	0.22
(4,1131)	1:47:A:PHE:H	1:48:A:LEU:HB3	13	0.22
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG11	1:200:A:ASP:HB2	15	0.22
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG11	1:200:A:ASP:HB3	15	0.22
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG12	1:200:A:ASP:HB2	15	0.22
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG12	1:200:A:ASP:HB3	15	0.22
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG13	1:200:A:ASP:HB2	15	0.22
(4,1095)	1:52:A:VAL:HG13	1:200:A:ASP:HB3	15	0.22
(4,1094)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:H	18	0.22
(4,1016)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:HD22	15	0.22
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE2	6	0.22
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB2	1:143:A:LYS:HE3	6	0.22
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE2	6	0.22
(4,1005)	1:140:A:ASN:HB3	1:143:A:LYS:HE3	6	0.22
(4,978)	1:118:A:SER:H	1:121:A:ASP:H	15	0.22
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD11	8	0.22
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD12	8	0.22
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD13	8	0.22
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD21	8	0.22
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD22	8	0.22
(4,943)	1:184:A:ASN:H	1:189:A:LEU:HD23	8	0.22
(4,924)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HG21	13	0.22
(4,924)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HG22	13	0.22
(4,924)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HG23	13	0.22
(4,924)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HG21	13	0.22
(4,924)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HG22	13	0.22
(4,924)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HG23	13	0.22
(4,919)	1:18:A:PHE:HB2	1:22:A:ALA:H	19	0.22
(4,919)	1:18:A:PHE:HB3	1:22:A:ALA:H	19	0.22
(4,877)	1:196:A:PRO:HD2	1:197:A:THR:HA	4	0.22
(4,866)	1:36:A:ILE:HB	1:38:A:SER:HA	3	0.22
(4,856)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HB2	17	0.22
(4,856)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HB3	17	0.22
(4,843)	1:29:A:ASN:HD21	1:31:A:TRP:H	15	0.22
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG2	19	0.22
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG3	19	0.22
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD11	3	0.22
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD12	3	0.22
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD13	3	0.22
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD11	3	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD12	3	0.22
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD13	3	0.22
(4,770)	1:39:A:LEU:HA	1:41:A:GLU:HB2	1	0.22
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD11	9	0.22
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD12	9	0.22
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD13	9	0.22
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD21	9	0.22
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD22	9	0.22
(4,753)	1:19:A:THR:HG21	1:229:A:LEU:HD23	9	0.22
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD11	9	0.22
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD12	9	0.22
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD13	9	0.22
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD21	9	0.22
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD22	9	0.22
(4,753)	1:19:A:THR:HG22	1:229:A:LEU:HD23	9	0.22
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD11	9	0.22
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD12	9	0.22
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD13	9	0.22
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD21	9	0.22
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD22	9	0.22
(4,753)	1:19:A:THR:HG23	1:229:A:LEU:HD23	9	0.22
(4,716)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD11	11	0.22
(4,716)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD12	11	0.22
(4,716)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD13	11	0.22
(4,667)	1:136:A:GLN:HB2	1:139:A:LEU:HB2	4	0.22
(4,667)	1:136:A:GLN:HB2	1:139:A:LEU:HB3	4	0.22
(4,667)	1:136:A:GLN:HB3	1:139:A:LEU:HB2	4	0.22
(4,667)	1:136:A:GLN:HB3	1:139:A:LEU:HB3	4	0.22
(4,653)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HE1	20	0.22
(4,653)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:HE2	20	0.22
(4,631)	1:30:A:GLU:HG3	1:31:A:TRP:HE1	2	0.22
(4,554)	1:221:A:GLU:HA	1:224:A:LEU:HA	20	0.22
(4,533)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HD22	12	0.22
(4,459)	1:45:A:LEU:HD21	1:202:A:ILE:HA	3	0.22
(4,459)	1:45:A:LEU:HD22	1:202:A:ILE:HA	3	0.22
(4,459)	1:45:A:LEU:HD23	1:202:A:ILE:HA	3	0.22
(4,277)	1:82:A:PHE:HE1	1:99:A:LEU:H	19	0.22
(4,277)	1:82:A:PHE:HE2	1:99:A:LEU:H	19	0.22
(4,275)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HA	10	0.22
(4,261)	1:83:A:LYS:H	1:129:A:PHE:H	10	0.22
(4,228)	1:112:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:HA	8	0.22
(4,228)	1:112:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:HA	8	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,228)	1:112:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:HA	8	0.22
(4,164)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG12	20	0.22
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD21	14	0.22
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD22	14	0.22
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD23	14	0.22
(4,66)	1:198:A:ALA:H	1:200:A:ASP:H	12	0.22
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB2	5	0.22
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB3	5	0.22
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB1	19	0.22
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB2	19	0.22
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB3	19	0.22
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB1	19	0.22
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB2	19	0.22
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB3	19	0.22
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB1	19	0.22
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB2	19	0.22
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB3	19	0.22
(4,46)	1:142:A:ILE:HG12	1:144:A:GLU:H	9	0.22
(4,46)	1:142:A:ILE:HG13	1:144:A:GLU:H	9	0.22
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD11	14	0.22
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD12	14	0.22
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD13	14	0.22
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD21	14	0.22
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD22	14	0.22
(4,10)	1:177:A:ILE:H	1:206:A:LEU:HD23	14	0.22
(3,18)	1:32:A:ALA:O	1:232:A:GLY:H	13	0.22
(3,16)	1:59:A:PHE:O	1:166:A:HIS:H	18	0.22
(3,13)	1:177:A:ILE:O	1:191:A:LEU:H	8	0.22
(3,7)	1:56:A:VAL:H	1:229:A:LEU:O	13	0.22
(3,5)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:O	1	0.22
(3,5)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:O	7	0.22
(3,2)	1:58:A:LEU:O	1:227:A:ALA:H	13	0.22
(2,548)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	15	0.22
(1,537)	1:5:A:ASN:ND2	1:69:A:THR:H	15	0.22
(1,373)	1:5:A:ASN:ND2	1:172:A:GLU:H	18	0.22
(1,153)	1:212:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	7	0.22
(1,85)	1:206:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	16	0.22
(1,61)	1:85:A:SER:H	1:140:A:ASN:ND2	1	0.22
(5,512)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	20	0.21
(5,488)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	3	0.21
(5,477)	1:5:A:ASN:ND2	1:194:A:SER:H	9	0.21
(4,4305)	1:45:A:LEU:HB3	1:46:A:ALA:HB1	19	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4305)	1:45:A:LEU:HB3	1:46:A:ALA:HB2	19	0.21
(4,4305)	1:45:A:LEU:HB3	1:46:A:ALA:HB3	19	0.21
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD11	20	0.21
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD12	20	0.21
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD13	20	0.21
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD21	20	0.21
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD22	20	0.21
(4,4297)	1:82:A:PHE:H	1:96:A:LEU:HD23	20	0.21
(4,4283)	1:178:A:PHE:HB2	1:180:A:LEU:HD11	2	0.21
(4,4283)	1:178:A:PHE:HB2	1:180:A:LEU:HD12	2	0.21
(4,4283)	1:178:A:PHE:HB2	1:180:A:LEU:HD13	2	0.21
(4,4283)	1:178:A:PHE:HB2	1:180:A:LEU:HD21	2	0.21
(4,4283)	1:178:A:PHE:HB2	1:180:A:LEU:HD22	2	0.21
(4,4283)	1:178:A:PHE:HB2	1:180:A:LEU:HD23	2	0.21
(4,4283)	1:178:A:PHE:HB3	1:180:A:LEU:HD11	2	0.21
(4,4283)	1:178:A:PHE:HB3	1:180:A:LEU:HD12	2	0.21
(4,4283)	1:178:A:PHE:HB3	1:180:A:LEU:HD13	2	0.21
(4,4283)	1:178:A:PHE:HB3	1:180:A:LEU:HD21	2	0.21
(4,4283)	1:178:A:PHE:HB3	1:180:A:LEU:HD22	2	0.21
(4,4283)	1:178:A:PHE:HB3	1:180:A:LEU:HD23	2	0.21
(4,4277)	1:108:A:PRO:HB2	1:110:A:SER:H	9	0.21
(4,4254)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HE1	13	0.21
(4,4254)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HE2	13	0.21
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG11	12	0.21
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG12	12	0.21
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG13	12	0.21
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG21	12	0.21
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG22	12	0.21
(4,4230)	1:39:A:LEU:CD2	1:207:A:VAL:HG23	12	0.21
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:H	12	0.21
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:H	12	0.21
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:H	12	0.21
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	12	0.21
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	12	0.21
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	12	0.21
(4,4194)	1:112:A:LEU:HA	1:137:A:PHE:HD1	12	0.21
(4,4194)	1:112:A:LEU:HA	1:137:A:PHE:HD2	12	0.21
(4,4131)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG21	19	0.21
(4,4131)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG22	19	0.21
(4,4131)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG23	19	0.21
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB1	1:169:A:THR:HG21	7	0.21
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB1	1:169:A:THR:HG22	7	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB1	1:169:A:THR:HG23	7	0.21
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB2	1:169:A:THR:HG21	7	0.21
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB2	1:169:A:THR:HG22	7	0.21
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB2	1:169:A:THR:HG23	7	0.21
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB3	1:169:A:THR:HG21	7	0.21
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB3	1:169:A:THR:HG22	7	0.21
(4,4065)	1:54:A:ALA:HB3	1:169:A:THR:HG23	7	0.21
(4,4047)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:H	10	0.21
(4,3957)	1:102:A:ASN:H	1:105:A:LEU:H	5	0.21
(4,3937)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE21	1	0.21
(4,3918)	1:184:A:ASN:H	1:187:A:GLY:H	2	0.21
(4,3918)	1:184:A:ASN:H	1:187:A:GLY:H	4	0.21
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE1	1:152:A:GLY:H	17	0.21
(4,3909)	1:21:A:PHE:HE2	1:152:A:GLY:H	17	0.21
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD11	10	0.21
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD12	10	0.21
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD13	10	0.21
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD21	10	0.21
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD22	10	0.21
(4,3886)	1:60:A:PRO:HB2	1:165:A:LEU:HD23	10	0.21
(4,3884)	1:155:A:GLU:H	1:157:A:PRO:HB3	19	0.21
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB2	1:5:A:ASN:HD21	6	0.21
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB3	1:5:A:ASN:HD21	6	0.21
(4,3871)	1:146:A:VAL:HG11	1:148:A:THR:H	12	0.21
(4,3871)	1:146:A:VAL:HG12	1:148:A:THR:H	12	0.21
(4,3871)	1:146:A:VAL:HG13	1:148:A:THR:H	12	0.21
(4,3871)	1:146:A:VAL:HG21	1:148:A:THR:H	12	0.21
(4,3871)	1:146:A:VAL:HG22	1:148:A:THR:H	12	0.21
(4,3871)	1:146:A:VAL:HG23	1:148:A:THR:H	12	0.21
(4,3864)	1:73:A:ILE:H	1:187:A:GLY:H	14	0.21
(4,3855)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:THR:HG1	10	0.21
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:HA	2	0.21
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:HA	2	0.21
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:HA	2	0.21
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HA	2	0.21
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HA	2	0.21
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HA	2	0.21
(4,3817)	1:195:A:ASP:HB2	1:204:A:GLN:HE21	16	0.21
(4,3817)	1:195:A:ASP:HB2	1:204:A:GLN:HE22	16	0.21
(4,3817)	1:195:A:ASP:HB3	1:204:A:GLN:HE21	16	0.21
(4,3817)	1:195:A:ASP:HB3	1:204:A:GLN:HE22	16	0.21
(4,3814)	1:79:A:VAL:H	1:178:A:PHE:HE1	1	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3814)	1:79:A:VAL:H	1:178:A:PHE:HE2	1	0.21
(4,3797)	1:140:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HG21	10	0.21
(4,3797)	1:140:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HG22	10	0.21
(4,3797)	1:140:A:ASN:H	1:142:A:ILE:HG23	10	0.21
(4,3796)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE22	6	0.21
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD11	7	0.21
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD12	7	0.21
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD13	7	0.21
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD21	7	0.21
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD22	7	0.21
(4,3776)	1:164:A:ASN:HD22	1:165:A:LEU:HD23	7	0.21
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD11	2	0.21
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD12	2	0.21
(4,3672)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD13	2	0.21
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG2	12	0.21
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG3	12	0.21
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG2	12	0.21
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG3	12	0.21
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG2	12	0.21
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG3	12	0.21
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	13	0.21
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	13	0.21
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	13	0.21
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG21	20	0.21
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG22	20	0.21
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG23	20	0.21
(4,3592)	1:36:A:ILE:H	1:37:A:TYR:HD1	9	0.21
(4,3592)	1:36:A:ILE:H	1:37:A:TYR:HD2	9	0.21
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	12	0.21
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	12	0.21
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	12	0.21
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	12	0.21
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	12	0.21
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	12	0.21
(4,3528)	1:164:A:ASN:H	1:164:A:ASN:HD22	9	0.21
(4,3518)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:H	5	0.21
(4,3518)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:H	5	0.21
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD21	8	0.21
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD21	8	0.21
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD21	8	0.21
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG21	6	0.21
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG22	6	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3479)	1:171:A:VAL:H	1:177:A:ILE:HG23	6	0.21
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE1	6	0.21
(4,3460)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HE2	6	0.21
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE1	6	0.21
(4,3460)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HE2	6	0.21
(4,3402)	1:30:A:GLU:HG2	1:31:A:TRP:HE1	6	0.21
(4,3394)	1:90:A:CYS:HB2	1:167:A:TYR:H	11	0.21
(4,3394)	1:90:A:CYS:HB3	1:167:A:TYR:H	11	0.21
(4,3389)	1:81:A:TRP:HZ2	1:186:A:SER:H	1	0.21
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD1	1:179:A:GLU:H	17	0.21
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD2	1:179:A:GLU:H	17	0.21
(4,3326)	1:138:A:VAL:HB	1:139:A:LEU:HG	6	0.21
(4,3298)	1:190:A:TYR:H	1:191:A:LEU:H	6	0.21
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	5	0.21
(4,3295)	1:165:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	5	0.21
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:HA	18	0.21
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:HA	18	0.21
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:HA	18	0.21
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	18	0.21
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	18	0.21
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	18	0.21
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	18	0.21
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	18	0.21
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	18	0.21
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG21	1:64:A:ASP:H	7	0.21
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG22	1:64:A:ASP:H	7	0.21
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG23	1:64:A:ASP:H	7	0.21
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB1	1:157:A:PRO:HB3	1	0.21
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB2	1:157:A:PRO:HB3	1	0.21
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB3	1:157:A:PRO:HB3	1	0.21
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB1	1:157:A:PRO:HB3	5	0.21
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB2	1:157:A:PRO:HB3	5	0.21
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB3	1:157:A:PRO:HB3	5	0.21
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB1	1:157:A:PRO:HB3	8	0.21
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB2	1:157:A:PRO:HB3	8	0.21
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB3	1:157:A:PRO:HB3	8	0.21
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB1	1:157:A:PRO:HB3	9	0.21
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB2	1:157:A:PRO:HB3	9	0.21
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB3	1:157:A:PRO:HB3	9	0.21
(4,3206)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:H	17	0.21
(4,3206)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:H	20	0.21
(4,3008)	1:125:A:SER:H	1:128:A:ARG:H	7	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG21	3	0.21
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG22	3	0.21
(4,3004)	1:99:A:LEU:H	1:169:A:THR:HG23	3	0.21
(4,2978)	1:154:A:SER:H	1:156:A:ALA:HA	13	0.21
(4,2970)	1:28:A:LYS:HB2	1:107:A:GLU:H	7	0.21
(4,2970)	1:28:A:LYS:HB2	1:107:A:GLU:H	9	0.21
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB2	1:168:A:ILE:H	4	0.21
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB3	1:168:A:ILE:H	4	0.21
(4,2936)	1:72:A:GLN:H	1:72:A:GLN:HE21	15	0.21
(4,2936)	1:72:A:GLN:H	1:72:A:GLN:HE22	15	0.21
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB2	3	0.21
(4,2907)	1:105:A:LEU:HB2	1:106:A:LEU:HB3	3	0.21
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HD11	12	0.21
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HD12	12	0.21
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD21	1:142:A:ILE:HD13	12	0.21
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HD11	12	0.21
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HD12	12	0.21
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD22	1:142:A:ILE:HD13	12	0.21
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HD11	12	0.21
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HD12	12	0.21
(4,2889)	1:92:A:LEU:HD23	1:142:A:ILE:HD13	12	0.21
(4,2869)	1:137:A:PHE:H	1:138:A:VAL:HG11	9	0.21
(4,2869)	1:137:A:PHE:H	1:138:A:VAL:HG12	9	0.21
(4,2869)	1:137:A:PHE:H	1:138:A:VAL:HG13	9	0.21
(4,2869)	1:137:A:PHE:H	1:138:A:VAL:HG21	9	0.21
(4,2869)	1:137:A:PHE:H	1:138:A:VAL:HG22	9	0.21
(4,2869)	1:137:A:PHE:H	1:138:A:VAL:HG23	9	0.21
(4,2865)	1:221:A:GLU:HB2	1:222:A:ASP:HB3	18	0.21
(4,2865)	1:221:A:GLU:HB3	1:222:A:ASP:HB3	18	0.21
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD11	7	0.21
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD12	7	0.21
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD13	7	0.21
(4,2837)	1:84:A:GLN:H	1:182:A:GLY:H	3	0.21
(4,2836)	1:98:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	6	0.21
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD11	10	0.21
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD12	10	0.21
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD13	10	0.21
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD21	10	0.21
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD22	10	0.21
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD23	10	0.21
(4,2692)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HB3	1	0.21
(4,2640)	1:204:A:GLN:H	1:206:A:LEU:H	1	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2634)	1:214:A:TYR:H	1:217:A:ASN:H	1	0.21
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD1	1	0.21
(4,2628)	1:147:A:GLN:HE22	1:149:A:PHE:HD2	1	0.21
(4,2621)	1:40:A:THR:HA	1:203:A:GLU:HA	15	0.21
(4,2559)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD21	2	0.21
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD11	12	0.21
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD12	12	0.21
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD13	12	0.21
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD21	12	0.21
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD22	12	0.21
(4,2550)	1:183:A:ARG:H	1:185:A:LEU:HD23	12	0.21
(4,2514)	1:58:A:LEU:HD21	1:227:A:ALA:H	13	0.21
(4,2514)	1:58:A:LEU:HD22	1:227:A:ALA:H	13	0.21
(4,2514)	1:58:A:LEU:HD23	1:227:A:ALA:H	13	0.21
(4,2415)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:HD11	18	0.21
(4,2415)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:HD12	18	0.21
(4,2415)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:HD13	18	0.21
(4,2372)	1:146:A:VAL:HA	1:148:A:THR:HA	7	0.21
(4,2358)	1:27:A:LEU:H	1:99:A:LEU:HD21	12	0.21
(4,2358)	1:27:A:LEU:H	1:99:A:LEU:HD22	12	0.21
(4,2358)	1:27:A:LEU:H	1:99:A:LEU:HD23	12	0.21
(4,2337)	1:147:A:GLN:H	1:147:A:GLN:HE22	1	0.21
(4,2317)	1:177:A:ILE:H	1:194:A:SER:H	16	0.21
(4,2292)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	13	0.21
(4,2292)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	13	0.21
(4,2292)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	13	0.21
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD21	1:104:A:SER:H	11	0.21
(4,2257)	1:102:A:ASN:HD22	1:104:A:SER:H	11	0.21
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB1	15	0.21
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB2	15	0.21
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB3	15	0.21
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB1	15	0.21
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB2	15	0.21
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB3	15	0.21
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB1	15	0.21
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB2	15	0.21
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB3	15	0.21
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HB	5	0.21
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HB	5	0.21
(4,2163)	1:92:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HB	5	0.21
(4,2148)	1:68:A:SER:H	1:69:A:THR:H	3	0.21
(4,2148)	1:68:A:SER:H	1:69:A:THR:H	9	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2133)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:H	16	0.21
(4,2133)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:H	16	0.21
(4,2061)	1:33:A:TYR:H	1:234:A:ASN:HA	1	0.21
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD11	15	0.21
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD12	15	0.21
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD13	15	0.21
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD21	15	0.21
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD22	15	0.21
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE1	1:189:A:LEU:HD23	15	0.21
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD11	15	0.21
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD12	15	0.21
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD13	15	0.21
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD21	15	0.21
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD22	15	0.21
(4,2051)	1:77:A:TYR:HE2	1:189:A:LEU:HD23	15	0.21
(4,2005)	1:147:A:GLN:HE22	1:148:A:THR:H	9	0.21
(4,1973)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	17	0.21
(4,1940)	1:211:A:VAL:HG11	1:228:A:MET:HG2	5	0.21
(4,1940)	1:211:A:VAL:HG11	1:228:A:MET:HG3	5	0.21
(4,1940)	1:211:A:VAL:HG12	1:228:A:MET:HG2	5	0.21
(4,1940)	1:211:A:VAL:HG12	1:228:A:MET:HG3	5	0.21
(4,1940)	1:211:A:VAL:HG13	1:228:A:MET:HG2	5	0.21
(4,1940)	1:211:A:VAL:HG13	1:228:A:MET:HG3	5	0.21
(4,1926)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD21	11	0.21
(4,1926)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD22	11	0.21
(4,1926)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD23	11	0.21
(4,1888)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:HB2	7	0.21
(4,1888)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:HB3	7	0.21
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:H	10	0.21
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:H	10	0.21
(4,1836)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:H	10	0.21
(4,1796)	1:221:A:GLU:HG2	1:223:A:VAL:H	19	0.21
(4,1796)	1:221:A:GLU:HG3	1:223:A:VAL:H	19	0.21
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD11	3	0.21
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD12	3	0.21
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD13	3	0.21
(4,1766)	1:86:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	2	0.21
(4,1766)	1:86:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	2	0.21
(4,1766)	1:86:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	2	0.21
(4,1750)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:H	1	0.21
(4,1750)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:H	1	0.21
(4,1750)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:H	1	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB2	4	0.21
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB3	4	0.21
(4,1595)	1:193:A:LYS:H	1:194:A:SER:HA	7	0.21
(4,1595)	1:193:A:LYS:H	1:194:A:SER:HA	20	0.21
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD1	1:117:A:LYS:H	13	0.21
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD2	1:117:A:LYS:H	13	0.21
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD21	13	0.21
(4,1579)	1:81:A:TRP:H	1:101:A:ASN:HD22	13	0.21
(4,1578)	1:57:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:HD11	16	0.21
(4,1578)	1:57:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:HD12	16	0.21
(4,1578)	1:57:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:HD13	16	0.21
(4,1578)	1:57:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:HD11	16	0.21
(4,1578)	1:57:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:HD12	16	0.21
(4,1578)	1:57:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:HD13	16	0.21
(4,1578)	1:57:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:HD11	16	0.21
(4,1578)	1:57:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:HD12	16	0.21
(4,1578)	1:57:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:HD13	16	0.21
(4,1578)	1:57:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:HD11	16	0.21
(4,1578)	1:57:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:HD12	16	0.21
(4,1578)	1:57:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:HD13	16	0.21
(4,1578)	1:57:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:HD11	16	0.21
(4,1578)	1:57:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:HD12	16	0.21
(4,1578)	1:57:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:HD13	16	0.21
(4,1578)	1:57:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:HD11	16	0.21
(4,1578)	1:57:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:HD12	16	0.21
(4,1578)	1:57:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:HD13	16	0.21
(4,1555)	1:62:A:ASN:H	1:164:A:ASN:HD22	2	0.21
(4,1544)	1:172:A:GLU:HB2	1:177:A:ILE:H	6	0.21
(4,1467)	1:123:A:SER:H	1:124:A:SER:HB2	18	0.21
(4,1467)	1:123:A:SER:H	1:124:A:SER:HB3	18	0.21
(4,1441)	1:235:A:TRP:HA	1:235:A:TRP:HE1	18	0.21
(4,1412)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HA	9	0.21
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG2	6	0.21
(4,1410)	1:29:A:ASN:H	1:107:A:GLU:HG3	6	0.21
(4,1383)	1:19:A:THR:HG1	1:20:A:ASN:H	17	0.21
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD11	2	0.21
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD12	2	0.21
(4,1381)	1:91:A:GLY:H	1:95:A:ILE:HD13	2	0.21
(4,1378)	1:234:A:ASN:HA	1:236:A:GLU:H	17	0.21
(4,1353)	1:29:A:ASN:H	1:29:A:ASN:HD22	11	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD11	1:45:A:LEU:HD11	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD11	1:45:A:LEU:HD12	3	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD11	1:45:A:LEU:HD13	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD11	1:45:A:LEU:HD21	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD11	1:45:A:LEU:HD22	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD11	1:45:A:LEU:HD23	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD12	1:45:A:LEU:HD11	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD12	1:45:A:LEU:HD12	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD12	1:45:A:LEU:HD13	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD12	1:45:A:LEU:HD21	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD12	1:45:A:LEU:HD22	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD12	1:45:A:LEU:HD23	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD13	1:45:A:LEU:HD11	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD13	1:45:A:LEU:HD12	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD13	1:45:A:LEU:HD13	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD13	1:45:A:LEU:HD21	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD13	1:45:A:LEU:HD22	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD13	1:45:A:LEU:HD23	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD21	1:45:A:LEU:HD11	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD21	1:45:A:LEU:HD12	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD21	1:45:A:LEU:HD13	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD21	1:45:A:LEU:HD21	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD21	1:45:A:LEU:HD22	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD21	1:45:A:LEU:HD23	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD22	1:45:A:LEU:HD11	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD22	1:45:A:LEU:HD12	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD22	1:45:A:LEU:HD13	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD22	1:45:A:LEU:HD21	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD22	1:45:A:LEU:HD22	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD22	1:45:A:LEU:HD23	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD23	1:45:A:LEU:HD11	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD23	1:45:A:LEU:HD12	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD23	1:45:A:LEU:HD13	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD23	1:45:A:LEU:HD21	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD23	1:45:A:LEU:HD22	3	0.21
(4,1329)	1:44:A:LEU:HD23	1:45:A:LEU:HD23	3	0.21
(4,1267)	1:45:A:LEU:HD11	1:202:A:ILE:CD1	18	0.21
(4,1267)	1:45:A:LEU:HD12	1:202:A:ILE:CD1	18	0.21
(4,1267)	1:45:A:LEU:HD13	1:202:A:ILE:CD1	18	0.21
(4,1267)	1:45:A:LEU:HD21	1:202:A:ILE:CD1	18	0.21
(4,1267)	1:45:A:LEU:HD22	1:202:A:ILE:CD1	18	0.21
(4,1267)	1:45:A:LEU:HD23	1:202:A:ILE:CD1	18	0.21
(4,1229)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:CD1	14	0.21
(4,1229)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:CD1	14	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1229)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:CD1	14	0.21
(4,1163)	1:234:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD22	15	0.21
(4,1154)	1:157:A:PRO:HA	1:158:A:GLU:HB2	20	0.21
(4,1113)	1:233:A:PRO:HA	1:235:A:TRP:H	13	0.21
(4,1112)	1:81:A:TRP:HZ2	1:181:A:ASP:H	14	0.21
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD11	1:38:A:SER:H	7	0.21
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD12	1:38:A:SER:H	7	0.21
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD13	1:38:A:SER:H	7	0.21
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE1	1:229:A:LEU:HD11	11	0.21
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE1	1:229:A:LEU:HD12	11	0.21
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE1	1:229:A:LEU:HD13	11	0.21
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE1	1:229:A:LEU:HD21	11	0.21
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE1	1:229:A:LEU:HD22	11	0.21
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE1	1:229:A:LEU:HD23	11	0.21
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE2	1:229:A:LEU:HD11	11	0.21
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE2	1:229:A:LEU:HD12	11	0.21
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE2	1:229:A:LEU:HD13	11	0.21
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE2	1:229:A:LEU:HD21	11	0.21
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE2	1:229:A:LEU:HD22	11	0.21
(4,1085)	1:33:A:TYR:HE2	1:229:A:LEU:HD23	11	0.21
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	3	0.21
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	3	0.21
(4,1049)	1:8:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	3	0.21
(4,1038)	1:174:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HE1	3	0.21
(4,1038)	1:174:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HE2	3	0.21
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD11	1:49:A:PRO:HB2	12	0.21
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD11	1:49:A:PRO:HB3	12	0.21
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD12	1:49:A:PRO:HB2	12	0.21
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD12	1:49:A:PRO:HB3	12	0.21
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD13	1:49:A:PRO:HB2	12	0.21
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD13	1:49:A:PRO:HB3	12	0.21
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD21	1:49:A:PRO:HB2	12	0.21
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD21	1:49:A:PRO:HB3	12	0.21
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD22	1:49:A:PRO:HB2	12	0.21
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD22	1:49:A:PRO:HB3	12	0.21
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD23	1:49:A:PRO:HB2	12	0.21
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD23	1:49:A:PRO:HB3	12	0.21
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB1	10	0.21
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB2	10	0.21
(4,1018)	1:6:A:ARG:HG2	1:7:A:ALA:HB3	10	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD11	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD12	7	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD13	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD21	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD22	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD23	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD11	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD12	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD13	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD21	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD22	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD23	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD11	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD12	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD13	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD21	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD22	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD23	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD11	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD12	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD13	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD21	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD22	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD23	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD11	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD12	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD13	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD21	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD22	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD23	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD11	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD12	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD13	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD21	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD22	7	0.21
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD23	7	0.21
(4,995)	1:34:A:PHE:HB2	1:36:A:ILE:H	17	0.21
(4,995)	1:34:A:PHE:HB3	1:36:A:ILE:H	17	0.21
(4,991)	1:137:A:PHE:HB2	1:139:A:LEU:H	20	0.21
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD11	5	0.21
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD12	5	0.21
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD13	5	0.21
(4,924)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HG21	9	0.21
(4,924)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HG22	9	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,924)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HG23	9	0.21
(4,924)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HG21	9	0.21
(4,924)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HG22	9	0.21
(4,924)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HG23	9	0.21
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG21	10	0.21
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG22	10	0.21
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG23	10	0.21
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB2	6	0.21
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB3	6	0.21
(4,866)	1:36:A:ILE:HB	1:38:A:SER:HA	16	0.21
(4,856)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HB2	5	0.21
(4,856)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HB3	5	0.21
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG2	1	0.21
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG3	1	0.21
(4,835)	1:92:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:H	12	0.21
(4,835)	1:92:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:H	12	0.21
(4,835)	1:92:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:H	12	0.21
(4,834)	1:99:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	9	0.21
(4,834)	1:99:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	9	0.21
(4,834)	1:99:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	9	0.21
(4,834)	1:99:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	9	0.21
(4,834)	1:99:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	9	0.21
(4,834)	1:99:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	9	0.21
(4,819)	1:149:A:PHE:HA	1:151:A:THR:HA	15	0.21
(4,772)	1:11:A:ILE:HG21	1:12:A:GLU:HA	15	0.21
(4,772)	1:11:A:ILE:HG22	1:12:A:GLU:HA	15	0.21
(4,772)	1:11:A:ILE:HG23	1:12:A:GLU:HA	15	0.21
(4,762)	1:195:A:ASP:HB2	1:204:A:GLN:H	12	0.21
(4,762)	1:195:A:ASP:HB3	1:204:A:GLN:H	12	0.21
(4,756)	1:80:A:ILE:HG21	1:127:A:ASN:HD21	3	0.21
(4,756)	1:80:A:ILE:HG22	1:127:A:ASN:HD21	3	0.21
(4,756)	1:80:A:ILE:HG23	1:127:A:ASN:HD21	3	0.21
(4,743)	1:217:A:ASN:HB3	1:218:A:ALA:HB1	13	0.21
(4,743)	1:217:A:ASN:HB3	1:218:A:ALA:HB2	13	0.21
(4,743)	1:217:A:ASN:HB3	1:218:A:ALA:HB3	13	0.21
(4,733)	1:110:A:SER:H	1:111:A:ASP:HA	11	0.21
(4,595)	1:173:A:GLU:H	1:174:A:ASN:HB2	3	0.21
(4,595)	1:173:A:GLU:H	1:174:A:ASN:HB2	13	0.21
(4,564)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HG21	17	0.21
(4,564)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HG22	17	0.21
(4,564)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HG23	17	0.21
(4,564)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HG21	17	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,564)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HG22	17	0.21
(4,564)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HG23	17	0.21
(4,564)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HG21	17	0.21
(4,564)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HG22	17	0.21
(4,564)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HG23	17	0.21
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD11	7	0.21
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD12	7	0.21
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD13	7	0.21
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG11	3	0.21
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG12	3	0.21
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG13	3	0.21
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG21	3	0.21
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG22	3	0.21
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG23	3	0.21
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG11	3	0.21
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG12	3	0.21
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG13	3	0.21
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG21	3	0.21
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG22	3	0.21
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG23	3	0.21
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG11	3	0.21
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG12	3	0.21
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG13	3	0.21
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG21	3	0.21
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG22	3	0.21
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG23	3	0.21
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD1	15	0.21
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD2	15	0.21
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD11	8	0.21
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD12	8	0.21
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD13	8	0.21
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD21	8	0.21
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD22	8	0.21
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD23	8	0.21
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG21	15	0.21
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG22	15	0.21
(4,474)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HG23	15	0.21
(4,440)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:LEU:HB3	17	0.21
(4,391)	1:44:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	14	0.21
(4,391)	1:44:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	14	0.21
(4,391)	1:44:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	14	0.21
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD21	20	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD22	20	0.21
(4,361)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD23	20	0.21
(4,352)	1:202:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HB2	9	0.21
(4,326)	1:45:A:LEU:HB2	1:203:A:GLU:HB2	20	0.21
(4,326)	1:45:A:LEU:HB2	1:203:A:GLU:HB3	20	0.21
(4,326)	1:45:A:LEU:HB3	1:203:A:GLU:HB2	20	0.21
(4,326)	1:45:A:LEU:HB3	1:203:A:GLU:HB3	20	0.21
(4,303)	1:59:A:PHE:HD1	1:62:A:ASN:H	5	0.21
(4,303)	1:59:A:PHE:HD2	1:62:A:ASN:H	5	0.21
(4,252)	1:160:A:THR:H	1:161:A:ALA:H	4	0.21
(4,230)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HB2	19	0.21
(4,171)	1:50:A:ARG:H	1:50:A:ARG:HD3	1	0.21
(4,126)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:HD11	12	0.21
(4,126)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:HD12	12	0.21
(4,126)	1:61:A:ILE:HD11	1:168:A:ILE:HD13	12	0.21
(4,126)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:HD11	12	0.21
(4,126)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:HD12	12	0.21
(4,126)	1:61:A:ILE:HD12	1:168:A:ILE:HD13	12	0.21
(4,126)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:HD11	12	0.21
(4,126)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:HD12	12	0.21
(4,126)	1:61:A:ILE:HD13	1:168:A:ILE:HD13	12	0.21
(4,82)	1:34:A:PHE:HE1	1:235:A:TRP:H	7	0.21
(4,82)	1:34:A:PHE:HE2	1:235:A:TRP:H	7	0.21
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE1	3	0.21
(4,77)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HE2	3	0.21
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE1	3	0.21
(4,77)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HE2	3	0.21
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE1	3	0.21
(4,77)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HE2	3	0.21
(4,76)	1:31:A:TRP:HB2	1:234:A:ASN:H	2	0.21
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB2	12	0.21
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB3	12	0.21
(4,67)	1:21:A:PHE:HD1	1:91:A:GLY:HA2	5	0.21
(4,67)	1:21:A:PHE:HD1	1:91:A:GLY:HA3	5	0.21
(4,67)	1:21:A:PHE:HD2	1:91:A:GLY:HA2	5	0.21
(4,67)	1:21:A:PHE:HD2	1:91:A:GLY:HA3	5	0.21
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD11	11	0.21
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD12	11	0.21
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD13	11	0.21
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD21	11	0.21
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD22	11	0.21
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD23	11	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(3,25)	1:58:A:LEU:H	1:227:A:ALA:O	5	0.21
(3,14)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:O	9	0.21
(3,13)	1:177:A:ILE:O	1:191:A:LEU:H	15	0.21
(3,7)	1:56:A:VAL:H	1:229:A:LEU:O	16	0.21
(3,2)	1:58:A:LEU:O	1:227:A:ALA:H	11	0.21
(3,1)	1:173:A:GLU:H	1:176:A:GLY:O	10	0.21
(2,615)	1:5:A:ASN:ND2	1:228:A:MET:H	17	0.21
(2,29)	1:102:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	5	0.21
(1,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:165:A:LEU:H	1	0.21
(1,94)	1:205:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	19	0.21
(1,85)	1:206:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	5	0.21
(4,4299)	1:169:A:THR:H	1:181:A:ASP:H	2	0.2
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG11	17	0.2
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG12	17	0.2
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG13	17	0.2
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD21	1:89:A:ALA:H	13	0.2
(4,4250)	1:88:A:ASN:HD22	1:89:A:ALA:H	13	0.2
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD21	11	0.2
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD22	11	0.2
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD23	11	0.2
(4,4142)	1:180:A:LEU:HD11	1:188:A:PRO:HB2	2	0.2
(4,4142)	1:180:A:LEU:HD11	1:188:A:PRO:HB3	2	0.2
(4,4142)	1:180:A:LEU:HD12	1:188:A:PRO:HB2	2	0.2
(4,4142)	1:180:A:LEU:HD12	1:188:A:PRO:HB3	2	0.2
(4,4142)	1:180:A:LEU:HD13	1:188:A:PRO:HB2	2	0.2
(4,4142)	1:180:A:LEU:HD13	1:188:A:PRO:HB3	2	0.2
(4,4142)	1:180:A:LEU:HD21	1:188:A:PRO:HB2	2	0.2
(4,4142)	1:180:A:LEU:HD21	1:188:A:PRO:HB3	2	0.2
(4,4142)	1:180:A:LEU:HD22	1:188:A:PRO:HB2	2	0.2
(4,4142)	1:180:A:LEU:HD22	1:188:A:PRO:HB3	2	0.2
(4,4142)	1:180:A:LEU:HD23	1:188:A:PRO:HB2	2	0.2
(4,4142)	1:180:A:LEU:HD23	1:188:A:PRO:HB3	2	0.2
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:H	6	0.2
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:H	6	0.2
(4,4063)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:HB2	14	0.2
(4,4063)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:HB3	14	0.2
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:H	15	0.2
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:H	15	0.2
(4,4062)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:H	15	0.2
(4,4046)	1:38:A:SER:H	1:39:A:LEU:HG	5	0.2
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB3	12	0.2
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB3	12	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4036)	1:79:A:VAL:H	1:127:A:ASN:HD21	11	0.2
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD1	9	0.2
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD2	9	0.2
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD11	13	0.2
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD12	13	0.2
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD13	13	0.2
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD21	13	0.2
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD22	13	0.2
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD23	13	0.2
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD11	13	0.2
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD12	13	0.2
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD13	13	0.2
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD21	13	0.2
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD22	13	0.2
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD23	13	0.2
(4,3966)	1:147:A:GLN:HE21	1:148:A:THR:H	15	0.2
(4,3946)	1:55:A:ILE:H	1:171:A:VAL:H	12	0.2
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	14	0.2
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	14	0.2
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	14	0.2
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD21	5	0.2
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD22	5	0.2
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD23	5	0.2
(4,3929)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:H	4	0.2
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD11	1:100:A:SER:H	12	0.2
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD12	1:100:A:SER:H	12	0.2
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD13	1:100:A:SER:H	12	0.2
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:H	7	0.2
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:H	7	0.2
(4,3880)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:H	7	0.2
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD11	3	0.2
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD12	3	0.2
(4,3879)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD13	3	0.2
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD11	1:202:A:ILE:HA	9	0.2
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD12	1:202:A:ILE:HA	9	0.2
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD13	1:202:A:ILE:HA	9	0.2
(4,3751)	1:196:A:PRO:HB2	1:197:A:THR:HG21	13	0.2
(4,3751)	1:196:A:PRO:HB2	1:197:A:THR:HG22	13	0.2
(4,3751)	1:196:A:PRO:HB2	1:197:A:THR:HG23	13	0.2
(4,3751)	1:196:A:PRO:HB3	1:197:A:THR:HG21	13	0.2
(4,3751)	1:196:A:PRO:HB3	1:197:A:THR:HG22	13	0.2
(4,3751)	1:196:A:PRO:HB3	1:197:A:THR:HG23	13	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3750)	1:200:A:ASP:H	1:203:A:GLU:HG2	18	0.2
(4,3750)	1:200:A:ASP:H	1:203:A:GLU:HG3	18	0.2
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD21	1:120:A:SER:H	5	0.2
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD22	1:120:A:SER:H	5	0.2
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD23	1:120:A:SER:H	5	0.2
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD11	12	0.2
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD12	12	0.2
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD13	12	0.2
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD11	12	0.2
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD12	12	0.2
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD13	12	0.2
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG11	17	0.2
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG12	17	0.2
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG13	17	0.2
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG21	17	0.2
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG22	17	0.2
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG23	17	0.2
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:H	13	0.2
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:H	13	0.2
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:H	13	0.2
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB1	2	0.2
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB2	2	0.2
(4,3628)	1:63:A:GLU:H	1:218:A:ALA:HB3	2	0.2
(4,3603)	1:172:A:GLU:HG2	1:175:A:GLY:H	4	0.2
(4,3603)	1:172:A:GLU:HG3	1:175:A:GLY:H	4	0.2
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD11	19	0.2
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD12	19	0.2
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD13	19	0.2
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD21	19	0.2
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD22	19	0.2
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD23	19	0.2
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD11	19	0.2
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD12	19	0.2
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD13	19	0.2
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD21	19	0.2
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD22	19	0.2
(4,3526)	1:99:A:LEU:HB3	1:231:A:LEU:HD23	19	0.2
(4,3489)	1:132:A:VAL:HB	1:135:A:ASP:H	10	0.2
(4,3437)	1:81:A:TRP:HZ2	1:187:A:GLY:H	3	0.2
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG2	1:178:A:PHE:HD1	1	0.2
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG2	1:178:A:PHE:HD2	1	0.2
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG3	1:178:A:PHE:HD1	1	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG3	1:178:A:PHE:HD2	1	0.2
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:CD1	11	0.2
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:CD1	11	0.2
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:CD1	11	0.2
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:CD1	11	0.2
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:CD1	11	0.2
(4,3421)	1:79:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:CD1	11	0.2
(4,3389)	1:81:A:TRP:HZ2	1:186:A:SER:H	13	0.2
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	19	0.2
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	19	0.2
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	19	0.2
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	19	0.2
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	19	0.2
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	19	0.2
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG21	1:201:A:LEU:HB2	9	0.2
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG22	1:201:A:LEU:HB2	9	0.2
(4,3294)	1:55:A:ILE:HG23	1:201:A:LEU:HB2	9	0.2
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB2	1:218:A:ALA:HB1	1	0.2
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB2	1:218:A:ALA:HB2	1	0.2
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB2	1:218:A:ALA:HB3	1	0.2
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB3	1:218:A:ALA:HB1	1	0.2
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB3	1:218:A:ALA:HB2	1	0.2
(4,3278)	1:60:A:PRO:HB3	1:218:A:ALA:HB3	1	0.2
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD11	18	0.2
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD12	18	0.2
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD13	18	0.2
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD21	18	0.2
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD22	18	0.2
(4,3239)	1:36:A:ILE:HA	1:229:A:LEU:HD23	18	0.2
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB1	1:157:A:PRO:HB3	19	0.2
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB2	1:157:A:PRO:HB3	19	0.2
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB3	1:157:A:PRO:HB3	19	0.2
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB1	1:157:A:PRO:HB3	20	0.2
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB2	1:157:A:PRO:HB3	20	0.2
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB3	1:157:A:PRO:HB3	20	0.2
(4,3168)	1:36:A:ILE:HD11	1:52:A:VAL:CG2	18	0.2
(4,3168)	1:36:A:ILE:HD12	1:52:A:VAL:CG2	18	0.2
(4,3168)	1:36:A:ILE:HD13	1:52:A:VAL:CG2	18	0.2
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB2	15	0.2
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB3	15	0.2
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB2	15	0.2
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB3	15	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB2	16	0.2
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB3	16	0.2
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB2	16	0.2
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB3	16	0.2
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB2	16	0.2
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB3	16	0.2
(4,3116)	1:22:A:ALA:HA	1:25:A:LEU:HA	14	0.2
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:CG1	12	0.2
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:CG1	12	0.2
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:CG1	12	0.2
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD11	1:126:A:LYS:H	11	0.2
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD12	1:126:A:LYS:H	11	0.2
(4,3071)	1:80:A:ILE:HD13	1:126:A:LYS:H	11	0.2
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD1	12	0.2
(4,3058)	1:85:A:SER:H	1:129:A:PHE:HD2	12	0.2
(4,3055)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:H	5	0.2
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD21	10	0.2
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD22	10	0.2
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD23	10	0.2
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD21	10	0.2
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD22	10	0.2
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD23	10	0.2
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD21	10	0.2
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD22	10	0.2
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD23	10	0.2
(4,2938)	1:27:A:LEU:HA	1:105:A:LEU:HB2	9	0.2
(4,2893)	1:153:A:GLN:HA	1:157:A:PRO:HD3	18	0.2
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD1	1:25:A:LEU:H	14	0.2
(4,2892)	1:21:A:PHE:HD2	1:25:A:LEU:H	14	0.2
(4,2878)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:H	11	0.2
(4,2878)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:H	11	0.2
(4,2847)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:H	17	0.2
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD11	17	0.2
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD12	17	0.2
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD13	17	0.2
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD21	17	0.2
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD22	17	0.2
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB1	1:105:A:LEU:HD23	17	0.2
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD11	17	0.2
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD12	17	0.2
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD13	17	0.2
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD21	17	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD22	17	0.2
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB2	1:105:A:LEU:HD23	17	0.2
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD11	17	0.2
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD12	17	0.2
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD13	17	0.2
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD21	17	0.2
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD22	17	0.2
(4,2686)	1:22:A:ALA:HB3	1:105:A:LEU:HD23	17	0.2
(4,2673)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	5	0.2
(4,2673)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	5	0.2
(4,2673)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	5	0.2
(4,2654)	1:97:A:HIS:H	1:169:A:THR:HG1	2	0.2
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB2	8	0.2
(4,2653)	1:28:A:LYS:HB3	1:107:A:GLU:HB3	8	0.2
(4,2651)	1:174:A:ASN:HD21	1:175:A:GLY:H	8	0.2
(4,2651)	1:174:A:ASN:HD22	1:175:A:GLY:H	8	0.2
(4,2640)	1:204:A:GLN:H	1:206:A:LEU:H	14	0.2
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD11	3	0.2
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD12	3	0.2
(4,2635)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HD13	3	0.2
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD1	1:218:A:ALA:HB1	11	0.2
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD1	1:218:A:ALA:HB2	11	0.2
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD1	1:218:A:ALA:HB3	11	0.2
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD2	1:218:A:ALA:HB1	11	0.2
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD2	1:218:A:ALA:HB2	11	0.2
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD2	1:218:A:ALA:HB3	11	0.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD11	12	0.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD12	12	0.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD13	12	0.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD21	12	0.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD22	12	0.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD23	12	0.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD11	12	0.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD12	12	0.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD13	12	0.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD21	12	0.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD22	12	0.2
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD23	12	0.2
(4,2621)	1:40:A:THR:HA	1:203:A:GLU:HA	18	0.2
(4,2548)	1:94:A:ALA:HB1	1:169:A:THR:HG1	3	0.2
(4,2548)	1:94:A:ALA:HB2	1:169:A:THR:HG1	3	0.2
(4,2548)	1:94:A:ALA:HB3	1:169:A:THR:HG1	3	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2521)	1:81:A:TRP:H	1:82:A:PHE:HZ	15	0.2
(4,2494)	1:59:A:PHE:HA	1:226:A:PHE:H	3	0.2
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB2	14	0.2
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB3	14	0.2
(4,2433)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:H	1	0.2
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE1	1:78:A:ASP:H	20	0.2
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE2	1:78:A:ASP:H	20	0.2
(4,2372)	1:146:A:VAL:HA	1:148:A:THR:HA	3	0.2
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE1	1:231:A:LEU:H	7	0.2
(4,2369)	1:34:A:PHE:HE2	1:231:A:LEU:H	7	0.2
(4,2317)	1:177:A:ILE:H	1:194:A:SER:H	15	0.2
(4,2314)	1:107:A:GLU:H	1:110:A:SER:HG	14	0.2
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD21	3	0.2
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD22	3	0.2
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD23	3	0.2
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD21	3	0.2
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD22	3	0.2
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD23	3	0.2
(4,2288)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	19	0.2
(4,2263)	1:14:A:ASN:H	1:18:A:PHE:H	15	0.2
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HB2	16	0.2
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HB3	16	0.2
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HB2	16	0.2
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HB3	16	0.2
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HB2	16	0.2
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HB3	16	0.2
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HB2	16	0.2
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HB3	16	0.2
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HB2	16	0.2
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HB3	16	0.2
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HB2	16	0.2
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HB3	16	0.2
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG21	1:98:A:SER:H	16	0.2
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG22	1:98:A:SER:H	16	0.2
(4,2065)	1:56:A:VAL:HG23	1:98:A:SER:H	16	0.2
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB2	15	0.2
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB1	1:98:A:SER:HB3	15	0.2
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB2	15	0.2
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB2	1:98:A:SER:HB3	15	0.2
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB2	15	0.2
(4,2058)	1:22:A:ALA:HB3	1:98:A:SER:HB3	15	0.2
(4,2053)	1:81:A:TRP:HE3	1:127:A:ASN:HD21	20	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD11	13	0.2
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD12	13	0.2
(4,2025)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD13	13	0.2
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD11	8	0.2
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD12	8	0.2
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD13	8	0.2
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD11	8	0.2
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD12	8	0.2
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD13	8	0.2
(4,1944)	1:11:A:ILE:H	1:13:A:SER:H	12	0.2
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD11	10	0.2
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD12	10	0.2
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD13	10	0.2
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	11	0.2
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	11	0.2
(4,1841)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:H	9	0.2
(4,1830)	1:76:A:SER:H	1:127:A:ASN:HD22	2	0.2
(4,1810)	1:143:A:LYS:H	1:143:A:LYS:HE2	1	0.2
(4,1810)	1:143:A:LYS:H	1:143:A:LYS:HE3	1	0.2
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:H	12	0.2
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:H	12	0.2
(4,1778)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:H	12	0.2
(4,1739)	1:222:A:ASP:H	1:224:A:LEU:H	9	0.2
(4,1739)	1:222:A:ASP:H	1:224:A:LEU:H	18	0.2
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB1	6	0.2
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB2	6	0.2
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG11	1:227:A:ALA:HB3	6	0.2
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB1	6	0.2
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB2	6	0.2
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG12	1:227:A:ALA:HB3	6	0.2
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB1	6	0.2
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB2	6	0.2
(4,1660)	1:56:A:VAL:HG13	1:227:A:ALA:HB3	6	0.2
(4,1611)	1:136:A:GLN:H	1:136:A:GLN:HE21	8	0.2
(4,1611)	1:136:A:GLN:H	1:136:A:GLN:HE22	8	0.2
(4,1602)	1:199:A:THR:H	1:202:A:ILE:H	9	0.2
(4,1595)	1:193:A:LYS:H	1:194:A:SER:HA	17	0.2
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD1	1:117:A:LYS:H	14	0.2
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD2	1:117:A:LYS:H	14	0.2
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD11	16	0.2
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD12	16	0.2
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD13	16	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD21	16	0.2
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD22	16	0.2
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD23	16	0.2
(4,1561)	1:177:A:ILE:HG21	1:192:A:GLY:H	7	0.2
(4,1561)	1:177:A:ILE:HG22	1:192:A:GLY:H	7	0.2
(4,1561)	1:177:A:ILE:HG23	1:192:A:GLY:H	7	0.2
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:CG2	3	0.2
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:CG2	3	0.2
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:CG2	3	0.2
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:CG2	3	0.2
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:CG2	3	0.2
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:CG2	3	0.2
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB1	3	0.2
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB2	3	0.2
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB3	3	0.2
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	4	0.2
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	4	0.2
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	4	0.2
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	4	0.2
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	4	0.2
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	4	0.2
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG11	9	0.2
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG12	9	0.2
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG13	9	0.2
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG21	9	0.2
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG22	9	0.2
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG23	9	0.2
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG11	20	0.2
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG12	20	0.2
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG13	20	0.2
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG21	20	0.2
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG22	20	0.2
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG23	20	0.2
(4,1195)	1:197:A:THR:HG21	1:198:A:ALA:HA	18	0.2
(4,1195)	1:197:A:THR:HG22	1:198:A:ALA:HA	18	0.2
(4,1195)	1:197:A:THR:HG23	1:198:A:ALA:HA	18	0.2
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG21	5	0.2
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG22	5	0.2
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG23	5	0.2
(4,1093)	1:114:A:ASN:HD21	1:115:A:PHE:H	15	0.2
(4,1093)	1:114:A:ASN:HD22	1:115:A:PHE:H	15	0.2
(4,1038)	1:174:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HE1	15	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1038)	1:174:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HE2	15	0.2
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD11	1:49:A:PRO:HB2	15	0.2
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD11	1:49:A:PRO:HB3	15	0.2
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD12	1:49:A:PRO:HB2	15	0.2
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD12	1:49:A:PRO:HB3	15	0.2
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD13	1:49:A:PRO:HB2	15	0.2
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD13	1:49:A:PRO:HB3	15	0.2
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD21	1:49:A:PRO:HB2	15	0.2
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD21	1:49:A:PRO:HB3	15	0.2
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD22	1:49:A:PRO:HB2	15	0.2
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD22	1:49:A:PRO:HB3	15	0.2
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD23	1:49:A:PRO:HB2	15	0.2
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD23	1:49:A:PRO:HB3	15	0.2
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD11	7	0.2
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD12	7	0.2
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD13	7	0.2
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD21	7	0.2
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD22	7	0.2
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD23	7	0.2
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD11	20	0.2
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD12	20	0.2
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD13	20	0.2
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD21	20	0.2
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD22	20	0.2
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD23	20	0.2
(4,978)	1:118:A:SER:H	1:121:A:ASP:H	9	0.2
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE2	4	0.2
(4,968)	1:142:A:ILE:H	1:143:A:LYS:HE3	4	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD11	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD12	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD13	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD21	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD22	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG11	1:231:A:LEU:HD23	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD11	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD12	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD13	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD21	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD22	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG12	1:231:A:LEU:HD23	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD11	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD12	1	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD13	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD21	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD22	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG13	1:231:A:LEU:HD23	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD11	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD12	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD13	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD21	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD22	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD23	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD11	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD12	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD13	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD21	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD22	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD23	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD11	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD12	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD13	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD21	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD22	1	0.2
(4,948)	1:171:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD23	1	0.2
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD11	1	0.2
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD12	1	0.2
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD13	1	0.2
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD21	1	0.2
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD22	1	0.2
(4,916)	1:23:A:HIS:H	1:25:A:LEU:HD23	1	0.2
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB2	13	0.2
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB3	13	0.2
(4,870)	1:34:A:PHE:H	1:232:A:GLY:H	6	0.2
(4,835)	1:92:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:H	8	0.2
(4,835)	1:92:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:H	8	0.2
(4,835)	1:92:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:H	8	0.2
(4,772)	1:11:A:ILE:HG21	1:12:A:GLU:HA	7	0.2
(4,772)	1:11:A:ILE:HG22	1:12:A:GLU:HA	7	0.2
(4,772)	1:11:A:ILE:HG23	1:12:A:GLU:HA	7	0.2
(4,743)	1:217:A:ASN:HB3	1:218:A:ALA:HB1	15	0.2
(4,743)	1:217:A:ASN:HB3	1:218:A:ALA:HB2	15	0.2
(4,743)	1:217:A:ASN:HB3	1:218:A:ALA:HB3	15	0.2
(4,736)	1:80:A:ILE:HD11	1:100:A:SER:HB2	6	0.2
(4,736)	1:80:A:ILE:HD12	1:100:A:SER:HB2	6	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,736)	1:80:A:ILE:HD13	1:100:A:SER:HB2	6	0.2
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG21	14	0.2
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG22	14	0.2
(4,678)	1:93:A:TYR:H	1:142:A:ILE:HG23	14	0.2
(4,636)	1:33:A:TYR:HD1	1:229:A:LEU:HD11	10	0.2
(4,636)	1:33:A:TYR:HD1	1:229:A:LEU:HD12	10	0.2
(4,636)	1:33:A:TYR:HD1	1:229:A:LEU:HD13	10	0.2
(4,636)	1:33:A:TYR:HD2	1:229:A:LEU:HD11	10	0.2
(4,636)	1:33:A:TYR:HD2	1:229:A:LEU:HD12	10	0.2
(4,636)	1:33:A:TYR:HD2	1:229:A:LEU:HD13	10	0.2
(4,626)	1:120:A:SER:HA	1:126:A:LYS:HA	11	0.2
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD1	8	0.2
(4,602)	1:11:A:ILE:HG12	1:21:A:PHE:HD2	8	0.2
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD1	8	0.2
(4,602)	1:11:A:ILE:HG13	1:21:A:PHE:HD2	8	0.2
(4,580)	1:106:A:LEU:HB2	1:113:A:ASP:H	5	0.2
(4,580)	1:106:A:LEU:HB3	1:113:A:ASP:H	5	0.2
(4,579)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HB	13	0.2
(4,579)	1:143:A:LYS:HG3	1:146:A:VAL:HB	13	0.2
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD21	15	0.2
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD22	15	0.2
(4,573)	1:26:A:GLY:H	1:99:A:LEU:HD23	15	0.2
(4,533)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HD22	9	0.2
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD1	4	0.2
(4,532)	1:212:A:ALA:H	1:214:A:TYR:HD2	4	0.2
(4,476)	1:206:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:H	16	0.2
(4,476)	1:206:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:H	16	0.2
(4,476)	1:206:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:H	16	0.2
(4,434)	1:184:A:ASN:HD21	1:187:A:GLY:H	19	0.2
(4,434)	1:184:A:ASN:HD22	1:187:A:GLY:H	19	0.2
(4,391)	1:44:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	13	0.2
(4,391)	1:44:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	13	0.2
(4,391)	1:44:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	13	0.2
(4,391)	1:44:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	18	0.2
(4,391)	1:44:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	18	0.2
(4,391)	1:44:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	18	0.2
(4,345)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HB2	4	0.2
(4,345)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HB3	4	0.2
(4,323)	1:7:A:ALA:HA	1:8:A:VAL:HB	19	0.2
(4,321)	1:134:A:THR:HG21	1:137:A:PHE:H	2	0.2
(4,321)	1:134:A:THR:HG22	1:137:A:PHE:H	2	0.2
(4,321)	1:134:A:THR:HG23	1:137:A:PHE:H	2	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,316)	1:198:A:ALA:HB1	1:201:A:LEU:HB2	18	0.2
(4,316)	1:198:A:ALA:HB1	1:201:A:LEU:HB3	18	0.2
(4,316)	1:198:A:ALA:HB2	1:201:A:LEU:HB2	18	0.2
(4,316)	1:198:A:ALA:HB2	1:201:A:LEU:HB3	18	0.2
(4,316)	1:198:A:ALA:HB3	1:201:A:LEU:HB2	18	0.2
(4,316)	1:198:A:ALA:HB3	1:201:A:LEU:HB3	18	0.2
(4,302)	1:214:A:TYR:HA	1:215:A:MET:HB2	10	0.2
(4,302)	1:214:A:TYR:HA	1:215:A:MET:HB3	10	0.2
(4,270)	1:33:A:TYR:HD1	1:232:A:GLY:H	6	0.2
(4,270)	1:33:A:TYR:HD2	1:232:A:GLY:H	6	0.2
(4,250)	1:57:A:LEU:HD11	1:210:A:ARG:HG2	16	0.2
(4,250)	1:57:A:LEU:HD11	1:210:A:ARG:HG3	16	0.2
(4,250)	1:57:A:LEU:HD12	1:210:A:ARG:HG2	16	0.2
(4,250)	1:57:A:LEU:HD12	1:210:A:ARG:HG3	16	0.2
(4,250)	1:57:A:LEU:HD13	1:210:A:ARG:HG2	16	0.2
(4,250)	1:57:A:LEU:HD13	1:210:A:ARG:HG3	16	0.2
(4,250)	1:57:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:HG2	16	0.2
(4,250)	1:57:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:HG3	16	0.2
(4,250)	1:57:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:HG2	16	0.2
(4,250)	1:57:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:HG3	16	0.2
(4,250)	1:57:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:HG2	16	0.2
(4,250)	1:57:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:HG3	16	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD11	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD12	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD13	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD21	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD22	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD23	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD11	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD12	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD13	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD21	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD22	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD23	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD11	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD12	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD13	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD21	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD22	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD23	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD11	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD12	9	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD13	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD21	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD22	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD23	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD11	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD12	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD13	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD21	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD22	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD23	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD11	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD12	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD13	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD21	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD22	9	0.2
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD23	9	0.2
(4,177)	1:223:A:VAL:HA	1:226:A:PHE:H	13	0.2
(4,172)	1:52:A:VAL:HG11	1:53:A:LYS:HB2	18	0.2
(4,172)	1:52:A:VAL:HG11	1:53:A:LYS:HB3	18	0.2
(4,172)	1:52:A:VAL:HG12	1:53:A:LYS:HB2	18	0.2
(4,172)	1:52:A:VAL:HG12	1:53:A:LYS:HB3	18	0.2
(4,172)	1:52:A:VAL:HG13	1:53:A:LYS:HB2	18	0.2
(4,172)	1:52:A:VAL:HG13	1:53:A:LYS:HB3	18	0.2
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD11	4	0.2
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD12	4	0.2
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD13	4	0.2
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD21	4	0.2
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD22	4	0.2
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD23	4	0.2
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD11	4	0.2
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD12	4	0.2
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD13	4	0.2
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD21	4	0.2
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD22	4	0.2
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD23	4	0.2
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD11	4	0.2
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD12	4	0.2
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD13	4	0.2
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD21	4	0.2
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD22	4	0.2
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD23	4	0.2
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD11	19	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD12	19	0.2
(4,117)	1:37:A:TYR:H	1:202:A:ILE:HD13	19	0.2
(4,116)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD21	16	0.2
(4,116)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HD22	16	0.2
(4,116)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD21	16	0.2
(4,116)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HD22	16	0.2
(4,116)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD21	16	0.2
(4,116)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HD22	16	0.2
(4,116)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD21	16	0.2
(4,116)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HD22	16	0.2
(4,116)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD21	16	0.2
(4,116)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HD22	16	0.2
(4,116)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD21	16	0.2
(4,116)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HD22	16	0.2
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG11	12	0.2
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG12	12	0.2
(4,105)	1:34:A:PHE:H	1:52:A:VAL:HG13	12	0.2
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB1	9	0.2
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB2	9	0.2
(4,58)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB3	9	0.2
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB1	9	0.2
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB2	9	0.2
(4,58)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB3	9	0.2
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB1	9	0.2
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB2	9	0.2
(4,58)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB3	9	0.2
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG21	12	0.2
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG22	12	0.2
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG23	12	0.2
(4,45)	1:151:A:THR:HA	1:154:A:SER:HA	18	0.2
(4,38)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:HG3	18	0.2
(4,38)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:HG3	18	0.2
(4,38)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:HG3	18	0.2
(3,25)	1:58:A:LEU:H	1:227:A:ALA:O	3	0.2
(3,16)	1:59:A:PHE:O	1:166:A:HIS:H	10	0.2
(3,13)	1:177:A:ILE:O	1:191:A:LEU:H	3	0.2
(3,13)	1:177:A:ILE:O	1:191:A:LEU:H	6	0.2
(3,13)	1:177:A:ILE:O	1:191:A:LEU:H	16	0.2
(3,11)	1:54:A:ALA:O	1:231:A:LEU:H	20	0.2
(1,444)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	9	0.2
(1,414)	1:5:A:ASN:ND2	1:204:A:GLN:H	13	0.2
(1,225)	1:64:A:ASP:H	1:225:A:ASN:ND2	2	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,174)	1:94:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	18	0.2
(1,165)	1:180:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	11	0.2
(1,136)	1:207:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	6	0.2
(1,57)	1:22:A:ALA:H	1:140:A:ASN:ND2	6	0.2
(5,777)	1:5:A:ASN:ND2	1:180:A:LEU:H	2	0.19
(5,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:211:A:VAL:H	11	0.19
(5,340)	1:5:A:ASN:ND2	1:13:A:SER:H	17	0.19
(5,320)	1:41:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	7	0.19
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:H	10	0.19
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:H	10	0.19
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:H	10	0.19
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	10	0.19
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	10	0.19
(4,4213)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	10	0.19
(4,4197)	1:178:A:PHE:HB2	1:189:A:LEU:H	15	0.19
(4,4197)	1:178:A:PHE:HB3	1:189:A:LEU:H	15	0.19
(4,4119)	1:59:A:PHE:HA	1:225:A:ASN:HB2	6	0.19
(4,4119)	1:59:A:PHE:HA	1:225:A:ASN:HB3	6	0.19
(4,4047)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:H	5	0.19
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD11	12	0.19
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD12	12	0.19
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD13	12	0.19
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD11	12	0.19
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD12	12	0.19
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD13	12	0.19
(4,3975)	1:109:A:GLY:H	1:114:A:ASN:H	10	0.19
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD21	20	0.19
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD22	20	0.19
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD23	20	0.19
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD2	15	0.19
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD3	15	0.19
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD2	15	0.19
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD3	15	0.19
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD11	1:100:A:SER:H	1	0.19
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD12	1:100:A:SER:H	1	0.19
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD13	1:100:A:SER:H	1	0.19
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB2	1:5:A:ASN:HD21	11	0.19
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB3	1:5:A:ASN:HD21	11	0.19
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	4	0.19
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	4	0.19
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	4	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD11	1:138:A:VAL:HG11	3	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD11	1:138:A:VAL:HG12	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD11	1:138:A:VAL:HG13	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD11	1:138:A:VAL:HG21	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD11	1:138:A:VAL:HG22	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD11	1:138:A:VAL:HG23	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD12	1:138:A:VAL:HG11	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD12	1:138:A:VAL:HG12	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD12	1:138:A:VAL:HG13	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD12	1:138:A:VAL:HG21	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD12	1:138:A:VAL:HG22	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD12	1:138:A:VAL:HG23	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD13	1:138:A:VAL:HG11	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD13	1:138:A:VAL:HG12	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD13	1:138:A:VAL:HG13	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD13	1:138:A:VAL:HG21	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD13	1:138:A:VAL:HG22	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD13	1:138:A:VAL:HG23	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD21	1:138:A:VAL:HG11	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD21	1:138:A:VAL:HG12	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD21	1:138:A:VAL:HG13	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD21	1:138:A:VAL:HG21	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD21	1:138:A:VAL:HG22	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD21	1:138:A:VAL:HG23	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD22	1:138:A:VAL:HG11	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD22	1:138:A:VAL:HG12	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD22	1:138:A:VAL:HG13	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD22	1:138:A:VAL:HG21	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD22	1:138:A:VAL:HG22	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD22	1:138:A:VAL:HG23	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD23	1:138:A:VAL:HG11	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD23	1:138:A:VAL:HG12	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD23	1:138:A:VAL:HG13	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD23	1:138:A:VAL:HG21	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD23	1:138:A:VAL:HG22	3	0.19
(4,3850)	1:25:A:LEU:HD23	1:138:A:VAL:HG23	3	0.19
(4,3812)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HD1	5	0.19
(4,3812)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HD2	5	0.19
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG11	1:136:A:GLN:H	5	0.19
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG12	1:136:A:GLN:H	5	0.19
(4,3778)	1:132:A:VAL:HG13	1:136:A:GLN:H	5	0.19
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG11	6	0.19
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG12	6	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG13	6	0.19
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG21	6	0.19
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG22	6	0.19
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB2	1:171:A:VAL:HG23	6	0.19
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG11	6	0.19
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG12	6	0.19
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG13	6	0.19
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG21	6	0.19
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG22	6	0.19
(4,3764)	1:53:A:LYS:HB3	1:171:A:VAL:HG23	6	0.19
(4,3719)	1:102:A:ASN:H	1:103:A:GLN:HB2	2	0.19
(4,3719)	1:102:A:ASN:H	1:103:A:GLN:HB3	2	0.19
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD21	2	0.19
(4,3699)	1:138:A:VAL:H	1:140:A:ASN:HD22	2	0.19
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD21	1:120:A:SER:H	16	0.19
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD22	1:120:A:SER:H	16	0.19
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD23	1:120:A:SER:H	16	0.19
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE1	1:98:A:SER:H	4	0.19
(4,3627)	1:33:A:TYR:HE2	1:98:A:SER:H	4	0.19
(4,3600)	1:195:A:ASP:H	1:196:A:PRO:HA	1	0.19
(4,3600)	1:195:A:ASP:H	1:196:A:PRO:HA	19	0.19
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	2	0.19
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	2	0.19
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	2	0.19
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	2	0.19
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	2	0.19
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	2	0.19
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB2	3	0.19
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB3	3	0.19
(4,3527)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HD21	7	0.19
(4,3527)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HD22	7	0.19
(4,3527)	1:179:A:GLU:H	1:191:A:LEU:HD23	7	0.19
(4,3520)	1:57:A:LEU:HB2	1:211:A:VAL:HB	1	0.19
(4,3520)	1:57:A:LEU:HB3	1:211:A:VAL:HB	1	0.19
(4,3482)	1:80:A:ILE:HD11	1:127:A:ASN:HB3	8	0.19
(4,3482)	1:80:A:ILE:HD12	1:127:A:ASN:HB3	8	0.19
(4,3482)	1:80:A:ILE:HD13	1:127:A:ASN:HB3	8	0.19
(4,3481)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:H	13	0.19
(4,3472)	1:9:A:VAL:H	1:152:A:GLY:H	3	0.19
(4,3373)	1:52:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:H	5	0.19
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG21	1:203:A:GLU:H	6	0.19
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG22	1:203:A:GLU:H	6	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3372)	1:52:A:VAL:HG23	1:203:A:GLU:H	6	0.19
(4,3365)	1:82:A:PHE:HD1	1:97:A:HIS:H	4	0.19
(4,3365)	1:82:A:PHE:HD2	1:97:A:HIS:H	4	0.19
(4,3319)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:H	16	0.19
(4,3286)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HA	20	0.19
(4,3261)	1:80:A:ILE:HG12	1:127:A:ASN:HB2	12	0.19
(4,3261)	1:80:A:ILE:HG12	1:127:A:ASN:HB3	12	0.19
(4,3261)	1:80:A:ILE:HG13	1:127:A:ASN:HB2	12	0.19
(4,3261)	1:80:A:ILE:HG13	1:127:A:ASN:HB3	12	0.19
(4,3256)	1:81:A:TRP:H	1:180:A:LEU:HD11	2	0.19
(4,3256)	1:81:A:TRP:H	1:180:A:LEU:HD12	2	0.19
(4,3256)	1:81:A:TRP:H	1:180:A:LEU:HD13	2	0.19
(4,3256)	1:81:A:TRP:H	1:180:A:LEU:HD21	2	0.19
(4,3256)	1:81:A:TRP:H	1:180:A:LEU:HD22	2	0.19
(4,3256)	1:81:A:TRP:H	1:180:A:LEU:HD23	2	0.19
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	15	0.19
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	15	0.19
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	15	0.19
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	15	0.19
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	15	0.19
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	15	0.19
(4,3207)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:H	10	0.19
(4,3201)	1:169:A:THR:H	1:179:A:GLU:HG2	7	0.19
(4,3201)	1:169:A:THR:H	1:179:A:GLU:HG3	7	0.19
(4,3194)	1:45:A:LEU:HD11	1:202:A:ILE:H	6	0.19
(4,3194)	1:45:A:LEU:HD12	1:202:A:ILE:H	6	0.19
(4,3194)	1:45:A:LEU:HD13	1:202:A:ILE:H	6	0.19
(4,3190)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HB	14	0.19
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HD1	17	0.19
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HD2	17	0.19
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HD1	17	0.19
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HD2	17	0.19
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HD1	17	0.19
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HD2	17	0.19
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD11	16	0.19
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD12	16	0.19
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD13	16	0.19
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD21	16	0.19
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD22	16	0.19
(4,3144)	1:81:A:TRP:HE1	1:180:A:LEU:HD23	16	0.19
(4,3123)	1:221:A:GLU:HA	1:222:A:ASP:HB2	2	0.19
(4,3123)	1:221:A:GLU:HA	1:222:A:ASP:HB3	2	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3123)	1:221:A:GLU:HA	1:222:A:ASP:HB2	5	0.19
(4,3123)	1:221:A:GLU:HA	1:222:A:ASP:HB3	5	0.19
(4,3123)	1:221:A:GLU:HA	1:222:A:ASP:HB2	17	0.19
(4,3123)	1:221:A:GLU:HA	1:222:A:ASP:HB3	17	0.19
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:CG1	9	0.19
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:CG1	9	0.19
(4,3101)	1:39:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:CG1	9	0.19
(4,3008)	1:125:A:SER:H	1:128:A:ARG:H	5	0.19
(4,2977)	1:40:A:THR:H	1:41:A:GLU:HG2	18	0.19
(4,2977)	1:40:A:THR:H	1:41:A:GLU:HG3	18	0.19
(4,2951)	1:106:A:LEU:HG	1:110:A:SER:HB2	7	0.19
(4,2951)	1:106:A:LEU:HG	1:110:A:SER:HB3	7	0.19
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HD1	1	0.19
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:HD2	1	0.19
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HD1	1	0.19
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:HD2	1	0.19
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HD1	1	0.19
(4,2944)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:HD2	1	0.19
(4,2939)	1:215:A:MET:HB2	1:218:A:ALA:HB1	4	0.19
(4,2939)	1:215:A:MET:HB2	1:218:A:ALA:HB2	4	0.19
(4,2939)	1:215:A:MET:HB2	1:218:A:ALA:HB3	4	0.19
(4,2853)	1:84:A:GLN:H	1:183:A:ARG:H	8	0.19
(4,2841)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:H	13	0.19
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD11	10	0.19
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD12	10	0.19
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD13	10	0.19
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD21	10	0.19
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD22	10	0.19
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD23	10	0.19
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD11	18	0.19
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD12	18	0.19
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD13	18	0.19
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD21	18	0.19
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD22	18	0.19
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD23	18	0.19
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG21	1:63:A:GLU:H	6	0.19
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG22	1:63:A:GLU:H	6	0.19
(4,2775)	1:61:A:ILE:HG23	1:63:A:GLU:H	6	0.19
(4,2716)	1:55:A:ILE:HG21	1:201:A:LEU:HB3	19	0.19
(4,2716)	1:55:A:ILE:HG22	1:201:A:LEU:HB3	19	0.19
(4,2716)	1:55:A:ILE:HG23	1:201:A:LEU:HB3	19	0.19
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD11	6	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD12	6	0.19
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD13	6	0.19
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD21	6	0.19
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD22	6	0.19
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD23	6	0.19
(4,2634)	1:214:A:TYR:H	1:217:A:ASN:H	20	0.19
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD11	8	0.19
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD12	8	0.19
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD13	8	0.19
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD21	8	0.19
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD22	8	0.19
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB2	1:48:A:LEU:HD23	8	0.19
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD11	8	0.19
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD12	8	0.19
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD13	8	0.19
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD21	8	0.19
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD22	8	0.19
(4,2630)	1:34:A:PHE:HB3	1:48:A:LEU:HD23	8	0.19
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD11	2	0.19
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD12	2	0.19
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD13	2	0.19
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD21	2	0.19
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD22	2	0.19
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD23	2	0.19
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:CD2	20	0.19
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:CD2	20	0.19
(4,2570)	1:171:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:CD2	20	0.19
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG2	1:177:A:ILE:H	20	0.19
(4,2547)	1:172:A:GLU:HG3	1:177:A:ILE:H	20	0.19
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG2	1:110:A:SER:H	14	0.19
(4,2533)	1:107:A:GLU:HG3	1:110:A:SER:H	14	0.19
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB2	1:140:A:ASN:HD21	5	0.19
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB2	1:140:A:ASN:HD22	5	0.19
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB3	1:140:A:ASN:HD21	5	0.19
(4,2517)	1:137:A:PHE:HB3	1:140:A:ASN:HD22	5	0.19
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB2	9	0.19
(4,2471)	1:142:A:ILE:H	1:145:A:ASN:HB3	9	0.19
(4,2415)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:HD11	5	0.19
(4,2415)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:HD12	5	0.19
(4,2415)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:HD13	5	0.19
(4,2368)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HB3	1	0.19
(4,2341)	1:32:A:ALA:H	1:231:A:LEU:HD21	11	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2341)	1:32:A:ALA:H	1:231:A:LEU:HD22	11	0.19
(4,2341)	1:32:A:ALA:H	1:231:A:LEU:HD23	11	0.19
(4,2292)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	8	0.19
(4,2292)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	8	0.19
(4,2292)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	8	0.19
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	4	0.19
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	4	0.19
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	4	0.19
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	4	0.19
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	4	0.19
(4,2259)	1:48:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	4	0.19
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HA	3	0.19
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HA	3	0.19
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HA	3	0.19
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HA	3	0.19
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HA	3	0.19
(4,2212)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HA	3	0.19
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD21	20	0.19
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD22	20	0.19
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD23	20	0.19
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB1	10	0.19
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB2	10	0.19
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB3	10	0.19
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB1	10	0.19
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB2	10	0.19
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB3	10	0.19
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB1	10	0.19
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB2	10	0.19
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB3	10	0.19
(4,2148)	1:68:A:SER:H	1:69:A:THR:H	10	0.19
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG21	13	0.19
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG22	13	0.19
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG23	13	0.19
(4,2035)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:H	7	0.19
(4,2035)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:H	7	0.19
(4,2035)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:H	7	0.19
(4,2033)	1:141:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:HD22	8	0.19
(4,2033)	1:141:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:HD22	8	0.19
(4,2033)	1:141:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:HD22	8	0.19
(4,1993)	1:55:A:ILE:HB	1:170:A:TYR:HD1	12	0.19
(4,1993)	1:55:A:ILE:HB	1:170:A:TYR:HD2	12	0.19
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB3	12	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB3	12	0.19
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB3	12	0.19
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD21	10	0.19
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD11	1:145:A:ASN:HD22	10	0.19
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD21	10	0.19
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD12	1:145:A:ASN:HD22	10	0.19
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD21	10	0.19
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD13	1:145:A:ASN:HD22	10	0.19
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD21	10	0.19
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD21	1:145:A:ASN:HD22	10	0.19
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD21	10	0.19
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD22	1:145:A:ASN:HD22	10	0.19
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD21	10	0.19
(4,1989)	1:25:A:LEU:HD23	1:145:A:ASN:HD22	10	0.19
(4,1980)	1:109:A:GLY:HA2	1:114:A:ASN:HD22	2	0.19
(4,1964)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:H	18	0.19
(4,1942)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HB2	11	0.19
(4,1942)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HB3	11	0.19
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:H	9	0.19
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:H	9	0.19
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:H	9	0.19
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD21	1:139:A:LEU:H	9	0.19
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD22	1:139:A:LEU:H	9	0.19
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD23	1:139:A:LEU:H	9	0.19
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG11	1:90:A:CYS:H	19	0.19
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG12	1:90:A:CYS:H	19	0.19
(4,1839)	1:86:A:VAL:HG13	1:90:A:CYS:H	19	0.19
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG21	1:55:A:ILE:HA	8	0.19
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG22	1:55:A:ILE:HA	8	0.19
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG23	1:55:A:ILE:HA	8	0.19
(4,1676)	1:172:A:GLU:HB3	1:176:A:GLY:H	6	0.19
(4,1653)	1:17:A:VAL:H	1:152:A:GLY:HA2	9	0.19
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB2	1:204:A:GLN:HG2	20	0.19
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB2	1:204:A:GLN:HG3	20	0.19
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB3	1:204:A:GLN:HG2	20	0.19
(4,1640)	1:201:A:LEU:HB3	1:204:A:GLN:HG3	20	0.19
(4,1595)	1:193:A:LYS:H	1:194:A:SER:HA	10	0.19
(4,1595)	1:193:A:LYS:H	1:194:A:SER:HA	14	0.19
(4,1595)	1:193:A:LYS:H	1:194:A:SER:HA	15	0.19
(4,1595)	1:193:A:LYS:H	1:194:A:SER:HA	18	0.19
(4,1531)	1:156:A:ALA:H	1:157:A:PRO:HB3	3	0.19
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB1	1:235:A:TRP:HA	8	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB2	1:235:A:TRP:HA	8	0.19
(4,1500)	1:32:A:ALA:HB3	1:235:A:TRP:HA	8	0.19
(4,1493)	1:83:A:LYS:HG2	1:85:A:SER:H	6	0.19
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD21	8	0.19
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD22	8	0.19
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD23	8	0.19
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG2	17	0.19
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG3	17	0.19
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG2	17	0.19
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG3	17	0.19
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD11	13	0.19
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD12	13	0.19
(4,1439)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HD13	13	0.19
(4,1412)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HA	7	0.19
(4,1397)	1:106:A:LEU:HD11	1:110:A:SER:HG	10	0.19
(4,1397)	1:106:A:LEU:HD12	1:110:A:SER:HG	10	0.19
(4,1397)	1:106:A:LEU:HD13	1:110:A:SER:HG	10	0.19
(4,1397)	1:106:A:LEU:HD21	1:110:A:SER:HG	10	0.19
(4,1397)	1:106:A:LEU:HD22	1:110:A:SER:HG	10	0.19
(4,1397)	1:106:A:LEU:HD23	1:110:A:SER:HG	10	0.19
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	16	0.19
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	16	0.19
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	16	0.19
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	16	0.19
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	16	0.19
(4,1380)	1:92:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	16	0.19
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD21	1:96:A:LEU:H	11	0.19
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD22	1:96:A:LEU:H	11	0.19
(4,1370)	1:92:A:LEU:HD23	1:96:A:LEU:H	11	0.19
(4,1324)	1:177:A:ILE:H	1:178:A:PHE:HE1	2	0.19
(4,1324)	1:177:A:ILE:H	1:178:A:PHE:HE2	2	0.19
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD11	12	0.19
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD12	12	0.19
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD13	12	0.19
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD21	12	0.19
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD22	12	0.19
(4,1283)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:HD23	12	0.19
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD21	9	0.19
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD22	9	0.19
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD23	9	0.19
(4,1240)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:H	5	0.19
(4,1220)	1:149:A:PHE:HB3	1:151:A:THR:H	2	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1220)	1:149:A:PHE:HB3	1:151:A:THR:H	13	0.19
(4,1195)	1:197:A:THR:HG21	1:198:A:ALA:HA	4	0.19
(4,1195)	1:197:A:THR:HG22	1:198:A:ALA:HA	4	0.19
(4,1195)	1:197:A:THR:HG23	1:198:A:ALA:HA	4	0.19
(4,1170)	1:199:A:THR:HG21	1:201:A:LEU:H	3	0.19
(4,1170)	1:199:A:THR:HG22	1:201:A:LEU:H	3	0.19
(4,1170)	1:199:A:THR:HG23	1:201:A:LEU:H	3	0.19
(4,1163)	1:234:A:ASN:H	1:234:A:ASN:HD22	14	0.19
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD11	8	0.19
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD12	8	0.19
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD13	8	0.19
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD21	8	0.19
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD22	8	0.19
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD23	8	0.19
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD11	8	0.19
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD12	8	0.19
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD13	8	0.19
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD21	8	0.19
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD22	8	0.19
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD23	8	0.19
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD11	8	0.19
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD12	8	0.19
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD13	8	0.19
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD21	8	0.19
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD22	8	0.19
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD23	8	0.19
(4,1131)	1:47:A:PHE:H	1:48:A:LEU:HB3	9	0.19
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD11	1:38:A:SER:H	16	0.19
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD12	1:38:A:SER:H	16	0.19
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD13	1:38:A:SER:H	16	0.19
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG11	1:22:A:ALA:H	4	0.19
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG12	1:22:A:ALA:H	4	0.19
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG13	1:22:A:ALA:H	4	0.19
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG21	1:22:A:ALA:H	4	0.19
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG22	1:22:A:ALA:H	4	0.19
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG23	1:22:A:ALA:H	4	0.19
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB1	6	0.19
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB2	6	0.19
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB3	6	0.19
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB1	6	0.19
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB2	6	0.19
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB3	6	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB1	6	0.19
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB2	6	0.19
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB3	6	0.19
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG12	9	0.19
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG13	9	0.19
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG12	9	0.19
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG13	9	0.19
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG12	9	0.19
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG13	9	0.19
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG12	9	0.19
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG13	9	0.19
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG12	9	0.19
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG13	9	0.19
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG12	9	0.19
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG13	9	0.19
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD11	1:199:A:THR:HG21	16	0.19
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD11	1:199:A:THR:HG22	16	0.19
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD11	1:199:A:THR:HG23	16	0.19
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD12	1:199:A:THR:HG21	16	0.19
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD12	1:199:A:THR:HG22	16	0.19
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD12	1:199:A:THR:HG23	16	0.19
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD13	1:199:A:THR:HG21	16	0.19
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD13	1:199:A:THR:HG22	16	0.19
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD13	1:199:A:THR:HG23	16	0.19
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD21	1:199:A:THR:HG21	16	0.19
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD21	1:199:A:THR:HG22	16	0.19
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD21	1:199:A:THR:HG23	16	0.19
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD22	1:199:A:THR:HG21	16	0.19
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD22	1:199:A:THR:HG22	16	0.19
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD22	1:199:A:THR:HG23	16	0.19
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD23	1:199:A:THR:HG21	16	0.19
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD23	1:199:A:THR:HG22	16	0.19
(4,1032)	1:48:A:LEU:HD23	1:199:A:THR:HG23	16	0.19
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD11	19	0.19
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD12	19	0.19
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HD13	19	0.19
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD11	19	0.19
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD12	19	0.19
(4,1027)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HD13	19	0.19
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG21	17	0.19
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG22	17	0.19
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG23	17	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB2	18	0.19
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB3	18	0.19
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB1	12	0.19
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB2	12	0.19
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB3	12	0.19
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB1	12	0.19
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB2	12	0.19
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB3	12	0.19
(4,868)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HB2	9	0.19
(4,868)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HB3	9	0.19
(4,868)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HB2	9	0.19
(4,868)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HB3	9	0.19
(4,835)	1:92:A:LEU:HD21	1:94:A:ALA:H	4	0.19
(4,835)	1:92:A:LEU:HD22	1:94:A:ALA:H	4	0.19
(4,835)	1:92:A:LEU:HD23	1:94:A:ALA:H	4	0.19
(4,813)	1:36:A:ILE:HD11	1:48:A:LEU:CD2	2	0.19
(4,813)	1:36:A:ILE:HD12	1:48:A:LEU:CD2	2	0.19
(4,813)	1:36:A:ILE:HD13	1:48:A:LEU:CD2	2	0.19
(4,797)	1:38:A:SER:H	1:41:A:GLU:HB2	19	0.19
(4,770)	1:39:A:LEU:HA	1:41:A:GLU:HB2	11	0.19
(4,679)	1:57:A:LEU:HD11	1:214:A:TYR:H	7	0.19
(4,679)	1:57:A:LEU:HD12	1:214:A:TYR:H	7	0.19
(4,679)	1:57:A:LEU:HD13	1:214:A:TYR:H	7	0.19
(4,679)	1:57:A:LEU:HD21	1:214:A:TYR:H	7	0.19
(4,679)	1:57:A:LEU:HD22	1:214:A:TYR:H	7	0.19
(4,679)	1:57:A:LEU:HD23	1:214:A:TYR:H	7	0.19
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG11	1	0.19
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG12	1	0.19
(4,666)	1:34:A:PHE:HD1	1:52:A:VAL:HG13	1	0.19
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG11	1	0.19
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG12	1	0.19
(4,666)	1:34:A:PHE:HD2	1:52:A:VAL:HG13	1	0.19
(4,658)	1:76:A:SER:H	1:188:A:PRO:HG3	6	0.19
(4,597)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:H	6	0.19
(4,597)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:H	6	0.19
(4,597)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:H	6	0.19
(4,556)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:H	8	0.19
(4,540)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:H	10	0.19
(4,535)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD21	10	0.19
(4,448)	1:86:A:VAL:HG11	1:93:A:TYR:HD1	11	0.19
(4,448)	1:86:A:VAL:HG11	1:93:A:TYR:HD2	11	0.19
(4,448)	1:86:A:VAL:HG12	1:93:A:TYR:HD1	11	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,448)	1:86:A:VAL:HG12	1:93:A:TYR:HD2	11	0.19
(4,448)	1:86:A:VAL:HG13	1:93:A:TYR:HD1	11	0.19
(4,448)	1:86:A:VAL:HG13	1:93:A:TYR:HD2	11	0.19
(4,443)	1:20:A:ASN:HB2	1:23:A:HIS:H	19	0.19
(4,443)	1:20:A:ASN:HB3	1:23:A:HIS:H	19	0.19
(4,435)	1:58:A:LEU:H	1:59:A:PHE:HD1	18	0.19
(4,435)	1:58:A:LEU:H	1:59:A:PHE:HD2	18	0.19
(4,409)	1:143:A:LYS:HG2	1:145:A:ASN:H	3	0.19
(4,409)	1:143:A:LYS:HG3	1:145:A:ASN:H	3	0.19
(4,382)	1:32:A:ALA:HB1	1:233:A:PRO:HB2	4	0.19
(4,382)	1:32:A:ALA:HB2	1:233:A:PRO:HB2	4	0.19
(4,382)	1:32:A:ALA:HB3	1:233:A:PRO:HB2	4	0.19
(4,369)	1:172:A:GLU:HG2	1:176:A:GLY:H	3	0.19
(4,369)	1:172:A:GLU:HG3	1:176:A:GLY:H	3	0.19
(4,368)	1:154:A:SER:HA	1:156:A:ALA:HA	14	0.19
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD11	3	0.19
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD12	3	0.19
(4,364)	1:57:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HD13	3	0.19
(4,346)	1:234:A:ASN:H	1:235:A:TRP:HD1	15	0.19
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD11	14	0.19
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD12	14	0.19
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD13	14	0.19
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD21	14	0.19
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD22	14	0.19
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD23	14	0.19
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB2	19	0.19
(4,293)	1:21:A:PHE:HD1	1:145:A:ASN:HB3	19	0.19
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB2	19	0.19
(4,293)	1:21:A:PHE:HD2	1:145:A:ASN:HB3	19	0.19
(4,287)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:H	12	0.19
(4,287)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:H	12	0.19
(4,203)	1:110:A:SER:HG	1:114:A:ASN:H	11	0.19
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD11	1	0.19
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD12	1	0.19
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD13	1	0.19
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD21	1	0.19
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD22	1	0.19
(4,186)	1:25:A:LEU:CD2	1:92:A:LEU:HD23	1	0.19
(4,177)	1:223:A:VAL:HA	1:226:A:PHE:H	4	0.19
(4,177)	1:223:A:VAL:HA	1:226:A:PHE:H	6	0.19
(4,174)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HG	14	0.19
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD11	8	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD12	8	0.19
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD13	8	0.19
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD21	8	0.19
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD22	8	0.19
(4,148)	1:54:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD23	8	0.19
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD11	8	0.19
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD12	8	0.19
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD13	8	0.19
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD21	8	0.19
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD22	8	0.19
(4,148)	1:54:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD23	8	0.19
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD11	8	0.19
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD12	8	0.19
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD13	8	0.19
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD21	8	0.19
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD22	8	0.19
(4,148)	1:54:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD23	8	0.19
(4,145)	1:57:A:LEU:HD21	1:211:A:VAL:HA	19	0.19
(4,145)	1:57:A:LEU:HD22	1:211:A:VAL:HA	19	0.19
(4,145)	1:57:A:LEU:HD23	1:211:A:VAL:HA	19	0.19
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD21	5	0.19
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD22	5	0.19
(4,143)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:HD23	5	0.19
(4,124)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG11	6	0.19
(4,124)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG12	6	0.19
(4,124)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG13	6	0.19
(4,124)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG11	6	0.19
(4,124)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG12	6	0.19
(4,124)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG13	6	0.19
(4,82)	1:34:A:PHE:HE1	1:235:A:TRP:H	4	0.19
(4,82)	1:34:A:PHE:HE2	1:235:A:TRP:H	4	0.19
(4,67)	1:21:A:PHE:HD1	1:91:A:GLY:HA2	1	0.19
(4,67)	1:21:A:PHE:HD1	1:91:A:GLY:HA3	1	0.19
(4,67)	1:21:A:PHE:HD2	1:91:A:GLY:HA2	1	0.19
(4,67)	1:21:A:PHE:HD2	1:91:A:GLY:HA3	1	0.19
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD1	11	0.19
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD2	11	0.19
(4,64)	1:81:A:TRP:HZ2	1:183:A:ARG:H	14	0.19
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD21	11	0.19
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD22	11	0.19
(3,21)	1:169:A:THR:H	1:180:A:LEU:O	6	0.19
(3,21)	1:169:A:THR:H	1:180:A:LEU:O	9	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(3,21)	1:169:A:THR:H	1:180:A:LEU:O	16	0.19
(3,17)	1:59:A:PHE:H	1:166:A:HIS:O	9	0.19
(3,6)	1:56:A:VAL:O	1:229:A:LEU:H	6	0.19
(3,3)	1:179:A:GLU:O	1:189:A:LEU:H	16	0.19
(3,2)	1:58:A:LEU:O	1:227:A:ALA:H	1	0.19
(3,1)	1:173:A:GLU:H	1:176:A:GLY:O	3	0.19
(1,469)	1:5:A:ASN:ND2	1:28:A:LYS:H	20	0.19
(1,464)	1:5:A:ASN:ND2	1:29:A:ASN:H	20	0.19
(5,415)	1:5:A:ASN:ND2	1:139:A:LEU:H	16	0.18
(5,312)	1:149:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	15	0.18
(5,284)	1:38:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	7	0.18
(4,4299)	1:169:A:THR:H	1:181:A:ASP:H	18	0.18
(4,4128)	1:51:A:PRO:HA	1:52:A:VAL:HB	6	0.18
(4,4060)	1:93:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:H	7	0.18
(4,4060)	1:93:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:H	7	0.18
(4,4047)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:H	4	0.18
(4,4046)	1:38:A:SER:H	1:39:A:LEU:HG	4	0.18
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB2	3	0.18
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB3	3	0.18
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB2	3	0.18
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB3	3	0.18
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB2	3	0.18
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB3	3	0.18
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB2	3	0.18
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB3	3	0.18
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB2	3	0.18
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB3	3	0.18
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB2	3	0.18
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB3	3	0.18
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD11	10	0.18
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD12	10	0.18
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD13	10	0.18
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD21	10	0.18
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD22	10	0.18
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD23	10	0.18
(4,4018)	1:164:A:ASN:H	1:165:A:LEU:HB3	6	0.18
(4,4018)	1:164:A:ASN:H	1:165:A:LEU:HB3	13	0.18
(4,4012)	1:136:A:GLN:HE21	1:137:A:PHE:H	7	0.18
(4,4012)	1:136:A:GLN:HE22	1:137:A:PHE:H	7	0.18
(4,3979)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:HA	9	0.18
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE1	6	0.18
(4,3974)	1:20:A:ASN:H	1:33:A:TYR:HE2	6	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3957)	1:102:A:ASN:H	1:105:A:LEU:H	9	0.18
(4,3946)	1:55:A:ILE:H	1:171:A:VAL:H	1	0.18
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD11	20	0.18
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD12	20	0.18
(4,3818)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HD13	20	0.18
(4,3814)	1:79:A:VAL:H	1:178:A:PHE:HE1	15	0.18
(4,3814)	1:79:A:VAL:H	1:178:A:PHE:HE2	15	0.18
(4,3796)	1:194:A:SER:H	1:204:A:GLN:HE22	13	0.18
(4,3751)	1:196:A:PRO:HB2	1:197:A:THR:HG21	6	0.18
(4,3751)	1:196:A:PRO:HB2	1:197:A:THR:HG22	6	0.18
(4,3751)	1:196:A:PRO:HB2	1:197:A:THR:HG23	6	0.18
(4,3751)	1:196:A:PRO:HB3	1:197:A:THR:HG21	6	0.18
(4,3751)	1:196:A:PRO:HB3	1:197:A:THR:HG22	6	0.18
(4,3751)	1:196:A:PRO:HB3	1:197:A:THR:HG23	6	0.18
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	15	0.18
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	15	0.18
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG11	3	0.18
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG12	3	0.18
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG13	3	0.18
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG11	3	0.18
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG12	3	0.18
(4,3685)	1:62:A:ASN:HD22	1:223:A:VAL:HG13	3	0.18
(4,3682)	1:50:A:ARG:H	1:233:A:PRO:HB2	2	0.18
(4,3658)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HB2	17	0.18
(4,3658)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HB3	17	0.18
(4,3658)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HB2	17	0.18
(4,3658)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HB3	17	0.18
(4,3658)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HB2	17	0.18
(4,3658)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HB3	17	0.18
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD11	1:126:A:LYS:H	5	0.18
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD12	1:126:A:LYS:H	5	0.18
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD13	1:126:A:LYS:H	5	0.18
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD21	1:126:A:LYS:H	5	0.18
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD22	1:126:A:LYS:H	5	0.18
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD23	1:126:A:LYS:H	5	0.18
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG21	2	0.18
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG22	2	0.18
(4,3601)	1:36:A:ILE:HA	1:202:A:ILE:HG23	2	0.18
(4,3600)	1:195:A:ASP:H	1:196:A:PRO:HA	17	0.18
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG21	1	0.18
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG22	1	0.18
(4,3578)	1:72:A:GLN:HE21	1:73:A:ILE:HG23	1	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3571)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE1	12	0.18
(4,3571)	1:76:A:SER:H	1:77:A:TYR:HE2	12	0.18
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG2	1:147:A:GLN:H	17	0.18
(4,3550)	1:144:A:GLU:HG3	1:147:A:GLN:H	17	0.18
(4,3517)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG21	2	0.18
(4,3517)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG22	2	0.18
(4,3517)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG23	2	0.18
(4,3517)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG21	19	0.18
(4,3517)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG22	19	0.18
(4,3517)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HG23	19	0.18
(4,3488)	1:207:A:VAL:HG21	1:209:A:VAL:H	18	0.18
(4,3488)	1:207:A:VAL:HG22	1:209:A:VAL:H	18	0.18
(4,3488)	1:207:A:VAL:HG23	1:209:A:VAL:H	18	0.18
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG21	3	0.18
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG22	3	0.18
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD21	1:142:A:ILE:HG23	3	0.18
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG21	3	0.18
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG22	3	0.18
(4,3459)	1:88:A:ASN:HD22	1:142:A:ILE:HG23	3	0.18
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD11	3	0.18
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD12	3	0.18
(4,3423)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD13	3	0.18
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD11	3	0.18
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD12	3	0.18
(4,3423)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD13	3	0.18
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD11	3	0.18
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD12	3	0.18
(4,3423)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD13	3	0.18
(4,3365)	1:82:A:PHE:HD1	1:97:A:HIS:H	17	0.18
(4,3365)	1:82:A:PHE:HD2	1:97:A:HIS:H	17	0.18
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	17	0.18
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	17	0.18
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	17	0.18
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	17	0.18
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	17	0.18
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	17	0.18
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:HA	9	0.18
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:HA	9	0.18
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:HA	9	0.18
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	6	0.18
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	6	0.18
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	6	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	6	0.18
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	6	0.18
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	6	0.18
(4,3220)	1:31:A:TRP:HE3	1:53:A:LYS:H	16	0.18
(4,3207)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:H	18	0.18
(4,3206)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:H	8	0.18
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB1	3	0.18
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB2	3	0.18
(4,3176)	1:19:A:THR:H	1:32:A:ALA:HB3	3	0.18
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD11	1:119:A:GLN:HE21	19	0.18
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD12	1:119:A:GLN:HE21	19	0.18
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD13	1:119:A:GLN:HE21	19	0.18
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD21	1:119:A:GLN:HE21	19	0.18
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD22	1:119:A:GLN:HE21	19	0.18
(4,3077)	1:116:A:LEU:HD23	1:119:A:GLN:HE21	19	0.18
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD11	9	0.18
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD12	9	0.18
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD13	9	0.18
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD21	9	0.18
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD22	9	0.18
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB2	1:105:A:LEU:HD23	9	0.18
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD11	9	0.18
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD12	9	0.18
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD13	9	0.18
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD21	9	0.18
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD22	9	0.18
(4,3047)	1:103:A:GLN:HB3	1:105:A:LEU:HD23	9	0.18
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HE1	13	0.18
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HE1	13	0.18
(4,3030)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HE1	13	0.18
(4,3013)	1:32:A:ALA:H	1:235:A:TRP:H	7	0.18
(4,2999)	1:184:A:ASN:HD21	1:189:A:LEU:H	20	0.18
(4,2999)	1:184:A:ASN:HD22	1:189:A:LEU:H	20	0.18
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD11	12	0.18
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD12	12	0.18
(4,2942)	1:13:A:SER:H	1:58:A:LEU:HD13	12	0.18
(4,2938)	1:27:A:LEU:HA	1:105:A:LEU:HB2	18	0.18
(4,2864)	1:224:A:LEU:H	1:226:A:PHE:H	8	0.18
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HB2	4	0.18
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HB3	4	0.18
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HB2	4	0.18
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HB3	4	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2806)	1:92:A:LEU:CD2	1:141:A:VAL:HG11	8	0.18
(4,2806)	1:92:A:LEU:CD2	1:141:A:VAL:HG12	8	0.18
(4,2806)	1:92:A:LEU:CD2	1:141:A:VAL:HG13	8	0.18
(4,2806)	1:92:A:LEU:CD2	1:141:A:VAL:HG21	8	0.18
(4,2806)	1:92:A:LEU:CD2	1:141:A:VAL:HG22	8	0.18
(4,2806)	1:92:A:LEU:CD2	1:141:A:VAL:HG23	8	0.18
(4,2707)	1:20:A:ASN:HB2	1:21:A:PHE:HD1	5	0.18
(4,2707)	1:20:A:ASN:HB2	1:21:A:PHE:HD2	5	0.18
(4,2707)	1:20:A:ASN:HB3	1:21:A:PHE:HD1	5	0.18
(4,2707)	1:20:A:ASN:HB3	1:21:A:PHE:HD2	5	0.18
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD1	1:190:A:TYR:H	14	0.18
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD2	1:190:A:TYR:H	14	0.18
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	20	0.18
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	20	0.18
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	20	0.18
(4,2664)	1:167:A:TYR:H	1:168:A:ILE:HD11	5	0.18
(4,2664)	1:167:A:TYR:H	1:168:A:ILE:HD12	5	0.18
(4,2664)	1:167:A:TYR:H	1:168:A:ILE:HD13	5	0.18
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD11	2	0.18
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD12	2	0.18
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD13	2	0.18
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD21	2	0.18
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD22	2	0.18
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD23	2	0.18
(4,2634)	1:214:A:TYR:H	1:217:A:ASN:H	16	0.18
(4,2626)	1:145:A:ASN:H	1:148:A:THR:H	15	0.18
(4,2559)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD21	12	0.18
(4,2497)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HZ3	15	0.18
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD11	10	0.18
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD12	10	0.18
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD13	10	0.18
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD21	10	0.18
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD22	10	0.18
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD23	10	0.18
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD11	10	0.18
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD12	10	0.18
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD13	10	0.18
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD21	10	0.18
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD22	10	0.18
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD23	10	0.18
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD11	20	0.18
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD12	20	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD13	20	0.18
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG2	1:157:A:PRO:HB3	5	0.18
(4,2446)	1:153:A:GLN:HG3	1:157:A:PRO:HB3	5	0.18
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD11	12	0.18
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD12	12	0.18
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD13	12	0.18
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD21	12	0.18
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD22	12	0.18
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD23	12	0.18
(4,2433)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:H	11	0.18
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:H	16	0.18
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:H	16	0.18
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:H	16	0.18
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:H	16	0.18
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:H	16	0.18
(4,2422)	1:191:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:H	16	0.18
(4,2397)	1:210:A:ARG:HG2	1:212:A:ALA:H	3	0.18
(4,2397)	1:210:A:ARG:HG3	1:212:A:ALA:H	3	0.18
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD11	18	0.18
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD12	18	0.18
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD13	18	0.18
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD11	18	0.18
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD12	18	0.18
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD13	18	0.18
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD11	18	0.18
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD12	18	0.18
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD13	18	0.18
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD21	13	0.18
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD22	13	0.18
(4,2252)	1:102:A:ASN:H	1:112:A:LEU:HD23	13	0.18
(4,2251)	1:3:A:GLY:H	1:4:A:GLU:HB2	12	0.18
(4,2251)	1:3:A:GLY:H	1:4:A:GLU:HB3	12	0.18
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HB2	12	0.18
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HB3	12	0.18
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HB2	12	0.18
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HB3	12	0.18
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HB2	12	0.18
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HB3	12	0.18
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HB2	12	0.18
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HB3	12	0.18
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HB2	12	0.18
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HB3	12	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HB2	12	0.18
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HB3	12	0.18
(4,2216)	1:210:A:ARG:HG2	1:213:A:SER:H	2	0.18
(4,2216)	1:210:A:ARG:HG3	1:213:A:SER:H	2	0.18
(4,2196)	1:18:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD1	1	0.18
(4,2196)	1:18:A:PHE:H	1:33:A:TYR:HD2	1	0.18
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	20	0.18
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	20	0.18
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	20	0.18
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	20	0.18
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	20	0.18
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	20	0.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG12	1	0.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD11	1:95:A:ILE:HG13	1	0.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG12	1	0.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD12	1:95:A:ILE:HG13	1	0.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG12	1	0.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD13	1:95:A:ILE:HG13	1	0.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG12	1	0.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HG13	1	0.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG12	1	0.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HG13	1	0.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG12	1	0.18
(4,2114)	1:58:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HG13	1	0.18
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	14	0.18
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	14	0.18
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	14	0.18
(4,1977)	1:56:A:VAL:H	1:170:A:TYR:HD1	19	0.18
(4,1977)	1:56:A:VAL:H	1:170:A:TYR:HD2	19	0.18
(4,1975)	1:44:A:LEU:HA	1:48:A:LEU:H	19	0.18
(4,1894)	1:177:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HE21	19	0.18
(4,1894)	1:177:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HE22	19	0.18
(4,1879)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HB3	1	0.18
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD11	12	0.18
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD12	12	0.18
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD13	12	0.18
(4,1858)	1:19:A:THR:HG21	1:23:A:HIS:H	5	0.18
(4,1858)	1:19:A:THR:HG22	1:23:A:HIS:H	5	0.18
(4,1858)	1:19:A:THR:HG23	1:23:A:HIS:H	5	0.18
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD2	18	0.18
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB2	1:66:A:LYS:HD3	18	0.18
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD2	18	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1846)	1:65:A:ARG:HB3	1:66:A:LYS:HD3	18	0.18
(4,1760)	1:178:A:PHE:H	1:179:A:GLU:HB2	18	0.18
(4,1760)	1:178:A:PHE:H	1:179:A:GLU:HB3	18	0.18
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:CG1	13	0.18
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:CG1	13	0.18
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:CG1	13	0.18
(4,1739)	1:222:A:ASP:H	1:224:A:LEU:H	5	0.18
(4,1739)	1:222:A:ASP:H	1:224:A:LEU:H	10	0.18
(4,1676)	1:172:A:GLU:HB3	1:176:A:GLY:H	3	0.18
(4,1666)	1:55:A:ILE:HD11	1:202:A:ILE:HB	1	0.18
(4,1666)	1:55:A:ILE:HD12	1:202:A:ILE:HB	1	0.18
(4,1666)	1:55:A:ILE:HD13	1:202:A:ILE:HB	1	0.18
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB2	9	0.18
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB3	9	0.18
(4,1600)	1:225:A:ASN:H	1:226:A:PHE:HB2	5	0.18
(4,1595)	1:193:A:LYS:H	1:194:A:SER:HA	2	0.18
(4,1595)	1:193:A:LYS:H	1:194:A:SER:HA	5	0.18
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG11	20	0.18
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG12	20	0.18
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG13	20	0.18
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG21	20	0.18
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG22	20	0.18
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG23	20	0.18
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG11	20	0.18
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG12	20	0.18
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG13	20	0.18
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG21	20	0.18
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG22	20	0.18
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG23	20	0.18
(4,1559)	1:29:A:ASN:HD21	1:30:A:GLU:H	14	0.18
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD11	14	0.18
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD12	14	0.18
(4,1550)	1:31:A:TRP:HZ3	1:99:A:LEU:HD13	14	0.18
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:CG2	7	0.18
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:CG2	7	0.18
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:CG2	7	0.18
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:CG2	7	0.18
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:CG2	7	0.18
(4,1548)	1:39:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:CG2	7	0.18
(4,1531)	1:156:A:ALA:H	1:157:A:PRO:HB3	13	0.18
(4,1453)	1:31:A:TRP:HB2	1:231:A:LEU:HD11	5	0.18
(4,1453)	1:31:A:TRP:HB2	1:231:A:LEU:HD12	5	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1453)	1:31:A:TRP:HB2	1:231:A:LEU:HD13	5	0.18
(4,1453)	1:31:A:TRP:HB2	1:231:A:LEU:HD21	5	0.18
(4,1453)	1:31:A:TRP:HB2	1:231:A:LEU:HD22	5	0.18
(4,1453)	1:31:A:TRP:HB2	1:231:A:LEU:HD23	5	0.18
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG2	18	0.18
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD21	1:144:A:GLU:HG3	18	0.18
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG2	18	0.18
(4,1443)	1:140:A:ASN:HD22	1:144:A:GLU:HG3	18	0.18
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD1	3	0.18
(4,1420)	1:58:A:LEU:H	1:226:A:PHE:HD2	3	0.18
(4,1392)	1:178:A:PHE:HA	1:189:A:LEU:H	11	0.18
(4,1355)	1:189:A:LEU:HG	1:191:A:LEU:H	1	0.18
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD22	3	0.18
(4,1352)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD22	3	0.18
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG11	13	0.18
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG12	13	0.18
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG13	13	0.18
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG21	13	0.18
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG22	13	0.18
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG23	13	0.18
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG11	6	0.18
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG12	6	0.18
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG13	6	0.18
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG21	6	0.18
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG22	6	0.18
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG23	6	0.18
(4,1218)	1:58:A:LEU:HD11	1:227:A:ALA:H	11	0.18
(4,1218)	1:58:A:LEU:HD12	1:227:A:ALA:H	11	0.18
(4,1218)	1:58:A:LEU:HD13	1:227:A:ALA:H	11	0.18
(4,1195)	1:197:A:THR:HG21	1:198:A:ALA:HA	2	0.18
(4,1195)	1:197:A:THR:HG22	1:198:A:ALA:HA	2	0.18
(4,1195)	1:197:A:THR:HG23	1:198:A:ALA:HA	2	0.18
(4,1192)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB3	18	0.18
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD11	3	0.18
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD12	3	0.18
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD13	3	0.18
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD21	3	0.18
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD22	3	0.18
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD11	1:165:A:LEU:HD23	3	0.18
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD11	3	0.18
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD12	3	0.18
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD13	3	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD21	3	0.18
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD22	3	0.18
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD12	1:165:A:LEU:HD23	3	0.18
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD11	3	0.18
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD12	3	0.18
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD13	3	0.18
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD21	3	0.18
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD22	3	0.18
(4,1179)	1:61:A:ILE:HD13	1:165:A:LEU:HD23	3	0.18
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD21	1:114:A:ASN:H	20	0.18
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD22	1:114:A:ASN:H	20	0.18
(4,1176)	1:112:A:LEU:HD23	1:114:A:ASN:H	20	0.18
(4,1153)	1:81:A:TRP:HZ3	1:82:A:PHE:H	18	0.18
(4,1144)	1:18:A:PHE:H	1:21:A:PHE:HD1	19	0.18
(4,1144)	1:18:A:PHE:H	1:21:A:PHE:HD2	19	0.18
(4,1143)	1:164:A:ASN:HD21	1:165:A:LEU:H	6	0.18
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG21	20	0.18
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG22	20	0.18
(4,1116)	1:55:A:ILE:CD1	1:207:A:VAL:HG23	20	0.18
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB1	20	0.18
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB2	20	0.18
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD11	1:198:A:ALA:HB3	20	0.18
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB1	20	0.18
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB2	20	0.18
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD12	1:198:A:ALA:HB3	20	0.18
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB1	20	0.18
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB2	20	0.18
(4,1106)	1:177:A:ILE:HD13	1:198:A:ALA:HB3	20	0.18
(4,1099)	1:45:A:LEU:HG	1:202:A:ILE:HB	20	0.18
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD11	1:49:A:PRO:HB2	13	0.18
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD11	1:49:A:PRO:HB3	13	0.18
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD12	1:49:A:PRO:HB2	13	0.18
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD12	1:49:A:PRO:HB3	13	0.18
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD13	1:49:A:PRO:HB2	13	0.18
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD13	1:49:A:PRO:HB3	13	0.18
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD21	1:49:A:PRO:HB2	13	0.18
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD21	1:49:A:PRO:HB3	13	0.18
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD22	1:49:A:PRO:HB2	13	0.18
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD22	1:49:A:PRO:HB3	13	0.18
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD23	1:49:A:PRO:HB2	13	0.18
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD23	1:49:A:PRO:HB3	13	0.18
(4,1029)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	5	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD11	6	0.18
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD12	6	0.18
(4,967)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HD13	6	0.18
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD11	16	0.18
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD12	16	0.18
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD13	16	0.18
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD21	16	0.18
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD22	16	0.18
(4,959)	1:55:A:ILE:HG21	1:57:A:LEU:HD23	16	0.18
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD11	16	0.18
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD12	16	0.18
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD13	16	0.18
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD21	16	0.18
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD22	16	0.18
(4,959)	1:55:A:ILE:HG22	1:57:A:LEU:HD23	16	0.18
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD11	16	0.18
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD12	16	0.18
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD13	16	0.18
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD21	16	0.18
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD22	16	0.18
(4,959)	1:55:A:ILE:HG23	1:57:A:LEU:HD23	16	0.18
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB2	20	0.18
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB3	20	0.18
(4,891)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:HB	5	0.18
(4,891)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:HB	5	0.18
(4,891)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:HB	5	0.18
(4,891)	1:206:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:HB	5	0.18
(4,891)	1:206:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:HB	5	0.18
(4,891)	1:206:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:HB	5	0.18
(4,866)	1:36:A:ILE:HB	1:38:A:SER:HA	9	0.18
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD21	14	0.18
(4,836)	1:92:A:LEU:H	1:145:A:ASN:HD22	14	0.18
(4,777)	1:74:A:THR:HB	1:76:A:SER:HA	13	0.18
(4,770)	1:39:A:LEU:HA	1:41:A:GLU:HB2	9	0.18
(4,655)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HB2	13	0.18
(4,655)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HB3	13	0.18
(4,569)	1:91:A:GLY:H	1:167:A:TYR:HD1	7	0.18
(4,569)	1:91:A:GLY:H	1:167:A:TYR:HD2	7	0.18
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD11	16	0.18
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD12	16	0.18
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD13	16	0.18
(4,548)	1:127:A:ASN:HD21	1:128:A:ARG:H	14	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,535)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD21	12	0.18
(4,476)	1:206:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:H	9	0.18
(4,476)	1:206:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:H	9	0.18
(4,476)	1:206:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:H	9	0.18
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD21	12	0.18
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD22	12	0.18
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD21	12	0.18
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD22	12	0.18
(4,422)	1:43:A:GLU:HG2	1:45:A:LEU:H	4	0.18
(4,422)	1:43:A:GLU:HG3	1:45:A:LEU:H	4	0.18
(4,385)	1:106:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	2	0.18
(4,385)	1:106:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	2	0.18
(4,385)	1:106:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	2	0.18
(4,370)	1:216:A:GLU:HG2	1:217:A:ASN:HD21	12	0.18
(4,370)	1:216:A:GLU:HG2	1:217:A:ASN:HD22	12	0.18
(4,370)	1:216:A:GLU:HG3	1:217:A:ASN:HD21	12	0.18
(4,370)	1:216:A:GLU:HG3	1:217:A:ASN:HD22	12	0.18
(4,352)	1:202:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HB2	14	0.18
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB2	3	0.18
(4,351)	1:55:A:ILE:HA	1:201:A:LEU:HB3	3	0.18
(4,341)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HB	10	0.18
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD11	11	0.18
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD12	11	0.18
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD13	11	0.18
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD21	11	0.18
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD22	11	0.18
(4,339)	1:56:A:VAL:H	1:58:A:LEU:HD23	11	0.18
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD11	3	0.18
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD12	3	0.18
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD13	3	0.18
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD21	3	0.18
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD22	3	0.18
(4,294)	1:100:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD23	3	0.18
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG21	12	0.18
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG22	12	0.18
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG23	12	0.18
(4,238)	1:79:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:H	19	0.18
(4,238)	1:79:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:H	19	0.18
(4,238)	1:79:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:H	19	0.18
(4,196)	1:177:A:ILE:HG21	1:207:A:VAL:HA	20	0.18
(4,196)	1:177:A:ILE:HG22	1:207:A:VAL:HA	20	0.18
(4,196)	1:177:A:ILE:HG23	1:207:A:VAL:HA	20	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,84)	1:162:A:ASP:H	1:163:A:THR:H	20	0.18
(4,56)	1:129:A:PHE:HD1	1:130:A:ASP:H	18	0.18
(4,56)	1:129:A:PHE:HD2	1:130:A:ASP:H	18	0.18
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD11	20	0.18
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD12	20	0.18
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD13	20	0.18
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD21	20	0.18
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD22	20	0.18
(4,3)	1:58:A:LEU:H	1:229:A:LEU:HD23	20	0.18
(3,21)	1:169:A:THR:H	1:180:A:LEU:O	20	0.18
(3,18)	1:32:A:ALA:O	1:232:A:GLY:H	10	0.18
(3,17)	1:59:A:PHE:H	1:166:A:HIS:O	7	0.18
(3,17)	1:59:A:PHE:H	1:166:A:HIS:O	12	0.18
(3,16)	1:59:A:PHE:O	1:166:A:HIS:H	20	0.18
(3,12)	1:34:A:PHE:O	1:230:A:GLY:H	17	0.18
(3,11)	1:54:A:ALA:O	1:231:A:LEU:H	9	0.18
(3,5)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:O	18	0.18
(2,514)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:ND2	8	0.18
(2,342)	1:165:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	1	0.18
(1,470)	1:5:A:ASN:ND2	1:23:A:HIS:H	1	0.18
(1,449)	1:5:A:ASN:ND2	1:119:A:GLN:H	19	0.18
(1,319)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	1	0.18
(1,208)	1:17:A:VAL:H	1:225:A:ASN:ND2	3	0.18
(5,794)	1:5:A:ASN:ND2	1:36:A:ILE:H	8	0.17
(5,697)	1:5:A:ASN:ND2	1:73:A:ILE:H	2	0.17
(5,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:222:A:ASP:H	15	0.17
(5,388)	1:5:A:ASN:ND2	1:130:A:ASP:H	8	0.17
(5,299)	1:156:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	19	0.17
(4,4319)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG11	5	0.17
(4,4319)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG12	5	0.17
(4,4319)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG13	5	0.17
(4,4311)	1:177:A:ILE:H	1:195:A:ASP:H	10	0.17
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB2	11	0.17
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD11	1:13:A:SER:HB3	11	0.17
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB2	11	0.17
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD12	1:13:A:SER:HB3	11	0.17
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB2	11	0.17
(4,4265)	1:11:A:ILE:HD13	1:13:A:SER:HB3	11	0.17
(4,4251)	1:81:A:TRP:HH2	1:184:A:ASN:H	5	0.17
(4,4241)	1:73:A:ILE:HG21	1:74:A:THR:HA	9	0.17
(4,4241)	1:73:A:ILE:HG22	1:74:A:THR:HA	9	0.17
(4,4241)	1:73:A:ILE:HG23	1:74:A:THR:HA	9	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4210)	1:56:A:VAL:H	1:228:A:MET:HA	7	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD11	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD12	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD13	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD21	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD22	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD23	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD11	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD12	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD13	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD21	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD22	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD23	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD11	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD12	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD13	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD21	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD22	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD23	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD11	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD12	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD13	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD21	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD22	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD23	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD11	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD12	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD13	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD21	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD22	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD23	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD11	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD12	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD13	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD21	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD22	19	0.17
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD23	19	0.17
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:H	19	0.17
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:H	19	0.17
(4,4160)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:H	19	0.17
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD21	7	0.17
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD22	7	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD23	7	0.17
(4,4108)	1:111:A:ASP:H	1:114:A:ASN:H	7	0.17
(4,4051)	1:177:A:ILE:HG21	1:204:A:GLN:HB3	3	0.17
(4,4051)	1:177:A:ILE:HG22	1:204:A:GLN:HB3	3	0.17
(4,4051)	1:177:A:ILE:HG23	1:204:A:GLN:HB3	3	0.17
(4,4047)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:H	19	0.17
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB2	7	0.17
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD11	1:29:A:ASN:HB3	7	0.17
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB2	7	0.17
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD12	1:29:A:ASN:HB3	7	0.17
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB2	7	0.17
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD13	1:29:A:ASN:HB3	7	0.17
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB2	7	0.17
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD21	1:29:A:ASN:HB3	7	0.17
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB2	7	0.17
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD22	1:29:A:ASN:HB3	7	0.17
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB2	7	0.17
(4,4027)	1:27:A:LEU:HD23	1:29:A:ASN:HB3	7	0.17
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD11	1:111:A:ASP:H	13	0.17
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD12	1:111:A:ASP:H	13	0.17
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD13	1:111:A:ASP:H	13	0.17
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG11	5	0.17
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG12	5	0.17
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG13	5	0.17
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG21	5	0.17
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG22	5	0.17
(4,4015)	1:79:A:VAL:HB	1:171:A:VAL:HG23	5	0.17
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG11	1:141:A:VAL:HB	10	0.17
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG12	1:141:A:VAL:HB	10	0.17
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG13	1:141:A:VAL:HB	10	0.17
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG21	1:141:A:VAL:HB	10	0.17
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG22	1:141:A:VAL:HB	10	0.17
(4,3989)	1:138:A:VAL:HG23	1:141:A:VAL:HB	10	0.17
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD1	11	0.17
(4,3986)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HD2	11	0.17
(4,3975)	1:109:A:GLY:H	1:114:A:ASN:H	6	0.17
(4,3966)	1:147:A:GLN:HE21	1:148:A:THR:H	8	0.17
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD11	2	0.17
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD12	2	0.17
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD1	1:95:A:ILE:HD13	2	0.17
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD11	2	0.17
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD12	2	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3947)	1:33:A:TYR:HD2	1:95:A:ILE:HD13	2	0.17
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD2	13	0.17
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD3	13	0.17
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD2	13	0.17
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD3	13	0.17
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	3	0.17
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	3	0.17
(4,3934)	1:8:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	3	0.17
(4,3928)	1:56:A:VAL:HG11	1:170:A:TYR:H	19	0.17
(4,3928)	1:56:A:VAL:HG12	1:170:A:TYR:H	19	0.17
(4,3928)	1:56:A:VAL:HG13	1:170:A:TYR:H	19	0.17
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:HA	4	0.17
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:HA	4	0.17
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:HA	4	0.17
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:HA	4	0.17
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:HA	4	0.17
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:HA	4	0.17
(4,3912)	1:137:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HA	19	0.17
(4,3912)	1:137:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HA	19	0.17
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD11	1:202:A:ILE:HA	7	0.17
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD12	1:202:A:ILE:HA	7	0.17
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD13	1:202:A:ILE:HA	7	0.17
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD11	1:202:A:ILE:HA	17	0.17
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD12	1:202:A:ILE:HA	17	0.17
(4,3861)	1:45:A:LEU:HD13	1:202:A:ILE:HA	17	0.17
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB2	7	0.17
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB2	7	0.17
(4,3819)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD11	14	0.17
(4,3819)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD12	14	0.17
(4,3819)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD13	14	0.17
(4,3819)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD11	14	0.17
(4,3819)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD12	14	0.17
(4,3819)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD13	14	0.17
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD11	16	0.17
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD12	16	0.17
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD13	16	0.17
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD11	16	0.17
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD12	16	0.17
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD13	16	0.17
(4,3773)	1:80:A:ILE:H	1:101:A:ASN:HD21	7	0.17
(4,3773)	1:80:A:ILE:H	1:101:A:ASN:HD22	7	0.17
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE1	1:230:A:GLY:H	12	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3761)	1:33:A:TYR:HE2	1:230:A:GLY:H	12	0.17
(4,3753)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:H	12	0.17
(4,3714)	1:19:A:THR:HG1	1:33:A:TYR:H	15	0.17
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	3	0.17
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	3	0.17
(4,3680)	1:217:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	19	0.17
(4,3679)	1:22:A:ALA:H	1:24:A:LYS:HG2	9	0.17
(4,3679)	1:22:A:ALA:H	1:24:A:LYS:HG3	9	0.17
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG11	15	0.17
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG12	15	0.17
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG13	15	0.17
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG21	15	0.17
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG22	15	0.17
(4,3670)	1:171:A:VAL:H	1:207:A:VAL:HG23	15	0.17
(4,3661)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:HB2	16	0.17
(4,3661)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:HB3	16	0.17
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG21	1:146:A:VAL:H	7	0.17
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG22	1:146:A:VAL:H	7	0.17
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG23	1:146:A:VAL:H	7	0.17
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG21	1:146:A:VAL:H	16	0.17
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG22	1:146:A:VAL:H	16	0.17
(4,3642)	1:142:A:ILE:HG23	1:146:A:VAL:H	16	0.17
(4,3600)	1:195:A:ASP:H	1:196:A:PRO:HA	6	0.17
(4,3431)	1:50:A:ARG:H	1:235:A:TRP:HZ2	7	0.17
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD11	1	0.17
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD12	1	0.17
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD13	1	0.17
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD21	1	0.17
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD22	1	0.17
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD23	1	0.17
(4,3355)	1:54:A:ALA:HA	1:170:A:TYR:H	4	0.17
(4,3319)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:H	2	0.17
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:HA	4	0.17
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:HA	4	0.17
(4,3292)	1:112:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:HA	4	0.17
(4,3286)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HA	13	0.17
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	1	0.17
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	1	0.17
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	1	0.17
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	1	0.17
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	1	0.17
(4,3250)	1:102:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	1	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3207)	1:172:A:GLU:HA	1:177:A:ILE:H	9	0.17
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE1	1:194:A:SER:H	10	0.17
(4,3029)	1:190:A:TYR:HE2	1:194:A:SER:H	10	0.17
(4,3010)	1:81:A:TRP:H	1:127:A:ASN:HD22	12	0.17
(4,2995)	1:116:A:LEU:HA	1:119:A:GLN:HG2	4	0.17
(4,2995)	1:116:A:LEU:HA	1:119:A:GLN:HG3	4	0.17
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD21	12	0.17
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD22	12	0.17
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD23	12	0.17
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD21	12	0.17
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD22	12	0.17
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD23	12	0.17
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD21	12	0.17
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD22	12	0.17
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD23	12	0.17
(4,2985)	1:171:A:VAL:HB	1:172:A:GLU:HG2	6	0.17
(4,2985)	1:171:A:VAL:HB	1:172:A:GLU:HG3	6	0.17
(4,2979)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:HB2	10	0.17
(4,2979)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:HB3	10	0.17
(4,2979)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:HB2	17	0.17
(4,2979)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:HB3	17	0.17
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG11	12	0.17
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG12	12	0.17
(4,2953)	1:98:A:SER:H	1:171:A:VAL:HG13	12	0.17
(4,2923)	1:36:A:ILE:H	1:38:A:SER:H	3	0.17
(4,2923)	1:36:A:ILE:H	1:38:A:SER:H	8	0.17
(4,2893)	1:153:A:GLN:HA	1:157:A:PRO:HD3	10	0.17
(4,2865)	1:221:A:GLU:HB2	1:222:A:ASP:HB3	7	0.17
(4,2865)	1:221:A:GLU:HB3	1:222:A:ASP:HB3	7	0.17
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB1	20	0.17
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB2	20	0.17
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB3	20	0.17
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB1	20	0.17
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB2	20	0.17
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB3	20	0.17
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB1	20	0.17
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB2	20	0.17
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB3	20	0.17
(4,2750)	1:165:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HD1	19	0.17
(4,2750)	1:165:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:HD2	19	0.17
(4,2750)	1:165:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HD1	19	0.17
(4,2750)	1:165:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:HD2	19	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2750)	1:165:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HD1	19	0.17
(4,2750)	1:165:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:HD2	19	0.17
(4,2750)	1:165:A:LEU:HD21	1:167:A:TYR:HD1	19	0.17
(4,2750)	1:165:A:LEU:HD21	1:167:A:TYR:HD2	19	0.17
(4,2750)	1:165:A:LEU:HD22	1:167:A:TYR:HD1	19	0.17
(4,2750)	1:165:A:LEU:HD22	1:167:A:TYR:HD2	19	0.17
(4,2750)	1:165:A:LEU:HD23	1:167:A:TYR:HD1	19	0.17
(4,2750)	1:165:A:LEU:HD23	1:167:A:TYR:HD2	19	0.17
(4,2728)	1:177:A:ILE:HG13	1:178:A:PHE:H	8	0.17
(4,2696)	1:31:A:TRP:H	1:31:A:TRP:HE1	12	0.17
(4,2692)	1:28:A:LYS:H	1:31:A:TRP:HB3	13	0.17
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD1	1:218:A:ALA:HB1	5	0.17
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD1	1:218:A:ALA:HB2	5	0.17
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD1	1:218:A:ALA:HB3	5	0.17
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD2	1:218:A:ALA:HB1	5	0.17
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD2	1:218:A:ALA:HB2	5	0.17
(4,2632)	1:214:A:TYR:HD2	1:218:A:ALA:HB3	5	0.17
(4,2621)	1:40:A:THR:HA	1:203:A:GLU:HA	3	0.17
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG12	1:206:A:LEU:H	15	0.17
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG13	1:206:A:LEU:H	15	0.17
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD11	16	0.17
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD12	16	0.17
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD13	16	0.17
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD21	16	0.17
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD22	16	0.17
(4,2615)	1:36:A:ILE:HA	1:44:A:LEU:HD23	16	0.17
(4,2612)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HA	9	0.17
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD1	16	0.17
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD2	16	0.17
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:H	19	0.17
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:H	19	0.17
(4,2543)	1:119:A:GLN:HE21	1:134:A:THR:HB	3	0.17
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG11	20	0.17
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG12	20	0.17
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG13	20	0.17
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG21	20	0.17
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG22	20	0.17
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD2	1:209:A:VAL:HG23	20	0.17
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG11	20	0.17
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG12	20	0.17
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG13	20	0.17
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG21	20	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG22	20	0.17
(4,2531)	1:208:A:ARG:HD3	1:209:A:VAL:HG23	20	0.17
(4,2364)	1:166:A:HIS:H	1:167:A:TYR:HD1	18	0.17
(4,2364)	1:166:A:HIS:H	1:167:A:TYR:HD2	18	0.17
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB2	1:168:A:ILE:H	2	0.17
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB3	1:168:A:ILE:H	2	0.17
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG2	14	0.17
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB2	1:144:A:GLU:HG3	14	0.17
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG2	14	0.17
(4,2342)	1:140:A:ASN:HB3	1:144:A:GLU:HG3	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD11	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD12	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD13	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD21	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD22	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD23	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD11	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD12	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD13	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD21	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD22	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD23	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD11	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD12	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD13	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD21	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD22	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD23	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD11	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD12	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD13	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD21	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD22	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD23	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD11	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD12	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD13	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD21	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD22	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD23	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD11	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD12	2	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD13	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD21	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD22	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD23	2	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD11	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD12	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD13	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD21	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD22	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD23	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD11	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD12	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD13	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD21	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD22	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD23	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD11	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD12	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD13	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD21	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD22	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD23	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD11	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD12	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD13	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD21	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD22	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD23	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD11	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD12	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD13	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD21	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD22	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD23	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD11	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD12	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD13	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD21	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD22	14	0.17
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD23	14	0.17
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG21	19	0.17
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG22	19	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2309)	1:86:A:VAL:HA	1:142:A:ILE:HG23	19	0.17
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD21	10	0.17
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD22	10	0.17
(4,2275)	1:53:A:LYS:H	1:201:A:LEU:HD23	10	0.17
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG11	1:189:A:LEU:H	14	0.17
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG12	1:189:A:LEU:H	14	0.17
(4,2273)	1:79:A:VAL:HG13	1:189:A:LEU:H	14	0.17
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD1	1:177:A:ILE:HG21	5	0.17
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD1	1:177:A:ILE:HG22	5	0.17
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD1	1:177:A:ILE:HG23	5	0.17
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD2	1:177:A:ILE:HG21	5	0.17
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD2	1:177:A:ILE:HG22	5	0.17
(4,2235)	1:170:A:TYR:HD2	1:177:A:ILE:HG23	5	0.17
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD11	1:164:A:ASN:HD21	3	0.17
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD12	1:164:A:ASN:HD21	3	0.17
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD13	1:164:A:ASN:HD21	3	0.17
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD11	1:164:A:ASN:HD21	4	0.17
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD12	1:164:A:ASN:HD21	4	0.17
(4,2225)	1:61:A:ILE:HD13	1:164:A:ASN:HD21	4	0.17
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:H	19	0.17
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:H	19	0.17
(4,2204)	1:201:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:H	19	0.17
(4,2186)	1:142:A:ILE:HG21	1:143:A:LYS:HA	10	0.17
(4,2186)	1:142:A:ILE:HG22	1:143:A:LYS:HA	10	0.17
(4,2186)	1:142:A:ILE:HG23	1:143:A:LYS:HA	10	0.17
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG21	10	0.17
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG22	10	0.17
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG23	10	0.17
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG21	15	0.17
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG22	15	0.17
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG23	15	0.17
(4,2041)	1:95:A:ILE:HA	1:98:A:SER:HA	5	0.17
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG11	15	0.17
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG12	15	0.17
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD1	1:56:A:VAL:HG13	15	0.17
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG11	15	0.17
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG12	15	0.17
(4,2024)	1:33:A:TYR:HD2	1:56:A:VAL:HG13	15	0.17
(4,1980)	1:109:A:GLY:HA2	1:114:A:ASN:HD22	14	0.17
(4,1980)	1:109:A:GLY:HA2	1:114:A:ASN:HD22	18	0.17
(4,1965)	1:143:A:LYS:HD2	1:144:A:GLU:H	5	0.17
(4,1965)	1:143:A:LYS:HD3	1:144:A:GLU:H	5	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1965)	1:143:A:LYS:HD2	1:144:A:GLU:H	16	0.17
(4,1965)	1:143:A:LYS:HD3	1:144:A:GLU:H	16	0.17
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD11	19	0.17
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD12	19	0.17
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD13	19	0.17
(4,1915)	1:62:A:ASN:HD21	1:63:A:GLU:H	15	0.17
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	14	0.17
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG12	14	0.17
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	14	0.17
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG21	14	0.17
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG22	14	0.17
(4,1899)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG23	14	0.17
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD11	18	0.17
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD12	18	0.17
(4,1863)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HD13	18	0.17
(4,1856)	1:29:A:ASN:HD22	1:30:A:GLU:H	17	0.17
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG12	7	0.17
(4,1780)	1:176:A:GLY:H	1:177:A:ILE:HG13	7	0.17
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD11	1:115:A:PHE:H	14	0.17
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD12	1:115:A:PHE:H	14	0.17
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD13	1:115:A:PHE:H	14	0.17
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD21	1:115:A:PHE:H	14	0.17
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD22	1:115:A:PHE:H	14	0.17
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD23	1:115:A:PHE:H	14	0.17
(4,1766)	1:86:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD11	19	0.17
(4,1766)	1:86:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD12	19	0.17
(4,1766)	1:86:A:VAL:CG2	1:142:A:ILE:HD13	19	0.17
(4,1742)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD11	6	0.17
(4,1742)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD12	6	0.17
(4,1742)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HD13	6	0.17
(4,1720)	1:5:A:ASN:H	1:7:A:ALA:H	18	0.17
(4,1698)	1:135:A:ASP:HB2	1:139:A:LEU:H	18	0.17
(4,1698)	1:135:A:ASP:HB3	1:139:A:LEU:H	18	0.17
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG12	8	0.17
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG21	1:95:A:ILE:HG13	8	0.17
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG12	8	0.17
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG22	1:95:A:ILE:HG13	8	0.17
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG12	8	0.17
(4,1694)	1:11:A:ILE:HG23	1:95:A:ILE:HG13	8	0.17
(4,1685)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG21	15	0.17
(4,1685)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG22	15	0.17
(4,1685)	1:39:A:LEU:CD2	1:211:A:VAL:HG23	15	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1653)	1:17:A:VAL:H	1:152:A:GLY:HA2	18	0.17
(4,1595)	1:193:A:LYS:H	1:194:A:SER:HA	16	0.17
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD1	1:117:A:LYS:H	12	0.17
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD2	1:117:A:LYS:H	12	0.17
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD11	13	0.17
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD12	13	0.17
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD13	13	0.17
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD21	13	0.17
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD22	13	0.17
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD23	13	0.17
(4,1537)	1:95:A:ILE:H	1:97:A:HIS:H	4	0.17
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB2	7	0.17
(4,1533)	1:27:A:LEU:HA	1:102:A:ASN:HB3	7	0.17
(4,1490)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HD2	15	0.17
(4,1490)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HD3	15	0.17
(4,1490)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HD2	15	0.17
(4,1490)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HD3	15	0.17
(4,1490)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HD2	15	0.17
(4,1490)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HD3	15	0.17
(4,1488)	1:10:A:PRO:HA	1:11:A:ILE:HB	12	0.17
(4,1488)	1:10:A:PRO:HA	1:11:A:ILE:HB	17	0.17
(4,1476)	1:29:A:ASN:HB2	1:30:A:GLU:HG2	20	0.17
(4,1455)	1:107:A:GLU:H	1:112:A:LEU:H	4	0.17
(4,1414)	1:169:A:THR:H	1:169:A:THR:HG1	1	0.17
(4,1412)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HA	10	0.17
(4,1412)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HA	20	0.17
(4,1333)	1:153:A:GLN:HG2	1:157:A:PRO:HD3	2	0.17
(4,1333)	1:153:A:GLN:HG3	1:157:A:PRO:HD3	2	0.17
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG11	19	0.17
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG12	19	0.17
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG13	19	0.17
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG21	19	0.17
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG22	19	0.17
(4,1299)	1:58:A:LEU:H	1:211:A:VAL:HG23	19	0.17
(4,1274)	1:179:A:GLU:H	1:189:A:LEU:H	13	0.17
(4,1244)	1:172:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:H	1	0.17
(4,1244)	1:172:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:H	1	0.17
(4,1239)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD21	13	0.17
(4,1239)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD22	13	0.17
(4,1239)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD23	13	0.17
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG21	8	0.17
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG22	8	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG23	8	0.17
(4,1198)	1:212:A:ALA:H	1:215:A:MET:H	7	0.17
(4,1195)	1:197:A:THR:HG21	1:198:A:ALA:HA	19	0.17
(4,1195)	1:197:A:THR:HG22	1:198:A:ALA:HA	19	0.17
(4,1195)	1:197:A:THR:HG23	1:198:A:ALA:HA	19	0.17
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG12	20	0.17
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG11	1:177:A:ILE:HG13	20	0.17
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG12	20	0.17
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG12	1:177:A:ILE:HG13	20	0.17
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG12	20	0.17
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG13	1:177:A:ILE:HG13	20	0.17
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG12	20	0.17
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG21	1:177:A:ILE:HG13	20	0.17
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG12	20	0.17
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG22	1:177:A:ILE:HG13	20	0.17
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG12	20	0.17
(4,1048)	1:171:A:VAL:HG23	1:177:A:ILE:HG13	20	0.17
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB1	10	0.17
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB2	10	0.17
(4,1003)	1:151:A:THR:HG21	1:156:A:ALA:HB3	10	0.17
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB1	10	0.17
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB2	10	0.17
(4,1003)	1:151:A:THR:HG22	1:156:A:ALA:HB3	10	0.17
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB1	10	0.17
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB2	10	0.17
(4,1003)	1:151:A:THR:HG23	1:156:A:ALA:HB3	10	0.17
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG11	10	0.17
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG12	10	0.17
(4,944)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG13	10	0.17
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG11	10	0.17
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG12	10	0.17
(4,944)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG13	10	0.17
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG11	10	0.17
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG12	10	0.17
(4,944)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG13	10	0.17
(4,940)	1:153:A:GLN:HE21	1:154:A:SER:HA	16	0.17
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG21	20	0.17
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG22	20	0.17
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG23	20	0.17
(4,861)	1:86:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:H	20	0.17
(4,861)	1:86:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:H	20	0.17
(4,861)	1:86:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:H	20	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,861)	1:86:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:H	20	0.17
(4,861)	1:86:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:H	20	0.17
(4,861)	1:86:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:H	20	0.17
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG21	7	0.17
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG22	7	0.17
(4,857)	1:86:A:VAL:H	1:138:A:VAL:HG23	7	0.17
(4,823)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:H	16	0.17
(4,823)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:H	16	0.17
(4,813)	1:36:A:ILE:HD11	1:48:A:LEU:CD2	13	0.17
(4,813)	1:36:A:ILE:HD12	1:48:A:LEU:CD2	13	0.17
(4,813)	1:36:A:ILE:HD13	1:48:A:LEU:CD2	13	0.17
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB2	20	0.17
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB3	20	0.17
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG2	17	0.17
(4,782)	1:207:A:VAL:H	1:208:A:ARG:HG3	17	0.17
(4,758)	1:19:A:THR:HG21	1:21:A:PHE:H	5	0.17
(4,758)	1:19:A:THR:HG22	1:21:A:PHE:H	5	0.17
(4,758)	1:19:A:THR:HG23	1:21:A:PHE:H	5	0.17
(4,743)	1:217:A:ASN:HB3	1:218:A:ALA:HB1	7	0.17
(4,743)	1:217:A:ASN:HB3	1:218:A:ALA:HB2	7	0.17
(4,743)	1:217:A:ASN:HB3	1:218:A:ALA:HB3	7	0.17
(4,691)	1:52:A:VAL:HG21	1:55:A:ILE:CD1	9	0.17
(4,691)	1:52:A:VAL:HG22	1:55:A:ILE:CD1	9	0.17
(4,691)	1:52:A:VAL:HG23	1:55:A:ILE:CD1	9	0.17
(4,638)	1:73:A:ILE:HG21	1:186:A:SER:H	10	0.17
(4,638)	1:73:A:ILE:HG22	1:186:A:SER:H	10	0.17
(4,638)	1:73:A:ILE:HG23	1:186:A:SER:H	10	0.17
(4,595)	1:173:A:GLU:H	1:174:A:ASN:HB2	18	0.17
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD11	9	0.17
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD12	9	0.17
(4,553)	1:79:A:VAL:H	1:180:A:LEU:HD13	9	0.17
(4,540)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:H	13	0.17
(4,535)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD21	20	0.17
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD2	12	0.17
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD3	12	0.17
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD2	12	0.17
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD3	12	0.17
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD21	16	0.17
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD22	16	0.17
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD21	16	0.17
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD22	16	0.17
(4,422)	1:43:A:GLU:HG2	1:45:A:LEU:H	3	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,422)	1:43:A:GLU:HG3	1:45:A:LEU:H	3	0.17
(4,391)	1:44:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	16	0.17
(4,391)	1:44:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	16	0.17
(4,391)	1:44:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	16	0.17
(4,379)	1:79:A:VAL:HG21	1:179:A:GLU:H	5	0.17
(4,379)	1:79:A:VAL:HG22	1:179:A:GLU:H	5	0.17
(4,379)	1:79:A:VAL:HG23	1:179:A:GLU:H	5	0.17
(4,372)	1:81:A:TRP:HE3	1:129:A:PHE:H	8	0.17
(4,277)	1:82:A:PHE:HE1	1:99:A:LEU:H	16	0.17
(4,277)	1:82:A:PHE:HE2	1:99:A:LEU:H	16	0.17
(4,238)	1:79:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:H	5	0.17
(4,238)	1:79:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:H	5	0.17
(4,238)	1:79:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:H	5	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD11	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD12	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD13	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD21	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD22	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD11	1:58:A:LEU:HD23	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD11	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD12	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD13	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD21	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD22	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD12	1:58:A:LEU:HD23	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD11	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD12	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD13	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD21	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD22	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD13	1:58:A:LEU:HD23	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD11	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD12	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD13	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD21	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD22	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD21	1:58:A:LEU:HD23	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD11	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD12	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD13	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD21	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD22	7	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,197)	1:57:A:LEU:HD22	1:58:A:LEU:HD23	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD11	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD12	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD13	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD21	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD22	7	0.17
(4,197)	1:57:A:LEU:HD23	1:58:A:LEU:HD23	7	0.17
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD21	14	0.17
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD22	14	0.17
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD23	14	0.17
(4,142)	1:190:A:TYR:HA	1:191:A:LEU:HG	15	0.17
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB2	5	0.17
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB3	5	0.17
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB2	11	0.17
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB3	11	0.17
(4,56)	1:129:A:PHE:HD1	1:130:A:ASP:H	12	0.17
(4,56)	1:129:A:PHE:HD2	1:130:A:ASP:H	12	0.17
(4,33)	1:72:A:GLN:HG2	1:74:A:THR:H	10	0.17
(4,33)	1:72:A:GLN:HG3	1:74:A:THR:H	10	0.17
(3,21)	1:169:A:THR:H	1:180:A:LEU:O	4	0.17
(3,20)	1:57:A:LEU:O	1:168:A:ILE:H	2	0.17
(3,18)	1:32:A:ALA:O	1:232:A:GLY:H	12	0.17
(3,9)	1:55:A:ILE:O	1:170:A:TYR:H	2	0.17
(3,8)	1:179:A:GLU:H	1:189:A:LEU:O	17	0.17
(3,5)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:O	8	0.17
(3,2)	1:58:A:LEU:O	1:227:A:ALA:H	7	0.17
(3,2)	1:58:A:LEU:O	1:227:A:ALA:H	19	0.17
(2,512)	1:5:A:ASN:ND2	1:6:A:ARG:H	8	0.17
(5,602)	1:5:A:ASN:ND2	1:19:A:THR:H	19	0.16
(5,579)	1:5:A:ASN:ND2	1:81:A:TRP:H	17	0.16
(5,521)	1:5:A:ASN:ND2	1:45:A:LEU:H	6	0.16
(5,299)	1:156:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	20	0.16
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG11	17	0.16
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG12	17	0.16
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG13	17	0.16
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG21	17	0.16
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG22	17	0.16
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG23	17	0.16
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG11	17	0.16
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG12	17	0.16
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG13	17	0.16
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG21	17	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG22	17	0.16
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG23	17	0.16
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD1	1:193:A:LYS:H	13	0.16
(4,4284)	1:190:A:TYR:HD2	1:193:A:LYS:H	13	0.16
(4,4274)	1:171:A:VAL:H	1:179:A:GLU:H	12	0.16
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB2	1:173:A:GLU:H	20	0.16
(4,4224)	1:78:A:ASP:HB3	1:173:A:GLU:H	20	0.16
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD21	3	0.16
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD22	3	0.16
(4,4181)	1:83:A:LYS:HG2	1:185:A:LEU:HD23	3	0.16
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HA	5	0.16
(4,4105)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HA	5	0.16
(4,4081)	1:168:A:ILE:H	1:169:A:THR:HG1	16	0.16
(4,4078)	1:57:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:HA	1	0.16
(4,4078)	1:57:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:HA	1	0.16
(4,4078)	1:57:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:HA	1	0.16
(4,4054)	1:23:A:HIS:HD2	1:24:A:LYS:H	4	0.16
(4,4047)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:H	1	0.16
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD11	20	0.16
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD12	20	0.16
(4,4001)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD13	20	0.16
(4,3975)	1:109:A:GLY:H	1:114:A:ASN:H	13	0.16
(4,3946)	1:55:A:ILE:H	1:171:A:VAL:H	4	0.16
(4,3918)	1:184:A:ASN:H	1:187:A:GLY:H	6	0.16
(4,3918)	1:184:A:ASN:H	1:187:A:GLY:H	20	0.16
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD11	1:100:A:SER:H	2	0.16
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD12	1:100:A:SER:H	2	0.16
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD13	1:100:A:SER:H	2	0.16
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB2	1:5:A:ASN:HD21	16	0.16
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB3	1:5:A:ASN:HD21	16	0.16
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	9	0.16
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	9	0.16
(4,3873)	1:201:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	9	0.16
(4,3812)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HD1	12	0.16
(4,3812)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HD2	12	0.16
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:H	2	0.16
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:H	2	0.16
(4,3792)	1:39:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:H	2	0.16
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD11	1:117:A:LYS:HG2	17	0.16
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD11	1:117:A:LYS:HG3	17	0.16
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD12	1:117:A:LYS:HG2	17	0.16
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD12	1:117:A:LYS:HG3	17	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD13	1:117:A:LYS:HG2	17	0.16
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD13	1:117:A:LYS:HG3	17	0.16
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD21	1:117:A:LYS:HG2	17	0.16
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD21	1:117:A:LYS:HG3	17	0.16
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD22	1:117:A:LYS:HG2	17	0.16
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD22	1:117:A:LYS:HG3	17	0.16
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD23	1:117:A:LYS:HG2	17	0.16
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD23	1:117:A:LYS:HG3	17	0.16
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD21	1:103:A:GLN:H	20	0.16
(4,3702)	1:101:A:ASN:HD22	1:103:A:GLN:H	20	0.16
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD21	18	0.16
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD11	1:102:A:ASN:HD22	18	0.16
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD21	18	0.16
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD12	1:102:A:ASN:HD22	18	0.16
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD21	18	0.16
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD13	1:102:A:ASN:HD22	18	0.16
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD21	18	0.16
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD21	1:102:A:ASN:HD22	18	0.16
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD21	18	0.16
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD22	1:102:A:ASN:HD22	18	0.16
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD21	18	0.16
(4,3692)	1:99:A:LEU:HD23	1:102:A:ASN:HD22	18	0.16
(4,3652)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD11	15	0.16
(4,3652)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD12	15	0.16
(4,3652)	1:35:A:ASP:H	1:229:A:LEU:HD13	15	0.16
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG2	11	0.16
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD11	1:119:A:GLN:HG3	11	0.16
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG2	11	0.16
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD12	1:119:A:GLN:HG3	11	0.16
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG2	11	0.16
(4,3637)	1:80:A:ILE:HD13	1:119:A:GLN:HG3	11	0.16
(4,3625)	1:137:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:H	1	0.16
(4,3625)	1:137:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:H	1	0.16
(4,3602)	1:31:A:TRP:HB2	1:32:A:ALA:HB1	5	0.16
(4,3602)	1:31:A:TRP:HB2	1:32:A:ALA:HB2	5	0.16
(4,3602)	1:31:A:TRP:HB2	1:32:A:ALA:HB3	5	0.16
(4,3597)	1:224:A:LEU:HB2	1:225:A:ASN:HD21	4	0.16
(4,3597)	1:224:A:LEU:HB2	1:225:A:ASN:HD22	4	0.16
(4,3597)	1:224:A:LEU:HB3	1:225:A:ASN:HD21	4	0.16
(4,3597)	1:224:A:LEU:HB3	1:225:A:ASN:HD22	4	0.16
(4,3592)	1:36:A:ILE:H	1:37:A:TYR:HD1	10	0.16
(4,3592)	1:36:A:ILE:H	1:37:A:TYR:HD2	10	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD11	14	0.16
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD12	14	0.16
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD13	14	0.16
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD21	14	0.16
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD22	14	0.16
(4,3582)	1:101:A:ASN:H	1:106:A:LEU:HD23	14	0.16
(4,3576)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:HD21	7	0.16
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB2	11	0.16
(4,3572)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:HB3	11	0.16
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG11	15	0.16
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG12	15	0.16
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG13	15	0.16
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG21	15	0.16
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG22	15	0.16
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:HG23	15	0.16
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG11	15	0.16
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG12	15	0.16
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG13	15	0.16
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG21	15	0.16
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG22	15	0.16
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:HG23	15	0.16
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG11	15	0.16
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG12	15	0.16
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG13	15	0.16
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG21	15	0.16
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG22	15	0.16
(4,3562)	1:7:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:HG23	15	0.16
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB2	1	0.16
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB3	1	0.16
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB2	1	0.16
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB3	1	0.16
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB2	1	0.16
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB3	1	0.16
(4,3482)	1:80:A:ILE:HD11	1:127:A:ASN:HB3	11	0.16
(4,3482)	1:80:A:ILE:HD12	1:127:A:ASN:HB3	11	0.16
(4,3482)	1:80:A:ILE:HD13	1:127:A:ASN:HB3	11	0.16
(4,3481)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:H	19	0.16
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:H	19	0.16
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:H	19	0.16
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:H	19	0.16
(4,3463)	1:49:A:PRO:HG2	1:233:A:PRO:HD2	1	0.16
(4,3463)	1:49:A:PRO:HG2	1:233:A:PRO:HD3	1	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3463)	1:49:A:PRO:HG3	1:233:A:PRO:HD2	1	0.16
(4,3463)	1:49:A:PRO:HG3	1:233:A:PRO:HD3	1	0.16
(4,3428)	1:41:A:GLU:HB2	1:45:A:LEU:H	11	0.16
(4,3394)	1:90:A:CYS:HB2	1:167:A:TYR:H	13	0.16
(4,3394)	1:90:A:CYS:HB3	1:167:A:TYR:H	13	0.16
(4,3319)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:H	6	0.16
(4,3298)	1:190:A:TYR:H	1:191:A:LEU:H	13	0.16
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB1	1:157:A:PRO:HB3	12	0.16
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB2	1:157:A:PRO:HB3	12	0.16
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB3	1:157:A:PRO:HB3	12	0.16
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB1	1:157:A:PRO:HB3	16	0.16
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB2	1:157:A:PRO:HB3	16	0.16
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB3	1:157:A:PRO:HB3	16	0.16
(4,3222)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:H	11	0.16
(4,3206)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:H	18	0.16
(4,3199)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:H	1	0.16
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD11	9	0.16
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD12	9	0.16
(4,3145)	1:13:A:SER:HB3	1:58:A:LEU:HD13	9	0.16
(4,3111)	1:89:A:ALA:H	1:93:A:TYR:HD1	13	0.16
(4,3111)	1:89:A:ALA:H	1:93:A:TYR:HD2	13	0.16
(4,3111)	1:89:A:ALA:H	1:93:A:TYR:HD1	19	0.16
(4,3111)	1:89:A:ALA:H	1:93:A:TYR:HD2	19	0.16
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG2	4	0.16
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG3	4	0.16
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG2	4	0.16
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG3	4	0.16
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG2	4	0.16
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG3	4	0.16
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG21	14	0.16
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG22	14	0.16
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD1	1:142:A:ILE:HG23	14	0.16
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG21	14	0.16
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG22	14	0.16
(4,3083)	1:93:A:TYR:HD2	1:142:A:ILE:HG23	14	0.16
(4,3082)	1:148:A:THR:HB	1:149:A:PHE:HD1	5	0.16
(4,3082)	1:148:A:THR:HB	1:149:A:PHE:HD2	5	0.16
(4,2949)	1:123:A:SER:H	1:124:A:SER:H	5	0.16
(4,2876)	1:162:A:ASP:H	1:165:A:LEU:H	4	0.16
(4,2865)	1:221:A:GLU:HB2	1:222:A:ASP:HB3	19	0.16
(4,2865)	1:221:A:GLU:HB3	1:222:A:ASP:HB3	19	0.16
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD11	10	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD12	10	0.16
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD13	10	0.16
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD21	10	0.16
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD22	10	0.16
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD23	10	0.16
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD11	5	0.16
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD12	5	0.16
(4,2845)	1:57:A:LEU:H	1:58:A:LEU:HD13	5	0.16
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD1	17	0.16
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD11	1:129:A:PHE:HD2	17	0.16
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD1	17	0.16
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD12	1:129:A:PHE:HD2	17	0.16
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD1	17	0.16
(4,2812)	1:80:A:ILE:HD13	1:129:A:PHE:HD2	17	0.16
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD1	4	0.16
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD2	4	0.16
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG11	10	0.16
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG12	10	0.16
(4,2666)	1:217:A:ASN:H	1:223:A:VAL:HG13	10	0.16
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	8	0.16
(4,2641)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	8	0.16
(4,2634)	1:214:A:TYR:H	1:217:A:ASN:H	4	0.16
(4,2560)	1:142:A:ILE:HB	1:143:A:LYS:HA	18	0.16
(4,2541)	1:80:A:ILE:HD11	1:127:A:ASN:HD21	11	0.16
(4,2541)	1:80:A:ILE:HD12	1:127:A:ASN:HD21	11	0.16
(4,2541)	1:80:A:ILE:HD13	1:127:A:ASN:HD21	11	0.16
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE1	1:102:A:ASN:HD21	3	0.16
(4,2515)	1:33:A:TYR:HE2	1:102:A:ASN:HD21	3	0.16
(4,2433)	1:11:A:ILE:H	1:153:A:GLN:H	6	0.16
(4,2377)	1:95:A:ILE:HB	1:97:A:HIS:H	7	0.16
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD21	1:226:A:PHE:H	14	0.16
(4,2345)	1:225:A:ASN:HD22	1:226:A:PHE:H	14	0.16
(4,2337)	1:147:A:GLN:H	1:147:A:GLN:HE22	12	0.16
(4,2337)	1:147:A:GLN:H	1:147:A:GLN:HE22	14	0.16
(4,2327)	1:36:A:ILE:CD1	1:55:A:ILE:HD11	15	0.16
(4,2327)	1:36:A:ILE:CD1	1:55:A:ILE:HD12	15	0.16
(4,2327)	1:36:A:ILE:CD1	1:55:A:ILE:HD13	15	0.16
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:H	11	0.16
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:H	11	0.16
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:H	11	0.16
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:H	11	0.16
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:H	11	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2307)	1:165:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:H	11	0.16
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB2	15	0.16
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB3	15	0.16
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD21	17	0.16
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD22	17	0.16
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD23	17	0.16
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD21	17	0.16
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD22	17	0.16
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD23	17	0.16
(4,2292)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	11	0.16
(4,2292)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	11	0.16
(4,2292)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	11	0.16
(4,2280)	1:211:A:VAL:H	1:214:A:TYR:H	2	0.16
(4,2267)	1:29:A:ASN:H	1:30:A:GLU:HG3	1	0.16
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD21	5	0.16
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD22	5	0.16
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD23	5	0.16
(4,2168)	1:38:A:SER:H	1:41:A:GLU:H	4	0.16
(4,2168)	1:38:A:SER:H	1:41:A:GLU:H	20	0.16
(4,2129)	1:209:A:VAL:HA	1:212:A:ALA:HA	5	0.16
(4,2129)	1:209:A:VAL:HA	1:212:A:ALA:HA	6	0.16
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG21	18	0.16
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG22	18	0.16
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG23	18	0.16
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG21	15	0.16
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG22	15	0.16
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG23	15	0.16
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG21	15	0.16
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG22	15	0.16
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG23	15	0.16
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD11	5	0.16
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD12	5	0.16
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD13	5	0.16
(4,1914)	1:19:A:THR:HG21	1:32:A:ALA:H	11	0.16
(4,1914)	1:19:A:THR:HG22	1:32:A:ALA:H	11	0.16
(4,1914)	1:19:A:THR:HG23	1:32:A:ALA:H	11	0.16
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD2	1:84:A:GLN:HB2	20	0.16
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD2	1:84:A:GLN:HB3	20	0.16
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD3	1:84:A:GLN:HB2	20	0.16
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD3	1:84:A:GLN:HB3	20	0.16
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD21	19	0.16
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD22	19	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1813)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:HD23	19	0.16
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD11	1:100:A:SER:H	5	0.16
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD12	1:100:A:SER:H	5	0.16
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD13	1:100:A:SER:H	5	0.16
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD21	1:100:A:SER:H	5	0.16
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD22	1:100:A:SER:H	5	0.16
(4,1772)	1:25:A:LEU:HD23	1:100:A:SER:H	5	0.16
(4,1687)	1:177:A:ILE:HB	1:192:A:GLY:H	18	0.16
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG11	1:202:A:ILE:HB	15	0.16
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG12	1:202:A:ILE:HB	15	0.16
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG13	1:202:A:ILE:HB	15	0.16
(4,1602)	1:199:A:THR:H	1:202:A:ILE:H	2	0.16
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB2	1:210:A:ARG:HB2	18	0.16
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB2	1:210:A:ARG:HB3	18	0.16
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB3	1:210:A:ARG:HB2	18	0.16
(4,1589)	1:191:A:LEU:HB3	1:210:A:ARG:HB3	18	0.16
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HZ3	15	0.16
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HZ3	15	0.16
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HZ3	15	0.16
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HZ3	15	0.16
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HZ3	15	0.16
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HZ3	15	0.16
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD11	3	0.16
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD12	3	0.16
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD13	3	0.16
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD21	3	0.16
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD22	3	0.16
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD23	3	0.16
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD11	7	0.16
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD12	7	0.16
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD13	7	0.16
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD21	7	0.16
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD22	7	0.16
(4,1575)	1:83:A:LYS:HA	1:185:A:LEU:HD23	7	0.16
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG11	6	0.16
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG12	6	0.16
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG13	6	0.16
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG21	6	0.16
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG22	6	0.16
(4,1477)	1:143:A:LYS:HG2	1:146:A:VAL:HG23	6	0.16
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD21	14	0.16
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD22	14	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1444)	1:37:A:TYR:H	1:44:A:LEU:HD23	14	0.16
(4,1416)	1:21:A:PHE:HB2	1:95:A:ILE:HD11	9	0.16
(4,1416)	1:21:A:PHE:HB2	1:95:A:ILE:HD12	9	0.16
(4,1416)	1:21:A:PHE:HB2	1:95:A:ILE:HD13	9	0.16
(4,1392)	1:178:A:PHE:HA	1:189:A:LEU:H	5	0.16
(4,1383)	1:19:A:THR:HG1	1:20:A:ASN:H	13	0.16
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD11	18	0.16
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD12	18	0.16
(4,1345)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD13	18	0.16
(4,1313)	1:79:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:CD2	13	0.16
(4,1313)	1:79:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:CD2	13	0.16
(4,1313)	1:79:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:CD2	13	0.16
(4,1295)	1:135:A:ASP:HB2	1:138:A:VAL:H	13	0.16
(4,1295)	1:135:A:ASP:HB3	1:138:A:VAL:H	13	0.16
(4,1275)	1:64:A:ASP:HA	1:217:A:ASN:HB2	7	0.16
(4,1275)	1:64:A:ASP:HA	1:217:A:ASN:HB3	7	0.16
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:HD21	20	0.16
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:HD22	20	0.16
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:HD21	20	0.16
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:HD22	20	0.16
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG12	1:146:A:VAL:HA	20	0.16
(4,1138)	1:142:A:ILE:HG13	1:146:A:VAL:HA	20	0.16
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG21	1:93:A:TYR:HD1	16	0.16
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG21	1:93:A:TYR:HD2	16	0.16
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG22	1:93:A:TYR:HD1	16	0.16
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG22	1:93:A:TYR:HD2	16	0.16
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG23	1:93:A:TYR:HD1	16	0.16
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG23	1:93:A:TYR:HD2	16	0.16
(4,1038)	1:174:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HE1	19	0.16
(4,1038)	1:174:A:ASN:HD21	1:178:A:PHE:HE2	19	0.16
(4,1016)	1:140:A:ASN:H	1:140:A:ASN:HD22	18	0.16
(4,987)	1:19:A:THR:HG1	1:21:A:PHE:H	14	0.16
(4,978)	1:118:A:SER:H	1:121:A:ASP:H	14	0.16
(4,919)	1:18:A:PHE:HB2	1:22:A:ALA:H	20	0.16
(4,919)	1:18:A:PHE:HB3	1:22:A:ALA:H	20	0.16
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG21	12	0.16
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG22	12	0.16
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG23	12	0.16
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD11	11	0.16
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD12	11	0.16
(4,894)	1:11:A:ILE:CD1	1:95:A:ILE:HD13	11	0.16
(4,877)	1:196:A:PRO:HD2	1:197:A:THR:HA	8	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,874)	1:80:A:ILE:HG21	1:82:A:PHE:H	15	0.16
(4,874)	1:80:A:ILE:HG22	1:82:A:PHE:H	15	0.16
(4,874)	1:80:A:ILE:HG23	1:82:A:PHE:H	15	0.16
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD21	15	0.16
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD22	15	0.16
(4,858)	1:193:A:LYS:H	1:206:A:LEU:HD23	15	0.16
(4,790)	1:81:A:TRP:H	1:129:A:PHE:H	6	0.16
(4,743)	1:217:A:ASN:HB3	1:218:A:ALA:HB1	6	0.16
(4,743)	1:217:A:ASN:HB3	1:218:A:ALA:HB2	6	0.16
(4,743)	1:217:A:ASN:HB3	1:218:A:ALA:HB3	6	0.16
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG21	9	0.16
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG22	9	0.16
(4,727)	1:80:A:ILE:HG21	1:171:A:VAL:HG23	9	0.16
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG21	9	0.16
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG22	9	0.16
(4,727)	1:80:A:ILE:HG22	1:171:A:VAL:HG23	9	0.16
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG21	9	0.16
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG22	9	0.16
(4,727)	1:80:A:ILE:HG23	1:171:A:VAL:HG23	9	0.16
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD11	15	0.16
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD12	15	0.16
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD13	15	0.16
(4,685)	1:79:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	7	0.16
(4,685)	1:79:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	7	0.16
(4,685)	1:79:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	7	0.16
(4,659)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HG	17	0.16
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD11	20	0.16
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD12	20	0.16
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD13	20	0.16
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD21	20	0.16
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD22	20	0.16
(4,628)	1:53:A:LYS:CG	1:231:A:LEU:HD23	20	0.16
(4,616)	1:61:A:ILE:HA	1:214:A:TYR:HD1	5	0.16
(4,616)	1:61:A:ILE:HA	1:214:A:TYR:HD2	5	0.16
(4,595)	1:173:A:GLU:H	1:174:A:ASN:HB2	6	0.16
(4,595)	1:173:A:GLU:H	1:174:A:ASN:HB2	17	0.16
(4,569)	1:91:A:GLY:H	1:167:A:TYR:HD1	20	0.16
(4,569)	1:91:A:GLY:H	1:167:A:TYR:HD2	20	0.16
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB2	4	0.16
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB3	4	0.16
(4,535)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD21	13	0.16
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD11	12	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD12	12	0.16
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD13	12	0.16
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD21	12	0.16
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD22	12	0.16
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD23	12	0.16
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD11	12	0.16
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD12	12	0.16
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD13	12	0.16
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD21	12	0.16
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD22	12	0.16
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD23	12	0.16
(4,519)	1:17:A:VAL:HG21	1:19:A:THR:H	3	0.16
(4,519)	1:17:A:VAL:HG22	1:19:A:THR:H	3	0.16
(4,519)	1:17:A:VAL:HG23	1:19:A:THR:H	3	0.16
(4,507)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:ASP:HA	6	0.16
(4,500)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HB	4	0.16
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD21	5	0.16
(4,442)	1:216:A:GLU:H	1:217:A:ASN:HD22	5	0.16
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG11	15	0.16
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG12	15	0.16
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG13	15	0.16
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG21	15	0.16
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG22	15	0.16
(4,398)	1:85:A:SER:H	1:138:A:VAL:HG23	15	0.16
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD11	19	0.16
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD12	19	0.16
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD13	19	0.16
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD21	19	0.16
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD22	19	0.16
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD23	19	0.16
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD11	19	0.16
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD12	19	0.16
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD13	19	0.16
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD21	19	0.16
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD22	19	0.16
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD23	19	0.16
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD11	11	0.16
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD12	11	0.16
(4,315)	1:170:A:TYR:H	1:177:A:ILE:HD13	11	0.16
(4,313)	1:79:A:VAL:HG11	1:179:A:GLU:H	14	0.16
(4,313)	1:79:A:VAL:HG12	1:179:A:GLU:H	14	0.16
(4,313)	1:79:A:VAL:HG13	1:179:A:GLU:H	14	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB2	7	0.16
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB3	7	0.16
(4,278)	1:32:A:ALA:HB1	1:34:A:PHE:HD1	1	0.16
(4,278)	1:32:A:ALA:HB1	1:34:A:PHE:HD2	1	0.16
(4,278)	1:32:A:ALA:HB2	1:34:A:PHE:HD1	1	0.16
(4,278)	1:32:A:ALA:HB2	1:34:A:PHE:HD2	1	0.16
(4,278)	1:32:A:ALA:HB3	1:34:A:PHE:HD1	1	0.16
(4,278)	1:32:A:ALA:HB3	1:34:A:PHE:HD2	1	0.16
(4,261)	1:83:A:LYS:H	1:129:A:PHE:H	4	0.16
(4,242)	1:177:A:ILE:HB	1:206:A:LEU:HD11	19	0.16
(4,242)	1:177:A:ILE:HB	1:206:A:LEU:HD12	19	0.16
(4,242)	1:177:A:ILE:HB	1:206:A:LEU:HD13	19	0.16
(4,242)	1:177:A:ILE:HB	1:206:A:LEU:HD21	19	0.16
(4,242)	1:177:A:ILE:HB	1:206:A:LEU:HD22	19	0.16
(4,242)	1:177:A:ILE:HB	1:206:A:LEU:HD23	19	0.16
(4,228)	1:112:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:HA	12	0.16
(4,228)	1:112:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:HA	12	0.16
(4,228)	1:112:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:HA	12	0.16
(4,222)	1:93:A:TYR:HD1	1:97:A:HIS:H	6	0.16
(4,222)	1:93:A:TYR:HD2	1:97:A:HIS:H	6	0.16
(4,214)	1:30:A:GLU:HB2	1:31:A:TRP:HE1	15	0.16
(4,214)	1:30:A:GLU:HB3	1:31:A:TRP:HE1	15	0.16
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	9	0.16
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	9	0.16
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	9	0.16
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	9	0.16
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	9	0.16
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	9	0.16
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD21	3	0.16
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD22	3	0.16
(4,178)	1:36:A:ILE:H	1:229:A:LEU:HD23	3	0.16
(4,131)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HG12	4	0.16
(4,131)	1:59:A:PHE:HD1	1:61:A:ILE:HG13	4	0.16
(4,131)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HG12	4	0.16
(4,131)	1:59:A:PHE:HD2	1:61:A:ILE:HG13	4	0.16
(4,79)	1:52:A:VAL:HG21	1:232:A:GLY:H	6	0.16
(4,79)	1:52:A:VAL:HG22	1:232:A:GLY:H	6	0.16
(4,79)	1:52:A:VAL:HG23	1:232:A:GLY:H	6	0.16
(4,79)	1:52:A:VAL:HG21	1:232:A:GLY:H	9	0.16
(4,79)	1:52:A:VAL:HG22	1:232:A:GLY:H	9	0.16
(4,79)	1:52:A:VAL:HG23	1:232:A:GLY:H	9	0.16
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD1	13	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD2	13	0.16
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB2	7	0.16
(4,63)	1:84:A:GLN:H	1:93:A:TYR:HB3	7	0.16
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD11	15	0.16
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD12	15	0.16
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD13	15	0.16
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD21	15	0.16
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD22	15	0.16
(4,30)	1:27:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD23	15	0.16
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD21	10	0.16
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD22	10	0.16
(3,19)	1:55:A:ILE:H	1:170:A:TYR:O	20	0.16
(3,17)	1:59:A:PHE:H	1:166:A:HIS:O	8	0.16
(3,16)	1:59:A:PHE:O	1:166:A:HIS:H	4	0.16
(3,11)	1:54:A:ALA:O	1:231:A:LEU:H	2	0.16
(3,3)	1:179:A:GLU:O	1:189:A:LEU:H	11	0.16
(3,2)	1:58:A:LEU:O	1:227:A:ALA:H	10	0.16
(1,592)	1:5:A:ASN:ND2	1:103:A:GLN:H	17	0.16
(1,509)	1:5:A:ASN:ND2	1:90:A:CYS:H	5	0.16
(1,486)	1:5:A:ASN:ND2	1:20:A:ASN:H	20	0.16
(1,446)	1:5:A:ASN:ND2	1:170:A:TYR:H	17	0.16
(1,417)	1:5:A:ASN:ND2	1:85:A:SER:H	8	0.16
(1,219)	1:183:A:ARG:H	1:225:A:ASN:ND2	20	0.16
(1,205)	1:62:A:ASN:H	1:225:A:ASN:ND2	3	0.16
(1,153)	1:212:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	14	0.16
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG21	11	0.15
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG22	11	0.15
(4,4315)	1:72:A:GLN:H	1:73:A:ILE:HG23	11	0.15
(4,4274)	1:171:A:VAL:H	1:179:A:GLU:H	19	0.15
(4,4274)	1:171:A:VAL:H	1:179:A:GLU:H	20	0.15
(4,4246)	1:62:A:ASN:H	1:65:A:ARG:H	6	0.15
(4,4205)	1:155:A:GLU:HB2	1:157:A:PRO:HB3	20	0.15
(4,4205)	1:155:A:GLU:HB3	1:157:A:PRO:HB3	20	0.15
(4,4194)	1:112:A:LEU:HA	1:137:A:PHE:HD1	13	0.15
(4,4194)	1:112:A:LEU:HA	1:137:A:PHE:HD2	13	0.15
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HG12	8	0.15
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HG13	8	0.15
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HG12	8	0.15
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HG13	8	0.15
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HG12	8	0.15
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HG13	8	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD11	14	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD12	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD13	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD21	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD22	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD11	1:231:A:LEU:HD23	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD11	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD12	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD13	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD21	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD22	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD12	1:231:A:LEU:HD23	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD11	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD12	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD13	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD21	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD22	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD13	1:231:A:LEU:HD23	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD11	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD12	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD13	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD21	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD22	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD21	1:231:A:LEU:HD23	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD11	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD12	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD13	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD21	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD22	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD22	1:231:A:LEU:HD23	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD11	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD12	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD13	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD21	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD22	14	0.15
(4,4167)	1:106:A:LEU:HD23	1:231:A:LEU:HD23	14	0.15
(4,4159)	1:157:A:PRO:HG2	1:159:A:ALA:H	6	0.15
(4,4159)	1:157:A:PRO:HG3	1:159:A:ALA:H	6	0.15
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD11	6	0.15
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD12	6	0.15
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD13	6	0.15
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD21	6	0.15
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD22	6	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4147)	1:37:A:TYR:HB2	1:45:A:LEU:HD23	6	0.15
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD11	7	0.15
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD12	7	0.15
(4,4141)	1:31:A:TRP:HZ3	1:231:A:LEU:HD13	7	0.15
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD21	15	0.15
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD22	15	0.15
(4,4121)	1:192:A:GLY:HA2	1:206:A:LEU:HD23	15	0.15
(4,4108)	1:111:A:ASP:H	1:114:A:ASN:H	17	0.15
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:HD11	3	0.15
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:HD12	3	0.15
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:HD13	3	0.15
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:HD21	3	0.15
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:HD22	3	0.15
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD11	1:99:A:LEU:HD23	3	0.15
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:HD11	3	0.15
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:HD12	3	0.15
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:HD13	3	0.15
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:HD21	3	0.15
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:HD22	3	0.15
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD12	1:99:A:LEU:HD23	3	0.15
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:HD11	3	0.15
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:HD12	3	0.15
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:HD13	3	0.15
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:HD21	3	0.15
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:HD22	3	0.15
(4,4092)	1:95:A:ILE:HD13	1:99:A:LEU:HD23	3	0.15
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD1	1:191:A:LEU:H	19	0.15
(4,4087)	1:190:A:TYR:HD2	1:191:A:LEU:H	19	0.15
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD21	1:187:A:GLY:H	5	0.15
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD22	1:187:A:GLY:H	5	0.15
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD23	1:187:A:GLY:H	5	0.15
(4,4035)	1:215:A:MET:HB2	1:223:A:VAL:HA	12	0.15
(4,4035)	1:215:A:MET:HB3	1:223:A:VAL:HA	12	0.15
(4,4032)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD21	16	0.15
(4,4032)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD22	16	0.15
(4,4032)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD23	16	0.15
(4,4032)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD21	16	0.15
(4,4032)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD22	16	0.15
(4,4032)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD23	16	0.15
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD11	14	0.15
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD12	14	0.15
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD13	14	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD21	14	0.15
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD22	14	0.15
(4,4019)	1:177:A:ILE:H	1:191:A:LEU:HD23	14	0.15
(4,3935)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD1	9	0.15
(4,3935)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD2	9	0.15
(4,3935)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD1	9	0.15
(4,3935)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD2	9	0.15
(4,3899)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:H	17	0.15
(4,3885)	1:74:A:THR:H	1:76:A:SER:H	1	0.15
(4,3855)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:THR:HG1	17	0.15
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD11	15	0.15
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD12	15	0.15
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD13	15	0.15
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD21	15	0.15
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD22	15	0.15
(4,3851)	1:105:A:LEU:HB2	1:231:A:LEU:HD23	15	0.15
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB2	6	0.15
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB2	6	0.15
(4,3814)	1:79:A:VAL:H	1:178:A:PHE:HE1	7	0.15
(4,3814)	1:79:A:VAL:H	1:178:A:PHE:HE2	7	0.15
(4,3799)	1:154:A:SER:HB2	1:157:A:PRO:HD3	7	0.15
(4,3799)	1:154:A:SER:HB3	1:157:A:PRO:HD3	7	0.15
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD11	19	0.15
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD12	19	0.15
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD13	19	0.15
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD21	19	0.15
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD22	19	0.15
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD23	19	0.15
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:H	7	0.15
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:H	7	0.15
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:H	7	0.15
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:H	7	0.15
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:H	7	0.15
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:H	7	0.15
(4,3676)	1:32:A:ALA:H	1:232:A:GLY:H	14	0.15
(4,3673)	1:98:A:SER:H	1:99:A:LEU:HB3	19	0.15
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD11	1:126:A:LYS:H	14	0.15
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD12	1:126:A:LYS:H	14	0.15
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD13	1:126:A:LYS:H	14	0.15
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD21	1:126:A:LYS:H	14	0.15
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD22	1:126:A:LYS:H	14	0.15
(4,3656)	1:116:A:LEU:HD23	1:126:A:LYS:H	14	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3651)	1:51:A:PRO:HB3	1:201:A:LEU:H	2	0.15
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD1	8	0.15
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG21	1:21:A:PHE:HD2	8	0.15
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD1	8	0.15
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG22	1:21:A:PHE:HD2	8	0.15
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD1	8	0.15
(4,3643)	1:11:A:ILE:HG23	1:21:A:PHE:HD2	8	0.15
(4,3592)	1:36:A:ILE:H	1:37:A:TYR:HD1	15	0.15
(4,3592)	1:36:A:ILE:H	1:37:A:TYR:HD2	15	0.15
(4,3576)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:HD21	2	0.15
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG11	5	0.15
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG12	5	0.15
(4,3554)	1:33:A:TYR:HA	1:52:A:VAL:HG13	5	0.15
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD11	4	0.15
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD12	4	0.15
(4,3541)	1:53:A:LYS:H	1:55:A:ILE:HD13	4	0.15
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	8	0.15
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	8	0.15
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	8	0.15
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:H	8	0.15
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:H	8	0.15
(4,3524)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:H	8	0.15
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:H	14	0.15
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:H	14	0.15
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:H	14	0.15
(4,3495)	1:141:A:VAL:H	1:144:A:GLU:H	4	0.15
(4,3489)	1:132:A:VAL:HB	1:135:A:ASP:H	16	0.15
(4,3481)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:H	3	0.15
(4,3481)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:H	15	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HD1	14	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HD2	14	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HD1	14	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HD2	14	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HD1	14	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HD2	14	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HD1	14	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HD2	14	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HD1	14	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HD2	14	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HD1	14	0.15
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HD2	14	0.15
(4,3371)	1:34:A:PHE:H	1:34:A:PHE:HE1	2	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3371)	1:34:A:PHE:H	1:34:A:PHE:HE2	2	0.15
(4,3355)	1:54:A:ALA:HA	1:170:A:TYR:H	11	0.15
(4,3303)	1:22:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HB2	19	0.15
(4,3303)	1:22:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HB3	19	0.15
(4,3298)	1:190:A:TYR:H	1:191:A:LEU:H	11	0.15
(4,3298)	1:190:A:TYR:H	1:191:A:LEU:H	18	0.15
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD21	2	0.15
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD22	2	0.15
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD23	2	0.15
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB1	1:157:A:PRO:HB3	2	0.15
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB2	1:157:A:PRO:HB3	2	0.15
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB3	1:157:A:PRO:HB3	2	0.15
(4,3222)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:H	1	0.15
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HD1	3	0.15
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD11	1:170:A:TYR:HD2	3	0.15
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HD1	3	0.15
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD12	1:170:A:TYR:HD2	3	0.15
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HD1	3	0.15
(4,3180)	1:55:A:ILE:HD13	1:170:A:TYR:HD2	3	0.15
(4,3179)	1:185:A:LEU:HD11	1:187:A:GLY:H	12	0.15
(4,3179)	1:185:A:LEU:HD12	1:187:A:GLY:H	12	0.15
(4,3179)	1:185:A:LEU:HD13	1:187:A:GLY:H	12	0.15
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE1	6	0.15
(4,3162)	1:173:A:GLU:H	1:190:A:TYR:HE2	6	0.15
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB2	13	0.15
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG12	1:75:A:SER:HB3	13	0.15
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB2	13	0.15
(4,3158)	1:73:A:ILE:HG13	1:75:A:SER:HB3	13	0.15
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD2	8	0.15
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD3	8	0.15
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD2	8	0.15
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD3	8	0.15
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB2	13	0.15
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB3	13	0.15
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB2	13	0.15
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB3	13	0.15
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB2	13	0.15
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB3	13	0.15
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD11	20	0.15
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD12	20	0.15
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD13	20	0.15
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD21	20	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD22	20	0.15
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD23	20	0.15
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD1	18	0.15
(4,3131)	1:19:A:THR:HG21	1:34:A:PHE:HD2	18	0.15
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD1	18	0.15
(4,3131)	1:19:A:THR:HG22	1:34:A:PHE:HD2	18	0.15
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD1	18	0.15
(4,3131)	1:19:A:THR:HG23	1:34:A:PHE:HD2	18	0.15
(4,3116)	1:22:A:ALA:HA	1:25:A:LEU:HA	3	0.15
(4,3112)	1:119:A:GLN:HE21	1:130:A:ASP:H	10	0.15
(4,3111)	1:89:A:ALA:H	1:93:A:TYR:HD1	15	0.15
(4,3111)	1:89:A:ALA:H	1:93:A:TYR:HD2	15	0.15
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG21	9	0.15
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG22	9	0.15
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG23	9	0.15
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG21	9	0.15
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG22	9	0.15
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG23	9	0.15
(4,3055)	1:65:A:ARG:H	1:66:A:LYS:H	2	0.15
(4,3042)	1:162:A:ASP:H	1:164:A:ASN:H	13	0.15
(4,3037)	1:80:A:ILE:HD11	1:127:A:ASN:H	20	0.15
(4,3037)	1:80:A:ILE:HD12	1:127:A:ASN:H	20	0.15
(4,3037)	1:80:A:ILE:HD13	1:127:A:ASN:H	20	0.15
(4,3035)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:ILE:HA	5	0.15
(4,3035)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:ILE:HA	5	0.15
(4,3035)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:ILE:HA	5	0.15
(4,3035)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:ILE:HA	5	0.15
(4,3035)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:ILE:HA	5	0.15
(4,3035)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:ILE:HA	5	0.15
(4,3024)	1:204:A:GLN:HE21	1:205:A:GLU:H	20	0.15
(4,3024)	1:204:A:GLN:HE22	1:205:A:GLU:H	20	0.15
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	8	0.15
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	8	0.15
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	8	0.15
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	8	0.15
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	8	0.15
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	8	0.15
(4,2980)	1:202:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:H	3	0.15
(4,2980)	1:202:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:H	3	0.15
(4,2980)	1:202:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:H	3	0.15
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD11	1:107:A:GLU:H	11	0.15
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD12	1:107:A:GLU:H	11	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD13	1:107:A:GLU:H	11	0.15
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD21	1:107:A:GLU:H	11	0.15
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD22	1:107:A:GLU:H	11	0.15
(4,2962)	1:27:A:LEU:HD23	1:107:A:GLU:H	11	0.15
(4,2932)	1:177:A:ILE:HD11	1:194:A:SER:HA	9	0.15
(4,2932)	1:177:A:ILE:HD12	1:194:A:SER:HA	9	0.15
(4,2932)	1:177:A:ILE:HD13	1:194:A:SER:HA	9	0.15
(4,2931)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HG	5	0.15
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD21	7	0.15
(4,2921)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	7	0.15
(4,2864)	1:224:A:LEU:H	1:226:A:PHE:H	1	0.15
(4,2849)	1:55:A:ILE:HD11	1:207:A:VAL:CG1	5	0.15
(4,2849)	1:55:A:ILE:HD12	1:207:A:VAL:CG1	5	0.15
(4,2849)	1:55:A:ILE:HD13	1:207:A:VAL:CG1	5	0.15
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG11	16	0.15
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG12	16	0.15
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG13	16	0.15
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG21	16	0.15
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG22	16	0.15
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG23	16	0.15
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG11	16	0.15
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG12	16	0.15
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG13	16	0.15
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG21	16	0.15
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG22	16	0.15
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG23	16	0.15
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD11	17	0.15
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD12	17	0.15
(4,2776)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD13	17	0.15
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG21	8	0.15
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG22	8	0.15
(4,2751)	1:62:A:ASN:HD21	1:223:A:VAL:HG23	8	0.15
(4,2729)	1:227:A:ALA:HB1	1:228:A:MET:HG2	7	0.15
(4,2729)	1:227:A:ALA:HB1	1:228:A:MET:HG3	7	0.15
(4,2729)	1:227:A:ALA:HB2	1:228:A:MET:HG2	7	0.15
(4,2729)	1:227:A:ALA:HB2	1:228:A:MET:HG3	7	0.15
(4,2729)	1:227:A:ALA:HB3	1:228:A:MET:HG2	7	0.15
(4,2729)	1:227:A:ALA:HB3	1:228:A:MET:HG3	7	0.15
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD11	1:145:A:ASN:H	13	0.15
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD12	1:145:A:ASN:H	13	0.15
(4,2721)	1:142:A:ILE:HD13	1:145:A:ASN:H	13	0.15
(4,2691)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG11	2	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2691)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG12	2	0.15
(4,2691)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG13	2	0.15
(4,2688)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HD21	17	0.15
(4,2681)	1:215:A:MET:HA	1:223:A:VAL:HG21	19	0.15
(4,2681)	1:215:A:MET:HA	1:223:A:VAL:HG22	19	0.15
(4,2681)	1:215:A:MET:HA	1:223:A:VAL:HG23	19	0.15
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD21	19	0.15
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD22	19	0.15
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD1	1:190:A:TYR:H	13	0.15
(4,2676)	1:77:A:TYR:HD2	1:190:A:TYR:H	13	0.15
(4,2651)	1:174:A:ASN:HD21	1:175:A:GLY:H	3	0.15
(4,2651)	1:174:A:ASN:HD22	1:175:A:GLY:H	3	0.15
(4,2640)	1:204:A:GLN:H	1:206:A:LEU:H	3	0.15
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD11	6	0.15
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD12	6	0.15
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD13	6	0.15
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG12	1:206:A:LEU:H	14	0.15
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG13	1:206:A:LEU:H	14	0.15
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:H	10	0.15
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:H	10	0.15
(4,2514)	1:58:A:LEU:HD21	1:227:A:ALA:H	2	0.15
(4,2514)	1:58:A:LEU:HD22	1:227:A:ALA:H	2	0.15
(4,2514)	1:58:A:LEU:HD23	1:227:A:ALA:H	2	0.15
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD11	1:200:A:ASP:H	12	0.15
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD12	1:200:A:ASP:H	12	0.15
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD13	1:200:A:ASP:H	12	0.15
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD21	1:200:A:ASP:H	12	0.15
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD22	1:200:A:ASP:H	12	0.15
(4,2507)	1:48:A:LEU:HD23	1:200:A:ASP:H	12	0.15
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:H	13	0.15
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:H	13	0.15
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG2	18	0.15
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG3	18	0.15
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG2	18	0.15
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG3	18	0.15
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG11	1:228:A:MET:HB2	15	0.15
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG11	1:228:A:MET:HB3	15	0.15
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG12	1:228:A:MET:HB2	15	0.15
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG12	1:228:A:MET:HB3	15	0.15
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG13	1:228:A:MET:HB2	15	0.15
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG13	1:228:A:MET:HB3	15	0.15
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HB2	15	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HB3	15	0.15
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HB2	15	0.15
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HB3	15	0.15
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HB2	15	0.15
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HB3	15	0.15
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD11	20	0.15
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD12	20	0.15
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD13	20	0.15
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD21	20	0.15
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD22	20	0.15
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD23	20	0.15
(4,2402)	1:44:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:H	12	0.15
(4,2402)	1:44:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:H	12	0.15
(4,2402)	1:44:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:H	12	0.15
(4,2384)	1:23:A:HIS:H	1:24:A:LYS:HG2	4	0.15
(4,2384)	1:23:A:HIS:H	1:24:A:LYS:HG3	4	0.15
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE1	1:78:A:ASP:H	19	0.15
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE2	1:78:A:ASP:H	19	0.15
(4,2368)	1:26:A:GLY:H	1:110:A:SER:HB3	4	0.15
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB2	1:168:A:ILE:H	16	0.15
(4,2355)	1:58:A:LEU:HB3	1:168:A:ILE:H	16	0.15
(4,2326)	1:30:A:GLU:HG2	1:31:A:TRP:H	13	0.15
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD11	7	0.15
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD12	7	0.15
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HD13	7	0.15
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD11	7	0.15
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD12	7	0.15
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HD13	7	0.15
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD11	7	0.15
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD12	7	0.15
(4,2316)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HD13	7	0.15
(4,2306)	1:89:A:ALA:H	1:142:A:ILE:HD11	16	0.15
(4,2306)	1:89:A:ALA:H	1:142:A:ILE:HD12	16	0.15
(4,2306)	1:89:A:ALA:H	1:142:A:ILE:HD13	16	0.15
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD21	1	0.15
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD22	1	0.15
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HD23	1	0.15
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD21	1	0.15
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD22	1	0.15
(4,2297)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HD23	1	0.15
(4,2279)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HB2	6	0.15
(4,2279)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HB3	6	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG11	3	0.15
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG12	3	0.15
(4,2253)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG13	3	0.15
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HB2	18	0.15
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HB2	18	0.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD11	9	0.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD12	9	0.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD13	9	0.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD21	9	0.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD22	9	0.15
(4,2233)	1:38:A:SER:H	1:48:A:LEU:HD23	9	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HB2	9	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HB3	9	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HB2	9	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HB3	9	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HB2	9	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HB3	9	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HB2	9	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HB3	9	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HB2	9	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HB3	9	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HB2	9	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HB3	9	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HB2	20	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD11	1:225:A:ASN:HB3	20	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HB2	20	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD12	1:225:A:ASN:HB3	20	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HB2	20	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD13	1:225:A:ASN:HB3	20	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HB2	20	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD21	1:225:A:ASN:HB3	20	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HB2	20	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD22	1:225:A:ASN:HB3	20	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HB2	20	0.15
(4,2222)	1:224:A:LEU:HD23	1:225:A:ASN:HB3	20	0.15
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD11	11	0.15
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD12	11	0.15
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB2	1:168:A:ILE:HD13	11	0.15
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD11	11	0.15
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD12	11	0.15
(4,2215)	1:59:A:PHE:HB3	1:168:A:ILE:HD13	11	0.15
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA2	1:6:A:ARG:HA	11	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2169)	1:3:A:GLY:HA3	1:6:A:ARG:HA	11	0.15
(4,2168)	1:38:A:SER:H	1:41:A:GLU:H	11	0.15
(4,2115)	1:56:A:VAL:HG21	1:170:A:TYR:H	14	0.15
(4,2115)	1:56:A:VAL:HG22	1:170:A:TYR:H	14	0.15
(4,2115)	1:56:A:VAL:HG23	1:170:A:TYR:H	14	0.15
(4,2097)	1:34:A:PHE:H	1:36:A:ILE:H	16	0.15
(4,2068)	1:65:A:ARG:HG2	1:217:A:ASN:HB2	15	0.15
(4,2068)	1:65:A:ARG:HG2	1:217:A:ASN:HB3	15	0.15
(4,2068)	1:65:A:ARG:HG3	1:217:A:ASN:HB2	15	0.15
(4,2068)	1:65:A:ARG:HG3	1:217:A:ASN:HB3	15	0.15
(4,2040)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:H	13	0.15
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG21	2	0.15
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG22	2	0.15
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG23	2	0.15
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB3	9	0.15
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB3	9	0.15
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB3	9	0.15
(4,1986)	1:114:A:ASN:HA	1:117:A:LYS:HA	17	0.15
(4,1980)	1:109:A:GLY:HA2	1:114:A:ASN:HD22	13	0.15
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG11	18	0.15
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG12	18	0.15
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG13	18	0.15
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD1	1:190:A:TYR:H	18	0.15
(4,1970)	1:178:A:PHE:HD2	1:190:A:TYR:H	18	0.15
(4,1942)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HB2	19	0.15
(4,1942)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HB3	19	0.15
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD1	18	0.15
(4,1929)	1:32:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HD2	18	0.15
(4,1879)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HB3	17	0.15
(4,1851)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:HG	3	0.15
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD11	4	0.15
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD12	4	0.15
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD13	4	0.15
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD21	4	0.15
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD22	4	0.15
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD23	4	0.15
(4,1796)	1:221:A:GLU:HG2	1:223:A:VAL:H	16	0.15
(4,1796)	1:221:A:GLU:HG3	1:223:A:VAL:H	16	0.15
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD11	8	0.15
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD12	8	0.15
(4,1786)	1:61:A:ILE:HB	1:168:A:ILE:HD13	8	0.15
(4,1771)	1:72:A:GLN:HB3	1:74:A:THR:H	7	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1767)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HB2	18	0.15
(4,1767)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HB3	18	0.15
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB2	1:142:A:ILE:HG21	3	0.15
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB2	1:142:A:ILE:HG22	3	0.15
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB2	1:142:A:ILE:HG23	3	0.15
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:ILE:HG21	3	0.15
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:ILE:HG22	3	0.15
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:ILE:HG23	3	0.15
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG21	1:55:A:ILE:HA	9	0.15
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG22	1:55:A:ILE:HA	9	0.15
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG23	1:55:A:ILE:HA	9	0.15
(4,1720)	1:5:A:ASN:H	1:7:A:ALA:H	15	0.15
(4,1676)	1:172:A:GLU:HB3	1:176:A:GLY:H	15	0.15
(4,1595)	1:193:A:LYS:H	1:194:A:SER:HA	1	0.15
(4,1595)	1:193:A:LYS:H	1:194:A:SER:HA	11	0.15
(4,1573)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB3	1	0.15
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG11	1:214:A:TYR:H	5	0.15
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG12	1:214:A:TYR:H	5	0.15
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG13	1:214:A:TYR:H	5	0.15
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG21	1:214:A:TYR:H	5	0.15
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG22	1:214:A:TYR:H	5	0.15
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG23	1:214:A:TYR:H	5	0.15
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG21	7	0.15
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG22	7	0.15
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG23	7	0.15
(4,1531)	1:156:A:ALA:H	1:157:A:PRO:HB3	1	0.15
(4,1494)	1:147:A:GLN:HA	1:148:A:THR:HB	8	0.15
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD1	1:227:A:ALA:H	14	0.15
(4,1423)	1:59:A:PHE:HD2	1:227:A:ALA:H	14	0.15
(4,1400)	1:67:A:SER:H	1:68:A:SER:HA	20	0.15
(4,1383)	1:19:A:THR:HG1	1:20:A:ASN:H	4	0.15
(4,1382)	1:101:A:ASN:H	1:103:A:GLN:H	2	0.15
(4,1303)	1:106:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	15	0.15
(4,1303)	1:106:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	15	0.15
(4,1303)	1:106:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	15	0.15
(4,1302)	1:172:A:GLU:HG2	1:177:A:ILE:HD11	19	0.15
(4,1302)	1:172:A:GLU:HG2	1:177:A:ILE:HD12	19	0.15
(4,1302)	1:172:A:GLU:HG2	1:177:A:ILE:HD13	19	0.15
(4,1302)	1:172:A:GLU:HG3	1:177:A:ILE:HD11	19	0.15
(4,1302)	1:172:A:GLU:HG3	1:177:A:ILE:HD12	19	0.15
(4,1302)	1:172:A:GLU:HG3	1:177:A:ILE:HD13	19	0.15
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HD1	10	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:HD2	10	0.15
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HD1	10	0.15
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:HD2	10	0.15
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HD1	10	0.15
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:HD2	10	0.15
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HD1	10	0.15
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:HD2	10	0.15
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HD1	10	0.15
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:HD2	10	0.15
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HD1	10	0.15
(4,1287)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:HD2	10	0.15
(4,1195)	1:197:A:THR:HG21	1:198:A:ALA:HA	5	0.15
(4,1195)	1:197:A:THR:HG22	1:198:A:ALA:HA	5	0.15
(4,1195)	1:197:A:THR:HG23	1:198:A:ALA:HA	5	0.15
(4,1156)	1:62:A:ASN:H	1:63:A:GLU:HA	10	0.15
(4,1144)	1:18:A:PHE:H	1:21:A:PHE:HD1	13	0.15
(4,1144)	1:18:A:PHE:H	1:21:A:PHE:HD2	13	0.15
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD1	13	0.15
(4,1126)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:HD2	13	0.15
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD11	1:49:A:PRO:HB2	19	0.15
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD11	1:49:A:PRO:HB3	19	0.15
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD12	1:49:A:PRO:HB2	19	0.15
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD12	1:49:A:PRO:HB3	19	0.15
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD13	1:49:A:PRO:HB2	19	0.15
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD13	1:49:A:PRO:HB3	19	0.15
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD21	1:49:A:PRO:HB2	19	0.15
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD21	1:49:A:PRO:HB3	19	0.15
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD22	1:49:A:PRO:HB2	19	0.15
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD22	1:49:A:PRO:HB3	19	0.15
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD23	1:49:A:PRO:HB2	19	0.15
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD23	1:49:A:PRO:HB3	19	0.15
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB2	5	0.15
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB3	5	0.15
(4,868)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HB2	11	0.15
(4,868)	1:136:A:GLN:HG2	1:140:A:ASN:HB3	11	0.15
(4,868)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HB2	11	0.15
(4,868)	1:136:A:GLN:HG3	1:140:A:ASN:HB3	11	0.15
(4,861)	1:86:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:H	5	0.15
(4,861)	1:86:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:H	5	0.15
(4,861)	1:86:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:H	5	0.15
(4,861)	1:86:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:H	5	0.15
(4,861)	1:86:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:H	5	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,861)	1:86:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:H	5	0.15
(4,856)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HB2	11	0.15
(4,856)	1:39:A:LEU:H	1:44:A:LEU:HB3	11	0.15
(4,855)	1:190:A:TYR:HE1	1:193:A:LYS:H	17	0.15
(4,855)	1:190:A:TYR:HE2	1:193:A:LYS:H	17	0.15
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD11	1	0.15
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD12	1	0.15
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD13	1	0.15
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD21	1	0.15
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD22	1	0.15
(4,847)	1:26:A:GLY:HA2	1:106:A:LEU:HD23	1	0.15
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD11	1	0.15
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD12	1	0.15
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD13	1	0.15
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD21	1	0.15
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD22	1	0.15
(4,847)	1:26:A:GLY:HA3	1:106:A:LEU:HD23	1	0.15
(4,842)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:H	17	0.15
(4,842)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:H	17	0.15
(4,842)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:H	17	0.15
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG2	12	0.15
(4,841)	1:39:A:LEU:H	1:208:A:ARG:HG3	12	0.15
(4,762)	1:195:A:ASP:HB2	1:204:A:GLN:H	1	0.15
(4,762)	1:195:A:ASP:HB3	1:204:A:GLN:H	1	0.15
(4,755)	1:16:A:GLU:H	1:34:A:PHE:HA	6	0.15
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD11	13	0.15
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD12	13	0.15
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD13	13	0.15
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD21	13	0.15
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD22	13	0.15
(4,735)	1:19:A:THR:HG21	1:231:A:LEU:HD23	13	0.15
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD11	13	0.15
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD12	13	0.15
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD13	13	0.15
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD21	13	0.15
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD22	13	0.15
(4,735)	1:19:A:THR:HG22	1:231:A:LEU:HD23	13	0.15
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD11	13	0.15
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD12	13	0.15
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD13	13	0.15
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD21	13	0.15
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD22	13	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,735)	1:19:A:THR:HG23	1:231:A:LEU:HD23	13	0.15
(4,691)	1:52:A:VAL:HG21	1:55:A:ILE:CD1	12	0.15
(4,691)	1:52:A:VAL:HG22	1:55:A:ILE:CD1	12	0.15
(4,691)	1:52:A:VAL:HG23	1:55:A:ILE:CD1	12	0.15
(4,536)	1:168:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HD1	19	0.15
(4,536)	1:168:A:ILE:HG21	1:170:A:TYR:HD2	19	0.15
(4,536)	1:168:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HD1	19	0.15
(4,536)	1:168:A:ILE:HG22	1:170:A:TYR:HD2	19	0.15
(4,536)	1:168:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HD1	19	0.15
(4,536)	1:168:A:ILE:HG23	1:170:A:TYR:HD2	19	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD11	2	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD12	2	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD13	2	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD21	2	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD22	2	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD23	2	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD11	2	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD12	2	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD13	2	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD21	2	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD22	2	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD23	2	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD11	13	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD12	13	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD13	13	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD21	13	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD22	13	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD1	1:165:A:LEU:HD23	13	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD11	13	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD12	13	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD13	13	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD21	13	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD22	13	0.15
(4,531)	1:59:A:PHE:HD2	1:165:A:LEU:HD23	13	0.15
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD11	1	0.15
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD12	1	0.15
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD13	1	0.15
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD21	1	0.15
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD22	1	0.15
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD23	1	0.15
(4,515)	1:81:A:TRP:HE3	1:83:A:LYS:H	1	0.15
(4,515)	1:81:A:TRP:HE3	1:83:A:LYS:H	3	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,515)	1:81:A:TRP:HE3	1:83:A:LYS:H	14	0.15
(4,515)	1:81:A:TRP:HE3	1:83:A:LYS:H	19	0.15
(4,507)	1:62:A:ASN:HB2	1:64:A:ASP:HA	14	0.15
(4,482)	1:87:A:LYS:HG2	1:90:A:CYS:H	12	0.15
(4,482)	1:87:A:LYS:HG3	1:90:A:CYS:H	12	0.15
(4,440)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:LEU:HB3	13	0.15
(4,399)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG21	1	0.15
(4,399)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG22	1	0.15
(4,399)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG23	1	0.15
(4,356)	1:106:A:LEU:HD21	1:110:A:SER:H	1	0.15
(4,356)	1:106:A:LEU:HD22	1:110:A:SER:H	1	0.15
(4,356)	1:106:A:LEU:HD23	1:110:A:SER:H	1	0.15
(4,352)	1:202:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HB2	2	0.15
(4,342)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:H	19	0.15
(4,342)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:H	19	0.15
(4,302)	1:214:A:TYR:HA	1:215:A:MET:HB2	7	0.15
(4,302)	1:214:A:TYR:HA	1:215:A:MET:HB3	7	0.15
(4,302)	1:214:A:TYR:HA	1:215:A:MET:HB2	14	0.15
(4,302)	1:214:A:TYR:HA	1:215:A:MET:HB3	14	0.15
(4,302)	1:214:A:TYR:HA	1:215:A:MET:HB2	15	0.15
(4,302)	1:214:A:TYR:HA	1:215:A:MET:HB3	15	0.15
(4,212)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HA	4	0.15
(4,182)	1:55:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HG2	16	0.15
(4,182)	1:55:A:ILE:HD11	1:228:A:MET:HG3	16	0.15
(4,182)	1:55:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HG2	16	0.15
(4,182)	1:55:A:ILE:HD12	1:228:A:MET:HG3	16	0.15
(4,182)	1:55:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HG2	16	0.15
(4,182)	1:55:A:ILE:HD13	1:228:A:MET:HG3	16	0.15
(4,180)	1:153:A:GLN:H	1:156:A:ALA:HA	2	0.15
(4,179)	1:223:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:HD1	1	0.15
(4,179)	1:223:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:HD2	1	0.15
(4,179)	1:223:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:HD1	1	0.15
(4,179)	1:223:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:HD2	1	0.15
(4,179)	1:223:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:HD1	1	0.15
(4,179)	1:223:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:HD2	1	0.15
(4,179)	1:223:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:HD1	3	0.15
(4,179)	1:223:A:VAL:HG21	1:226:A:PHE:HD2	3	0.15
(4,179)	1:223:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:HD1	3	0.15
(4,179)	1:223:A:VAL:HG22	1:226:A:PHE:HD2	3	0.15
(4,179)	1:223:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:HD1	3	0.15
(4,179)	1:223:A:VAL:HG23	1:226:A:PHE:HD2	3	0.15
(4,167)	1:210:A:ARG:H	1:213:A:SER:HB2	4	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,167)	1:210:A:ARG:H	1:213:A:SER:HB3	4	0.15
(4,118)	1:136:A:GLN:HG2	1:139:A:LEU:HG	19	0.15
(4,118)	1:136:A:GLN:HG3	1:139:A:LEU:HG	19	0.15
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB2	9	0.15
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB3	9	0.15
(4,56)	1:129:A:PHE:HD1	1:130:A:ASP:H	9	0.15
(4,56)	1:129:A:PHE:HD2	1:130:A:ASP:H	9	0.15
(4,43)	1:101:A:ASN:HB2	1:180:A:LEU:HD11	6	0.15
(4,43)	1:101:A:ASN:HB2	1:180:A:LEU:HD12	6	0.15
(4,43)	1:101:A:ASN:HB2	1:180:A:LEU:HD13	6	0.15
(4,43)	1:101:A:ASN:HB2	1:180:A:LEU:HD21	6	0.15
(4,43)	1:101:A:ASN:HB2	1:180:A:LEU:HD22	6	0.15
(4,43)	1:101:A:ASN:HB2	1:180:A:LEU:HD23	6	0.15
(4,43)	1:101:A:ASN:HB3	1:180:A:LEU:HD11	6	0.15
(4,43)	1:101:A:ASN:HB3	1:180:A:LEU:HD12	6	0.15
(4,43)	1:101:A:ASN:HB3	1:180:A:LEU:HD13	6	0.15
(4,43)	1:101:A:ASN:HB3	1:180:A:LEU:HD21	6	0.15
(4,43)	1:101:A:ASN:HB3	1:180:A:LEU:HD22	6	0.15
(4,43)	1:101:A:ASN:HB3	1:180:A:LEU:HD23	6	0.15
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD21	16	0.15
(4,15)	1:61:A:ILE:H	1:62:A:ASN:HD22	16	0.15
(4,8)	1:150:A:SER:HB2	1:152:A:GLY:HA3	14	0.15
(4,8)	1:150:A:SER:HB3	1:152:A:GLY:HA3	14	0.15
(3,24)	1:54:A:ALA:H	1:231:A:LEU:O	14	0.15
(3,23)	1:30:A:GLU:O	1:234:A:ASN:H	6	0.15
(3,18)	1:32:A:ALA:O	1:232:A:GLY:H	7	0.15
(3,11)	1:54:A:ALA:O	1:231:A:LEU:H	4	0.15
(3,8)	1:179:A:GLU:H	1:189:A:LEU:O	14	0.15
(3,7)	1:56:A:VAL:H	1:229:A:LEU:O	6	0.15
(3,7)	1:56:A:VAL:H	1:229:A:LEU:O	11	0.15
(3,5)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:O	10	0.15
(2,77)	1:101:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	15	0.15
(1,487)	1:5:A:ASN:ND2	1:113:A:ASP:H	8	0.15
(1,231)	1:214:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	17	0.15
(1,158)	1:153:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	6	0.15
(1,83)	1:36:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	20	0.15
(4,4183)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HB2	2	0.14
(4,4183)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HB3	2	0.14
(4,4152)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HA	17	0.14
(4,4109)	1:7:A:ALA:HB1	1:9:A:VAL:H	11	0.14
(4,4109)	1:7:A:ALA:HB2	1:9:A:VAL:H	11	0.14
(4,4109)	1:7:A:ALA:HB3	1:9:A:VAL:H	11	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4046)	1:38:A:SER:H	1:39:A:LEU:HG	1	0.14
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB3	5	0.14
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB3	5	0.14
(4,4008)	1:115:A:PHE:HD1	1:119:A:GLN:HG2	13	0.14
(4,4008)	1:115:A:PHE:HD2	1:119:A:GLN:HG2	13	0.14
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD1	1:151:A:THR:H	12	0.14
(4,3985)	1:149:A:PHE:HD2	1:151:A:THR:H	12	0.14
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD2	8	0.14
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD1	1:233:A:PRO:HD3	8	0.14
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD2	8	0.14
(4,3938)	1:34:A:PHE:HD2	1:233:A:PRO:HD3	8	0.14
(4,3913)	1:163:A:THR:HG21	1:165:A:LEU:H	6	0.14
(4,3913)	1:163:A:THR:HG22	1:165:A:LEU:H	6	0.14
(4,3913)	1:163:A:THR:HG23	1:165:A:LEU:H	6	0.14
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD21	15	0.14
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD22	15	0.14
(4,3862)	1:95:A:ILE:H	1:96:A:LEU:HD23	15	0.14
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB2	13	0.14
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB2	13	0.14
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:HA	7	0.14
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:HA	7	0.14
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:HA	7	0.14
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:HA	7	0.14
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:HA	7	0.14
(4,3825)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:HA	7	0.14
(4,3813)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD11	13	0.14
(4,3813)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD12	13	0.14
(4,3813)	1:177:A:ILE:CD1	1:201:A:LEU:HD13	13	0.14
(4,3799)	1:154:A:SER:HB2	1:157:A:PRO:HD3	5	0.14
(4,3799)	1:154:A:SER:HB3	1:157:A:PRO:HD3	5	0.14
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG21	19	0.14
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG22	19	0.14
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG23	19	0.14
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG21	19	0.14
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG22	19	0.14
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG23	19	0.14
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG21	19	0.14
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG22	19	0.14
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG23	19	0.14
(4,3745)	1:173:A:GLU:HA	1:174:A:ASN:HD22	15	0.14
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD11	9	0.14
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD12	9	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD13	9	0.14
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD21	9	0.14
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD22	9	0.14
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD23	9	0.14
(4,3676)	1:32:A:ALA:H	1:232:A:GLY:H	15	0.14
(4,3674)	1:94:A:ALA:HA	1:97:A:HIS:HD1	4	0.14
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE1	12	0.14
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE2	12	0.14
(4,3665)	1:58:A:LEU:HD21	1:167:A:TYR:HD1	3	0.14
(4,3665)	1:58:A:LEU:HD21	1:167:A:TYR:HD2	3	0.14
(4,3665)	1:58:A:LEU:HD22	1:167:A:TYR:HD1	3	0.14
(4,3665)	1:58:A:LEU:HD22	1:167:A:TYR:HD2	3	0.14
(4,3665)	1:58:A:LEU:HD23	1:167:A:TYR:HD1	3	0.14
(4,3665)	1:58:A:LEU:HD23	1:167:A:TYR:HD2	3	0.14
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HB2	5	0.14
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HB3	5	0.14
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HB2	5	0.14
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HB3	5	0.14
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HB2	5	0.14
(4,3640)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HB3	5	0.14
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD11	1:58:A:LEU:HG	19	0.14
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD12	1:58:A:LEU:HG	19	0.14
(4,3556)	1:11:A:ILE:HD13	1:58:A:LEU:HG	19	0.14
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:CD2	15	0.14
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:CD2	15	0.14
(4,3516)	1:171:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:CD2	15	0.14
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:ASN:HD21	12	0.14
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:ASN:HD21	12	0.14
(4,3511)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:ASN:HD21	12	0.14
(4,3510)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB2	17	0.14
(4,3510)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	17	0.14
(4,3495)	1:141:A:VAL:H	1:144:A:GLU:H	18	0.14
(4,3481)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:H	11	0.14
(4,3466)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HE21	16	0.14
(4,3466)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HE22	16	0.14
(4,3443)	1:76:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD1	20	0.14
(4,3443)	1:76:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD2	20	0.14
(4,3443)	1:76:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD1	20	0.14
(4,3443)	1:76:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD2	20	0.14
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD11	17	0.14
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD12	17	0.14
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HD13	17	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD11	17	0.14
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD12	17	0.14
(4,3435)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HD13	17	0.14
(4,3286)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:HA	2	0.14
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB1	1:157:A:PRO:HB3	3	0.14
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB2	1:157:A:PRO:HB3	3	0.14
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB3	1:157:A:PRO:HB3	3	0.14
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB1	1:157:A:PRO:HB3	11	0.14
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB2	1:157:A:PRO:HB3	11	0.14
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB3	1:157:A:PRO:HB3	11	0.14
(4,3222)	1:21:A:PHE:H	1:24:A:LYS:H	16	0.14
(4,3190)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:HB	2	0.14
(4,3187)	1:148:A:THR:HG21	1:150:A:SER:H	12	0.14
(4,3187)	1:148:A:THR:HG22	1:150:A:SER:H	12	0.14
(4,3187)	1:148:A:THR:HG23	1:150:A:SER:H	12	0.14
(4,3154)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:H	10	0.14
(4,3154)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:H	13	0.14
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB2	17	0.14
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB3	17	0.14
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB2	17	0.14
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB3	17	0.14
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB2	17	0.14
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB3	17	0.14
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD11	2	0.14
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD12	2	0.14
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD13	2	0.14
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD21	2	0.14
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD22	2	0.14
(4,3142)	1:31:A:TRP:HB3	1:99:A:LEU:HD23	2	0.14
(4,3123)	1:221:A:GLU:HA	1:222:A:ASP:HB2	1	0.14
(4,3123)	1:221:A:GLU:HA	1:222:A:ASP:HB3	1	0.14
(4,3123)	1:221:A:GLU:HA	1:222:A:ASP:HB2	12	0.14
(4,3123)	1:221:A:GLU:HA	1:222:A:ASP:HB3	12	0.14
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD11	11	0.14
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD12	11	0.14
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD13	11	0.14
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD21	11	0.14
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD22	11	0.14
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD11	1:231:A:LEU:HD23	11	0.14
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD11	11	0.14
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD12	11	0.14
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD13	11	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD21	11	0.14
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD22	11	0.14
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD12	1:231:A:LEU:HD23	11	0.14
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD11	11	0.14
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD12	11	0.14
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD13	11	0.14
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD21	11	0.14
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD22	11	0.14
(4,3076)	1:95:A:ILE:HD13	1:231:A:LEU:HD23	11	0.14
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD11	1:232:A:GLY:H	13	0.14
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD12	1:232:A:GLY:H	13	0.14
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD13	1:232:A:GLY:H	13	0.14
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	13	0.14
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	13	0.14
(4,2994)	1:105:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	13	0.14
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:HB2	2	0.14
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:HB3	2	0.14
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:HB2	2	0.14
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:HB3	2	0.14
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:HB2	2	0.14
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:HB3	2	0.14
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:HB2	2	0.14
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD21	1:112:A:LEU:HB3	2	0.14
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:HB2	2	0.14
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD22	1:112:A:LEU:HB3	2	0.14
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:HB2	2	0.14
(4,2989)	1:96:A:LEU:HD23	1:112:A:LEU:HB3	2	0.14
(4,2977)	1:40:A:THR:H	1:41:A:GLU:HG2	7	0.14
(4,2977)	1:40:A:THR:H	1:41:A:GLU:HG3	7	0.14
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	12	0.14
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	12	0.14
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	12	0.14
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB2	1:168:A:ILE:H	9	0.14
(4,2954)	1:166:A:HIS:HB3	1:168:A:ILE:H	9	0.14
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB2	1:214:A:TYR:HD1	15	0.14
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB2	1:214:A:TYR:HD2	15	0.14
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB3	1:214:A:TYR:HD1	15	0.14
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB3	1:214:A:TYR:HD2	15	0.14
(4,2878)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:H	1	0.14
(4,2878)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:H	1	0.14
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD11	20	0.14
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD12	20	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD13	20	0.14
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD21	20	0.14
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD22	20	0.14
(4,2860)	1:33:A:TYR:H	1:229:A:LEU:HD23	20	0.14
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB1	5	0.14
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB2	5	0.14
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB3	5	0.14
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB1	5	0.14
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB2	5	0.14
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB3	5	0.14
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB1	5	0.14
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB2	5	0.14
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB3	5	0.14
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB1	18	0.14
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB2	18	0.14
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB3	18	0.14
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB1	18	0.14
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB2	18	0.14
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB3	18	0.14
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB1	18	0.14
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB2	18	0.14
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB3	18	0.14
(4,2841)	1:223:A:VAL:H	1:225:A:ASN:H	12	0.14
(4,2796)	1:41:A:GLU:HB3	1:43:A:GLU:HA	10	0.14
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD11	1:99:A:LEU:HG	11	0.14
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD12	1:99:A:LEU:HG	11	0.14
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD13	1:99:A:LEU:HG	11	0.14
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD21	1:99:A:LEU:HG	11	0.14
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD22	1:99:A:LEU:HG	11	0.14
(4,2774)	1:96:A:LEU:HD23	1:99:A:LEU:HG	11	0.14
(4,2735)	1:153:A:GLN:HE22	1:156:A:ALA:H	17	0.14
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD11	8	0.14
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD12	8	0.14
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD13	8	0.14
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD21	8	0.14
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD22	8	0.14
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD23	8	0.14
(4,2681)	1:215:A:MET:HA	1:223:A:VAL:HG21	9	0.14
(4,2681)	1:215:A:MET:HA	1:223:A:VAL:HG22	9	0.14
(4,2681)	1:215:A:MET:HA	1:223:A:VAL:HG23	9	0.14
(4,2651)	1:174:A:ASN:HD21	1:175:A:GLY:H	10	0.14
(4,2651)	1:174:A:ASN:HD22	1:175:A:GLY:H	10	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG11	12	0.14
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG12	12	0.14
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG13	12	0.14
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG21	12	0.14
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG22	12	0.14
(4,2645)	1:79:A:VAL:CG2	1:171:A:VAL:HG23	12	0.14
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:H	16	0.14
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:H	16	0.14
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:H	16	0.14
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:H	16	0.14
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:H	16	0.14
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:H	16	0.14
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD1	1:95:A:ILE:H	18	0.14
(4,2579)	1:21:A:PHE:HD2	1:95:A:ILE:H	18	0.14
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD1	1:79:A:VAL:H	11	0.14
(4,2557)	1:77:A:TYR:HD2	1:79:A:VAL:H	11	0.14
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD11	8	0.14
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD12	8	0.14
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD13	8	0.14
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD21	8	0.14
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD22	8	0.14
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG2	1:165:A:LEU:HD23	8	0.14
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD11	8	0.14
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD12	8	0.14
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD13	8	0.14
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD21	8	0.14
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD22	8	0.14
(4,2536)	1:12:A:GLU:HG3	1:165:A:LEU:HD23	8	0.14
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD1	12	0.14
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD11	1:214:A:TYR:HD2	12	0.14
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD1	12	0.14
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD12	1:214:A:TYR:HD2	12	0.14
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD1	12	0.14
(4,2502)	1:168:A:ILE:HD13	1:214:A:TYR:HD2	12	0.14
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD11	1:167:A:TYR:H	19	0.14
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD12	1:167:A:TYR:H	19	0.14
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD13	1:167:A:TYR:H	19	0.14
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD21	1:167:A:TYR:H	19	0.14
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD22	1:167:A:TYR:H	19	0.14
(4,2498)	1:58:A:LEU:HD23	1:167:A:TYR:H	19	0.14
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG11	1:228:A:MET:HB2	13	0.14
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG11	1:228:A:MET:HB3	13	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG12	1:228:A:MET:HB2	13	0.14
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG12	1:228:A:MET:HB3	13	0.14
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG13	1:228:A:MET:HB2	13	0.14
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG13	1:228:A:MET:HB3	13	0.14
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HB2	13	0.14
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HB3	13	0.14
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HB2	13	0.14
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HB3	13	0.14
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HB2	13	0.14
(4,2443)	1:211:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HB3	13	0.14
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:H	6	0.14
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:H	6	0.14
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:H	6	0.14
(4,2391)	1:133:A:THR:H	1:135:A:ASP:HB2	5	0.14
(4,2391)	1:133:A:THR:H	1:135:A:ASP:HB3	5	0.14
(4,2363)	1:46:A:ALA:HB1	1:47:A:PHE:HB3	7	0.14
(4,2363)	1:46:A:ALA:HB2	1:47:A:PHE:HB3	7	0.14
(4,2363)	1:46:A:ALA:HB3	1:47:A:PHE:HB3	7	0.14
(4,2333)	1:33:A:TYR:H	1:232:A:GLY:H	15	0.14
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG11	1:159:A:ALA:H	1	0.14
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG12	1:159:A:ALA:H	1	0.14
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG13	1:159:A:ALA:H	1	0.14
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG21	1:159:A:ALA:H	1	0.14
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG22	1:159:A:ALA:H	1	0.14
(4,2332)	1:9:A:VAL:HG23	1:159:A:ALA:H	1	0.14
(4,2326)	1:30:A:GLU:HG2	1:31:A:TRP:H	9	0.14
(4,2306)	1:89:A:ALA:H	1:142:A:ILE:HD11	15	0.14
(4,2306)	1:89:A:ALA:H	1:142:A:ILE:HD12	15	0.14
(4,2306)	1:89:A:ALA:H	1:142:A:ILE:HD13	15	0.14
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB2	13	0.14
(4,2303)	1:156:A:ALA:HA	1:158:A:GLU:HB3	13	0.14
(4,2285)	1:177:A:ILE:HG12	1:195:A:ASP:H	13	0.14
(4,2285)	1:177:A:ILE:HG13	1:195:A:ASP:H	13	0.14
(4,2203)	1:172:A:GLU:H	1:201:A:LEU:HD11	2	0.14
(4,2203)	1:172:A:GLU:H	1:201:A:LEU:HD12	2	0.14
(4,2203)	1:172:A:GLU:H	1:201:A:LEU:HD13	2	0.14
(4,2192)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG11	9	0.14
(4,2192)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG12	9	0.14
(4,2192)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG13	9	0.14
(4,2192)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG21	9	0.14
(4,2192)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG22	9	0.14
(4,2192)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:HG23	9	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2186)	1:142:A:ILE:HG21	1:143:A:LYS:HA	19	0.14
(4,2186)	1:142:A:ILE:HG22	1:143:A:LYS:HA	19	0.14
(4,2186)	1:142:A:ILE:HG23	1:143:A:LYS:HA	19	0.14
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD11	12	0.14
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD12	12	0.14
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE1	1:231:A:LEU:HD13	12	0.14
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD11	12	0.14
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD12	12	0.14
(4,2161)	1:33:A:TYR:HE2	1:231:A:LEU:HD13	12	0.14
(4,2133)	1:98:A:SER:HB2	1:101:A:ASN:H	15	0.14
(4,2133)	1:98:A:SER:HB3	1:101:A:ASN:H	15	0.14
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE1	2	0.14
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD11	1:18:A:PHE:HE2	2	0.14
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE1	2	0.14
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD12	1:18:A:PHE:HE2	2	0.14
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE1	2	0.14
(4,2131)	1:11:A:ILE:HD13	1:18:A:PHE:HE2	2	0.14
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD11	19	0.14
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD12	19	0.14
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE1	1:229:A:LEU:HD13	19	0.14
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD11	19	0.14
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD12	19	0.14
(4,2088)	1:18:A:PHE:HE2	1:229:A:LEU:HD13	19	0.14
(4,2086)	1:61:A:ILE:HB	1:164:A:ASN:HD21	11	0.14
(4,2040)	1:57:A:LEU:H	1:170:A:TYR:H	1	0.14
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG21	16	0.14
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG22	16	0.14
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG23	16	0.14
(4,1993)	1:55:A:ILE:HB	1:170:A:TYR:HD1	18	0.14
(4,1993)	1:55:A:ILE:HB	1:170:A:TYR:HD2	18	0.14
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG11	3	0.14
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG12	3	0.14
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG13	3	0.14
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:H	3	0.14
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:H	3	0.14
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:H	3	0.14
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD21	1:139:A:LEU:H	3	0.14
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD22	1:139:A:LEU:H	3	0.14
(4,1902)	1:92:A:LEU:HD23	1:139:A:LEU:H	3	0.14
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD21	13	0.14
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD22	13	0.14
(4,1900)	1:19:A:THR:HG21	1:27:A:LEU:HD23	13	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD21	13	0.14
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD22	13	0.14
(4,1900)	1:19:A:THR:HG22	1:27:A:LEU:HD23	13	0.14
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD21	13	0.14
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD22	13	0.14
(4,1900)	1:19:A:THR:HG23	1:27:A:LEU:HD23	13	0.14
(4,1845)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:HD21	17	0.14
(4,1796)	1:221:A:GLU:HG2	1:223:A:VAL:H	2	0.14
(4,1796)	1:221:A:GLU:HG3	1:223:A:VAL:H	2	0.14
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD11	1:115:A:PHE:H	20	0.14
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD12	1:115:A:PHE:H	20	0.14
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD13	1:115:A:PHE:H	20	0.14
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD21	1:115:A:PHE:H	20	0.14
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD22	1:115:A:PHE:H	20	0.14
(4,1770)	1:106:A:LEU:HD23	1:115:A:PHE:H	20	0.14
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG2	20	0.14
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HG3	20	0.14
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG2	20	0.14
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HG3	20	0.14
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG2	20	0.14
(4,1759)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HG3	20	0.14
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG21	1:171:A:VAL:CG1	1	0.14
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG22	1:171:A:VAL:CG1	1	0.14
(4,1758)	1:79:A:VAL:HG23	1:171:A:VAL:CG1	1	0.14
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB2	1:142:A:ILE:HG21	6	0.14
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB2	1:142:A:ILE:HG22	6	0.14
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB2	1:142:A:ILE:HG23	6	0.14
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:ILE:HG21	6	0.14
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:ILE:HG22	6	0.14
(4,1756)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:ILE:HG23	6	0.14
(4,1712)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HB2	8	0.14
(4,1712)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HB2	8	0.14
(4,1712)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HB2	8	0.14
(4,1636)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HA	13	0.14
(4,1636)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HA	13	0.14
(4,1630)	1:5:A:ASN:H	1:5:A:ASN:HD21	20	0.14
(4,1595)	1:193:A:LYS:H	1:194:A:SER:HA	3	0.14
(4,1569)	1:45:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:H	14	0.14
(4,1569)	1:45:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:H	14	0.14
(4,1569)	1:45:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:H	14	0.14
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG21	11	0.14
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG22	11	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG23	11	0.14
(4,1544)	1:172:A:GLU:HB2	1:177:A:ILE:H	15	0.14
(4,1537)	1:95:A:ILE:H	1:97:A:HIS:H	14	0.14
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG21	1:53:A:LYS:HB2	8	0.14
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG21	1:53:A:LYS:HB3	8	0.14
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG22	1:53:A:LYS:HB2	8	0.14
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG22	1:53:A:LYS:HB3	8	0.14
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG23	1:53:A:LYS:HB2	8	0.14
(4,1536)	1:52:A:VAL:HG23	1:53:A:LYS:HB3	8	0.14
(4,1480)	1:177:A:ILE:HD11	1:206:A:LEU:HB3	2	0.14
(4,1480)	1:177:A:ILE:HD12	1:206:A:LEU:HB3	2	0.14
(4,1480)	1:177:A:ILE:HD13	1:206:A:LEU:HB3	2	0.14
(4,1446)	1:134:A:THR:HG21	1:136:A:GLN:H	14	0.14
(4,1446)	1:134:A:THR:HG22	1:136:A:GLN:H	14	0.14
(4,1446)	1:134:A:THR:HG23	1:136:A:GLN:H	14	0.14
(4,1441)	1:235:A:TRP:HA	1:235:A:TRP:HE1	2	0.14
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG21	1:136:A:GLN:HG3	6	0.14
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG22	1:136:A:GLN:HG3	6	0.14
(4,1421)	1:132:A:VAL:HG23	1:136:A:GLN:HG3	6	0.14
(4,1400)	1:67:A:SER:H	1:68:A:SER:HA	11	0.14
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG21	14	0.14
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG22	14	0.14
(4,1366)	1:67:A:SER:H	1:69:A:THR:HG23	14	0.14
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD21	14	0.14
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD22	14	0.14
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD23	14	0.14
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD21	14	0.14
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD22	14	0.14
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD23	14	0.14
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD21	14	0.14
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD22	14	0.14
(4,1363)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD23	14	0.14
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG21	5	0.14
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG22	5	0.14
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG2	1:11:A:ILE:HG23	5	0.14
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG21	5	0.14
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG22	5	0.14
(4,1361)	1:10:A:PRO:HG3	1:11:A:ILE:HG23	5	0.14
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG21	2	0.14
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG22	2	0.14
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG23	2	0.14
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG21	2	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG22	2	0.14
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG23	2	0.14
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD21	1:146:A:VAL:H	16	0.14
(4,1279)	1:145:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:H	16	0.14
(4,1244)	1:172:A:GLU:HG2	1:174:A:ASN:H	16	0.14
(4,1244)	1:172:A:GLU:HG3	1:174:A:ASN:H	16	0.14
(4,1093)	1:114:A:ASN:HD21	1:115:A:PHE:H	20	0.14
(4,1093)	1:114:A:ASN:HD22	1:115:A:PHE:H	20	0.14
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG11	1:22:A:ALA:H	5	0.14
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG12	1:22:A:ALA:H	5	0.14
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG13	1:22:A:ALA:H	5	0.14
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG21	1:22:A:ALA:H	5	0.14
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG22	1:22:A:ALA:H	5	0.14
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG23	1:22:A:ALA:H	5	0.14
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG21	1:194:A:SER:H	8	0.14
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG22	1:194:A:SER:H	8	0.14
(4,1071)	1:177:A:ILE:HG23	1:194:A:SER:H	8	0.14
(4,978)	1:118:A:SER:H	1:121:A:ASP:H	1	0.14
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD11	11	0.14
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD12	11	0.14
(4,965)	1:55:A:ILE:HG21	1:177:A:ILE:HD13	11	0.14
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD11	11	0.14
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD12	11	0.14
(4,965)	1:55:A:ILE:HG22	1:177:A:ILE:HD13	11	0.14
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD11	11	0.14
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD12	11	0.14
(4,965)	1:55:A:ILE:HG23	1:177:A:ILE:HD13	11	0.14
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG21	19	0.14
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG22	19	0.14
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG23	19	0.14
(4,866)	1:36:A:ILE:HB	1:38:A:SER:HA	1	0.14
(4,863)	1:137:A:PHE:HA	1:140:A:ASN:HB2	13	0.14
(4,861)	1:86:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:H	8	0.14
(4,861)	1:86:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:H	8	0.14
(4,861)	1:86:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:H	8	0.14
(4,861)	1:86:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:H	8	0.14
(4,861)	1:86:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:H	8	0.14
(4,861)	1:86:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:H	8	0.14
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD21	9	0.14
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD22	9	0.14
(4,796)	1:28:A:LYS:HB2	1:105:A:LEU:HD23	9	0.14
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD11	16	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD12	16	0.14
(4,792)	1:104:A:SER:H	1:106:A:LEU:HD13	16	0.14
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD11	8	0.14
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD12	8	0.14
(4,771)	1:167:A:TYR:HD1	1:168:A:ILE:HD13	8	0.14
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD11	8	0.14
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD12	8	0.14
(4,771)	1:167:A:TYR:HD2	1:168:A:ILE:HD13	8	0.14
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD21	10	0.14
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD22	10	0.14
(4,766)	1:171:A:VAL:HB	1:201:A:LEU:HD23	10	0.14
(4,751)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:H	12	0.14
(4,751)	1:2:A:SER:HB3	1:4:A:GLU:H	12	0.14
(4,725)	1:80:A:ILE:H	1:101:A:ASN:HB2	13	0.14
(4,725)	1:80:A:ILE:H	1:101:A:ASN:HB3	13	0.14
(4,651)	1:145:A:ASN:HB2	1:149:A:PHE:H	7	0.14
(4,651)	1:145:A:ASN:HB3	1:149:A:PHE:H	7	0.14
(4,635)	1:211:A:VAL:HG11	1:215:A:MET:H	4	0.14
(4,635)	1:211:A:VAL:HG12	1:215:A:MET:H	4	0.14
(4,635)	1:211:A:VAL:HG13	1:215:A:MET:H	4	0.14
(4,595)	1:173:A:GLU:H	1:174:A:ASN:HB2	10	0.14
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD11	4	0.14
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD12	4	0.14
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD13	4	0.14
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD21	4	0.14
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD22	4	0.14
(4,582)	1:103:A:GLN:H	1:105:A:LEU:HD23	4	0.14
(4,535)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD21	5	0.14
(4,535)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD21	6	0.14
(4,535)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD21	17	0.14
(4,535)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD21	19	0.14
(4,500)	1:22:A:ALA:H	1:95:A:ILE:HB	16	0.14
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB2	10	0.14
(4,480)	1:215:A:MET:HA	1:222:A:ASP:HB3	10	0.14
(4,453)	1:17:A:VAL:HB	1:19:A:THR:H	17	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD11	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD12	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD13	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD21	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD22	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG11	1:92:A:LEU:HD23	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD11	16	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,429)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD12	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD13	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD21	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD22	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG12	1:92:A:LEU:HD23	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD11	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD12	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD13	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD21	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD22	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG13	1:92:A:LEU:HD23	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD11	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD12	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD13	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD21	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD22	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG21	1:92:A:LEU:HD23	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD11	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD12	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD13	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD21	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD22	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG22	1:92:A:LEU:HD23	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD11	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD12	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD13	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD21	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD22	16	0.14
(4,429)	1:86:A:VAL:HG23	1:92:A:LEU:HD23	16	0.14
(4,409)	1:143:A:LYS:HG2	1:145:A:ASN:H	17	0.14
(4,409)	1:143:A:LYS:HG3	1:145:A:ASN:H	17	0.14
(4,379)	1:79:A:VAL:HG21	1:179:A:GLU:H	15	0.14
(4,379)	1:79:A:VAL:HG22	1:179:A:GLU:H	15	0.14
(4,379)	1:79:A:VAL:HG23	1:179:A:GLU:H	15	0.14
(4,360)	1:231:A:LEU:HD11	1:234:A:ASN:H	3	0.14
(4,360)	1:231:A:LEU:HD12	1:234:A:ASN:H	3	0.14
(4,360)	1:231:A:LEU:HD13	1:234:A:ASN:H	3	0.14
(4,360)	1:231:A:LEU:HD21	1:234:A:ASN:H	3	0.14
(4,360)	1:231:A:LEU:HD22	1:234:A:ASN:H	3	0.14
(4,360)	1:231:A:LEU:HD23	1:234:A:ASN:H	3	0.14
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD11	17	0.14
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD12	17	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD13	17	0.14
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD21	17	0.14
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD22	17	0.14
(4,355)	1:38:A:SER:HB2	1:45:A:LEU:HD23	17	0.14
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD11	17	0.14
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD12	17	0.14
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD13	17	0.14
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD21	17	0.14
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD22	17	0.14
(4,355)	1:38:A:SER:HB3	1:45:A:LEU:HD23	17	0.14
(4,345)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HB2	10	0.14
(4,345)	1:137:A:PHE:H	1:139:A:LEU:HB3	10	0.14
(4,342)	1:170:A:TYR:HE1	1:179:A:GLU:H	9	0.14
(4,342)	1:170:A:TYR:HE2	1:179:A:GLU:H	9	0.14
(4,302)	1:214:A:TYR:HA	1:215:A:MET:HB2	17	0.14
(4,302)	1:214:A:TYR:HA	1:215:A:MET:HB3	17	0.14
(4,277)	1:82:A:PHE:HE1	1:99:A:LEU:H	13	0.14
(4,277)	1:82:A:PHE:HE2	1:99:A:LEU:H	13	0.14
(4,217)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD21	1	0.14
(4,217)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD22	1	0.14
(4,217)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD23	1	0.14
(4,217)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD21	17	0.14
(4,217)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD22	17	0.14
(4,217)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:HD23	17	0.14
(4,212)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:HA	11	0.14
(4,163)	1:52:A:VAL:HG11	1:202:A:ILE:H	4	0.14
(4,163)	1:52:A:VAL:HG12	1:202:A:ILE:H	4	0.14
(4,163)	1:52:A:VAL:HG13	1:202:A:ILE:H	4	0.14
(4,161)	1:119:A:GLN:HE21	1:120:A:SER:H	18	0.14
(4,136)	1:195:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE21	16	0.14
(4,136)	1:195:A:ASP:H	1:204:A:GLN:HE22	16	0.14
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD11	14	0.14
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD12	14	0.14
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD13	14	0.14
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD21	14	0.14
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD22	14	0.14
(4,54)	1:114:A:ASN:H	1:116:A:LEU:HD23	14	0.14
(4,48)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD11	16	0.14
(4,48)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD12	16	0.14
(4,48)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD13	16	0.14
(4,31)	1:162:A:ASP:HB2	1:165:A:LEU:H	8	0.14
(4,31)	1:162:A:ASP:HB3	1:165:A:LEU:H	8	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(3,21)	1:169:A:THR:H	1:180:A:LEU:O	13	0.14
(3,20)	1:57:A:LEU:O	1:168:A:ILE:H	19	0.14
(3,17)	1:59:A:PHE:H	1:166:A:HIS:O	20	0.14
(3,11)	1:54:A:ALA:O	1:231:A:LEU:H	7	0.14
(2,638)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:ND2	19	0.14
(2,148)	1:140:A:ASN:ND2	1:148:A:THR:H	15	0.14
(1,310)	1:5:A:ASN:ND2	1:231:A:LEU:H	6	0.14
(1,159)	1:191:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	16	0.14
(1,106)	1:190:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	10	0.14
(1,85)	1:206:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	15	0.14
(5,765)	1:5:A:ASN:ND2	1:66:A:LYS:H	3	0.13
(5,759)	1:5:A:ASN:ND2	1:158:A:GLU:H	12	0.13
(5,694)	1:5:A:ASN:ND2	1:82:A:PHE:H	2	0.13
(5,564)	1:5:A:ASN:ND2	1:126:A:LYS:H	6	0.13
(5,547)	1:5:A:ASN:ND2	1:154:A:SER:H	8	0.13
(5,471)	1:5:A:ASN:ND2	1:168:A:ILE:H	18	0.13
(5,456)	1:5:A:ASN:ND2	1:71:A:GLN:H	17	0.13
(5,451)	1:5:A:ASN:ND2	1:21:A:PHE:H	4	0.13
(5,448)	1:5:A:ASN:ND2	1:207:A:VAL:H	11	0.13
(5,445)	1:5:A:ASN:ND2	1:164:A:ASN:H	12	0.13
(5,320)	1:41:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	5	0.13
(5,284)	1:38:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	5	0.13
(4,4319)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG11	13	0.13
(4,4319)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG12	13	0.13
(4,4319)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:HG13	13	0.13
(4,4310)	1:184:A:ASN:HB2	1:189:A:LEU:HD11	13	0.13
(4,4310)	1:184:A:ASN:HB2	1:189:A:LEU:HD12	13	0.13
(4,4310)	1:184:A:ASN:HB2	1:189:A:LEU:HD13	13	0.13
(4,4310)	1:184:A:ASN:HB2	1:189:A:LEU:HD21	13	0.13
(4,4310)	1:184:A:ASN:HB2	1:189:A:LEU:HD22	13	0.13
(4,4310)	1:184:A:ASN:HB2	1:189:A:LEU:HD23	13	0.13
(4,4310)	1:184:A:ASN:HB3	1:189:A:LEU:HD11	13	0.13
(4,4310)	1:184:A:ASN:HB3	1:189:A:LEU:HD12	13	0.13
(4,4310)	1:184:A:ASN:HB3	1:189:A:LEU:HD13	13	0.13
(4,4310)	1:184:A:ASN:HB3	1:189:A:LEU:HD21	13	0.13
(4,4310)	1:184:A:ASN:HB3	1:189:A:LEU:HD22	13	0.13
(4,4310)	1:184:A:ASN:HB3	1:189:A:LEU:HD23	13	0.13
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG2	13	0.13
(4,4261)	1:120:A:SER:H	1:126:A:LYS:HG3	13	0.13
(4,4253)	1:103:A:GLN:H	1:103:A:GLN:HE22	11	0.13
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE1	19	0.13
(4,4232)	1:11:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HE2	19	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG2	14	0.13
(4,4186)	1:64:A:ASP:H	1:65:A:ARG:HG3	14	0.13
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HG12	13	0.13
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG11	1:95:A:ILE:HG13	13	0.13
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HG12	13	0.13
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG12	1:95:A:ILE:HG13	13	0.13
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HG12	13	0.13
(4,4184)	1:56:A:VAL:HG13	1:95:A:ILE:HG13	13	0.13
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG12	1:214:A:TYR:HD1	19	0.13
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG12	1:214:A:TYR:HD2	19	0.13
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG13	1:214:A:TYR:HD1	19	0.13
(4,4165)	1:61:A:ILE:HG13	1:214:A:TYR:HD2	19	0.13
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD11	8	0.13
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD12	8	0.13
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD13	8	0.13
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD21	8	0.13
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD22	8	0.13
(4,4127)	1:34:A:PHE:H	1:231:A:LEU:HD23	8	0.13
(4,4090)	1:204:A:GLN:H	1:207:A:VAL:H	17	0.13
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB2	12	0.13
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB2	12	0.13
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB2	12	0.13
(4,4063)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:HB2	3	0.13
(4,4063)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:HB3	3	0.13
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE21	3	0.13
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE22	3	0.13
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD21	1:187:A:GLY:H	13	0.13
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD22	1:187:A:GLY:H	13	0.13
(4,4057)	1:185:A:LEU:HD23	1:187:A:GLY:H	13	0.13
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG12	1	0.13
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG13	1	0.13
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG12	1	0.13
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG13	1	0.13
(4,4031)	1:181:A:ASP:HB2	1:184:A:ASN:HA	1	0.13
(4,4031)	1:181:A:ASP:HB3	1:184:A:ASN:HA	1	0.13
(4,4013)	1:11:A:ILE:HG12	1:14:A:ASN:H	18	0.13
(4,3975)	1:109:A:GLY:H	1:114:A:ASN:H	20	0.13
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:HA	8	0.13
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:HA	8	0.13
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:HA	8	0.13
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:HA	8	0.13
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:HA	8	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3914)	1:57:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:HA	8	0.13
(4,3885)	1:74:A:THR:H	1:76:A:SER:H	15	0.13
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB2	2	0.13
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB2	2	0.13
(4,3804)	1:40:A:THR:H	1:45:A:LEU:HD11	1	0.13
(4,3804)	1:40:A:THR:H	1:45:A:LEU:HD12	1	0.13
(4,3804)	1:40:A:THR:H	1:45:A:LEU:HD13	1	0.13
(4,3804)	1:40:A:THR:H	1:45:A:LEU:HD21	1	0.13
(4,3804)	1:40:A:THR:H	1:45:A:LEU:HD22	1	0.13
(4,3804)	1:40:A:THR:H	1:45:A:LEU:HD23	1	0.13
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG21	5	0.13
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG22	5	0.13
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG21	1:169:A:THR:HG23	5	0.13
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG21	5	0.13
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG22	5	0.13
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG22	1:169:A:THR:HG23	5	0.13
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG21	5	0.13
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG22	5	0.13
(4,3791)	1:55:A:ILE:HG23	1:169:A:THR:HG23	5	0.13
(4,3786)	1:58:A:LEU:HD11	1:59:A:PHE:H	5	0.13
(4,3786)	1:58:A:LEU:HD12	1:59:A:PHE:H	5	0.13
(4,3786)	1:58:A:LEU:HD13	1:59:A:PHE:H	5	0.13
(4,3779)	1:31:A:TRP:HE1	1:233:A:PRO:HA	7	0.13
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD11	1:94:A:ALA:HB1	13	0.13
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD11	1:94:A:ALA:HB2	13	0.13
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD11	1:94:A:ALA:HB3	13	0.13
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD12	1:94:A:ALA:HB1	13	0.13
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD12	1:94:A:ALA:HB2	13	0.13
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD12	1:94:A:ALA:HB3	13	0.13
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD13	1:94:A:ALA:HB1	13	0.13
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD13	1:94:A:ALA:HB2	13	0.13
(4,3770)	1:58:A:LEU:HD13	1:94:A:ALA:HB3	13	0.13
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD11	2	0.13
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD12	2	0.13
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD13	2	0.13
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD21	2	0.13
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD22	2	0.13
(4,3739)	1:99:A:LEU:H	1:106:A:LEU:HD23	2	0.13
(4,3716)	1:45:A:LEU:HA	1:202:A:ILE:HD11	6	0.13
(4,3716)	1:45:A:LEU:HA	1:202:A:ILE:HD12	6	0.13
(4,3716)	1:45:A:LEU:HA	1:202:A:ILE:HD13	6	0.13
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG11	1:150:A:SER:H	12	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG12	1:150:A:SER:H	12	0.13
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG13	1:150:A:SER:H	12	0.13
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG21	1:150:A:SER:H	12	0.13
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG22	1:150:A:SER:H	12	0.13
(4,3649)	1:146:A:VAL:HG23	1:150:A:SER:H	12	0.13
(4,3600)	1:195:A:ASP:H	1:196:A:PRO:HA	18	0.13
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB2	11	0.13
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB3	11	0.13
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB2	11	0.13
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB3	11	0.13
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB2	11	0.13
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB3	11	0.13
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HB2	11	0.13
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG21	1:228:A:MET:HB3	11	0.13
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HB2	11	0.13
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG22	1:228:A:MET:HB3	11	0.13
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HB2	11	0.13
(4,3515)	1:55:A:ILE:HG23	1:228:A:MET:HB3	11	0.13
(4,3481)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:H	2	0.13
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD21	1:116:A:LEU:H	2	0.13
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD22	1:116:A:LEU:H	2	0.13
(4,3470)	1:112:A:LEU:HD23	1:116:A:LEU:H	2	0.13
(4,3434)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:H	13	0.13
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG2	1:178:A:PHE:HD1	9	0.13
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG2	1:178:A:PHE:HD2	9	0.13
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG3	1:178:A:PHE:HD1	9	0.13
(4,3426)	1:173:A:GLU:HG3	1:178:A:PHE:HD2	9	0.13
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HD1	1	0.13
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HD2	1	0.13
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HD1	1	0.13
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HD2	1	0.13
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HD1	1	0.13
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HD2	1	0.13
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HD1	1	0.13
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:HD2	1	0.13
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HD1	1	0.13
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:HD2	1	0.13
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HD1	1	0.13
(4,3410)	1:171:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:HD2	1	0.13
(4,3394)	1:90:A:CYS:HB2	1:167:A:TYR:H	16	0.13
(4,3394)	1:90:A:CYS:HB3	1:167:A:TYR:H	16	0.13
(4,3394)	1:90:A:CYS:HB2	1:167:A:TYR:H	20	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3394)	1:90:A:CYS:HB3	1:167:A:TYR:H	20	0.13
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD1	1:179:A:GLU:H	3	0.13
(4,3369)	1:178:A:PHE:HD2	1:179:A:GLU:H	3	0.13
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:HG2	13	0.13
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:HG3	13	0.13
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:HG2	13	0.13
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:HG3	13	0.13
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:HG2	13	0.13
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:HG3	13	0.13
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:HG2	13	0.13
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:HG3	13	0.13
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:HG2	13	0.13
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:HG3	13	0.13
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:HG2	13	0.13
(4,3348)	1:201:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:HG3	13	0.13
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD11	3	0.13
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD12	3	0.13
(4,3343)	1:42:A:PRO:HB2	1:45:A:LEU:HD13	3	0.13
(4,3303)	1:22:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HB2	6	0.13
(4,3303)	1:22:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HB3	6	0.13
(4,3280)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HB2	7	0.13
(4,3262)	1:190:A:TYR:HE1	1:191:A:LEU:H	2	0.13
(4,3262)	1:190:A:TYR:HE2	1:191:A:LEU:H	2	0.13
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG21	1:64:A:ASP:H	1	0.13
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG22	1:64:A:ASP:H	1	0.13
(4,3243)	1:61:A:ILE:HG23	1:64:A:ASP:H	1	0.13
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD2	9	0.13
(4,3226)	1:204:A:GLN:H	1:208:A:ARG:HD3	9	0.13
(4,3217)	1:204:A:GLN:HE21	1:207:A:VAL:H	18	0.13
(4,3217)	1:204:A:GLN:HE22	1:207:A:VAL:H	18	0.13
(4,3206)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:H	3	0.13
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD2	19	0.13
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB2	1:188:A:PRO:HD3	19	0.13
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD2	19	0.13
(4,3155)	1:184:A:ASN:HB3	1:188:A:PRO:HD3	19	0.13
(4,3154)	1:19:A:THR:H	1:21:A:PHE:H	12	0.13
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD1	20	0.13
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD2	20	0.13
(4,3089)	1:154:A:SER:HB2	1:156:A:ALA:H	2	0.13
(4,3089)	1:154:A:SER:HB3	1:156:A:ALA:H	2	0.13
(4,3068)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:LEU:HD11	19	0.13
(4,3068)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:LEU:HD12	19	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3068)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:LEU:HD13	19	0.13
(4,3068)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:LEU:HD21	19	0.13
(4,3068)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:LEU:HD22	19	0.13
(4,3068)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:LEU:HD23	19	0.13
(4,3063)	1:19:A:THR:HG21	1:22:A:ALA:HB1	8	0.13
(4,3063)	1:19:A:THR:HG21	1:22:A:ALA:HB2	8	0.13
(4,3063)	1:19:A:THR:HG21	1:22:A:ALA:HB3	8	0.13
(4,3063)	1:19:A:THR:HG22	1:22:A:ALA:HB1	8	0.13
(4,3063)	1:19:A:THR:HG22	1:22:A:ALA:HB2	8	0.13
(4,3063)	1:19:A:THR:HG22	1:22:A:ALA:HB3	8	0.13
(4,3063)	1:19:A:THR:HG23	1:22:A:ALA:HB1	8	0.13
(4,3063)	1:19:A:THR:HG23	1:22:A:ALA:HB2	8	0.13
(4,3063)	1:19:A:THR:HG23	1:22:A:ALA:HB3	8	0.13
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG21	20	0.13
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG22	20	0.13
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG23	20	0.13
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG21	20	0.13
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG22	20	0.13
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG23	20	0.13
(4,2999)	1:184:A:ASN:HD21	1:189:A:LEU:H	11	0.13
(4,2999)	1:184:A:ASN:HD22	1:189:A:LEU:H	11	0.13
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD11	1:204:A:GLN:H	2	0.13
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD12	1:204:A:GLN:H	2	0.13
(4,2971)	1:177:A:ILE:HD13	1:204:A:GLN:H	2	0.13
(4,2970)	1:28:A:LYS:HB2	1:107:A:GLU:H	16	0.13
(4,2966)	1:82:A:PHE:H	1:97:A:HIS:HA	8	0.13
(4,2958)	1:52:A:VAL:H	1:54:A:ALA:H	11	0.13
(4,2945)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:ILE:H	5	0.13
(4,2945)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:ILE:H	5	0.13
(4,2945)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:ILE:H	5	0.13
(4,2945)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:ILE:H	5	0.13
(4,2945)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:ILE:H	5	0.13
(4,2945)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:ILE:H	5	0.13
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	13	0.13
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	13	0.13
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	13	0.13
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HB2	3	0.13
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:HB3	3	0.13
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HB2	3	0.13
(4,2852)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:HB3	3	0.13
(4,2840)	1:56:A:VAL:HG11	1:229:A:LEU:H	4	0.13
(4,2840)	1:56:A:VAL:HG12	1:229:A:LEU:H	4	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2840)	1:56:A:VAL:HG13	1:229:A:LEU:H	4	0.13
(4,2826)	1:53:A:LYS:HB2	1:231:A:LEU:H	5	0.13
(4,2826)	1:53:A:LYS:HB3	1:231:A:LEU:H	5	0.13
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD11	19	0.13
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD12	19	0.13
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD13	19	0.13
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD21	19	0.13
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD22	19	0.13
(4,2719)	1:102:A:ASN:H	1:231:A:LEU:HD23	19	0.13
(4,2681)	1:215:A:MET:HA	1:223:A:VAL:HG21	11	0.13
(4,2681)	1:215:A:MET:HA	1:223:A:VAL:HG22	11	0.13
(4,2681)	1:215:A:MET:HA	1:223:A:VAL:HG23	11	0.13
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD21	1	0.13
(4,2677)	1:137:A:PHE:H	1:140:A:ASN:HD22	1	0.13
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD11	19	0.13
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD12	19	0.13
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD13	19	0.13
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD21	19	0.13
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD22	19	0.13
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD23	19	0.13
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG12	1:206:A:LEU:H	19	0.13
(4,2617)	1:177:A:ILE:HG13	1:206:A:LEU:H	19	0.13
(4,2612)	1:81:A:TRP:HE1	1:185:A:LEU:HA	20	0.13
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:H	8	0.13
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:H	8	0.13
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:H	8	0.13
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:H	8	0.13
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:H	8	0.13
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:H	8	0.13
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:H	17	0.13
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:H	17	0.13
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:H	17	0.13
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:H	17	0.13
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:H	17	0.13
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:H	17	0.13
(4,2559)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD21	11	0.13
(4,2544)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HB2	13	0.13
(4,2544)	1:82:A:PHE:H	1:180:A:LEU:HB3	13	0.13
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD11	5	0.13
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD12	5	0.13
(4,2427)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD13	5	0.13
(4,2410)	1:57:A:LEU:HD11	1:227:A:ALA:H	15	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2410)	1:57:A:LEU:HD12	1:227:A:ALA:H	15	0.13
(4,2410)	1:57:A:LEU:HD13	1:227:A:ALA:H	15	0.13
(4,2410)	1:57:A:LEU:HD21	1:227:A:ALA:H	15	0.13
(4,2410)	1:57:A:LEU:HD22	1:227:A:ALA:H	15	0.13
(4,2410)	1:57:A:LEU:HD23	1:227:A:ALA:H	15	0.13
(4,2364)	1:166:A:HIS:H	1:167:A:TYR:HD1	17	0.13
(4,2364)	1:166:A:HIS:H	1:167:A:TYR:HD2	17	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD11	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD12	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD13	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD21	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD22	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD23	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD11	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD12	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD13	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD21	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD22	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD23	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD11	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD12	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD13	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD21	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD22	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD23	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD11	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD12	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD13	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD21	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD22	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD23	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD11	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD12	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD13	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD21	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD22	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD23	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD11	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD12	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD13	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD21	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD22	5	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD23	5	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD11	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD12	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD13	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD21	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD22	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD11	1:27:A:LEU:HD23	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD11	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD12	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD13	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD21	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD22	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD12	1:27:A:LEU:HD23	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD11	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD12	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD13	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD21	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD22	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD13	1:27:A:LEU:HD23	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD11	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD12	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD13	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD21	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD22	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD21	1:27:A:LEU:HD23	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD11	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD12	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD13	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD21	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD22	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD22	1:27:A:LEU:HD23	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD11	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD12	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD13	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD21	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD22	18	0.13
(4,2338)	1:25:A:LEU:HD23	1:27:A:LEU:HD23	18	0.13
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG21	3	0.13
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG22	3	0.13
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG23	3	0.13
(4,2292)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	10	0.13
(4,2292)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	10	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2292)	1:53:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	10	0.13
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:H	10	0.13
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:H	10	0.13
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:H	10	0.13
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:H	10	0.13
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:H	10	0.13
(4,2284)	1:191:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:H	10	0.13
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD21	7	0.13
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD22	7	0.13
(4,2247)	1:19:A:THR:H	1:229:A:LEU:HD23	7	0.13
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD21	1:105:A:LEU:HB2	4	0.13
(4,2236)	1:102:A:ASN:HD22	1:105:A:LEU:HB2	4	0.13
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD1	1:222:A:ASP:HB2	15	0.13
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD1	1:222:A:ASP:HB3	15	0.13
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD2	1:222:A:ASP:HB2	15	0.13
(4,2199)	1:59:A:PHE:HD2	1:222:A:ASP:HB3	15	0.13
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD21	17	0.13
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD22	17	0.13
(4,2194)	1:205:A:GLU:H	1:206:A:LEU:HD23	17	0.13
(4,2168)	1:38:A:SER:H	1:41:A:GLU:H	14	0.13
(4,2148)	1:68:A:SER:H	1:69:A:THR:H	15	0.13
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG21	14	0.13
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG22	14	0.13
(4,2111)	1:90:A:CYS:H	1:142:A:ILE:HG23	14	0.13
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD21	1:147:A:GLN:H	15	0.13
(4,2102)	1:145:A:ASN:HD22	1:147:A:GLN:H	15	0.13
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB2	3	0.13
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB2	1:88:A:ASN:HB3	3	0.13
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB2	3	0.13
(4,2094)	1:5:A:ASN:HB3	1:88:A:ASN:HB3	3	0.13
(4,2082)	1:169:A:THR:HG21	1:180:A:LEU:H	3	0.13
(4,2082)	1:169:A:THR:HG22	1:180:A:LEU:H	3	0.13
(4,2082)	1:169:A:THR:HG23	1:180:A:LEU:H	3	0.13
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG21	11	0.13
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG22	11	0.13
(4,2049)	1:79:A:VAL:H	1:80:A:ILE:HG23	11	0.13
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:HA	19	0.13
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:HA	19	0.13
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:HA	19	0.13
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:HA	19	0.13
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:HA	19	0.13
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:HA	19	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG21	4	0.13
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG22	4	0.13
(4,2008)	1:40:A:THR:HA	1:202:A:ILE:HG23	4	0.13
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB2	19	0.13
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB3	19	0.13
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB2	19	0.13
(4,1981)	1:62:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB3	19	0.13
(4,1977)	1:56:A:VAL:H	1:170:A:TYR:HD1	14	0.13
(4,1977)	1:56:A:VAL:H	1:170:A:TYR:HD2	14	0.13
(4,1975)	1:44:A:LEU:HA	1:48:A:LEU:H	4	0.13
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG21	7	0.13
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG22	7	0.13
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HG23	7	0.13
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG21	7	0.13
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG22	7	0.13
(4,1974)	1:157:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HG23	7	0.13
(4,1973)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:H	15	0.13
(4,1963)	1:219:A:ASN:H	1:223:A:VAL:H	18	0.13
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD11	7	0.13
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD12	7	0.13
(4,1949)	1:53:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD13	7	0.13
(4,1918)	1:39:A:LEU:HD11	1:203:A:GLU:HA	8	0.13
(4,1918)	1:39:A:LEU:HD12	1:203:A:GLU:HA	8	0.13
(4,1918)	1:39:A:LEU:HD13	1:203:A:GLU:HA	8	0.13
(4,1918)	1:39:A:LEU:HD21	1:203:A:GLU:HA	8	0.13
(4,1918)	1:39:A:LEU:HD22	1:203:A:GLU:HA	8	0.13
(4,1918)	1:39:A:LEU:HD23	1:203:A:GLU:HA	8	0.13
(4,1905)	1:213:A:SER:H	1:214:A:TYR:HE1	5	0.13
(4,1905)	1:213:A:SER:H	1:214:A:TYR:HE2	5	0.13
(4,1851)	1:31:A:TRP:HE1	1:105:A:LEU:HG	11	0.13
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD2	1:84:A:GLN:HB2	17	0.13
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD2	1:84:A:GLN:HB3	17	0.13
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD3	1:84:A:GLN:HB2	17	0.13
(4,1847)	1:83:A:LYS:HD3	1:84:A:GLN:HB3	17	0.13
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD11	1:97:A:HIS:H	19	0.13
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD12	1:97:A:HIS:H	19	0.13
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD13	1:97:A:HIS:H	19	0.13
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD21	1:97:A:HIS:H	19	0.13
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD22	1:97:A:HIS:H	19	0.13
(4,1828)	1:25:A:LEU:HD23	1:97:A:HIS:H	19	0.13
(4,1801)	1:113:A:ASP:H	1:116:A:LEU:H	8	0.13
(4,1771)	1:72:A:GLN:HB3	1:74:A:THR:H	16	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1767)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HB2	12	0.13
(4,1767)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HB3	12	0.13
(4,1739)	1:222:A:ASP:H	1:224:A:LEU:H	13	0.13
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD11	12	0.13
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD12	12	0.13
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD21	1:95:A:ILE:HD13	12	0.13
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD11	12	0.13
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD12	12	0.13
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD22	1:95:A:ILE:HD13	12	0.13
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD11	12	0.13
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD12	12	0.13
(4,1711)	1:25:A:LEU:HD23	1:95:A:ILE:HD13	12	0.13
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG11	1:202:A:ILE:HB	10	0.13
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG12	1:202:A:ILE:HB	10	0.13
(4,1679)	1:52:A:VAL:HG13	1:202:A:ILE:HB	10	0.13
(4,1672)	1:21:A:PHE:HD1	1:22:A:ALA:HA	18	0.13
(4,1672)	1:21:A:PHE:HD2	1:22:A:ALA:HA	18	0.13
(4,1653)	1:17:A:VAL:H	1:152:A:GLY:HA2	11	0.13
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB2	17	0.13
(4,1649)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:HB3	17	0.13
(4,1618)	1:156:A:ALA:H	1:157:A:PRO:HA	15	0.13
(4,1605)	1:25:A:LEU:CD2	1:96:A:LEU:HD11	14	0.13
(4,1605)	1:25:A:LEU:CD2	1:96:A:LEU:HD12	14	0.13
(4,1605)	1:25:A:LEU:CD2	1:96:A:LEU:HD13	14	0.13
(4,1605)	1:25:A:LEU:CD2	1:96:A:LEU:HD21	14	0.13
(4,1605)	1:25:A:LEU:CD2	1:96:A:LEU:HD22	14	0.13
(4,1605)	1:25:A:LEU:CD2	1:96:A:LEU:HD23	14	0.13
(4,1603)	1:97:A:HIS:HD1	1:182:A:GLY:H	18	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD11	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD12	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD13	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD21	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD22	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD11	1:48:A:LEU:HD23	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD11	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD12	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD13	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD21	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD22	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD12	1:48:A:LEU:HD23	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD11	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD12	10	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD13	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD21	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD22	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD13	1:48:A:LEU:HD23	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD11	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD12	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD13	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD21	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD22	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD21	1:48:A:LEU:HD23	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD11	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD12	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD13	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD21	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD22	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD22	1:48:A:LEU:HD23	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD11	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD12	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD13	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD21	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD22	10	0.13
(4,1596)	1:44:A:LEU:HD23	1:48:A:LEU:HD23	10	0.13
(4,1595)	1:193:A:LYS:H	1:194:A:SER:HA	9	0.13
(4,1515)	1:2:A:SER:HB3	1:6:A:ARG:HA	10	0.13
(4,1383)	1:19:A:THR:HG1	1:20:A:ASN:H	16	0.13
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG11	1:201:A:LEU:H	11	0.13
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG12	1:201:A:LEU:H	11	0.13
(4,1358)	1:52:A:VAL:HG13	1:201:A:LEU:H	11	0.13
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG11	10	0.13
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG12	10	0.13
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG13	10	0.13
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG21	10	0.13
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG22	10	0.13
(4,1348)	1:171:A:VAL:HA	1:207:A:VAL:HG23	10	0.13
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG21	1:228:A:MET:HA	8	0.13
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG22	1:228:A:MET:HA	8	0.13
(4,1347)	1:56:A:VAL:HG23	1:228:A:MET:HA	8	0.13
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:H	4	0.13
(4,1320)	1:62:A:ASN:HD22	1:218:A:ALA:H	4	0.13
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG2	1:160:A:THR:HA	11	0.13
(4,1268)	1:10:A:PRO:HG3	1:160:A:THR:HA	11	0.13
(4,1240)	1:155:A:GLU:H	1:156:A:ALA:H	10	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD11	6	0.13
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD12	6	0.13
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB2	1:95:A:ILE:HD13	6	0.13
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD11	6	0.13
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD12	6	0.13
(4,1227)	1:92:A:LEU:HB3	1:95:A:ILE:HD13	6	0.13
(4,1208)	1:59:A:PHE:HD1	1:166:A:HIS:H	4	0.13
(4,1208)	1:59:A:PHE:HD2	1:166:A:HIS:H	4	0.13
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG21	1	0.13
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG22	1	0.13
(4,1203)	1:173:A:GLU:H	1:177:A:ILE:HG23	1	0.13
(4,1195)	1:197:A:THR:HG21	1:198:A:ALA:HA	15	0.13
(4,1195)	1:197:A:THR:HG22	1:198:A:ALA:HA	15	0.13
(4,1195)	1:197:A:THR:HG23	1:198:A:ALA:HA	15	0.13
(4,1192)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB3	8	0.13
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:HD21	10	0.13
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:HD22	10	0.13
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:HD21	10	0.13
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:HD22	10	0.13
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:H	6	0.13
(4,1150)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:H	6	0.13
(4,1144)	1:18:A:PHE:H	1:21:A:PHE:HD1	20	0.13
(4,1144)	1:18:A:PHE:H	1:21:A:PHE:HD2	20	0.13
(4,1134)	1:151:A:THR:H	1:152:A:GLY:H	12	0.13
(4,1093)	1:114:A:ASN:HD21	1:115:A:PHE:H	14	0.13
(4,1093)	1:114:A:ASN:HD22	1:115:A:PHE:H	14	0.13
(4,1082)	1:152:A:GLY:H	1:153:A:GLN:HB2	19	0.13
(4,1082)	1:152:A:GLY:H	1:153:A:GLN:HB3	19	0.13
(4,1073)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HB	6	0.13
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE1	1	0.13
(4,1063)	1:35:A:ASP:HB3	1:37:A:TYR:HE2	1	0.13
(4,1059)	1:31:A:TRP:HB3	1:232:A:GLY:H	16	0.13
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD11	1:49:A:PRO:HB2	10	0.13
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD11	1:49:A:PRO:HB3	10	0.13
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD12	1:49:A:PRO:HB2	10	0.13
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD12	1:49:A:PRO:HB3	10	0.13
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD13	1:49:A:PRO:HB2	10	0.13
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD13	1:49:A:PRO:HB3	10	0.13
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD21	1:49:A:PRO:HB2	10	0.13
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD21	1:49:A:PRO:HB3	10	0.13
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD22	1:49:A:PRO:HB2	10	0.13
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD22	1:49:A:PRO:HB3	10	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD23	1:49:A:PRO:HB2	10	0.13
(4,1033)	1:48:A:LEU:HD23	1:49:A:PRO:HB3	10	0.13
(4,1004)	1:4:A:GLU:H	1:5:A:ASN:H	18	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD11	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD12	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD13	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD21	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD22	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD23	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD11	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD12	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD13	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD21	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD22	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD23	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD11	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD12	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD13	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD21	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD22	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD23	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD11	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD12	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD13	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD21	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD22	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD23	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD11	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD12	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD13	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD21	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD22	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD23	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD11	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD12	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD13	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD21	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD22	11	0.13
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD23	11	0.13
(4,991)	1:137:A:PHE:HB2	1:139:A:LEU:H	13	0.13
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD11	4	0.13
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD12	4	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD13	4	0.13
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD21	4	0.13
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD22	4	0.13
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD23	4	0.13
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD11	15	0.13
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD12	15	0.13
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD13	15	0.13
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD21	15	0.13
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD22	15	0.13
(4,985)	1:171:A:VAL:H	1:191:A:LEU:HD23	15	0.13
(4,969)	1:56:A:VAL:HG21	1:169:A:THR:H	10	0.13
(4,969)	1:56:A:VAL:HG22	1:169:A:THR:H	10	0.13
(4,969)	1:56:A:VAL:HG23	1:169:A:THR:H	10	0.13
(4,942)	1:207:A:VAL:HG11	1:209:A:VAL:H	2	0.13
(4,942)	1:207:A:VAL:HG12	1:209:A:VAL:H	2	0.13
(4,942)	1:207:A:VAL:HG13	1:209:A:VAL:H	2	0.13
(4,922)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:HB2	7	0.13
(4,922)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:HB3	7	0.13
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG21	16	0.13
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG22	16	0.13
(4,915)	1:121:A:ASP:H	1:122:A:THR:HG23	16	0.13
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB2	3	0.13
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB3	3	0.13
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB1	13	0.13
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB2	13	0.13
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB3	13	0.13
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB1	13	0.13
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB2	13	0.13
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB3	13	0.13
(4,861)	1:86:A:VAL:HG11	1:142:A:ILE:H	12	0.13
(4,861)	1:86:A:VAL:HG12	1:142:A:ILE:H	12	0.13
(4,861)	1:86:A:VAL:HG13	1:142:A:ILE:H	12	0.13
(4,861)	1:86:A:VAL:HG21	1:142:A:ILE:H	12	0.13
(4,861)	1:86:A:VAL:HG22	1:142:A:ILE:H	12	0.13
(4,861)	1:86:A:VAL:HG23	1:142:A:ILE:H	12	0.13
(4,834)	1:99:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	10	0.13
(4,834)	1:99:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	10	0.13
(4,834)	1:99:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	10	0.13
(4,834)	1:99:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	10	0.13
(4,834)	1:99:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	10	0.13
(4,834)	1:99:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	10	0.13
(4,834)	1:99:A:LEU:HD11	1:113:A:ASP:H	19	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,834)	1:99:A:LEU:HD12	1:113:A:ASP:H	19	0.13
(4,834)	1:99:A:LEU:HD13	1:113:A:ASP:H	19	0.13
(4,834)	1:99:A:LEU:HD21	1:113:A:ASP:H	19	0.13
(4,834)	1:99:A:LEU:HD22	1:113:A:ASP:H	19	0.13
(4,834)	1:99:A:LEU:HD23	1:113:A:ASP:H	19	0.13
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB2	3	0.13
(4,832)	1:157:A:PRO:HD2	1:162:A:ASP:HB3	3	0.13
(4,767)	1:58:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:H	14	0.13
(4,767)	1:58:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:H	14	0.13
(4,767)	1:58:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:H	14	0.13
(4,767)	1:58:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:H	14	0.13
(4,767)	1:58:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:H	14	0.13
(4,767)	1:58:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:H	14	0.13
(4,685)	1:79:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	8	0.13
(4,685)	1:79:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	8	0.13
(4,685)	1:79:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	8	0.13
(4,682)	1:15:A:PRO:HG3	1:35:A:ASP:H	15	0.13
(4,647)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:H	10	0.13
(4,616)	1:61:A:ILE:HA	1:214:A:TYR:HD1	1	0.13
(4,616)	1:61:A:ILE:HA	1:214:A:TYR:HD2	1	0.13
(4,584)	1:219:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB2	17	0.13
(4,584)	1:219:A:ASN:HD21	1:222:A:ASP:HB3	17	0.13
(4,584)	1:219:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB2	17	0.13
(4,584)	1:219:A:ASN:HD22	1:222:A:ASP:HB3	17	0.13
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD11	16	0.13
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD12	16	0.13
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD13	16	0.13
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD21	16	0.13
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD22	16	0.13
(4,581)	1:32:A:ALA:H	1:105:A:LEU:HD23	16	0.13
(4,569)	1:91:A:GLY:H	1:167:A:TYR:HD1	10	0.13
(4,569)	1:91:A:GLY:H	1:167:A:TYR:HD2	10	0.13
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD21	8	0.13
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD22	8	0.13
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD21	19	0.13
(4,563)	1:53:A:LYS:H	1:102:A:ASN:HD22	19	0.13
(4,556)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:H	1	0.13
(4,554)	1:221:A:GLU:HA	1:224:A:LEU:HA	13	0.13
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG11	17	0.13
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG12	17	0.13
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG13	17	0.13
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG21	17	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG22	17	0.13
(4,547)	1:55:A:ILE:HD11	1:171:A:VAL:HG23	17	0.13
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG11	17	0.13
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG12	17	0.13
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG13	17	0.13
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG21	17	0.13
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG22	17	0.13
(4,547)	1:55:A:ILE:HD12	1:171:A:VAL:HG23	17	0.13
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG11	17	0.13
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG12	17	0.13
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG13	17	0.13
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG21	17	0.13
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG22	17	0.13
(4,547)	1:55:A:ILE:HD13	1:171:A:VAL:HG23	17	0.13
(4,535)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD21	3	0.13
(4,535)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD21	9	0.13
(4,535)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD21	14	0.13
(4,515)	1:81:A:TRP:HE3	1:83:A:LYS:H	18	0.13
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD21	15	0.13
(4,508)	1:215:A:MET:HA	1:217:A:ASN:HD22	15	0.13
(4,476)	1:206:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:H	2	0.13
(4,476)	1:206:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:H	2	0.13
(4,476)	1:206:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:H	2	0.13
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB2	4	0.13
(4,444)	1:156:A:ALA:HB1	1:158:A:GLU:HB3	4	0.13
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB2	4	0.13
(4,444)	1:156:A:ALA:HB2	1:158:A:GLU:HB3	4	0.13
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB2	4	0.13
(4,444)	1:156:A:ALA:HB3	1:158:A:GLU:HB3	4	0.13
(4,435)	1:58:A:LEU:H	1:59:A:PHE:HD1	20	0.13
(4,435)	1:58:A:LEU:H	1:59:A:PHE:HD2	20	0.13
(4,422)	1:43:A:GLU:HG2	1:45:A:LEU:H	17	0.13
(4,422)	1:43:A:GLU:HG3	1:45:A:LEU:H	17	0.13
(4,399)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG21	2	0.13
(4,399)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG22	2	0.13
(4,399)	1:207:A:VAL:H	1:209:A:VAL:HG23	2	0.13
(4,391)	1:44:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	8	0.13
(4,391)	1:44:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	8	0.13
(4,391)	1:44:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	8	0.13
(4,378)	1:148:A:THR:HA	1:150:A:SER:H	7	0.13
(4,352)	1:202:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HB2	1	0.13
(4,352)	1:202:A:ILE:H	1:204:A:GLN:HB2	12	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,347)	1:39:A:LEU:HD11	1:55:A:ILE:CD1	12	0.13
(4,347)	1:39:A:LEU:HD12	1:55:A:ILE:CD1	12	0.13
(4,347)	1:39:A:LEU:HD13	1:55:A:ILE:CD1	12	0.13
(4,347)	1:39:A:LEU:HD21	1:55:A:ILE:CD1	12	0.13
(4,347)	1:39:A:LEU:HD22	1:55:A:ILE:CD1	12	0.13
(4,347)	1:39:A:LEU:HD23	1:55:A:ILE:CD1	12	0.13
(4,327)	1:120:A:SER:HA	1:122:A:THR:HB	9	0.13
(4,316)	1:198:A:ALA:HB1	1:201:A:LEU:HB2	7	0.13
(4,316)	1:198:A:ALA:HB1	1:201:A:LEU:HB3	7	0.13
(4,316)	1:198:A:ALA:HB2	1:201:A:LEU:HB2	7	0.13
(4,316)	1:198:A:ALA:HB2	1:201:A:LEU:HB3	7	0.13
(4,316)	1:198:A:ALA:HB3	1:201:A:LEU:HB2	7	0.13
(4,316)	1:198:A:ALA:HB3	1:201:A:LEU:HB3	7	0.13
(4,303)	1:59:A:PHE:HD1	1:62:A:ASN:H	7	0.13
(4,303)	1:59:A:PHE:HD2	1:62:A:ASN:H	7	0.13
(4,302)	1:214:A:TYR:HA	1:215:A:MET:HB2	4	0.13
(4,302)	1:214:A:TYR:HA	1:215:A:MET:HB3	4	0.13
(4,297)	1:142:A:ILE:HG21	1:146:A:VAL:HB	19	0.13
(4,297)	1:142:A:ILE:HG22	1:146:A:VAL:HB	19	0.13
(4,297)	1:142:A:ILE:HG23	1:146:A:VAL:HB	19	0.13
(4,275)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HA	14	0.13
(4,199)	1:66:A:LYS:H	1:68:A:SER:H	12	0.13
(4,158)	1:100:A:SER:HG	1:102:A:ASN:H	16	0.13
(4,113)	1:3:A:GLY:HA2	1:7:A:ALA:HA	10	0.13
(4,113)	1:3:A:GLY:HA3	1:7:A:ALA:HA	10	0.13
(4,111)	1:79:A:VAL:HG21	1:101:A:ASN:HD21	15	0.13
(4,111)	1:79:A:VAL:HG21	1:101:A:ASN:HD22	15	0.13
(4,111)	1:79:A:VAL:HG22	1:101:A:ASN:HD21	15	0.13
(4,111)	1:79:A:VAL:HG22	1:101:A:ASN:HD22	15	0.13
(4,111)	1:79:A:VAL:HG23	1:101:A:ASN:HD21	15	0.13
(4,111)	1:79:A:VAL:HG23	1:101:A:ASN:HD22	15	0.13
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD1	20	0.13
(4,65)	1:95:A:ILE:H	1:167:A:TYR:HD2	20	0.13
(4,56)	1:129:A:PHE:HD1	1:130:A:ASP:H	2	0.13
(4,56)	1:129:A:PHE:HD2	1:130:A:ASP:H	2	0.13
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD21	14	0.13
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD22	14	0.13
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD23	14	0.13
(3,23)	1:30:A:GLU:O	1:234:A:ASN:H	16	0.13
(3,16)	1:59:A:PHE:O	1:166:A:HIS:H	16	0.13
(2,495)	1:5:A:ASN:ND2	1:7:A:ALA:H	19	0.13
(1,497)	1:5:A:ASN:ND2	1:27:A:LEU:H	4	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,231)	1:214:A:TYR:H	1:225:A:ASN:ND2	10	0.13
(1,209)	1:21:A:PHE:H	1:225:A:ASN:ND2	17	0.13
(1,195)	1:16:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	1	0.13
(1,159)	1:191:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	4	0.13
(1,132)	1:152:A:GLY:H	1:225:A:ASN:ND2	7	0.13
(1,35)	1:104:A:SER:OG	1:113:A:ASP:H	2	0.13
(1,16)	1:104:A:SER:OG	1:170:A:TYR:H	3	0.13
(5,711)	1:5:A:ASN:ND2	1:216:A:GLU:H	9	0.12
(5,703)	1:5:A:ASN:ND2	1:186:A:SER:H	6	0.12
(5,72)	1:59:A:PHE:H	1:104:A:SER:OG	6	0.12
(4,4299)	1:169:A:THR:H	1:181:A:ASP:H	6	0.12
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:H	7	0.12
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:H	7	0.12
(4,4287)	1:168:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:H	7	0.12
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG11	7	0.12
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG12	7	0.12
(4,4271)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG13	7	0.12
(4,4262)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HB	4	0.12
(4,4183)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HB2	3	0.12
(4,4183)	1:98:A:SER:H	1:100:A:SER:HB3	3	0.12
(4,4122)	1:81:A:TRP:HH2	1:187:A:GLY:H	6	0.12
(4,4063)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:HB2	4	0.12
(4,4063)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:HB3	4	0.12
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE21	14	0.12
(4,4059)	1:144:A:GLU:H	1:147:A:GLN:HE22	14	0.12
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD1	20	0.12
(4,4021)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:HD2	20	0.12
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD21	16	0.12
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD22	16	0.12
(4,3939)	1:170:A:TYR:H	1:201:A:LEU:HD23	16	0.12
(4,3935)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD1	19	0.12
(4,3935)	1:75:A:SER:HB2	1:77:A:TYR:HD2	19	0.12
(4,3935)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD1	19	0.12
(4,3935)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:TYR:HD2	19	0.12
(4,3928)	1:56:A:VAL:HG11	1:170:A:TYR:H	3	0.12
(4,3928)	1:56:A:VAL:HG12	1:170:A:TYR:H	3	0.12
(4,3928)	1:56:A:VAL:HG13	1:170:A:TYR:H	3	0.12
(4,3899)	1:5:A:ASN:HD21	1:6:A:ARG:H	10	0.12
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB2	1:5:A:ASN:HD21	18	0.12
(4,3875)	1:4:A:GLU:HB3	1:5:A:ASN:HD21	18	0.12
(4,3855)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:THR:HG1	4	0.12
(4,3777)	1:178:A:PHE:HD1	1:191:A:LEU:H	16	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3777)	1:178:A:PHE:HD2	1:191:A:LEU:H	16	0.12
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD11	9	0.12
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD12	9	0.12
(4,3775)	1:70:A:SER:HB2	1:73:A:ILE:HD13	9	0.12
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD11	9	0.12
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD12	9	0.12
(4,3775)	1:70:A:SER:HB3	1:73:A:ILE:HD13	9	0.12
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD11	1:117:A:LYS:HG2	4	0.12
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD11	1:117:A:LYS:HG3	4	0.12
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD12	1:117:A:LYS:HG2	4	0.12
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD12	1:117:A:LYS:HG3	4	0.12
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD13	1:117:A:LYS:HG2	4	0.12
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD13	1:117:A:LYS:HG3	4	0.12
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD21	1:117:A:LYS:HG2	4	0.12
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD21	1:117:A:LYS:HG3	4	0.12
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD22	1:117:A:LYS:HG2	4	0.12
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD22	1:117:A:LYS:HG3	4	0.12
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD23	1:117:A:LYS:HG2	4	0.12
(4,3746)	1:116:A:LEU:HD23	1:117:A:LYS:HG3	4	0.12
(4,3743)	1:32:A:ALA:H	1:233:A:PRO:HB2	11	0.12
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD11	1:33:A:TYR:H	8	0.12
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD12	1:33:A:TYR:H	8	0.12
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD13	1:33:A:TYR:H	8	0.12
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD21	1:33:A:TYR:H	8	0.12
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD22	1:33:A:TYR:H	8	0.12
(4,3731)	1:27:A:LEU:HD23	1:33:A:TYR:H	8	0.12
(4,3707)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:HD1	17	0.12
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD11	16	0.12
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD12	16	0.12
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG2	1:189:A:LEU:HD13	16	0.12
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD11	16	0.12
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD12	16	0.12
(4,3683)	1:71:A:GLN:HG3	1:189:A:LEU:HD13	16	0.12
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:HA	4	0.12
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:HA	4	0.12
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:HA	4	0.12
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:HA	4	0.12
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:HA	4	0.12
(4,3657)	1:58:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:HA	4	0.12
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG21	1:103:A:GLN:H	19	0.12
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG22	1:103:A:GLN:H	19	0.12
(4,3629)	1:80:A:ILE:HG23	1:103:A:GLN:H	19	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD21	12	0.12
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD22	12	0.12
(4,3513)	1:28:A:LYS:H	1:231:A:LEU:HD23	12	0.12
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG21	1:21:A:PHE:H	5	0.12
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG22	1:21:A:PHE:H	5	0.12
(4,3498)	1:17:A:VAL:HG23	1:21:A:PHE:H	5	0.12
(4,3481)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:H	10	0.12
(4,3450)	1:147:A:GLN:H	1:149:A:PHE:HB2	1	0.12
(4,3434)	1:26:A:GLY:H	1:112:A:LEU:H	15	0.12
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD11	13	0.12
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD12	13	0.12
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD13	13	0.12
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD21	13	0.12
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD22	13	0.12
(4,3418)	1:56:A:VAL:H	1:201:A:LEU:HD23	13	0.12
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD11	1:51:A:PRO:HB3	13	0.12
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD12	1:51:A:PRO:HB3	13	0.12
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD13	1:51:A:PRO:HB3	13	0.12
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD21	1:51:A:PRO:HB3	13	0.12
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD22	1:51:A:PRO:HB3	13	0.12
(4,3405)	1:48:A:LEU:HD23	1:51:A:PRO:HB3	13	0.12
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG21	11	0.12
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG22	11	0.12
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD1	1:141:A:VAL:HG23	11	0.12
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG21	11	0.12
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG22	11	0.12
(4,3328)	1:21:A:PHE:HD2	1:141:A:VAL:HG23	11	0.12
(4,3319)	1:122:A:THR:H	1:123:A:SER:H	1	0.12
(4,3298)	1:190:A:TYR:H	1:191:A:LEU:H	2	0.12
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD11	20	0.12
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD12	20	0.12
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD13	20	0.12
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD21	20	0.12
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD22	20	0.12
(4,3288)	1:98:A:SER:HB2	1:99:A:LEU:HD23	20	0.12
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD11	20	0.12
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD12	20	0.12
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD13	20	0.12
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD21	20	0.12
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD22	20	0.12
(4,3288)	1:98:A:SER:HB3	1:99:A:LEU:HD23	20	0.12
(4,3285)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:HD11	12	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3285)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:HD12	12	0.12
(4,3285)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:HD13	12	0.12
(4,3285)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:HD21	12	0.12
(4,3285)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:HD22	12	0.12
(4,3285)	1:103:A:GLN:H	1:106:A:LEU:HD23	12	0.12
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD11	7	0.12
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD12	7	0.12
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD13	7	0.12
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD21	7	0.12
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD22	7	0.12
(4,3233)	1:99:A:LEU:CD1	1:231:A:LEU:HD23	7	0.12
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB1	1:157:A:PRO:HB3	7	0.12
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB2	1:157:A:PRO:HB3	7	0.12
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB3	1:157:A:PRO:HB3	7	0.12
(4,3206)	1:94:A:ALA:H	1:97:A:HIS:H	12	0.12
(4,3197)	1:36:A:ILE:H	1:37:A:TYR:H	5	0.12
(4,3197)	1:36:A:ILE:H	1:37:A:TYR:H	16	0.12
(4,3123)	1:221:A:GLU:HA	1:222:A:ASP:HB2	16	0.12
(4,3123)	1:221:A:GLU:HA	1:222:A:ASP:HB3	16	0.12
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG2	17	0.12
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD11	1:193:A:LYS:HG3	17	0.12
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG2	17	0.12
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD12	1:193:A:LYS:HG3	17	0.12
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG2	17	0.12
(4,3099)	1:177:A:ILE:HD13	1:193:A:LYS:HG3	17	0.12
(4,3039)	1:77:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD21	3	0.12
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD21	9	0.12
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD22	9	0.12
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG21	1:201:A:LEU:HD23	9	0.12
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD21	9	0.12
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD22	9	0.12
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG22	1:201:A:LEU:HD23	9	0.12
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD21	9	0.12
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD22	9	0.12
(4,2988)	1:52:A:VAL:HG23	1:201:A:LEU:HD23	9	0.12
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD11	18	0.12
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD12	18	0.12
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD13	18	0.12
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD21	18	0.12
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD22	18	0.12
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:HD23	18	0.12
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD11	18	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD12	18	0.12
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD13	18	0.12
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD21	18	0.12
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD22	18	0.12
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:HD23	18	0.12
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD11	18	0.12
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD12	18	0.12
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD13	18	0.12
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD21	18	0.12
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD22	18	0.12
(4,2987)	1:52:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:HD23	18	0.12
(4,2958)	1:52:A:VAL:H	1:54:A:ALA:H	5	0.12
(4,2945)	1:9:A:VAL:HG11	1:11:A:ILE:H	18	0.12
(4,2945)	1:9:A:VAL:HG12	1:11:A:ILE:H	18	0.12
(4,2945)	1:9:A:VAL:HG13	1:11:A:ILE:H	18	0.12
(4,2945)	1:9:A:VAL:HG21	1:11:A:ILE:H	18	0.12
(4,2945)	1:9:A:VAL:HG22	1:11:A:ILE:H	18	0.12
(4,2945)	1:9:A:VAL:HG23	1:11:A:ILE:H	18	0.12
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD11	12	0.12
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD12	12	0.12
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD13	12	0.12
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD21	12	0.12
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD22	12	0.12
(4,2924)	1:81:A:TRP:HZ2	1:185:A:LEU:HD23	12	0.12
(4,2923)	1:36:A:ILE:H	1:38:A:SER:H	13	0.12
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	17	0.12
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	17	0.12
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	17	0.12
(4,2864)	1:224:A:LEU:H	1:226:A:PHE:H	7	0.12
(4,2847)	1:41:A:GLU:H	1:45:A:LEU:H	14	0.12
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB1	9	0.12
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB2	9	0.12
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB3	9	0.12
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB1	9	0.12
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB2	9	0.12
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB3	9	0.12
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB1	9	0.12
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB2	9	0.12
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB3	9	0.12
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE1	1:96:A:LEU:HD21	11	0.12
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE1	1:96:A:LEU:HD22	11	0.12
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE1	1:96:A:LEU:HD23	11	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE2	1:96:A:LEU:HD21	11	0.12
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE2	1:96:A:LEU:HD22	11	0.12
(4,2825)	1:82:A:PHE:HE2	1:96:A:LEU:HD23	11	0.12
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG11	1:210:A:ARG:HG2	11	0.12
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG11	1:210:A:ARG:HG3	11	0.12
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG12	1:210:A:ARG:HG2	11	0.12
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG12	1:210:A:ARG:HG3	11	0.12
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG13	1:210:A:ARG:HG2	11	0.12
(4,2797)	1:207:A:VAL:HG13	1:210:A:ARG:HG3	11	0.12
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD11	9	0.12
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD12	9	0.12
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD13	9	0.12
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD21	9	0.12
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD22	9	0.12
(4,2791)	1:25:A:LEU:H	1:112:A:LEU:HD23	9	0.12
(4,2771)	1:201:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD11	4	0.12
(4,2771)	1:201:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD12	4	0.12
(4,2771)	1:201:A:LEU:H	1:202:A:ILE:HD13	4	0.12
(4,2725)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD22	16	0.12
(4,2694)	1:62:A:ASN:HD22	1:65:A:ARG:H	5	0.12
(4,2688)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HD21	12	0.12
(4,2654)	1:97:A:HIS:H	1:169:A:THR:HG1	20	0.12
(4,2626)	1:145:A:ASN:H	1:148:A:THR:H	10	0.12
(4,2559)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD21	10	0.12
(4,2524)	1:235:A:TRP:HD1	1:236:A:GLU:H	11	0.12
(4,2521)	1:81:A:TRP:H	1:82:A:PHE:HZ	6	0.12
(4,2489)	1:152:A:GLY:H	1:154:A:SER:H	12	0.12
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD11	8	0.12
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD12	8	0.12
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE1	1:36:A:ILE:HD13	8	0.12
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD11	8	0.12
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD12	8	0.12
(4,2465)	1:34:A:PHE:HE2	1:36:A:ILE:HD13	8	0.12
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD11	19	0.12
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD12	19	0.12
(4,2451)	1:39:A:LEU:CD1	1:55:A:ILE:HD13	19	0.12
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG2	2	0.12
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG12	1:12:A:GLU:HG3	2	0.12
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG2	2	0.12
(4,2447)	1:11:A:ILE:HG13	1:12:A:GLU:HG3	2	0.12
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG11	1:98:A:SER:H	2	0.12
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG12	1:98:A:SER:H	2	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2441)	1:56:A:VAL:HG13	1:98:A:SER:H	2	0.12
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD11	1	0.12
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD12	1	0.12
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD13	1	0.12
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD21	1	0.12
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD22	1	0.12
(4,2438)	1:138:A:VAL:CG1	1:139:A:LEU:HD23	1	0.12
(4,2426)	1:198:A:ALA:HB1	1:202:A:ILE:H	17	0.12
(4,2426)	1:198:A:ALA:HB2	1:202:A:ILE:H	17	0.12
(4,2426)	1:198:A:ALA:HB3	1:202:A:ILE:H	17	0.12
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:HB2	13	0.12
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:HB2	13	0.12
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:HB2	13	0.12
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:HB2	13	0.12
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:HB2	13	0.12
(4,2412)	1:57:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:HB2	13	0.12
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE1	1:78:A:ASP:H	1	0.12
(4,2381)	1:77:A:TYR:HE2	1:78:A:ASP:H	1	0.12
(4,2333)	1:33:A:TYR:H	1:232:A:GLY:H	8	0.12
(4,2279)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HB2	15	0.12
(4,2279)	1:85:A:SER:H	1:93:A:TYR:HB3	15	0.12
(4,2216)	1:210:A:ARG:HG2	1:213:A:SER:H	8	0.12
(4,2216)	1:210:A:ARG:HG3	1:213:A:SER:H	8	0.12
(4,2186)	1:142:A:ILE:HG21	1:143:A:LYS:HA	8	0.12
(4,2186)	1:142:A:ILE:HG22	1:143:A:LYS:HA	8	0.12
(4,2186)	1:142:A:ILE:HG23	1:143:A:LYS:HA	8	0.12
(4,2175)	1:97:A:HIS:HA	1:100:A:SER:HG	6	0.12
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG11	1:145:A:ASN:H	16	0.12
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG12	1:145:A:ASN:H	16	0.12
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG13	1:145:A:ASN:H	16	0.12
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:H	16	0.12
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:H	16	0.12
(4,2166)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:H	16	0.12
(4,2129)	1:209:A:VAL:HA	1:212:A:ALA:HA	16	0.12
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD1	3	0.12
(4,2105)	1:18:A:PHE:HB3	1:21:A:PHE:HD2	3	0.12
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG21	1:230:A:GLY:H	10	0.12
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG22	1:230:A:GLY:H	10	0.12
(4,2078)	1:52:A:VAL:HG23	1:230:A:GLY:H	10	0.12
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HB2	5	0.12
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:HB3	5	0.12
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HB2	5	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:HB3	5	0.12
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HB2	5	0.12
(4,2066)	1:171:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:HB3	5	0.12
(4,2041)	1:95:A:ILE:HA	1:98:A:SER:HA	12	0.12
(4,1998)	1:109:A:GLY:HA2	1:114:A:ASN:HD21	12	0.12
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB3	13	0.12
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB3	13	0.12
(4,1990)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB3	13	0.12
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD11	1	0.12
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD12	1	0.12
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD1	1:36:A:ILE:HD13	1	0.12
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD11	1	0.12
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD12	1	0.12
(4,1984)	1:34:A:PHE:HD2	1:36:A:ILE:HD13	1	0.12
(4,1964)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:H	1	0.12
(4,1964)	1:180:A:LEU:H	1:189:A:LEU:H	5	0.12
(4,1942)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HB2	13	0.12
(4,1942)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HB3	13	0.12
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD11	20	0.12
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD12	20	0.12
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD13	20	0.12
(4,1905)	1:213:A:SER:H	1:214:A:TYR:HE1	14	0.12
(4,1905)	1:213:A:SER:H	1:214:A:TYR:HE2	14	0.12
(4,1856)	1:29:A:ASN:HD22	1:30:A:GLU:H	16	0.12
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD11	8	0.12
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD12	8	0.12
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD13	8	0.12
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD21	8	0.12
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD22	8	0.12
(4,1817)	1:38:A:SER:HA	1:45:A:LEU:HD23	8	0.12
(4,1811)	1:104:A:SER:HB2	1:106:A:LEU:H	20	0.12
(4,1811)	1:104:A:SER:HB3	1:106:A:LEU:H	20	0.12
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG21	1:215:A:MET:H	12	0.12
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG22	1:215:A:MET:H	12	0.12
(4,1791)	1:211:A:VAL:HG23	1:215:A:MET:H	12	0.12
(4,1767)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HB2	10	0.12
(4,1767)	1:80:A:ILE:H	1:127:A:ASN:HB3	10	0.12
(4,1760)	1:178:A:PHE:H	1:179:A:GLU:HB2	13	0.12
(4,1760)	1:178:A:PHE:H	1:179:A:GLU:HB3	13	0.12
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG21	1:55:A:ILE:HA	15	0.12
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG22	1:55:A:ILE:HA	15	0.12
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG23	1:55:A:ILE:HA	15	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1730)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HG2	15	0.12
(4,1730)	1:146:A:VAL:H	1:147:A:GLN:HG3	15	0.12
(4,1698)	1:135:A:ASP:HB2	1:139:A:LEU:H	19	0.12
(4,1698)	1:135:A:ASP:HB3	1:139:A:LEU:H	19	0.12
(4,1644)	1:31:A:TRP:HE3	1:232:A:GLY:H	14	0.12
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG11	1:208:A:ARG:HD2	12	0.12
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG11	1:208:A:ARG:HD3	12	0.12
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG12	1:208:A:ARG:HD2	12	0.12
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG12	1:208:A:ARG:HD3	12	0.12
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG13	1:208:A:ARG:HD2	12	0.12
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG13	1:208:A:ARG:HD3	12	0.12
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG21	1:208:A:ARG:HD2	12	0.12
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG21	1:208:A:ARG:HD3	12	0.12
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG22	1:208:A:ARG:HD2	12	0.12
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG22	1:208:A:ARG:HD3	12	0.12
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG23	1:208:A:ARG:HD2	12	0.12
(4,1601)	1:207:A:VAL:HG23	1:208:A:ARG:HD3	12	0.12
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD11	1:31:A:TRP:HZ3	4	0.12
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD12	1:31:A:TRP:HZ3	4	0.12
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD13	1:31:A:TRP:HZ3	4	0.12
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD21	1:31:A:TRP:HZ3	4	0.12
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD22	1:31:A:TRP:HZ3	4	0.12
(4,1581)	1:27:A:LEU:HD23	1:31:A:TRP:HZ3	4	0.12
(4,1565)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:HD21	15	0.12
(4,1565)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:HD21	15	0.12
(4,1561)	1:177:A:ILE:HG21	1:192:A:GLY:H	13	0.12
(4,1561)	1:177:A:ILE:HG22	1:192:A:GLY:H	13	0.12
(4,1561)	1:177:A:ILE:HG23	1:192:A:GLY:H	13	0.12
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG21	14	0.12
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG22	14	0.12
(4,1553)	1:92:A:LEU:H	1:151:A:THR:HG23	14	0.12
(4,1537)	1:95:A:ILE:H	1:97:A:HIS:H	10	0.12
(4,1494)	1:147:A:GLN:HA	1:148:A:THR:HB	18	0.12
(4,1489)	1:116:A:LEU:H	1:118:A:SER:HB2	1	0.12
(4,1489)	1:116:A:LEU:H	1:118:A:SER:HB3	1	0.12
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB1	20	0.12
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB2	20	0.12
(4,1482)	1:64:A:ASP:H	1:218:A:ALA:HB3	20	0.12
(4,1448)	1:54:A:ALA:H	1:102:A:ASN:HD21	2	0.12
(4,1448)	1:54:A:ALA:H	1:102:A:ASN:HD22	2	0.12
(4,1446)	1:134:A:THR:HG21	1:136:A:GLN:H	7	0.12
(4,1446)	1:134:A:THR:HG22	1:136:A:GLN:H	7	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1446)	1:134:A:THR:HG23	1:136:A:GLN:H	7	0.12
(4,1441)	1:235:A:TRP:HA	1:235:A:TRP:HE1	3	0.12
(4,1433)	1:31:A:TRP:HZ3	1:105:A:LEU:H	11	0.12
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD11	1	0.12
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD12	1	0.12
(4,1390)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD13	1	0.12
(4,1378)	1:234:A:ASN:HA	1:236:A:GLU:H	1	0.12
(4,1267)	1:45:A:LEU:HD11	1:202:A:ILE:CD1	19	0.12
(4,1267)	1:45:A:LEU:HD12	1:202:A:ILE:CD1	19	0.12
(4,1267)	1:45:A:LEU:HD13	1:202:A:ILE:CD1	19	0.12
(4,1267)	1:45:A:LEU:HD21	1:202:A:ILE:CD1	19	0.12
(4,1267)	1:45:A:LEU:HD22	1:202:A:ILE:CD1	19	0.12
(4,1267)	1:45:A:LEU:HD23	1:202:A:ILE:CD1	19	0.12
(4,1251)	1:147:A:GLN:HA	1:149:A:PHE:H	17	0.12
(4,1189)	1:62:A:ASN:HD22	1:63:A:GLU:H	8	0.12
(4,1146)	1:106:A:LEU:HD11	1:112:A:LEU:H	9	0.12
(4,1146)	1:106:A:LEU:HD12	1:112:A:LEU:H	9	0.12
(4,1146)	1:106:A:LEU:HD13	1:112:A:LEU:H	9	0.12
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB1	12	0.12
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB2	12	0.12
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB3	12	0.12
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB1	12	0.12
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB2	12	0.12
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB3	12	0.12
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB1	12	0.12
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB2	12	0.12
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB3	12	0.12
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG21	1:93:A:TYR:HD1	14	0.12
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG21	1:93:A:TYR:HD2	14	0.12
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG22	1:93:A:TYR:HD1	14	0.12
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG22	1:93:A:TYR:HD2	14	0.12
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG23	1:93:A:TYR:HD1	14	0.12
(4,1057)	1:86:A:VAL:HG23	1:93:A:TYR:HD2	14	0.12
(4,987)	1:19:A:THR:HG1	1:21:A:PHE:H	11	0.12
(4,978)	1:118:A:SER:H	1:121:A:ASP:H	5	0.12
(4,922)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:HB2	6	0.12
(4,922)	1:175:A:GLY:H	1:194:A:SER:HB3	6	0.12
(4,891)	1:206:A:LEU:HD11	1:209:A:VAL:HB	3	0.12
(4,891)	1:206:A:LEU:HD12	1:209:A:VAL:HB	3	0.12
(4,891)	1:206:A:LEU:HD13	1:209:A:VAL:HB	3	0.12
(4,891)	1:206:A:LEU:HD21	1:209:A:VAL:HB	3	0.12
(4,891)	1:206:A:LEU:HD22	1:209:A:VAL:HB	3	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,891)	1:206:A:LEU:HD23	1:209:A:VAL:HB	3	0.12
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB1	7	0.12
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB2	7	0.12
(4,873)	1:13:A:SER:HB2	1:227:A:ALA:HB3	7	0.12
(4,859)	1:114:A:ASN:H	1:114:A:ASN:HD22	2	0.12
(4,843)	1:29:A:ASN:HD21	1:31:A:TRP:H	16	0.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD11	18	0.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD12	18	0.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD13	18	0.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD21	18	0.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD22	18	0.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE1	1:48:A:LEU:HD23	18	0.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD11	18	0.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD12	18	0.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD13	18	0.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD21	18	0.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD22	18	0.12
(4,830)	1:37:A:TYR:HE2	1:48:A:LEU:HD23	18	0.12
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB1	2	0.12
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB2	2	0.12
(4,795)	1:6:A:ARG:HG3	1:7:A:ALA:HB3	2	0.12
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB2	10	0.12
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB3	10	0.12
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB2	18	0.12
(4,783)	1:116:A:LEU:H	1:119:A:GLN:HB3	18	0.12
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG11	7	0.12
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG12	7	0.12
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG13	7	0.12
(4,737)	1:81:A:TRP:HZ3	1:84:A:GLN:H	3	0.12
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD11	18	0.12
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD12	18	0.12
(4,718)	1:57:A:LEU:CG	1:168:A:ILE:HD13	18	0.12
(4,717)	1:31:A:TRP:HE3	1:32:A:ALA:H	14	0.12
(4,685)	1:79:A:VAL:HG21	1:173:A:GLU:H	20	0.12
(4,685)	1:79:A:VAL:HG22	1:173:A:GLU:H	20	0.12
(4,685)	1:79:A:VAL:HG23	1:173:A:GLU:H	20	0.12
(4,615)	1:103:A:GLN:HA	1:106:A:LEU:H	14	0.12
(4,601)	1:189:A:LEU:HD11	1:190:A:TYR:HB2	11	0.12
(4,601)	1:189:A:LEU:HD11	1:190:A:TYR:HB3	11	0.12
(4,601)	1:189:A:LEU:HD12	1:190:A:TYR:HB2	11	0.12
(4,601)	1:189:A:LEU:HD12	1:190:A:TYR:HB3	11	0.12
(4,601)	1:189:A:LEU:HD13	1:190:A:TYR:HB2	11	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,601)	1:189:A:LEU:HD13	1:190:A:TYR:HB3	11	0.12
(4,601)	1:189:A:LEU:HD21	1:190:A:TYR:HB2	11	0.12
(4,601)	1:189:A:LEU:HD21	1:190:A:TYR:HB3	11	0.12
(4,601)	1:189:A:LEU:HD22	1:190:A:TYR:HB2	11	0.12
(4,601)	1:189:A:LEU:HD22	1:190:A:TYR:HB3	11	0.12
(4,601)	1:189:A:LEU:HD23	1:190:A:TYR:HB2	11	0.12
(4,601)	1:189:A:LEU:HD23	1:190:A:TYR:HB3	11	0.12
(4,599)	1:11:A:ILE:HG13	1:14:A:ASN:H	9	0.12
(4,598)	1:79:A:VAL:HG11	1:180:A:LEU:H	10	0.12
(4,598)	1:79:A:VAL:HG12	1:180:A:LEU:H	10	0.12
(4,598)	1:79:A:VAL:HG13	1:180:A:LEU:H	10	0.12
(4,598)	1:79:A:VAL:HG21	1:180:A:LEU:H	10	0.12
(4,598)	1:79:A:VAL:HG22	1:180:A:LEU:H	10	0.12
(4,598)	1:79:A:VAL:HG23	1:180:A:LEU:H	10	0.12
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB2	14	0.12
(4,561)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HB3	14	0.12
(4,556)	1:58:A:LEU:H	1:168:A:ILE:H	7	0.12
(4,540)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:H	7	0.12
(4,540)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:H	8	0.12
(4,535)	1:174:A:ASN:H	1:174:A:ASN:HD21	18	0.12
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD11	11	0.12
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD12	11	0.12
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD13	11	0.12
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD21	11	0.12
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD22	11	0.12
(4,523)	1:221:A:GLU:H	1:224:A:LEU:HD23	11	0.12
(4,515)	1:81:A:TRP:HE3	1:83:A:LYS:H	9	0.12
(4,510)	1:99:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:H	6	0.12
(4,510)	1:99:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:H	6	0.12
(4,510)	1:99:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:H	6	0.12
(4,510)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	6	0.12
(4,510)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	6	0.12
(4,510)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	6	0.12
(4,510)	1:99:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:H	10	0.12
(4,510)	1:99:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:H	10	0.12
(4,510)	1:99:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:H	10	0.12
(4,510)	1:99:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	10	0.12
(4,510)	1:99:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	10	0.12
(4,510)	1:99:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	10	0.12
(4,476)	1:206:A:LEU:HD21	1:208:A:ARG:H	18	0.12
(4,476)	1:206:A:LEU:HD22	1:208:A:ARG:H	18	0.12
(4,476)	1:206:A:LEU:HD23	1:208:A:ARG:H	18	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD21	3	0.12
(4,470)	1:173:A:GLU:HB2	1:174:A:ASN:HD22	3	0.12
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD21	3	0.12
(4,470)	1:173:A:GLU:HB3	1:174:A:ASN:HD22	3	0.12
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD1	10	0.12
(4,417)	1:16:A:GLU:H	1:18:A:PHE:HD2	10	0.12
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG12	14	0.12
(4,406)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG13	14	0.12
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG12	14	0.12
(4,406)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG13	14	0.12
(4,382)	1:32:A:ALA:HB1	1:233:A:PRO:HB2	16	0.12
(4,382)	1:32:A:ALA:HB2	1:233:A:PRO:HB2	16	0.12
(4,382)	1:32:A:ALA:HB3	1:233:A:PRO:HB2	16	0.12
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG21	9	0.12
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG22	9	0.12
(4,320)	1:72:A:GLN:HE22	1:73:A:ILE:HG23	9	0.12
(4,305)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG21	16	0.12
(4,305)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG22	16	0.12
(4,305)	1:170:A:TYR:HE1	1:207:A:VAL:HG23	16	0.12
(4,305)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG21	16	0.12
(4,305)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG22	16	0.12
(4,305)	1:170:A:TYR:HE2	1:207:A:VAL:HG23	16	0.12
(4,299)	1:206:A:LEU:HA	1:210:A:ARG:HB2	5	0.12
(4,299)	1:206:A:LEU:HA	1:210:A:ARG:HB3	5	0.12
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB2	5	0.12
(4,280)	1:55:A:ILE:H	1:201:A:LEU:HB3	5	0.12
(4,275)	1:150:A:SER:H	1:151:A:THR:HA	3	0.12
(4,177)	1:223:A:VAL:HA	1:226:A:PHE:H	7	0.12
(4,172)	1:52:A:VAL:HG11	1:53:A:LYS:HB2	20	0.12
(4,172)	1:52:A:VAL:HG11	1:53:A:LYS:HB3	20	0.12
(4,172)	1:52:A:VAL:HG12	1:53:A:LYS:HB2	20	0.12
(4,172)	1:52:A:VAL:HG12	1:53:A:LYS:HB3	20	0.12
(4,172)	1:52:A:VAL:HG13	1:53:A:LYS:HB2	20	0.12
(4,172)	1:52:A:VAL:HG13	1:53:A:LYS:HB3	20	0.12
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD11	20	0.12
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD12	20	0.12
(4,162)	1:92:A:LEU:CD1	1:95:A:ILE:HD13	20	0.12
(4,141)	1:170:A:TYR:HE1	1:211:A:VAL:H	16	0.12
(4,141)	1:170:A:TYR:HE2	1:211:A:VAL:H	16	0.12
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD21	8	0.12
(4,134)	1:110:A:SER:H	1:114:A:ASN:HD22	8	0.12
(4,48)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD11	8	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,48)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD12	8	0.12
(4,48)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD13	8	0.12
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD21	4	0.12
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD22	4	0.12
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD23	4	0.12
(3,24)	1:54:A:ALA:H	1:231:A:LEU:O	11	0.12
(3,24)	1:54:A:ALA:H	1:231:A:LEU:O	17	0.12
(3,1)	1:173:A:GLU:H	1:176:A:GLY:O	7	0.12
(2,77)	1:101:A:ASN:H	1:104:A:SER:OG	12	0.12
(1,546)	1:5:A:ASN:ND2	1:19:A:THR:H	17	0.12
(1,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	1	0.12
(1,461)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	19	0.12
(1,347)	1:5:A:ASN:ND2	1:35:A:ASP:H	6	0.12
(1,325)	1:5:A:ASN:ND2	1:159:A:ALA:H	19	0.12
(1,212)	1:179:A:GLU:H	1:225:A:ASN:ND2	15	0.12
(1,206)	1:186:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	10	0.12
(1,197)	1:85:A:SER:H	1:225:A:ASN:ND2	5	0.12
(1,139)	1:202:A:ILE:H	1:225:A:ASN:ND2	4	0.12
(1,85)	1:206:A:LEU:H	1:225:A:ASN:ND2	12	0.12
(5,775)	1:5:A:ASN:ND2	1:187:A:GLY:H	9	0.11
(5,729)	1:5:A:ASN:ND2	1:137:A:PHE:H	5	0.11
(5,576)	1:5:A:ASN:ND2	1:100:A:SER:H	12	0.11
(5,562)	1:5:A:ASN:ND2	1:121:A:ASP:H	19	0.11
(5,488)	1:5:A:ASN:ND2	1:17:A:VAL:H	10	0.11
(5,436)	1:5:A:ASN:ND2	1:230:A:GLY:H	9	0.11
(5,72)	1:59:A:PHE:H	1:104:A:SER:OG	11	0.11
(4,4299)	1:169:A:THR:H	1:181:A:ASP:H	17	0.11
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB2	1:207:A:VAL:HG21	12	0.11
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB2	1:207:A:VAL:HG22	12	0.11
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB2	1:207:A:VAL:HG23	12	0.11
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB3	1:207:A:VAL:HG21	12	0.11
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB3	1:207:A:VAL:HG22	12	0.11
(4,4292)	1:170:A:TYR:HB3	1:207:A:VAL:HG23	12	0.11
(4,4274)	1:171:A:VAL:H	1:179:A:GLU:H	15	0.11
(4,4267)	1:191:A:LEU:HB2	1:206:A:LEU:HB2	3	0.11
(4,4267)	1:191:A:LEU:HB2	1:206:A:LEU:HB3	3	0.11
(4,4267)	1:191:A:LEU:HB3	1:206:A:LEU:HB2	3	0.11
(4,4267)	1:191:A:LEU:HB3	1:206:A:LEU:HB3	3	0.11
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE1	6	0.11
(4,4212)	1:92:A:LEU:H	1:167:A:TYR:HE2	6	0.11
(4,4175)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:HB2	15	0.11
(4,4175)	1:112:A:LEU:HG	1:115:A:PHE:HB3	15	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG21	1:145:A:ASN:HD22	12	0.11
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG22	1:145:A:ASN:HD22	12	0.11
(4,4174)	1:141:A:VAL:HG23	1:145:A:ASN:HD22	12	0.11
(4,4162)	1:50:A:ARG:H	1:50:A:ARG:HD2	10	0.11
(4,4157)	1:107:A:GLU:H	1:113:A:ASP:H	2	0.11
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB1	8	0.11
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB2	8	0.11
(4,4118)	1:151:A:THR:H	1:156:A:ALA:HB3	8	0.11
(4,4108)	1:111:A:ASP:H	1:114:A:ASN:H	20	0.11
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG11	1:58:A:LEU:HB2	16	0.11
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG12	1:58:A:LEU:HB2	16	0.11
(4,4079)	1:56:A:VAL:HG13	1:58:A:LEU:HB2	16	0.11
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG11	1:55:A:ILE:HG21	2	0.11
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG11	1:55:A:ILE:HG22	2	0.11
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG11	1:55:A:ILE:HG23	2	0.11
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG12	1:55:A:ILE:HG21	2	0.11
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG12	1:55:A:ILE:HG22	2	0.11
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG12	1:55:A:ILE:HG23	2	0.11
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG13	1:55:A:ILE:HG21	2	0.11
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG13	1:55:A:ILE:HG22	2	0.11
(4,4066)	1:52:A:VAL:HG13	1:55:A:ILE:HG23	2	0.11
(4,4047)	1:30:A:GLU:H	1:234:A:ASN:H	13	0.11
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB3	17	0.11
(4,4043)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB3	17	0.11
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG12	18	0.11
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB2	1:202:A:ILE:HG13	18	0.11
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG12	18	0.11
(4,4040)	1:48:A:LEU:HB3	1:202:A:ILE:HG13	18	0.11
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD11	1:111:A:ASP:H	7	0.11
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD12	1:111:A:ASP:H	7	0.11
(4,4016)	1:106:A:LEU:HD13	1:111:A:ASP:H	7	0.11
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD11	1	0.11
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD12	1	0.11
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD13	1	0.11
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD11	1	0.11
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD12	1	0.11
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD13	1	0.11
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD11	7	0.11
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD12	7	0.11
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD1	1:168:A:ILE:HD13	7	0.11
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD11	7	0.11
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD12	7	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3996)	1:59:A:PHE:HD2	1:168:A:ILE:HD13	7	0.11
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD11	2	0.11
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD12	2	0.11
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD13	2	0.11
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD21	2	0.11
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD22	2	0.11
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE21	1:106:A:LEU:HD23	2	0.11
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD11	2	0.11
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD12	2	0.11
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD13	2	0.11
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD21	2	0.11
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD22	2	0.11
(4,3991)	1:103:A:GLN:HE22	1:106:A:LEU:HD23	2	0.11
(4,3975)	1:109:A:GLY:H	1:114:A:ASN:H	14	0.11
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	1	0.11
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	1	0.11
(4,3941)	1:224:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	1	0.11
(4,3933)	1:19:A:THR:HG1	1:22:A:ALA:H	5	0.11
(4,3928)	1:56:A:VAL:HG11	1:170:A:TYR:H	1	0.11
(4,3928)	1:56:A:VAL:HG12	1:170:A:TYR:H	1	0.11
(4,3928)	1:56:A:VAL:HG13	1:170:A:TYR:H	1	0.11
(4,3927)	1:31:A:TRP:H	1:31:A:TRP:HE3	14	0.11
(4,3912)	1:137:A:PHE:HD1	1:138:A:VAL:HA	1	0.11
(4,3912)	1:137:A:PHE:HD2	1:138:A:VAL:HA	1	0.11
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD11	1:100:A:SER:H	16	0.11
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD12	1:100:A:SER:H	16	0.11
(4,3897)	1:96:A:LEU:HD13	1:100:A:SER:H	16	0.11
(4,3860)	1:38:A:SER:H	1:202:A:ILE:HG21	1	0.11
(4,3860)	1:38:A:SER:H	1:202:A:ILE:HG22	1	0.11
(4,3860)	1:38:A:SER:H	1:202:A:ILE:HG23	1	0.11
(4,3855)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:THR:HG1	9	0.11
(4,3839)	1:97:A:HIS:HD1	1:169:A:THR:HG1	6	0.11
(4,3835)	1:153:A:GLN:HB2	1:157:A:PRO:HD2	20	0.11
(4,3835)	1:153:A:GLN:HB3	1:157:A:PRO:HD2	20	0.11
(4,3767)	1:31:A:TRP:H	1:234:A:ASN:HD21	11	0.11
(4,3730)	1:29:A:ASN:HB3	1:30:A:GLU:HG2	3	0.11
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD21	1:120:A:SER:H	18	0.11
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD22	1:120:A:SER:H	18	0.11
(4,3684)	1:116:A:LEU:HD23	1:120:A:SER:H	18	0.11
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE1	9	0.11
(4,3668)	1:77:A:TYR:H	1:178:A:PHE:HE2	9	0.11
(4,3658)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HB2	19	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3658)	1:19:A:THR:HG21	1:33:A:TYR:HB3	19	0.11
(4,3658)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HB2	19	0.11
(4,3658)	1:19:A:THR:HG22	1:33:A:TYR:HB3	19	0.11
(4,3658)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HB2	19	0.11
(4,3658)	1:19:A:THR:HG23	1:33:A:TYR:HB3	19	0.11
(4,3651)	1:51:A:PRO:HB3	1:201:A:LEU:H	5	0.11
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD11	1	0.11
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD12	1	0.11
(4,3563)	1:136:A:GLN:H	1:139:A:LEU:HD13	1	0.11
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB2	5	0.11
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG21	1:195:A:ASP:HB3	5	0.11
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB2	5	0.11
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG22	1:195:A:ASP:HB3	5	0.11
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB2	5	0.11
(4,3542)	1:177:A:ILE:HG23	1:195:A:ASP:HB3	5	0.11
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD1	1:152:A:GLY:H	20	0.11
(4,3530)	1:149:A:PHE:HD2	1:152:A:GLY:H	20	0.11
(4,3510)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB2	18	0.11
(4,3510)	1:205:A:GLU:H	1:208:A:ARG:HB3	18	0.11
(4,3503)	1:57:A:LEU:HB2	1:229:A:LEU:H	14	0.11
(4,3503)	1:57:A:LEU:HB3	1:229:A:LEU:H	14	0.11
(4,3481)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:H	18	0.11
(4,3476)	1:200:A:ASP:H	1:204:A:GLN:H	15	0.11
(4,3463)	1:49:A:PRO:HG2	1:233:A:PRO:HD2	14	0.11
(4,3463)	1:49:A:PRO:HG2	1:233:A:PRO:HD3	14	0.11
(4,3463)	1:49:A:PRO:HG3	1:233:A:PRO:HD2	14	0.11
(4,3463)	1:49:A:PRO:HG3	1:233:A:PRO:HD3	14	0.11
(4,3389)	1:81:A:TRP:HZ2	1:186:A:SER:H	20	0.11
(4,3345)	1:166:A:HIS:HB2	1:168:A:ILE:HD11	20	0.11
(4,3345)	1:166:A:HIS:HB2	1:168:A:ILE:HD12	20	0.11
(4,3345)	1:166:A:HIS:HB2	1:168:A:ILE:HD13	20	0.11
(4,3345)	1:166:A:HIS:HB3	1:168:A:ILE:HD11	20	0.11
(4,3345)	1:166:A:HIS:HB3	1:168:A:ILE:HD12	20	0.11
(4,3345)	1:166:A:HIS:HB3	1:168:A:ILE:HD13	20	0.11
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD11	1:226:A:PHE:H	2	0.11
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD12	1:226:A:PHE:H	2	0.11
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD13	1:226:A:PHE:H	2	0.11
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD21	1:226:A:PHE:H	2	0.11
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD22	1:226:A:PHE:H	2	0.11
(4,3335)	1:165:A:LEU:HD23	1:226:A:PHE:H	2	0.11
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD11	4	0.11
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD12	4	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD13	4	0.11
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD21	4	0.11
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD22	4	0.11
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD1	1:189:A:LEU:HD23	4	0.11
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD11	4	0.11
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD12	4	0.11
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD13	4	0.11
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD21	4	0.11
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD22	4	0.11
(4,3322)	1:178:A:PHE:HD2	1:189:A:LEU:HD23	4	0.11
(4,3303)	1:22:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HB2	20	0.11
(4,3303)	1:22:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HB3	20	0.11
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD21	12	0.11
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD22	12	0.11
(4,3289)	1:33:A:TYR:H	1:231:A:LEU:HD23	12	0.11
(4,3238)	1:59:A:PHE:H	1:227:A:ALA:H	11	0.11
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB1	1:157:A:PRO:HB3	15	0.11
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB2	1:157:A:PRO:HB3	15	0.11
(4,3223)	1:156:A:ALA:HB3	1:157:A:PRO:HB3	15	0.11
(4,3179)	1:185:A:LEU:HD11	1:187:A:GLY:H	18	0.11
(4,3179)	1:185:A:LEU:HD12	1:187:A:GLY:H	18	0.11
(4,3179)	1:185:A:LEU:HD13	1:187:A:GLY:H	18	0.11
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD1	15	0.11
(4,3126)	1:82:A:PHE:H	1:129:A:PHE:HD2	15	0.11
(4,3123)	1:221:A:GLU:HA	1:222:A:ASP:HB2	6	0.11
(4,3123)	1:221:A:GLU:HA	1:222:A:ASP:HB3	6	0.11
(4,3123)	1:221:A:GLU:HA	1:222:A:ASP:HB2	13	0.11
(4,3123)	1:221:A:GLU:HA	1:222:A:ASP:HB3	13	0.11
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD11	12	0.11
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD12	12	0.11
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD11	1:201:A:LEU:HD13	12	0.11
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD11	12	0.11
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD12	12	0.11
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD12	1:201:A:LEU:HD13	12	0.11
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD11	12	0.11
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD12	12	0.11
(4,3095)	1:177:A:ILE:HD13	1:201:A:LEU:HD13	12	0.11
(4,3075)	1:74:A:THR:H	1:77:A:TYR:H	7	0.11
(4,3068)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:LEU:HD11	2	0.11
(4,3068)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:LEU:HD12	2	0.11
(4,3068)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:LEU:HD13	2	0.11
(4,3068)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:LEU:HD21	2	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3068)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:LEU:HD22	2	0.11
(4,3068)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:LEU:HD23	2	0.11
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG21	14	0.11
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG22	14	0.11
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE1	1:138:A:VAL:HG23	14	0.11
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG21	14	0.11
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG22	14	0.11
(4,3057)	1:82:A:PHE:HE2	1:138:A:VAL:HG23	14	0.11
(4,2966)	1:82:A:PHE:H	1:97:A:HIS:HA	20	0.11
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG11	12	0.11
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG12	12	0.11
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG13	12	0.11
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG21	12	0.11
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG22	12	0.11
(4,2940)	1:144:A:GLU:HA	1:146:A:VAL:HG23	12	0.11
(4,2927)	1:67:A:SER:H	1:217:A:ASN:HB2	17	0.11
(4,2927)	1:67:A:SER:H	1:217:A:ASN:HB3	17	0.11
(4,2905)	1:137:A:PHE:HD1	1:140:A:ASN:HD22	11	0.11
(4,2905)	1:137:A:PHE:HD2	1:140:A:ASN:HD22	11	0.11
(4,2887)	1:93:A:TYR:HB2	1:94:A:ALA:HB1	15	0.11
(4,2887)	1:93:A:TYR:HB2	1:94:A:ALA:HB2	15	0.11
(4,2887)	1:93:A:TYR:HB2	1:94:A:ALA:HB3	15	0.11
(4,2868)	1:15:A:PRO:HG2	1:35:A:ASP:H	3	0.11
(4,2839)	1:31:A:TRP:HZ3	1:53:A:LYS:H	19	0.11
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD1	19	0.11
(4,2804)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HD2	19	0.11
(4,2796)	1:41:A:GLU:HB3	1:43:A:GLU:HA	20	0.11
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG11	3	0.11
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG12	3	0.11
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG13	3	0.11
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG21	3	0.11
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG22	3	0.11
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD21	1:141:A:VAL:HG23	3	0.11
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG11	3	0.11
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG12	3	0.11
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG13	3	0.11
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG21	3	0.11
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG22	3	0.11
(4,2779)	1:140:A:ASN:HD22	1:141:A:VAL:HG23	3	0.11
(4,2744)	1:61:A:ILE:HG13	1:62:A:ASN:H	7	0.11
(4,2711)	1:212:A:ALA:HB1	1:216:A:GLU:H	17	0.11
(4,2711)	1:212:A:ALA:HB2	1:216:A:GLU:H	17	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2711)	1:212:A:ALA:HB3	1:216:A:GLU:H	17	0.11
(4,2658)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HB2	14	0.11
(4,2658)	1:61:A:ILE:H	1:164:A:ASN:HB3	14	0.11
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD11	1	0.11
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD12	1	0.11
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD13	1	0.11
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD21	1	0.11
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD22	1	0.11
(4,2646)	1:223:A:VAL:HA	1:224:A:LEU:HD23	1	0.11
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD11	7	0.11
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD12	7	0.11
(4,2637)	1:59:A:PHE:H	1:168:A:ILE:HD13	7	0.11
(4,2609)	1:34:A:PHE:H	1:229:A:LEU:HA	14	0.11
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD1	20	0.11
(4,2606)	1:62:A:ASN:H	1:214:A:TYR:HD2	20	0.11
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:H	5	0.11
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:H	5	0.11
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:H	5	0.11
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:H	5	0.11
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:H	5	0.11
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:H	5	0.11
(4,2573)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD11	11	0.11
(4,2573)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD12	11	0.11
(4,2573)	1:28:A:LYS:H	1:105:A:LEU:HD13	11	0.11
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:H	5	0.11
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:H	5	0.11
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:H	5	0.11
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:H	5	0.11
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:H	5	0.11
(4,2496)	1:201:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:H	5	0.11
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD11	20	0.11
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD12	20	0.11
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD13	20	0.11
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD21	20	0.11
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD22	20	0.11
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD21	1:231:A:LEU:HD23	20	0.11
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD11	20	0.11
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD12	20	0.11
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD13	20	0.11
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD21	20	0.11
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD22	20	0.11
(4,2467)	1:102:A:ASN:HD22	1:231:A:LEU:HD23	20	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2457)	1:56:A:VAL:HB	1:94:A:ALA:HB1	9	0.11
(4,2457)	1:56:A:VAL:HB	1:94:A:ALA:HB2	9	0.11
(4,2457)	1:56:A:VAL:HB	1:94:A:ALA:HB3	9	0.11
(4,2445)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HE1	16	0.11
(4,2445)	1:22:A:ALA:H	1:33:A:TYR:HE2	16	0.11
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD21	1:47:A:PHE:H	8	0.11
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD22	1:47:A:PHE:H	8	0.11
(4,2425)	1:45:A:LEU:HD23	1:47:A:PHE:H	8	0.11
(4,2410)	1:57:A:LEU:HD11	1:227:A:ALA:H	1	0.11
(4,2410)	1:57:A:LEU:HD12	1:227:A:ALA:H	1	0.11
(4,2410)	1:57:A:LEU:HD13	1:227:A:ALA:H	1	0.11
(4,2410)	1:57:A:LEU:HD21	1:227:A:ALA:H	1	0.11
(4,2410)	1:57:A:LEU:HD22	1:227:A:ALA:H	1	0.11
(4,2410)	1:57:A:LEU:HD23	1:227:A:ALA:H	1	0.11
(4,2397)	1:210:A:ARG:HG2	1:212:A:ALA:H	11	0.11
(4,2397)	1:210:A:ARG:HG3	1:212:A:ALA:H	11	0.11
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD11	9	0.11
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD12	9	0.11
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HD13	9	0.11
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD11	9	0.11
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD12	9	0.11
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HD13	9	0.11
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD11	9	0.11
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD12	9	0.11
(4,2286)	1:27:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HD13	9	0.11
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:H	6	0.11
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:H	6	0.11
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:H	6	0.11
(4,2129)	1:209:A:VAL:HA	1:212:A:ALA:HA	3	0.11
(4,2091)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HB2	14	0.11
(4,2091)	1:21:A:PHE:HD1	1:92:A:LEU:HB3	14	0.11
(4,2091)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HB2	14	0.11
(4,2091)	1:21:A:PHE:HD2	1:92:A:LEU:HB3	14	0.11
(4,2081)	1:11:A:ILE:HG21	1:12:A:GLU:HB2	4	0.11
(4,2081)	1:11:A:ILE:HG21	1:12:A:GLU:HB3	4	0.11
(4,2081)	1:11:A:ILE:HG22	1:12:A:GLU:HB2	4	0.11
(4,2081)	1:11:A:ILE:HG22	1:12:A:GLU:HB3	4	0.11
(4,2081)	1:11:A:ILE:HG23	1:12:A:GLU:HB2	4	0.11
(4,2081)	1:11:A:ILE:HG23	1:12:A:GLU:HB3	4	0.11
(4,2081)	1:11:A:ILE:HG21	1:12:A:GLU:HB2	7	0.11
(4,2081)	1:11:A:ILE:HG21	1:12:A:GLU:HB3	7	0.11
(4,2081)	1:11:A:ILE:HG22	1:12:A:GLU:HB2	7	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2081)	1:11:A:ILE:HG22	1:12:A:GLU:HB3	7	0.11
(4,2081)	1:11:A:ILE:HG23	1:12:A:GLU:HB2	7	0.11
(4,2081)	1:11:A:ILE:HG23	1:12:A:GLU:HB3	7	0.11
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD11	1:207:A:VAL:HA	1	0.11
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD12	1:207:A:VAL:HA	1	0.11
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD13	1:207:A:VAL:HA	1	0.11
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD21	1:207:A:VAL:HA	1	0.11
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD22	1:207:A:VAL:HA	1	0.11
(4,2039)	1:57:A:LEU:HD23	1:207:A:VAL:HA	1	0.11
(4,1977)	1:56:A:VAL:H	1:170:A:TYR:HD1	2	0.11
(4,1977)	1:56:A:VAL:H	1:170:A:TYR:HD2	2	0.11
(4,1967)	1:83:A:LYS:HG2	1:85:A:SER:HA	6	0.11
(4,1948)	1:211:A:VAL:HG21	1:214:A:TYR:H	19	0.11
(4,1948)	1:211:A:VAL:HG22	1:214:A:TYR:H	19	0.11
(4,1948)	1:211:A:VAL:HG23	1:214:A:TYR:H	19	0.11
(4,1948)	1:211:A:VAL:HG21	1:214:A:TYR:H	20	0.11
(4,1948)	1:211:A:VAL:HG22	1:214:A:TYR:H	20	0.11
(4,1948)	1:211:A:VAL:HG23	1:214:A:TYR:H	20	0.11
(4,1942)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HB2	9	0.11
(4,1942)	1:37:A:TYR:HB3	1:44:A:LEU:HB3	9	0.11
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD11	6	0.11
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD12	6	0.11
(4,1936)	1:43:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HD13	6	0.11
(4,1926)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD21	4	0.11
(4,1926)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD22	4	0.11
(4,1926)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD23	4	0.11
(4,1926)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD21	18	0.11
(4,1926)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD22	18	0.11
(4,1926)	1:104:A:SER:H	1:105:A:LEU:HD23	18	0.11
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD11	1:204:A:GLN:HA	7	0.11
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD12	1:204:A:GLN:HA	7	0.11
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD13	1:204:A:GLN:HA	7	0.11
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD21	1:204:A:GLN:HA	7	0.11
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD22	1:204:A:GLN:HA	7	0.11
(4,1895)	1:201:A:LEU:HD23	1:204:A:GLN:HA	7	0.11
(4,1856)	1:29:A:ASN:HD22	1:30:A:GLU:H	1	0.11
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG11	19	0.11
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG12	19	0.11
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG13	19	0.11
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG21	19	0.11
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG22	19	0.11
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB2	1:207:A:VAL:HG23	19	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG11	19	0.11
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG12	19	0.11
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG13	19	0.11
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG21	19	0.11
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG22	19	0.11
(4,1789)	1:201:A:LEU:HB3	1:207:A:VAL:HG23	19	0.11
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG21	1:55:A:ILE:HA	13	0.11
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG22	1:55:A:ILE:HA	13	0.11
(4,1734)	1:52:A:VAL:HG23	1:55:A:ILE:HA	13	0.11
(4,1681)	1:114:A:ASN:H	1:117:A:LYS:HB2	13	0.11
(4,1681)	1:114:A:ASN:H	1:117:A:LYS:HB3	13	0.11
(4,1587)	1:190:A:TYR:HE1	1:192:A:GLY:H	5	0.11
(4,1587)	1:190:A:TYR:HE2	1:192:A:GLY:H	5	0.11
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG11	16	0.11
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG12	16	0.11
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG13	16	0.11
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG21	16	0.11
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG22	16	0.11
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB2	1:141:A:VAL:HG23	16	0.11
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG11	16	0.11
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG12	16	0.11
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG13	16	0.11
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG21	16	0.11
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG22	16	0.11
(4,1584)	1:96:A:LEU:HB3	1:141:A:VAL:HG23	16	0.11
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD11	8	0.11
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD12	8	0.11
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD13	8	0.11
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD21	8	0.11
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD22	8	0.11
(4,1576)	1:31:A:TRP:HB2	1:99:A:LEU:HD23	8	0.11
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG11	1:214:A:TYR:H	12	0.11
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG12	1:214:A:TYR:H	12	0.11
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG13	1:214:A:TYR:H	12	0.11
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG21	1:214:A:TYR:H	12	0.11
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG22	1:214:A:TYR:H	12	0.11
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG23	1:214:A:TYR:H	12	0.11
(4,1490)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HD2	1	0.11
(4,1490)	1:40:A:THR:HG21	1:208:A:ARG:HD3	1	0.11
(4,1490)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HD2	1	0.11
(4,1490)	1:40:A:THR:HG22	1:208:A:ARG:HD3	1	0.11
(4,1490)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HD2	1	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1490)	1:40:A:THR:HG23	1:208:A:ARG:HD3	1	0.11
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD11	14	0.11
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD12	14	0.11
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD13	14	0.11
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD21	14	0.11
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD22	14	0.11
(4,1472)	1:26:A:GLY:H	1:106:A:LEU:HD23	14	0.11
(4,1383)	1:19:A:THR:HG1	1:20:A:ASN:H	2	0.11
(4,1382)	1:101:A:ASN:H	1:103:A:GLN:H	1	0.11
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD11	16	0.11
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD12	16	0.11
(4,1362)	1:171:A:VAL:HA	1:177:A:ILE:HD13	16	0.11
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:H	9	0.11
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:H	9	0.11
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD21	1:171:A:VAL:H	15	0.11
(4,1340)	1:101:A:ASN:HD22	1:171:A:VAL:H	15	0.11
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB2	5	0.11
(4,1339)	1:35:A:ASP:HB2	1:228:A:MET:HB3	5	0.11
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG11	17	0.11
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG12	17	0.11
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG13	17	0.11
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG21	17	0.11
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG22	17	0.11
(4,1335)	1:142:A:ILE:H	1:146:A:VAL:HG23	17	0.11
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG21	17	0.11
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG22	17	0.11
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB2	1:73:A:ILE:HG23	17	0.11
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG21	17	0.11
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG22	17	0.11
(4,1328)	1:71:A:GLN:HB3	1:73:A:ILE:HG23	17	0.11
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD2	1:185:A:LEU:H	17	0.11
(4,1291)	1:83:A:LYS:HD3	1:185:A:LEU:H	17	0.11
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD21	19	0.11
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD22	19	0.11
(4,1253)	1:98:A:SER:H	1:231:A:LEU:HD23	19	0.11
(4,1195)	1:197:A:THR:HG21	1:198:A:ALA:HA	9	0.11
(4,1195)	1:197:A:THR:HG22	1:198:A:ALA:HA	9	0.11
(4,1195)	1:197:A:THR:HG23	1:198:A:ALA:HA	9	0.11
(4,1195)	1:197:A:THR:HG21	1:198:A:ALA:HA	12	0.11
(4,1195)	1:197:A:THR:HG22	1:198:A:ALA:HA	12	0.11
(4,1195)	1:197:A:THR:HG23	1:198:A:ALA:HA	12	0.11
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:HD21	14	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG12	1:145:A:ASN:HD22	14	0.11
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:HD21	14	0.11
(4,1168)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:HD22	14	0.11
(4,1154)	1:157:A:PRO:HA	1:158:A:GLU:HB2	2	0.11
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG11	1:171:A:VAL:H	2	0.11
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG12	1:171:A:VAL:H	2	0.11
(4,1125)	1:79:A:VAL:HG13	1:171:A:VAL:H	2	0.11
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD11	16	0.11
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD12	16	0.11
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD13	16	0.11
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD21	16	0.11
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD22	16	0.11
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD11	1:229:A:LEU:HD23	16	0.11
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD11	16	0.11
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD12	16	0.11
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD13	16	0.11
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD21	16	0.11
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD22	16	0.11
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD12	1:229:A:LEU:HD23	16	0.11
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD11	16	0.11
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD12	16	0.11
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD13	16	0.11
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD21	16	0.11
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD22	16	0.11
(4,1119)	1:95:A:ILE:HD13	1:229:A:LEU:HD23	16	0.11
(4,1094)	1:39:A:LEU:HA	1:45:A:LEU:H	9	0.11
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD11	1:38:A:SER:H	14	0.11
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD12	1:38:A:SER:H	14	0.11
(4,1089)	1:36:A:ILE:HD13	1:38:A:SER:H	14	0.11
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG11	1:22:A:ALA:H	10	0.11
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG12	1:22:A:ALA:H	10	0.11
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG13	1:22:A:ALA:H	10	0.11
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG21	1:22:A:ALA:H	10	0.11
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG22	1:22:A:ALA:H	10	0.11
(4,1075)	1:17:A:VAL:HG23	1:22:A:ALA:H	10	0.11
(4,1074)	1:79:A:VAL:HG21	1:178:A:PHE:H	2	0.11
(4,1074)	1:79:A:VAL:HG22	1:178:A:PHE:H	2	0.11
(4,1074)	1:79:A:VAL:HG23	1:178:A:PHE:H	2	0.11
(4,1073)	1:85:A:SER:H	1:86:A:VAL:HB	1	0.11
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB1	14	0.11
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB2	14	0.11
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB1	1:32:A:ALA:HB3	14	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB1	14	0.11
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB2	14	0.11
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB2	1:32:A:ALA:HB3	14	0.11
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB1	14	0.11
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB2	14	0.11
(4,1064)	1:22:A:ALA:HB3	1:32:A:ALA:HB3	14	0.11
(4,1029)	1:224:A:LEU:H	1:225:A:ASN:HD22	9	0.11
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD11	1:93:A:TYR:HD1	17	0.11
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD11	1:93:A:TYR:HD2	17	0.11
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD12	1:93:A:TYR:HD1	17	0.11
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD12	1:93:A:TYR:HD2	17	0.11
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD13	1:93:A:TYR:HD1	17	0.11
(4,1023)	1:92:A:LEU:HD13	1:93:A:TYR:HD2	17	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD11	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD12	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD13	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD21	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD22	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD11	1:191:A:LEU:HD23	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD11	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD12	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD13	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD21	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD22	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD12	1:191:A:LEU:HD23	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD11	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD12	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD13	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD21	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD22	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD13	1:191:A:LEU:HD23	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD11	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD12	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD13	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD21	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD22	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD21	1:191:A:LEU:HD23	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD11	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD12	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD13	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD21	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD22	1	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,998)	1:57:A:LEU:HD22	1:191:A:LEU:HD23	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD11	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD12	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD13	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD21	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD22	1	0.11
(4,998)	1:57:A:LEU:HD23	1:191:A:LEU:HD23	1	0.11
(4,983)	1:213:A:SER:H	1:216:A:GLU:H	13	0.11
(4,956)	1:100:A:SER:HB2	1:103:A:GLN:HE21	13	0.11
(4,956)	1:100:A:SER:HB2	1:103:A:GLN:HE22	13	0.11
(4,956)	1:100:A:SER:HB3	1:103:A:GLN:HE21	13	0.11
(4,956)	1:100:A:SER:HB3	1:103:A:GLN:HE22	13	0.11
(4,946)	1:13:A:SER:H	1:17:A:VAL:H	8	0.11
(4,942)	1:207:A:VAL:HG11	1:209:A:VAL:H	17	0.11
(4,942)	1:207:A:VAL:HG12	1:209:A:VAL:H	17	0.11
(4,942)	1:207:A:VAL:HG13	1:209:A:VAL:H	17	0.11
(4,842)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:PHE:H	18	0.11
(4,842)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:PHE:H	18	0.11
(4,842)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:PHE:H	18	0.11
(4,823)	1:57:A:LEU:HB2	1:170:A:TYR:H	3	0.11
(4,823)	1:57:A:LEU:HB3	1:170:A:TYR:H	3	0.11
(4,797)	1:38:A:SER:H	1:41:A:GLU:HB2	9	0.11
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG11	8	0.11
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG12	8	0.11
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG13	8	0.11
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG21	8	0.11
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG22	8	0.11
(4,741)	1:54:A:ALA:H	1:171:A:VAL:HG23	8	0.11
(4,706)	1:65:A:ARG:H	1:217:A:ASN:HA	20	0.11
(4,682)	1:15:A:PRO:HG3	1:35:A:ASP:H	1	0.11
(4,572)	1:191:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:HG2	13	0.11
(4,572)	1:191:A:LEU:HD21	1:210:A:ARG:HG3	13	0.11
(4,572)	1:191:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:HG2	13	0.11
(4,572)	1:191:A:LEU:HD22	1:210:A:ARG:HG3	13	0.11
(4,572)	1:191:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:HG2	13	0.11
(4,572)	1:191:A:LEU:HD23	1:210:A:ARG:HG3	13	0.11
(4,564)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HG21	7	0.11
(4,564)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HG22	7	0.11
(4,564)	1:92:A:LEU:HD11	1:142:A:ILE:HG23	7	0.11
(4,564)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HG21	7	0.11
(4,564)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HG22	7	0.11
(4,564)	1:92:A:LEU:HD12	1:142:A:ILE:HG23	7	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,564)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HG21	7	0.11
(4,564)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HG22	7	0.11
(4,564)	1:92:A:LEU:HD13	1:142:A:ILE:HG23	7	0.11
(4,514)	1:109:A:GLY:HA2	1:113:A:ASP:H	12	0.11
(4,459)	1:45:A:LEU:HD21	1:202:A:ILE:HA	14	0.11
(4,459)	1:45:A:LEU:HD22	1:202:A:ILE:HA	14	0.11
(4,459)	1:45:A:LEU:HD23	1:202:A:ILE:HA	14	0.11
(4,434)	1:184:A:ASN:HD21	1:187:A:GLY:H	8	0.11
(4,434)	1:184:A:ASN:HD22	1:187:A:GLY:H	8	0.11
(4,419)	1:39:A:LEU:HD21	1:41:A:GLU:H	6	0.11
(4,419)	1:39:A:LEU:HD22	1:41:A:GLU:H	6	0.11
(4,419)	1:39:A:LEU:HD23	1:41:A:GLU:H	6	0.11
(4,348)	1:191:A:LEU:HD11	1:206:A:LEU:HB2	10	0.11
(4,348)	1:191:A:LEU:HD11	1:206:A:LEU:HB3	10	0.11
(4,348)	1:191:A:LEU:HD12	1:206:A:LEU:HB2	10	0.11
(4,348)	1:191:A:LEU:HD12	1:206:A:LEU:HB3	10	0.11
(4,348)	1:191:A:LEU:HD13	1:206:A:LEU:HB2	10	0.11
(4,348)	1:191:A:LEU:HD13	1:206:A:LEU:HB3	10	0.11
(4,348)	1:191:A:LEU:HD21	1:206:A:LEU:HB2	10	0.11
(4,348)	1:191:A:LEU:HD21	1:206:A:LEU:HB3	10	0.11
(4,348)	1:191:A:LEU:HD22	1:206:A:LEU:HB2	10	0.11
(4,348)	1:191:A:LEU:HD22	1:206:A:LEU:HB3	10	0.11
(4,348)	1:191:A:LEU:HD23	1:206:A:LEU:HB2	10	0.11
(4,348)	1:191:A:LEU:HD23	1:206:A:LEU:HB3	10	0.11
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG11	5	0.11
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG12	5	0.11
(4,336)	1:216:A:GLU:H	1:223:A:VAL:HG13	5	0.11
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG21	17	0.11
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG22	17	0.11
(4,282)	1:102:A:ASN:H	1:171:A:VAL:HG23	17	0.11
(4,278)	1:32:A:ALA:HB1	1:34:A:PHE:HD1	11	0.11
(4,278)	1:32:A:ALA:HB1	1:34:A:PHE:HD2	11	0.11
(4,278)	1:32:A:ALA:HB2	1:34:A:PHE:HD1	11	0.11
(4,278)	1:32:A:ALA:HB2	1:34:A:PHE:HD2	11	0.11
(4,278)	1:32:A:ALA:HB3	1:34:A:PHE:HD1	11	0.11
(4,278)	1:32:A:ALA:HB3	1:34:A:PHE:HD2	11	0.11
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD11	8	0.11
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD12	8	0.11
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD13	8	0.11
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD21	8	0.11
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD22	8	0.11
(4,260)	1:37:A:TYR:HD1	1:48:A:LEU:HD23	8	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD11	8	0.11
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD12	8	0.11
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD13	8	0.11
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD21	8	0.11
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD22	8	0.11
(4,260)	1:37:A:TYR:HD2	1:48:A:LEU:HD23	8	0.11
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD1	18	0.11
(4,207)	1:112:A:LEU:HD21	1:137:A:PHE:HD2	18	0.11
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD1	18	0.11
(4,207)	1:112:A:LEU:HD22	1:137:A:PHE:HD2	18	0.11
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD1	18	0.11
(4,207)	1:112:A:LEU:HD23	1:137:A:PHE:HD2	18	0.11
(4,196)	1:177:A:ILE:HG21	1:207:A:VAL:HA	18	0.11
(4,196)	1:177:A:ILE:HG22	1:207:A:VAL:HA	18	0.11
(4,196)	1:177:A:ILE:HG23	1:207:A:VAL:HA	18	0.11
(4,93)	1:144:A:GLU:HB2	1:149:A:PHE:HD1	7	0.11
(4,93)	1:144:A:GLU:HB2	1:149:A:PHE:HD2	7	0.11
(4,93)	1:144:A:GLU:HB3	1:149:A:PHE:HD1	7	0.11
(4,93)	1:144:A:GLU:HB3	1:149:A:PHE:HD2	7	0.11
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB2	6	0.11
(4,69)	1:30:A:GLU:HG2	1:234:A:ASN:HB3	6	0.11
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG21	2	0.11
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG22	2	0.11
(4,57)	1:218:A:ALA:H	1:223:A:VAL:HG23	2	0.11
(4,56)	1:129:A:PHE:HD1	1:130:A:ASP:H	1	0.11
(4,56)	1:129:A:PHE:HD2	1:130:A:ASP:H	1	0.11
(4,48)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD11	3	0.11
(4,48)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD12	3	0.11
(4,48)	1:228:A:MET:H	1:229:A:LEU:HD13	3	0.11
(4,46)	1:142:A:ILE:HG12	1:144:A:GLU:H	7	0.11
(4,46)	1:142:A:ILE:HG13	1:144:A:GLU:H	7	0.11
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD21	3	0.11
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD22	3	0.11
(4,20)	1:138:A:VAL:H	1:139:A:LEU:HD23	3	0.11
(3,25)	1:58:A:LEU:H	1:227:A:ALA:O	4	0.11
(3,24)	1:54:A:ALA:H	1:231:A:LEU:O	5	0.11
(3,20)	1:57:A:LEU:O	1:168:A:ILE:H	3	0.11
(3,15)	1:169:A:THR:O	1:180:A:LEU:H	13	0.11
(3,5)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:O	3	0.11
(3,4)	1:173:A:GLU:O	1:176:A:GLY:H	7	0.11
(3,2)	1:58:A:LEU:O	1:227:A:ALA:H	5	0.11
(3,1)	1:173:A:GLU:H	1:176:A:GLY:O	6	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,382)	1:5:A:ASN:ND2	1:223:A:VAL:H	17	0.11
(1,177)	1:204:A:GLN:H	1:225:A:ASN:ND2	6	0.11
(1,142)	1:32:A:ALA:H	1:225:A:ASN:ND2	6	0.11
(1,28)	1:104:A:SER:OG	1:171:A:VAL:H	3	0.11
(1,16)	1:104:A:SER:OG	1:170:A:TYR:H	14	0.11
(5,777)	1:5:A:ASN:ND2	1:180:A:LEU:H	16	0.1
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG11	20	0.1
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG12	20	0.1
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG13	20	0.1
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG21	20	0.1
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG22	20	0.1
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB2	1:138:A:VAL:HG23	20	0.1
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG11	20	0.1
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG12	20	0.1
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG13	20	0.1
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG21	20	0.1
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG22	20	0.1
(4,4288)	1:93:A:TYR:HB3	1:138:A:VAL:HG23	20	0.1
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG21	11	0.1
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG22	11	0.1
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD1	1:207:A:VAL:HG23	11	0.1
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG21	11	0.1
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG22	11	0.1
(4,4272)	1:170:A:TYR:HD2	1:207:A:VAL:HG23	11	0.1
(4,4254)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HE1	1	0.1
(4,4254)	1:90:A:CYS:H	1:167:A:TYR:HE2	1	0.1
(4,4108)	1:111:A:ASP:H	1:114:A:ASN:H	5	0.1
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG12	1:17:A:VAL:HB	11	0.1
(4,4023)	1:11:A:ILE:HG13	1:17:A:VAL:HB	11	0.1
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG2	1:222:A:ASP:HB2	8	0.1
(4,3837)	1:221:A:GLU:HG3	1:222:A:ASP:HB2	8	0.1
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:H	19	0.1
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:H	19	0.1
(4,3801)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:H	19	0.1
(4,3766)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD21	14	0.1
(4,3766)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD22	14	0.1
(4,3766)	1:22:A:ALA:HB1	1:99:A:LEU:HD23	14	0.1
(4,3766)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD21	14	0.1
(4,3766)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD22	14	0.1
(4,3766)	1:22:A:ALA:HB2	1:99:A:LEU:HD23	14	0.1
(4,3766)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD21	14	0.1
(4,3766)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD22	14	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,3766)	1:22:A:ALA:HB3	1:99:A:LEU:HD23	14	0.1
(4,3730)	1:29:A:ASN:HB3	1:30:A:GLU:HG2	17	0.1
(4,3719)	1:102:A:ASN:H	1:103:A:GLN:HB2	11	0.1
(4,3719)	1:102:A:ASN:H	1:103:A:GLN:HB3	11	0.1
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD21	1:232:A:GLY:H	14	0.1
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD22	1:232:A:GLY:H	14	0.1
(4,3626)	1:27:A:LEU:HD23	1:232:A:GLY:H	14	0.1
(4,3481)	1:33:A:TYR:H	1:34:A:PHE:H	6	0.1
(4,3238)	1:59:A:PHE:H	1:227:A:ALA:H	8	0.1
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD11	3	0.1
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD12	3	0.1
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD13	3	0.1
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD21	3	0.1
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD22	3	0.1
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB2	1:165:A:LEU:HD23	3	0.1
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD11	3	0.1
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD12	3	0.1
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD13	3	0.1
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD21	3	0.1
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD22	3	0.1
(4,3186)	1:59:A:PHE:HB3	1:165:A:LEU:HD23	3	0.1
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB2	19	0.1
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD11	1:181:A:ASP:HB3	19	0.1
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB2	19	0.1
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD12	1:181:A:ASP:HB3	19	0.1
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB2	19	0.1
(4,3148)	1:61:A:ILE:HD13	1:181:A:ASP:HB3	19	0.1
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD11	18	0.1
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD12	18	0.1
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD13	18	0.1
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD21	18	0.1
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD22	18	0.1
(4,3136)	1:191:A:LEU:H	1:206:A:LEU:HD23	18	0.1
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD21	1:160:A:THR:H	20	0.1
(4,3135)	1:88:A:ASN:HD22	1:160:A:THR:H	20	0.1
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB1	1	0.1
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB2	1	0.1
(4,3124)	1:88:A:ASN:H	1:159:A:ALA:HB3	1	0.1
(4,3123)	1:221:A:GLU:HA	1:222:A:ASP:HB2	10	0.1
(4,3123)	1:221:A:GLU:HA	1:222:A:ASP:HB3	10	0.1
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB2	1:214:A:TYR:HD1	19	0.1
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB2	1:214:A:TYR:HD2	19	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB3	1:214:A:TYR:HD1	19	0.1
(4,2900)	1:210:A:ARG:HB3	1:214:A:TYR:HD2	19	0.1
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD11	1:208:A:ARG:H	14	0.1
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD12	1:208:A:ARG:H	14	0.1
(4,2888)	1:206:A:LEU:HD13	1:208:A:ARG:H	14	0.1
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB1	6	0.1
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB2	6	0.1
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:HB3	6	0.1
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB1	6	0.1
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB2	6	0.1
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:HB3	6	0.1
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB1	6	0.1
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB2	6	0.1
(4,2843)	1:44:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:HB3	6	0.1
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG21	1:229:A:LEU:H	7	0.1
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG22	1:229:A:LEU:H	7	0.1
(4,2665)	1:55:A:ILE:HG23	1:229:A:LEU:H	7	0.1
(4,2651)	1:174:A:ASN:HD21	1:175:A:GLY:H	20	0.1
(4,2651)	1:174:A:ASN:HD22	1:175:A:GLY:H	20	0.1
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD11	1:46:A:ALA:H	4	0.1
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD12	1:46:A:ALA:H	4	0.1
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD13	1:46:A:ALA:H	4	0.1
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:H	4	0.1
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:H	4	0.1
(4,2602)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:H	4	0.1
(4,2588)	1:62:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:HB1	13	0.1
(4,2588)	1:62:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:HB2	13	0.1
(4,2588)	1:62:A:ASN:HD21	1:218:A:ALA:HB3	13	0.1
(4,2564)	1:142:A:ILE:HG13	1:145:A:ASN:H	5	0.1
(4,2521)	1:81:A:TRP:H	1:82:A:PHE:HZ	2	0.1
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD11	1:120:A:SER:H	3	0.1
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD12	1:120:A:SER:H	3	0.1
(4,2501)	1:116:A:LEU:HD13	1:120:A:SER:H	3	0.1
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG2	1:224:A:LEU:H	15	0.1
(4,2499)	1:220:A:GLU:HG3	1:224:A:LEU:H	15	0.1
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD11	1:106:A:LEU:H	13	0.1
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD12	1:106:A:LEU:H	13	0.1
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD13	1:106:A:LEU:H	13	0.1
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD21	1:106:A:LEU:H	13	0.1
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD22	1:106:A:LEU:H	13	0.1
(4,2453)	1:99:A:LEU:HD23	1:106:A:LEU:H	13	0.1
(4,2364)	1:166:A:HIS:H	1:167:A:TYR:HD1	14	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2364)	1:166:A:HIS:H	1:167:A:TYR:HD2	14	0.1
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG21	20	0.1
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG22	20	0.1
(4,2318)	1:78:A:ASP:H	1:79:A:VAL:HG23	20	0.1
(4,2288)	1:217:A:ASN:H	1:217:A:ASN:HD22	6	0.1
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG21	1:231:A:LEU:H	6	0.1
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG22	1:231:A:LEU:H	6	0.1
(4,2274)	1:56:A:VAL:HG23	1:231:A:LEU:H	6	0.1
(4,2267)	1:29:A:ASN:H	1:30:A:GLU:HG3	3	0.1
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD11	1:141:A:VAL:H	12	0.1
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD12	1:141:A:VAL:H	12	0.1
(4,2207)	1:92:A:LEU:HD13	1:141:A:VAL:H	12	0.1
(4,2186)	1:142:A:ILE:HG21	1:143:A:LYS:HA	3	0.1
(4,2186)	1:142:A:ILE:HG22	1:143:A:LYS:HA	3	0.1
(4,2186)	1:142:A:ILE:HG23	1:143:A:LYS:HA	3	0.1
(4,2186)	1:142:A:ILE:HG21	1:143:A:LYS:HA	11	0.1
(4,2186)	1:142:A:ILE:HG22	1:143:A:LYS:HA	11	0.1
(4,2186)	1:142:A:ILE:HG23	1:143:A:LYS:HA	11	0.1
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB1	6	0.1
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB2	6	0.1
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD21	1:46:A:ALA:HB3	6	0.1
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB1	6	0.1
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB2	6	0.1
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD22	1:46:A:ALA:HB3	6	0.1
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB1	6	0.1
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB2	6	0.1
(4,2185)	1:45:A:LEU:HD23	1:46:A:ALA:HB3	6	0.1
(4,2061)	1:33:A:TYR:H	1:234:A:ASN:HA	10	0.1
(4,2028)	1:41:A:GLU:H	1:44:A:LEU:HG	18	0.1
(4,1998)	1:109:A:GLY:HA2	1:114:A:ASN:HD21	9	0.1
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG11	11	0.1
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG12	11	0.1
(4,1972)	1:34:A:PHE:H	1:56:A:VAL:HG13	11	0.1
(4,1950)	1:208:A:ARG:HA	1:212:A:ALA:HB1	5	0.1
(4,1950)	1:208:A:ARG:HA	1:212:A:ALA:HB2	5	0.1
(4,1950)	1:208:A:ARG:HA	1:212:A:ALA:HB3	5	0.1
(4,1946)	1:69:A:THR:HG21	1:71:A:GLN:H	2	0.1
(4,1946)	1:69:A:THR:HG22	1:71:A:GLN:H	2	0.1
(4,1946)	1:69:A:THR:HG23	1:71:A:GLN:H	2	0.1
(4,1940)	1:211:A:VAL:HG11	1:228:A:MET:HG2	14	0.1
(4,1940)	1:211:A:VAL:HG11	1:228:A:MET:HG3	14	0.1
(4,1940)	1:211:A:VAL:HG12	1:228:A:MET:HG2	14	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1940)	1:211:A:VAL:HG12	1:228:A:MET:HG3	14	0.1
(4,1940)	1:211:A:VAL:HG13	1:228:A:MET:HG2	14	0.1
(4,1940)	1:211:A:VAL:HG13	1:228:A:MET:HG3	14	0.1
(4,1845)	1:141:A:VAL:HA	1:145:A:ASN:HD21	20	0.1
(4,1748)	1:176:A:GLY:H	1:194:A:SER:HB2	13	0.1
(4,1748)	1:176:A:GLY:H	1:194:A:SER:HB3	13	0.1
(4,1653)	1:17:A:VAL:H	1:152:A:GLY:HA2	17	0.1
(4,1602)	1:199:A:THR:H	1:202:A:ILE:H	6	0.1
(4,1594)	1:157:A:PRO:HD2	1:158:A:GLU:H	8	0.1
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD1	1:117:A:LYS:H	4	0.1
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD2	1:117:A:LYS:H	4	0.1
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD1	1:117:A:LYS:H	9	0.1
(4,1588)	1:115:A:PHE:HD2	1:117:A:LYS:H	9	0.1
(4,1573)	1:146:A:VAL:H	1:149:A:PHE:HB3	7	0.1
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG11	1:214:A:TYR:H	19	0.1
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG12	1:214:A:TYR:H	19	0.1
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG13	1:214:A:TYR:H	19	0.1
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG21	1:214:A:TYR:H	19	0.1
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG22	1:214:A:TYR:H	19	0.1
(4,1567)	1:211:A:VAL:HG23	1:214:A:TYR:H	19	0.1
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HB2	7	0.1
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD21	1:219:A:ASN:HB3	7	0.1
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HB2	7	0.1
(4,1491)	1:62:A:ASN:HD22	1:219:A:ASN:HB3	7	0.1
(4,1400)	1:67:A:SER:H	1:68:A:SER:HA	7	0.1
(4,1395)	1:90:A:CYS:HB2	1:167:A:TYR:HD1	2	0.1
(4,1395)	1:90:A:CYS:HB2	1:167:A:TYR:HD2	2	0.1
(4,1355)	1:189:A:LEU:HG	1:191:A:LEU:H	19	0.1
(4,1330)	1:96:A:LEU:CD2	1:138:A:VAL:HG11	10	0.1
(4,1330)	1:96:A:LEU:CD2	1:138:A:VAL:HG12	10	0.1
(4,1330)	1:96:A:LEU:CD2	1:138:A:VAL:HG13	10	0.1
(4,1330)	1:96:A:LEU:CD2	1:138:A:VAL:HG21	10	0.1
(4,1330)	1:96:A:LEU:CD2	1:138:A:VAL:HG22	10	0.1
(4,1330)	1:96:A:LEU:CD2	1:138:A:VAL:HG23	10	0.1
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG11	1:55:A:ILE:HD11	16	0.1
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG11	1:55:A:ILE:HD12	16	0.1
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG11	1:55:A:ILE:HD13	16	0.1
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG12	1:55:A:ILE:HD11	16	0.1
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG12	1:55:A:ILE:HD12	16	0.1
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG12	1:55:A:ILE:HD13	16	0.1
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG13	1:55:A:ILE:HD11	16	0.1
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG13	1:55:A:ILE:HD12	16	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,1294)	1:52:A:VAL:HG13	1:55:A:ILE:HD13	16	0.1
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG21	11	0.1
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG22	11	0.1
(4,1186)	1:83:A:LYS:H	1:134:A:THR:HG23	11	0.1
(4,1156)	1:62:A:ASN:H	1:63:A:GLU:HA	8	0.1
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD11	14	0.1
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD12	14	0.1
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD13	14	0.1
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD21	14	0.1
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD22	14	0.1
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB1	1:231:A:LEU:HD23	14	0.1
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD11	14	0.1
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD12	14	0.1
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD13	14	0.1
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD21	14	0.1
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD22	14	0.1
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB2	1:231:A:LEU:HD23	14	0.1
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD11	14	0.1
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD12	14	0.1
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD13	14	0.1
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD21	14	0.1
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD22	14	0.1
(4,1135)	1:32:A:ALA:HB3	1:231:A:LEU:HD23	14	0.1
(4,991)	1:137:A:PHE:HB2	1:139:A:LEU:H	1	0.1
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB2	15	0.1
(4,898)	1:74:A:THR:H	1:75:A:SER:HB3	15	0.1
(4,870)	1:34:A:PHE:H	1:232:A:GLY:H	11	0.1
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB1	10	0.1
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB2	10	0.1
(4,869)	1:216:A:GLU:HB2	1:218:A:ALA:HB3	10	0.1
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB1	10	0.1
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB2	10	0.1
(4,869)	1:216:A:GLU:HB3	1:218:A:ALA:HB3	10	0.1
(4,770)	1:39:A:LEU:HA	1:41:A:GLU:HB2	16	0.1
(4,767)	1:58:A:LEU:HD11	1:228:A:MET:H	6	0.1
(4,767)	1:58:A:LEU:HD12	1:228:A:MET:H	6	0.1
(4,767)	1:58:A:LEU:HD13	1:228:A:MET:H	6	0.1
(4,767)	1:58:A:LEU:HD21	1:228:A:MET:H	6	0.1
(4,767)	1:58:A:LEU:HD22	1:228:A:MET:H	6	0.1
(4,767)	1:58:A:LEU:HD23	1:228:A:MET:H	6	0.1
(4,760)	1:57:A:LEU:HD11	1:168:A:ILE:CD1	10	0.1
(4,760)	1:57:A:LEU:HD12	1:168:A:ILE:CD1	10	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,760)	1:57:A:LEU:HD13	1:168:A:ILE:CD1	10	0.1
(4,760)	1:57:A:LEU:HD21	1:168:A:ILE:CD1	10	0.1
(4,760)	1:57:A:LEU:HD22	1:168:A:ILE:CD1	10	0.1
(4,760)	1:57:A:LEU:HD23	1:168:A:ILE:CD1	10	0.1
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG11	4	0.1
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG12	4	0.1
(4,750)	1:7:A:ALA:H	1:8:A:VAL:HG13	4	0.1
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG21	9	0.1
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG22	9	0.1
(4,729)	1:55:A:ILE:HB	1:207:A:VAL:HG23	9	0.1
(4,719)	1:62:A:ASN:H	1:64:A:ASP:H	9	0.1
(4,689)	1:44:A:LEU:HD11	1:45:A:LEU:HB2	17	0.1
(4,689)	1:44:A:LEU:HD11	1:45:A:LEU:HB3	17	0.1
(4,689)	1:44:A:LEU:HD12	1:45:A:LEU:HB2	17	0.1
(4,689)	1:44:A:LEU:HD12	1:45:A:LEU:HB3	17	0.1
(4,689)	1:44:A:LEU:HD13	1:45:A:LEU:HB2	17	0.1
(4,689)	1:44:A:LEU:HD13	1:45:A:LEU:HB3	17	0.1
(4,689)	1:44:A:LEU:HD21	1:45:A:LEU:HB2	17	0.1
(4,689)	1:44:A:LEU:HD21	1:45:A:LEU:HB3	17	0.1
(4,689)	1:44:A:LEU:HD22	1:45:A:LEU:HB2	17	0.1
(4,689)	1:44:A:LEU:HD22	1:45:A:LEU:HB3	17	0.1
(4,689)	1:44:A:LEU:HD23	1:45:A:LEU:HB2	17	0.1
(4,689)	1:44:A:LEU:HD23	1:45:A:LEU:HB3	17	0.1
(4,593)	1:17:A:VAL:HG11	1:151:A:THR:CG2	16	0.1
(4,593)	1:17:A:VAL:HG12	1:151:A:THR:CG2	16	0.1
(4,593)	1:17:A:VAL:HG13	1:151:A:THR:CG2	16	0.1
(4,593)	1:17:A:VAL:HG21	1:151:A:THR:CG2	16	0.1
(4,593)	1:17:A:VAL:HG22	1:151:A:THR:CG2	16	0.1
(4,593)	1:17:A:VAL:HG23	1:151:A:THR:CG2	16	0.1
(4,540)	1:45:A:LEU:H	1:48:A:LEU:H	5	0.1
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD2	20	0.1
(4,513)	1:49:A:PRO:HB2	1:233:A:PRO:HD3	20	0.1
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD2	20	0.1
(4,513)	1:49:A:PRO:HB3	1:233:A:PRO:HD3	20	0.1
(4,453)	1:17:A:VAL:HB	1:19:A:THR:H	18	0.1
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG21	10	0.1
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG22	10	0.1
(4,390)	1:11:A:ILE:HD11	1:151:A:THR:HG23	10	0.1
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG21	10	0.1
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG22	10	0.1
(4,390)	1:11:A:ILE:HD12	1:151:A:THR:HG23	10	0.1
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG21	10	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG22	10	0.1
(4,390)	1:11:A:ILE:HD13	1:151:A:THR:HG23	10	0.1
(4,302)	1:214:A:TYR:HA	1:215:A:MET:HB2	1	0.1
(4,302)	1:214:A:TYR:HA	1:215:A:MET:HB3	1	0.1
(4,302)	1:214:A:TYR:HA	1:215:A:MET:HB2	3	0.1
(4,302)	1:214:A:TYR:HA	1:215:A:MET:HB3	3	0.1
(4,238)	1:79:A:VAL:HG11	1:178:A:PHE:H	10	0.1
(4,238)	1:79:A:VAL:HG12	1:178:A:PHE:H	10	0.1
(4,238)	1:79:A:VAL:HG13	1:178:A:PHE:H	10	0.1
(4,172)	1:52:A:VAL:HG11	1:53:A:LYS:HB2	3	0.1
(4,172)	1:52:A:VAL:HG11	1:53:A:LYS:HB3	3	0.1
(4,172)	1:52:A:VAL:HG12	1:53:A:LYS:HB2	3	0.1
(4,172)	1:52:A:VAL:HG12	1:53:A:LYS:HB3	3	0.1
(4,172)	1:52:A:VAL:HG13	1:53:A:LYS:HB2	3	0.1
(4,172)	1:52:A:VAL:HG13	1:53:A:LYS:HB3	3	0.1
(4,56)	1:129:A:PHE:HD1	1:130:A:ASP:H	17	0.1
(4,56)	1:129:A:PHE:HD2	1:130:A:ASP:H	17	0.1
(3,18)	1:32:A:ALA:O	1:232:A:GLY:H	6	0.1
(3,13)	1:177:A:ILE:O	1:191:A:LEU:H	1	0.1
(3,5)	1:36:A:ILE:H	1:228:A:MET:O	5	0.1
(3,2)	1:58:A:LEU:O	1:227:A:ALA:H	3	0.1
(1,544)	1:5:A:ASN:ND2	1:182:A:GLY:H	8	0.1

10 Dihedral-angle violation analysis ⓘ

No dihedral-angle restraints found